

#### Supplementary Table 4. List of murine genes matching identified proteins with potential PPRE sites

In order to screen for putative PPRE sites, accession numbers were first extracted from IPI and converted to ENSEMBL accession numbers. Core and Matrix similarity thresholds were set at 0.8 (1.00 for perfect match) for accurate prediction as well as minimising false positives which is based on Position Weight Matrix of the consensus sequence of the matrix selected (V\$PPAR\_RXR.01, V\$PPAR\_RXR.02 and V\$PPARA.01). Position Weight Matrix is an optimal way of prediction the natural variation of PPRE sequences. Start – start position of predicted PPRE site from transcriptional start site; End – end position of predicted PPRE site from transcriptional start site.

This table comprises of two tabs:

- A) PPRE\_14 days** Genes with predicted PPRE sequences 5kb upstream and downstream of 5' UTR at 14 days
- B) PPRE\_28 days** Genes with predicted PPRE sequences 5kb upstream and downstream of 5' UTR at 28 days

#### Column description for both tabs

<b>SEQUENCE NAME<sup>1</sup></b>	Gene symbol
<b>MATRIX<sup>2</sup></b>	Position Weight Matrixes V\$PPAR_RXR.01 or V\$PPAR_RXR.02 were used.
<b>CORE SIM.</b>	The core similarity is a score between zero and one based on similarity to the core (4 highest conserved positions) in the matrix.
<b>MATRIX SIM.</b>	The matrix similarity is calculated only when the core similarity meets the threshold. A perfect match to the matrix gets a score of 1.00 (each sequence position corresponds to the highest conserved nucleotide at that position in the matrix).
<b>SEQUENCE</b>	DNA sequence that contains potential PPRE sequences that match the consensus binding motif AGGTCA and its variation sequence.
<b>REFERENCE</b>	References of genes with known functional PPRE sites

<sup>1</sup> Rows in green denote known genes with functional PPRE sites

<sup>2</sup> PPARg binds to DNA as an obligate heterodimer with the RXR.  
Ref: Kliewer S. A., et al. (1992) *Nature* **358**, 771–774

A) PPRE 14 days

No.	SEQUENCE NAME <sup>1</sup>	MATRIX <sup>2</sup>	START POS.	END POS.	COR E SIM.	MATRIX SIM.	SEQUENCE	REFERENCE
1	Abcd3	V\$PPAR_RXR.01	385	407	0.754	0.804	actgagtgggaaacAGGGc aaag	
2	P4hb	V\$PPAR_RXR.01	193	215	0.754	0.811	gaacctaggagaaaAGGGc agga	
3	Ndufa8	V\$PPAR_RXR.01	3648	3670	0.754	0.812	agcttcaaggtaaAGGGtaa aa	
4	Ephx2	V\$PPAR_RXR.01	155	177	0.754	0.813	aggggagaggagaaaAGGG caagg	
5	Ppt1	V\$PPAR_RXR.01	128	150	0.754	0.814	gagaaagaggaaaaAGGG gaata	
6	Maob	V\$PPAR_RXR.01	2507	2529	0.754	0.815	gaagatatgggcacAGGGc aaaa	
7	Uox	V\$PPAR_RXR.01	2120	2142	0.754	0.818	atcttacaggacacAGGCca act	
8	Kmo	V\$PPAR_RXR.01	3326	3348	0.754	0.823	accaccaggggcaaAGGC aagag	
9	Ndufs2	V\$PPAR_RXR.01	4039	4061	0.754	0.825	ggtccctgggacatAGGCca cca	
10	Timm13	V\$PPAR_RXR.01	3302	3324	0.754	0.825	ggctcttaggacacAGGGca gac	
11	1100001H23Rik	V\$PPAR_RXR.01	448	470	0.754	0.83	aaggaaatggctaaAGGGc atgc	
12	Abat	V\$PPAR_RXR.01	1194	1216	0.754	0.833	gtccttaggacagAGGGca gct	
13	Actg1	V\$PPAR_RXR.01	3960	3982	0.754	0.835	gactccaaggtcacAGGGc acag	
14	Por	V\$PPAR_RXR.01	3269	3291	0.754	0.842	taaacatggggaaaAGGCc agat	
15	Atp5j	V\$PPAR_RXR.01	4092	4114	0.754	0.843	ttgaactaggggacAGGCca gaa	
16	Lamp2	V\$PPAR_RXR.01	4077	4099	0.754	0.852	agcttgtaggaaaaAGGGca ttt	
17	Hint2	V\$PPAR_RXR.01	2247	2269	0.754	0.853	aggatcaggggaaAGGCc atat	
18	Ehhadh	V\$PPAR_RXR.01	2306	2328	0.754	0.863	ttttaataggtaaaAGGGcag ga	
19	Slc25a1	V\$PPAR_RXR.01	3326	3348	0.754	0.865	gtagagagggacaaaAGGCc atcc	
20	Slc25a1	V\$PPAR_RXR.01	4440	4462	0.754	0.865	ggtaggcgggacaaaAGGCc aact	
21	Atp5k	V\$PPAR_RXR.01	1963	1985	0.769	0.802	ctcaggtaggccagTGGTaa ccc	
22	Dhrs4	V\$PPAR_RXR.01	491	513	0.769	0.803	aatatatggggcatGGGTaa gt	
23	Tmprss13	V\$PPAR_RXR.01	1755	1777	0.769	0.803	ccacaccagagcaaTGGTc agac	
24	Es31	V\$PPAR_RXR.01	928	950	0.769	0.805	ctggtctggccatTGGTgac ac	
25	Es31	V\$PPAR_RXR.01	928	950	0.769	0.805	ctggtctggccatTGGTgac ac	

26 Letm1	V\$PPAR_RXR.01	1388	1410	0.769	0.806	ccatggaaggccatTGGTga agg
27 Dmgdh	V\$PPAR_RXR.01	4918	4940	0.769	0.806	ttgggggaggggatGGGTca tcc
28 Cpox	V\$PPAR_RXR.01	4389	4411	0.769	0.806	ataatcgaggccacTGGTtat tc
29 1300010F03Rik	V\$PPAR_RXR.01	1110	1132	0.769	0.808	gtagagaggaaagGGGTc atag
30 Mut	V\$PPAR_RXR.01	3789	3811	0.769	0.81	agaaatgaggaaaaGGGTc ttcc
31 Cisd1	V\$PPAR_RXR.01	610	632	0.769	0.811	ggaatgtaggtcagTGGTaa tgc
32 Acaa1a	V\$PPAR_RXR.01	3009	3031	0.769	0.815	agggattgggagagGGGTc aaaa
33 Gcat	V\$PPAR_RXR.01	877	899	0.769	0.822	gagatgtgggaaaGGGTt actg
34 Mosc2	V\$PPAR_RXR.01	993	1015	0.769	0.825	cacatattgggtaaTGGTga gct
35 Ndufa8	V\$PPAR_RXR.01	1128	1150	0.769	0.828	tgaaacatgggaaaTGGTa agca
36 Ppt1	V\$PPAR_RXR.01	32	54	0.769	0.828	tgtgtggaggccagTGGTca acc
37 Ppt1	V\$PPAR_RXR.01	776	798	0.769	0.828	gagaaggaggaaaGGGT aatc
38 Aadat	V\$PPAR_RXR.01	3269	3291	0.769	0.835	ggttataaggtgaaTGGTgat tc
39 Actg1	V\$PPAR_RXR.01	2091	2113	0.769	0.836	accatgaaggtcaaGGGTct gca
40 Acaa1b	V\$PPAR_RXR.01	890	912	0.769	0.838	tgcttattgtcaaGGGTgac cc
41 Slc25a13	V\$PPAR_RXR.01	2160	2182	0.769	0.846	tcattaaaggtcatGGGTcaa ag
42 Scpep1	V\$PPAR_RXR.01	891	913	0.769	0.882	gaaatgcaggttaaTGGTca atc
43 Acot2	V\$PPAR_RXR.01	4514	4536	0.769	0.884	ggaatgtaggtaaaGGGTca cac
44 Baat	V\$PPAR_RXR.01	403	425	0.785	0.802	agcactggggagacAGCTc aatc
45 2010309E21Rik	V\$PPAR_RXR.01	4641	4663	0.785	0.803	ctttggtggccaaAGATctctt gacaggggtgggaaAGCTg
46 Hsd17b4	V\$PPAR_RXR.01	281	303	0.785	0.809	aacc ggaccctgggagagAGATc
47 Dhfs4	V\$PPAR_RXR.01	3146	3168	0.785	0.811	aggt ggaaactgggcaagAGCTg
48 Hspd1	V\$PPAR_RXR.01	1266	1288	0.785	0.813	aagc aggaaaatgggaaAGATt
49 Hsd17b4	V\$PPAR_RXR.01	439	461	0.785	0.814	aat gactattcggtcagAGCTgag
50 Baat	V\$PPAR_RXR.01	5010	5032	0.785	0.815	ga tatgaatgggaaagAGCTca
51 Acad8	V\$PPAR_RXR.01	1245	1267	0.785	0.82	tgg ccaggagaggccaaAGCTg
52 Samm50	V\$PPAR_RXR.01	598	620	0.785	0.823	aggg

53	Chchd3	V\$PPAR_RXR.01	1604	1626	0.785	0.823	gctagcatggacaaAGCTct agt
54	Chchd3	V\$PPAR_RXR.01	1598	1620	0.785	0.823	gctagcatggacaaAGCTct agt
55	Ctsh	V\$PPAR_RXR.01	2028	2050	0.785	0.824	gccatcctggaagAGCTca aaa
56	Aadat	V\$PPAR_RXR.01	552	574	0.785	0.836	gatgtttggccaaAGCTga aga
57	Ndufb5	V\$PPAR_RXR.01	3272	3294	0.785	0.838	ggagtcatggacatAGCTca gtg
58	Suox	V\$PPAR_RXR.01	4000	4022	0.785	0.841	acataaatggacaaAGATga act
59	Pdia3	V\$PPAR_RXR.01	4123	4145	0.785	0.842	aaaaaaaaggtgaaAGCTg agcc
60	Fabp1	V\$PPAR_RXR.01	4792	4814	0.785	0.843	ccaaccaagggcaaAGCTc tctg
61	Idh3b	V\$PPAR_RXR.01	296	318	0.785	0.844	acagaaagggcatAGCTc actc
62	Aldh5a1	V\$PPAR_RXR.01	224	246	0.785	0.846	tcttatggggccaaAGATgac ct
63	Hspe1	V\$PPAR_RXR.01	1128	1150	0.785	0.85	aataaaaaggacaaAGATa aaga
64	Slc25a13	V\$PPAR_RXR.01	2289	2311	0.785	0.854	caaacattggggaaAGCTca ctg
65	Uox	V\$PPAR_RXR.01	3184	3206	0.785	0.857	gacgttcaggctaaAGATca gtt
66	Atp5k	V\$PPAR_RXR.01	241	263	0.785	0.858	ctgtcccaggtcagAGCTca ctg
67	Slc25a13	V\$PPAR_RXR.01	1356	1378	0.785	0.86	gagaaagaggccaaAGATg aggt
68	Abcd3	V\$PPAR_RXR.01	4400	4422	0.785	0.877	atgtagtgggaaaaAGCTca gag
69	Gpt2	V\$PPAR_RXR.01	1797	1819	0.862	0.76	ttatgtgaggtcgaAGTTgagt g
70	Ctsc	V\$PPAR_RXR.01	4354	4376	0.862	0.762	ctttattaggattaAGTTgaatg ttgcagaagtccagAGTTca
71	Immt	V\$PPAR_RXR.01	1754	1776	0.862	0.762	att gtgaataaggaagtAGTTcat
72	Ndufb9	V\$PPAR_RXR.01	1125	1147	0.862	0.764	ct atgaactgggaagAGTTgg
73	Aadac	V\$PPAR_RXR.01	1874	1896	0.862	0.764	cag gaagccgaggagagAGTTc
74	Gcat	V\$PPAR_RXR.01	1425	1447	0.862	0.765	tcct
75	Cox6b1	V\$PPAR_RXR.01	3903	3925	0.862	0.765	tgtttctggattatAGTTcattc aggcagaaggagaaAGTTa
76	Ctsc	V\$PPAR_RXR.01	945	967	0.862	0.767	tgaa cactagaatgaaaaAGTTca
77	Cyc1	V\$PPAR_RXR.01	4203	4225	0.862	0.768	ccc cttatagaggagaaAGTTgg
78	Maob	V\$PPAR_RXR.01	2537	2559	0.862	0.769	aaa accaacagggtcacAGTTtc
79	Slc25a1	V\$PPAR_RXR.01	441	463	0.862	0.772	aat acaagcgagctcacAGTTc
80	Aldh3a2	V\$PPAR_RXR.01	669	691	0.862	0.772	aatt

81	Ndufs7	V\$PPAR_RXR.01	4379	4401	0.862	0.773	aaatagaacgtaaaAGTTca aca
82	Hsd17b4	V\$PPAR_RXR.01	385	407	0.862	0.773	acacacctggggagAGTTc gaat
83	Acp5	V\$PPAR_RXR.01	930	952	0.862	0.773	ggctctgaggctgaAGTTcat gg
84	Acp5	V\$PPAR_RXR.01	2091	2113	0.862	0.773	ggctctgaggctgaAGTTcat gg
85	Ndufs7	V\$PPAR_RXR.01	4733	4755	0.862	0.773	aaatagaacgtaaaAGTTca aca
86	Oat	V\$PPAR_RXR.01	3770	3792	0.862	0.774	cataaagagaccagAGTTc aggt
87	Acaa1b	V\$PPAR_RXR.01	1179	1201	0.862	0.778	cttattaagagcaaAGTTgac tg
88	Slc25a10	V\$PPAR_RXR.01	4679	4701	0.862	0.781	agcaccagggcataAGTTc agac
89	Ndufb5	V\$PPAR_RXR.01	1721	1743	0.862	0.781	cgataaagggaacAGTTct ctg
90	Ehhadh	V\$PPAR_RXR.01	4076	4098	0.862	0.785	catttagggaacaaAGTTca aag
91	Slc25a13	V\$PPAR_RXR.01	775	797	0.862	0.79	ttttaaggaccaaAGTTcact c
92	Hsd17b10	V\$PPAR_RXR.01	3574	3596	0.862	0.79	aacacaagggtcaaAGTTg ctgg
93	Aldh3a2	V\$PPAR_RXR.01	3001	3023	0.862	0.792	ttaaattagctcagAGTTcac ct
94	Chchd3	V\$PPAR_RXR.01	2012	2034	0.862	0.794	ttttcttggaagAGTTaaaat
95	Chchd3	V\$PPAR_RXR.01	2006	2028	0.862	0.794	ttttcttggaagAGTTaaaat gctggaagggcaaaAGTTa
96	Baat	V\$PPAR_RXR.01	4474	4496	0.862	0.8	agac aggggctggagaaAGTTa
97	Slc25a20	V\$PPAR_RXR.01	4138	4160	0.862	0.801	aagg ttccctatgggaaaAGTTtac
98	Ndufa13	V\$PPAR_RXR.01	2772	2794	0.862	0.803	ag tttcatgaggcaaaAGTTcct
99	Ndufa8	V\$PPAR_RXR.01	3427	3449	0.862	0.805	ac tttggggggaaaaAGTTaa
100	Gulo	V\$PPAR_RXR.01	2526	2548	0.862	0.807	aga tgtagttgggtacAGTTtagg
101	Ndufa4	V\$PPAR_RXR.01	2424	2446	0.862	0.808	c ggcgaccgggcgacAGTTg
102	Suox	V\$PPAR_RXR.01	4849	4871	0.862	0.808	acag tgttaaaagtccaaAGTTcaa
103	Cyc1	V\$PPAR_RXR.01	1549	1571	0.862	0.809	gg gcaactgaggagaaAGTTct
104	Gpt2	V\$PPAR_RXR.01	2771	2793	0.862	0.813	ggt tctctgagggacaaAGTTcc
105	Msra	V\$PPAR_RXR.01	5528	5550	0.862	0.816	cag cttgaaagggaaaAGTTta
106	Hsd17b10	V\$PPAR_RXR.01	4816	4838	0.862	0.817	gat attacttggtaaaAGTTaagc
107	Hacl1	V\$PPAR_RXR.01	4301	4323	0.862	0.83	a

108 Nphp3	V\$PPAR_RXR.01	1047	1069	0.862	0.839	ctgtgagtgggtcagAGTTcag cc ggggggggggcagAGTTc
109 Uox	V\$PPAR_RXR.01	3879	3901	0.862	0.843	aaga gccaacaaggccatAGTTct
110 Cox5b	V\$PPAR_RXR.01	3157	3179	0.862	0.843	taa gaactccagggtgacAGTTca
111 Peci	V\$PPAR_RXR.01	3062	3084	0.862	0.845	aac gaactccagggtgacAGTTca
112 Peci	V\$PPAR_RXR.01	3073	3095	0.862	0.845	aac ggtaggagggtgaaAGTTtat
113 Aldh3a2	V\$PPAR_RXR.01	401	423	0.862	0.847	gc agggatagggtcacAGTTca
114 Coq9	V\$PPAR_RXR.01	3575	3597	0.862	0.865	gtg atcttttaggacaaAGTTtaag
115 Ctsa	V\$PPAR_RXR.01	2256	2278	0.862	0.866	t atcttttaggacaaAGTTtaag
116 Ctsa	V\$PPAR_RXR.01	2228	2250	0.862	0.866	t aaggggcagggcaaAGTTc
117 Ak2	V\$PPAR_RXR.01	3577	3599	0.862	0.904	agtc agcagaaagggtcaaAGTTc
118 Ctsb	V\$PPAR_RXR.01	3032	3054	0.862	0.913	aaga cagtgaggggacAAAGgga
119 Lamp2	V\$PPAR_RXR.02	805	827	1	0.69	ttga ggatttgagttcAAAGgcagc
120 Slc25a10	V\$PPAR_RXR.02	2066	2088	1	0.69	ct taggatgacgtcAAAGctaca
121 Abcd3	V\$PPAR_RXR.02	3580	3602	1	0.69	cc
122 Actg1	V\$PPAR_RXR.02	936	958	1	0.69	gcattcaggctcAAAGattatt tccccagggtcAAAGctaca
123 Ctsd	V\$PPAR_RXR.02	4016	4038	1	0.69	at cccgaagagagcAAAGctta
124 Ctsd	V\$PPAR_RXR.02	4990	5012	1	0.69	aag ggtaaagggttaAAAGggag
125 Ndufa8	V\$PPAR_RXR.02	3640	3662	1	0.69	cct tgcttagagatgAAAGggga
126 Hint2	V\$PPAR_RXR.02	2598	2620	1	0.691	agt agtgctgaggttAAAGgcacc
127 Abat	V\$PPAR_RXR.02	3881	3903	1	0.691	ac ccaatgaggtcAAAGtcgtg
128 Suox	V\$PPAR_RXR.02	2275	2297	1	0.691	ta agtgctgggatcAAAGgcgtg
129 Ctsa	V\$PPAR_RXR.02	4528	4550	1	0.692	tg gccccagggtttAAAGctcac
130 Agmat	V\$PPAR_RXR.02	2019	2041	1	0.692	aa aactccgggattAAAGgaga
131 Ndufb5	V\$PPAR_RXR.02	2907	2929	1	0.692	gag agtgctgggatcAAAGgcgtg
132 Ctsa	V\$PPAR_RXR.02	4500	4522	1	0.692	tg aatattggactaAAAGgtgag
133 Aadac	V\$PPAR_RXR.02	4359	4381	1	0.693	aa agtgctaggattAAAGgtggg
134 Hspe1	V\$PPAR_RXR.02	858	880	1	0.693	ca

135 Gcat	V\$PPAR_RXR.02	1872	1894	1	0.694	gggggaaggacAAAGtttg aaa gcttaaaggatcAAAGattca
136 Gpt2	V\$PPAR_RXR.02	1536	1558	1	0.694	gt gagtaggggaccAAAGatta
137 Maob	V\$PPAR_RXR.02	4692	4714	1	0.694	aga aatgctgagattAAAGgtgtat
138 Dmgdh	V\$PPAR_RXR.02	3387	3409	1	0.695	a cacttggggaacAAAGttgat
139 2010309E21Rik	V\$PPAR_RXR.02	368	390	1	0.695	gg gaacccgagctcAAAGctgg
140 Ndufa10	V\$PPAR_RXR.02	4705	4727	1	0.696	gag agagcagaggtgAAAGggt
141 Hint2	V\$PPAR_RXR.02	1719	1741	1	0.696	cagg cccaggggagtcAAAGatgt
142 Acaa1a	V\$PPAR_RXR.02	365	387	1	0.697	aga agtgctgggattAAAGgtatgt
143 Slc25a1	V\$PPAR_RXR.02	1855	1877	1	0.699	g agtgctgggattAAAGgtatgt
144 Sod1	V\$PPAR_RXR.02	2847	2869	1	0.699	a agagccgggattAAAGgtgt
145 Hsd17b4	V\$PPAR_RXR.02	1311	1333	1	0.699	gta taaggagagctcAAAGttag
146 1100001H23Rik	V\$PPAR_RXR.02	2518	2540	1	0.699	ggt agtgctgggattAAAGgtatgt
147 Cyp2e1	V\$PPAR_RXR.02	1558	1580	1	0.699	g agtgctgggattAAAGgtgtgt
148 Ctsa	V\$PPAR_RXR.02	3580	3602	1	0.7	g aatgctgggattAAAGgtgtgt
149 Ctsa	V\$PPAR_RXR.02	3719	3741	1	0.7	g
150 Gpt2	V\$PPAR_RXR.02	3836	3858	1	0.7	ttatctgggattAAAGgtgtgtg tgtgctgggattAAAGgtgtgt
151 Agmat	V\$PPAR_RXR.02	3599	3621	1	0.7	g agtgctgggattAAAGgtgtgt
152 Ctsa	V\$PPAR_RXR.02	3552	3574	1	0.7	g aatgctgggattAAAGgtgtgt
153 Ctsa	V\$PPAR_RXR.02	3691	3713	1	0.7	g gctcctgggattAAAGgtgtgt
154 2810422J05Rik	V\$PPAR_RXR.02	918	940	1	0.7	g agtgctgggattAAAGgtgtgt
155 Ndufa8	V\$PPAR_RXR.02	3226	3248	1	0.7	g agcactgggattAAAGgtgtg
156 Ndufa13	V\$PPAR_RXR.02	430	452	1	0.7	tg aatgctgggattAAAGgtgtgt
157 Cyp2a22	V\$PPAR_RXR.02	3829	3851	1	0.7	g agtgctgggattAAAGgtgtgt
158 1110020G09Rik	V\$PPAR_RXR.02	660	682	1	0.7	g gccatagggattAAAGgtatg
159 Peci	V\$PPAR_RXR.02	384	406	1	0.701	tc agtcctgggattAAAGgtgtg
160 Aldh1b1	V\$PPAR_RXR.02	177	199	1	0.701	gg gccatagggattAAAGgtatg
161 Peci	V\$PPAR_RXR.02	395	417	1	0.701	tc

162	Cox6b1	V\$PPAR_RXR.02	210	232	1	0.701	aatgctgggattAAAGgtatg cg
163	Opa1	V\$PPAR_RXR.02	357	379	1	0.701	tctgctgggattAAAGgtatgc g
164	P4hb	V\$PPAR_RXR.02	3042	3064	1	0.702	aatactgggattAAAGgtgtg cc
165	Vdac2	V\$PPAR_RXR.02	4078	4100	1	0.702	agtgtgggattAAAGgtgtg ca
166	Slc25a10	V\$PPAR_RXR.02	194	216	1	0.702	atggtggggctcAAAGctggg ac
167	Slc25a10	V\$PPAR_RXR.02	844	866	1	0.702	agtgtgggattAAAGgtgtg ca
168	Ndufb9	V\$PPAR_RXR.02	1413	1435	1	0.702	ttgttgggattAAAGgtgtgca agtgtgggattAAAGgtgtg
169	Gpt2	V\$PPAR_RXR.02	3561	3583	1	0.702	ca agtgtgggattAAAGgtgtg
170	Ctsh	V\$PPAR_RXR.02	4493	4515	1	0.702	cg
171	Acox1	V\$PPAR_RXR.02	3576	3598	1	0.702	agtgtgggattAAAGgtgtg cg
172	Timm8a1	V\$PPAR_RXR.02	3074	3096	1	0.702	aatgctgggattAAAGgtgtg ca
173	Oat	V\$PPAR_RXR.02	4029	4051	1	0.702	agtcctgggattAAAGgtgtgc a
174	1300010F03Rik	V\$PPAR_RXR.02	1545	1567	1	0.703	agtgtgggattAAAGgtgta ga
175	Acad8	V\$PPAR_RXR.02	1749	1771	1	0.703	agtgtgggattAAAGgtgta cg
176	Es31	V\$PPAR_RXR.02	2538	2560	1	0.706	ttcacctcaaccAAAGgtcatt c
177	Es31	V\$PPAR_RXR.02	2538	2560	1	0.706	ttcacctcaaccAAAGgtcatt c
178	Timm8a1	V\$PPAR_RXR.02	4052	4074	1	0.707	actgcttaagcAAAGgtcaa gg
179	2010309E21Rik	V\$PPAR_RXR.02	3808	3830	1	0.707	acagcttttctcAAAGgacaat g
180	Agmat	V\$PPAR_RXR.02	4876	4898	1	0.708	aataggacagccAAAGgcc aggt
181	Ak2	V\$PPAR_RXR.02	2025	2047	1	0.709	ttatagccagttAAAGgccag cc
182	Ppt1	V\$PPAR_RXR.02	1514	1536	1	0.711	ttgtgaccctgcAAAGgtcatg a
183	Hibadh	V\$PPAR_RXR.02	3493	3515	1	0.716	actttgcttttAAAGgtcaaac
184	Acot2	V\$PPAR_RXR.02	2112	2134	1	0.718	aaacaatttctcAAAGttcagtt tcaaggatagttAAAGggca
185	Cpox	V\$PPAR_RXR.02	4437	4459	1	0.718	aat aggggactgttcAAAGggcg
186	Dhrs4	V\$PPAR_RXR.02	5046	5068	1	0.719	gga
187	Ephx2	V\$PPAR_RXR.02	653	675	1	0.719	agctcttctatcAAAGttcatga

Varanasi, U. et al. (1996). *J Biol Chem* **271**, 2147-2155



188	Vd3c	V\$PPAR_RXR.02	2751	2773	1	0.721	aaagctctggtgAAAGccca cta
189	Vd3c	V\$PPAR_RXR.02	2733	2755	1	0.721	aaagctctggtgAAAGccca cta
190	Slc25a13	V\$PPAR_RXR.02	2153	2175	1	0.723	aatcggatcattAAAGgtcatg g
191	Cyp2a22	V\$PPAR_RXR.02	971	993	1	0.723	ttcatactcatcAAAGgtaaaa t
192	Ctsd	V\$PPAR_RXR.02	238	260	1	0.724	gaactcttagttAAAGgtgatt a
193	Hibadh	V\$PPAR_RXR.02	3712	3734	1	0.725	ctacttttctcAAAGgttacia ttattactggtcAAAGgagtgt
194	Aldh1b1	V\$PPAR_RXR.02	4203	4225	1	0.725	g cagcatctgctaAAAGgtcta
195	Hspe1	V\$PPAR_RXR.02	3450	3472	1	0.725	ca aaatagtgaacAAAGgccca
196	Ndufa4	V\$PPAR_RXR.02	1064	1086	1	0.726	ata gtcacagcaagcAAAGgtca
197	Hsd17b10	V\$PPAR_RXR.02	2809	2831	1	0.727	gca

Varanasi, U. et al. (1996). *J Biol Chem* **271**, 2147-2156

198	Acox1	V\$PPAR_RXR.02	296	318	1	0.728	caggagatggtgAAAGgacc ccc
199	Baat	V\$PPAR_RXR.02	4834	4856	1	0.729	actgttgctgctAAAGaccag ag
200	Ndufa4	V\$PPAR_RXR.02	2162	2184	1	0.729	agtcacctgatcAAAGctgat gc
201	Scpep1	V\$PPAR_RXR.02	312	334	1	0.731	cactaagctgacAAAGatca gcc
202	P4hb	V\$PPAR_RXR.02	2755	2777	1	0.731	gtacaattgctcAAAGttcgag a
203	Gpt2	V\$PPAR_RXR.02	1438	1460	1	0.731	gcacagtgactcAAAGgaca gtg
204	Ak2	V\$PPAR_RXR.02	733	755	1	0.731	ctctccctgctcAAAGgtagca c
205	Uqcrq	V\$PPAR_RXR.02	3205	3227	1	0.734	tttaattgctcAAAGttaaagg
206	Gulo	V\$PPAR_RXR.02	949	971	1	0.734	ttgtaaactgttAAAGgtaatta cacataattgtaAAAGgtaaaa
207	Cycs	V\$PPAR_RXR.02	148	170	1	0.734	ag
208	Uqcrq	V\$PPAR_RXR.02	3189	3211	1	0.734	tttaattgctcAAAGttaaagg

Girnun, G. D., et al. (2002). *Molecular Endocrinology* **16**, 2793-2801

209	Cat	V\$PPAR_RXR.02	2595	2617	1	0.735	aaagaattgctcAAAGttgaa ca
210	Opa1	V\$PPAR_RXR.02	2049	2071	1	0.735	acaataaaaacAAAGgtca ttc
211	Nipsnap3a	V\$PPAR_RXR.02	3972	3994	1	0.735	aaaggacggaacAAAGgac aata

212 Gcdh	V\$PPAR_RXR.02	2470	2492	1	0.736	ggcagacatgtgAAAGgccacat
213 Hsd17b10	V\$PPAR_RXR.02	378	400	1	0.736	tctcaacaaatcAAAGatcagtg
214 Gcdh	V\$PPAR_RXR.02	2470	2492	1	0.736	ggcagacatgtgAAAGgccacat
215 Msra	V\$PPAR_RXR.02	821	843	1	0.736	aagccctaccttAAAGgtcaaat
216 Slc25a5	V\$PPAR_RXR.02	4087	4109	1	0.737	cttgaaagtccAAAGgacagac
217 Tmprss13	V\$PPAR_RXR.02	3856	3878	1	0.737	tctgttatctaAAAGgtcaagaagaagtttcAAAGctcag
218 Gpt2	V\$PPAR_RXR.02	809	831	1	0.737	atggtgggtaatcAAAGtcaaac
219 Atp5j	V\$PPAR_RXR.02	4962	4984	1	0.737	ac
220 Gpt2	V\$PPAR_RXR.02	316	338	1	0.738	tcagagaaggatAAAGgacagcg
221 Mut	V\$PPAR_RXR.02	4268	4290	1	0.738	ttcgctgacagctcAAAGaaca
222 Ndufb9	V\$PPAR_RXR.02	3796	3818	1	0.739	tttcattcgtgagttAAAGgacatc
223 Dhfr4	V\$PPAR_RXR.02	3114	3136	1	0.739	cttctagccatcAAAGttcact
224 Scp2	V\$PPAR_RXR.02	837	859	1	0.739	aaagacagatcAAAGgcgatgc
225 Baat	V\$PPAR_RXR.02	3401	3423	1	0.741	ttctcctgcctcAAAGgtctgg
226 Mut	V\$PPAR_RXR.02	2764	2786	1	0.741	cttaagcatttcAAAGgtaattttctagaagccAAAGgacag
227 Timm13	V\$PPAR_RXR.02	4740	4762	1	0.742	tg
228 Atp5j	V\$PPAR_RXR.02	1608	1630	1	0.743	tctctatatgtaAAAGctcacat
229 Atp5j	V\$PPAR_RXR.02	273	295	1	0.743	tctctatatgtaAAAGctcacat
230 Atp5j	V\$PPAR_RXR.02	1537	1559	1	0.743	tctctatatgtaAAAGctcacatgatctctgagttAAAGatcagc
231 Gcdh	V\$PPAR_RXR.02	962	984	1	0.745	caggccaaggcacAAAGggc
232 Phyh	V\$PPAR_RXR.02	3896	3918	1	0.745	aaatgatctctgagttAAAGatcagc
233 Gcdh	V\$PPAR_RXR.02	962	984	1	0.745	cgtccaggagcccAAAGgac
234 Ctsa	V\$PPAR_RXR.02	1042	1064	1	0.746	aaactgtccaggagcccAAAGgac
235 Ctsa	V\$PPAR_RXR.02	1014	1036	1	0.746	aaactgtccaggagcccAAAGgac
236 Immt	V\$PPAR_RXR.02	3053	3075	1	0.746	ga
237 Atp5d	V\$PPAR_RXR.02	635	657	1	0.747	ggggctgcagttAAAGgttat
238 Lamp2	V\$PPAR_RXR.02	262	284	1	0.747	gagaaagtggcAAAGtagaggt

239 Hsd17b4	V\$PPAR_RXR.02	3768	3790	1	0.747	gcctcaacttcAAAGttcaca t
240 Atp5d	V\$PPAR_RXR.02	1569	1591	1	0.747	tggtgggagtgAAAAGgaca aaa
241 Cyp2a22	V\$PPAR_RXR.02	890	912	1	0.747	ttagtaaagctcAAAGcacac at
242 Ndufb5	V\$PPAR_RXR.02	1103	1125	1	0.747	taagagtgtgttAAAGctcatg a
243 Hibadh	V\$PPAR_RXR.02	2011	2033	1	0.748	aggcaaaggtAAAAGgac tgtg
244 Fabp1	V\$PPAR_RXR.02	1824	1846	1	0.748	gcaaagtggtcAAAGgata atg
245 Lamp2	V\$PPAR_RXR.02	2197	2219	1	0.749	tgcgactagttcAAAGgtatta ctgtaaagagtcAAAGtaca
246 Vapa	V\$PPAR_RXR.02	1282	1304	1	0.749	ta cccaggaatgtgAAAGatca
247 Slc25a13	V\$PPAR_RXR.02	2443	2465	1	0.75	aac atggtaaagatcAAAGggaa
248 Nphp3	V\$PPAR_RXR.02	2328	2350	1	0.75	atg ggcagaaggacAAAGtcc
249 Aadat	V\$PPAR_RXR.02	4926	4948	1	0.751	atcc caggcaggagccAAAGgcc
250 Scep1	V\$PPAR_RXR.02	5010	5032	1	0.752	atcg cctgtatgagtgAAAGgtctg
251 Acad8	V\$PPAR_RXR.02	2593	2615	1	0.752	a tacagggatgtcAAAGgcaa
252 Coq9	V\$PPAR_RXR.02	1858	1880	1	0.753	ggc tagtaggaaataAAAGgtcat
253 Acot2	V\$PPAR_RXR.02	1359	1381	1	0.755	aa cactcaagaatgAAAGgtcat
254 Idh3b	V\$PPAR_RXR.02	2097	2119	1	0.755	tc catctgaagtgAAAGgaaa
255 Agmat	V\$PPAR_RXR.02	2094	2116	1	0.755	taa cagcctagggtAAAAGagca
256 Hint2	V\$PPAR_RXR.02	1271	1293	1	0.756	ccc cattgggaattcAAAGgtccc
257 Ephx2	V\$PPAR_RXR.02	1392	1414	1	0.756	at ggatcaggggatAAAGgac
258 Es31	V\$PPAR_RXR.02	4816	4838	1	0.757	agtc ggatcaggggatAAAGgac
259 Es31	V\$PPAR_RXR.02	4816	4838	1	0.757	agtc catatgtggatcAAAGcttata
260 Tomm70a	V\$PPAR_RXR.02	2574	2596	1	0.758	a agaccaggagcAAAGctc
261 Abcd3	V\$PPAR_RXR.02	1864	1886	1	0.758	agga agaactgatatcAAAGttcaa
262 Kmo	V\$PPAR_RXR.02	2260	2282	1	0.758	at agggaggagttcAAAGtgca
263 Ppt1	V\$PPAR_RXR.02	528	550	1	0.759	tat ggtctggggattAAAGgaca
264 Cox5b	V\$PPAR_RXR.02	1771	1793	1	0.76	atg tggaaatagaacatAGGTcc
265 Cyp4a14	V\$PPAR_RXR.01	3078	3100	1	0.761	cct

266	Agmat	V\$PPAR_RXR.01	2623	2645	1	0.761	agtgcagaggttacAGGTgt gca gcggatggtctcAAAGatcag	
267	Aldh3a2	V\$PPAR_RXR.02	3682	3704	1	0.761	aa tgaccttagcacaaaAGGTcgt	
268	Agmat	V\$PPAR_RXR.01	3470	3492	1	0.762	gc gcagaagaggggagAGGT	
269	Hint2	V\$PPAR_RXR.01	2290	2312	1	0.762	gcttg	
270	Cpt2	V\$PPAR_RXR.02	3102	3124	1	0.762	agggctgggattAAAGgccca gca	Barrero M. J. et al. (2003) <i>Biochem. J.</i> <b>369</b> , 721–729
271	Cpt1a	V\$PPAR_RXR.01	4857	4879	1	0.763	gggctgcggggaggAGGTc agta	Louet, et al. (2001) <i>Biochem J</i> <b>354</b> , 189-197
272	Coq9	V\$PPAR_RXR.01	495	517	1	0.763	attactagggttacAGGTatg ca	
273	Hint2	V\$PPAR_RXR.01	1224	1246	1	0.763	gtgtgtaaggaaaAGGTga ggt	
274	Suox	V\$PPAR_RXR.01	1552	1574	1	0.763	gatcaaaagaaaaAGGTa acgg	
275	Por	V\$PPAR_RXR.02	1631	1653	1	0.763	agtactgagattAAAGgtctg ag	
276	Slc25a10	V\$PPAR_RXR.01	2886	2908	1	0.764	gttttctgagctagAGGTcag at	
277	Sod1	V\$PPAR_RXR.01	3274	3296	1	0.764	tatggaatgagcaaAGGTta caa	
278	Ctsh	V\$PPAR_RXR.01	990	1012	1	0.764	ttgttcaggtgacAGGTggg at	
279	Actg1	V\$PPAR_RXR.01	1713	1735	1	0.764	cataacagggagcaAGGTc ctga	
280	Dld	V\$PPAR_RXR.01	3095	3117	1	0.764	aacggcatgggagcAGGTc aggg	
281	Uqcrq	V\$PPAR_RXR.01	3199	3221	1	0.764	ttgctcaaagttaaAGGTgat gt	
282	Uqcrq	V\$PPAR_RXR.01	3183	3205	1	0.764	ttgctcaaagttaaAGGTgat gt	
283	Nipsnap3a	V\$PPAR_RXR.01	826	848	1	0.764	cttactcaggaacaAGGTaa ata	
284	Por	V\$PPAR_RXR.01	4067	4089	1	0.765	ccttcagtggccagAGGTgg gac	
285	Nipsnap3a	V\$PPAR_RXR.01	4553	4575	1	0.765	tcagaggccgtcagAGGTca gct	
286	Scepep1	V\$PPAR_RXR.02	410	432	1	0.765	ggttttgagttcAAAGttctgta	
287	Acox1	V\$PPAR_RXR.02	19	41	1	0.765	agtgctaggatcAAAGgtgtg ca	Varanasi, U. et al. (1996). <i>J</i> <i>Biol Chem</i> <b>271</b> , 2147- 2157
288	Fabp1	V\$PPAR_RXR.01	2592	2614	1	0.766	tctcatcatgccaagAGGTaat ga	
289	Aldh3a2	V\$PPAR_RXR.01	1528	1550	1	0.766	gctgccttggttaAGGTtatt	

290	Ndufa10	V\$PPAR_RXR.02	3003	3025	1	0.766	agcatagaagtcAAAGctga ata gagagctggctcagAGGTta
291	Scp2	V\$PPAR_RXR.01	1035	1057	1	0.767	aga cctgataccgtcagAGGTca
292	Ndufb5	V\$PPAR_RXR.01	3999	4021	1	0.767	agg ctcaactgtgctaaAGGTcttt
293	1300010F03Rik	V\$PPAR_RXR.01	4800	4822	1	0.767	g gagactggggtagAGGTg
294	Atp5d	V\$PPAR_RXR.01	790	812	1	0.767	ggat agtgtaggggtgtAGGTca
295	Uqcrq	V\$PPAR_RXR.01	3541	3563	1	0.767	gaa agtgtaggggtgtAGGTca
296	Uqcrq	V\$PPAR_RXR.01	3525	3547	1	0.767	gaa aatactgggatcAAAGgcaa
297	1300010F03Rik	V\$PPAR_RXR.02	430	452	1	0.767	aga tctgtcaggaacaAGGTga
298	Decr2	V\$PPAR_RXR.01	2898	2920	1	0.769	ccg gctctgtggagaacAGGTca
299	Hacl1	V\$PPAR_RXR.01	3196	3218	1	0.77	cta tgtgtaggggtcagAGGTca
300	Idh3b	V\$PPAR_RXR.01	425	447	1	0.77	ata
301	Fabp1	V\$PPAR_RXR.02	4448	4470	1	0.77	ggtttgagttcAAAGgtatttc cctagcatgtgcaaAGGTcc
302	2810422J05Rik	V\$PPAR_RXR.01	1738	1760	1	0.771	cag gttgccaggctagAGGTgc
303	Slc25a1	V\$PPAR_RXR.01	3731	3753	1	0.772	agc ttttgaggggtacAGGTgga
304	Lonp1	V\$PPAR_RXR.01	2670	2692	1	0.772	aa gagcatgaggcaggAGGTc
305	Ndufc2	V\$PPAR_RXR.01	2329	2351	1	0.772	atga accaggctggtggcAGGTca
306	Acp5	V\$PPAR_RXR.01	3520	3542	1	0.772	gcg accaggctggtggcAGGTca
307	Acp5	V\$PPAR_RXR.01	4681	4703	1	0.772	gcg tgggaggagacaaaAGGTt
308	Gpx1	V\$PPAR_RXR.01	3758	3780	1	0.772	agtc aactcaagcggacAGGTc
309	Cox5b	V\$PPAR_RXR.01	4749	4771	1	0.772	atga caaagtggctaAAAGttcag
310	Cyp4a14	V\$PPAR_RXR.02	3518	3540	1	0.772	ac ctaaattctgtaaaAGGTgaa
311	Vdac2	V\$PPAR_RXR.01	3723	3745	1	0.773	ga
312	Cat	V\$PPAR_RXR.01	166	188	1	0.773	aggactggggttacAGGTgt gtg
313	Immt	V\$PPAR_RXR.01	2362	2384	1	0.773	ccagacatgccaacAGGTc agtc
314	Acad8	V\$PPAR_RXR.01	456	478	1	0.773	attctggggccagAGGTgttc t
315	2810422J05Rik	V\$PPAR_RXR.02	4093	4115	1	0.773	tgtgtgggatcAAAGgtatgt a

Girnun, G. D.,  
et al. (2002).  
*Molecular  
Endocrinology*  
**16**, 2793-2802

316 Samm50	V\$PPAR_RXR.01	3233	3255	1	0.774	cacatataggtgagAGGTat act tgaagagtggacccAGGTca
317 Coq9	V\$PPAR_RXR.01	3614	3636	1	0.774	tgc ggtaccaagcacagAGGTg
318 Actg1	V\$PPAR_RXR.01	2597	2619	1	0.774	accg catcagacaggcatAGGTca
319 Fabp1	V\$PPAR_RXR.01	1162	1184	1	0.774	cct ggcagcttgaaagAGGTtt
320 0610010D20Rik	V\$PPAR_RXR.01	805	827	1	0.774	cag aaatgaggagtcAAAGatta
321 Ndufs2	V\$PPAR_RXR.02	2802	2824	1	0.774	cta agctcagggatgAAAGctca
322 Ctsd	V\$PPAR_RXR.02	3368	3390	1	0.774	ggt cccagcactgccacAGGTc
323 Msra	V\$PPAR_RXR.01	1924	1946	1	0.775	aggg tgtaatgtgtaacAGGTcag
324 Slc25a10	V\$PPAR_RXR.01	3161	3183	1	0.776	ga tgtttgaagacatAGGTcaa
325 Tomm70a	V\$PPAR_RXR.01	1355	1377	1	0.776	gt aaaagccctgccagAGGTc
326 Ndufs4	V\$PPAR_RXR.01	229	251	1	0.776	atga acataggaagttatAGGTca
327 Idh3b	V\$PPAR_RXR.01	3837	3859	1	0.776	acc
328 Acox1	V\$PPAR_RXR.01	1998	2020	1	0.776	agtccacaggcctgAGGTca gtc gggtccgggtgtaaAGGTga
329 Ctsa	V\$PPAR_RXR.01	669	691	1	0.777	ctg ctgggattggccttAGGTcatc
330 Aldh5a1	V\$PPAR_RXR.01	2769	2791	1	0.777	a gggtccgggtgtaaAGGTga
331 Ctsa	V\$PPAR_RXR.01	641	663	1	0.777	ctg tcacaatgggtccAGGTcat
332 Acad8	V\$PPAR_RXR.01	678	700	1	0.777	cc tagttgttgaggaaAGGTgag
333 Tomm70a	V\$PPAR_RXR.01	2475	2497	1	0.778	gg tgctcaaggcagaAGGTaa
334 Mosc2	V\$PPAR_RXR.01	1441	1463	1	0.778	gga agtttgaggcaagAGGTgt
335 Acad8	V\$PPAR_RXR.01	1448	1470	1	0.779	agg gactttcaggtccAGGTcac
336 Maob	V\$PPAR_RXR.01	4815	4837	1	0.78	cc gagagccttggcagAGGTca
337 Ctsd	V\$PPAR_RXR.01	3967	3989	1	0.78	agt tcaggaatgaaaaAGGTc
338 Es31	V\$PPAR_RXR.01	631	653	1	0.78	atct tcaggaatgaaaaAGGTc
339 Es31	V\$PPAR_RXR.01	631	653	1	0.78	atct gagaattagctcagAGGTta
340 Acot2	V\$PPAR_RXR.01	4038	4060	1	0.781	aaa ttgacagaggtagtAGGTcat
341 Decr2	V\$PPAR_RXR.01	3170	3192	1	0.781	gg

Varanasi, U. et al. (1996). *J Biol Chem* **271**, 2147-2158

342 Hspe1	V\$PPAR_RXR.01	807	829	1	0.781	cagagatagcttaaAGGTta aga ttgtgaaggaggtAGGTcac
343 Acot2	V\$PPAR_RXR.01	276	298	1	0.782	tg aatgccagggttatAGGTgtg
344 Vdac2	V\$PPAR_RXR.01	990	1012	1	0.782	tt ctgttccggggagAGGTcct
345 Slc25a10	V\$PPAR_RXR.01	1026	1048	1	0.782	gt
346 Acox1	V\$PPAR_RXR.01	4557	4579	1	0.782	aagcgagagggaaacAGGT ccagt gaatttgaggccagAGGTttt
347 Timm8a1	V\$PPAR_RXR.01	2071	2093	1	0.782	gc acatacatggctagAGGTgc
348 Idh3b	V\$PPAR_RXR.01	4229	4251	1	0.783	cct cactgttaggctacAGGTgtc
349 Slc25a20	V\$PPAR_RXR.01	719	741	1	0.783	ca agtcctttgaaaaAGGTcat
350 Slc25a10	V\$PPAR_RXR.01	133	155	1	0.784	aa cccactgggaaatAGGTgtg
351 Phyh	V\$PPAR_RXR.01	3700	3722	1	0.784	tt gggtagcagacaaaAGGTa
352 Ephx2	V\$PPAR_RXR.01	1434	1456	1	0.784	agag tctgactgggagccAGGTca
353 Actg1	V\$PPAR_RXR.01	436	458	1	0.785	ggg
354 Suox	V\$PPAR_RXR.01	514	536	1	0.785	ctattctgggtatAGGTtgtc gagaatctgtctaaAGGTga
355 Vapa	V\$PPAR_RXR.01	382	404	1	0.788	ata gagcacagggtaggAGGTc
356 Tmprss13	V\$PPAR_RXR.01	4395	4417	1	0.788	atga aagatctggatcacAGGTga
357 Cox5b	V\$PPAR_RXR.01	584	606	1	0.789	gcc ccaactccgtacaaAGGTga
358 Peci	V\$PPAR_RXR.01	4754	4776	1	0.79	ttg ctgtcccaggacagAGGTtct
359 Acox2	V\$PPAR_RXR.01	5100	5122	1	0.79	tg agcccatagtccatAGGTcat
360 Scp2	V\$PPAR_RXR.01	1148	1170	1	0.79	tt ccaactccgtacaaAGGTga
361 Peci	V\$PPAR_RXR.01	4765	4787	1	0.79	ttg ttggtgaggtgaaAGGTattt
362 Es31	V\$PPAR_RXR.01	2529	2551	1	0.79	c atagtataagataaAGGTcat
363 Aadat	V\$PPAR_RXR.01	286	308	1	0.79	ag ttggtgaggtgaaAGGTattt
364 Es31	V\$PPAR_RXR.01	2529	2551	1	0.79	c ttgatttgcctcaaAGGTtaga
365 Nipsnap3a	V\$PPAR_RXR.01	3123	3145	1	0.79	c tgcgtgctggggagAGGTcg
366 Atp5d	V\$PPAR_RXR.01	4194	4216	1	0.791	tgc tatgtgtagggcagAGGTtga
367 Acaa1b	V\$PPAR_RXR.01	3773	3795	1	0.791	ta

Varanasi, U. et al. (1996). *J Biol Chem* **271**, 2147-2159

368 Ctsh	V\$PPAR_RXR.01	452	474	1	0.791	tatttagaggacctAGGTcag ac
369 Atp5d	V\$PPAR_RXR.01	5128	5150	1	0.791	tgctgtctggggagAGGTcg tgc
370 Samm50	V\$PPAR_RXR.01	3719	3741	1	0.792	gcttaacgagaaaaAGGTc agga
371 Gpt2	V\$PPAR_RXR.01	332	354	1	0.792	tctctgaagctcacAGGTcac tt
372 Ndufa8	V\$PPAR_RXR.01	751	773	1	0.792	tccttacaggagaaAGGTtag aca
373 Cox6b1	V\$PPAR_RXR.01	378	400	1	0.793	aggagctgaggcagAGGTc atgg
374 Maob	V\$PPAR_RXR.02	2722	2744	1	0.793	agctccctgtcAAAGatcaa gt
375 Dhra4	V\$PPAR_RXR.01	2560	2582	1	0.794	agtgtctggggctaaAGGTgt gcg
376 Atp5f1	V\$PPAR_RXR.01	4461	4483	1	0.794	tggaagctgggtatAGGTgct gc
377 Atp5f1	V\$PPAR_RXR.01	3626	3648	1	0.794	tggaagctgggtatAGGTgct gc
378 Ak2	V\$PPAR_RXR.02	4691	4713	1	0.795	ttattaactgtcAAAGgccaaa c
379 Acaa1b	V\$PPAR_RXR.01	1003	1025	1	0.797	tcttactggggaacAGGTgcg tg
380 Pdia3	V\$PPAR_RXR.02	3276	3298	1	0.799	tgctatccgttcAAAGctcattg caaccctgtgaaaAGGTca
381 Ctsb	V\$PPAR_RXR.01	134	156	1	0.801	ttc agagcacggggaacAGGT
382 Ndufa9	V\$PPAR_RXR.01	399	421	1	0.801	aagct gttataatggcaacAGGTctg
383 Ctsa	V\$PPAR_RXR.01	3293	3315	1	0.802	at tgaagaaaggcaaaaAGGTa
384 Hspd1	V\$PPAR_RXR.01	3415	3437	1	0.802	tttg tgattatgtataaAGGTcaca
385 1300010F03Rik	V\$PPAR_RXR.01	2033	2055	1	0.802	a gttataatggcaacAGGTctg
386 Ctsa	V\$PPAR_RXR.01	3265	3287	1	0.802	at gctgactggggcagAGGTa
387 Ephx2	V\$PPAR_RXR.01	2976	2998	1	0.803	gcag tggggcattgtcAAAGgtgact
388 Decr2	V\$PPAR_RXR.02	3361	3383	1	0.806	t accagcagggccgAGGTc
389 Atp5j	V\$PPAR_RXR.01	4582	4604	1	0.807	acct tgggtgggggacaaAGGTat
390 Atp5f1	V\$PPAR_RXR.01	4979	5001	1	0.808	cct tgggtgggggacaaAGGTat
391 Atp5f1	V\$PPAR_RXR.01	4144	4166	1	0.808	cct tacgtgagggttcaAGGTcat
392 Oat	V\$PPAR_RXR.01	4609	4631	1	0.808	gt agatggaagcagaaAGGTc
393 Ctsb	V\$PPAR_RXR.01	3039	3061	1	0.809	aaag agcagccagagtaaAGGTg
394 Tomm70a	V\$PPAR_RXR.01	715	737	1	0.809	aagg



395 Lonp1	V\$PPAR_RXR.01	3003	3025	1	0.809	gacaaaaggggcagAGGT ggaga catatgagggctaaAGGTat
396 Samm50	V\$PPAR_RXR.01	3040	3062	1	0.81	gtt agcaaccaggtgacAGGTg
397 Uqcrq	V\$PPAR_RXR.01	2019	2041	1	0.811	ggta agcaaccaggtgacAGGTg
398 Uqcrq	V\$PPAR_RXR.01	2003	2025	1	0.811	ggta gttgacagcttcAAAGggcag
399 Agmat	V\$PPAR_RXR.02	5069	5091	1	0.811	gg gaaggagaggtaatAGGTa
400 Phyh	V\$PPAR_RXR.01	1280	1302	1	0.812	acta aataccaagaacaaAGGTt
401 Ndufb5	V\$PPAR_RXR.01	3865	3887	1	0.812	acag ggaaagatgttcAAAGgttag
402 Aldh3a2	V\$PPAR_RXR.02	386	408	1	0.812	ga gggcacatgggtaaAGGTg
403 Ctsz	V\$PPAR_RXR.01	1653	1675	1	0.813	cta acaaataggctcagAGGTca
404 Opa1	V\$PPAR_RXR.01	1032	1054	1	0.813	acc aggaactgggtacAGGTg
405 Ak2	V\$PPAR_RXR.01	3075	3097	1	0.815	ggaa ggtaggatgggaaaAGGTgt
406 Atp5f1	V\$PPAR_RXR.01	4897	4919	1	0.815	ttt ggtaggatgggaaaAGGTgt
407 Atp5f1	V\$PPAR_RXR.01	4062	4084	1	0.815	ttt aattactggtccaaAGGTtac
408 Ak2	V\$PPAR_RXR.01	4583	4605	1	0.816	gt atgtgactggcccaAGGTca
409 Ndufa8	V\$PPAR_RXR.01	268	290	1	0.816	cac agtataggggttaaAGGTgtg
410 Lamp2	V\$PPAR_RXR.01	493	515	1	0.817	ca ggatgaggggtgagAGGTg
411 Phyh	V\$PPAR_RXR.01	1886	1908	1	0.817	acag cgagttgagggcagAGGTcc
412 Acaa1b	V\$PPAR_RXR.01	18	40	1	0.818	aca gttcagtaggtcAAAGgaga
413 Ehhadh	V\$PPAR_RXR.02	2161	2183	1	0.818	gaa gggataggggacagAGGTc
414 Slc25a10	V\$PPAR_RXR.01	4616	4638	1	0.819	cact ggactcaaggtgaaAGGTg
415 Hsd17b4	V\$PPAR_RXR.01	3612	3634	1	0.819	ggca gaagagcaggttaaAGGTtc
416 Idh3g	V\$PPAR_RXR.01	2516	2538	1	0.819	agg cagaagcagttcAAAGgtctc
417 Acaa1b	V\$PPAR_RXR.02	4345	4367	1	0.819	tg ggaacaaagttcAAAGggca
418 Ehhadh	V\$PPAR_RXR.02	4069	4091	1	0.819	gtt
419 Cpt1a	V\$PPAR_RXR.01	1079	1101	1	0.82	ggggtagaggaaacAGGTg aggc tgcacggaggaaaaAGGTg
420 Ndufa9	V\$PPAR_RXR.01	4595	4617	1	0.821	taat

Louet, et al.  
(2001)  
*Biochem J*  
**354**,189-198

421	Idh3b	V\$PPAR_RXR.01	105	127	1	0.822	cacagatagcaaaaAGGTc acca ctggagaaagttAAAGgtcat
422	Slc25a20	V\$PPAR_RXR.02	4132	4154	1	0.822	ga ccaggttagttcAAAGgtcga
423	Gcat	V\$PPAR_RXR.02	734	756	1	0.823	gg gttaggaggacAAAGgaca
424	Gcdh	V\$PPAR_RXR.02	3480	3502	1	0.824	act gttaggaggacAAAGgaca
425	Gcdh	V\$PPAR_RXR.02	3480	3502	1	0.824	act ttcctggtgccagAGGTaa
426	Timm13	V\$PPAR_RXR.01	1697	1719	1	0.825	aa ggcacggaagtcAAAGggc
427	Ndufab1	V\$PPAR_RXR.02	2155	2177	1	0.825	aact ctgaatgtggttaaAGGTggc
428	Ctsa	V\$PPAR_RXR.01	3964	3986	1	0.826	gg ggggggagggtgacAGGTg
429	Timm13	V\$PPAR_RXR.01	3734	3756	1	0.826	aaac ctgaatgtggttaaAGGTggc
430	Ctsa	V\$PPAR_RXR.01	3936	3958	1	0.826	gg tcccacggggccaaAGGTa
431	2010309E21Rik	V\$PPAR_RXR.01	178	200	1	0.826	gcag gcatcactggtcaaAGGTgta
432	Ndufa4	V\$PPAR_RXR.01	1877	1899	1	0.827	at tacaatggggccaaAGGTac
433	Hspe1	V\$PPAR_RXR.01	3420	3442	1	0.827	cag ttgctccagataaaAGGTcaa
434	Samm50	V\$PPAR_RXR.01	646	668	1	0.828	gc aatatctaggcaaaaAGGTa
435	Abcd3	V\$PPAR_RXR.01	796	818	1	0.83	tga tctttgggtgtcAAAGgacaac
436	Atp5d	V\$PPAR_RXR.02	2613	2635	1	0.831	t tctttgggtgtcAAAGgacaac
437	Atp5d	V\$PPAR_RXR.02	3547	3569	1	0.831	t gagtgtctgggataaAGGTgt
438	Actg1	V\$PPAR_RXR.01	1078	1100	1	0.832	gtg gaactgtatgtAAAGgtcag
439	Ndufa9	V\$PPAR_RXR.02	672	694	1	0.833	tg agcagcaagggataAGGTc
440	Cyp2a22	V\$PPAR_RXR.01	1632	1654	1	0.835	aagt cctgtagagggtcAAAGaaca
441	Dmgdh	V\$PPAR_RXR.02	3738	3760	1	0.835	atc
442	Cat	V\$PPAR_RXR.02	4260	4282	1	0.835	ggatcagaagtcAAAGatcat tt atgttctggggttaaAGGTggt
443	Hsd17b10	V\$PPAR_RXR.01	2317	2339	1	0.836	gc acataggaggtAAAGgtca
444	Cox5b	V\$PPAR_RXR.02	4414	4436	1	0.838	gcc tggcctgggtcacAGGTga
445	Atp5j	V\$PPAR_RXR.01	4568	4590	1	0.839	cct gtttaacagagtaaAGGTca
446	Cyca	V\$PPAR_RXR.01	4496	4518	1	0.84	cca

Girnun, G. D.,  
et al. (2002).  
*Molecular  
Endocrinology*  
**16**, 2793-2803

447	1110020G09Rik	V\$PPAR_RXR.01	3715	3737	1	0.84	gggagttaggaacAGGTa aaca	
448	Actg1	V\$PPAR_RXR.02	1810	1832	1	0.84	tctgtgagttcAAAGctcacct ggctcagtgataaAGGTaa	
449	Scp2	V\$PPAR_RXR.01	312	334	1	0.843	atg aaggagaggcaaaAGGT	
450	Hibadh	V\$PPAR_RXR.01	2004	2026	1	0.844	aaaag aagaaggagctcAAAGgtta	
451	Hacl1	V\$PPAR_RXR.02	958	980	1	0.845	tga gaaggcgggctcAAAGgtcg	
452	Lonp1	V\$PPAR_RXR.02	4603	4625	1	0.845	ggg ctctctctggccacAGGTgag	
453	Samm50	V\$PPAR_RXR.01	2630	2652	1	0.846	gc ttgaactaggtctcAGGTcac	
454	Acox2	V\$PPAR_RXR.01	4481	4503	1	0.846	aa	
455	Cpt1a	V\$PPAR_RXR.02	1957	1979	1	0.846	gtacaggggctcAAAGttcaa gt aagactcagaacaaAGGTc	Louet, et al. (2001) <i>Biochem J</i> <b>354</b> ,189-199
456	Atp5f1	V\$PPAR_RXR.01	37	59	1	0.851	aca	
457	Acox1	V\$PPAR_RXR.01	1084	1106	1	0.853	agaaactgggtgaaAGGTg gatt	Varanasi, U. et al. (1996). <i>J</i> <i>Biol Chem</i> <b>271</b> , 2147- 2160
458	Suox	V\$PPAR_RXR.01	29	51	1	0.855	gg aactatgggggaaAGGTct	
459	Scp2	V\$PPAR_RXR.01	47	69	1	0.857	cct ctaccgaggagaaAGGTa	
460	Vdac3	V\$PPAR_RXR.01	1019	1041	1	0.858	acca accctgaggagagAGGTc	
461	Ndufa4	V\$PPAR_RXR.01	2198	2220	1	0.858	atct ctaccgaggagaaAGGTa	
462	Vdac3	V\$PPAR_RXR.01	1001	1023	1	0.858	acca ggccttggggtcAAAGgtggc	
463	Hint2	V\$PPAR_RXR.02	1066	1088	1	0.858	cc tattaaacggagaaAGGTaa	
464	Hspd1	V\$PPAR_RXR.01	2568	2590	1	0.86	tgc gaatgactggatacAGGTca	
465	Ctsd	V\$PPAR_RXR.01	4757	4779	1	0.861	cgt caataggaggaaaaAGGTc	
466	Cyp2e1	V\$PPAR_RXR.01	3520	3542	1	0.861	ccga	
467	Cpt2	V\$PPAR_RXR.01	377	399	1	0.863	agttttgtggggaaAGGTgaa at	Barrero M. J. et al. (2003) <i>Biochem. J.</i> <b>369</b> , 721–730
468	Chchd3	V\$PPAR_RXR.01	1499	1521	1	0.864	agaagctaggagacAGGTg agca	
469	Chchd3	V\$PPAR_RXR.01	1493	1515	1	0.864	agaagctaggagacAGGTg agca ccaagcctgggtaaAGGTcg	
470	Cyca	V\$PPAR_RXR.01	4570	4592	1	0.866	cca	

471 Vdac2	V\$PPAR_RXR.01	4129	4151	1	0.87	cagagtgaggcaaaaAGGTt aata tcagaaatggtaaaAGGTga
472 Mut	V\$PPAR_RXR.01	2998	3020	1	0.874	gca tgaatgtaggtgaaAGGTcg
473 Slc25a20	V\$PPAR_RXR.01	4980	5002	1	0.877	gcg caaggttggtcAAAGctcact
474 Kmo	V\$PPAR_RXR.02	4902	4924	1	0.877	t aagtcgcggggaaaAGGTg
475 Vdac2	V\$PPAR_RXR.01	5103	5125	1	0.878	atct agaggctcggctacAGGTca
476 Samm50	V\$PPAR_RXR.01	5033	5055	1	0.878	cgg ggagagagggggagAGGT
477 Ndufs2	V\$PPAR_RXR.01	379	401	1	0.879	cattc catgcagaggtcagAGGTca
478 Atp5j	V\$PPAR_RXR.01	678	700	1	0.886	gcc catgcagaggtcagAGGTca
479 Atp5j	V\$PPAR_RXR.01	607	629	1	0.886	gcc ggccctgaggtcagAGGTca
480 Acp5	V\$PPAR_RXR.01	8	30	1	0.888	gca ggccctgaggtcagAGGTca
481 Acp5	V\$PPAR_RXR.01	1169	1191	1	0.888	gca gcactgtggacagAGGTca
482 Ndufb5	V\$PPAR_RXR.01	3615	3637	1	0.89	aaa tgtgtggaggccagAGGTca
483 Atp5f1	V\$PPAR_RXR.01	2139	2161	1	0.893	gct tgtgtggaggccagAGGTca
484 Atp5f1	V\$PPAR_RXR.01	1304	1326	1	0.893	gct aagtgaggccagAGGTc
485 Acaa1b	V\$PPAR_RXR.01	3971	3993	1	0.898	agat gatataggggtcagAGGTca
486 Aldh5a1	V\$PPAR_RXR.01	1472	1494	1	0.898	aca aggtcatgggtcAAAGggcat
487 Slc25a13	V\$PPAR_RXR.02	2167	2189	1	0.898	cc gggtgactggtgaaAGGTca
488 Coq9	V\$PPAR_RXR.01	575	597	1	0.902	tgg cacatggaggtcAAAGggca
489 Msra	V\$PPAR_RXR.02	2613	2635	1	0.907	act
490 Acox1	V\$PPAR_RXR.01	4700	4722	1	0.909	gggtaacaggacaaaAGGTt acgt
491 Hspd1	V\$PPAR_RXR.01	4737	4759	1	0.912	gtcccgtgggtgaaAGGTca agt acaatggggggcatAGGTc
492 Uox	V\$PPAR_RXR.01	2831	2853	1	0.912	atga gtcccgtgggtgaaAGGTca
493 Hspe1	V\$PPAR_RXR.01	4748	4770	1	0.912	agt cagaaaagggccagAGGTc
494 Tomm70a	V\$PPAR_RXR.01	4930	4952	1	0.914	accg ggtaggaggtcAAAGgtaa
495 Mccc2	V\$PPAR_RXR.02	3452	3474	1	0.916	aca tcaaacaaggtgaaAGGTg
496 Timm8a1	V\$PPAR_RXR.01	164	186	1	0.923	aaga

Varanasi, U. et al. (1996). *J Biol Chem* **271**, 2147-2161

497	Atp5j	V\$PPAR_RXR.01	4510	4532	1	0.924	tactcccagggcaaAGGTga cgg	Varanasi, U. et al. (1996). <i>J Biol Chem</i> <b>271</b> , 2147-2162
498	Acox1	V\$PPAR_RXR.02	658	680	1	0.924	aaatctggggtcAAAGgtcca ca	
499	Phyh	V\$PPAR_RXR.02	2324	2346	1	0.929	agtgtggggtcAAAGgtga aga	Varanasi, U. et al. (1996). <i>J Biol Chem</i> <b>271</b> , 2147-2163
500	Hacl1	V\$PPAR_RXR.01	614	636	1	0.944	acaaaacaggggaaAGGT cagag	
501	Acox1	V\$PPAR_RXR.01	5049	5071	1	0.946	gaaagcaaggtaaaAGGTc aagg	
502	Ndufb5	V\$PPAR_RXR.01	3455	3477	1	0.952	ctctgcgaggccaaAGGTca aga	
503	Kmo	V\$PPAR_RXR.01	2173	2195	1	0.985	ttaaagtaggacaaAGGTca cat	

**B) PPRE 28 days**

No.	SEQUENCE NAME <sup>1</sup>	MATRIX <sup>2</sup>	START POS.	END POS.	CORE SIM.	MATRIX SIM.	SEQUENCE	REFERENCE
1	Abcd3	V\$PPAR_RXR.01	385	407	0.754	0.804	actgagtgggaaacAGGG caaag	
2	Ndufb8	V\$PPAR_RXR.01	1896	1918	0.754	0.805	aataaaaaggggaaAGGG aacca	
4	Ndufs8	V\$PPAR_RXR.01	1598	1620	0.754	0.807	gaggaaatggccacAGGG cagag	
3	Sdhb	V\$PPAR_RXR.01	4737	4759	0.754	0.807	gaggggcggggcagAGG Ccagga	
5	D10Jhu81e	V\$PPAR_RXR.01	3500	3522	0.754	0.808	tgtggcctggacagAGGCc agtg	
6	P4hb	V\$PPAR_RXR.01	193	215	0.754	0.811	gaacctaggagaaAGGG cagga	
7	D10Jhu81e	V\$PPAR_RXR.01	1851	1873	0.754	0.812	gatgtatgggtcacAGGCc acca	
8	Ndufa8	V\$PPAR_RXR.01	3648	3670	0.754	0.812	agctcaaggttaaAGGGta aaa	
9	Ephx2	V\$PPAR_RXR.01	155	177	0.754	0.813	aggggagaggagaaAGG Gcaagg	
10	Ppt1	V\$PPAR_RXR.01	128	150	0.754	0.814	gagaaagaggaaaaAGG Ggaata	
11	Pcx	V\$PPAR_RXR.01	3295	3317	0.754	0.816	gtgacctgggcaaAGGCct cta	Jitrapakdee, S. et al. (2005) <i>J Biol Chem</i> <b>280</b> , 27466-27476
12	Uox	V\$PPAR_RXR.01	2120	2142	0.754	0.818	atcttacaggacacAGGCc aact	
13	Fh1	V\$PPAR_RXR.01	49	71	0.754	0.823	accaccaggggcaaAGGC aagag	
14	Kmo	V\$PPAR_RXR.01	3326	3348	0.754	0.823	accaccaggggcaaAGGC aagag	
15	Chdh	V\$PPAR_RXR.01	401	423	0.754	0.825	gggaaatgggctatAGGCc atgt	
16	Ndufs2	V\$PPAR_RXR.01	4039	4061	0.754	0.825	ggtccctgggacatAGGCc acca	
17	Timm13	V\$PPAR_RXR.01	3302	3324	0.754	0.825	ggctcttaggacacAGGGc agac	
18	1100001H23Rik	V\$PPAR_RXR.01	448	470	0.754	0.83	aaggaaatggctaaAGGG catgc	
19	Echs1	V\$PPAR_RXR.01	4743	4765	0.754	0.833	ccatcacaggggaaAGGG cacag	
20	Actg1	V\$PPAR_RXR.01	3960	3982	0.754	0.835	gactccaagggtcacAGGGc acag	
21	Por	V\$PPAR_RXR.01	3269	3291	0.754	0.842	taaacatggggaaaAGGC cagat	
22	Atp5j2	V\$PPAR_RXR.01	1970	1992	0.754	0.844	atgataaggggttaaAGGGc aggg	
23	Lamp2	V\$PPAR_RXR.01	4077	4099	0.754	0.852	agctttaggaaaaAGGGc attt	
24	D10Jhu81e	V\$PPAR_RXR.01	2402	2424	0.754	0.858	cattcacaggacaaAGGGc acgt	
25	Ehhadh	V\$PPAR_RXR.01	2306	2328	0.754	0.863	ttttaaaggttaaAGGGca gga	

26	Mdh2	V\$PPAR_RXR.01	1466	1488	0.754	0.863	tgtatctaggtcaaAGGGga agt
27	Slc25a1	V\$PPAR_RXR.01	3326	3348	0.754	0.865	gtagagaggggacaaAGGC catcc
28	Slc25a1	V\$PPAR_RXR.01	4440	4462	0.754	0.865	ggtaggggggacaaAGGC caact
29	Chdh	V\$PPAR_RXR.01	1164	1186	0.769	0.801	aagagccaggagaaGGG Tcccag
30	Dhrs4	V\$PPAR_RXR.01	491	513	0.769	0.803	aatatatggggcatGGGTa agt
31	Hspa5	V\$PPAR_RXR.01	4800	4822	0.769	0.803	gactcattggctacTGGTca ttc
32	Hspa5	V\$PPAR_RXR.01	4797	4819	0.769	0.803	gactcattggctacTGGTca ttc
33	Es31	V\$PPAR_RXR.01	928	950	0.769	0.805	ctggtcttgccatTGGTga cac
34	Es31	V\$PPAR_RXR.01	928	950	0.769	0.805	ctggtcttgccatTGGTga cac
35	Cpox	V\$PPAR_RXR.01	4389	4411	0.769	0.806	ataatcgaggccacTGGTt attc
36	Ndufa6	V\$PPAR_RXR.01	703	725	0.769	0.806	accaggagggtaaaGGGT aaaca
37	Sod2	V\$PPAR_RXR.01	2821	2843	0.769	0.806	ccatggaaggccatTGGTg aagg
38	Mut	V\$PPAR_RXR.01	3789	3811	0.769	0.81	agaaatagggaaaaGGGT cttcc
39	Cisd1	V\$PPAR_RXR.01	610	632	0.769	0.811	ggaatgtaggtcagTGGTa atgc
40	Fahd2a	V\$PPAR_RXR.01	4369	4391	0.769	0.812	acagatttggaacTGGTc agac
41	Bdh1	V\$PPAR_RXR.01	4674	4696	0.769	0.813	tcagaaagggggatTGGTc acct
42	Acaa1a	V\$PPAR_RXR.01	3009	3031	0.769	0.815	agggattgggagagGGGT caaaa
43	Chdh	V\$PPAR_RXR.01	4686	4708	0.769	0.819	gctaggaaggagagTGGT cagca
44	Mosc2	V\$PPAR_RXR.01	993	1015	0.769	0.825	cacatattgggtaaTGGTga gct
45	Ndufa8	V\$PPAR_RXR.01	1128	1150	0.769	0.828	tgaacatgggaaaTGGT aagca
46	Ppt1	V\$PPAR_RXR.01	32	54	0.769	0.828	tgtgtggaggccagTGGTc aacc
46	Ppt1	V\$PPAR_RXR.01	776	798	0.769	0.828	gagaaggagggaaaGGG Taattc
47	Actg1	V\$PPAR_RXR.01	2091	2113	0.769	0.836	accatgaaggtaaGGGT ctgca
48	Sdhb	V\$PPAR_RXR.01	1139	1161	0.769	0.837	gtaagcagggacaaTGGT aaata
49	Acaa1b	V\$PPAR_RXR.01	890	912	0.769	0.838	tgctattgtcaaGGGTga ccc
50	Hibch	V\$PPAR_RXR.01	2789	2811	0.769	0.846	agcagctaggacaaGGGT cttaa
51	Scpep1	V\$PPAR_RXR.01	891	913	0.769	0.882	gaaatgcaggtaaTGGTc aatc

52 Acot2	V\$PPAR_RXR.01	4514	4536	0.769	0.884	ggaatgtaggtaaaGGGTc acac
53 Pcx	V\$PPAR_RXR.01	4627	4649	0.769	0.894	atgatggagggcaaGGGT cacat
54 Adhfe1	V\$PPAR_RXR.01	4578	4600	0.785	0.801	gtgactttgggtaaAGCTc ac
55 Sdha	V\$PPAR_RXR.01	1990	2012	0.785	0.801	aagcaatgggagaaAGCT aaagc
56 Baat	V\$PPAR_RXR.01	403	425	0.785	0.802	agcactgggagacAGCT caatc
57 2010309E21Rik	V\$PPAR_RXR.01	4641	4663	0.785	0.803	cttttggtggccaaAGATctc tt
58 Asah1	V\$PPAR_RXR.01	2733	2755	0.785	0.805	ataagttaggtcagAGATaa agg
59 Bdh1	V\$PPAR_RXR.01	2317	2339	0.785	0.806	cctgtggaggggacAGCTc actc
60 Hsd17b4	V\$PPAR_RXR.01	281	303	0.785	0.809	gacagggtgggaaAGCT gaacc
61 Ndufa6	V\$PPAR_RXR.01	4679	4701	0.785	0.809	aagacctcgggcatAGATa acgg
62 Cps1	V\$PPAR_RXR.01	3484	3506	0.785	0.81	tatatcacggacacAGATg atgg
63 Dhra4	V\$PPAR_RXR.01	3146	3168	0.785	0.811	ggaccctgggagagAGAT caggt
64 Hspd1	V\$PPAR_RXR.01	1266	1288	0.785	0.813	ggaaactgggcaagAGCT gaagc
65 Glud1	V\$PPAR_RXR.01	1293	1315	0.785	0.814	gacactgtgggtatAGCTca gtg
66 Hsd17b4	V\$PPAR_RXR.01	439	461	0.785	0.814	aggaaaatgggaaAGATt aaat
67 Baat	V\$PPAR_RXR.01	5010	5032	0.785	0.815	gactattcgggtcagAGCTga gga
68 Mdh2	V\$PPAR_RXR.01	4697	4719	0.785	0.815	ccggaagtgggcaaAGCT aacgg
69 Sod2	V\$PPAR_RXR.01	1402	1424	0.785	0.816	tccaaagaggacacAGCT gagat
70 Pitrm1	V\$PPAR_RXR.01	2568	2590	0.785	0.819	ctttcgtggtagAGATcag ca
71 Acad8	V\$PPAR_RXR.01	1245	1267	0.785	0.82	tatgaatgggaagAGCTc atgg
72 Ctsh	V\$PPAR_RXR.01	2028	2050	0.785	0.824	gccatcctggaagAGCTc aaaa
73 Bckdha	V\$PPAR_RXR.01	180	202	0.785	0.835	attcactagggaaaAGCTa atgg
74 D10Jhu81e	V\$PPAR_RXR.01	210	232	0.785	0.839	gtgctgcagggcacAGCTc agga
75 Pdia3	V\$PPAR_RXR.01	4123	4145	0.785	0.842	aaaaaaaaaggtgaaAGCT gagcc
76 Fabp1	V\$PPAR_RXR.01	4792	4814	0.785	0.843	ccaaccaagggcaaAGCT ctctg
77 Hspe1	V\$PPAR_RXR.01	1128	1150	0.785	0.85	aataaaaaggacaaAGAT aaaga
78 Uox	V\$PPAR_RXR.01	3184	3206	0.785	0.857	gacgttcaggctaaAGATc agtt



79	Pccb	V\$PPAR_RXR.01	4707	4729	0.785	0.867	taaaagttggtcagAGCTca tta
80	Abcd3	V\$PPAR_RXR.01	4400	4422	0.785	0.877	atgtagtgggaaaaAGCTc agag
81	Gpt2	V\$PPAR_RXR.01	1797	1819	0.862	0.76	ttatgtgaggtcgaAGTTga gtg
82	Ndufs8	V\$PPAR_RXR.01	21	43	0.862	0.762	ttccagaagtccagAGTTca att
83	Aadac	V\$PPAR_RXR.01	1874	1896	0.862	0.764	atgaactgggaagAGTTg gcag
84	Ndufb9	V\$PPAR_RXR.01	1125	1147	0.862	0.764	gtgaataaggaagtAGTTc atct
85	Cox6b1	V\$PPAR_RXR.01	3903	3925	0.862	0.765	tgtttctggattatAGTTcattc
86	Ech1	V\$PPAR_RXR.01	4729	4751	0.862	0.765	aaaattgtgtataaAGTTcat ca
87	Fahd2a	V\$PPAR_RXR.01	1395	1417	0.862	0.766	gcaagatcggcaagAGTT cttca
88	Pccb	V\$PPAR_RXR.01	3131	3153	0.862	0.767	atgttgagggaaacAGTTct aag
89	Ndufa7	V\$PPAR_RXR.01	382	404	0.862	0.771	tggatacaggtcagAGTTgt gga
90	Aldh3a2	V\$PPAR_RXR.01	669	691	0.862	0.772	acaagcgagctcacAGTTc aatt
91	Slc25a1	V\$PPAR_RXR.01	441	463	0.862	0.772	accaacagggtcacAGTTt caat
92	Acp5	V\$PPAR_RXR.01	930	952	0.862	0.773	ggctctgaggctgaAGTTc atgg
93	Acp5	V\$PPAR_RXR.01	2091	2113	0.862	0.773	ggctctgaggctgaAGTTc atgg
94	Adhfe1	V\$PPAR_RXR.01	4044	4066	0.862	0.773	atagttaggccaaAGTTt cct
95	Chdh	V\$PPAR_RXR.01	50	72	0.862	0.773	agagtcagggtataAGTTc aact
96	Hsd17b4	V\$PPAR_RXR.01	385	407	0.862	0.773	acacacctggggagAGTTc gaat
97	Aifm1	V\$PPAR_RXR.01	847	869	0.862	0.775	gaacagatggccaaAGTT agtat
98	Pccb	V\$PPAR_RXR.01	4697	4719	0.862	0.775	cagcatttgtaaaAGTTgg tca
99	Mdh2	V\$PPAR_RXR.01	1147	1169	0.862	0.776	ctggggagggaagAGTTt atcc
100	Acaa1b	V\$PPAR_RXR.01	1179	1201	0.862	0.778	cttattaagagcaaAGTTga ctg
101	Slc25a10	V\$PPAR_RXR.01	4679	4701	0.862	0.781	agcaccagggcataAGTTc agac
102	Hibch	V\$PPAR_RXR.01	2742	2764	0.862	0.784	caggagaagctgaaAGTT caata
103	Ehhadh	V\$PPAR_RXR.01	4076	4098	0.862	0.785	catttagggaacaaAGTTc aaag
104	Cox4i1	V\$PPAR_RXR.01	2403	2425	0.862	0.789	gtgatgaagggacaAGTTc aaca
105	Hsd17b10	V\$PPAR_RXR.01	3574	3596	0.862	0.79	aacacaagggtcaaAGTT gctgg

106 Aldh3a2	V\$PPAR_RXR.01	3001	3023	0.862	0.792	ttaaattagctcagAGTTca cct
107 D10Jhu81e	V\$PPAR_RXR.01	4465	4487	0.862	0.792	tcctcacaggccacAGTTct gcc
108 Echs1	V\$PPAR_RXR.01	1460	1482	0.862	0.792	gcccttggtggcgaAGTTa aac
109 Ech1	V\$PPAR_RXR.01	2072	2094	0.862	0.798	tgaaggtgggatAGTTa acc
110 Baat	V\$PPAR_RXR.01	4474	4496	0.862	0.8	gctggaaggcaaaAGTT aagac
111 Pitrm1	V\$PPAR_RXR.01	292	314	0.862	0.8	aaaaactggaaaaAGTTg ccct
112 Slc25a15	V\$PPAR_RXR.01	3593	3615	0.862	0.802	ttgaatagggttagAGTTaa aga
113 Ndufa8	V\$PPAR_RXR.01	3427	3449	0.862	0.805	ttcatgaggcaaaAGTTcc tac
114 Uqcrc1	V\$PPAR_RXR.01	3899	3921	0.862	0.806	agttacagggacaaAGTTt ggag
115 Gulo	V\$PPAR_RXR.01	2526	2548	0.862	0.807	ttgtgggggaaaaAGTTaa aga
116 Ndufa4	V\$PPAR_RXR.01	2424	2446	0.862	0.808	tgtagttgggtacAGTTtag gc
117 Cox4i1	V\$PPAR_RXR.01	2700	2722	0.862	0.809	aattagctggtcaaAGTTgg agg
118 Gpt2	V\$PPAR_RXR.01	2771	2793	0.862	0.813	gcaactgaggagaaAGTT ctggt
119 Hspa9	V\$PPAR_RXR.01	3205	3227	0.862	0.813	atgtgctaggtcagAGTTcc atc
120 Msra	V\$PPAR_RXR.01	5528	5550	0.862	0.816	tctctgagggacaaAGTTcc cag
121 Hsd17b10	V\$PPAR_RXR.01	4816	4838	0.862	0.817	ctggaaagggaaaAGTTt agat
122 Prdx3	V\$PPAR_RXR.01	4161	4183	0.862	0.826	gtaagtaggaaatAGTTaa act
123 Hacl1	V\$PPAR_RXR.01	4301	4323	0.862	0.83	attactttgtaaaAGTTaag ca
124 Acsm1	V\$PPAR_RXR.01	4428	4450	0.862	0.831	ctgtgtgtggcacaAGTTaa ggt
125 Gcsh	V\$PPAR_RXR.01	1527	1549	0.862	0.833	accaagcaggtcagAGTTc taac
126 Cyb5	V\$PPAR_RXR.01	2675	2697	0.862	0.834	tgacaggaggtaaaAGTTa agca
127 Gstk1	V\$PPAR_RXR.01	4758	4780	0.862	0.837	tgctgagggacaaAGTTct aga
128 Nphp3	V\$PPAR_RXR.01	1047	1069	0.862	0.839	ctgtgaggtcagAGTTca gcc
128 Uox	V\$PPAR_RXR.01	3879	3901	0.862	0.843	ggggggggggcagAGTT caaga
129 Peci	V\$PPAR_RXR.01	3062	3084	0.862	0.845	gaactccaggtgacAGTTc aac
130 Peci	V\$PPAR_RXR.01	3073	3095	0.862	0.845	gaactccaggtgacAGTTc aac
131 Aldh3a2	V\$PPAR_RXR.01	401	423	0.862	0.847	ggttaggaggtgaaAGTTta tgc

132	Bdh1	V\$PPAR_RXR.01	4961	4983	0.862	0.855	catcgaacgggtaaAGTTc agct
133	Echs1	V\$PPAR_RXR.01	1497	1519	0.862	0.859	tagtgaaggccagAGTTc agtc
134	Coq9	V\$PPAR_RXR.01	3575	3597	0.862	0.865	agggatagggtcacAGTTc agtg
135	Ctsa	V\$PPAR_RXR.01	2256	2278	0.862	0.866	atcttttaggacaaAGTTtaa gt
136	Ctsa	V\$PPAR_RXR.01	2228	2250	0.862	0.866	atcttttaggacaaAGTTtaa gt
137	Ctsb	V\$PPAR_RXR.01	3032	3054	0.862	0.913	agcagaaaggtaaAGTT caaga
138	Abcd3	V\$PPAR_RXR.02	3580	3602	1	0.69	taggatgacgtcAAAGctac acc
139	Actg1	V\$PPAR_RXR.02	936	958	1	0.69	gcattcaggctcAAAGattta tt
140	Cox4i1	V\$PPAR_RXR.02	2866	2888	1	0.69	caaagtggccttAAAGttca agg
141	Cox5a	V\$PPAR_RXR.02	2781	2803	1	0.69	agtgctaggattAAAGgtgtg ca
142	Ctsd	V\$PPAR_RXR.02	4016	4038	1	0.69	ttcccagggtcAAAGctaca at
143	Ctsd	V\$PPAR_RXR.02	4990	5012	1	0.69	cccgaagagagcAAAGcct aaag
144	Lamp2	V\$PPAR_RXR.02	805	827	1	0.69	cagtgaggggacAAAGgg attga
145	Ndufa8	V\$PPAR_RXR.02	3640	3662	1	0.69	ggttaaagggtaAAAGgga gcct
146	Slc25a10	V\$PPAR_RXR.02	2066	2088	1	0.69	ggatttgattcAAAGgcag cct
147	Mdh2	V\$PPAR_RXR.02	1589	1611	1	0.691	agcactggcatcAAAGgtat gta
148	Sod2	V\$PPAR_RXR.02	3600	3622	1	0.691	agtgtgggatcAAAGgcat gtg
149	Uqcrc1	V\$PPAR_RXR.02	907	929	1	0.691	gggaaaagagtaAAAGggt gtta
150	Ctsa	V\$PPAR_RXR.02	4528	4550	1	0.692	agtgtgggatcAAAGgcgt gtg
151	Ctsa	V\$PPAR_RXR.02	4500	4522	1	0.692	agtgtgggatcAAAGgcgt gtg
152	Them2	V\$PPAR_RXR.02	1715	1737	1	0.692	aaaaccaggatgAAAGttg agtc
153	Aadac	V\$PPAR_RXR.02	4359	4381	1	0.693	aatattggactaAAAGgtga gaa
154	Hspe1	V\$PPAR_RXR.02	858	880	1	0.693	agtgtaggattAAAGgtgg gca
155	Gpt2	V\$PPAR_RXR.02	1536	1558	1	0.694	gcttaaaggatcAAAGattc agt
156	Ldhd	V\$PPAR_RXR.02	1306	1328	1	0.694	agggatgagattAAAGgttt gtg
157	Ndufa6	V\$PPAR_RXR.02	1078	1100	1	0.694	agtgtgagattAAAGgtgtg tg
158	Ndufa7	V\$PPAR_RXR.02	906	928	1	0.694	gtctctgtctcAAAGctgatt g

Wei, J. et al. (2009)  
*Biochem J* **421**, 311-  
322

159	2010309E21Rik	V\$PPAR_RXR.02	368	390	1	0.695	cacttggggaacAAAGttga tgg
160	Cox5a	V\$PPAR_RXR.02	2433	2455	1	0.695	cggggagggataAAAGga aacat
161	Got2	V\$PPAR_RXR.02	4666	4688	1	0.696	actagtgggtgAAAGgaaa acc
162	Ndufa10	V\$PPAR_RXR.02	4705	4727	1	0.696	gaacccgagctcAAAGctg ggag
163	Ndufa7	V\$PPAR_RXR.02	3762	3784	1	0.696	ctagtgggttgAAAGgtaa tat
164	Acaa1a	V\$PPAR_RXR.02	365	387	1	0.697	cccagggagtcAAAGatg taga
165	Atp5j2	V\$PPAR_RXR.02	1543	1565	1	0.697	tatgttgagattAAAGgtgcc ca
166	Bdh1	V\$PPAR_RXR.02	3530	3552	1	0.697	agtgtgggttAAAGgctg gcg
167	Bdh1	V\$PPAR_RXR.02	3028	3050	1	0.697	agtgtgggttAAAGgctg gcg
168	Gldc	V\$PPAR_RXR.02	3126	3148	1	0.697	ggtgtgggttAAAGgctg gca
169	Uqcrb	V\$PPAR_RXR.02	3038	3060	1	0.697	agcggcagggtgAAAGatg ctaa
170	Psap	V\$PPAR_RXR.02	2465	2487	1	0.698	tcctatgagttcAAAGctagc tt
171	Psap	V\$PPAR_RXR.02	2551	2573	1	0.698	tcctatgagttcAAAGctagc tt
172	1100001H23Rik	V\$PPAR_RXR.02	2518	2540	1	0.699	taaggagagctcAAAGttag ggt
173	Cyb5	V\$PPAR_RXR.02	4775	4797	1	0.699	tggcttgggtaAAAGtgaa agg
174	Cyp2e1	V\$PPAR_RXR.02	1558	1580	1	0.699	agtgtgggattAAAGgtatg tg
175	Echdc2	V\$PPAR_RXR.02	2962	2984	1	0.699	agtgtgggattAAAGgtatg tg
176	Echdc2	V\$PPAR_RXR.02	2910	2932	1	0.699	agtgtgggattAAAGgtatg tg
177	Hsd17b4	V\$PPAR_RXR.02	1311	1333	1	0.699	agagccgggattAAAGgtgt gta
178	Slc25a1	V\$PPAR_RXR.02	1855	1877	1	0.699	agtgtgggattAAAGgtatg tg
179	Sod1	V\$PPAR_RXR.02	2847	2869	1	0.699	agtgtgggattAAAGgtatg ta
180	2810422J05Rik	V\$PPAR_RXR.02	918	940	1	0.7	gctcctgggattAAAGgtgtg tg
181	Bdh1	V\$PPAR_RXR.02	1779	1801	1	0.7	agtgtgggattAAAGgtgtg ta
182	Ctsa	V\$PPAR_RXR.02	3580	3602	1	0.7	agtgtgggattAAAGgtgtg tg
183	Ctsa	V\$PPAR_RXR.02	3719	3741	1	0.7	aatgtgggattAAAGgtgtg tg
184	Ctsa	V\$PPAR_RXR.02	3552	3574	1	0.7	agtgtgggattAAAGgtgtg tg
185	Ctsa	V\$PPAR_RXR.02	3691	3713	1	0.7	aatgtgggattAAAGgtgtg tg

186	Cyp2a22	V\$PPAR_RXR.02	3829	3851	1	0.7	aatgctgggattAAAAGgtgtg tg	
187	Echdc2	V\$PPAR_RXR.02	1724	1746	1	0.7	agtgctgggattAAAAGgtgtg tg	
188	Echdc2	V\$PPAR_RXR.02	1672	1694	1	0.7	agtgctgggattAAAAGgtgtg tg	
189	Gcsh	V\$PPAR_RXR.02	3157	3179	1	0.7	agtgctgggattAAAAGgtgtg tg	
190	Gpt2	V\$PPAR_RXR.02	3836	3858	1	0.7	ttatctgggattAAAGgtgtgt g	
191	Hsd12	V\$PPAR_RXR.02	2081	2103	1	0.7	agtgctgggattAAAAGgtgtg tg	
192	Ndufa7	V\$PPAR_RXR.02	1491	1513	1	0.7	aatgctgggattAAAAGgtgtg tg	
193	Ndufa8	V\$PPAR_RXR.02	3226	3248	1	0.7	agtgctgggattAAAAGgtgtg tg	
194	Psap	V\$PPAR_RXR.02	4116	4138	1	0.7	gctgctgggattAAAAGgtgtg tg	
195	Psap	V\$PPAR_RXR.02	4202	4224	1	0.7	gctgctgggattAAAAGgtgtg tg	
196	Sod2	V\$PPAR_RXR.02	2176	2198	1	0.7	tctcctgggattAAAGgtgtgt a	
197	Aldh1b1	V\$PPAR_RXR.02	177	199	1	0.701	agtctgggattAAAAGgtgtg gg	
198	Cox4i1	V\$PPAR_RXR.02	1831	1853	1	0.701	atgtgctctgccAAAAGgaca gca	
199	Cox6b1	V\$PPAR_RXR.02	210	232	1	0.701	aatgctgggattAAAAGgtatg cg	
200	Opa1	V\$PPAR_RXR.02	357	379	1	0.701	tctgctgggattAAAAGgtatg cg	
201	Peci	V\$PPAR_RXR.02	384	406	1	0.701	gccatagggattAAAAGgtat gtc	
202	Peci	V\$PPAR_RXR.02	395	417	1	0.701	gccatagggattAAAAGgtat gtc	
203	Them2	V\$PPAR_RXR.02	3657	3679	1	0.701	agtactgggattAAAAGgtttgt g	Wei, J. et al. (2009) <i>Biochem J</i> <b>421</b> , 311- 323
204	Acox1	V\$PPAR_RXR.02	3576	3598	1	0.702	agtgctgggattAAAAGgtgtg cg	Varanasi, U. et al. (1996). <i>J Biol Chem</i> <b>271</b> , 2147-2155
205	Adhfe1	V\$PPAR_RXR.02	1272	1294	1	0.702	agtgctgggattAAAAGgtgtg ca	
206	Aldh7a1	V\$PPAR_RXR.02	4388	4410	1	0.702	agtgctgggattAAAAGgtgtg cg	
207	Ctsh	V\$PPAR_RXR.02	4493	4515	1	0.702	agtgctgggattAAAAGgtgtg cg	
208	Echdc2	V\$PPAR_RXR.02	2549	2571	1	0.702	agtactgggattAAAAGgtgtg cg	
209	Echdc2	V\$PPAR_RXR.02	2497	2519	1	0.702	agtactgggattAAAAGgtgtg cg	
209	Gcsh	V\$PPAR_RXR.02	3469	3491	1	0.702	agtgctgggattAAAAGgtgtg cg	
210	Gpt2	V\$PPAR_RXR.02	3561	3583	1	0.702	agtgctgggattAAAAGgtgtg ca	

211	Ndufb9	V\$PPAR_RXR.02	1413	1435	1	0.702	ttgttgggattAAAGgtgtg a
212	P4hb	V\$PPAR_RXR.02	3042	3064	1	0.702	aatactgggattAAAGgtgtg cc
213	Slc25a10	V\$PPAR_RXR.02	194	216	1	0.702	atggtggggctcAAAGctgg gac
214	Slc25a10	V\$PPAR_RXR.02	844	866	1	0.702	agtgtgggattAAAGgtgtg ca
215	Vdac2	V\$PPAR_RXR.02	4078	4100	1	0.702	agtgtgggattAAAGgtgtg ca
216	Acad8	V\$PPAR_RXR.02	1749	1771	1	0.703	agtgtgggattAAAGgtgta cg
217	Clpp	V\$PPAR_RXR.02	2641	2663	1	0.703	agtgtgggattAAAGgtgta ca
218	Ech1	V\$PPAR_RXR.02	2192	2214	1	0.703	agtcagggattAAAGgtgt gca
219	Glud1	V\$PPAR_RXR.02	2868	2890	1	0.704	agtgtgggatgAAAGgtgt gag
220	Cps1	V\$PPAR_RXR.02	4699	4721	1	0.705	tactcctcttcAAAGggcagt a
221	Sdhb	V\$PPAR_RXR.02	2007	2029	1	0.705	gacgctgagggtgAAAGctg gcaa
222	Cps1	V\$PPAR_RXR.02	2318	2340	1	0.706	tacaacttaatcAAAGgaca att
223	Es31	V\$PPAR_RXR.02	2538	2560	1	0.706	ttcacctcaaccAAAGgtcat tc
224	Es31	V\$PPAR_RXR.02	2538	2560	1	0.706	ttcacctcaaccAAAGgtcat tc
225	Prdx3	V\$PPAR_RXR.02	3358	3380	1	0.706	gactgtcttccAAAGgtcag ga
226	2010309E21Rik	V\$PPAR_RXR.02	3808	3830	1	0.707	acagcttttctcAAAGgaca atg
227	Got2	V\$PPAR_RXR.02	428	450	1	0.709	ggaaatactgccAAAGgac aggg
228	Agxt	V\$PPAR_RXR.02	4864	4886	1	0.71	tggtgtcctgtcAAAGaaca gca
229	Bdh1	V\$PPAR_RXR.02	1114	1136	1	0.71	ctcagaccacAAAGgtc acat
230	Ppt1	V\$PPAR_RXR.02	1514	1536	1	0.711	ttgtgacctgtcAAAGgtcat ga
231	Ndufa6	V\$PPAR_RXR.02	3864	3886	1	0.712	gtacttcagtcAAAGtaca atg
232	Mpst	V\$PPAR_RXR.02	1457	1479	1	0.714	acggcactgggcAAAGtcc aggg
233	Ndufs8	V\$PPAR_RXR.02	3987	4009	1	0.716	cctatcttattcAAAGgtccaa a
234	D10Jhu81e	V\$PPAR_RXR.02	3346	3368	1	0.717	gtacatactggcAAAGatca gtc
235	Nipsnap1	V\$PPAR_RXR.02	1507	1529	1	0.717	gactgtctttcAAAGgtctg a
236	Acot2	V\$PPAR_RXR.02	2112	2134	1	0.718	aaacaatttctcAAAGttcag tt
237	Cpox	V\$PPAR_RXR.02	4437	4459	1	0.718	tcaaggatagttAAAGggca aat

238	Slc25a15	V\$PPAR_RXR.02	762	784	1	0.718	actcccactgccAAAGgtctt tt
239	Dhrs4	V\$PPAR_RXR.02	5046	5068	1	0.719	aggggactgttcAAAGggc ggga
240	Ephx2	V\$PPAR_RXR.02	653	675	1	0.719	agctctctatcAAAGttcatg a
241	Glyat	V\$PPAR_RXR.02	3635	3657	1	0.72	ccctagcctgtcAAAGttccc tc
242	Hrsp12	V\$PPAR_RXR.02	596	618	1	0.721	tgcttctgttAAAGttcactt
243	Cyp2a22	V\$PPAR_RXR.02	971	993	1	0.723	ttcatactcatcAAAGgtaaa at
244	Pitrm1	V\$PPAR_RXR.02	1988	2010	1	0.723	aagtacaccataAAAGgtc acaa
245	Agxt	V\$PPAR_RXR.02	172	194	1	0.724	tgctgccagtcAAAGgtag gct
246	Ctsd	V\$PPAR_RXR.02	238	260	1	0.724	gaactctagttAAAGgtgatt a
247	Aldh1b1	V\$PPAR_RXR.02	4203	4225	1	0.725	ttattactggtcAAAGgagtg g
248	Hspe1	V\$PPAR_RXR.02	3450	3472	1	0.725	cagcatctgctaAAAGgtct aca
249	Ndufa4	V\$PPAR_RXR.02	1064	1086	1	0.726	aaatatgtgaacAAAGgcc aata
250	Hsd17b10	V\$PPAR_RXR.02	2809	2831	1	0.727	gtcacagcaagcAAAGgtc agca
251	Acox1	V\$PPAR_RXR.02	296	318	1	0.728	caggagatggtaAAAGgac cccc
252	Chdh	V\$PPAR_RXR.02	2748	2770	1	0.728	aaggcctgagacAAAGga cagca
253	Baat	V\$PPAR_RXR.02	4834	4856	1	0.729	actgttgctgtcAAAGacca gag
254	Ndufa4	V\$PPAR_RXR.02	2162	2184	1	0.729	agtcacctgatcAAAGctga tgc
255	Pgcp	V\$PPAR_RXR.02	3835	3857	1	0.729	acgcgactagtcAAAGttta gag
256	Chdh	V\$PPAR_RXR.02	4867	4889	1	0.731	agaacctatgtaAAAGgcc atgt
257	Cox4i1	V\$PPAR_RXR.02	1702	1724	1	0.731	actgcctacgtcAAAGggctt ga
258	Gpt2	V\$PPAR_RXR.02	1438	1460	1	0.731	gcacagtgactcAAAGgac agtg
259	P4hb	V\$PPAR_RXR.02	2755	2777	1	0.731	gtacaattgctcAAAGttcga ga
260	Scpep1	V\$PPAR_RXR.02	312	334	1	0.731	cactaagctgacAAAGatc agcc
261	Cyb5	V\$PPAR_RXR.02	2756	2778	1	0.732	tgacaagttgtcAAAGccca ttg
262	Bdh1	V\$PPAR_RXR.02	1840	1862	1	0.733	tctgtacatggcAAAGatcat tt
263	Bdh1	V\$PPAR_RXR.02	1338	1360	1	0.733	tctgtacatggcAAAGatcat tt
264	Cycs	V\$PPAR_RXR.02	148	170	1	0.734	cacataattgtaAAAGgtaa aag

Varanasi, U. et al.  
(1996). *J Biol Chem*  
**271**, 2147-2156

265	Gulo	V\$PPAR_RXR.02	949	971	1	0.734	ttgtaaactgttAAAGGtaatt a
266	Cat	V\$PPAR_RXR.02	2595	2617	1	0.735	aaagaattgctcAAAGTtga aca
267	Nipsnap3a	V\$PPAR_RXR.02	3972	3994	1	0.735	aaaggacggaacAAAGGga caata
268	Opa1	V\$PPAR_RXR.02	2049	2071	1	0.735	acaaataaaaacAAAGGtc attc
269	Gcdh	V\$PPAR_RXR.02	2470	2492	1	0.736	ggcagacatgtgAAAGgcc acat
270	Gcdh	V\$PPAR_RXR.02	2470	2492	1	0.736	ggcagacatgtgAAAGgcc acat
271	Hsd17b10	V\$PPAR_RXR.02	378	400	1	0.736	tctcaacaaatcAAAGatca gtg
272	MsrA	V\$PPAR_RXR.02	821	843	1	0.736	aagccctaccttAAAGgtca aat
273	Gpt2	V\$PPAR_RXR.02	809	831	1	0.737	aagaaagtttcAAAGctca gat
274	Nipsnap1	V\$PPAR_RXR.02	2133	2155	1	0.737	ttaagaaaactcAAAGggc agca
275	Slc25a5	V\$PPAR_RXR.02	4087	4109	1	0.737	ctggaaagtccAAAGgac agac
276	Gpt2	V\$PPAR_RXR.02	316	338	1	0.738	tcagagaaggatAAAGgac agcg
277	Mut	V\$PPAR_RXR.02	4268	4290	1	0.738	gcgtgacagctcAAAGaac attt
278	Dhrs4	V\$PPAR_RXR.02	3114	3136	1	0.739	tcttaagccatcAAAGttcact a
279	Ndufb9	V\$PPAR_RXR.02	3796	3818	1	0.739	cattcgtgagttAAAGgacat cc
280	Scp2	V\$PPAR_RXR.02	837	859	1	0.739	gaaagacagatcAAAGcg catgc
281	Baat	V\$PPAR_RXR.02	3401	3423	1	0.741	tcttctgcctcAAAGgtctgg a
282	Mut	V\$PPAR_RXR.02	2764	2786	1	0.741	cttaagcatttcAAAGGtaatt a
283	Pcx	V\$PPAR_RXR.02	594	616	1	0.741	aagggacagatgAAAGGga catgt
284	Sod2	V\$PPAR_RXR.02	4355	4377	1	0.741	cgaccaaataAAAGgac attg
285	Ndufa7	V\$PPAR_RXR.02	3663	3685	1	0.742	atccgaaatgtcAAAGgccc cgt
286	Timm13	V\$PPAR_RXR.02	4740	4762	1	0.742	tttctagaagccAAAGgaca gtg
287	Aass	V\$PPAR_RXR.02	3320	3342	1	0.744	agcttagtggtgAAAGtgca gcc
288	Gstk1	V\$PPAR_RXR.02	854	876	1	0.744	taagagagagttAAAGgcc agag
289	Gcdh	V\$PPAR_RXR.02	962	984	1	0.745	gatctctgagttAAAGatcag cc
290	Gcdh	V\$PPAR_RXR.02	962	984	1	0.745	gatctctgagttAAAGatcag cc

Girnun, G. D., et al.  
(2002). *Molecular  
Endocrinology* **16**,  
2793-2801



291 Pgcg	V\$PPAR_RXR.02	3870	3892	1	0.745	tgtacataggtgAAAGgact caa
291 Phyh	V\$PPAR_RXR.02	3896	3918	1	0.745	aggtaaggcacAAAGgg caaat
292 Ctsa	V\$PPAR_RXR.02	1042	1064	1	0.746	gtccaggagcccAAAGgac aact
293 Ctsa	V\$PPAR_RXR.02	1014	1036	1	0.746	gtccaggagcccAAAGgac aact
294 Aldh7a1	V\$PPAR_RXR.02	2402	2424	1	0.747	aataaatggttAAAGggcat ag
295 Cyp2a22	V\$PPAR_RXR.02	890	912	1	0.747	ttagtaaagctcAAAGcaca cat
296 Hsd17b4	V\$PPAR_RXR.02	3768	3790	1	0.747	gcctcaacttcAAAGttcac at
297 Lamp2	V\$PPAR_RXR.02	262	284	1	0.747	gagaaagtggtcAAAGtag aggt
298 Fabp1	V\$PPAR_RXR.02	1824	1846	1	0.748	gcaaagtggtcAAAGgat aatg
299 Uqrcr1	V\$PPAR_RXR.02	2408	2430	1	0.748	tgtcaaagttcAAAGaaca aca
300 Lamp2	V\$PPAR_RXR.02	2197	2219	1	0.749	tgcgactagttcAAAGgtatt a
301 Vapa	V\$PPAR_RXR.02	1282	1304	1	0.749	ctgtaaagagtcAAAGtaca ata
302 Acsm1	V\$PPAR_RXR.02	3853	3875	1	0.75	atccaaagggccAAAGgtc aaaa
303 Hsd12	V\$PPAR_RXR.02	3785	3807	1	0.75	ggtatcaggttAAAGgacag ca
304 Nphp3	V\$PPAR_RXR.02	2328	2350	1	0.75	atggtaaagatcAAAGgga aatg
305 Uqcrb	V\$PPAR_RXR.02	817	839	1	0.75	catgtggatgccAAAGgtct aag
306 Acad8	V\$PPAR_RXR.02	2593	2615	1	0.752	cctgtatgagtgAAAGgtcct ga
307 Adhfe1	V\$PPAR_RXR.02	609	631	1	0.752	atagggaagtcAAAGatg aatt
308 Scpep1	V\$PPAR_RXR.02	5010	5032	1	0.752	caggcaggagccAAAGgc catcg
309 Coq9	V\$PPAR_RXR.02	1858	1880	1	0.753	tacagggatgtcAAAGgca aggc
310 Ech1	V\$PPAR_RXR.02	3257	3279	1	0.753	aggagagagggcAAAGag caaac
311 Shmt2	V\$PPAR_RXR.02	4471	4493	1	0.753	acagagagattgAAAGgtc aagg
312 Uqcrb	V\$PPAR_RXR.02	1572	1594	1	0.753	gcagttcagttgAAAGgtaa aac
313 Acot2	V\$PPAR_RXR.02	1359	1381	1	0.755	tagtaggaataAAAGgtca taa
314 Chdh	V\$PPAR_RXR.02	809	831	1	0.755	aaaaaaaaagtcAAAGcta aagc
315 Ephx2	V\$PPAR_RXR.02	1392	1414	1	0.756	cattgggaattcAAAGgtcc cat
316 Pccb	V\$PPAR_RXR.02	3171	3193	1	0.756	agtaggtggctcAAAGatga tta

317	Es31	V\$PPAR_RXR.02	4816	4838	1	0.757	ggatcaggggatAAAGgac agtc
318	Es31	V\$PPAR_RXR.02	4816	4838	1	0.757	ggatcaggggatAAAGgac agtc
319	Uqcrb	V\$PPAR_RXR.02	1256	1278	1	0.757	agaggaagcatcAAAGgta agca
320	Abcd3	V\$PPAR_RXR.02	1864	1886	1	0.758	agaccaggaggcAAAGct cagga
321	Fh1	V\$PPAR_RXR.02	1115	1137	1	0.758	agaactgatatcAAAGttca aat
322	Glyat	V\$PPAR_RXR.02	4982	5004	1	0.758	gcaagtgggggcAAAGag caaag
323	Kmo	V\$PPAR_RXR.02	2260	2282	1	0.758	agaactgatatcAAAGttca aat
324	Tomm70a	V\$PPAR_RXR.02	2574	2596	1	0.758	catatgtggatcAAAGcttat aa
325	Agxt	V\$PPAR_RXR.02	2240	2262	1	0.759	aatgcagactcAAAGctca tgt
326	Ldhd	V\$PPAR_RXR.02	2141	2163	1	0.759	tcaacagagatcAAAGtcc agag
327	Ppt1	V\$PPAR_RXR.02	528	550	1	0.759	agggaggagttcAAAGtgc atat
328	Bdh1	V\$PPAR_RXR.01	2010	2032	1	0.76	aacctgtgggaaccAGGTc atta
329	Bdh1	V\$PPAR_RXR.01	1508	1530	1	0.76	aacctgtgggaaccAGGTc atta
330	Chdh	V\$PPAR_RXR.02	2643	2665	1	0.76	aatgccgggggcAAAGga aagga
331	Pgcp	V\$PPAR_RXR.01	3863	3885	1	0.76	ggtatattgtacatAGGTgaa ag
332	Aldh3a2	V\$PPAR_RXR.02	3682	3704	1	0.761	gcggatggtctcAAAGatca gaa
333	Chdh	V\$PPAR_RXR.02	1392	1414	1	0.761	aggccagggtgacAAAGttc attt
334	Cyp4a14	V\$PPAR_RXR.01	3078	3100	1	0.761	tggaaatagaacatAGGTc ccct
335	Asah1	V\$PPAR_RXR.01	1461	1483	1	0.762	agacttaggggtacAGGTgt gta
336	Mdh2	V\$PPAR_RXR.01	1371	1393	1	0.762	tgtagagggggcAGGTc atgt
337	Coq9	V\$PPAR_RXR.01	495	517	1	0.763	attactaggggtacAGGTatg ca
338	Por	V\$PPAR_RXR.02	1631	1653	1	0.763	agtactgagattAAAGgtctg ag
339	Actg1	V\$PPAR_RXR.01	1713	1735	1	0.764	cataacaggagcaAGGT cctga
340	Ctsh	V\$PPAR_RXR.01	990	1012	1	0.764	ttgttcagggtgacAGGTggg at
341	Ndufs8	V\$PPAR_RXR.01	4115	4137	1	0.764	gtgataatcggcacAGGTc atac
342	Nipsnap3a	V\$PPAR_RXR.01	826	848	1	0.764	cttactcaggaacaAGGTa aata
343	Slc25a10	V\$PPAR_RXR.01	2886	2908	1	0.764	gtttctgagctagAGGTcag at

344	Sod1	V\$PPAR_RXR.01	3274	3296	1	0.764	tatggaatgagcaaAGGTt aaca	
345	Acox1	V\$PPAR_RXR.02	19	41	1	0.765	agtgctaggatcAAAGgtgt gca	Varanasi, U. et al. (1996). <i>J Biol Chem</i> <b>271</b> , 2147-2157
346	Aldh7a1	V\$PPAR_RXR.01	2296	2318	1	0.765	tacctcatgtgtacAGGTca gag	
347	Cox4i1	V\$PPAR_RXR.01	2984	3006	1	0.765	ttagtggtggttatAGGTgtct g	
348	Ndufs8	V\$PPAR_RXR.02	3697	3719	1	0.765	ggagaaggtgtcAAAGgag aact	
349	Nipsnap3a	V\$PPAR_RXR.01	4553	4575	1	0.765	tcagaggccgtcagAGGTc agct	
350	Por	V\$PPAR_RXR.01	4067	4089	1	0.765	ccttcagtggccagAGGTg ggac	
351	Scpep1	V\$PPAR_RXR.02	410	432	1	0.765	ggttttgagttcAAAGttctgta	
352	Aldh3a2	V\$PPAR_RXR.01	1528	1550	1	0.766	gctgccttggttaAGGTtatt	
353	Fabp1	V\$PPAR_RXR.01	2592	2614	1	0.766	tctcatcatgccaaAGGTaa tga	
354	Fh1	V\$PPAR_RXR.01	4763	4785	1	0.766	agacaagaggcgggAGGT cagat	
355	Ndufa10	V\$PPAR_RXR.02	3003	3025	1	0.766	agcatagaagtcAAAGctg aata	
356	Uqcrc1	V\$PPAR_RXR.01	4757	4779	1	0.766	cctcaggtggaagaAGGTg atga	
357	Aass	V\$PPAR_RXR.01	295	317	1	0.767	cataaagaggaaagAGGT aggta	
358	Asah1	V\$PPAR_RXR.01	1269	1291	1	0.767	ccaggaaagaataaAGGT gataa	
359	Cps1	V\$PPAR_RXR.02	4948	4970	1	0.767	gaatgggagtcAAAGatc gctg	
360	Got2	V\$PPAR_RXR.01	1132	1154	1	0.767	gtctcccaggtgagAGGTc aga	
361	Scp2	V\$PPAR_RXR.01	1035	1057	1	0.767	gagagctggctcagAGGTt aaga	
362	Acsm1	V\$PPAR_RXR.01	4890	4912	1	0.768	gacgttagtcaagAGGTca gaa	
363	Chdh	V\$PPAR_RXR.01	1054	1076	1	0.768	ctgaggcagccaaaAGGT aaca	
364	Glyat	V\$PPAR_RXR.01	4191	4213	1	0.768	acagaactggatggAGGTc atct	
365	Decr2	V\$PPAR_RXR.01	2898	2920	1	0.769	tctgtcagggaacaAGGTg accg	
366	Pitrm1	V\$PPAR_RXR.01	1730	1752	1	0.769	ggcagctaggaggaAGGT ccca	
367	Bckdha	V\$PPAR_RXR.01	3266	3288	1	0.77	ggctaataagctagAGGTc attg	
368	Bdh1	V\$PPAR_RXR.01	595	617	1	0.77	agtgccggggttacAGGTgt gtg	
369	Bdh1	V\$PPAR_RXR.01	93	115	1	0.77	agtgccggggttacAGGTgt gtg	
370	Ech1	V\$PPAR_RXR.01	3847	3869	1	0.77	actgggaggtagaAGGT gacag	

371 Fabp1	V\$PPAR_RXR.02	4448	4470	1	0.77	ggttttgagttcAAAGgtatttc	
372 Hacl1	V\$PPAR_RXR.01	3196	3218	1	0.77	gctctgtggagaacAGGTc acta	
372 2810422J05Rik	V\$PPAR_RXR.01	1738	1760	1	0.771	cctagcatgtgcaaAGGTc ccag	
373 Uqcrc1	V\$PPAR_RXR.01	2625	2647	1	0.771	ggtaataggatcatAGGTa agga	
374 Acp5	V\$PPAR_RXR.01	3520	3542	1	0.772	accaggctggtggcAGGTc agcg	
375 Acp5	V\$PPAR_RXR.01	4681	4703	1	0.772	accaggctggtggcAGGTc agcg	
376 Cyp4a14	V\$PPAR_RXR.02	3518	3540	1	0.772	caaagtgggctaAAAGttca gac	
377 Slc25a1	V\$PPAR_RXR.01	3731	3753	1	0.772	gttgccaggctagAGGTg cagc	
378 2810422J05Rik	V\$PPAR_RXR.02	4093	4115	1	0.773	tgtgctgggatcAAAGgtatg ta	
379 Acad8	V\$PPAR_RXR.01	456	478	1	0.773	attctggggccagAGGTgtt ct	
380 Cat	V\$PPAR_RXR.01	166	188	1	0.773	aggactggggttacAGGTgt gtg	Girnun, G. D., et al. (2002). <i>Molecular Endocrinology</i> <b>16</b> , 2793-2802
381 D10Jhu81e	V\$PPAR_RXR.01	518	540	1	0.773	gccttcaaggctgaAGGTct gcc	
382 Vdac2	V\$PPAR_RXR.01	3723	3745	1	0.773	ctaaattctgtaaAGGTga aga	
383 Acsm1	V\$PPAR_RXR.01	5058	5080	1	0.774	actgtgaaggacacAGGTa gact	
384 Actg1	V\$PPAR_RXR.01	2597	2619	1	0.774	ggtaccaagcacagAGGT gaccg	
385 Agxt	V\$PPAR_RXR.01	4638	4660	1	0.774	atgtgcaagggtgaAGGTta ccc	
386 Coq9	V\$PPAR_RXR.01	3614	3636	1	0.774	tgaagagtggaagcAGGTc atgc	
387 Ctsd	V\$PPAR_RXR.02	3368	3390	1	0.774	agctcaggatgAAAGctc aggt	
388 Fabp1	V\$PPAR_RXR.01	1162	1184	1	0.774	catcagacaggcatAGGTc acct	
389 Glrx5	V\$PPAR_RXR.02	2328	2350	1	0.774	agcgctgggatcAAAGgtgt gtg	
390 Ndufs2	V\$PPAR_RXR.02	2802	2824	1	0.774	aaatgaggagtcAAAGatta cta	
391 Sdhb	V\$PPAR_RXR.02	2970	2992	1	0.774	gccatagggttAAAGgtctt ca	
392 Adhfe1	V\$PPAR_RXR.01	2109	2131	1	0.775	atgctgtggggcagAGGTa gtgc	
393 Msra	V\$PPAR_RXR.01	1924	1946	1	0.775	cccagcactgccacAGGTc aggg	
394 Ndufs8	V\$PPAR_RXR.01	1221	1243	1	0.775	gatcctgggtcttAGGTcat ca	
395 Acox1	V\$PPAR_RXR.01	1998	2020	1	0.776	agtccacaggcctgAGGTc agtc	Varanasi, U. et al. (1996). <i>J Biol Chem</i> <b>271</b> , 2147-2158

396	Ndufs4	V\$PPAR_RXR.01	229	251	1	0.776	aaaagccctgccagAGGT catga
397	Slc25a10	V\$PPAR_RXR.01	3161	3183	1	0.776	tgtaatgtgtaaacAGGTcag ga
398	Tomm70a	V\$PPAR_RXR.01	1355	1377	1	0.776	tgtttgaagacatAGGTca agt
399	Acad8	V\$PPAR_RXR.01	678	700	1	0.777	tcacaatgggttccAGGTca tcc
400	Ctsa	V\$PPAR_RXR.01	669	691	1	0.777	gggtccgggtgtaaAGGTg actg
401	Ctsa	V\$PPAR_RXR.01	641	663	1	0.777	gggtccgggtgtaaAGGTg actg
402	Hspa9	V\$PPAR_RXR.01	4407	4429	1	0.777	gcgatggagaacaaAGGT ccccg
403	Pccb	V\$PPAR_RXR.01	3617	3639	1	0.777	gggtccttgctaagAGGTca gca
404	Pcx	V\$PPAR_RXR.01	680	702	1	0.777	tacagatggttagAGGTca tct
405	Shmt2	V\$PPAR_RXR.01	183	205	1	0.777	gtgtgggtgggaaAGGTa gagt
406	Mosc2	V\$PPAR_RXR.01	1441	1463	1	0.778	tgctcaaggcagaAGGTa agga
407	Ndufa6	V\$PPAR_RXR.01	3455	3477	1	0.778	agaggctagaaaaAGGT tactg
408	Tomm70a	V\$PPAR_RXR.01	2475	2497	1	0.778	tagttgtgaggaaAGGTga ggg
409	Acad8	V\$PPAR_RXR.01	1448	1470	1	0.779	agtttcaggcaagAGGTgt agg
410	Ctsd	V\$PPAR_RXR.01	3967	3989	1	0.78	gagagccttggcagAGGTc aagt
411	D10Jhu81e	V\$PPAR_RXR.01	2601	2623	1	0.78	ggacagaaggcgttAGGTc agca
412	Es31	V\$PPAR_RXR.01	631	653	1	0.78	tcaggaatgaaaaAGGTc atct
413	Es31	V\$PPAR_RXR.01	631	653	1	0.78	tcaggaatgaaaaAGGTc atct
414	Sdhd	V\$PPAR_RXR.01	3762	3784	1	0.78	ccctccttgccaaAGGTga gcg
415	Acot2	V\$PPAR_RXR.01	4038	4060	1	0.781	gagaattagctcagAGGTta aaa
416	Decr2	V\$PPAR_RXR.01	3170	3192	1	0.781	tgacagaggttagAGGTca tgg
417	Hspe1	V\$PPAR_RXR.01	807	829	1	0.781	cagatagcttaaAGGTta aga
418	Acot2	V\$PPAR_RXR.01	276	298	1	0.782	ttgtgaaggaggtAGGTca ctg
419	Acox1	V\$PPAR_RXR.01	4557	4579	1	0.782	aagcgagaggaacAGGT ccagt
420	Slc25a10	V\$PPAR_RXR.01	1026	1048	1	0.782	ctgttccggggagAGGTcc tgt
421	Vdac2	V\$PPAR_RXR.01	990	1012	1	0.782	aatgccagggttatAGGTgt gtt
422	Glyat	V\$PPAR_RXR.02	3180	3202	1	0.783	atgtagccagtcAAAGgac aggg

Varanasi, U. et al.  
(1996). *J Biol Chem*  
**271**, 2147-2159

423	Ephx2	V\$PPAR_RXR.01	1434	1456	1	0.784	gggtagcagacaaaAGGT aagag
424	Hspa9	V\$PPAR_RXR.01	1359	1381	1	0.784	attaacagtggaatAGGTca gta
425	Phyh	V\$PPAR_RXR.01	3700	3722	1	0.784	cccactgggaaatAGGTgt ggt
426	Slc25a10	V\$PPAR_RXR.01	133	155	1	0.784	agtgccttgaaaaAGGTca taa
427	Actg1	V\$PPAR_RXR.01	436	458	1	0.785	tctgactgggagccAGGTc aggg
428	Gldc	V\$PPAR_RXR.01	4907	4929	1	0.785	ttcccattggctaaAGGTtc ct
429	Aass	V\$PPAR_RXR.01	2138	2160	1	0.786	gtcacagggtgttAGGTca gag
430	Pcx	V\$PPAR_RXR.01	716	738	1	0.787	aggaagagggaaatAGGT ttgt
431	Vapa	V\$PPAR_RXR.01	382	404	1	0.788	gagaatctgtctaaAGGTga ata
432	Acox2	V\$PPAR_RXR.01	5100	5122	1	0.79	ctgtcccaggacagAGGTt cttg
433	Es31	V\$PPAR_RXR.01	2529	2551	1	0.79	ttggttgaggtaaAGGTatt tc
434	Es31	V\$PPAR_RXR.01	2529	2551	1	0.79	ttggttgaggtaaAGGTatt tc
435	Nipsnap3a	V\$PPAR_RXR.01	3123	3145	1	0.79	ttgattttgtccaaAGGTtaga c
436	Peci	V\$PPAR_RXR.01	4754	4776	1	0.79	ccaactccgtacaaAGGTg attg
437	Peci	V\$PPAR_RXR.01	4765	4787	1	0.79	ccaactccgtacaaAGGTg attg
438	Scp2	V\$PPAR_RXR.01	1148	1170	1	0.79	agcccatagtccatAGGTc attt
439	Acaa1b	V\$PPAR_RXR.01	3773	3795	1	0.791	tatgttagggcagAGGTtg ata
440	Ctsh	V\$PPAR_RXR.01	452	474	1	0.791	tatttagaggacctAGGTca gac
441	Aass	V\$PPAR_RXR.01	4859	4881	1	0.792	tgctgccagggtactAGGTca tgc
442	Fahd2a	V\$PPAR_RXR.01	4192	4214	1	0.792	aaggaaaggggaaaAGG Ttcagt
443	Gpt2	V\$PPAR_RXR.01	332	354	1	0.792	tctctgaagctcacAGGTca ctt
444	Ndufa8	V\$PPAR_RXR.01	751	773	1	0.792	tccttacaggagaaAGGTa gaca
445	Cox6b1	V\$PPAR_RXR.01	378	400	1	0.793	aggagctgaggcagAGGT catgg
446	Fahd2a	V\$PPAR_RXR.01	1464	1486	1	0.793	ggagcacagagcaaAGGT gagat
447	Ugt2b1	V\$PPAR_RXR.02	3584	3606	1	0.793	agctcccttgtcAAAGatcaa gt
448	Bdh1	V\$PPAR_RXR.01	4750	4772	1	0.794	tgaggggaggcaaaAGGT gcgag
449	Bdh1	V\$PPAR_RXR.01	4248	4270	1	0.794	tgaggggaggcaaaAGGT gcgag

450 Dhrs4	V\$PPAR_RXR.01	2560	2582	1	0.794	agtgctggggctaaAGGTgt gcg
451 Hspa5	V\$PPAR_RXR.01	74	96	1	0.794	agatcaggggtataAGGTc atcc
452 Hspa5	V\$PPAR_RXR.01	71	93	1	0.794	agatcaggggtataAGGTc atcc
453 Asah1	V\$PPAR_RXR.01	1502	1524	1	0.796	tagacttaggttacAGGTgt gta
454 Acaa1b	V\$PPAR_RXR.01	1003	1025	1	0.797	tcttactggggaacAGGTgc gtg
454 Pdia3	V\$PPAR_RXR.02	3276	3298	1	0.799	tgctatccgttcAAAGctcatt g
455 Chdh	V\$PPAR_RXR.01	4803	4825	1	0.801	ggagctggggccagAGGT ccagg
456 Ctsb	V\$PPAR_RXR.01	134	156	1	0.801	caaccctgtgaaaAGGTc atcc
457 Got2	V\$PPAR_RXR.01	3851	3873	1	0.801	actctctgggagaaAGGTg cct
458 Ctsa	V\$PPAR_RXR.01	3293	3315	1	0.802	gttataatggcaacAGGTct gat
459 Ctsa	V\$PPAR_RXR.01	3265	3287	1	0.802	gttataatggcaacAGGTct gat
460 Gldc	V\$PPAR_RXR.01	3967	3989	1	0.802	aaggatgtgtataaAGGTc agat
461 Hspd1	V\$PPAR_RXR.01	3415	3437	1	0.802	tgaagaaaggcaaaAGGT atttg
462 Ephx2	V\$PPAR_RXR.01	2976	2998	1	0.803	gctgactggggcagAGGTa gcag
463 Bckdha	V\$PPAR_RXR.01	592	614	1	0.805	tccagccaggacagAGGT atcac
464 Hrsp12	V\$PPAR_RXR.02	3084	3106	1	0.805	tgctttatagtcAAAGttcatgt
465 Decr2	V\$PPAR_RXR.02	3361	3383	1	0.806	tggggcattgtcAAAGgtga ctt
466 Got2	V\$PPAR_RXR.01	2197	2219	1	0.807	tttccccggggataAGGTca tat
467 Hspa9	V\$PPAR_RXR.01	4621	4643	1	0.807	tccgctccggacagAGGTc gtga
468 Ctsb	V\$PPAR_RXR.01	3039	3061	1	0.809	agatggaagcagaaAGGT caaag
469 D10Jhu81e	V\$PPAR_RXR.01	4857	4879	1	0.809	tcctccagggaAAAAGGTg ctgg
470 Tomm70a	V\$PPAR_RXR.01	715	737	1	0.809	agcagccagagtaaAGGT gaagg
471 Bckdha	V\$PPAR_RXR.01	1498	1520	1	0.81	tataagtcggtcagAGGTg ggg
472 Aldh3a2	V\$PPAR_RXR.02	386	408	1	0.812	ggaaagatgttcAAAGgtta gga
473 Fh1	V\$PPAR_RXR.01	3719	3741	1	0.812	gagtagttggtgaaAGGTa gaac
474 Ndufb8	V\$PPAR_RXR.01	2336	2358	1	0.812	tggcaaaaggcacaAGGT cacat
475 Phyh	V\$PPAR_RXR.01	1280	1302	1	0.812	gaaggagaggaatAGGT aacta

476 Ctsz	V\$PPAR_RXR.01	1653	1675	1	0.813	gggcacatgggtaaAGGTt gcta
477 Opa1	V\$PPAR_RXR.01	1032	1054	1	0.813	acaaataggctcagAGGTc aacc
478 Ech1	V\$PPAR_RXR.01	4361	4383	1	0.815	tctcaggaggcaaaAGGTg gagg
479 Ndufa8	V\$PPAR_RXR.01	268	290	1	0.816	atgtgactggcccaAGGTc acac
480 Hibch	V\$PPAR_RXR.01	4773	4795	1	0.817	gccaggccgggtaaAGGT ggggc
481 Lamp2	V\$PPAR_RXR.01	493	515	1	0.817	agtataggggtaaAGGTgt gca
482 Phyh	V\$PPAR_RXR.01	1886	1908	1	0.817	ggatgaggggtgagAGGT gacag
483 Acaa1b	V\$PPAR_RXR.01	18	40	1	0.818	cgagttgaggcagAGGTc caca
484 Ehhadh	V\$PPAR_RXR.02	2161	2183	1	0.818	gttcagtaggtcAAAGgaga gaa
485 Mpst	V\$PPAR_RXR.01	824	846	1	0.818	aataacaaggtcacAGGTa ccca
486 Pcx	V\$PPAR_RXR.01	3364	3386	1	0.818	gtgtataagggcagAGGTg tgtc
487 Acaa1b	V\$PPAR_RXR.02	4345	4367	1	0.819	cagaagcagttcAAAGgtct ctg
488 D10Jhu81e	V\$PPAR_RXR.02	4292	4314	1	0.819	gtgaaggctgtcAAAGgtga cct
489 Ehhadh	V\$PPAR_RXR.02	4069	4091	1	0.819	ggaacaaagttcAAAGggc agtt
490 Hsd17b4	V\$PPAR_RXR.01	3612	3634	1	0.819	ggactcaaggtgaaAGGTg ggca
491 Slc25a10	V\$PPAR_RXR.01	4616	4638	1	0.819	gggataggggacagAGGT ccact
492 Uqcrb	V\$PPAR_RXR.01	4698	4720	1	0.819	ggagtcttgagacAGGTa atgt
493 Uqcrc1	V\$PPAR_RXR.02	2415	2437	1	0.821	ccacatgtgtcAAAGttcaa ag
494 Gcdh	V\$PPAR_RXR.02	3480	3502	1	0.824	gttaggaggacAAAGgac aact
495 Gcdh	V\$PPAR_RXR.02	3480	3502	1	0.824	gttaggaggacAAAGgac aact
496 Sdhb	V\$PPAR_RXR.01	4131	4153	1	0.824	aaatctgaggacacAGGTc ggtt
497 Ndufb8	V\$PPAR_RXR.01	2055	2077	1	0.825	ggtagggtgggaatAGGTt aatc
498 Timm13	V\$PPAR_RXR.01	1697	1719	1	0.825	ttcctggtggccagAGGTta aaa
499 2010309E21Rik	V\$PPAR_RXR.01	178	200	1	0.826	tcccacggggccaaAGGT agcag
500 Bdh1	V\$PPAR_RXR.01	5079	5101	1	0.826	agggaactggcccaAGGT cactt
501 Ctsa	V\$PPAR_RXR.01	3964	3986	1	0.826	ctgaatgtggtaaAGGTgg cgg
502 Ctsa	V\$PPAR_RXR.01	3936	3958	1	0.826	ctgaatgtggtaaAGGTgg cgg



503	Timm13	V\$PPAR_RXR.01	3734	3756	1	0.826	ggtggggaggtgacAGGT gaaac	
504	Fahd2a	V\$PPAR_RXR.02	4770	4792	1	0.827	aattagaagctcAAAGgtcg gat	
505	Hspe1	V\$PPAR_RXR.01	3420	3442	1	0.827	tacaatggggccaaAGGTa ccag	
506	Ndufa4	V\$PPAR_RXR.01	1877	1899	1	0.827	gcatcactggtcaaAGGTgt aat	
507	Cyp1a2	V\$PPAR_RXR.02	2422	2444	1	0.829	cacatggagatcAAAGgac aact	
508	Abcd3	V\$PPAR_RXR.01	796	818	1	0.83	aatatctaggcaaaAGGTa gtga	
509	Gstk1	V\$PPAR_RXR.01	847	869	1	0.83	gagttaaaggccagAGGTc gtca	
510	Actg1	V\$PPAR_RXR.01	1078	1100	1	0.832	gagtgtgggataaAGGTg tgtg	
511	Cox4i1	V\$PPAR_RXR.01	595	617	1	0.833	cctgtggaggccaaAGGTg tcag	
512	Cat	V\$PPAR_RXR.02	4260	4282	1	0.835	ggatcagaagtcAAAGatc attt	Girnun, G. D., et al. (2002). <i>Molecular Endocrinology</i> <b>16</b> , 2793-2803
513	Cyp2a22	V\$PPAR_RXR.01	1632	1654	1	0.835	agcagcaagggataAGGT caagt	
514	Hsd17b10	V\$PPAR_RXR.01	2317	2339	1	0.836	atgttctgggtaaAGGTgg tgc	
515	Prdx3	V\$PPAR_RXR.02	4755	4777	1	0.836	attcaggaggtcAAAGgga aatt	
516	Atp5j2	V\$PPAR_RXR.02	2973	2995	1	0.838	agtgtggggtcAAAGgcct gtg	
517	Hspa5	V\$PPAR_RXR.01	4275	4297	1	0.838	cggagaaaggaatAGGT tacao	
518	Hspa5	V\$PPAR_RXR.01	4272	4294	1	0.838	cggagaaaggaatAGGT tacao	
519	Actg1	V\$PPAR_RXR.02	1810	1832	1	0.84	tctgtgagttcAAAGctcacc t	
520	Cycs	V\$PPAR_RXR.01	4496	4518	1	0.84	gtttaacagagtaaAGGTca cca	
521	Hrsp12	V\$PPAR_RXR.01	2970	2992	1	0.842	tgacagaggtcacAGGTc tgac	
522	Scp2	V\$PPAR_RXR.01	312	334	1	0.843	ggctcagtgataaAGGTa aatg	
523	Hacl1	V\$PPAR_RXR.02	958	980	1	0.845	aagaaggagctcAAAGggt atga	
524	Slc25a15	V\$PPAR_RXR.01	2065	2087	1	0.845	acaaatttggtacAGGTaa cgt	
525	Acox2	V\$PPAR_RXR.01	4481	4503	1	0.846	ttgaactaggtctcAGGTca caa	
526	Ech1	V\$PPAR_RXR.01	4787	4809	1	0.849	tcccactggggccaaAGGTtt aag	
527	Acox1	V\$PPAR_RXR.01	1084	1106	1	0.853	agaaactgggtgaaAGGT ggatt	Varanasi, U. et al. (1996). <i>J Biol Chem</i> <b>271</b> , 2147-2160
528	Ndufa7	V\$PPAR_RXR.01	375	397	1	0.854	ctgctactggatacAGGTca gag	

529 Nipsnap1	V\$PPAR_RXR.01	4783	4805	1	0.854	gtacagaggggaaaAGGT cgttg
530 Adhfe1	V\$PPAR_RXR.01	4711	4733	1	0.855	gggaattgggctagAGGTt actt
531 Hspa9	V\$PPAR_RXR.02	3716	3738	1	0.855	aatgatggggtcAAAGatga ccg
532 Agxt	V\$PPAR_RXR.01	3222	3244	1	0.857	tgaaagttgggcaaAGGTt ggg
533 Scp2	V\$PPAR_RXR.01	47	69	1	0.857	aactatgggggaaAGGTc tcct
534 Ndufa4	V\$PPAR_RXR.01	2198	2220	1	0.858	accctgagggagagAGGT catct
535 Hspd1	V\$PPAR_RXR.01	2568	2590	1	0.86	tattaaacggagaaAGGTa atgc
535 Ctsd	V\$PPAR_RXR.01	4757	4779	1	0.861	gaatgactggatacAGGTc acgt
536 Cyp2e1	V\$PPAR_RXR.01	3520	3542	1	0.861	caataggaggaaaaAGGT cccga
537 Bdh1	V\$PPAR_RXR.01	2435	2457	1	0.862	ggaggacaggccaaAGGT cgggg
538 Chdh	V\$PPAR_RXR.01	4651	4673	1	0.863	tttcaggggaaaAGGTg aaga
539 Ndufs8	V\$PPAR_RXR.01	4313	4335	1	0.863	ttgtagctgggaaAGGTctt gg
540 Chdh	V\$PPAR_RXR.01	4026	4048	1	0.865	agtacggtggaacAGGTc actg
541 Cysc	V\$PPAR_RXR.01	4570	4592	1	0.866	ccaagcctgggtaaAGGTc gcca
542 Hspa5	V\$PPAR_RXR.01	4704	4726	1	0.868	ggtctcggggtgagAGGTc acc
543 Hspa5	V\$PPAR_RXR.01	4701	4723	1	0.868	ggtctcggggtgagAGGTc acc
544 Vdac2	V\$PPAR_RXR.01	4129	4151	1	0.87	cagagtgaggcaaaAGGTt aata
545 Mut	V\$PPAR_RXR.01	2998	3020	1	0.874	tcagaaatggtaaaAGGTg agca
546 Aass	V\$PPAR_RXR.01	826	848	1	0.875	gtgtaccaggatacAGGTg aatc
547 Gstk1	V\$PPAR_RXR.01	1497	1519	1	0.875	gtgtaccaggatacAGGTg aatc
548 Kmo	V\$PPAR_RXR.02	4902	4924	1	0.877	caagtttggtcAAAGctca ctt
549 Vdac2	V\$PPAR_RXR.01	5103	5125	1	0.878	aagtcgcggggaaaAGGT gatct
550 Ndufs2	V\$PPAR_RXR.01	379	401	1	0.879	ggagagagggggagAGG Tcattc
551 Acp5	V\$PPAR_RXR.01	8	30	1	0.888	ggccctgaggtcagAGGTc agca
552 Acp5	V\$PPAR_RXR.01	1169	1191	1	0.888	ggccctgaggtcagAGGTc agca
553 Pcx	V\$PPAR_RXR.01	1758	1780	1	0.888	atgaggcagggcaaAGGT cctaa
554 Grpel1	V\$PPAR_RXR.01	4770	4792	1	0.89	ggtgaggaggtgaaAGGT gaggt

555 Aldh7a1	V\$PPAR_RXR.01	2030	2052	1	0.895	ccttcagaggtcagAGGTc agat	
556 Acaa1b	V\$PPAR_RXR.01	3971	3993	1	0.898	aagtgggaggccagAGGT cagat	
557 Coq9	V\$PPAR_RXR.01	575	597	1	0.902	gggtgactggtgaaAGGTc atgg	
558 Chdh	V\$PPAR_RXR.01	4300	4322	1	0.907	atgcatgaggtcagAGGTc aata	
559 Msra	V\$PPAR_RXR.02	2613	2635	1	0.907	cacatggaggtcAAAGggc aact	
560 Acox1	V\$PPAR_RXR.01	4700	4722	1	0.909	gggtaacaggacaaAGGTt acgt	Varanasi, U. et al. (1996). <i>J Biol Chem</i> <b>271</b> , 2147-2161
561 Hspd1	V\$PPAR_RXR.01	4737	4759	1	0.912	gtcccgtgggtgaaAGGTc aagt	
562 Hspe1	V\$PPAR_RXR.01	4748	4770	1	0.912	gtcccgtgggtgaaAGGTc aagt	
563 Uox	V\$PPAR_RXR.01	2831	2853	1	0.912	acaatggggggcatAGGTc atga	
564 Tomm70a	V\$PPAR_RXR.01	4930	4952	1	0.914	cagaaaaggccagAGGT caccg	
565 Mccc2	V\$PPAR_RXR.02	3452	3474	1	0.916	gtaggagggtcAAAGgta aaca	
566 Bdh1	V\$PPAR_RXR.01	1146	1168	1	0.922	cacttgtaggtcagAGGTca act	
567 Bdh1	V\$PPAR_RXR.01	644	666	1	0.922	cacttgtaggtcagAGGTca act	
568 Glcd	V\$PPAR_RXR.01	89	111	1	0.923	ggaaaccaggtagAGGT catag	
569 Acox1	V\$PPAR_RXR.02	658	680	1	0.924	aaatctgggtcAAAGgtcc aca	Varanasi, U. et al. (1996). <i>J Biol Chem</i> <b>271</b> , 2147-2162
570 Phyh	V\$PPAR_RXR.02	2324	2346	1	0.929	agtgctgggtcAAAGgtga aga	
571 Hacl1	V\$PPAR_RXR.01	614	636	1	0.944	acaaaacaggggaaAGGT cagag	
572 Acox1	V\$PPAR_RXR.01	5049	5071	1	0.946	gaaagcaaggtaaaAGGT caagg	Varanasi, U. et al. (1996). <i>J Biol Chem</i> <b>271</b> , 2147-2163
573 Fh1	V\$PPAR_RXR.01	1202	1224	1	0.985	ttaaagtaggacaaAGGTc acat	
574 Kmo	V\$PPAR_RXR.01	2173	2195	1	0.985	ttaaagtaggacaaAGGTc acat	