

Table S1. SNPs in homozygous regions associated with AD in Wadi Ara at  $P \leq 0.05$ 

Chr	BP	SNP	MAF case	MAF control	OR	P	Gene	SNP Type
6	32259972	rs1800684	0.09	0.03	4.36	0.002	AGER	synon
6	32255739	rs3134943	0.10	0.04	3.61	0.002	RNF5	intron
9	71799485	rs1027284	0.17	0.10	0.41	0.002	NA	NA
9	71806161	rs4418399	0.17	0.10	2.42	0.002	NA	NA
9	71801754	rs4744583	0.17	0.10	0.41	0.002	NA	NA
9	71808349	rs7035415	0.17	0.10	2.42	0.002	NA	NA
9	71804632	rs870011	0.17	0.10	2.42	0.002	NA	NA
9	71805689	rs953372	0.17	0.10	2.42	0.002	NA	NA
9	71801500	rs10868358	0.17	0.10	2.42	0.002	NA	NA
9	71808783	rs7863229	0.17	0.10	2.42	0.002	NA	NA
9	71797023	rs4574911	0.17	0.10	2.42	0.002	NA	NA
9	72292644	rs3923699	0.44	0.33	0.56	0.002	NA	NA
9	72289023	rs7875663	0.44	0.33	1.77	0.002	NA	NA
6	32246523	rs3130283	0.11	0.06	3.13	0.002	AGPAT1	intron
9	71806885	rs4403478	0.17	0.11	0.43	0.002	NA	NA
9	71703997	rs10868248	0.12	0.07	2.49	0.002	C9orf135	intron
9	71764547	rs7863165	0.18	0.11	0.48	0.01	NA	NA
9	72292598	rs3923700	0.48	0.38	1.61	0.02	NA	NA
9	71856948	rs12352964	0.09	0.14	0.41	0.02	MAMDC2	intron
6	32127747	rs12333245	0.19	0.28	0.56	0.02	TNXB	intron
6	32298006	rs3132946*	0.06	0.02	4.02	0.02	NOTCH4	intron
9	71949873	rs4744983	0.11	0.17	1.94	0.02	MAMDC2	intron
9	71954693	rs10868610	0.11	0.17	0.52	0.02	MAMDC2	intron
9	71992354	rs11794396	0.11	0.17	1.92	0.02	MAMDC2	intron
9	71992659	rs11142019	0.11	0.17	0.52	0.02	MAMDC2	intron

9	72057147	rs1180085	0.11	0.17	0.52	0.02	NA	NA
9	72001259	rs2148856	0.11	0.17	1.92	0.02	MAMDC2	intron
9	71900928	rs12341763	0.11	0.17	1.92	0.02	MAMDC2	intron
6	32280043	rs1044506*	0.08	0.04	0.27	0.02	NOTCH4	synon
9	72020229	rs11142141	0.11	0.17	1.91	0.02	MAMDC2	intron
9	72293046	rs7018675	0.48	0.38	0.64	0.02	NA	NA
9	72292961	rs3901151	0.48	0.38	0.64	0.02	NA	NA
9	72294703	rs4472581	0.48	0.38	0.64	0.02	NA	NA
9	72295317	rs6560139	0.48	0.38	0.64	0.02	NA	NA
9	72296173	rs7856642	0.49	0.38	0.64	0.02	NA	NA
9	72034009	rs7873075	0.11	0.17	0.52	0.02	NA	NA
9	71843256	rs7859880	0.20	0.27	1.82	0.02	NA	NA
9	72289908	rs6560138	0.48	0.38	0.64	0.02	NA	NA
9	72289274	rs7849735	0.52	0.62	0.64	0.02	NA	NA
6	32022914	rs1048709	0.07	0.03	3.11	0.02	CFB	reference
9	71750691	rs11140986	0.04	0.01	5.02	0.02	NA	NA
6	32024379	rs537160	0.12	0.06	2.37	0.02	CFB	intron
9	72075087	rs1180109	0.10	0.17	0.54	0.02	SMC5	intron
6	32253685	rs2269423	0.31	0.23	1.63	0.03	AGPAT1	intron
9	72100553	rs11142355	0.11	0.17	0.54	0.03	SMC5	intron
9	72095224	rs1180131	0.89	0.83	1.86	0.03	SMC5	intron
6	32244525	rs1061808	0.67	0.74	0.60	0.03	AGPAT1	UTR-3
6	32244525	rs1061808	0.67	0.74	0.60	0.03	EGFL8	nearGene-3
6	32137161	rs2269429	0.18	0.26	0.58	0.03	TNXB	missense
9	72092323	rs10868798	0.11	0.17	0.54	0.03	SMC5	intron
9	72300708	rs9969768	0.50	0.39	1.54	0.03	NA	NA
9	71859460	rs3015237	0.13	0.20	0.57	0.03	MAMDC2	intron
9	72300995	rs7847938	0.50	0.61	0.65	0.03	NA	NA

9	71861470	rs4744970	0.13	0.20	0.57	0.03	MAMDC2	intron
9	71861846	rs4744972	0.13	0.20	0.57	0.03	MAMDC2	intron
9	72304099	rs7871523	0.50	0.39	1.53	0.03	NA	NA
9	72298171	rs11792173	0.51	0.62	0.65	0.03	NA	NA
9	72309535	rs10868843	0.50	0.61	0.65	0.03	NA	NA
9	72309852	rs7032346	0.50	0.61	0.65	0.03	NA	NA
9	71766818	rs7037671	0.06	0.04	3.32	0.03	NA	NA
9	71862722	rs3015239	0.11	0.16	0.51	0.03	MAMDC2	intron
9	71765581	rs10735572	0.06	0.0	0.30	0.03	NA	NA
6	32030233	rs630379	0.09	0.04	2.63	0.03	RDBP	intron
9	72337348	rs4744600	0.30	0.22	1.62	0.03	NA	NA
9	72311118	rs7037072	0.50	0.39	0.65	0.03	NA	NA
6	32235455	rs3134950	0.34	0.26	0.61	0.03	PPT2	intron
9	72496209	rs12378618	0.22	0.15	1.76	0.03	TRPM3	intron
6	32140399	rs9469079	0.18	0.25	1.72	0.03	TNXB	intron
9	71875979	rs7035878	0.13	0.20	0.57	0.03	MAMDC2	intron
6	32299559	rs396960	0.28	0.36	0.61	0.03	NOTCH4	intron
9	72087254	rs1180116	0.10	0.17	0.53	0.03	SMC5	missense
9	72478076	rs1011308	0.26	0.18	1.65	0.03	TRPM3	intron
9	72477527	rs4540466	0.25	0.18	1.66	0.03	TRPM3	intron
6	32143405	rs9469080	0.19	0.26	0.60	0.03	TNXB	intron
6	32288124	rs3131294*	0.10	0.05	2.82	0.03	NOTCH4	intron
6	32134085	rs1009382	0.25	0.18	1.77	0.03	TNXB	missense
6	32144335	rs3749962	0.19	0.26	0.60	0.03	TNXB	synon
9	72474803	rs11142539	0.26	0.18	1.65	0.03	TRPM3	intron
9	72475275	rs4131069	0.26	0.18	0.61	0.03	TRPM3	intron
9	72471178	rs7027906	0.26	0.18	1.65	0.03	TRPM3	intron
9	72423141	rs11142509	0.20	0.14	1.83	0.04	TRPM3	intron

6	32148909	rs9469082	0.19	0.26	1.67	0.04	TNXB	intron
6	31972283	rs659445	0.15	0.07	2.01	0.04	EHMT2	intron
9	72485540	rs7874138	0.74	0.82	0.61	0.04	TRPM3	intron
9	71850379	rs755778	0.19	0.26	0.59	0.04	MAMDC2	intron
9	71852509	rs2997657	0.19	0.26	1.70	0.04	MAMDC2	intron
9	72147361	rs12346675	0.11	0.17	1.78	0.04	SMC5	intron
9	72122702	rs7849942	0.11	0.16	0.55	0.04	SMC5	intron
6	32155414	rs204877	0.19	0.26	1.65	0.04	TNXB	intron
9	72383191	rs10868854	0.41	0.33	1.49	0.04	TRPM3	intron
9	72410553	rs7865398	0.20	0.14	1.80	0.04	TRPM3	intron
9	71780270	rs10511977	0.05	0.01	3.80	0.04	NA	NA
9	72383357	rs10780951	0.42	0.33	0.67	0.04	TRPM3	intron
9	72497811	rs12344255	0.24	0.17	0.60	0.04	TRPM3	intron
6	32150300	rs3130286*	0.17	0.12	0.53	0.04	TNXB	intron
15	88349309	rs1256841	0.05	0.08	0.45	0.04	ZNF710	intron
9	71927401	rs12349576	0.15	0.21	1.65	0.05	MAMDC2	intron
9	71925881	rs7853094	0.15	0.21	1.65	0.05	MAMDC2	intron
9	71922475	rs4744979	0.15	0.21	0.60	0.05	MAMDC2	intron
9	71918553	rs1927107	0.15	0.21	1.65	0.05	MAMDC2	intron
9	71917562	rs6559970	0.15	0.21	0.61	0.05	MAMDC2	intron
9	72424704	rs3829095	0.24	0.17	1.68	0.05	TRPM3	intron
8	49526732	rs13271711*	0.04	0.07	4.16	0.05	NA	NA
9	71903716	rs4237239	0.14	0.21	0.61	0.05	MAMDC2	intron
9	71885934	rs11141566	0.14	0.20	0.61	0.05	MAMDC2	intron
9	72162634	rs7847861	0.11	0.16	1.72	0.05	NA	NA

\* SNPs were nominally associated with AD in the meta-analysis, OR = odds ratio