

N MADS I K C

Consensus

Sequence Logo

Identity

	240	250	260	270	280	291
HPPTANPAHLHS	H P - - N	P T A N P A H L H S	H H R H H P S	F H D Q V Q H Q Q	A G G G	G X G S H D L R L A S D L T T Y A L L E
Sequence Logo	HP N LH				G G G G G H G H G G G G	G G G G G H G H G G G G
Identity						
AcAP3	H H - - -	H H - - L H S -	- - - - -	- - - - -	A D L T T Y P L L E	
GarAP3_1	H P - - -	N L H S -	- - - - -	- - - - -	S D L T T Y P L L E	
GarAP3_2	H P - - -	N L H S -	- - - - -	- - - - -	S D L T T Y P L L E	
GarAP3_3	H P - - -	N L H S -	- - - - -	- - - - -	S D L T T Y P L L E	
ClutiaAP3	Q P - - -	N L H S -	- - - - -	- - - - -	S D L T T Y P L L E	
AP3	H P - - -	N L H A -	- - - - -	- - - - -	S D I I T F H L L E	
DEFA	H P - - -	T L H S -	- - - - -	- - - - -	S D L T T F A L L E	
TAP3	N H - - -	N L H S -	- - - - -	- - - - -	S D I T T F A L L G	
VvAP3	P P - - -	N L H S -	- - - - -	- - - - -	S D L T T F T L L E	
SvAP3	H P - - -	N L H S -	- - - - -	- - - - -	S D L T T F A L L E	
GP	H P - - -	N L H S -	- - - - -	- - - - -	S D L T T F A L L E	
CosAP3	Q P - - -	N L R S -	- - - - -	- - - - -	S D L T T Y T L L E	
HAM2	H P - - -	N L H G -	- - - - -	- - - - -	S D L T T Y G L A W	
HAM63	H P - - -	N L H -	- - - - -	- - - - -	A A A - - -	
BpMADS8	F P - - -	N - - - S	- - - - -	- - - - -	S D L T T Y A L L G	
SxAP3	Q L - - -	N L H S -	- - - - -	- - - - -	G D L T Q I L R I E	
SLM3	Q P - - -	N L H A -	- - - - -	- - - - -	S D L T T F A L L E	
PeraTM6_1	P P - - -	V A A H L H H -	- - - - -	- - - - -	S C V T T Y A L L	
PeraTM6_2	P P - - -	T P A H L H L -	- - - - -	- - - - -	e u A P 3 m o t i f	
PeraTM6_3	P P - - -	T P A H L H L -	- - - - -	- - - - -		
CluTM6_1	S S - - -	S - - - Y N -	- - - - -	- - - - -		
CluTM6_2	S S - - -	S - - - Y N -	- - - - -	- - - - -		
SapTM6	H H - - -	H H D - - H H P S F H D Q V Q H Q Q - - -	- - - - -	- - - - -		
RfcTM6	H H - - -	H H H H H R H H P S F H D Q V Q H Q Q A A A C	A A A C	G F G S H Q F R L V		
RhTM6	H H - - -	H H	- - - - -	- - - - -	G F G S H E L R L G	
JatTM6_2	H H P T A N -	F H H -	- - - - -	- - - - -	E G G F E P R E L R L A	
JatTM6_1	H H P T A N -	I H H -	- - - - -	- - - - -	G G G F R P H K L R L A	
BrTM6_2	H P - - -	N L H Y -	- - - - -	- - - - -	L P G V E P P Q F R L V	
TM6	H P - - -	N L Q N -	- - - - -	- - - - -	E G G F G S R D L R L S	
AqaAP3.1	Q P - - -	N L H G -	- - - - -	- - - - -	D G C G C F E D L R L G	
AqaAP3.2	Q S - - -	D L Q D -	- - - - -	- - - - -	E E A Y G S Y G L S L A	
AqaAP3.3	Q H - - -	I Q N -	- - - - -	- - - - -	G E G Y G S H N L R L A	
PTD	H P - - -	N L H L -	- - - - -	- - - - -	G D G F G A H E L R L P	
PtAP3.1	Q P - - -	N L H I -	- - - - -	- - - - -	N G C Y G F H N L H L A	
PtAP3.2	Q P - - -	N L H I -	- - - - -	- - - - -	N G C Y G F H N L H L A	
VvTM6	H P - - -	N L H H -	- - - - -	- - - - -	D G C Y G G S H D L R L A	
MdMADS13	- R - - -	N L H H -	- - - - -	- - - - -	G - G L G L H D L R L A	
MdAp3.1	Q P - - -	N L Q D -	- - - - -	- - - - -	S G A Y G L Q D L R L A	
MdAp3.3	Q P - - -	N L Q D -	- - - - -	- - - - -	G V - Y G L Q D L R L A	
MdAp3.2	Q P - - -	N L Q D -	- - - - -	- - - - -	G G A Y G M R D L R L A	
EcDEF1	Q P - - -	N L H D -	- - - - -	- - - - -	G A Y N S H D L R L A	
PeamAP3	Q P - - -	N L Q E -	- - - - -	- - - - -	T S - Y G S H D L R L A	
MpMADS7	- - - - -	H D -	- - - - -	- - - - -	T G - F G I H D L R L A	
OsmMADS16	Q P - - -	N L H G -	- - - - -	- - - - -	M A - Y G N H D L R L G	
AmAP3	E G - - -	N I H D -	- - - - -	- - - - -	R G - Y G L N D L R L G	

paleoAP3 motif