

Symbol	Ensembl gene Id.	NCBI Id.	Position
<i>ABCA12</i>	ENSG00000144452	26154	2q34
<i>ABL1</i>	ENSG00000097007	25	9q34.1
<i>ACTR5</i>	ENSG00000101442	79913	20q11.23
<i>ARHGAP26</i>	ENSG00000145819	23092	5q31
<i>ASXL1</i>	ENSG00000171456	171023	20q11.1
<i>ATRX</i>	ENSG00000085224	546	Xq21.1
<i>ATXN7L1</i>	ENSG00000146776	222255	7q22.3
<i>BCOR</i>	ENSG00000183337	54880	Xp11.14
<i>BRAF</i>	ENSG00000157764	673	7q34
<i>CBL</i>	ENSG00000110395	867	11q23.3
<i>CBLB</i>	ENSG00000114423	868	3q13.11
<i>CBLC</i>	ENSG00000142273	23624	19q13.2
<i>CD101</i>	ENSG00000134256	9398	1p13
<i>CDH1</i>	ENSG00000039068	999	16q22.1
<i>CDKN1B</i>	ENSG00000111276	1027	12p13.1
<i>CDKN2A</i>	ENSG00000147889	1029	9p21
<i>CDKN2B</i>	ENSG00000147883	1030	9p21.3
<i>CEBPA</i>	ENSG00000245848	1050	19q13.1
<i>CHGA</i>	ENSG00000100604	1113	14q32
<i>CREBBP</i>	ENSG00000005339	1387	16p13.3
<i>CSF1R</i>	ENSG00000182578	1436	5q32
<i>CSF2</i>	ENSG00000164400	1437	5q31.1
<i>CTNNA1</i>	ENSG00000044115	1495	5q31
<i>CUX1</i>	ENSG00000160967	1523	7q22.1
<i>DDX18</i>	ENSG00000088205	8886	2q14.1
<i>DNMT1</i>	ENSG00000130816	1786	19p13.2
<i>DNMT3A</i>	ENSG00000119772	1788	2p23
<i>EGFR</i>	ENSG00000146648	1956	7p12
<i>ELF1</i>	ENSG00000120690	1997	13q14.11
<i>EP300</i>	ENSG00000100393	2033	22q13
<i>ERG</i>	ENSG00000157554	2078	21q22.2
<i>ETV6</i>	ENSG00000139083	2120	12p13.2
<i>MECOM</i>	ENSG00000085276	2122	3q26
<i>EZH2</i>	ENSG00000106462	2146	7q35--36
<i>FAM175B</i>	ENSG00000165660	23172	10q26.13
<i>FBXW7</i>	ENSG00000109670	55294	4q31.3
<i>FLT3</i>	ENSG00000122025	2322	13q12
<i>GATA1</i>	ENSG00000102145	2623	Xp11.23
<i>GATA2</i>	ENSG00000179348	2624	3q21.3
<i>GNAS</i>	ENSG00000087460	2778	20q13.3
<i>HIPK2</i>	ENSG00000064393	28996	7q34
<i>HRAS</i>	ENSG00000174775	3265	11p15.5
<i>HMGA2</i>	ENSG00000149948	8091	12q15
<i>IDH1</i>	ENSG00000138413	3417	2q33.3

<i>IDH2</i>	ENSG00000182054	3418	15q26.1
<i>IKZF1</i>	ENSG00000185811	10320	7p13
<i>INVS</i>	ENSG00000119509	27130	9q31
<i>IRF1</i>	ENSG00000125347	3659	5q31.1
<i>JAK2</i>	ENSG00000096968	3717	9p24
<i>JAK3</i>	ENSG00000105639	3718	19p13.1
<i>KDM2B</i>	ENSG00000089094	84678	12q24.31
<i>KDM5A</i>	ENSG00000073614	5927	12p13.33
<i>KDM6A</i>	ENSG00000147050	7403	Xp11.2
<i>KIT</i>	ENSG00000157404	3815	4q12
<i>KRAS</i>	ENSG00000133703	3845	12p12.1
<i>LCORL</i>	ENSG00000178177	254251	4p15.31
<i>LILRA3</i>	ENSG00000170866	11026	19q13.4
<i>MAP2K5</i>	ENSG00000137764	5607	15q23
<i>MECOM</i>	ENSG00000085276	2122	3q26
<i>MET</i>	ENSG00000105976	4233	7q31
<i>MLL</i>	ENSG00000118058	4297	11q23
<i>MLL2</i>	ENSG00000167548	8085	12q12
<i>MLL3</i>	ENSG00000055609	58508	7q36.1
<i>MLL5</i>	ENSG00000005483	55904	7q22.3
<i>MMD2</i>	ENSG00000136297	221938	7p22.1
<i>MN1</i>	ENSG00000169184	4330	22q12.1
<i>MPL</i>	ENSG00000117400	4352	1p34.2
<i>MTAP</i>	ENSG00000099810	4507	9p21.3
<i>MYC</i>	ENSG00000136997	4609	8q24.21
<i>NF1</i>	ENSG00000196712	4763	17q11.2
<i>NLRP1</i>	ENSG00000091592	22861	17p13.2
<i>NOTCH1</i>	ENSG00000148400	4851	9q34.3
<i>NPM1</i>	ENSG00000181163	4869	5q35
<i>NR5A1</i>	ENSG00000136931	2516	9q33
<i>NRAS</i>	ENSG00000213281	4893	1p13.2
<i>NRD1</i>	ENSG00000078618	4898	1p32.2-p32.1
<i>NSD1</i>	ENSG00000165671	64324	5q35.2
<i>NUP98</i>	ENSG00000110713	4928	11p15.4
<i>OCA2</i>	ENSG00000104044	4948	15q12-q13.1
<i>PDGFRA</i>	ENSG00000134853	5156	4q12
<i>PHF12</i>	ENSG00000109118	57649	17q11.2
<i>PHF6</i>	ENSG00000156531	84295	Xq26.2
<i>PKP3</i>	ENSG00000184363	11187	11p15
<i>PRDX2</i>	ENSG00000167815	7001	19p13.2
<i>PRPF40B</i>	ENSG00000110844	25766	12q13.12
<i>PTEN</i>	ENSG00000171862	5728	10q23.3
<i>PTPN11</i>	ENSG00000179295	5781	12q24.1
<i>RAD21</i>	ENSG00000164754	5885	8q24.11
<i>RAD50</i>	ENSG00000113522	10111	5q31.1

<i>RB1</i>	ENSG00000139687	5925	13q14
<i>RINT1</i>	ENSG00000135249	60561	7q22.3
<i>RORC</i>	ENSG00000143365	6097	1q21
<i>RUNX1</i>	ENSG00000159216	861	21q22.3
<i>RUNX1T1</i>	ENSG00000079102	862	8q22
<i>SF1</i>	ENSG00000168066	7536	11q13.1
<i>SF3A1</i>	ENSG00000099995	10291	22q12.2
<i>SF3B1</i>	ENSG00000115524	23451	2q33.1
<i>SH2B3</i>	ENSG00000085276	10019	12q24.12
<i>SOCS1</i>	ENSG00000185338	8651	16p13.13
<i>SPI1</i>	ENSG00000066336	6688	11p11.2
<i>SRPK2</i>	ENSG00000135250	6733	7q22.3
<i>SRSF2</i>	ENSG00000161547	6427	17q25.1
<i>STAG2</i>	ENSG00000101972	10735	Xq25
<i>STK17B</i>	ENSG00000081320	9262	2q32.3
<i>TCF4</i>	ENSG00000196628	6925	18q21.2
<i>TET1</i>	ENSG00000138336	80312	10q21.3
<i>TET2</i>	ENSG00000168769	54790	4q24
<i>TP53</i>	ENSG00000141510	7157	17p13.1
<i>U2AF1</i>	ENSG00000160201	7307	21q22.3
<i>U2AF2</i>	ENSG00000063244	11338	19q13.42
<i>WT1</i>	ENSG00000184937	7490	1p13
<i>ZEB2</i>	ENSG00000169554	9839	2q22.3
<i>ZRSR2</i>	ENSG00000169249	8233	Xp22.1