

Table S2A

		wt	<i>Mef>RNAi Pglym78</i>	<i>duf>RNAi Pglym78</i>	<i>duf>InR^{DN}</i>	<i>duf>foxo</i>	<i>duf>4EBP</i>	<i>duf>RNAi S6K</i>				
SBM	Nb of nuclei*	6,63 ± 0,61	4,43 ± 0,73	4,57 ± 0,63	3,97 ± 0,93	4,00 ± 0,74	3,87 ± 0,63	4,5 ± 0,73				
	Size**	6,08 ± 0,54	4,41 ± 0,61	4,43 ± 1,11	4,29 ± 0,38	4,08 ± 1,06	3,90 ± 0,74	3,65 ± 3,36				
DA1	Nb of nuclei*	11,03 ± 1,13	7,4 ± 1,22	6,74 ± 0,98	5,40 ± 1,00	5,10 ± 1,09	6,67 ± 0,80	7,33 ± 1,47				
	Size**	13,77 ± 2,02	8,18 ± 1,37	8,79 ± 1,33	7,54 ± 1,69	6,21 ± 1,56	7,71 ± 1,58	8,00 ± 1,23				
		<i>duf>InR^{wt}</i>	<i>duf>Pten</i>	<i>Akt1⁹</i>	<i>duf>Akt1</i>	<i>foxo²⁵</i>	<i>duf>PI3K92E^{CAAX}</i>	<i>Mef>RNAi Tor</i>	<i>duf>Tor</i>	<i>Tor^{2L1}</i>	<i>rictor^{A2}</i>	
SBM	Nb of nuclei*	6,6 ± 0,62	3,70 ± 0,65	4,6 ± 0,86	6,57 ± 1,10	7,73 ± 1,08	6,2 ± 0,89	4,17 ± 0,53	6,5 ± 0,86	5,13 ± 0,90	6,93 ± 0,91	
	Size**	6,19 ± 0,56			5,32 ± 1,03	5,96 ± 0,47	6,18 ± 0,58		5,68 ± 0,46			
DA1	Nb of nuclei*	11,03 ± 1,19	6,13 ± 1,01	n.d.	11,20 ± 1,27	11,77 ± 1,07	10,63 ± 1,50	n.d.	11,37 ± 1,27	n.d.	n.d.	
	Size**	12,96 ± 1,55			12,88 ± 1,59	12,39 ± 1,23	12,78 ± 1,26		12,43 ± 1,31			
		<i>AMPK^{A3}</i>	<i>duf>AMPK</i>									
SBM	Nb of nuclei*	6,50 ± 0,63	6,53 ± 0,73									
	Size**		5,84 ± 0,71									
DA1	Nb of nuclei*	n.d.	10,93 ± 1,31									
	Size**		12,45 ± 1,62									

*For each genotype, the average number of nuclei ± standard deviation is shown (n=30).

**For each genotype, the average size in μm ± standard deviation is shown (n= 20).

Table S2B

		stade 12	stade 13	stade 14	stade 15 early	stade 15 late	
SBM	wt	1,05 ± 0,22	2 ± 0,46	3,55 ± 0,76	4,65 ± 0,67	6,8 ± 0,52	
	<i>duf>InR^{DN}</i>	1,15 ± 0,37	2,05 ± 0,51	3,4 ± 0,82	3,95 ± 0,6	3,75 ± 0,64	
	<i>duf>Akt1</i>	1,2 ± 0,41	2,45 ± 0,61	4,15 ± 0,67	5,4 ± 1,39	6,6 ± 1,27	
	<i>duf>foxo</i>	1,15 ± 0,37	2,3 ± 0,57	3,5 ± 0,51	3,4 ± 0,94	3,8 ± 0,7	
	<i>Mef>RNAi Tor</i>	1,1 ± 0,31	2,25 ± 0,44	3,4 ± 0,6	4,0 ± 0,56	4,2 ± 0,52	
	<i>duf>4EBP</i>	1,05 ± 0,22	2,1 ± 0,31	3,05 ± 0,39	4,05 ± 0,39	3,9 ± 0,55	
	<i>duf>RNAi S6K</i>	1,05 ± 0,22	2,2 ± 0,41	3,50 ± 0,67	4,60 ± 0,50	4,55 ± 0,83	
	<i>duf>RNAi Pglym78</i>	1,15 ± 0,37	2,35 ± 0,49	3,7 ± 0,47	4,5 ± 0,51	4,4 ± 0,68	
	DA1	wt	1,15 ± 0,37	2,6 ± 0,88	5,4 ± 1	7,1 ± 1,51	10,95 ± 1,17
		<i>duf>InR^{DN}</i>	1,25 ± 0,44	2,2 ± 0,95	4,7 ± 1,38	5,6 ± 1,05	5,85 ± 0,93
<i>duf>Akt1</i>		1,2 ± 0,41	2,50 ± 0,61	5,75 ± 0,85	7,75 ± 1,6	11,55 ± 1,93	
<i>duf>foxo</i>		1,3 ± 0,47	2,4 ± 0,82	5 ± 1,38	4,8 ± 1,01	5,6 ± 0,82	
<i>duf>4EBP</i>		1,1 ± 0,31	2,2 ± 0,41	4,2 ± 0,69	5,6 ± 0,68	6,4 ± 0,75	
<i>duf>RNAi S6K</i>		1,25 ± 0,44	2,2 ± 0,41	4,5 ± 0,69	6,7 ± 0,98	7,4 ± 1,10	
<i>duf>RNAi Pglym78</i>		1,25 ± 0,44	2,35 ± 0,59	5,0 ± 0,56	6,15 ± 1,18	6,65 ± 1,14	

For each stage and each genotype, the average number of nuclei ± standard deviation is shown (n=20).