

Additional file 1. BER and AUC performance measures associated with RF and SVM classification, using TSM, All, and IAS sets to construct mutant feature vectors

Drug	RF				SVM									
	TSM		All		IAS		TSM		All		IAS		Drug Mean	
	BER	AUC	BER	AUC										
Protease Inhibitors														
APV	0.32	0.91	0.32	0.92	0.31	0.91	0.38	0.88	0.35	0.89	0.37	0.86	0.34	0.90
ATV	0.29	0.90	0.29	0.89	0.29	0.88	0.40	0.82	0.41	0.79	0.42	0.80	0.35	0.85
IDV	0.28	0.93	0.28	0.93	0.27	0.93	0.29	0.90	0.29	0.91	0.28	0.88	0.28	0.91
LPV	0.25	0.94	0.24	0.94	0.26	0.94	0.34	0.88	0.35	0.89	0.34	0.88	0.30	0.91
NFV	0.22	0.93	0.20	0.94	0.22	0.92	0.24	0.90	0.23	0.90	0.24	0.90	0.23	0.92
RTV	0.18	0.96	0.18	0.96	0.19	0.96	0.26	0.92	0.29	0.92	0.25	0.92	0.23	0.94
SQV	0.27	0.94	0.26	0.95	0.26	0.94	0.27	0.93	0.26	0.93	0.27	0.92	0.27	0.94
TPV	0.61	0.95	0.67	0.94	0.61	0.90	0.31	0.80	0.37	0.86	0.21	0.91	0.46	0.89
AVG	0.30	0.93	0.31	0.93	0.30	0.92	0.31	0.88	0.32	0.89	0.30	0.88	0.31	0.91
Nucleoside / Nucleotide RT Inhibitors														
3TC	0.16	0.99	0.18	0.98	0.17	0.98	0.21	0.96	0.18	0.95	0.21	0.96	0.19	0.97
ABC	0.29	0.86	0.29	0.85	0.29	0.85	0.31	0.83	0.34	0.80	0.33	0.82	0.31	0.84
AZT	0.31	0.91	0.31	0.89	0.30	0.90	0.33	0.88	0.26	0.91	0.34	0.87	0.31	0.89
d4T	0.23	0.90	0.29	0.89	0.31	0.87	0.23	0.89	0.23	0.85	0.28	0.89	0.26	0.88
ddC	0.24	0.88	0.29	0.88	0.22	0.89	0.32	0.83	0.30	0.84	0.32	0.82	0.28	0.86
ddl	0.29	0.86	0.33	0.86	0.30	0.80	0.25	0.85	0.30	0.79	0.26	0.80	0.29	0.83
FTC	0.14	1.00	0.14	1.00	0.00	1.00	0.19	0.91	0.25	0.88	0.14	0.91	0.14	0.95
TDF	0.45	0.87	0.46	0.89	0.50	0.77	0.47	0.78	0.44	0.76	0.56	0.61	0.48	0.78
AVG	0.26	0.91	0.29	0.91	0.26	0.88	0.29	0.87	0.29	0.85	0.31	0.84	0.28	0.87
Nonnucleoside RT Inhibitors														
DLV	0.32	0.87	0.35	0.88	0.35	0.86	0.32	0.86	0.35	0.84	0.32	0.87	0.34	0.86
EFV	0.20	0.94	0.25	0.92	0.21	0.92	0.28	0.88	0.33	0.85	0.32	0.87	0.27	0.90
NVP	0.31	0.91	0.35	0.92	0.29	0.90	0.36	0.86	0.41	0.82	0.35	0.87	0.35	0.88
AVG	0.28	0.91	0.32	0.91	0.28	0.89	0.32	0.87	0.36	0.84	0.33	0.87	0.32	0.88