

Table 3. Flanking sequence of deletion and PCR primers

Region of difference (RD)	L* - Flanking Sequence (5'-3')	R <sup>1</sup> - Flanking Sequence (5'-3')	L* - PCR Primer (5'-3')	R <sup>1</sup> - PCR Primer (5'-3')
105	CGTGGTCGCC	GTGGGACGGG	GGAGTCGTTGAGGGTGTTCATCAGCTCAGTC	CGCCAAGCCGCATAGTCACGGTGC
108	ACACCCGGTCC	ATTCCACACT	CGCCGCTCTGCCGCTCTT	GACAGGACACCCGCGAGATACG
109c	CGCCCAAGGC	CGGAAATCGC	CGCCCGAGCGATGGTCAAG	TCGGCTCAGCGTCCGGTTTTTC
110	CGACCCATG	GGAGCCACCC	CGCCCGAATACCGGGGACTG	CACCGGTTGGGACGCAATC
110a	GAGCCAAGGC	TCGCGTTGGA	GAACCTGCGCTGATCGAAGAATGG	GGTGTGATGCGCGTGTATGTGC
110b	GCCGCTTCC	CGGTTTTCCG	GCGCGGTATCGCCACTGAGA	CTATCCGTTGCGGTGACTTTTCCATC
110c	GAAGCGATG	TGTGATCGCC	GCGCGGTATCGCCACTGAGA	CTATCCGTTGCGGTGACTTTTCCATC
115	GAGACCCGG	CCCCATGAGT	TTCCGGGGCCAGGTCTGTGAT	CCGCGGAATGCTGCTGTAT
116	TGGTGTGACG	ATAATTGAGC	CCTGGCCAGAGCGGTAGACGAC	CAAGGGATCCGACGACCAAGAACG
117	CCGGGTGGCC	AAGAACTGGT	GGCGGGCCAGAGCTCTGTAGA	CTGGTGGCCAAAGGTGAA
120	TCATCAATAG	TCCCAACGCT	AGTCTCATCGAGGATGCACAAGAGCGAGATG	CGTGTGGGCTGCCCGGCTG
121	CGCGCCGAG	AGTCCGAAAT	AGTCCCGGGTGTGGTCTCC	GCTTTTGGCTGCCCGTGTCC
122	GGTCTCTGT	GGTGTGCGG	GCCGGCACCGCTAATCGCTACTT	TTCTCTTGGGATGATCATCTTCTGGTTA
127	GCGCCGCGCC	CGCCTGCTGT	GACTCCGATCTGGAGAGCTG	CAGCGCGCCAGAAATGCTCAG
129	GCGCAGCACT	CGATCCCGTC	GAAGCCGCTCTGTGGTCAAGTTG	GCTGCGCGCGCTCCATC
130	TACCCGGCTA	TGTCAATCTC	ACCGTCCCGGTTTTCTGAC	GACCGAGTCGCCCACTATG
131ab	ACCCGTCGCG	TACTACAAA	CGGGCTCAGTCTTATGTCTCCAAGCCGAT	GGCGCGGGTGGTGCATGTGAGTATG
131c	TCAAGTGAAG	GAGGCAACCA	TGTTGGCCCGGCTCAATCA	GTGGCCAGGGTGGTGGTCTC
132	CGATGCCGG	GCCGAGGAAG	GTCGGGATGGGCTAGGTG	CGCGTCACTCGGTGTCAACAA
134	GTAGCTTGA	GGTGTCCAAC	GTTGGCCCTTTTCGAGGCTATCTGG	GAGGATCGGGTCAAGCAATGGT
141a	CCCGTCACCC	GGTCAAGTGG	CGGGCCGATTGGCCAGAG	GTAAAACCTTGGCCGGTCTCCAC
142	CATCGCGGTG	GCCGTGCTGC	TCGCCGACGCAACCAAGCAG	TCACTTCCATTTCCAGCGGCAACT
145	TTGGGAAGT	ACCGTCACTG	CCGGCTAGGGCCATCGCCGT	GCGGTGGCCGACGATTTCTGTGACAAT
145a	GCCCGCGAG	GACTACGGT	ATCGCCCGCTTAAACTCTTCTCGTA	ATCTTCTGCCCATCGCATAC
147b	GCCACGCCAC	GGGGGGGGT	CAGCCCGGGGTTGGTCACTA	CCATATCAGCATCGGTTACGGTGTGTGG
147c	CAGGAGCAGC	TCAGGGCTCG	GCTCCGCTGCGCAGATTTT	GACGCGCGGACTCTGTG
149	GTTGGTGGG	GGTGGCGGT	CATGTCACTTGGCCGACGGGT	CCAGGGATCTTCCAGCCAGCCACAC
150	ACGTTGAT	CTAGCGGCTC	TGTTGGCTGGCTGGCAAAAG	CGGGACGGCAACGGGTGAT
152	ATCTCCGACC	CACCCACGA	CCGGTTGAGCAATGGGATATCAGTGGAC	TGGGATAGTTCAGGTGGCATCTGGGCAAT
163	CTTCCCGCG	AGCGCGGGT	ATTTCCCGTGTGCTGCTCTGTC	CGCGGAGTCCGGCATCGTTAC
164	CTCCCGGTG	CCGAAGCCG	GGGGAAGCGGTGGCTGAG	TTCTGTGGCGGATCGGTAGTCG
165	GGTAAATCGC	ACAAATGGC	GCTTTCGCTGCCGCTGTCTG	GCTCGGGGTGCTGGTGT
166	CGCCAACGCT	TCCTGGTCC	CAAGGTTGGCAGCCGCTGCTTTGAA	GTACTGCTGTCCGCAAGCGATAGAAAGAT
167	ATACGATGCC	GTTCAACCGG	GCGCGTGGCGCATTAAGCTG	TGCTGGACATCGCCGTGGAGA
168	TTACAGGTCA	GGAAAGTTTA	GTTGTGCAACGAACTGGCCACGCCGA	ACGTTGTGTCCAGGACGTAGGTACACAGTT
171	TCGGTACGCA	CGAAGTGGCG	ATTGACGCTTTCATGGCG	CGGGTCTGCAACATACACT
172	GGTCCGCCCC	CACAAGTTC	GTTGTGCGCGGTGAGCATCTG	TCCGTGTCCGCGATCAAGTCC
172a	GCGCGCTAT	GCGACTGTC	GCGACGGTGGCATGGTGTG	GACCGGTGCCGATCTGCG
174	ACCGCCGCG	CAAGGACGA	GGTGCCTCCCGCAGAACTGTG	AGCGCATCGAGCGGTGAA
174a	CGCCCGGAC	CCCGGCCAA	GCCAGGGCGCAAGATTC	CTACCGCACGCCCCCTTCTACA
175a	GGGACACAAGT	ACCCCGGAG	ACGAGACAACGAAATCAGCGAACCCACCATGGAAA	TGGGTGATCCACCGCTCGGCCAAT
178	GCTGCTGGC	CGCGCACCG	CCCGCGGCTCTGTGTG	CCGCCCGCTGTGTGAT
181	GGGACCAAGC	AGTCTGACG	CGCAACGGCCGGTGAACCT	CGGGCGCTCGCGGAACCTT
182	GCCAACGGTC	GCCAGCTAT	TGTTATACGCCCTGTCCGGTCAACCAT	GCGCATCCCGCGGCTGTGGT
182a	CCCGCACGCA	CGGATCACT	CGTGGGGCTTGTGCTGGT	AGCGGTTGGGGATGCGCTT
183	GTCGCCGGC	GAAGTCTCA	CGCAACGGCCCGCATCAAG	ACGACGGCCGAAACCCAGGAA
188	GGTCTGATGT	GCCCCCTCT	ACCGCGGGATTGGACAGCAAGAT	CGTCAACAGGGGCTTCTCAG
193	GACCAAGCT	TCGCGGCTG	CCGACTACGCTGGCGCTAAACC	GTAAGGGCCACCGGATGTCTAC
196	CCACAGCAG	TGATCGCAC	TTCTGTGATGACCAACCCGATGAC	TGGCGGTAGGATGCTGTTGAAT
196b	CTCGACGCCA	ACCCCGTGA	GGCCGATCGCAACAGCTAAT	CGCGGGCAGGATGCTATC
198a	GGAAAGGTC	ACTGTTCAA	GCTAAACCTCGGGCAGAAAG	GACCGCAACAGCCGCTGATA
202	GGATGGGCG	CATCGAATG	GGGTTCCGGGGCGGTGGTA	GGGATGCTCGGGCAGGCTCAA
203	GAGGTTGACGT	GCGCCTACCG	CCCGGACGGCAAGAAGACGAGA	CGCCCTCGGATTCAGAACTCAC
206	ACCGATCCGG	GTCCTCAGAC	GACCGCAGCATGCCCTGTCT	GTTGCCCGGCGCTTTTTC
207*	CCGACCTGAA	TGAACCGCCC	GACGAGTTCGCGCTCAAATGT	CCCCGGGAGGAAACAGAA
210*	ATTTAGCCT	GTCCTCAGAC	GACGAGTTCGCGCTCAAATGT	CCCCGGGAGGAAACAGAA
213a	TACTGCTGCT	TGCCGTTGAC	CAGTTGTTGGCGGTGAGTGGT	TCCAAGCGCAAGTACCGAAGTGA
219	GGGTCCATGA	CGCGGTGGC	GCGTGGTCCCACTGTC	GCGACGGGTTTTGTATG
223	CGCCTTCAA	TCGCGCGAT	AGGCAACTGGAACCTGGT	GGCGAGGCAAGCCGACATTTCTCATT
231	CGCCTCGGC	GGCGTGATC	GGTCCCGCTCGGACTCTGAT	TCACCGCGGCAACCCACTT
236	CGCCTCGGC	TGCTGCTGA	CCAGGATGTCGCGGCTGCT	CCAGGTAGGGGGGATGTGC
236a	CGACGATGGA	ACTACATCGG	GCTCATGCTGCCCGCTATCTCA	CATCGCACTCAACCCCGTCCAG
239	ACGGACGAAT	GCTACCGTTG	GGCCAACATCGACCACTACCC	ATCTCGCTACCGGCACTCAT
246	GCCACTACAA	GATCTCCAC	CAATGCCGATGGACCGCTACGAC	CGCTGGCGGCTCGGAACG
247	GACAAGTGGC	GTGCTGTTC	GCGCGGTTATGGTTCCAATCC	CGGACGCTCATCGCTGGT
247b	GGAACAGGG	CAGGCTCC	GCAACGGCGGCTCACATTC	CGGACGCTCATCGCTGGT
252	CCCGCACAC	GACCCACAC	TAACAACCGCATGATGCCAGCACTTCTAGCCATT	ATGAAGTGCATGTGACGACGACGCTGAT
252b	CGGATCGAA	CGCCGATAT	AGCCCGTGGATACCGATTCTGTA	GGCGCGCGGGTATG