

Species and gene	Residue (Human <i>PRKAG1</i> numbering)				
	70	150	151	298	299
<i>T. spiralis</i> 003373079.1	R	H	R	H	R
<i>T. spiralis</i> 003373447.1	L	H	R	H	R
<i>T. muris</i> 1	R	H	R	-	-
<i>T. muris</i> 2	-	-	-	H	R
<i>G. pallida</i> 001103800	R	H	R	S	E
<i>H. microstoma</i> _000072800.1	R	H	R	H	R
<i>H. microstoma</i> _000177500.1	S	T	T	S	C
<i>H. microstoma</i> _000994900.1	R	H	R	H	R
<i>O. volvulus</i> _665_aa_scaffold2.1	R	H	R	H	R
<i>O. volvulus</i> _272_aa_scaffold146.1	-	H	R	H	R
<i>B. malayi</i> 1	R	H	R	H	R
<i>B. malayi</i> 2	-	-	-	H	R
<i>B. malayi</i> 4	E	H	R	D	Q
<i>B. malayi</i> 5	-	-	-	-	-
<i>S. ratti</i> 321 020524600.t1	R	-	-	H	R
<i>S. ratti</i> 321 020553100.t1	Q	K	R	N	A
<i>B. xylophilus</i> s00333.119.1	R	H	R	H	R
<i>B. xylophilus</i> s00579.530.1	R	H	R	S	Q
<i>S. japonicum</i> _0031410.1	-	H	R	-	-
<i>S. japonicum</i> _0023410.1	R	H	R	-	-
<i>S. japonicum</i> _0030130.1	R	-	-	-	-
<i>S. mansoni</i> 127420.1	R	H	H	R	S
<i>S. mansoni</i> 142030.1	-	-	-	H	R
<i>S. mansoni</i> 144700.1	M	P	Y	S	A
<i>E. multilocularis</i> _001024900.1	R	H	R	H	R
<i>E. multilocularis</i> _001057300.1	R	H	R	H	R
<i>E. granulosus</i> _001024900.1	R	H	R	H	R
<i>E. granulosus</i> _001057300.1	R	H	R	H	R
<i>T. solium</i> _000191400.1	R	H	R	H	R
<i>T. solium</i> _000222200.1	R	H	R	-	-

Nematoda

Platyhelminthes

Table S3. AMP/ATP binding residues in Nematoda and Platyhelminthes.