

Supporting Information for:  
“A deterministic analysis of genome integrity during neoplastic  
growth in *Drosophila*”  
Table S5

Cem Sievers<sup>1</sup>, Federico Comoglio<sup>1</sup>, Makiko Seimiya<sup>1</sup>, Gunter Merdes<sup>1,\*</sup> and Renato Paro<sup>1,2,\*</sup>

<sup>1</sup>Department of Biosystems Science and Engineering, Swiss Federal Institute of Technology Zurich,  
Mattenstrasse 26, 4058 Basel, Switzerland

<sup>2</sup>Faculty of Science, University of Basel, Klingelbergstrasse 50, 4056 Basel, Switzerland

December 14, 2013

ID	SV sequence	Sequencing result
1	CCTGGATACCTCTGGCAAACAGCTTGGCTATCGCTCA CCCACACACATGACCTTCGGTGGTTGCCACCACCCC CATGGGTTTTTCTCATATGAGCA <b>ACTCACTACCCGG</b> <b>CAAGAAGGCCATAAAAGCAAATGAAAGCGGATGGAT</b> <b>ACCGAGTGACCAGCGAATCCCAGCTCGTTGAACCT</b> <b>AATGCGCTATTAGCCAACCTTTATTCGGACCATGTTG</b> <b>TTAGCCGGCT</b> AGTGGCGAGCAACCCAATGCGGTTAT TTGTTATGCTACAAATTAAGCCTGGTCAATTAGCGTT GGCCTGATTCAATTTCAACTGGCTCCCTCGGGG	ATGGGTTTTTCTCATATGAGCA <b>ACTCACTACCCGGC</b> AAGAAGGCCATAAAAGCAAATGAAAGCGGATGGATA CCGAGTGACCAGCGAATCCCAGCTCGCTTGAACCTTA ATGCGCTATTAGCCAACCTTTATTCGGACCATGTTGT TAGC <b>CGGCT</b> AGTGGCGAGCAACCCAATGCGGTTAT TGTTATGCTACAAATTAAGCCTGGTCAATTAGCGTTG GCCTGATTCAATTTCAACTG
2	CAAATAAATCGGATTAATTCGCTTTATGAAAGCATT CAATTGTGAAATGAAATTTGATTCACAAAACACCGA AATTTGAAGCATAAACTAATCATG <b>CCCAACCGCACA</b> <b>AATTTGTCTATTACATCTTATATACGTATTTCTTCA</b> <b>AATGTTTCACTTTTTTTTGAACCTTAATATTCGGCTAT</b> <b>TAAGCACTTAAATCCCAAGAAAATATAATCCCTTAT</b> <b>GTTTTGGGTTTTCTTGCAAATACC</b> ACAAAACCGAGAG GTAAATTAACAATTTAAGGCAAATTTAGTGACTG TGTCTTCGTTTTCTATCTTTCCCTTATCAGCATCTGAT TTGTCAAC	TCATG <b>CCCAACCGCACA</b> AAATTTGTCTATTACATCTTA TATACGTATTTCTTCAAATGTTCCAACCTTTTTTGA ACTTAATATTCGCGTATTAAGCACTTAAATCCCAAG AAAAATAAATCCCTTATGTTTGGGTTTTCTTGCAA <b>AT-</b> <b>ACC</b> ACAAAACCGAGAGCAAAATTAACAATTAACAAT GGCAAATTTAGTGACTGTGTCTTCTGTTTTCTATCTTT CCCTTANCAGCAT
3	TTCTGGAACTCATTAAAAAAGATTTTTTTTTTATCT TTTCTACCTAATGACCATTTTTTCTCAGTGCATACTC AGCAGACTTGATGCATAAGCCAC <b>TGGCTGAGGTCGG</b> <b>GACTGAAAAGCAATCGTTGCTACAGCGCTCGTGTGC</b> <b>ATACATACTCGTACATGGGGCTACAGGGAGCTAG</b> <b>ACCCTCTATAATATTTAACTTTTT</b> CTGAAATATACA CTTTTGTCTTGGCCAGCTCTGCGGTGGCATAGATT TGGCTGCTCCTTTGCTTTAGTTGGGCAGTAAGTCAC TTTCCAGAA	CGTTGCTACAGCGCTTCTGTGTCATACATACATCGT ACATGGGGCTACAGGGNGCTAGACCCTCTATAATA TTAACT <b>TTTTCT</b> GAAATATACACTCTTTGTCTTGG CCAGCTCTGCGGTGGCATAGATTTGGCTGCTCCTTT GCT
4	GGTGTCAAGTTTAAATGCAAACGTAATTTGGATGCTG TCATTTGCTACGTTTTTCATTTGTTTCGAAAAGTTGCTC GGCCCTCCCGTTTTCCAGATGGAAT <b>CTGTG</b> CAGCATG <b>GCACCCCTGGCTTTGCCATTGACTTTTTGCTGCCAT</b> <b>CCGTTCTGACGGACACTTCTGCCAGCTGCTCCAGAA</b> <b>TCAGAATCTCAGCTCACAGCTCGAATCT</b> ACCCGGAA TGCAAACGTTGCACAAATGCCAGTTTTTGTAAATGG ACTCATTTTGGTAGCTGGCAGTTTTGTGATTTTCAA ATTGGCATTGTGAC	<b>TCTGTG</b> CAGCATGGCACCCCTGGCTGTTGCCATTGA CTTTTGTGCTCCATCCGTTCTGACGGACACTTCTGCC AGCTGCTCCAGAATCAGAATCTCAGCTCACAGCTCG <b>AATCT</b> ACCCGGAATGCAAACGTTGCACAAATGCCAG TTTTGTTAATTTGGACTCATTTTGGTAGCTGGCAGTT TGTGAANTGAAGNANANANNTCNCGNACGTTTGCA TTCGGGTGATTNGCTGTGAGCTGAGATTCTGATTCT TGGAGCA
7	GAATAAATTCAGACTTTTCTAGCTGGATAAGCTCTA CAATTTTCAAAGCAAAGCAGTCCCTTCAATAAAATA AATTAACCTGTTTATACAAAATG <b>TCCACTTGTGG</b> <b>GCTTTTTGTATATGTACGAACGA</b> AAAAATCTCGTT TAATTTGCTCAAAGGAAAATTAATTTAGAGTGGCAATT TTTTACAAGTTTCAAGGACCTACAGCCGATATAAAT CTCAATAGGA	AAATG <b>TCCACT</b> TGTTGGGCTTTTTTGTATATGTACG <b>AACGA</b> AAAAAATCTCGTTTTAATTTGCTCAAAGGAAAA TTAATTAGAGTGGCAATTTTTTACAAGTTTCAAGGA CCTACAGCCGAT
8	CAAAAAGTCCTAATCTGCAAGCATTATGAAGATAAG ATTGGGAGGAAATGCTGAAGTGAATCAATTAATACTA GATTAAGCGCTATTGTTATTGGAT <b>TTCTGAGTTAG</b> <b>ATCCCTAAAGCTGTGAATTT</b> AAATCAAAGAAAACAT GATGATATACAATAGCTTGGCTTAGCCTATCATAATC ATATGAATAACAACTAGATTATTAAGTCCCTCAT ATATATC	TTGTTATTGGAT <b>TTTTCT</b> GAGTTAGATCCCTAAAGCTG TG <b>AATTT</b> AAATCAAAGAAAACATGATGATATACAAT AGCTTGCTTAGCCTATCATAATCAAAA
9	AACTAACTTTAGTCGCCACTATCAGCCAGATGTTGG CCTTACATTATGAATAACTCAAACGGATTAGCAGT AGTCCCAAAAAGATACAGAAAATG <b>ATGCA</b> CAACTAA <b>CTTAAACTTGTAAAGATACAAATGTA</b> TCTTGGTAATT TTCTCACTTTAAGAAGTGAATAAAGGGATAGTACTC ATCGTATGATTACAAGATTATTTCTAACGGAAGCAT ATTTGTGCAAA	ACAGAAAATG <b>ATGCA</b> CAACTAACTTAACTTGTAA AGATACAA <b>ATGTA</b> TCTTGTAAATTTCTCACTTTAAG AACTGAAAATAAGGGATAGTACTCATCGTATGATTAC AAGATTATTTCTAACGGAAGCATATTTGTGCANANN NTAANAATATCATATTTCCAGNCGCNTTTTTGGNCTT NTATTATGAATCCTCTNNGATTTAGACTANTCCAAA ANATANGAAAATGCATGCAAACCTAACTAAATNGTA AAGATAAAAATGATCTTGGTAATTTTCTCCTTTAAG AACTGAAAATAAGGGATAGTACTCATNTATGATTACA ANATTATTTCTAACGGANGCATATT
11	ACTCGAGAAAACAACAACCTCAGCCGATCAAAGGCCA TCAAAATTAATAATCTCGTATGGAAAATGGAAAATTT GATGCAAACGTAGAGATAGATTTTT <b>TACGGCGGCTGG</b> <b>CTGAAAAGTGTTTTTATTAGTGAATGGAAACGGACT</b> <b>TTTTAATTGAAATCATCTTGAATGAAGACCGTGGTA</b> ATGTGTTGATTTCAATTTCCGGTGGCCCAGCCAAAGAT CATAAAAGCCATCATGCATGCATCCCCCCTTT TAATGACACTATCTACAAAGCAT	ATGCAACGTAGAGATAGATTTT <b>TACGGTGGTA</b> ATGT GTTGATTTTCAATTTCCGGTGGCCCAGCCAAAGATCATA AAAGCCATCATGCATGCATGCATCCCCCCTTTAAT GACACTATCTACAAAGCAAAAGT
17	CAAAGCGTAATTAGTTTTCAACCAGTGCAATTCGACA TGACATCTTACATGGTGAATAAAAAATTTAGCTATTT TTTTATTCGTTTTACCATATACT <b>ATATTTTAAATGT</b> <b>TAAACATAAATATTGGTAT</b> AGATTTCGATCTGCATTT TTAAAGCAATTAAGTAAATAGGAAGGATAAACATGCC TACGTTCTGTTTTAAATGCCAAATGTAATAAATATT TCAAAA	TATACT <b>ATATTTGGTAT</b> AGATTTCGATCTGCATTTTAA AGCAATTAAGTAAATAGGAAGGATAAACATGCCTACG TTCTGTTTTAAATGCCAAAAN