

Supplemental Material to:

**Scott J Diede, Zizhen Yao, C Chip Keyes, Ashlee E Tyler,
Joyoti Dey, Christopher S Hackett, Katrina Elsaesser,
Christopher J Kemp, Paul E Neiman, William A Weiss,
James M Olson, and Stephen J Tapscott**

**Fundamental differences in promoter CpG island DNA
hypermethylation between human cancer and genetically
engineered mouse models of cancer**

Epigenetics 2013; 8(12)

<http://dx.doi.org/10.4161/epi.26486>

**[http://www.landesbioscience.com/journals/epigenetics/
article/26486/](http://www.landesbioscience.com/journals/epigenetics/article/26486/)**

Supplemental Material and Methods

DAMD assay. The Denaturation Analysis of Methylation Differences (DAMD) assay was performed and analyzed as previously described.¹ Genomic DNA (2 µg) was used as starting material for the DAMD assay. The sample was evenly split and 1 µg was digested with *KpnI* (10 U) and 1 µg was digested with *SbfI* (10 U) for at least 8 hours in a total volume of 20 µl for each digestion. Enzymes were heat inactivated at 65°C for 20 minutes, digests were combined, and then split between two tubes. To the 20 µl DNA mixture, 27.36 µl of water and 1.64 µl of 3M NaCl were added. Denaturation was performed by boiling samples in a water bath for 7 minutes followed by rapid cooling using an ice-water bath. S1 (Invitrogen, cat# 18001-016) digestion was performed by adding 6 µl 10x S1 nuclease buffer, 4 µl 3M NaCl, and 1 µl of S1 (diluted to 100 U/µl using S1 Dilution buffer). Samples were incubated for 60 minutes at 37°C. S1 was inactivated by extraction with phenol followed by a phenol:chloroform extraction. DNA was ethanol precipitated in the presence of 20 µg of glycogen, and the DNA pellet was resuspended in 80 µl of 1/10 TE. The sample was divided evenly into two tubes, one subjected to digestion with *MseI* (40 U), the other tube with *MspI* (40 U) for at least 4 hours at 37°C (final volume of each digestion was 50 µl). Restriction enzymes were heat inactivated at 65°C for 20 minutes. To generate linkers for ligation-mediated PCR, linkers (*MseI* linker: JW-102g annealed to JW103pcTA; *MspI* linker: JW-102g annealed to JW103pc-2) were annealed in the following manner. Mix 100 µl of 100 pmol/µl of each appropriate primer and add 6.9 µl 3M NaCl and mix. Place in boiling water bath for 7 minutes. Turn off heat, let sit on hot plate >2 hours to cool. Add 20 µl 3M NaOAc, pH 5.2, 400 µl 100% cold EtOH, mix, and place at -20°C for >2 hours. Spin at 4°C for 20 minutes - discard supernatant. Wash with 0.7 ml 70% cold EtOH. Spin at 4°C for 20 minutes - discard supernatant. SpeedVac without heat to dryness. Dissolve DNA in 500 µl water. To the 50 µl restriction digest from previous step: 5 µl of appropriate linker (*MseI* or *MspI* linker), 7 µl 10x T4 DNA Ligase buffer, 7 µl water, and 1 µl T4 DNA ligase (400 U/µl) was added. The sample was incubated at 16°C for 3 hours, and heat inactivated by incubating at 70°C for 20 minutes. Using an Amicon Ultracel-50 (50 kDa cutoff) Membrane 0.5 mL column to remove unligated linkers, 160 µl 1/10 TE and entire ligation mix (70 µl of either *MseI* or *MspI* ligation) from previous step was added. The sample was spun 14,000 x g for 5-10 minutes until volume was concentrated to ~20 µl. DNA was recovered by placing inverted column into new tube and spinning at 1,000 x g for 2 minutes. For PCR amplification: 4 µl template DNA (from above), 10 µl 10x PCR Buffer, 10 µl 2 mM dNTPs, 12 µl Linker specific primer (10 pmol/µl; use either JW-102gMse or JW-102gMsp), 0.8 µl FastStart Taq (Roche, cat# 12032902001), 20 µl 5x GC-rich solution, and 43.2 µl water were combined. Cycling conditions: 96°C 6 minutes, then 30 cycles of: 96°C 30 seconds, 55°C 30 seconds, 72°C 30 seconds; final extension: 72°C for 7 minutes. 1 µl of 100 µl PCR sample was run on an agarose gel for quality control (average size range of *MseI* PCR 300-800 bp; *MspI* PCR 200-600 bp). For PCR clean-up: to Amicon Ultracel-30 (30 kDa cutoff) Membrane 0.5 mL column, 300 µl 1/10 TE and combined *MseI* and *MspI* PCR samples (~198 µl) from previous step were added. The sample was spun 14,000 x g for 20-30 minutes until volume was concentrated to ~20 µl. DNA was recovered by placing inverted column into new tube and spinning at 1,000 x g for 2 minutes. Amplified DNA was quantitated and 7.5 µg of

DNA was fragmented: 44 μ l DNA (7.5 μ g total), 5 μ l 10x DNase I buffer, 1 μ l DNase I (diluted to 0.017 Units in 1X DNase I buffer) for 35 minutes at 37°C, then heat inactivation at 95°C for 15 minutes. Fragmented DNA was labeled with biotin using the Affymetrix GeneChip Whole-Transcript Double-Stranded Target Kit. Affymetrix Human and Mouse Tiling 1.0R Promoter Arrays were analyzed using Tiling Array Software (v 1.1.02, Affymetrix). Raw data were scaled to a target intensity of 100 and normalized by quantile normalization. For probe analysis, a bandwidth of 250 bp was used and perfect match (PM) probes were used in a Wilcoxon Rank Sum two-sided test. Two independent replicates were used for sample and control. For all experiments, a maximum gap of \leq 100 bp and minimum run of $>$ 30 bp was used to generate signal and p -value thresholds ($\log_2(\text{signal ratio}) > 1.2$ and $p < 0.001$). Data were visualized using the Integrated Genome Database Browser (v 5.12, Affymetrix). Mapping of transcription start sites (hg18 and mm9) to DAMD positive chromosomal locations to generate gene lists (\pm 2kb of TSS) was performed using Galaxy.^{2,3,4}

RRBS. Sample library preparation (EpiQuest) and data analysis for Reduced Representation Bisulfite Sequencing (RRBS) were performed by service provider (Zymo Research) as described.^{5,6} EpiQuest libraries were prepared from 200 to 500 ng of mouse or human genomic DNA. The DNA was digested with 60 units of TaqI and 30 units of MspI sequentially. Size-selected TaqI-MspI fragments (40–120bp and 120–350bp) were filled-in and 30-terminal-A extended, extracted with Zymo Research DNA Clean and Concentrator kit (cat# D4003). Ligation to pre-annealed adaptors containing 5-methyl-cytosine instead of cytosine (Illumina) was performed using the Illumina DNA preparation kit and protocol. Purified, adaptor-ligated fragments were bisulfite treated using the EZ DNA Methylation-Direct Kit (Zymo Research, cat# D5020). Preparative-scale PCR was performed and DNA Clean and Concentrator-purified PCR products were subjected to a final size selection on a 4% NuSieve 3:1 agarose gel. SYBR-green-stained gel slices containing adaptor-ligated fragments of 130–210 or 210–460bp in size were excised. Library material was recovered from the gel (Zymoclean Gel DNA Recovery Kit, cat# D4001) and sequenced on an Illumina GAIIx genome analyzer. Sequence reads from bisulfite-treated EpiQuest libraries were identified using standard Illumina base-calling software.

Data analysis.

Alignment and Methylation calls: reads were mapped to human (hg18) and mouse (mm9) genomes using BSMAP (version 2.74), with the option “-q 20 -A AGATCGGAAGAGC” to trim adaptor sequences and low quality base calls.⁷ The methylation calls were performed using python script methratio.py in the BSMAP package. CpG statistics: the number of cytosines covered, and the average coverage on covered cytosines for each sample were reported by BSMAP. The average CpG methylation ratios were computed from estimated methylation ratios, weighted by the corresponding coverage. The coverage of a CpG island is computed as the sum of coverage of all contained CpG sites. The methylation ratio for a CpG island was computed as the ratio of the sum of methylation calls for all containing CpG sites against the sum of coverage. The average methylation rate of all CpG islands was weighted by their coverage. Hypo/hypermethylation calls were determined by the

difference of methylation ratios in the given two samples. The pvalue significance was computed by the chi-square test using the number of methylation/non-methylation calls for each sample. Metaplot analysis: to compute a metaplot for a given set of CpG sites, we used a sliding window of 500 bp shifting by 100 bp at each time, and computed the average methylation ratio of all CpG sites within the window that have a minimum coverage of 5 in the given sample. Only the genes containing CpG islands in the given category within +/- 2 kb promoter regions were included in this analysis.

Bisulfite DNA conversion, PCR, and sequence analysis. 1 µg of genomic DNA was converted using the EpiTect Bisulfite Kit (Qiagen) per the manufacturer's instructions. 20% of this conversion reaction was used in a PCR reaction using FastStart Taq. Reaction conditions were: 5 µL GC rich solution, 2.5 µL 10x Buffer, 0.3 µL FastStart Taq, 2.5 µL 2.5 mM dNTPs, 4 µL bisulfite converted DNA, 1 µL each 10 µM primer, 8.8 µL dH₂O with the following cycling conditions: 96°C 6:00 followed by 5 cycles of (96°C 0:45, 50°C 1:30, 72°C 2:00) followed by 30 cycles of (96°C 0:45, 50°C 1:30, 72°C 1:30) with a 7:00 72°C final extension. See **Table S5** for primer sequences. PCR fragments were isolated on 1% agarose in TBE gels and extracted using the QIAquick Gel Extraction Kit (Qiagen, cat# 28704) per the manufacturer's instructions. To elute, 20 µL of buffer EB was used, and 4 µL of eluted product was cloned using the TOPO TA Cloning Kit for Sequencing (Invitrogen, cat# K4575-01) per the manufacturer's instructions. Clones were grown overnight in LB supplemented with 100 µg/mL carbenicillin. DNA was isolated from individual cultures using the QIAprep Miniprep Kit (Qiagen, cat# 27104) per the manufacturer's instructions. DNA was prepared for sequencing using the following protocol. 200 ng plasmid DNA, 2 µL Big Dye Terminator reagent (Invitrogen, cat# 4337449), 1 µL 10 µM m13rev primer, 0.5 µL 50% DMSO, and 4.5 µL H₂O with the following cycling conditions: 95°C 5:00, and 27 cycles (95°C 0:10, 50°C 0:05, 60°C 4:00). Samples were analyzed by ABI capillary sequencing in the FHCRC shared resources center. Alternatively, the University of Washington High-Throughput Genomics Unit was used. Sample ABI files were analyzed using Sequencher (Gene Codes) and MethTools.⁸

References for Supplemental Material and Methods

1. Mahoney SE, Yao Z, Keyes CC, Tapscott SJ, Diede SJ. Genome-wide DNA methylation studies suggest distinct DNA methylation patterns in pediatric embryonal and alveolar rhabdomyosarcomas. *Epigenetics* 2012; 7:400-8.
2. Blankenberg D, Von Kuster G, Coraor N, Ananda G, Lazarus R, Mangan M, et al. Galaxy: a web-based genome analysis tool for experimentalists. *Current protocols in molecular biology* / edited by Frederick M Ausubel [et al] 2010; Chapter 19:Unit 19.0.1-21.
3. Giardine B, Riemer C, Hardison RC, Burhans R, Elnitski L, Shah P, et al. Galaxy: a platform for interactive large-scale genome analysis. *Genome Research* 2005; 15:1451-5.

4. Goecks J, Nekrutenko A, Taylor J, Team G. Galaxy: a comprehensive approach for supporting accessible, reproducible, and transparent computational research in the life sciences. *Genome Biology* 2010; 11:R86.
5. Gu H, Smith ZD, Bock C, Boyle P, Gnirke A, Meissner A. Preparation of reduced representation bisulfite sequencing libraries for genome-scale DNA methylation profiling. *Nature Protocols* 2011; 6:468-81.
6. Vicente-Dueñas C, Romero-Camarero I, González-Herrero I, Alonso-Escudero E, Abollo-Jiménez F, Jiang X, et al. A novel molecular mechanism involved in multiple myeloma development revealed by targeting MafB to haematopoietic progenitors. *The EMBO journal* 2012; 31:3704-17.
7. Xi Y, Li W. BSMAP: whole genome bisulfite sequence MAPping program. *BMC Bioinformatics* 2009; 10:232.
8. Grunau C, Schattevoy R, Mache N, Rosenthal A. MethTools--a toolbox to visualize and analyze DNA methylation data. *Nucleic Acids Research* 2000; 28:1053-8.

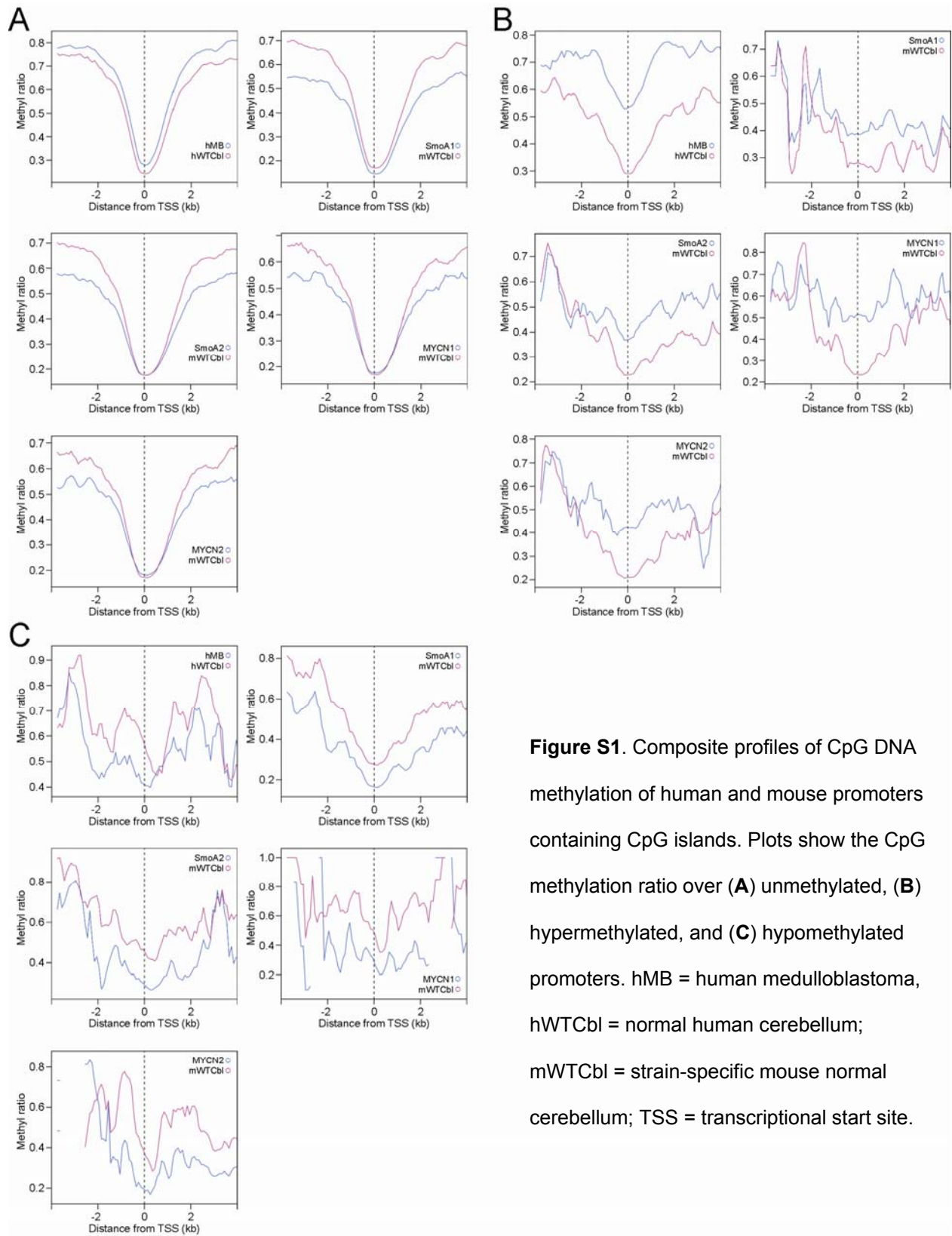


Figure S1. Composite profiles of CpG DNA methylation of human and mouse promoters containing CpG islands. Plots show the CpG methylation ratio over (A) unmethylated, (B) hypermethylated, and (C) hypomethylated promoters. hMB = human medulloblastoma, hWTCbl = normal human cerebellum; mWTCbl = strain-specific mouse normal cerebellum; TSS = transcriptional start site.

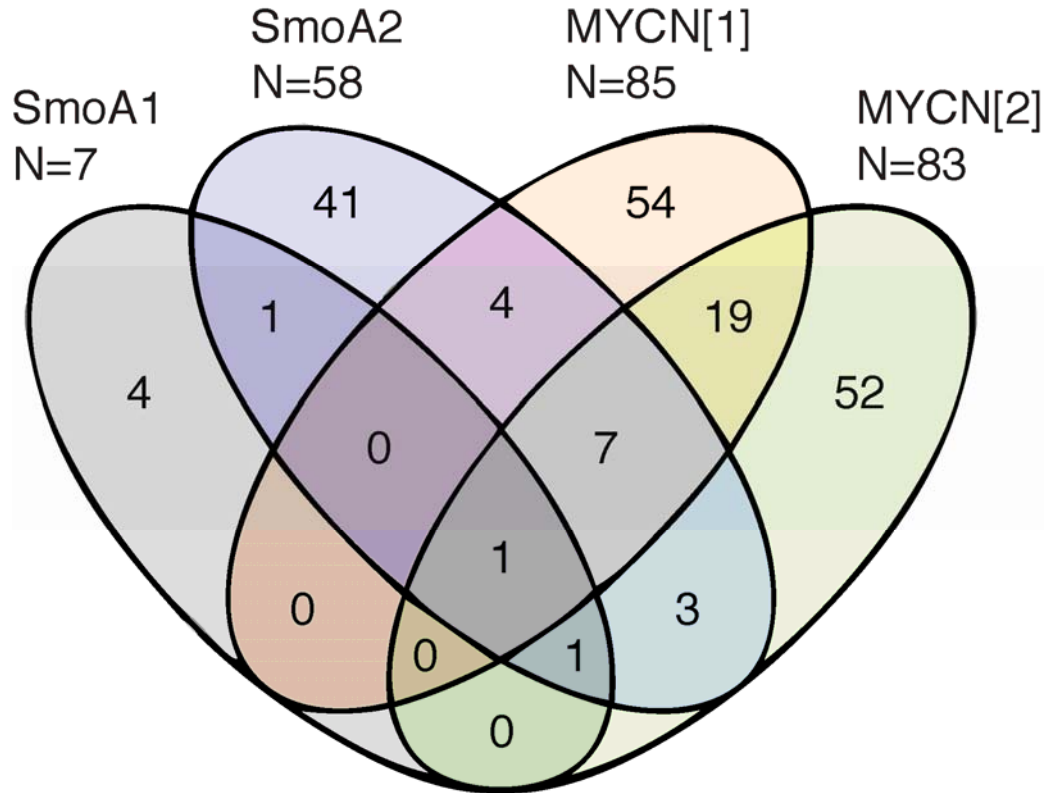


Figure S2. Common hypermethylated loci in mouse models of medulloblastoma. Common RRBS loci demonstrating >33% methylation (tumor compared to normal cerebellum) from SmoA1, SmoA2, and two individual MYCN-driven tumors (labeled MYCN[1] and MYCN[2]) are depicted on the Venn diagram.

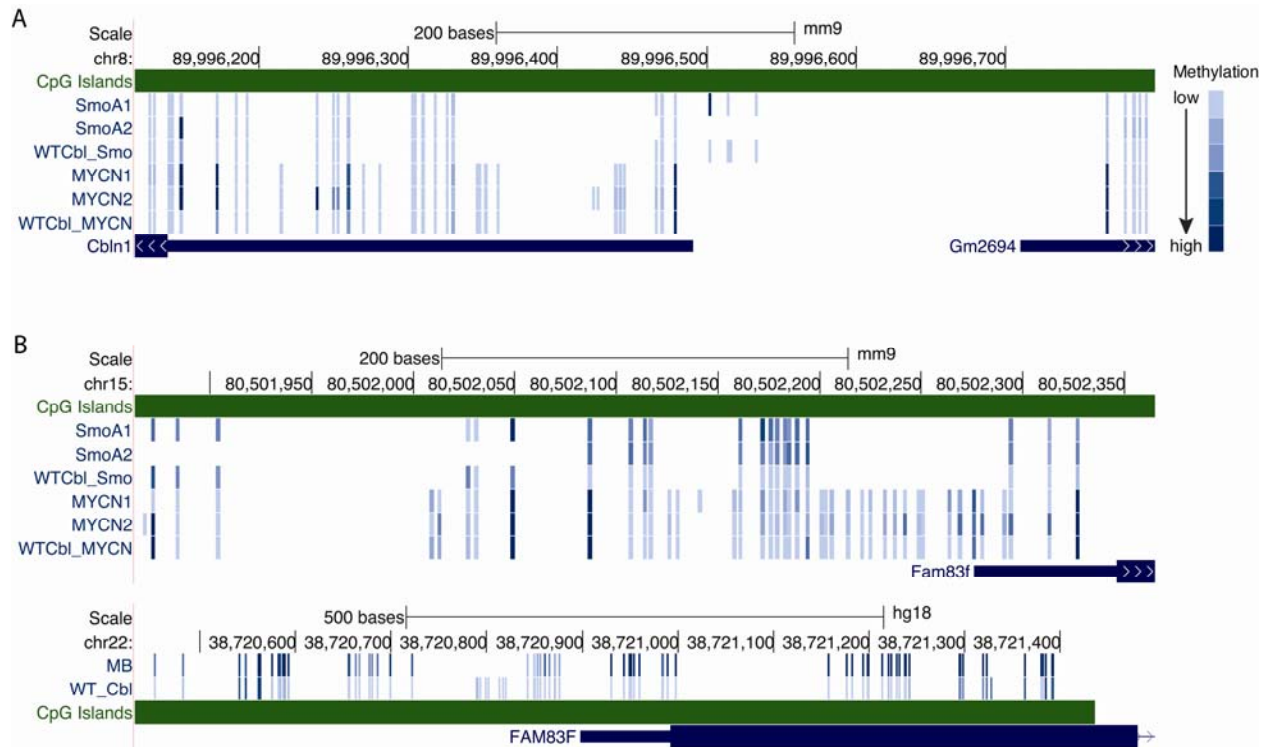


Figure S3. Modest promoter CpG island DNA methylation in mouse models of medulloblastoma. CpG DNA methylation tracks from the UCSC genome browser are depicted from SmoA1, SmoA2, and MYCN (independent animals [1] and [2]) tumors, and matched normal cerebellum from each mouse strain (labeled as WTCbl_Smo and WTCbl_MYCN); the human medulloblastoma patient sample (MB) and normal human cerebellum (WT_Cbl) are also shown. The track shows the mean DNA methylation level of each CpG. Darker shades of blue correspond to higher methylation levels. The CpG island is depicted as a green rectangle, and a gene's mRNA structure (exon, thick rectangle; UTR, thin rectangle; intron, thin line; arrow, direction of transcription) is shown in blue. RRBS DNA methylation levels are shown from (A) the shared promoter CpG island of the mouse *Cbln1-Gm2694* genes and (B) the mouse *Fam83f* and human *FAM83F* genes.

Table S1. RRBS data for promoter CpG islands in human medulloblastoma compared to normal cerebellum.

Methylation status for statistically significant ($p < 1E-09$) promoter CpG islands (\pm 2kb from TSS) are shown.

Methylation status is annotated with respect to tumor compared to normal control: hyper1 = 1-32% hypermethylation; hyper2 = 33-59% hypermethylation; hyper3 = >60% hypermethylation; hypo1 = 1-32% hypomethylation; hypo2 = 33-59%

chr	start	end	gene_name	gene_id	dist	hMB.ratio	hWTCbl.ratio	pval	diff	anno
chr1	3566445	3569636	WRAP73	ENSG00000116213	-1450	0.5	0.23	1.10E-30	0.27	hyper1
chr1	110610265	110613303	ALX3	ENSG00000156150	1450	0.64	0.37	1.70E-30	0.27	hyper1
chr1	148901724	148903203	RP11-14N7.1	ENSG00000175658	720	0.45	0.23	2.80E-23	0.22	hyper1
chr1	111216244	111217937	KCNA3	ENSG00000177272	565	0.51	0.19	3.80E-22	0.32	hyper1
chr1	1167001	1168985	SDF4	ENSG00000078808	-645	0.71	0.41	3.90E-21	0.3	hyper1
chr1	9099280	9100513	SLC2A5	ENSG00000142583	58	0.71	0.39	5.70E-21	0.33	hyper1
chr1	92945907	92952609	GFI1	ENSG00000162676	253	0.39	0.2	2.30E-19	0.19	hyper1
chr1	200842196	200843388	GPR25	ENSG00000170128	709	0.62	0.37	3.80E-17	0.25	hyper1
chr1	145075483	145075845	PDE4DIP	ENSG00000178104	227	0.27	0.12	4.50E-17	0.16	hyper1
chr1	59042013	59043295	TACSTD2	ENSG00000184292	512	0.48	0.22	2.30E-16	0.26	hyper1
chr1	2136808	2137351	C1orf86	ENSG00000162585	-1758	0.67	0.39	1.70E-15	0.28	hyper1
chr1	201252452	201253648	PKP1	ENSG00000081277	470	0.97	0.69	1.80E-15	0.28	hyper1
chr1	2983925	2987962	RP1-163G9.1	ENSG00000177133	-1610	0.41	0.27	1.40E-12	0.14	hyper1
chr1	156863415	156863711	PEAR1	ENSG00000187800	73	0.72	0.4	1.70E-12	0.32	hyper1
chr1	1981251	1983212	RP11-547D24.3	ENSG00000226969	-722	0.33	0.16	7.10E-12	0.17	hyper1
chr1	12676983	12678642	DHRS3	ENSG00000162496	-75	0.47	0.26	1.50E-11	0.21	hyper1
chr1	16973485	16975045	AL137798.3	ENSG00000256048	1632	0.77	0.54	3.00E-11	0.23	hyper1
chr1	227748423	227748860	5S_rRNA	ENSG00000202264	-241	0.55	0.25	5.00E-11	0.3	hyper1
chr1	65468272	65468828	RP11-182I10.3	ENSG00000226891	-391	0.44	0.17	6.30E-11	0.27	hyper1
chr1	1242400	1245185	ACAP3	ENSG00000131584	-594	0.29	0.16	1.90E-10	0.13	hyper1
chr1	11708767	11709277	FBXO2	ENSG00000116661	1748	0.97	0.69	1.90E-10	0.28	hyper1
chr1	205600493	205601432	ELK4	ENSG00000158711	59	0.41	0.16	2.00E-10	0.25	hyper1
chr1	40769186	40769871	COL9A2	ENSG00000049089	645	0.94	0.67	7.20E-10	0.26	hyper1

chr1	1163502	1163895	SDF4	ENSG00000078808	278	1	0.76	9.90E-10	0.24	hyper1
chr10	77155128	77169600	AC010997.1	ENSG00000233745	1605	0.48	0.32	1.50E-41	0.16	hyper1
chr10	46969991	46971557	SYT15	ENSG00000204176	-290	0.43	0.17	1.30E-24	0.26	hyper1
chr10	8091374	8098329	RP11-379F12.4	ENSG00000232638	1347	0.44	0.25	1.90E-24	0.19	hyper1
chr10	16561604	16563822	C1QL3	ENSG00000165985	351	0.46	0.22	8.90E-24	0.24	hyper1
chr10	128593609	128595048	DOCK1	ENSG00000150760	350	0.55	0.24	4.00E-22	0.31	hyper1
chr10	95360389	95361387	RBP4	ENSG00000138207	-402	0.47	0.18	1.00E-19	0.29	hyper1
chr10	118030732	118034230	GFRA1	ENSG00000151892	-687	0.4	0.19	4.70E-18	0.2	hyper1
chr10	119301321	119305368	EMX2OS	ENSG00000229847	-1514	0.34	0.16	2.80E-17	0.18	hyper1
chr10	125650820	125651373	CPXM2	ENSG00000121898	178	0.62	0.29	3.30E-17	0.33	hyper1
chr10	101089010	101090655	CNNM1	ENSG00000119946	687	0.54	0.22	2.50E-16	0.32	hyper1
chr10	121410566	121411827	BAG3	ENSG00000151929	314	0.4	0.17	7.70E-15	0.23	hyper1
chr10	135341255	135342561	CYP2E1	ENSG00000130649	325	0.64	0.34	1.30E-13	0.3	hyper1
chr10	49658224	49659201	ARHGAP22	ENSG00000128805	958	0.85	0.55	3.20E-13	0.3	hyper1
chr10	35928501	35931893	FZD8	ENSG00000177283	165	0.35	0.2	5.30E-12	0.16	hyper1
chr10	75492493	75493422	RP11-574K11.20	ENSG00000235316	1375	0.9	0.69	7.20E-11	0.21	hyper1
chr10	92616820	92618034	HTR7	ENSG00000148680	1	0.35	0.17	7.30E-10	0.18	hyper1
chr11	17756056	17758286	KCNC1	ENSG00000129159	812	0.5	0.19	1.20E-40	0.31	hyper1
chr11	94276894	94278913	PIWIL4	ENSG00000134627	897	0.65	0.32	6.60E-38	0.32	hyper1
chr11	75479462	75480172	DGAT2	ENSG00000062282	241	0.22	0.07	5.80E-30	0.15	hyper1
chr11	65305935	65308502	LTBP3	ENSG00000168056	705	0.73	0.52	1.60E-22	0.22	hyper1
chr11	73073118	73073733	ARHGEF17	ENSG00000110237	-1834	0.94	0.71	1.30E-16	0.23	hyper1
chr11	32454874	32457311	WT1	ENSG00000184937	799	0.46	0.19	3.70E-16	0.27	hyper1
chr11	64136814	64138187	MIR1237	ENSG00000221273	1426	0.94	0.71	7.40E-16	0.24	hyper1
chr11	47586848	47587608	NDUFS3	ENSG00000213619	340	0.42	0.14	9.20E-15	0.28	hyper1
chr11	66623620	66626614	LRFN4	ENSG00000173621	999	0.66	0.47	1.50E-14	0.19	hyper1
chr11	6650905	6652079	RP11-732A19.6	ENSG00000255410	-342	0.97	0.81	3.30E-14	0.16	hyper1
chr11	118478235	118481896	PHLDB1	ENSG00000019144	1759	0.65	0.44	8.90E-14	0.21	hyper1
chr11	614760	616068	IRF7	ENSG00000185507	-527	0.48	0.26	1.80E-13	0.22	hyper1
chr11	55640068	55641085	RP11-738O11.13	ENSG00000254547	1437	0.66	0.39	2.00E-13	0.28	hyper1

chr11	65359292	65360328	EHBP1L1	ENSG00000173442	517	0.94	0.74	1.60E-12	0.2	hyper1
chr11	67770426	67771629	UNC93B1	ENSG00000110057	-88	0.4	0.16	3.10E-11	0.24	hyper1
chr11	19262473	19264397	E2F8	ENSG00000129173	-937	0.32	0.16	1.80E-10	0.16	hyper1
chr11	68517667	68518179	MTL5	ENSG00000132749	-190	0.79	0.51	7.20E-10	0.28	hyper1
chr11	61582573	61584728	FADS1	ENSG00000149485	-1067	0.32	0.15	7.50E-10	0.16	hyper1
chr12	6882855	6883184	LAG3	ENSG00000089692	1333	0.84	0.52	2.00E-17	0.32	hyper1
chr12	125670117	125672112	TMEM132B	ENSG00000139364	-268	0.41	0.2	4.60E-17	0.21	hyper1
chr12	30353915	30354612	RP11-776A13.1	ENSG00000257262	347	0.47	0.15	1.20E-15	0.33	hyper1
chr12	111855896	111856750	SH2B3	ENSG00000111252	410	0.98	0.8	1.70E-14	0.18	hyper1
chr12	104697348	104697984	EID3	ENSG00000255150	149	0.59	0.26	4.20E-14	0.33	hyper1
chr12	54427025	54428709	MIR615	ENSG00000207571	133	0.62	0.37	1.40E-13	0.24	hyper1
chr12	122230903	122232359	RHOF	ENSG00000139725	-365	0.42	0.2	8.20E-13	0.23	hyper1
chr12	99288222	99289374	ANKS1B	ENSG00000185046	-252	0.42	0.13	4.40E-12	0.28	hyper1
chr12	5018585	5021171	KCNA1	ENSG00000111262	805	0.42	0.24	2.00E-11	0.17	hyper1
chr12	45444202	45445386	RP11-478B9.1	ENSG00000257319	110	0.37	0.16	9.20E-11	0.21	hyper1
chr12	3186011	3186968	TSPAN9	ENSG00000011105	-32	0.43	0.15	2.00E-10	0.28	hyper1
chr12	58148888	58149781	41342	ENSG00000139266	-177	0.37	0.18	2.70E-10	0.19	hyper1
chr12	54424610	54425173	HOXC5	ENSG00000172789	-1746	0.49	0.24	4.50E-10	0.25	hyper1
chr13	37493896	37494752	SMAD9	ENSG00000120693	51	0.98	0.93	8.80E-31	0.055	hyper1
chr13	100608122	100609686	AL137139.2	ENSG00000255768	497	0.55	0.22	4.90E-22	0.33	hyper1
chr13	110434466	110440180	IRS2	ENSG00000185950	1592	0.62	0.43	5.50E-22	0.19	hyper1
chr13	112720564	112723582	SOX1	ENSG00000182968	160	0.38	0.16	1.40E-20	0.21	hyper1
chr13	25319668	25322255	IRX1P1	ENSG00000231417	1556	0.5	0.23	6.30E-17	0.27	hyper1
chr13	41238500	41241750	FOXO1	ENSG00000150907	609	0.38	0.21	2.60E-12	0.17	hyper1
chr13	114565807	114567206	GAS6	ENSG00000183087	482	0.62	0.32	5.00E-12	0.3	hyper1
chr13	51417371	51418149	DLEU7	ENSG00000186047	72	0.55	0.23	6.50E-12	0.32	hyper1
chr13	30168901	30170246	SLC7A1	ENSG00000139514	148	0.38	0.17	2.90E-11	0.21	hyper1
chr13	31480272	31481105	C13orf33	ENSG00000102802	360	0.49	0.28	5.50E-11	0.21	hyper1
chr13	53419897	53422872	PCDH8	ENSG00000136099	1256	0.29	0.17	2.00E-10	0.12	hyper1
chr14	38724254	38725537	CLEC14A	ENSG00000176435	-371	0.46	0.22	9.90E-22	0.25	hyper1

chr14	24779874	24780932	CIDEB	ENSG00000136305	173	0.53	0.24	2.50E-19	0.29	hyper1
chr14	65006874	65009197	HSPA2	ENSG00000126803	849	0.49	0.24	3.40E-19	0.25	hyper1
chr14	105714491	105716325	BTBD6	ENSG00000184887	581	0.53	0.27	7.40E-15	0.27	hyper1
chr14	89882421	89884278	FOXN3	ENSG00000053254	105	0.26	0.12	7.70E-15	0.14	hyper1
chr14	33402094	33404079	NPAS3	ENSG00000151322	-1053	0.51	0.19	5.50E-14	0.32	hyper1
chr15	89920793	89922768	AC133637.1	ENSG00000255571	507	0.88	0.58	1.70E-36	0.3	hyper1
chr15	102028860	102030608	PCSK6	ENSG00000140479	139	0.5	0.17	8.90E-26	0.32	hyper1
chr15	53080458	53083699	ONECUT1	ENSG00000169856	131	0.52	0.25	2.50E-19	0.27	hyper1
chr15	101419261	101421133	ALDH1A3	ENSG00000184254	616	0.69	0.44	1.60E-17	0.25	hyper1
chr15	41785616	41788539	ITPKA	ENSG00000137825	1018	0.6	0.4	3.00E-17	0.2	hyper1
chr15	74419870	74423044	AC010931.2	ENSG00000248540	162	0.55	0.27	1.10E-16	0.28	hyper1
chr15	81292793	81295609	MESDC1	ENSG00000140406	906	0.39	0.19	4.90E-15	0.2	hyper1
chr15	64454890	64455577	PPIB	ENSG00000166794	171	0.42	0.15	8.60E-13	0.27	hyper1
chr15	41803443	41805531	LTK	ENSG00000062524	1571	0.36	0.21	9.50E-12	0.16	hyper1
chr15	31683984	31685824	AC104759.1	ENSG00000246638	-142	0.57	0.26	2.60E-10	0.31	hyper1
chr16	67196792	67199988	HSF4	ENSG00000102878	1102	0.58	0.28	1.20E-32	0.3	hyper1
chr16	3016646	3020326	PAQR4	ENSG00000162073	-760	0.6	0.32	9.90E-32	0.28	hyper1
chr16	10273943	10277424	GRIN2A	ENSG00000183454	-1415	0.46	0.2	1.20E-31	0.26	hyper1
chr16	4664006	4666782	FAM100A	ENSG00000153443	-467	0.53	0.23	7.10E-27	0.3	hyper1
chr16	51183699	51188763	SALL1	ENSG00000103449	-1723	0.46	0.25	1.90E-21	0.21	hyper1
chr16	2157862	2162139	PKD1	ENSG00000008710	-1983	0.91	0.62	5.20E-21	0.29	hyper1
chr16	770620	772158	FAM173A	ENSG00000103254	231	0.54	0.27	1.80E-18	0.27	hyper1
chr16	55689598	55690895	SLC6A2	ENSG00000103546	-106	0.47	0.16	5.60E-16	0.31	hyper1
chr16	2028987	2030710	NOXO1	ENSG00000196408	1336	0.64	0.34	5.00E-15	0.3	hyper1
chr16	3930648	3931651	CREBBP	ENSG00000005339	-427	0.5	0.23	4.10E-13	0.28	hyper1
chr16	776636	779417	CCDC78	ENSG00000162004	-1180	0.43	0.25	7.20E-13	0.18	hyper1
chr16	324797	326177	RGS11	ENSG00000076344	-531	0.54	0.22	1.10E-12	0.31	hyper1
chr16	66612749	66613412	CMTM2	ENSG00000140932	-271	0.57	0.3	2.70E-11	0.27	hyper1
chr16	31119557	31120744	BCKDK	ENSG00000103507	535	0.51	0.28	8.10E-11	0.23	hyper1
chr16	12008880	12010114	GSPT1	ENSG00000103342	328	0.34	0.14	6.30E-10	0.21	hyper1

chr17	76354818	76357038	SOCS3	ENSG00000184557	230	0.49	0.17	1.30E-46	0.32	hyper1
chr17	59528979	59530266	TBX4	ENSG00000121075	-157	0.51	0.23	5.00E-26	0.28	hyper1
chr17	70116274	70119998	AC005152.2	ENSG00000234899	-1202	0.46	0.23	1.60E-24	0.22	hyper1
chr17	11143487	11145416	SHISA6	ENSG00000188803	-129	0.47	0.24	7.70E-23	0.22	hyper1
chr17	42082027	42084972	NAGS	ENSG00000161653	1468	0.42	0.18	1.50E-22	0.24	hyper1
chr17	58498711	58499332	C17orf64	ENSG00000141371	-82	0.46	0.18	1.80E-16	0.28	hyper1
chr17	80022655	80024178	DUS1L	ENSG00000169718	-640	0.48	0.27	5.20E-14	0.21	hyper1
chr17	45500780	45501707	CTD-2026D20.2	ENSG00000253347	-351	0.39	0.19	2.40E-12	0.21	hyper1
chr17	46627787	46628444	RP11-357H14.7	ENSG00000233101	868	0.46	0.24	2.70E-11	0.22	hyper1
chr17	48545570	48546900	ACSF2	ENSG00000167107	545	0.41	0.22	6.70E-11	0.18	hyper1
chr17	7905927	7907445	GUCY2D	ENSG00000132518	698	0.48	0.3	1.40E-10	0.18	hyper1
chr17	5403131	5404602	AC055839.1	ENSG00000170233	599	0.41	0.18	2.30E-10	0.23	hyper1
chr17	74533281	74534566	CYGB	ENSG00000161544	-141	0.35	0.15	3.20E-10	0.2	hyper1
chr17	27893086	27896078	ABHD15	ENSG00000168792	-540	0.38	0.24	4.20E-10	0.14	hyper1
chr17	20798957	20800112	CCDC144NL	ENSG00000205212	-81	0.91	0.69	6.30E-10	0.22	hyper1
chr18	77153292	77160759	NFATC1	ENSG00000131196	1253	0.37	0.24	7.10E-17	0.13	hyper1
chr18	47794450	47794996	CCDC11	ENSG00000172361	-1858	0.95	0.64	1.50E-16	0.31	hyper1
chr18	33766391	33768145	MOCOS	ENSG00000075643	-214	0.5	0.27	4.20E-15	0.22	hyper1
chr18	24126780	24131138	KCTD1	ENSG00000134504	-459	0.34	0.19	1.50E-14	0.15	hyper1
chr18	8608763	8610370	RAB12	ENSG00000206418	123	0.44	0.28	3.70E-11	0.16	hyper1
chr18	74843360	74845426	MBP	ENSG00000197971	-753	0.36	0.21	2.80E-10	0.15	hyper1
chr19	51169659	51172023	SHANK1	ENSG00000161681	-851	0.87	0.55	3.70E-54	0.32	hyper1
chr19	2424005	2427983	TIMM13	ENSG00000099800	1881	0.53	0.31	1.10E-32	0.23	hyper1
chr19	58867397	58868868	ZNF497	ENSG00000174586	404	0.91	0.66	3.80E-30	0.25	hyper1
chr19	16435202	16438064	KLF2	ENSG00000127528	982	0.57	0.33	1.20E-26	0.23	hyper1
chr19	3576628	3578314	HMG20B	ENSG00000064961	588	0.83	0.58	6.20E-26	0.24	hyper1
chr19	57175061	57176407	ZNF835	ENSG00000127903	1096	0.96	0.77	7.40E-24	0.19	hyper1
chr19	38876614	38878950	GGN	ENSG00000179168	119	0.84	0.58	3.50E-23	0.26	hyper1
chr19	56163662	56167257	U2AF2	ENSG00000063244	43	0.65	0.45	2.20E-17	0.2	hyper1
chr19	55992577	55996916	NAT14	ENSG00000090971	-1848	0.71	0.54	7.90E-15	0.16	hyper1

chr19	2226193	2228342	DOT1L	ENSG00000104885	351	0.91	0.74	3.60E-14	0.17	hyper1
chr19	41119031	41120394	LTBP4	ENSG00000090006	210	0.94	0.77	9.40E-13	0.17	hyper1
chr19	14551998	14552255	PKN1	ENSG00000123143	1054	0.93	0.61	4.00E-12	0.32	hyper1
chr19	6495192	6496225	hsa-mir-220b	ENSG00000215937	-251	0.95	0.77	1.00E-11	0.18	hyper1
chr19	1395290	1395788	AC005329.7	ENSG00000248015	927	0.83	0.53	1.10E-11	0.29	hyper1
chr19	7937049	7937615	AC010336.1	ENSG00000183248	-1235	0.94	0.62	9.70E-11	0.32	hyper1
chr19	589490	591719	HCN2	ENSG00000099822	711	0.44	0.29	1.00E-10	0.15	hyper1
chr19	46387327	46389578	IRF2BP1	ENSG00000170604	924	0.57	0.39	3.00E-10	0.17	hyper1
chr19	31839635	31843049	TSHZ3	ENSG00000121297	-911	0.3	0.18	6.10E-10	0.12	hyper1
chr19	39465846	39466403	FBXO17	ENSG00000104835	256	0.55	0.26	9.90E-10	0.29	hyper1
chr2	43451445	43454951	ZFP36L2	ENSG00000152518	550	0.53	0.21	7.60E-86	0.32	hyper1
chr2	171569877	171573904	AC007405.2	ENSG00000222033	-813	0.49	0.24	2.10E-33	0.26	hyper1
chr2	45395869	45398186	AC009236.2	ENSG00000231054	1305	0.49	0.18	6.50E-32	0.31	hyper1
chr2	65215598	65217212	SLC1A4	ENSG00000115902	794	0.46	0.2	1.40E-21	0.26	hyper1
chr2	238599857	238601430	LRRFIP1	ENSG00000124831	-145	0.53	0.24	6.30E-21	0.29	hyper1
chr2	131797362	131798088	ARHGEF4	ENSG00000136002	623	0.93	0.66	5.30E-19	0.27	hyper1
chr2	176964062	176965509	HOXD12	ENSG00000170178	327	0.53	0.21	1.10E-18	0.32	hyper1
chr2	155554005	155556069	AC061961.2	ENSG00000235949	-708	0.52	0.23	1.90E-18	0.29	hyper1
chr2	45169505	45171884	AC012354.5	ENSG00000236502	-1682	0.55	0.32	5.50E-18	0.23	hyper1
chr2	51254522	51255498	NRXN1	ENSG00000179915	-91	0.99	0.81	6.60E-18	0.18	hyper1
chr2	7571071	7571642	AC013460.1	ENSG00000229727	1302	0.88	0.62	9.50E-18	0.26	hyper1
chr2	213696349	213698050	AC093381.1	ENSG00000231254	314	0.89	0.68	2.00E-16	0.2	hyper1
chr2	114034594	114036041	PAX8	ENSG00000125618	654	0.54	0.32	4.50E-15	0.21	hyper1
chr2	42719784	42722166	KCNG3	ENSG00000171126	142	0.38	0.22	1.20E-14	0.15	hyper1
chr2	176980765	176981423	HOXD10	ENSG00000128710	-213	0.42	0.16	2.70E-14	0.26	hyper1
chr2	45240372	45241579	AC093702.1	ENSG00000231156	-168	0.58	0.3	3.30E-14	0.29	hyper1
chr2	152954633	152955784	AC079790.2	ENSG00000225214	366	0.51	0.28	5.00E-14	0.24	hyper1
chr2	45164561	45166567	AC012354.4	ENSG00000238204	774	0.56	0.27	1.10E-13	0.28	hyper1
chr2	202897386	202901046	FZD7	ENSG00000155760	-94	0.34	0.2	1.70E-13	0.14	hyper1
chr2	219866131	219868054	MIR375	ENSG00000198973	-661	0.57	0.37	3.20E-13	0.19	hyper1

chr2	39186777	39187968	ARHGEF33	ENSG00000214694	-273	0.59	0.37	3.50E-13	0.22	hyper1
chr2	227662082	227664912	IRS1	ENSG00000169047	978	0.55	0.37	1.60E-12	0.19	hyper1
chr2	112939287	112939563	FBLN7	ENSG00000144152	-35	0.9	0.56	3.30E-12	0.33	hyper1
chr2	99438297	99439884	C2orf55	ENSG00000196872	-323	0.67	0.44	3.70E-12	0.23	hyper1
chr2	175199463	175202639	SP9	ENSG00000217236	1377	0.33	0.2	1.10E-11	0.14	hyper1
chr2	118616575	118618163	HTR5BP	ENSG00000125631	366	0.57	0.42	2.00E-11	0.15	hyper1
chr2	198649751	198651599	BOLL	ENSG00000152430	-601	0.76	0.43	9.60E-11	0.32	hyper1
chr2	47596629	47597256	EPCAM	ENSG00000119888	308	0.71	0.48	3.00E-10	0.23	hyper1
chr2	231921413	231921972	PSMD1	ENSG00000173692	114	0.41	0.16	3.90E-10	0.25	hyper1
chr2	220107844	220108348	GLB1L	ENSG00000163521	-190	0.76	0.46	4.50E-10	0.3	hyper1
chr2	3750828	3751927	DCDC2C	ENSG00000214866	-76	0.4	0.24	7.30E-10	0.16	hyper1
chr2	233497826	233499727	EFHD1	ENSG00000115468	838	0.39	0.24	8.20E-10	0.16	hyper1
chr20	57224695	57226322	STX16	ENSG00000124222	-820	0.38	0.15	1.80E-25	0.22	hyper1
chr20	50417312	50419045	SALL4	ENSG00000101115	-53	0.67	0.35	2.60E-24	0.32	hyper1
chr20	58514071	58515636	PPP1R3D	ENSG00000132825	499	0.53	0.26	1.50E-21	0.27	hyper1
chr20	21485932	21496714	RP5-984P4.5	ENSG00000258197	-762	0.37	0.23	7.70E-20	0.14	hyper1
chr20	57581902	57582595	CTSZ	ENSG00000101160	-88	0.54	0.23	1.20E-16	0.32	hyper1
chr20	62368955	62371962	LIME1	ENSG00000203896	900	0.47	0.27	1.80E-16	0.2	hyper1
chr20	26188638	26190348	MIR663	ENSG00000207985	-579	0.3	0.18	1.90E-16	0.13	hyper1
chr20	36148603	36150136	BLCAP	ENSG00000166619	-664	0.8	0.46	3.00E-16	0.33	hyper1
chr20	22562736	22566104	FOXA2	ENSG00000125798	481	0.4	0.22	1.70E-14	0.18	hyper1
chr20	43378668	43379438	RP4-781B1.2	ENSG00000234194	-1398	0.92	0.69	8.30E-14	0.24	hyper1
chr20	25128764	25129610	RP4-738P15.1	ENSG00000230725	239	0.58	0.31	3.00E-13	0.27	hyper1
chr20	825267	826276	FAM110A	ENSG00000125898	486	0.65	0.38	4.40E-13	0.28	hyper1
chr20	48098512	48099560	KCNB1	ENSG00000158445	143	0.94	0.76	5.80E-12	0.19	hyper1
chr20	57766396	57767896	ZNF831	ENSG00000124203	1071	0.96	0.83	2.40E-11	0.13	hyper1
chr20	42135793	42137062	L3MBTL1	ENSG00000185513	107	0.47	0.26	2.00E-10	0.22	hyper1
chr20	61992186	61993599	CHRNA4	ENSG00000101204	-236	0.44	0.21	2.40E-10	0.23	hyper1
chr21	45660557	45663172	ICOSLG	ENSG00000160223	-1141	0.5	0.2	4.60E-23	0.29	hyper1
chr21	38377937	38379437	DSCR6	ENSG00000183145	237	0.59	0.28	4.30E-22	0.31	hyper1

chr21	45077671	45079821	HSF2BP	ENSG00000160207	-721	0.71	0.47	1.70E-13	0.25	hyper1
chr21	46236726	46238958	SUMO3	ENSG00000184900	41	0.47	0.29	3.60E-13	0.18	hyper1
chr22	20783466	20786201	SCARF2	ENSG00000244486	-620	0.52	0.21	3.20E-42	0.31	hyper1
chr22	50623164	50625226	TRABD	ENSG00000170638	-149	0.44	0.2	1.90E-22	0.23	hyper1
chr22	29467291	29467817	KREMEN1	ENSG00000183762	-1512	0.92	0.6	4.20E-20	0.33	hyper1
chr22	17600563	17602611	CECR6	ENSG00000183307	556	0.52	0.29	5.30E-18	0.22	hyper1
chr22	50737809	50738961	PLXNB2	ENSG00000196576	1506	0.47	0.21	3.50E-16	0.26	hyper1
chr22	41633520	41634842	CHADL	ENSG00000100399	1444	0.5	0.24	8.40E-16	0.26	hyper1
chr22	50636305	50636997	TRABD	ENSG00000170638	1329	0.92	0.59	2.10E-11	0.33	hyper1
chr22	21982786	21984484	YDJC	ENSG00000161179	666	0.66	0.47	2.00E-10	0.19	hyper1
chr22	29702245	29704723	GAS2L1	ENSG00000185340	912	0.4	0.2	2.40E-10	0.2	hyper1
chr22	50496441	50497393	TTLL8	ENSG00000138892	-1553	0.49	0.3	3.50E-10	0.19	hyper1
chr22	39852205	39852939	MGAT3	ENSG00000128268	-777	0.54	0.27	3.60E-10	0.26	hyper1
chr22	23522550	23524465	BCR	ENSG00000186716	955	0.49	0.32	6.90E-10	0.17	hyper1
chr22	38476836	38478839	SLC16A8	ENSG00000100156	1312	0.69	0.51	9.10E-10	0.18	hyper1
chr3	49755763	49757317	AMIGO3	ENSG00000176020	588	0.48	0.17	1.50E-27	0.31	hyper1
chr3	52567009	52568807	NT5DC2	ENSG00000168268	-361	0.67	0.38	8.90E-19	0.29	hyper1
chr3	123166218	123168567	ADCY5	ENSG00000173175	1213	0.48	0.23	6.70E-17	0.24	hyper1
chr3	138738721	138739923	PRR23B	ENSG00000184814	446	0.88	0.63	2.50E-16	0.25	hyper1
chr3	50312687	50314419	SEMA3B	ENSG0000012171	1488	0.66	0.41	6.80E-14	0.25	hyper1
chr3	16554327	16555413	RFTN1	ENSG00000131378	-459	0.38	0.18	5.80E-13	0.2	hyper1
chr3	32858194	32860506	TRIM71	ENSG00000206557	-160	0.3	0.16	1.20E-11	0.14	hyper1
chr3	48698335	48701667	CELSR3	ENSG00000008300	347	0.39	0.25	1.20E-11	0.14	hyper1
chr4	147559205	147561901	POU4F2	ENSG00000151615	508	0.47	0.16	9.60E-42	0.32	hyper1
chr4	2059928	2063181	NAT8L	ENSG00000185818	315	0.41	0.18	5.20E-31	0.23	hyper1
chr4	674843	676091	MYL5	ENSG00000215375	932	0.91	0.58	2.60E-28	0.32	hyper1
chr4	184018830	184021379	C4orf38	ENSG00000251359	248	0.37	0.2	6.90E-16	0.17	hyper1
chr4	10458129	10459353	ZNF518B	ENSG00000178163	59	0.45	0.2	1.90E-15	0.26	hyper1
chr4	122853554	122854169	TRPC3	ENSG00000138741	332	0.93	0.63	9.30E-13	0.3	hyper1
chr4	155410623	155413393	DCHS2	ENSG00000197410	478	0.4	0.23	9.70E-12	0.17	hyper1

chr5	2748368	2757024	IRX2	ENSG00000170561	-927	0.55	0.25	5.40E-108	0.3	hyper1
chr5	72415611	72416766	TMEM171	ENSG00000157111	69	0.63	0.3	1.10E-31	0.33	hyper1
chr5	176558852	176561652	NSD1	ENSG00000165671	226	0.48	0.24	2.00E-31	0.24	hyper1
chr5	178547421	178548701	ADAMTS2	ENSG00000087116	794	0.96	0.68	1.00E-25	0.28	hyper1
chr5	149546027	149546988	CDX1	ENSG00000113722	148	0.94	0.73	2.30E-25	0.2	hyper1
chr5	140208753	140209957	PCDHA6	ENSG00000081842	1705	0.95	0.68	2.80E-23	0.27	hyper1
chr5	140263085	140264154	PCDHA13	ENSG00000239389	1765	0.91	0.62	8.40E-19	0.3	hyper1
chr5	140167091	140168139	PCDHA1	ENSG00000204970	1739	0.79	0.48	4.40E-18	0.31	hyper1
chr5	133449320	133451260	TCF7	ENSG00000081059	-112	0.4	0.19	1.10E-16	0.2	hyper1
chr5	140181888	140183014	PCDHA3	ENSG00000255408	1668	0.84	0.59	1.40E-16	0.25	hyper1
chr5	140798757	140799359	PCDHGB7	ENSG00000254122	1631	0.87	0.57	3.00E-16	0.31	hyper1
chr5	140807339	140807788	PCDHGB8P	ENSG00000248449	1710	0.89	0.59	6.30E-16	0.3	hyper1
chr5	114514716	114516220	TRIM36	ENSG00000152503	266	0.6	0.39	6.30E-15	0.21	hyper1
chr5	78365298	78365711	DMGDH	ENSG00000132837	-55	0.52	0.21	1.50E-14	0.31	hyper1
chr5	140553681	140554637	PCDHB7	ENSG00000113212	1091	0.74	0.49	1.80E-12	0.25	hyper1
chr5	134374385	134376751	CTC-276P9.1	ENSG00000249082	-182	0.4	0.22	3.10E-12	0.18	hyper1
chr5	28927605	28928637	CTD-2269E23.2	ENSG00000226400	985	0.79	0.54	3.20E-12	0.26	hyper1
chr5	107005130	107008191	EFNA5	ENSG00000184349	-332	0.34	0.18	1.00E-11	0.15	hyper1
chr5	8457432	8458273	RP11-480D4.3	ENSG00000247516	246	0.44	0.2	2.40E-11	0.25	hyper1
chr5	140222122	140223108	PCDHA8	ENSG00000204962	1708	0.93	0.72	5.40E-11	0.21	hyper1
chr5	72251182	72252513	FCHO2	ENSG00000157107	39	0.31	0.12	5.90E-11	0.18	hyper1
chr5	180045789	180048897	FLT4	ENSG00000037280	-1206	0.7	0.54	6.40E-11	0.17	hyper1
chr5	9544692	9546715	SEMA5A	ENSG00000112902	484	0.37	0.19	1.20E-10	0.18	hyper1
chr5	153857038	153859113	HAND1	ENSG00000113196	-251	0.38	0.23	2.50E-10	0.16	hyper1
chr5	140305712	140307193	PCDHAC1	ENSG00000248383	150	0.36	0.21	4.00E-10	0.16	hyper1
chr5	172661486	172662228	NKX2-5	ENSG00000183072	352	0.46	0.18	4.60E-10	0.29	hyper1
chr5	140215200	140216159	PCDHA7	ENSG00000204963	1710	0.89	0.63	8.30E-10	0.25	hyper1
chr6	1604606	1615866	FOXC1	ENSG00000054598	-443	0.37	0.23	1.00E-26	0.14	hyper1
chr6	5084516	5087032	PPP1R3G	ENSG00000219607	54	0.45	0.23	1.40E-24	0.21	hyper1
chr6	137242315	137245442	SLC35D3	ENSG00000182747	476	0.56	0.35	5.40E-24	0.21	hyper1

chr6	117085739	117086942	FAM162B	ENSG00000183807	546	0.52	0.24	2.80E-22	0.28	hyper1
chr6	291948	292839	DUSP22	ENSG00000112679	296	0.5	0.25	4.00E-22	0.25	hyper1
chr6	1311068	1314220	FOXQ1	ENSG00000164379	-31	0.4	0.2	9.10E-18	0.2	hyper1
chr6	78172231	78174088	HTR1B	ENSG00000135312	331	0.51	0.21	6.90E-15	0.3	hyper1
chr6	39281135	39282215	KCNK17	ENSG00000124780	526	0.48	0.26	1.40E-14	0.22	hyper1
chr6	108485671	108490539	OSTM1	ENSG00000081087	-1061	0.47	0.31	1.30E-13	0.16	hyper1
chr6	26521947	26522579	HCG11	ENSG00000228223	187	0.51	0.18	4.40E-13	0.32	hyper1
chr6	107955163	107956693	SOBP	ENSG00000112320	670	0.39	0.21	4.90E-13	0.18	hyper1
chr6	73330942	73333109	KCNQ5	ENSG00000185760	505	0.46	0.24	1.00E-11	0.22	hyper1
chr6	16760178	16762985	RP1-151F17.1	ENSG00000229931	212	0.25	0.14	1.00E-09	0.11	hyper1
chr7	72847933	72850032	FZD9	ENSG00000188763	873	0.62	0.39	3.70E-21	0.23	hyper1
chr7	152063834	152064080	RP11-208G20.2	ENSG00000204894	-299	0.95	0.62	2.00E-20	0.33	hyper1
chr7	128470443	128471161	FLNC	ENSG00000128591	322	0.53	0.22	5.90E-20	0.32	hyper1
chr7	97361132	97363018	TAC1	ENSG00000006128	855	0.46	0.21	1.60E-17	0.26	hyper1
chr7	36007011	36008154	SEPT7P3	ENSG00000226102	1559	0.95	0.72	1.60E-15	0.23	hyper1
chr7	128809089	128809393	RP11-286H14.6	ENSG00000240685	1188	0.51	0.21	1.20E-14	0.3	hyper1
chr7	49813008	49815752	VWC2	ENSG00000188730	1123	0.26	0.16	1.60E-14	0.11	hyper1
chr7	48128727	48129961	UPP1	ENSG00000183696	520	0.39	0.23	9.10E-12	0.16	hyper1
chr7	63250057	63250948	CTD-2526L21.3	ENSG00000227397	215	0.6	0.43	1.90E-11	0.18	hyper1
chr7	27225050	27225629	HOXA11-AS1	ENSG00000240990	186	0.46	0.18	4.00E-11	0.28	hyper1
chr7	103086344	103086840	SLC26A5	ENSG00000170615	6	0.35	0.15	6.50E-11	0.2	hyper1
chr7	533426	534109	AC147651.1	ENSG00000234471	1988	0.94	0.78	2.10E-10	0.17	hyper1
chr7	29605827	29606290	PRR15	ENSG00000176532	992	0.52	0.25	3.70E-10	0.27	hyper1
chr8	37551944	37555922	ZNF703	ENSG00000183779	664	0.68	0.36	4.90E-39	0.32	hyper1
chr8	61590807	61593180	CHD7	ENSG00000171316	656	0.4	0.15	2.70E-18	0.25	hyper1
chr8	145751955	145756326	LRRC24	ENSG00000254402	-1738	0.69	0.46	6.90E-18	0.23	hyper1
chr8	143531118	143534495	BAI1	ENSG00000181790	1766	0.42	0.21	1.20E-16	0.2	hyper1
chr8	141520869	141522460	CHRAC1	ENSG00000104472	267	0.37	0.15	3.70E-15	0.22	hyper1
chr8	144815203	144816518	FAM83H	ENSG00000180921	111	0.44	0.14	5.00E-15	0.3	hyper1
chr8	55014024	55014681	LYPLA1	ENSG00000120992	-257	0.48	0.15	1.10E-13	0.33	hyper1

chr8	494155	496083	C8orf42	ENSG00000180190	-282	0.4	0.17	3.40E-13	0.24	hyper1
chr8	97172634	97173880	GDF6	ENSG00000156466	-310	0.41	0.19	1.40E-12	0.22	hyper1
chr8	144679237	144681851	EEF1D	ENSG00000104529	-1269	0.41	0.22	3.70E-12	0.19	hyper1
chr8	9008058	9009353	PPP1R3B	ENSG00000173281	-499	0.43	0.18	4.40E-12	0.26	hyper1
chr8	26721642	26724566	ADRA1A	ENSG00000120907	-611	0.52	0.27	1.50E-11	0.25	hyper1
chr8	37822486	37824008	ADRB3	ENSG00000188778	15	0.41	0.17	2.50E-11	0.23	hyper1
chr8	145725460	145726707	CTD-2517M14.5	ENSG00000248411	-420	0.86	0.6	4.70E-11	0.26	hyper1
chr8	86089201	86090287	E2F5	ENSG00000133740	284	0.44	0.15	5.30E-11	0.29	hyper1
chr8	144808221	144810978	FAM83H	ENSG00000180921	1211	0.56	0.41	5.30E-11	0.15	hyper1
chr8	143694430	143696166	ARC	ENSG00000198576	535	0.5	0.26	7.20E-11	0.24	hyper1
chr8	142401533	142402494	PTP4A3	ENSG00000184489	-80	0.51	0.18	8.80E-11	0.33	hyper1
chr8	104510870	104513913	RP11-1C8.4	ENSG00000253477	-943	0.32	0.16	4.60E-10	0.16	hyper1
chr9	139835416	139839440	FBXW5	ENSG00000159069	-308	0.66	0.37	9.20E-25	0.29	hyper1
chr9	139947906	139948937	ENTPD2	ENSG00000054179	28	0.47	0.21	1.30E-22	0.26	hyper1
chr9	34370773	34372902	KIAA1161	ENSG00000164976	993	0.93	0.73	1.80E-20	0.19	hyper1
chr9	139971499	139973965	UAP1L1	ENSG00000197355	779	0.4	0.22	2.00E-19	0.19	hyper1
chr9	93563775	93564546	SYK	ENSG00000165025	91	0.45	0.17	3.30E-16	0.28	hyper1
chr9	140771300	140773513	CACNA1B	ENSG00000148408	165	0.38	0.21	4.90E-15	0.18	hyper1
chr9	100849699	100850392	TRIM14	ENSG00000106785	238	0.65	0.39	1.20E-11	0.26	hyper1
chr9	139257842	139259075	DNLZ	ENSG00000213221	-287	0.49	0.27	6.00E-11	0.23	hyper1
chr9	136038416	136039577	GBGT1	ENSG00000148288	286	0.44	0.22	9.80E-11	0.21	hyper1
chr9	139377110	139379174	C9orf163	ENSG00000196366	195	0.3	0.13	1.40E-10	0.17	hyper1
chr9	131154346	131155923	MIR219-2	ENSG00000207955	-141	0.71	0.54	1.60E-10	0.18	hyper1
chr1	228399471	228402037	C1orf145	ENSG00000162913	593	0.78	0.3	4.90E-44	0.48	hyper2
chr1	201368560	201369032	LAD1	ENSG00000159166	-120	0.91	0.32	9.10E-36	0.59	hyper2
chr1	1289707	1291126	MXRA8	ENSG00000162576	-562	0.67	0.32	4.80E-33	0.35	hyper2
chr1	209404845	209405473	RP11-385M4.3	ENSG00000224540	-382	0.7	0.33	6.20E-24	0.37	hyper2
chr1	32226146	32226535	BAI2	ENSG00000121753	287	0.82	0.26	1.10E-23	0.56	hyper2
chr1	26737246	26738148	LIN28A	ENSG00000131914	428	0.62	0.22	1.60E-21	0.4	hyper2
chr1	67600390	67600715	C1orf141	ENSG00000203963	87	0.8	0.26	6.10E-20	0.53	hyper2

chr1	223316185	223316689	TLR5	ENSG00000187554	143	0.69	0.18	2.60E-19	0.5	hyper2
chr1	209979316	209979666	IRF6	ENSG00000117595	-102	0.78	0.29	5.80E-19	0.48	hyper2
chr1	84326267	84326838	RP11-475O6.1	ENSG00000233008	74	0.98	0.46	9.00E-19	0.52	hyper2
chr1	221050448	221050864	HLX	ENSG00000136630	-1043	0.96	0.39	3.70E-18	0.57	hyper2
chr1	182921819	182922644	SHCBP1L	ENSG00000157060	-347	0.88	0.52	2.80E-17	0.36	hyper2
chr1	87597543	87598515	HS2ST1	ENSG00000153936	391	0.86	0.51	7.30E-17	0.35	hyper2
chr1	52195028	52195821	OSBPL9	ENSG00000117859	152	0.68	0.28	6.30E-16	0.39	hyper2
chr1	161993022	161994131	OLFML2B	ENSG00000162745	-146	0.46	0.11	7.30E-16	0.35	hyper2
chr1	10764449	10764925	CASZ1	ENSG00000130940	945	0.98	0.56	2.20E-14	0.43	hyper2
chr1	55271665	55271972	C1orf177	ENSG00000162398	82	0.83	0.4	2.70E-14	0.43	hyper2
chr1	161008377	161008830	TSTD1	ENSG00000215845	-84	0.87	0.43	5.80E-13	0.43	hyper2
chr1	16163752	16164123	RP11-169K16.9	ENSG00000179743	-1582	0.98	0.64	1.10E-11	0.34	hyper2
chr1	120439013	120439220	ADAM30	ENSG00000134249	2	0.91	0.31	2.70E-11	0.6	hyper2
chr1	2063782	2064052	PRKCZ	ENSG00000067606	-1160	0.77	0.18	5.30E-11	0.59	hyper2
chr1	151966567	151966387	S100A10	ENSG00000197747	278	0.81	0.25	7.70E-11	0.56	hyper2
chr1	1153784	1154419	SDF4	ENSG00000078808	1572	0.92	0.51	8.10E-11	0.41	hyper2
chr1	17445651	17446088	PADI2	ENSG00000117115	61	0.63	0.14	1.20E-10	0.49	hyper2
chr10	88702315	88703322	MMRN2	ENSG00000173269	1510	0.83	0.34	6.40E-48	0.49	hyper2
chr10	81002109	81003687	ZMIZ1	ENSG00000108175	-528	0.56	0.22	1.20E-33	0.34	hyper2
chr10	127462230	127462987	MMP21	ENSG00000154485	1782	0.9	0.53	3.10E-33	0.37	hyper2
chr10	102996034	102996646	RP11-107I14.1	ENSG00000227128	515	0.9	0.37	2.20E-32	0.52	hyper2
chr10	94451329	94451737	HHEX	ENSG00000152804	-79	0.9	0.51	2.40E-23	0.4	hyper2
chr10	121577529	121578385	INPP5F	ENSG00000198825	-271	0.86	0.52	7.60E-16	0.34	hyper2
chr10	5882303	5882635	GDI2	ENSG00000057608	1626	0.75	0.34	5.60E-12	0.41	hyper2
chr10	126715728	126715929	CTBP2	ENSG00000175029	631	0.86	0.29	6.50E-12	0.57	hyper2
chr10	102899822	102900263	RP11-31L23.3	ENSG00000226740	-574	0.61	0.27	3.60E-11	0.35	hyper2
chr10	134977930	134978148	KNDC1	ENSG00000171798	348	0.84	0.3	4.20E-11	0.54	hyper2
chr10	134913543	134914039	GPR123	ENSG00000197177	-1959	0.82	0.39	5.40E-11	0.43	hyper2
chr11	65352231	65353134	EHBP1L1	ENSG00000173442	916	0.89	0.36	1.20E-80	0.53	hyper2
chr11	66885275	66887330	KDM2A	ENSG00000173120	-438	0.64	0.19	2.40E-55	0.45	hyper2

chr11	94883647	94884811	RP11-712B9.2	ENSG00000245552	526	0.84	0.26	5.60E-43	0.58	hyper2
chr11	823556	824878	PNPLA2	ENSG00000177666	569	0.84	0.35	1.60E-40	0.49	hyper2
chr11	31825743	31826967	PAX6	ENSG00000007372	-188	0.72	0.24	3.10E-38	0.49	hyper2
chr11	77907211	77908088	USP35	ENSG00000118369	-194	0.98	0.42	1.60E-32	0.56	hyper2
chr11	315739	316539	IFITM1	ENSG00000185885	1721	0.76	0.29	2.20E-31	0.48	hyper2
chr11	65409636	65410127	SIPA1	ENSG00000213445	292	0.79	0.29	2.20E-29	0.5	hyper2
chr11	943737	944142	AP2A2	ENSG00000183020	839	0.98	0.44	2.40E-28	0.54	hyper2
chr11	67887977	67889768	CHKA	ENSG00000110721	-577	0.54	0.16	3.60E-26	0.38	hyper2
chr11	7694711	7695685	CYB5R2	ENSG00000166394	-469	0.57	0.2	7.50E-26	0.37	hyper2
chr11	62314761	62315054	AHNAK	ENSG00000124942	-600	0.95	0.38	7.80E-26	0.57	hyper2
chr11	504189	504659	RNH1	ENSG00000023191	128	0.77	0.24	1.10E-25	0.53	hyper2
chr11	65313843	65314455	LTBP3	ENSG00000168056	81	0.72	0.31	1.20E-24	0.41	hyper2
chr11	45923980	45924727	MAPK8IP1	ENSG00000121653	869	0.91	0.36	5.10E-22	0.56	hyper2
chr11	62455073	62455868	LRRN4CL	ENSG00000177363	1901	0.84	0.28	1.00E-20	0.56	hyper2
chr11	124628367	124629590	RP11-677M14.3	ENSG00000250073	-47	0.8	0.34	8.90E-20	0.45	hyper2
chr11	72301302	72301746	PDE2A	ENSG00000186642	-61	0.96	0.46	1.20E-18	0.5	hyper2
chr11	60718428	60718888	SLC15A3	ENSG00000110446	460	0.8	0.29	1.50E-17	0.51	hyper2
chr11	65685100	65685364	C11orf68	ENSG00000175573	599	0.7	0.14	2.10E-17	0.57	hyper2
chr11	18477298	18477756	LDHAL6A	ENSG00000166800	156	0.92	0.48	7.80E-17	0.44	hyper2
chr11	67232298	67232558	TMEM134	ENSG00000172663	151	0.82	0.22	1.70E-16	0.6	hyper2
chr11	94883335	94883565	RP11-712B9.2	ENSG00000245552	-253	0.98	0.43	2.50E-16	0.55	hyper2
chr11	17565766	17566052	USH1C	ENSG00000006611	-55	0.61	0.19	4.40E-16	0.41	hyper2
chr11	858575	858932	RP11-1391J7.1	ENSG00000250397	1042	0.5	0.15	1.80E-15	0.36	hyper2
chr11	113258443	113258821	ANKK1	ENSG00000170209	119	0.97	0.46	1.90E-15	0.51	hyper2
chr11	18230619	18230906	RP11-113D6.10	ENSG00000189332	77	0.76	0.36	6.00E-15	0.4	hyper2
chr11	65190824	65191058	NEAT1	ENSG00000245532	672	0.99	0.44	1.10E-12	0.55	hyper2
chr11	1470033	1470388	BRSK2	ENSG00000174672	-1705	0.71	0.35	2.30E-11	0.36	hyper2
chr11	64621207	64622246	EHD1	ENSG00000110047	841	0.89	0.53	3.70E-10	0.36	hyper2
chr12	29302034	29302954	FAR2	ENSG00000064763	458	0.8	0.21	7.70E-61	0.59	hyper2
chr12	50354839	50356163	AQP5	ENSG00000161798	-152	0.85	0.38	1.60E-53	0.47	hyper2

chr12	114845861	114847650	RP11-385N17.1	ENSG00000255399	759	0.81	0.24	2.70E-52	0.57	hyper2
chr12	1905277	1906765	CACNA2D4	ENSG00000151062	668	0.82	0.45	4.00E-35	0.37	hyper2
chr12	49658246	49659175	RP11-977B10.2	ENSG00000258101	-171	0.91	0.4	3.50E-31	0.51	hyper2
chr12	120031494	120033212	TMEM233	ENSG00000224982	634	0.57	0.18	2.00E-30	0.39	hyper2
chr12	752208	752655	RP11-218M22.1	ENSG00000177406	284	0.62	0.13	2.00E-23	0.48	hyper2
chr12	113908887	113910681	RP11-82C23.2	ENSG00000257935	-24	0.72	0.31	6.90E-23	0.41	hyper2
chr12	110271000	110271582	TRPV4	ENSG00000111199	-85	0.87	0.43	7.20E-23	0.44	hyper2
chr12	122016170	122017693	KDM2B	ENSG00000089094	441	0.58	0.21	1.30E-19	0.37	hyper2
chr12	6438272	6438931	TNFRSF1A	ENSG00000067182	1712	0.9	0.5	2.60E-19	0.39	hyper2
chr12	58021294	58022037	B4GALNT1	ENSG00000135454	847	0.79	0.34	1.30E-14	0.45	hyper2
chr12	8025364	8025908	SLC2A14	ENSG00000173262	-238	0.61	0.27	2.40E-14	0.35	hyper2
chr12	6492889	6493522	LTBR	ENSG00000111321	6	0.9	0.52	4.00E-14	0.38	hyper2
chr12	104609397	104610172	TXNRD1	ENSG00000198431	227	0.84	0.44	3.00E-13	0.41	hyper2
chr12	39299248	39299629	CPNE8	ENSG00000139117	-5	0.95	0.37	7.90E-13	0.58	hyper2
chr12	64215499	64215990	RP11-415I12.6	ENSG00000255642	-57	0.78	0.31	2.10E-11	0.48	hyper2
chr12	115173614	115174822	SNORA27	ENSG00000252459	-1291	0.61	0.25	3.30E-11	0.36	hyper2
chr13	58206526	58208930	PCDH17	ENSG00000118946	1073	0.6	0.2	1.50E-42	0.4	hyper2
chr13	96293606	96294603	DZIP1	ENSG00000134874	179	0.8	0.25	4.80E-31	0.55	hyper2
chr13	33923930	33924781	RP11-141M1.4	ENSG00000233001	406	0.7	0.18	5.00E-26	0.51	hyper2
chr13	50697984	50702286	DLEU2	ENSG00000231607	-279	0.65	0.3	2.60E-25	0.35	hyper2
chr13	50070022	50070719	PHF11	ENSG00000136147	273	0.7	0.19	1.50E-20	0.52	hyper2
chr13	113783886	113784702	KARSP2	ENSG00000230371	-436	0.77	0.39	3.40E-13	0.38	hyper2
chr13	19183083	19183959	LONRF2P2	ENSG00000233905	249	0.93	0.39	3.40E-10	0.54	hyper2
chr14	61746804	61748141	TMEM30B	ENSG00000182107	487	0.51	0.15	1.20E-50	0.36	hyper2
chr14	105944421	105945700	CRIP2	ENSG00000182809	131	0.83	0.38	6.30E-47	0.45	hyper2
chr14	59930634	59932251	GPR135	ENSG00000181619	554	0.53	0.19	3.40E-46	0.34	hyper2
chr14	104394529	104395234	TDRD9	ENSG00000156414	82	0.83	0.46	6.60E-30	0.36	hyper2
chr14	96180256	96180848	TCL1A	ENSG00000100721	-19	0.87	0.47	2.40E-24	0.4	hyper2
chr14	101290523	101290868	MEG3	ENSG00000214548	-1760	0.88	0.39	8.80E-21	0.49	hyper2
chr14	104552012	104552478	ASPG	ENSG00000166183	229	0.82	0.42	4.80E-20	0.41	hyper2

chr14	37052537	37052838	NKX2-8	ENSG00000136327	-875	0.78	0.22	9.60E-11	0.55	hyper2
chr15	40573628	40576118	ANKRD63	ENSG00000230778	-86	0.63	0.28	1.00E-34	0.35	hyper2
chr15	44068586	44069792	ELL3	ENSG00000128886	-551	0.65	0.16	1.20E-34	0.49	hyper2
chr15	40544352	40545512	C15orf56	ENSG00000176753	178	0.58	0.18	1.00E-31	0.41	hyper2
chr15	69325339	69325617	NOX5	ENSG00000255346	1345	0.97	0.38	1.10E-18	0.59	hyper2
chr15	101084428	101085178	LASS3	ENSG00000154227	-327	0.9	0.46	1.40E-18	0.44	hyper2
chr15	69323959	69324232	NOX5	ENSG00000255346	-38	0.81	0.28	1.30E-13	0.53	hyper2
chr15	54051655	54052004	WDR72	ENSG00000166415	30	0.57	0.16	1.30E-11	0.41	hyper2
chr16	2139803	2142170	MIR1225	ENSG00000221656	-701	0.9	0.43	2.40E-64	0.47	hyper2
chr16	19894965	19897156	GPRC5B	ENSG00000167191	179	0.71	0.23	2.80E-39	0.48	hyper2
chr16	4164808	4166258	ADCY9	ENSG00000162104	653	0.86	0.39	6.10E-34	0.48	hyper2
chr16	56659107	56659660	MT1E	ENSG00000169715	-4	0.64	0.15	2.90E-27	0.49	hyper2
chr16	90088915	90089413	GAS8	ENSG00000141013	156	0.63	0.19	7.00E-26	0.45	hyper2
chr16	67233032	67233862	ELMO3	ENSG00000102890	35	0.81	0.39	5.80E-23	0.42	hyper2
chr16	75528624	75529437	CHST6	ENSG00000183196	-104	0.85	0.38	3.50E-17	0.47	hyper2
chr16	48399730	48400040	SIAH1	ENSG00000196470	-73	0.8	0.27	8.30E-13	0.53	hyper2
chr16	12897365	12897889	CPPED1	ENSG00000103381	74	0.45	0.11	6.80E-12	0.34	hyper2
chr16	2546264	2547039	TBC1D24	ENSG00000162065	555	0.88	0.49	9.10E-11	0.39	hyper2
chr16	230301	231761	HBQ1	ENSG00000086506	579	0.49	0.16	1.70E-10	0.34	hyper2
chr16	30485382	30485721	ITGAL	ENSG00000005844	1479	0.74	0.36	2.30E-10	0.38	hyper2
chr17	59473060	59483266	TBX2	ENSG00000121068	906	0.62	0.26	4.30E-142	0.36	hyper2
chr17	79485599	79486913	RP13-766D20.2	ENSG00000229848	190	0.81	0.23	9.80E-96	0.58	hyper2
chr17	29885900	29887377	MIR193A	ENSG00000207614	-377	0.69	0.16	2.30E-87	0.54	hyper2
chr17	70112824	70114271	AC005152.2	ENSG00000234899	-1390	0.95	0.35	3.00E-73	0.6	hyper2
chr17	59531723	59535254	TBX4	ENSG00000121075	-319	0.81	0.41	2.90E-52	0.41	hyper2
chr17	7758607	7758980	TMEM88	ENSG00000167874	409	0.94	0.38	1.30E-32	0.56	hyper2
chr17	42634829	42636851	FZD2	ENSG00000180340	915	0.68	0.26	1.50E-28	0.43	hyper2
chr17	42392323	42393079	AC003102.3	ENSG00000225445	-18	0.93	0.42	4.30E-24	0.52	hyper2
chr17	53638662	53638964	AC007638.2	ENSG00000236319	-361	0.96	0.38	1.00E-21	0.58	hyper2
chr17	80708192	80708528	TBCD	ENSG00000141556	-1580	0.99	0.54	3.20E-18	0.44	hyper2

chr17	70111979	70112308	AC005152.2	ENSG00000234899	14	0.96	0.55	1.70E-17	0.41	hyper2
chr17	20744130	20744846	FAM108A7P	ENSG00000226981	128	0.74	0.39	1.50E-14	0.35	hyper2
chr17	7832532	7833164	KCNAB3	ENSG00000170049	-95	0.75	0.32	6.10E-14	0.44	hyper2
chr17	37856448	37856891	ERBB2	ENSG00000141736	415	0.51	0.17	1.50E-13	0.34	hyper2
chr17	38333605	38334795	RAPGEFL1	ENSG00000108352	452	0.6	0.26	1.70E-13	0.34	hyper2
chr17	1509882	1510101	SLC43A2	ENSG00000167703	-1780	0.76	0.29	5.80E-11	0.47	hyper2
chr17	3289362	3290072	AC087498.1	ENSG00000180042	493	0.67	0.27	5.90E-11	0.41	hyper2
chr17	46802790	46803076	HOXB13-AS1	ENSG00000229637	1879	0.82	0.27	7.20E-11	0.55	hyper2
chr18	5890292	5891682	TMEM200C	ENSG00000206432	1116	0.95	0.6	2.40E-56	0.35	hyper2
chr18	52626517	52626849	CCDC68	ENSG00000166510	56	0.95	0.35	6.80E-27	0.6	hyper2
chr18	74799144	74800038	MBP	ENSG00000197971	-26	0.92	0.52	3.90E-25	0.4	hyper2
chr19	19624954	19627258	NDUFA13	ENSG00000186010	-490	0.78	0.44	1.30E-57	0.34	hyper2
chr19	38039561	38040395	AC022148.1	ENSG00000180458	95	0.97	0.43	2.60E-39	0.54	hyper2
chr19	48047796	48049162	ZNF541	ENSG00000118156	78	0.81	0.44	2.40E-36	0.37	hyper2
chr19	46282544	46283127	DMPK	ENSG00000104936	482	0.87	0.38	2.60E-32	0.49	hyper2
chr19	41316543	41317318	CYP2T2P	ENSG00000233622	365	0.69	0.14	1.60E-28	0.55	hyper2
chr19	13983596	13984152	MIR181C	ENSG00000207613	-1639	0.87	0.36	8.40E-25	0.5	hyper2
chr19	1387527	1388009	NDUFS7	ENSG00000115286	24	0.92	0.34	1.40E-24	0.57	hyper2
chr19	36642327	36643585	COX7A1	ENSG00000161281	-47	0.92	0.4	5.50E-20	0.52	hyper2
chr19	8273530	8273920	LASS4	ENSG00000090661	-503	0.63	0.23	2.10E-17	0.39	hyper2
chr19	36484904	36485476	SDHAF1	ENSG00000205138	-900	0.79	0.3	6.80E-17	0.49	hyper2
chr19	17000627	17001398	F2RL3	ENSG00000127533	1186	0.95	0.49	2.20E-15	0.46	hyper2
chr19	1924512	1924775	AC012615.1	ENSG00000198683	-542	0.75	0.29	7.30E-15	0.47	hyper2
chr19	1360038	1360347	MUM1	ENSG00000160953	67	0.97	0.53	1.30E-14	0.44	hyper2
chr19	1953778	1954023	C19orf34	ENSG00000180846	648	0.98	0.45	2.70E-14	0.52	hyper2
chr19	2046074	2046437	MKNK2	ENSG00000099875	437	0.94	0.55	8.00E-13	0.39	hyper2
chr19	46806998	46807617	HIF3A	ENSG00000124440	201	0.84	0.48	2.10E-10	0.36	hyper2
chr2	74740455	74743795	TLX2	ENSG00000115297	1535	0.59	0.2	1.20E-67	0.39	hyper2
chr2	25427101	25427577	AC012457.2	ENSG00000230452	157	0.89	0.29	2.90E-45	0.6	hyper2
chr2	108602824	108603467	SLC5A7	ENSG00000115665	166	0.7	0.13	2.30E-44	0.57	hyper2

chr2	24397645	24398194	AC008073.7	ENSG00000232642	-267	0.8	0.3	4.60E-44	0.49	hyper2
chr2	26407422	26408253	FAM59B	ENSG00000157833	-264	0.93	0.58	4.90E-38	0.35	hyper2
chr2	157185557	157186355	NR4A2	ENSG00000153234	677	0.9	0.52	4.80E-33	0.38	hyper2
chr2	74875128	74875562	C2orf65	ENSG00000159374	-181	0.88	0.38	5.50E-28	0.5	hyper2
chr2	45179364	45180394	AC012354.6	ENSG00000225156	-1924	0.69	0.27	5.10E-27	0.41	hyper2
chr2	133426652	133428870	LYPD1	ENSG00000150551	-81	0.58	0.23	2.40E-26	0.35	hyper2
chr2	119599458	119600966	EN1	ENSG00000163064	1716	0.75	0.35	2.90E-24	0.4	hyper2
chr2	113190115	113191274	RGPD8	ENSG00000169629	402	0.83	0.28	3.40E-21	0.56	hyper2
chr2	73151200	73152060	EMX1	ENSG00000135638	513	0.76	0.38	7.30E-21	0.38	hyper2
chr2	20068428	20068907	AC013400.2	ENSG00000228784	46	0.83	0.39	1.20E-20	0.44	hyper2
chr2	21266669	21266961	APOB	ENSG00000084674	2	0.87	0.27	8.30E-19	0.6	hyper2
chr2	98340397	98340959	ZAP70	ENSG00000115085	-246	0.97	0.61	2.40E-15	0.36	hyper2
chr2	55450616	55450931	AC012358.4	ENSG00000227799	-643	0.54	0.2	5.80E-15	0.34	hyper2
chr2	48844751	48844985	GTF2A1L	ENSG00000242441	-69	0.95	0.58	1.40E-12	0.37	hyper2
chr2	132558959	132559614	C2orf27B	ENSG00000186825	-52	0.66	0.3	1.90E-12	0.36	hyper2
chr2	177014948	177015214	MIR10B	ENSG00000207744	50	0.84	0.28	2.10E-12	0.56	hyper2
chr2	27305312	27305612	EMILIN1	ENSG00000138080	-1001	0.69	0.23	3.20E-12	0.46	hyper2
chr2	114256775	114258043	FOXD4L1	ENSG00000184492	748	0.86	0.42	3.20E-11	0.44	hyper2
chr2	131009569	131010185	AC068137.2	ENSG00000236595	736	0.7	0.25	3.30E-10	0.45	hyper2
chr20	2729997	2730797	EBF4	ENSG00000088881	-1940	0.79	0.2	1.10E-64	0.59	hyper2
chr20	62462511	62464091	ZBTB46	ENSG00000130584	-734	0.82	0.33	1.50E-54	0.5	hyper2
chr20	57267527	57268420	NPEPL1	ENSG00000215440	304	0.78	0.29	5.80E-42	0.49	hyper2
chr20	57089460	57090237	APCDD1L	ENSG00000198768	105	0.7	0.15	8.10E-34	0.56	hyper2
chr20	42543097	42545137	TOX2	ENSG00000124191	625	0.63	0.25	2.30E-33	0.38	hyper2
chr20	55964272	55964656	RBM38	ENSG00000132819	-1999	0.73	0.28	7.30E-25	0.46	hyper2
chr20	62421090	62422384	ZBTB46	ENSG00000130584	-525	0.92	0.55	6.90E-22	0.37	hyper2
chr20	42143210	42143591	L3MBTL1	ENSG00000185513	52	0.84	0.37	1.40E-14	0.46	hyper2
chr20	821674	822500	AL118502.1	ENSG00000101278	-1467	0.87	0.32	1.00E-13	0.56	hyper2
chr20	34022007	34022502	GDF5OS	ENSG00000204183	1427	0.97	0.44	8.20E-11	0.52	hyper2
chr21	34395128	34400245	OLIG2	ENSG00000205927	-467	0.64	0.21	9.30E-45	0.42	hyper2

chr21	28337856	28340237	ADAMTS5	ENSG00000154736	-214	0.53	0.16	1.80E-43	0.38	hyper2
chr21	45705428	45706044	AIRE	ENSG00000160224	15	0.76	0.34	3.70E-20	0.42	hyper2
chr21	34143453	34144141	GCFC1	ENSG00000159086	182	0.51	0.12	1.70E-15	0.39	hyper2
chr22	50727441	50728654	PLXNB2	ENSG00000196576	-57	0.9	0.34	2.00E-56	0.56	hyper2
chr22	50718979	50721884	PLXNB2	ENSG00000196576	-1024	0.9	0.49	1.10E-55	0.41	hyper2
chr22	20228961	20230275	RTN4R	ENSG00000040608	1589	0.97	0.38	5.40E-54	0.59	hyper2
chr22	40390484	40391490	FAM83F	ENSG00000133477	34	0.86	0.37	3.20E-51	0.49	hyper2
chr22	24890412	24891453	C22orf45	ENSG00000178803	-169	0.95	0.39	3.20E-48	0.56	hyper2
chr22	24180491	24181666	DERL3	ENSG00000099958	113	0.86	0.27	1.50E-32	0.59	hyper2
chr22	42470035	42470669	FAM109B	ENSG00000177096	97	0.79	0.37	9.40E-31	0.42	hyper2
chr22	21821571	21824125	TMEM191C	ENSG00000206140	1168	0.93	0.36	7.70E-29	0.57	hyper2
chr22	23605241	23605566	U07000.1	ENSG00000230701	80	0.94	0.52	1.30E-14	0.43	hyper2
chr22	43265990	43266283	ARFGAP3	ENSG00000242247	1293	0.88	0.44	3.20E-14	0.44	hyper2
chr22	44892393	44894049	LDOC1L	ENSG00000188636	957	0.66	0.32	3.40E-12	0.34	hyper2
chr22	24224650	24225047	AP000350.10	ENSG00000251357	202	0.78	0.26	5.80E-12	0.51	hyper2
chr3	71802560	71804209	EIF4E3	ENSG00000163412	-609	0.52	0.14	1.70E-57	0.38	hyper2
chr3	149374709	149376300	RP11-255N4.2	ENSG00000241313	697	0.64	0.2	3.50E-41	0.44	hyper2
chr3	47619112	47621131	CSPG5	ENSG00000114646	-498	0.59	0.2	1.20E-36	0.39	hyper2
chr3	131100341	131101151	NUDT16	ENSG00000198585	231	0.78	0.22	3.90E-36	0.56	hyper2
chr3	158449795	158450597	MFSD1	ENSG00000118855	209	0.59	0.2	8.30E-31	0.39	hyper2
chr3	139396338	139396882	NMNAT3	ENSG00000163864	-50	0.7	0.19	5.80E-28	0.51	hyper2
chr3	42727084	42727916	KBTBD5	ENSG00000157119	471	0.82	0.37	2.40E-27	0.44	hyper2
chr3	46037013	46037473	FYCO1	ENSG00000163820	64	0.73	0.16	1.40E-22	0.57	hyper2
chr3	50402103	50402942	CACNA2D2	ENSG00000007402	691	0.92	0.54	2.80E-18	0.38	hyper2
chr3	113160299	113160641	WDR52	ENSG00000206530	-110	0.97	0.6	5.10E-15	0.37	hyper2
chr3	11610137	11610370	VGLL4	ENSG00000144560	145	0.97	0.45	2.10E-14	0.52	hyper2
chr3	62356119	62356378	RP11-204J18.3	ENSG00000241472	-1243	0.96	0.39	2.80E-12	0.57	hyper2
chr3	98376316	98376542	RP11-569H14.1	ENSG00000244153	-217	0.74	0.25	8.90E-12	0.49	hyper2
chr3	46853727	46854138	PRSS45	ENSG00000188086	116	0.56	0.19	6.70E-11	0.37	hyper2
chr3	184971641	184972002	EHHADH	ENSG00000113790	-2	0.58	0.2	1.60E-10	0.38	hyper2

chr3	196693765	196694200	PIGZ	ENSG00000119227	1722	0.97	0.54	7.40E-10	0.43	hyper2
chr3	32861141	32861429	TRIM71	ENSG00000206557	1775	0.88	0.3	7.50E-10	0.59	hyper2
chr4	982814	984189	SLC26A1	ENSG00000145217	1482	0.94	0.47	1.80E-64	0.48	hyper2
chr4	183063396	183066370	AC108142.1	ENSG00000177822	46	0.55	0.21	1.70E-52	0.34	hyper2
chr4	81109887	81110460	RP11-377G16.2	ENSG00000248719	1150	0.94	0.36	6.10E-39	0.58	hyper2
chr4	155702340	155703328	RBM46	ENSG00000151962	469	0.84	0.44	2.10E-37	0.4	hyper2
chr4	151500763	151501299	RP11-1336O20.2	ENSG00000249690	790	0.97	0.49	2.10E-33	0.49	hyper2
chr4	174448333	174448845	RP11-471J12.1	ENSG00000237125	168	0.87	0.35	4.70E-26	0.52	hyper2
chr4	2366421	2367092	ZFYVE28	ENSG00000159733	-225	0.98	0.44	4.30E-25	0.54	hyper2
chr4	40631740	40632587	RBM47	ENSG00000163694	-282	0.52	0.16	1.10E-17	0.35	hyper2
chr4	206377	206892	ZNF876P	ENSG00000198155	235	0.72	0.27	1.80E-15	0.45	hyper2
chr4	110222970	110224257	COL25A1	ENSG00000188517	-438	0.52	0.18	1.00E-14	0.35	hyper2
chr4	4859632	4860191	MSX1	ENSG00000163132	-1482	0.95	0.47	3.50E-14	0.48	hyper2
chr4	38016153	38016441	TBC1D1	ENSG00000065882	-207	0.98	0.62	5.60E-14	0.36	hyper2
chr4	1304768	1305114	MAEA	ENSG00000090316	1366	0.97	0.54	1.10E-13	0.43	hyper2
chr4	137277210	137277487	TERF1P3	ENSG00000249311	-44	0.78	0.33	1.10E-12	0.45	hyper2
chr4	25865063	25865376	SEL1L3	ENSG00000091490	-60	0.56	0.16	1.30E-10	0.4	hyper2
chr5	68710807	68711520	MARVELD2	ENSG00000152939	224	0.86	0.45	3.70E-50	0.41	hyper2
chr5	58334836	58335881	PDE4D	ENSG00000113448	-19	0.58	0.17	2.50E-49	0.41	hyper2
chr5	132148854	132150918	ANKRD43	ENSG00000198944	853	0.75	0.41	6.40E-48	0.34	hyper2
chr5	132158542	132159203	SHROOM1	ENSG00000164403	625	0.61	0.17	1.70E-39	0.44	hyper2
chr5	140810494	140812617	PCDHGA12	ENSG00000253159	1370	0.87	0.53	7.50E-37	0.34	hyper2
chr5	76115510	76116089	F2RL1	ENSG00000164251	997	0.81	0.27	6.50E-33	0.54	hyper2
chr5	131607018	131607889	PDLIM4	ENSG00000131435	788	0.99	0.51	4.30E-32	0.48	hyper2
chr5	140256273	140257290	PCDHA12	ENSG00000251664	1723	0.91	0.57	3.40E-29	0.34	hyper2
chr5	167956219	167957371	FBLL1	ENSG00000188573	285	0.69	0.3	1.20E-28	0.4	hyper2
chr5	122433878	122435551	PRDM6	ENSG00000061455	-726	0.63	0.26	5.10E-28	0.37	hyper2
chr5	140768939	140769483	PCDHGB4	ENSG00000253953	1759	0.85	0.44	5.20E-25	0.42	hyper2
chr5	132082873	132083911	CCNI2	ENSG00000205089	255	0.58	0.23	2.50E-24	0.36	hyper2
chr5	140214068	140214464	PCDHA7	ENSG00000204963	297	0.94	0.42	1.40E-20	0.52	hyper2

chr5	140723548	140723900	PCDHGA3	ENSG00000254245	123	0.88	0.37	4.50E-20	0.51	hyper2
chr5	134914178	134914981	CXCL14	ENSG00000145824	175	0.61	0.18	9.30E-19	0.42	hyper2
chr5	75377898	75378189	SV2C	ENSG00000122012	-954	0.84	0.23	2.10E-17	0.6	hyper2
chr5	7849945	7850439	C5orf49	ENSG00000215217	1072	0.88	0.38	7.40E-17	0.5	hyper2
chr5	140221007	140221381	PCDHA8	ENSG00000204962	287	0.97	0.49	3.30E-15	0.48	hyper2
chr5	72740051	72740800	RP11-79P5.2	ENSG00000247993	-1759	0.96	0.42	4.80E-15	0.54	hyper2
chr5	139060555	139060934	CXXC5	ENSG00000171604	201	0.66	0.19	8.60E-15	0.47	hyper2
chr5	176314451	176314662	HK3	ENSG00000160883	1092	0.78	0.29	7.60E-13	0.49	hyper2
chr5	11384681	11385521	CTNND2	ENSG00000169862	-218	0.56	0.21	5.80E-12	0.35	hyper2
chr5	179228283	179229003	MGAT4B	ENSG00000161013	-276	0.88	0.38	2.70E-10	0.5	hyper2
chr6	36355277	36356016	ETV7	ENSG0000010030	-153	0.77	0.22	1.20E-44	0.55	hyper2
chr6	137814355	137815202	OLIG3	ENSG00000177468	753	0.72	0.18	3.80E-38	0.54	hyper2
chr6	2841810	2842273	SERPINB1	ENSG00000021355	41	0.72	0.31	6.20E-28	0.41	hyper2
chr6	137816474	137817223	OLIG3	ENSG00000177468	-1317	0.92	0.51	5.90E-26	0.41	hyper2
chr6	112688077	112688730	FEM1AP3	ENSG00000217770	243	0.97	0.59	6.70E-24	0.38	hyper2
chr6	35108801	35109499	TCP11	ENSG00000124678	-346	0.83	0.34	1.30E-22	0.48	hyper2
chr6	49518315	49519186	C6orf141	ENSG00000197261	371	0.61	0.18	1.50E-21	0.42	hyper2
chr6	4079052	4079443	C6orf146	ENSG00000145975	87	0.98	0.54	1.20E-19	0.44	hyper2
chr6	2903175	2903906	SERPINB9	ENSG00000170542	-26	0.58	0.19	5.50E-19	0.39	hyper2
chr6	10417384	10417842	TFAP2A	ENSG00000137203	-173	0.79	0.31	4.10E-18	0.48	hyper2
chr6	42694963	42695631	ATP6V0CP3	ENSG00000213435	325	0.91	0.36	1.80E-14	0.55	hyper2
chr6	84140412	84140998	ME1	ENSG00000065833	59	0.5	0.17	2.40E-14	0.34	hyper2
chr6	108491033	108491410	NR2E1	ENSG00000112333	1254	0.86	0.4	4.40E-14	0.47	hyper2
chr6	129251113	129251319	MESTP1	ENSG00000220884	-82	0.98	0.6	4.10E-13	0.38	hyper2
chr6	134159126	134159349	RP4-662A9.2	ENSG00000223586	915	0.72	0.32	1.10E-12	0.4	hyper2
chr6	43612714	43613366	RSPH9	ENSG00000172426	257	0.82	0.32	7.60E-12	0.5	hyper2
chr6	158937285	158937491	RP11-107N4.1	ENSG00000219188	-127	0.82	0.47	1.10E-11	0.36	hyper2
chr7	157405009	157406608	AC005481.5	ENSG00000222012	-907	0.97	0.56	4.10E-86	0.41	hyper2
chr7	150496809	150498206	TMEM176B	ENSG00000106565	-67	0.9	0.31	1.50E-77	0.59	hyper2
chr7	99768884	99769559	GPC2	ENSG00000213420	620	0.81	0.24	1.90E-67	0.58	hyper2

chr7	23245556	23246161	AC005082.12	ENSG00000226816	226	0.89	0.3	4.60E-52	0.6	hyper2
chr7	103085710	103086132	CTB-107G13.1	ENSG00000234715	267	0.96	0.38	2.60E-39	0.58	hyper2
chr7	43288634	43288948	HECW1	ENSG00000002746	55	0.87	0.3	1.60E-25	0.57	hyper2
chr7	95025559	95026122	PON1	ENSG00000005421	-167	0.8	0.32	1.90E-20	0.47	hyper2
chr7	47092244	47093076	AC004870.5	ENSG00000214754	269	0.98	0.61	1.10E-17	0.38	hyper2
chr7	27162087	27162426	AC004080.12	ENSG00000253552	89	0.75	0.21	6.50E-16	0.55	hyper2
chr7	154585682	154586336	DPP6	ENSG00000130226	574	0.96	0.61	1.20E-15	0.36	hyper2
chr7	4901336	4901753	PAPOLB	ENSG00000218823	81	0.97	0.57	6.90E-14	0.4	hyper2
chr7	27198182	27198514	HOXA7	ENSG00000122592	-793	0.92	0.4	9.50E-12	0.52	hyper2
chr7	140135364	140135620	RP11-723C11.2	ENSG00000103200	95	0.97	0.44	1.80E-11	0.53	hyper2
chr7	99195683	99196001	GS1-259H13.2	ENSG00000244219	153	0.84	0.46	6.00E-10	0.38	hyper2
chr7	124404174	124404432	GPR37	ENSG00000170775	1378	0.98	0.61	8.60E-10	0.36	hyper2
chr7	601121	601729	AC147651.5	ENSG00000229380	-170	0.67	0.31	1.00E-09	0.36	hyper2
chr8	145555342	145562310	SCRT1	ENSG00000170616	1117	0.68	0.24	4.30E-85	0.43	hyper2
chr8	70981873	70984888	PRDM14	ENSG00000147596	182	0.67	0.26	3.70E-48	0.41	hyper2
chr8	144788491	144791059	ZNF707	ENSG00000181135	-446	0.87	0.46	9.60E-48	0.41	hyper2
chr8	65281903	65283043	RP11-32K4.1	ENSG00000253554	-1358	0.83	0.33	2.60E-46	0.5	hyper2
chr8	11565217	11567212	GATA4	ENSG00000136574	683	0.65	0.22	1.40E-42	0.42	hyper2
chr8	38831592	38832353	HTRA4	ENSG00000169495	289	0.66	0.17	3.70E-37	0.49	hyper2
chr8	145730390	145732205	CTD-2517M22.14	ENSG00000255182	-816	0.89	0.38	3.20E-30	0.51	hyper2
chr8	8559131	8560867	CLDN23	ENSG00000253958	551	0.77	0.37	4.20E-29	0.4	hyper2
chr8	144659745	144660635	NAPRT1	ENSG00000147813	-105	0.65	0.29	2.10E-26	0.36	hyper2
chr8	54791845	54795141	RGS20	ENSG00000147509	1049	0.72	0.37	7.30E-24	0.36	hyper2
chr8	102505512	102506430	GRHL2	ENSG00000083307	985	0.68	0.29	1.20E-19	0.39	hyper2
chr8	99438692	99440425	KCNS2	ENSG00000156486	308	0.59	0.22	1.50E-19	0.36	hyper2
chr8	23021056	23021588	TNFRSF10D	ENSG00000173530	221	0.65	0.2	4.30E-19	0.45	hyper2
chr8	31496525	31498346	NRG1	ENSG00000157168	533	0.53	0.18	6.20E-19	0.35	hyper2
chr8	145114550	145115828	OPLAH	ENSG00000178814	395	0.65	0.31	1.30E-18	0.34	hyper2
chr8	146126088	146128055	ZNF250	ENSG00000196150	-264	0.71	0.23	4.90E-18	0.48	hyper2
chr8	145577098	145578142	GS1-393G12.10	ENSG00000214597	110	0.98	0.57	2.10E-17	0.41	hyper2

chr8	110986113	110986983	RP11-696P8.2	ENSG00000255402	376	0.67	0.17	2.20E-13	0.5	hyper2
chr8	96085269	96085747	RP11-320N21.1	ENSG00000245080	-98	0.81	0.27	1.90E-12	0.54	hyper2
chr8	145747509	145748682	LRRC14	ENSG00000160959	129	0.57	0.18	2.10E-10	0.38	hyper2
chr8	145024449	145025179	PLEC	ENSG00000178209	230	0.65	0.27	3.40E-10	0.38	hyper2
chr9	37034135	37038341	PAX5	ENSG00000196092	-1762	0.55	0.21	2.40E-50	0.34	hyper2
chr9	136294738	136295236	ADAMTS13	ENSG00000160323	1236	0.83	0.32	7.70E-29	0.51	hyper2
chr9	119449473	119449767	ASTN2	ENSG00000148219	-126	0.75	0.17	1.30E-26	0.58	hyper2
chr9	141044508	141045113	TUBBP5	ENSG00000159247	245	0.76	0.29	1.30E-25	0.48	hyper2
chr9	139888934	139890343	CLIC3	ENSG00000169583	561	0.84	0.47	1.00E-24	0.38	hyper2
chr9	23822412	23822667	ELAVL2	ENSG00000107105	-693	0.94	0.35	3.50E-17	0.59	hyper2
chr9	139925243	139925996	FUT7	ENSG00000180549	1843	0.84	0.38	1.10E-16	0.45	hyper2
chr9	130980900	130981317	DNM1	ENSG00000106976	560	0.83	0.27	2.90E-15	0.56	hyper2
chr9	123631106	123631672	PHF19	ENSG00000119403	-273	0.84	0.44	9.00E-14	0.4	hyper2
chr9	72658836	72659277	MAMDC2	ENSG00000165072	559	0.72	0.27	7.30E-12	0.46	hyper2
chr1	62660555	62660946	L1TD1	ENSG00000240563	247	0.82	0.15	4.40E-40	0.67	hyper3
chr1	21948674	21949263	RAP1GAP	ENSG00000076864	-62	0.94	0.3	8.10E-40	0.64	hyper3
chr1	227163739	227164237	ADCK3	ENSG00000163050	-1117	0.97	0.25	3.70E-36	0.73	hyper3
chr1	226127112	226127695	LEFTY2	ENSG00000143768	398	0.9	0.29	1.10E-33	0.61	hyper3
chr1	151812253	151812525	C2CD4D	ENSG00000225556	644	0.97	0.29	1.30E-32	0.69	hyper3
chr1	117077042	117077299	NAP1L4P1	ENSG00000177173	-456	0.97	0.32	1.20E-24	0.66	hyper3
chr1	23884842	23885087	ID3	ENSG00000117318	602	0.92	0.24	2.00E-22	0.69	hyper3
chr1	60539315	60539540	C1orf87	ENSG00000162598	-19	0.98	0.24	6.10E-22	0.74	hyper3
chr1	228785986	228786204	DUSP5P	ENSG00000183929	107	0.96	0.31	2.70E-20	0.65	hyper3
chr1	2235308	2235667	SKI	ENSG00000157933	402	1	0.27	3.00E-20	0.73	hyper3
chr1	175161900	175162364	KIAA0040	ENSG00000235750	-203	0.85	0.16	3.40E-17	0.69	hyper3
chr1	41283840	41284591	KCNQ4	ENSG00000117013	-421	0.91	0.27	6.80E-13	0.64	hyper3
chr1	156358050	156358252	RP11-139I14.2	ENSG00000237390	133	0.83	0.12	1.80E-11	0.72	hyper3
chr1	155290606	155291001	RUSC1	ENSG00000160753	116	0.88	0.15	1.90E-11	0.73	hyper3
chr10	51572198	51572620	NCOA4	ENSG00000138293	42	0.97	0.16	2.60E-79	0.81	hyper3
chr10	104170168	104170872	PSD	ENSG00000059915	993	0.9	0.19	5.00E-52	0.7	hyper3

chr10	11207178	11207980	CELF2	ENSG00000048740	88	0.98	0.21	1.50E-48	0.77	hyper3
chr10	94351356	94351615	KIF11	ENSG00000138160	-1558	0.91	0.21	6.50E-38	0.71	hyper3
chr10	101290025	101290338	RP11-129J12.2	ENSG00000257582	753	0.8	0.17	2.00E-12	0.63	hyper3
chr11	47611138	47612438	C1QTNF4	ENSG00000172247	574	0.98	0.36	5.90E-97	0.61	hyper3
chr11	57243681	57244463	RP11-624G17.3	ENSG00000255301	935	0.88	0.22	1.10E-81	0.66	hyper3
chr11	32452144	32452708	WT1	ENSG00000184937	-67	0.93	0.22	3.40E-61	0.71	hyper3
chr11	73053648	73054302	ARHGEF17	ENSG00000110237	-66	0.94	0.16	3.60E-51	0.79	hyper3
chr11	1464295	1464899	BRSK2	ENSG00000174672	837	0.88	0.24	1.30E-47	0.64	hyper3
chr11	14926471	14927770	CALCB	ENSG00000175868	577	0.87	0.22	5.20E-43	0.65	hyper3
chr11	6340445	6341909	PRKCDBP	ENSG00000170955	115	0.94	0.27	3.10E-40	0.67	hyper3
chr11	74178175	74178801	KCNE3	ENSG00000175538	106	0.93	0.24	5.80E-35	0.69	hyper3
chr11	65123373	65123705	TIGD3	ENSG00000173825	1301	0.96	0.22	1.20E-23	0.74	hyper3
chr11	66410925	66411587	RBM4	ENSG00000173933	35	0.94	0.2	1.20E-22	0.74	hyper3
chr11	113185332	113185663	TTC12	ENSG00000149292	-36	0.83	0.21	4.10E-16	0.62	hyper3
chr11	123066517	123066986	CLMP	ENSG00000166250	-762	0.93	0.3	1.40E-15	0.63	hyper3
chr11	94965357	94965588	SESN3	ENSG00000149212	167	0.79	0.11	1.20E-14	0.68	hyper3
chr12	121711846	121712162	CAMKK2	ENSG00000110931	169	0.96	0.12	2.60E-62	0.84	hyper3
chr12	107974842	107975305	BTBD11	ENSG00000151136	646	0.9	0.24	6.50E-29	0.66	hyper3
chr12	6756001	6756679	ACRBP	ENSG00000111644	109	0.79	0.14	2.90E-21	0.65	hyper3
chr12	114840853	114841063	TBX5	ENSG00000089225	745	0.88	0.25	7.90E-14	0.62	hyper3
chr12	54389113	54389520	HOXC9	ENSG00000180806	23	0.91	0.26	1.50E-12	0.65	hyper3
chr13	102106165	102106488	ITGBL1	ENSG00000198542	1308	0.91	0.22	1.10E-36	0.7	hyper3
chr13	92051153	92051716	GPC5	ENSG00000179399	505	0.86	0.21	2.50E-24	0.65	hyper3
chr13	97646394	97646737	OXGR1	ENSG00000165621	39	0.82	0.11	2.90E-24	0.71	hyper3
chr15	90039464	90039984	RHCG	ENSG00000140519	51	0.98	0.27	2.60E-50	0.71	hyper3
chr16	56669037	56669727	MT1JP	ENSG00000255986	-269	0.82	0.21	1.30E-50	0.61	hyper3
chr16	1429050	1430104	UNKL	ENSG00000059145	-455	0.79	0.18	6.60E-39	0.61	hyper3
chr16	10912159	10912719	FAM18A	ENSG00000166676	18	0.93	0.21	2.10E-29	0.71	hyper3
chr17	36717727	36718593	SRCIN1	ENSG00000017373	1500	0.97	0.19	3.30E-82	0.77	hyper3
chr17	40700164	40700859	HSD17B1P1	ENSG00000108785	1740	0.89	0.29	6.30E-42	0.61	hyper3

chr17	80402369	80402751	C17orf62	ENSG00000178927	502	0.92	0.29	2.80E-23	0.64	hyper3
chr17	48183257	48183478	PDK2	ENSG00000005882	-438	0.95	0.15	3.70E-23	0.8	hyper3
chr17	46800945	46801288	HOXB13-AS1	ENSG00000229637	62	0.91	0.23	2.60E-20	0.68	hyper3
chr17	17124698	17124931	FLCN	ENSG00000154803	1622	0.94	0.08	1.00E-17	0.86	hyper3
chr17	79255960	79256323	SLC38A10	ENSG00000157637	-125	0.88	0.25	8.00E-13	0.63	hyper3
chr19	46915311	46915802	CCDC8	ENSG00000169515	1270	0.94	0.24	1.60E-60	0.7	hyper3
chr19	55997776	55998219	NAT14	ENSG00000090971	1403	0.81	0.16	6.30E-59	0.64	hyper3
chr19	35531780	35531991	HPN	ENSG00000105707	475	0.77	0.16	4.30E-14	0.61	hyper3
chr2	162279835	162280709	AC009487.4	ENSG00000224076	-184	0.94	0.22	1.10E-105	0.72	hyper3
chr2	54086776	54087266	ASB3	ENSG00000115239	36	0.89	0.23	2.10E-89	0.66	hyper3
chr2	66672431	66673636	MEIS1	ENSG00000143995	708	0.97	0.24	8.40E-89	0.72	hyper3
chr2	27665251	27665670	KRTCAP3	ENSG00000157992	195	0.88	0.21	9.60E-75	0.67	hyper3
chr2	58273642	58274422	VRK2	ENSG00000028116	380	0.87	0.21	9.30E-66	0.66	hyper3
chr2	237476311	237477263	CXCR7	ENSG00000144476	357	0.92	0.3	7.00E-63	0.63	hyper3
chr2	177017266	177017489	HOXD4	ENSG00000170166	353	0.9	0.19	6.40E-31	0.71	hyper3
chr2	48982621	48982958	LHCGR	ENSG00000138039	-81	0.99	0.38	5.10E-27	0.61	hyper3
chr2	97505219	97505600	ANKRD23	ENSG00000163126	1570	0.92	0.17	9.50E-19	0.75	hyper3
chr2	3642547	3642751	COLEC11	ENSG00000118004	10	0.85	0.24	5.20E-13	0.61	hyper3
chr2	85640969	85641259	CAPG	ENSG00000042493	-17	0.98	0.37	5.40E-11	0.61	hyper3
chr2	220406363	220406840	CHPF	ENSG00000123989	1218	0.91	0.28	7.70E-11	0.63	hyper3
chr20	44879699	44880288	CDH22	ENSG00000149654	341	0.92	0.23	2.60E-76	0.69	hyper3
chr20	3148649	3149060	RP5-1187M17.10	ENSG00000088899	353	0.93	0.25	3.80E-28	0.68	hyper3
chr20	55839287	55839766	BMP7	ENSG00000101144	1308	0.96	0.24	7.80E-24	0.72	hyper3
chr20	62550713	62551523	AL118506.2	ENSG00000216164	385	0.87	0.12	1.00E-18	0.76	hyper3
chr20	56725857	56726113	C20orf85	ENSG00000124237	25	0.92	0.3	2.20E-18	0.62	hyper3
chr20	35443916	35444587	KIAA0889	ENSG00000149639	433	0.96	0.15	7.30E-12	0.8	hyper3
chr21	26934423	26934805	MIR155HG	ENSG00000234883	393	0.94	0.19	1.00E-39	0.75	hyper3
chr21	35831697	35832365	KCNE1	ENSG00000180509	-129	0.86	0.23	1.20E-35	0.63	hyper3
chr21	44105237	44105532	PDE9A	ENSG00000160191	-923	0.95	0.32	4.80E-17	0.63	hyper3
chr22	19753312	19755013	TBX1	ENSG00000184058	1560	0.91	0.25	1.80E-168	0.66	hyper3

chr22	38220589	38221619	GALR3	ENSG00000128310	1715	0.92	0.21	9.60E-75	0.71	hyper3
chr22	30476012	30476530	HORMAD2	ENSG00000176635	108	0.94	0.28	7.70E-43	0.66	hyper3
chr22	50885457	50885710	SBF1	ENSG00000100241	455	0.78	0.16	2.30E-15	0.62	hyper3
chr22	42353659	42353900	CTA-250D10.15	ENSG00000205704	-417	0.91	0.24	1.10E-14	0.67	hyper3
chr3	134031662	134032591	RP11-200A1.1	ENSG00000240006	-292	0.97	0.28	3.30E-64	0.69	hyper3
chr3	184056419	184056671	FAM131A	ENSG00000175182	-72	0.96	0.23	4.10E-47	0.73	hyper3
chr3	350660	350893	RP11-306H5.1	ENSG00000231660	229	0.98	0.26	1.50E-28	0.72	hyper3
chr3	133464949	133465420	TF	ENSG00000091513	12	0.92	0.18	8.20E-28	0.74	hyper3
chr3	62356773	62357315	FEZF2	ENSG00000153266	1646	0.93	0.27	1.10E-22	0.66	hyper3
chr3	131080578	131081191	NUDT16P1	ENSG00000246082	142	1	0.2	1.40E-21	0.8	hyper3
chr3	184099095	184099582	CHRD	ENSG00000090539	144	1	0.18	1.50E-20	0.82	hyper3
chr3	50377803	50378540	RASSF1	ENSG00000068028	90	0.87	0.25	2.20E-20	0.61	hyper3
chr3	131245721	131246021	RP11-517B11.2	ENSG00000248530	580	0.88	0.23	1.40E-19	0.64	hyper3
chr4	48492117	48493589	ZAR1	ENSG00000182223	584	0.91	0.15	1.40E-212	0.76	hyper3
chr4	144833114	144833512	RP11-673E1.3	ENSG00000249741	-105	0.89	0.24	1.00E-55	0.65	hyper3
chr4	1994662	1994872	WHSC2	ENSG00000185049	-416	0.96	0.16	1.70E-29	0.8	hyper3
chr4	1303490	1303835	MAEA	ENSG00000090316	87	0.79	0.11	4.00E-27	0.68	hyper3
chr4	141419007	141419504	RP11-542P2.1	ENSG00000205301	121	0.91	0.16	1.10E-25	0.75	hyper3
chr4	8749204	8749596	RP11-1338A24.1	ENSG00000250915	-1641	0.92	0.25	3.80E-24	0.67	hyper3
chr4	170533398	170533948	NEK1	ENSG00000137601	59	0.74	0.12	3.60E-10	0.63	hyper3
chr5	72676120	72678421	RP11-79P5.8	ENSG00000249149	-941	0.91	0.23	1.40E-167	0.69	hyper3
chr5	92923487	92924497	NR2F1	ENSG00000175745	826	0.92	0.17	3.60E-93	0.75	hyper3
chr5	172660720	172661133	NKX2-5	ENSG00000183072	1283	0.88	0.26	1.30E-28	0.62	hyper3
chr5	92929268	92929489	NR2F1	ENSG00000175745	1699	0.98	0.3	1.00E-26	0.68	hyper3
chr5	140255158	140255450	PCDHA12	ENSG00000251664	246	0.92	0.31	1.60E-18	0.61	hyper3
chr5	172663616	172664584	NKX2-5	ENSG00000183072	-1740	0.94	0.2	2.00E-16	0.74	hyper3
chr6	149771836	149772855	ZC3H12D	ENSG00000178199	-1829	0.95	0.19	1.60E-150	0.76	hyper3
chr6	50791110	50791573	TFAP2B	ENSG00000008196	1843	0.91	0.27	6.70E-40	0.65	hyper3
chr6	10881846	10882051	RP11-637O19.2	ENSG00000235051	-65	0.89	0.26	1.70E-34	0.63	hyper3
chr6	168197142	168198164	C6orf123	ENSG00000146521	-127	0.98	0.25	3.60E-23	0.73	hyper3

chr6	25882327	25882560	SLC17A3	ENSG00000124564	71	0.92	0.13	1.90E-21	0.79	hyper3
chr6	24357719	24358309	DCDC2	ENSG00000146038	-133	0.98	0.28	8.40E-13	0.7	hyper3
chr6	5851610	5851841	RP3-380B8.4	ENSG00000233064	-14	0.84	0.17	6.40E-11	0.67	hyper3
chr7	121950249	121950927	FEZF1	ENSG00000128610	157	0.95	0.16	9.40E-92	0.79	hyper3
chr7	130126017	130126801	MEST	ENSG00000106484	363	0.97	0.22	7.30E-70	0.75	hyper3
chr7	750788	751237	PRKAR1B	ENSG00000188191	1197	0.98	0.34	4.20E-22	0.65	hyper3
chr7	19151966	19152347	AC003986.6	ENSG00000232821	59	0.97	0.22	2.00E-16	0.75	hyper3
chr7	2802440	2802698	GNA12	ENSG00000146535	205	1	0.23	3.20E-12	0.77	hyper3
chr8	143545445	143546178	BAI1	ENSG00000181790	434	0.93	0.27	1.10E-66	0.66	hyper3
chr8	145749855	145750410	LRRC14	ENSG00000160959	1085	0.85	0.18	1.90E-48	0.67	hyper3
chr8	72753874	72754755	MSC	ENSG00000178860	913	0.97	0.3	1.10E-31	0.67	hyper3
chr8	87081653	87082046	PSKH2	ENSG00000147613	77	0.95	0.18	6.10E-24	0.77	hyper3
chr8	27183090	27183390	PTK2B	ENSG00000120899	159	0.85	0.2	2.10E-22	0.65	hyper3
chr8	21882245	21882883	NPM2	ENSG00000158806	293	0.85	0.22	3.60E-18	0.64	hyper3
chr8	107227785	107228007	RP11-778D12.1	ENSG00000213708	-95	1	0.28	6.20E-14	0.72	hyper3
chr9	139715663	139716441	C9orf86	ENSG00000196642	271	0.93	0.2	8.60E-78	0.72	hyper3
chr9	137299190	137299437	RXRA	ENSG00000186350	885	0.91	0.23	7.90E-20	0.68	hyper3
chr1	17018683	17020959	RP1-163M9.6	ENSG00000239644	-1017	0.24	0.36	4.10E-24	-0.13	hypo1
chr12	5153012	5154346	KCNA5	ENSG00000130037	594	0.13	0.33	4.00E-12	-0.21	hypo1
chr14	24808635	24808992	RIPK3	ENSG00000129465	391	0.28	0.56	6.50E-14	-0.28	hypo1
chr18	580179	580899	CETN1	ENSG00000177143	172	0.68	0.96	2.30E-12	-0.29	hypo1
chr19	457800	462256	SHC2	ENSG00000129946	968	0.48	0.64	9.00E-14	-0.16	hypo1
chr19	42827743	42829149	MEGF8	ENSG00000105429	-1315	0.25	0.44	6.10E-11	-0.18	hypo1
chr4	995482	997541	IDUA	ENSG00000127415	-18	0.45	0.76	3.20E-44	-0.3	hypo1
chr5	132160904	132161809	SHROOM1	ENSG00000164403	476	0.43	0.6	8.00E-10	-0.16	hypo1
chr1	6511689	6512110	ESPN	ENSG00000187017	181	0.4	0.87	1.30E-11	-0.47	hypo2
chr11	1036420	1036827	MUC6	ENSG00000184956	83	0.25	0.69	1.30E-19	-0.44	hypo2
chr11	20618197	20619920	SLC6A5	ENSG00000165970	-1888	0.19	0.56	1.20E-13	-0.36	hypo2
chr11	69461060	69461378	CCND1	ENSG00000110092	-1506	0.45	0.89	2.10E-13	-0.43	hypo2
chr11	403072	403400	PKP3	ENSG00000184363	-851	0.55	0.92	1.80E-10	-0.36	hypo2

chr12	2800139	2801062	RP11-885B4.3	ENSG00000246627	-316	0.51	0.85	2.50E-28	-0.34	hypo2
chr19	41115445	41115767	LTBP4	ENSG00000090006	-468	0.34	0.77	1.40E-21	-0.43	hypo2
chr19	19335771	19336151	NCAN	ENSG00000130287	-1857	0.28	0.65	2.20E-20	-0.37	hypo2
chr19	46144872	46145631	EML2	ENSG00000125746	1734	0.49	0.83	1.90E-10	-0.34	hypo2
chr2	237123015	237123572	ASB18	ENSG00000182177	-49	0.4	0.81	9.60E-17	-0.41	hypo2
chr20	25063838	25065525	VSX1	ENSG00000100987	-1685	0.22	0.59	1.60E-21	-0.37	hypo2
chr21	34638515	34639075	AP000295.7	ENSG00000223799	-230	0.29	0.63	2.40E-10	-0.33	hypo2
chr7	4823506	4824097	KIAA0415	ENSG00000242802	847	0.47	0.87	3.60E-11	-0.4	hypo2
chr9	140056283	140057837	GRIN1	ENSG00000176884	-98	0.26	0.65	4.60E-31	-0.38	hypo2
chr9	136567684	136568146	SARDH	ENSG00000123453	908	0.33	0.84	7.20E-10	-0.51	hypo2
chr1	151042870	151043537	GABPB2	ENSG00000143458	149	0.19	0.89	1.90E-12	-0.71	hypo3
chr14	57278068	57278287	OTX2	ENSG00000165588	-990	0.13	0.9	2.30E-30	-0.77	hypo3
chr14	57278709	57279116	AL162831.1	ENSG00000248550	-989	0.24	0.84	3.00E-19	-0.6	hypo3
chr14	104569499	104569780	ASPG	ENSG00000166183	-1627	0.29	0.89	1.10E-11	-0.6	hypo3
chr19	46195482	46196292	QPCTL	ENSG00000011478	146	0.11	0.76	3.60E-11	-0.65	hypo3
chr2	220377743	220377946	ACCN4	ENSG00000072182	-1048	0.2	0.94	7.20E-19	-0.74	hypo3
chr6	70506292	70507024	LMBRD1	ENSG00000168216	119	0.2	0.8	4.90E-12	-0.6	hypo3
chr7	159023681	159023985	PIP5K1P2	ENSG00000229435	-292	0.18	0.78	1.70E-20	-0.6	hypo3
chr7	87229551	87229890	ABCB1	ENSG00000085563	-220	0.11	0.72	1.70E-10	-0.61	hypo3
chr9	139397412	139397710	NOTCH1	ENSG00000148400	1736	0.2	0.89	1.70E-12	-0.68	hypo3
chr1	9883011	9884667	CLSTN1	ENSG00000171603	184	0.34	0.14	1.80E-09	0.19	NA
chr1	11724113	11724885	FBXO6	ENSG00000116663	318	0.41	0.2	1.80E-09	0.21	NA
chr1	156783523	156784037	SH2D2A	ENSG00000027869	123	0.48	0.07	2.10E-09	0.4	NA
chr1	71512224	71513804	PTGER3	ENSG00000050628	267	0.45	0.19	2.40E-09	0.26	NA
chr1	156046343	156047384	AL355388.1	ENSG00000222611	-301	0.28	0.46	2.90E-09	-0.18	NA
chr1	227058045	227058906	PSEN2	ENSG00000143801	211	0.4	0.18	4.10E-09	0.22	NA
chr1	217310749	217311178	ESRRG	ENSG00000196482	133	0.59	0.24	4.80E-09	0.35	NA
chr1	4771652	4772545	AJAP1	ENSG00000196581	883	0.98	0.85	5.60E-09	0.13	NA
chr1	13909606	13909842	PDPN	ENSG00000162493	-236	0.89	0.43	7.30E-09	0.47	NA
chr1	104068487	104068913	RNPC3	ENSG00000185946	122	0.56	0.12	7.50E-09	0.45	NA

chr1	1161959	1162281	SDF4	ENSG00000078808	1856	0.98	0.45	1.30E-08	0.53	NA
chr1	38510102	38513642	POU3F1	ENSG00000185668	578	0.35	0.24	1.40E-08	0.11	NA
chr1	231297812	231299777	TRIM67	ENSG00000119283	936	0.3	0.16	1.90E-08	0.14	NA
chr1	226075150	226075680	LEFTY1	ENSG00000243709	1431	0.9	0.49	2.00E-08	0.41	NA
chr1	230202494	230204209	GALNT2	ENSG00000143641	395	0.36	0.18	2.20E-08	0.19	NA
chr1	25071352	25072586	CLIC4	ENSG00000169504	121	0.38	0.16	2.30E-08	0.21	NA
chr1	151693991	151694282	RIIAD1	ENSG00000178796	123	0.41	0.1	2.90E-08	0.31	NA
chr1	200992282	200992839	KIF21B	ENSG00000116852	-49	0.39	0.18	2.90E-08	0.2	NA
chr1	17198626	17200049	BX284668.1	ENSG00000196690	-669	0.38	0.57	3.00E-08	-0.18	NA
chr1	201708787	201709429	NAV1	ENSG00000134369	112	0.53	0.2	3.00E-08	0.33	NA
chr1	24513540	24514477	IL28RA	ENSG00000185436	-270	0.35	0.15	3.40E-08	0.2	NA
chr1	6530536	6531814	PLEKHG5	ENSG00000171680	468	0.94	0.82	4.60E-08	0.11	NA
chr1	93426512	93427754	FAM69A	ENSG00000154511	-76	0.44	0.2	8.50E-08	0.25	NA
chr1	75600674	75601415	LHX8	ENSG00000162624	477	0.57	0.22	1.20E-07	0.36	NA
chr1	226924560	226926553	ITPKB	ENSG00000143772	-397	0.28	0.15	1.20E-07	0.13	NA
chr1	23763154	23763971	ASAP3	ENSG00000088280	-392	0.96	0.79	1.30E-07	0.17	NA
chr1	19991146	19992788	HTR6	ENSG00000158748	187	0.34	0.18	1.40E-07	0.16	NA
chr1	26496179	26496824	ZNF593	ENSG00000142684	139	0.43	0.17	1.90E-07	0.26	NA
chr1	47881896	47883065	FOXE3	ENSG00000186790	736	0.45	0.26	1.90E-07	0.2	NA
chr1	115880167	115881332	NGF	ENSG00000134259	108	0.36	0.17	2.00E-07	0.19	NA
chr1	154155268	154155926	TPM3	ENSG00000143549	-43	0.52	0.21	2.20E-07	0.31	NA
chr1	210001129	210001428	DIEXF	ENSG00000117597	-74	0.2	0.56	3.10E-07	-0.36	NA
chr1	6131635	6131985	KCNAB2	ENSG00000069424	-997	0.77	0.37	4.60E-07	0.41	NA
chr1	7843915	7845104	PER3	ENSG00000049246	129	0.31	0.17	4.90E-07	0.14	NA
chr1	113261468	113261765	FAM19A3	ENSG00000184599	-1425	0.42	0.12	4.90E-07	0.29	NA
chr1	17085411	17086974	MST1P9	ENSG00000186715	-825	0.83	0.62	5.30E-07	0.21	NA
chr1	32410188	32410630	PTP4A2	ENSG00000184007	48	0.53	0.26	5.30E-07	0.27	NA
chr1	50884228	50891471	DMRTA2	ENSG00000142700	-545	0.33	0.24	5.70E-07	0.097	NA
chr1	239550108	239551339	CHRM3	ENSG00000133019	503	0.28	0.14	6.10E-07	0.14	NA
chr1	150121695	150123078	PLEKHO1	ENSG00000023902	278	0.36	0.18	7.20E-07	0.18	NA

chr1	87617153	87617417	AL139139.1	ENSG00000221222	304	0.96	0.69	7.30E-07	0.27	NA
chr1	44495629	44497112	SLC6A9	ENSG00000196517	662	0.45	0.21	7.50E-07	0.24	NA
chr1	151103685	151106100	SEMA6C	ENSG00000143434	452	0.8	0.66	8.20E-07	0.14	NA
chr1	210407401	210407637	C1orf133	ENSG00000203706	-127	0.82	0.36	8.50E-07	0.46	NA
chr1	27338879	27339441	FAM46B	ENSG00000158246	167	0.5	0.23	9.20E-07	0.27	NA
chr1	16860873	16862296	RP4-798A10.5	ENSG00000241374	-79	0.61	0.45	9.30E-07	0.17	NA
chr1	32826944	32828017	RP4-811H24.6	ENSG00000225828	-55	0.36	0.2	1.10E-06	0.16	NA
chr1	162530856	162531853	UAP1	ENSG00000117143	33	0.35	0.14	1.10E-06	0.21	NA
chr1	8377784	8378447	SLC45A1	ENSG00000162426	229	0.35	0.16	1.40E-06	0.19	NA
chr1	35442237	35442936	RP11-244H3.1	ENSG00000241014	1721	0.72	0.41	1.50E-06	0.31	NA
chr1	211432105	211434134	RCOR3	ENSG00000117625	498	0.35	0.21	1.70E-06	0.15	NA
chr1	230561103	230562702	PGBD5	ENSG00000177614	-427	0.35	0.16	1.70E-06	0.19	NA
chr1	36641756	36642461	MAP7D1	ENSG00000116871	-210	0.95	0.81	1.80E-06	0.14	NA
chr1	29507976	29508686	SRSF4	ENSG00000116350	63	0.3	0.16	2.10E-06	0.14	NA
chr1	41326949	41328285	CITED4	ENSG00000179862	401	0.33	0.17	2.40E-06	0.16	NA
chr1	79472281	79472537	ELTD1	ENSG00000162618	-6	0.88	0.3	2.40E-06	0.58	NA
chr1	113050813	113052301	WNT2B	ENSG00000134245	157	0.37	0.22	2.60E-06	0.15	NA
chr1	3775077	3775369	DFFB	ENSG00000169598	1055	0.85	0.19	2.90E-06	0.66	NA
chr1	41706957	41708327	SCMH1	ENSG0000010803	140	0.32	0.15	3.10E-06	0.17	NA
chr1	168194945	168195839	SFT2D2	ENSG00000213064	216	0.3	0.16	3.20E-06	0.14	NA
chr1	23885682	23886212	ID3	ENSG00000117318	-13	0.28	0.11	3.60E-06	0.17	NA
chr1	31654422	31654833	NKAIN1	ENSG00000084628	-104	0.96	0.53	3.70E-06	0.43	NA
chr1	47899661	47900385	RP11-511I2.5	ENSG00000237424	290	0.19	0.47	3.90E-06	-0.28	NA
chr1	2343385	2344717	PEX10	ENSG00000157911	-98	0.26	0.11	4.00E-06	0.14	NA
chr1	162039450	162040052	NOS1AP	ENSG00000198929	187	0.42	0.15	4.00E-06	0.26	NA
chr1	184942862	184943777	FAM129A	ENSG00000135842	363	0.28	0.12	4.20E-06	0.16	NA
chr1	201437519	201438648	PHLDA3	ENSG00000174307	-374	0.35	0.2	4.20E-06	0.15	NA
chr1	32705524	32707141	MTMR9LP	ENSG00000220785	-309	0.28	0.13	4.40E-06	0.15	NA
chr1	225614721	225616512	LBR	ENSG00000143815	-17	0.33	0.18	4.40E-06	0.15	NA
chr1	41284847	41285149	KCNQ4	ENSG00000117013	362	0.96	0.49	5.30E-06	0.47	NA

chr1	2517397	2518892	C1orf93	ENSG00000157870	214	0.3	0.17	5.60E-06	0.13	NA
chr1	933387	937410	HES4	ENSG00000188290	-37	0.26	0.19	5.80E-06	0.075	NA
chr1	110198541	110199127	GSTM4	ENSG00000168765	131	0.37	0.17	6.10E-06	0.2	NA
chr1	29585897	29586598	PTPRU	ENSG00000060656	-446	0.51	0.24	6.30E-06	0.27	NA
chr1	165737832	165738349	TMCO1	ENSG00000143183	-16	0.21	0.83	6.70E-06	-0.62	NA
chr1	146643470	146644501	PRKAB2	ENSG00000131791	61	0.31	0.13	6.80E-06	0.18	NA
chr1	156390403	156391581	C1orf61	ENSG00000125462	552	0.4	0.23	8.00E-06	0.17	NA
chr1	6507207	6509186	ESPN	ENSG00000187017	93	0.25	0.43	8.50E-06	-0.18	NA
chr1	182808312	182809122	DHX9	ENSG00000135829	278	0.31	0.14	9.60E-06	0.17	NA
chr1	1309140	1311039	AURKAIP1	ENSG00000175756	435	0.47	0.32	1.10E-05	0.15	NA
chr1	17197561	17197849	RP11-108M9.3	ENSG00000228549	265	0.97	0.85	1.10E-05	0.12	NA
chr1	46767425	46769036	LRRC41	ENSG00000132128	716	0.28	0.17	1.10E-05	0.11	NA
chr1	220101132	220102147	SLC30A10	ENSG00000196660	305	0.3	0.14	1.10E-05	0.16	NA
chr1	33429531	33430513	RNF19B	ENSG00000116514	264	0.25	0.12	1.20E-05	0.12	NA
chr1	35246876	35247599	GJB3	ENSG00000188910	447	0.37	0.17	1.20E-05	0.19	NA
chr1	45278765	45279644	BTBD19	ENSG00000222009	358	0.44	0.21	1.20E-05	0.23	NA
chr1	144593334	144594233	NBPF8	ENSG00000225241	420	0.08	0.41	1.20E-05	-0.33	NA
chr1	147789652	147790094	RP11-495P10.4	ENSG00000235988	256	0.58	0.34	1.20E-05	0.23	NA
chr1	1476093	1476669	C1orf70	ENSG00000205090	-548	0.6	0.35	1.30E-05	0.25	NA
chr1	18956895	18959829	PAX7	ENSG00000009709	862	0.36	0.23	1.30E-05	0.13	NA
chr1	44399068	44399535	ARTN	ENSG00000117407	-46	0.56	0.33	1.30E-05	0.22	NA
chr1	51433762	51435505	CDKN2C	ENSG00000123080	266	0.31	0.17	1.30E-05	0.14	NA
chr1	36042432	36043444	RP4-728D4.2	ENSG00000239636	392	0.94	0.71	1.40E-05	0.23	NA
chr1	37939723	37940650	RP11-422J8.1	ENSG00000233621	-174	0.29	0.14	1.70E-05	0.15	NA
chr1	2460760	2462010	HES5	ENSG00000197921	299	0.28	0.15	1.80E-05	0.13	NA
chr1	12655926	12656248	DHRS3	ENSG00000162496	234	0.51	0.24	1.90E-05	0.27	NA
chr1	53386617	53387523	ECHDC2	ENSG00000121310	117	0.38	0.2	1.90E-05	0.18	NA
chr1	91300979	91301891	RP4-665J23.1	ENSG00000233593	283	0.9	0.79	1.90E-05	0.11	NA
chr1	234744276	234747024	IRF2BP2	ENSG00000168264	-379	0.23	0.15	1.90E-05	0.081	NA
chr1	234492484	234492860	RP5-827C21.2	ENSG00000236358	-80	0.95	0.63	2.00E-05	0.33	NA

chr1	53527572	53528974	PODN	ENSG00000174348	419	0.47	0.28	2.10E-05	0.19	NA
chr1	74663826	74664035	LRRRIQ3	ENSG00000162620	-102	0.36	0.15	2.10E-05	0.22	NA
chr1	155051155	155055291	EFNA3	ENSG00000143590	1875	0.34	0.24	2.20E-05	0.098	NA
chr1	55266277	55267058	TTC22	ENSG00000006555	204	0.47	0.26	2.30E-05	0.21	NA
chr1	180922915	180923692	RP11-46A10.4	ENSG00000232586	720	0.35	0.18	2.40E-05	0.17	NA
chr1	179851482	179852371	TOR1AIP1	ENSG00000143337	-3	0.3	0.12	2.60E-05	0.18	NA
chr1	236444603	236445700	ERO1LB	ENSG00000086619	-250	0.27	0.12	2.70E-05	0.15	NA
chr1	13910137	13910868	PDPN	ENSG00000162493	245	0.33	0.16	2.80E-05	0.17	NA
chr1	113932580	113934070	MAGI3	ENSG00000081026	-46	0.3	0.2	3.00E-05	0.11	NA
chr1	36106969	36107261	PSMB2	ENSG00000126067	330	0.43	0.14	3.20E-05	0.29	NA
chr1	249141563	249142796	ZNF672	ENSG00000171161	705	0.97	0.89	3.20E-05	0.081	NA
chr1	119531991	119532196	TBX15	ENSG00000092607	86	0.98	0.66	3.30E-05	0.32	NA
chr1	67895135	67896826	SERBP1	ENSG00000142864	-640	0.37	0.2	3.50E-05	0.16	NA
chr1	78511577	78512161	GIPC2	ENSG00000137960	283	0.34	0.16	3.60E-05	0.18	NA
chr1	25869893	25871042	LDLRAP1	ENSG00000157978	396	0.4	0.19	4.20E-05	0.21	NA
chr1	35394747	35396206	DLGAP3	ENSG00000116544	-290	0.27	0.14	4.50E-05	0.12	NA
chr1	2706025	2706961	TTC34	ENSG00000215912	-257	0.31	0.18	4.60E-05	0.13	NA
chr1	155098434	155100451	EFNA1	ENSG00000169242	-494	0.3	0.17	4.90E-05	0.13	NA
chr1	36273499	36274461	EIF2C4	ENSG00000134698	207	0.38	0.19	5.10E-05	0.19	NA
chr1	203274305	203275338	RP11-134P9.1	ENSG00000233791	-434	0.33	0.18	5.10E-05	0.15	NA
chr1	19970255	19971923	NBL1	ENSG00000158747	432	0.28	0.17	5.30E-05	0.12	NA
chr1	155920651	155920898	ARHGEF2	ENSG00000116584	550	0.98	0.73	5.30E-05	0.25	NA
chr1	6479057	6480938	HES2	ENSG00000069812	-34	0.24	0.37	5.40E-05	-0.13	NA
chr1	1115574	1116006	TTLL10	ENSG00000162571	-74	0.51	0.79	5.50E-05	-0.28	NA
chr1	10699394	10700098	CASZ1	ENSG00000130940	-926	0.97	0.81	6.40E-05	0.16	NA
chr1	19600249	19600942	AKR7L	ENSG00000211454	-160	0.87	0.72	6.50E-05	0.15	NA
chr1	112524468	112525385	KCND3	ENSG00000171385	492	0.98	0.9	6.60E-05	0.078	NA
chr1	243417741	243418775	CEP170	ENSG00000143702	-486	0.34	0.14	6.80E-05	0.19	NA
chr1	45189705	45190558	C1orf228	ENSG00000198520	86	0.87	0.49	6.90E-05	0.38	NA
chr1	3712398	3712324	LRRC47	ENSG00000130764	252	0.26	0.14	7.00E-05	0.12	NA

chr1	78224843	78225650	USP33	ENSG00000077254	-173	0.39	0.2	7.00E-05	0.19	NA
chr1	27961559	27961810	FGR	ENSG00000000938	-39	0.97	0.53	7.20E-05	0.44	NA
chr1	226595333	226595939	PARP1	ENSG00000143799	-6	0.28	0.14	7.30E-05	0.14	NA
chr1	109203593	109204378	HENMT1	ENSG00000162639	-308	0.39	0.17	7.40E-05	0.22	NA
chr1	27709600	27709831	CD164L2	ENSG00000174950	78	0.57	0.3	7.50E-05	0.27	NA
chr1	6761295	6762131	DNAJC11	ENSG00000007923	149	0.35	0.15	7.70E-05	0.2	NA
chr1	9188503	9189743	GPR157	ENSG00000180758	-283	0.39	0.2	7.90E-05	0.2	NA
chr1	117909174	117910445	MAN1A2	ENSG00000198162	-262	0.28	0.16	8.30E-05	0.12	NA
chr1	173445978	173447105	AL645568.1	ENSG00000247291	-247	0.38	0.2	8.30E-05	0.18	NA
chr1	36621451	36622310	MAP7D1	ENSG00000116871	314	0.67	0.2	9.10E-05	0.47	NA
chr1	6452814	6454185	ACOT7	ENSG00000097021	-78	0.3	0.17	9.80E-05	0.13	NA
chr1	161494024	161495356	HSPA6	ENSG00000173110	654	0.33	0.17	9.90E-05	0.16	NA
chr1	52455970	52456453	RAB3B	ENSG00000169213	204	0.27	0.13	1.00E-04	0.13	NA
chr1	119543821	119544339	RP4-712E4.1	ENSG00000226172	-65	0.29	0.11	0.00011	0.18	NA
chr1	245133028	245134711	EFCAB2	ENSG00000203666	828	0.29	0.17	0.00011	0.12	NA
chr1	146649622	146649852	RP11-337C18.5	ENSG00000180867	45	0.66	0.46	0.00012	0.21	NA
chr1	24648202	24648985	RP11-10N16.3	ENSG00000232298	-202	0.51	0.67	0.00013	-0.16	NA
chr1	35657467	35658811	SFPQ	ENSG00000116560	610	0.29	0.16	0.00013	0.12	NA
chr1	234040298	234041457	SLC35F3	ENSG00000183780	198	0.27	0.15	0.00013	0.12	NA
chr1	19638207	19639309	AKR7A2	ENSG00000053371	-357	0.25	0.12	0.00015	0.12	NA
chr1	1228780	1230163	ACAP3	ENSG00000131584	917	0.96	0.88	0.00016	0.078	NA
chr1	154244710	154245289	HAX1	ENSG00000143575	12	0.36	0.16	0.00016	0.19	NA
chr1	1655395	1656231	CDK11A	ENSG00000008128	-355	0.22	0.49	0.00017	-0.27	NA
chr1	43423467	43424768	SLC2A1	ENSG00000117394	383	0.27	0.16	0.00017	0.1	NA
chr1	6187743	6188235	CHD5	ENSG00000116254	613	0.71	0.5	0.00019	0.22	NA
chr1	94883525	94884402	ABCD3	ENSG00000117528	30	0.28	0.13	0.00019	0.15	NA
chr1	154908962	154909931	PMVK	ENSG00000163344	21	0.12	0.6	0.00019	-0.48	NA
chr1	231663999	231664608	RP11-295G20.2	ENSG00000233461	-302	0.13	0.41	0.00019	-0.29	NA
chr1	2046429	2046865	PRKCZ	ENSG00000067606	-997	0.77	0.42	2.00E-04	0.34	NA
chr1	6545143	6545559	PLEKHG5	ENSG00000171680	178	0.44	0.22	2.00E-04	0.22	NA

chr1	26551517	26552194	RP11-231P20.2	ENSG00000236155	44	0.33	0.16	2.00E-04	0.17	NA
chr1	206808523	206809187	DYRK3	ENSG00000143479	-26	0.27	0.13	2.00E-04	0.14	NA
chr1	236687071	236687608	LGALS8	ENSG00000116977	166	0.31	0.14	2.00E-04	0.17	NA
chr1	52344178	52344939	NRD1	ENSG00000078618	-176	0.39	0.21	0.00021	0.18	NA
chr1	143467293	143467675	BX004987.4	ENSG00000185044	-180	0.59	0.77	0.00021	-0.17	NA
chr1	28585831	28587249	SESN2	ENSG00000130766	502	0.25	0.15	0.00022	0.1	NA
chr1	6672786	6675741	PHF13	ENSG00000116273	518	0.26	0.19	0.00024	0.07	NA
chr1	13839505	13840613	RP4-597A16.2	ENSG00000229350	344	0.28	0.17	0.00025	0.11	NA
chr1	220701507	220702348	MARK1	ENSG00000116141	359	0.25	0.14	0.00025	0.12	NA
chr1	1361560	1361787	TMEM88B	ENSG00000205116	117	0.38	0.68	0.00026	-0.31	NA
chr1	247241579	247242201	ZNF670	ENSG00000135747	148	0.37	0.11	0.00026	0.26	NA
chr1	109289018	109289822	STXBP3	ENSG00000116266	124	0.37	0.18	0.00027	0.19	NA
chr1	244012712	244013245	AKT3	ENSG00000117020	452	0.35	0.18	0.00027	0.17	NA
chr1	14075267	14076458	PRDM2	ENSG00000116731	-33	0.23	0.14	0.00028	0.086	NA
chr1	221051966	221053673	RP11-295M18.5	ENSG00000257551	663	0.33	0.24	3.00E-04	0.094	NA
chr1	197880016	197881637	LHX9	ENSG00000143355	-792	0.32	0.18	0.00031	0.14	NA
chr1	236227682	236228817	NID1	ENSG00000116962	160	0.35	0.23	0.00031	0.12	NA
chr1	15736033	15737228	EFHD2	ENSG00000142634	239	0.28	0.15	0.00033	0.14	NA
chr1	38470617	38471396	FHL3	ENSG00000183386	168	0.38	0.18	0.00033	0.19	NA
chr1	21978101	21978764	RAP1GAP	ENSG00000076864	-103	0.22	0.46	0.00036	-0.24	NA
chr1	1283933	1285345	DVL1	ENSG00000107404	-304	0.28	0.16	0.00037	0.11	NA
chr1	2126048	2126642	C1orf86	ENSG00000162585	-167	0.4	0.15	0.00038	0.25	NA
chr1	58715272	58716095	DAB1	ENSG00000173406	492	0.34	0.18	0.00042	0.16	NA
chr1	93297498	93298122	RPL5	ENSG00000122406	213	0.35	0.16	0.00043	0.19	NA
chr1	6614136	6614835	NOL9	ENSG00000162408	75	0.36	0.17	0.00044	0.18	NA
chr1	16161260	16162880	RP11-169K16.9	ENSG00000179743	285	0.27	0.16	0.00044	0.11	NA
chr1	211306667	211307675	RP11-75I2.3	ENSG00000234233	-455	0.34	0.13	0.00044	0.21	NA
chr1	100731632	100731999	RP11-305E17.6	ENSG00000224616	-139	0.35	0.14	0.00046	0.21	NA
chr1	160001295	160001989	PIGM	ENSG00000143315	141	0.17	0.41	0.00046	-0.24	NA
chr1	29138501	29139348	OPRD1	ENSG00000116329	270	0.43	0.23	0.00047	0.21	NA

chr1	154530681	154530903	UBE2Q1	ENSG00000160714	317	0.42	0.14	0.00047	0.28	NA
chr1	47899125	47899398	RP11-511I2.5	ENSG00000237424	1052	0.31	0.76	0.00049	-0.45	NA
chr1	112938495	112939113	CTTNBP2NL	ENSG00000143079	1	0.3	0.15	0.00049	0.15	NA
chr1	231296559	231297345	TRIM67	ENSG00000119283	-906	0.52	0.3	0.00049	0.22	NA
chr1	19228828	19229634	ALDH4A1	ENSG00000159423	-209	0.3	0.16	0.00053	0.14	NA
chr1	51701767	51702542	RNF11	ENSG00000123091	211	0.31	0.18	0.00054	0.14	NA
chr1	16970855	16971492	CROCCP2	ENSG00000215908	-6	0.15	0.1	0.00055	0.048	NA
chr1	46088194	46089142	CCDC17	ENSG00000159588	-223	0.82	0.69	0.00056	0.13	NA
chr1	17051491	17051891	AL021920.2	ENSG00000243784	-370	0.94	0.88	0.00061	0.059	NA
chr1	90460399	90461237	ZNF326	ENSG00000162664	147	0.24	0.14	0.00062	0.1	NA
chr1	161068062	161068801	KLHDC9	ENSG00000162755	280	0.16	0.31	0.00063	-0.15	NA
chr1	24194254	24194990	FUCA1	ENSG00000179163	158	0.28	0.16	0.00064	0.11	NA
chr1	209957721	209958167	C1orf74	ENSG00000162757	-40	0.34	0.12	0.00068	0.22	NA
chr1	3370905	3371683	ARHGEF16	ENSG00000130762	304	0.38	0.2	0.00071	0.18	NA
chr1	2559892	2561055	MMEL1	ENSG00000142606	460	0.48	0.29	0.00074	0.19	NA
chr1	32169537	32169869	COL16A1	ENSG00000084636	-42	0.34	0.61	0.00075	-0.27	NA
chr1	1509482	1510747	SSU72	ENSG00000160075	-150	0.32	0.19	0.00077	0.14	NA
chr1	227747213	227747575	5S_rRNA	ENSG00000202264	-1488	0.79	0.31	8.00E-04	0.48	NA
chr1	211751121	211753177	SLC30A1	ENSG00000170385	-65	0.29	0.19	0.00088	0.1	NA
chr1	19281948	19283883	IFFO2	ENSG00000169991	-723	0.28	0.2	9.00E-04	0.084	NA
chr1	36786500	36789402	FAM176B	ENSG00000142694	1265	0.31	0.23	0.00093	0.076	NA
chr1	32052471	32052771	TINAGL1	ENSG00000142910	1869	0.56	0.34	0.00097	0.22	NA
chr1	174128296	174129289	RP11-160H22.5	ENSG00000227373	-367	0.26	0.14	0.001	0.12	NA
chr1	21754797	21755995	HS6ST1P1	ENSG00000187952	592	0.82	0.6	0.0011	0.23	NA
chr1	65775018	65775746	DNAJC6	ENSG00000116675	154	0.27	0.14	0.0012	0.13	NA
chr1	167905027	167906801	BRP44	ENSG00000143158	-636	0.27	0.16	0.0012	0.12	NA
chr1	211500151	211500636	TRAF5	ENSG00000082512	224	0.4	0.21	0.0012	0.19	NA
chr1	3540767	3542241	RP11-46F15.2	ENSG00000238260	-197	0.23	0.14	0.0013	0.082	NA
chr1	151966632	151966893	S100A10	ENSG00000197747	104	0.33	0.15	0.0013	0.18	NA
chr1	179544720	179545307	NPHS2	ENSG00000116218	55	0.29	0.16	0.0013	0.13	NA

chr1	1623610	1625067	SLC35E2B	ENSG00000189339	-255	0.33	0.11	0.0014	0.22	NA
chr1	26201722	26202516	Y_RNA	ENSG00000207302	-1868	0.32	0.19	0.0014	0.13	NA
chr1	36915796	36916324	OSCP1	ENSG00000116885	-180	0.4	0.19	0.0014	0.22	NA
chr1	40253683	40255172	BMP8B	ENSG00000116985	94	0.27	0.18	0.0014	0.096	NA
chr1	156084486	156085097	LMNA	ENSG00000160789	293	0.24	0.14	0.0014	0.1	NA
chr1	11119030	11120634	SRM	ENSG00000116649	-89	0.28	0.16	0.0015	0.11	NA
chr1	78444763	78445281	FUBP1	ENSG00000162613	-252	0.75	0.4	0.0015	0.35	NA
chr1	9131602	9131909	SLC2A5	ENSG00000142583	31	0.98	0.87	0.0016	0.11	NA
chr1	33168019	33168865	SYNC	ENSG00000162520	-81	0.53	0.2	0.0016	0.33	NA
chr1	6051595	6052955	KCNAB2	ENSG00000069424	-148	0.35	0.22	0.0017	0.13	NA
chr1	145096393	145096784	SEC22B	ENSG00000223380	57	0.33	0.2	0.0017	0.14	NA
chr1	2316353	2316749	MORN1	ENSG00000116151	9	0.24	0.58	0.0018	-0.35	NA
chr1	38229838	38230888	EPHA10	ENSG00000183317	375	0.28	0.17	0.0018	0.11	NA
chr1	70819733	70820719	ANKRD13C	ENSG00000118454	179	0.3	0.18	0.0018	0.12	NA
chr1	87617692	87617986	AL139139.1	ENSG00000221222	858	0.82	0.56	0.0018	0.26	NA
chr1	149783524	149784024	HIST2H2BF	ENSG00000203814	119	0.15	1	0.0018	-0.85	NA
chr1	155178547	155178980	MTX1	ENSG00000173171	175	0.37	0.1	0.0018	0.27	NA
chr1	228327508	228328560	GUK1	ENSG00000143774	371	0.26	0.17	0.0018	0.086	NA
chr1	1072369	1072847	RP11-465B22.5	ENSG00000223823	211	0.49	0.25	0.0019	0.24	NA
chr1	116518757	116519537	SLC22A15	ENSG00000163393	28	0.4	0.17	0.0019	0.24	NA
chr1	145516038	145516637	GNRHR2	ENSG00000211451	-261	1	0.14	0.0019	0.86	NA
chr1	18808873	18809667	KLHDC7A	ENSG00000179023	1605	0.66	0.55	0.002	0.12	NA
chr1	27021833	27024101	ARID1A	ENSG00000117713	443	0.24	0.16	0.002	0.079	NA
chr1	27929705	27930866	AHDC1	ENSG00000126705	-360	0.3	0.17	0.002	0.13	NA
chr1	156828804	156831102	INSRR	ENSG00000027644	-1143	0.34	0.21	0.002	0.13	NA
chr1	1713639	1714141	NADK	ENSG00000008130	-1994	0.54	0.29	0.0022	0.25	NA
chr1	155579732	155580328	MSTO1	ENSG00000125459	51	0.16	0.43	0.0022	-0.27	NA
chr1	25756470	25758115	RHCE	ENSG00000188672	-609	0.23	0.16	0.0023	0.072	NA
chr1	149671991	149673412	AL358813.4	ENSG00000242904	275	0.33	0.16	0.0023	0.17	NA
chr1	154474107	154475699	SHE	ENSG00000169291	-314	0.31	0.22	0.0023	0.091	NA

chr1	1267435	1268986	TAS1R3	ENSG00000169962	1516	0.45	0.33	0.0024	0.13	NA
chr1	16301902	16302672	ZBTB17	ENSG00000116809	287	0.42	0.19	0.0024	0.23	NA
chr1	22379009	22380029	CDC42	ENSG00000070831	399	0.18	0.35	0.0024	-0.17	NA
chr1	205312493	205313576	KLHDC8A	ENSG00000162873	276	0.31	0.23	0.0024	0.084	NA
chr1	214724104	214725056	PTPN14	ENSG00000152104	-14	0.35	0.22	0.0024	0.12	NA
chr1	1355159	1356000	RP4-758J18.6	ENSG00000235098	-46	0.26	0.14	0.0025	0.12	NA
chr1	45097281	45098049	RNF220	ENSG00000187147	31	0.39	0.19	0.0025	0.2	NA
chr1	112281052	112283277	C1orf183	ENSG00000197852	-289	0.34	0.22	0.0025	0.12	NA
chr1	156561485	156561880	APOA1BP	ENSG00000163382	140	0.53	0.16	0.0025	0.37	NA
chr1	178693968	178695075	RALGPS2	ENSG00000116191	221	0.24	0.13	0.0025	0.11	NA
chr1	27675919	27678016	SYTL1	ENSG00000142765	1000	0.54	0.65	0.0026	-0.11	NA
chr1	160175132	160175702	PEA15	ENSG00000162734	247	0.24	0.11	0.0026	0.14	NA
chr1	184723252	184724438	EDEM3	ENSG00000116406	-144	0.28	0.19	0.0026	0.088	NA
chr1	249200252	249200721	PGBD2	ENSG00000185220	91	0.32	0.14	0.0026	0.17	NA
chr1	39956424	39958137	BMP8A	ENSG00000183682	-38	0.27	0.17	0.0027	0.094	NA
chr1	224370585	224371755	DEGS1	ENSG00000143753	297	0.41	0.26	0.0027	0.15	NA
chr1	33938025	33938328	ZSCAN20	ENSG00000121903	-56	0.69	0.27	0.0028	0.43	NA
chr1	91183240	91184540	BARHL2	ENSG00000143032	-1096	0.33	0.17	0.0028	0.16	NA
chr1	6239237	6240814	CHD5	ENSG00000116254	58	0.27	0.16	0.0029	0.11	NA
chr1	12251777	12251985	TNFRSF1B	ENSG00000028137	-14	0.78	0.94	0.0029	-0.16	NA
chr1	20960045	20960551	PINK1	ENSG00000158828	350	0.27	0.14	0.003	0.12	NA
chr1	185014369	185015220	RNF2	ENSG00000121481	298	0.28	0.18	0.003	0.097	NA
chr1	86174041	86174253	ZNHIT6	ENSG00000117174	-46	0.17	0.38	0.0031	-0.21	NA
chr1	186344124	186344848	TPR	ENSG00000047410	-29	0.31	0.16	0.0031	0.14	NA
chr1	113392142	113392807	RP11-426L16.8	ENSG00000215866	-73	0.34	0.18	0.0032	0.16	NA
chr1	148903433	148903658	RP11-14N7.1	ENSG00000175658	1203	0.9	0.97	0.0033	-0.068	NA
chr1	200707849	200708948	CAMSAP1L1	ENSG00000118200	-288	0.31	0.2	0.0033	0.11	NA
chr1	206730397	206730908	RASSF5	ENSG00000136653	159	0.32	0.15	0.0035	0.16	NA
chr1	1149055	1149524	TNFRSF4	ENSG00000186827	223	0.54	0.76	0.0036	-0.22	NA
chr1	21503115	21503836	EIF4G3	ENSG00000075151	-135	0.34	0.2	0.0037	0.15	NA

chr1	205818898	205819191	PM20D1	ENSG00000162877	201	0.51	0.69	0.0038	-0.18	NA
chr1	231113871	231114873	TTC13	ENSG00000143643	170	0.26	0.17	0.0038	0.089	NA
chr1	2411125	2411404	PLCH2	ENSG00000149527	-63	0.89	0.73	0.0039	0.16	NA
chr1	36771830	36773009	SH3D21	ENSG00000214193	431	0.29	0.2	0.0039	0.097	NA
chr1	212587591	212588284	TMEM206	ENSG00000065600	300	0.32	0.15	0.0039	0.16	NA
chr1	224544523	224545224	CNIH4	ENSG00000143771	321	0.26	0.16	0.0039	0.1	NA
chr1	161228477	161229028	PCP4L1	ENSG00000248485	235	0.25	0.14	0.004	0.11	NA
chr1	27191066	27191911	SFN	ENSG00000175793	1784	0.25	0.14	0.0042	0.11	NA
chr1	67218079	67218293	TCTEX1D1	ENSG00000152760	44	0.42	0.18	0.0042	0.24	NA
chr1	181057503	181059176	IER5	ENSG00000162783	701	0.25	0.18	0.0042	0.071	NA
chr1	235811841	235814066	GNG4	ENSG00000168243	340	0.27	0.2	0.0042	0.075	NA
chr1	43147500	43149016	YBX1	ENSG00000065978	160	0.25	0.14	0.0043	0.1	NA
chr1	12040113	12040793	MFN2	ENSG00000116688	215	0.27	0.17	0.0044	0.1	NA
chr1	226069605	226070898	TMEM63A	ENSG00000196187	-182	0.32	0.22	0.0044	0.1	NA
chr1	228467964	228468497	OBSCN	ENSG00000154358	-244	0.91	0.99	0.0044	-0.079	NA
chr1	6557561	6557872	PLEKHG5	ENSG00000171680	-232	0.47	0.16	0.0045	0.31	NA
chr1	39980365	39981768	OXCT2P1	ENSG00000237624	438	0.44	0.18	0.0045	0.26	NA
chr1	180881316	180882592	KIAA1614	ENSG00000135835	-336	0.25	0.17	0.0046	0.082	NA
chr1	1534331	1536136	RP11-345P4.5	ENSG00000228594	243	0.36	0.22	0.0047	0.14	NA
chr1	11538669	11540342	PTCHD2	ENSG00000204624	282	0.25	0.18	0.0047	0.068	NA
chr1	29447699	29451847	TMEM200B	ENSG00000253304	-760	0.31	0.25	0.0049	0.056	NA
chr1	207627531	207628280	CR2	ENSG00000117322	330	0.24	0.14	0.0049	0.095	NA
chr1	226111642	226112552	PYCR2	ENSG00000143811	-404	0.24	0.14	0.0049	0.099	NA
chr1	57887963	57890637	DAB1	ENSG00000173406	429	0.24	0.16	0.005	0.074	NA
chr1	156616553	156616946	BCAN	ENSG00000132692	-171	0.83	0.69	0.005	0.15	NA
chr1	247681399	247681951	C1orf150	ENSG00000169224	-59	0.54	0.4	0.005	0.15	NA
chr1	9242167	9243827	RP3-510D11.2	ENSG00000234546	726	0.29	0.2	0.0051	0.098	NA
chr1	2005179	2005565	PRKCZ	ENSG00000067606	-53	0.41	0.26	0.0053	0.15	NA
chr1	23857033	23858089	E2F2	ENSG00000007968	151	0.24	0.15	0.0056	0.09	NA
chr1	32110210	32110961	PEF1	ENSG00000162517	-111	0.33	1	0.0057	-0.67	NA

chr1	106623393	106623854	RP5-947P14.1	ENSG00000237480	-160	0.79	0.58	0.0057	0.21	NA
chr1	235291740	235292387	TOMM20	ENSG00000173726	188	0.15	0.34	0.0057	-0.19	NA
chr1	53018258	53019599	ZCCHC11	ENSG00000134744	-274	0.29	0.18	0.0058	0.11	NA
chr1	149149250	149149505	AL356957.3	ENSG00000243493	-1382	0.5	0.2	0.0058	0.3	NA
chr1	33646613	33647878	TRIM62	ENSG00000116525	22	0.22	0.41	0.0061	-0.19	NA
chr1	967966	970238	AGRN	ENSG00000188157	-384	0.31	0.21	0.0064	0.098	NA
chr1	20878894	20880592	FAM43B	ENSG00000183114	811	0.24	0.16	0.0064	0.077	NA
chr1	37980071	37980565	MEAF6	ENSG00000163875	-50	0.52	0.25	0.0064	0.27	NA
chr1	39874018	39875239	KIAA0754	ENSG00000255103	-1523	0.29	0.19	0.0064	0.11	NA
chr1	149784592	149785212	HIST2H3D	ENSG00000183598	334	0.67	0.26	0.0064	0.41	NA
chr1	204380313	204381159	PPP1R15B	ENSG00000158615	183	0.28	0.19	0.0064	0.093	NA
chr1	212780151	212783086	ATF3	ENSG00000162772	-394	0.26	0.2	0.0067	0.063	NA
chr1	32403387	32404382	PTP4A2	ENSG00000184007	-483	0.3	0.19	0.0068	0.11	NA
chr1	45271679	45272318	TCTEX1D4	ENSG00000188396	349	0.96	0.83	0.0068	0.13	NA
chr1	50513644	50514320	ELAVL4	ENSG00000162374	296	0.63	0.22	0.0068	0.4	NA
chr1	101702445	101702745	S1PR1	ENSG00000170989	136	0.26	0.1	0.0069	0.16	NA
chr1	43996724	43997592	PTPRF	ENSG00000142949	584	0.43	0.24	0.0072	0.19	NA
chr1	90286189	90287222	LRRRC8D	ENSG00000171492	132	0.29	0.2	0.0073	0.09	NA
chr1	93913636	93914524	FNBP1L	ENSG00000137942	422	0.26	0.17	0.0073	0.091	NA
chr1	6520584	6521955	ESPN	ENSG00000187017	701	0.93	0.85	0.0076	0.071	NA
chr1	6208716	6209039	CHD5	ENSG00000116254	-1976	0.28	0.55	0.008	-0.26	NA
chr1	26560449	26561028	CEP85	ENSG00000130695	47	0.35	0.16	0.008	0.19	NA
chr1	1550453	1552015	MIB2	ENSG00000197530	439	0.22	0.16	0.0081	0.059	NA
chr1	155829109	155829431	GON4L	ENSG00000116580	-79	0.52	0.12	0.0082	0.4	NA
chr1	246729207	246730276	TFB2M	ENSG00000162851	-178	0.2	0.13	0.0082	0.07	NA
chr1	17075404	17075680	RP1-163M9.5	ENSG00000227684	-1186	0.92	0.74	0.0083	0.18	NA
chr1	151735445	151736093	OAZ3	ENSG00000143450	324	0.3	0.19	0.0083	0.12	NA
chr1	218520287	218520506	TGFB2	ENSG00000092969	16	0.68	0.33	0.0083	0.35	NA
chr1	40782220	40783145	COL9A2	ENSG00000049089	-320	0.3	0.2	0.0085	0.11	NA
chr1	9970584	9970790	CTNNBIP1	ENSG00000178585	-293	0.26	0.12	0.0086	0.14	NA

chr1	169074766	169076411	ATP1B1	ENSG00000143153	653	0.26	0.18	0.0086	0.074	NA
chr1	203242519	203242818	CHIT1	ENSG00000133063	101	0.41	0.24	0.0087	0.17	NA
chr1	15943821	15944356	DDI2	ENSG00000197312	93	0.34	0.2	0.009	0.15	NA
chr1	76189916	76190730	ACADM	ENSG00000117054	287	0.31	0.2	0.009	0.12	NA
chr1	99126872	99127711	SNX7	ENSG00000162627	55	0.27	0.16	0.009	0.11	NA
chr1	182991804	182993370	LAMC1	ENSG00000135862	-10	0.29	0.2	0.009	0.082	NA
chr1	121137784	121139057	AL592494.5	ENSG00000227082	-194	0.43	0.31	0.0091	0.12	NA
chr1	207226281	207226842	YOD1	ENSG00000180667	-236	0.28	0.14	0.0092	0.15	NA
chr1	27816342	27816853	WASF2	ENSG00000158195	-35	0.44	0.27	0.0093	0.17	NA
chr1	221054554	221054888	HLX	ENSG00000136630	137	0.9	0.62	0.0093	0.28	NA
chr1	157015149	157016229	ARHGEF11	ENSG00000132694	-527	0.29	0.2	0.0094	0.095	NA
chr1	42800265	42801370	FOXJ3	ENSG00000198815	-181	0.25	0.18	0.0096	0.077	NA
chr1	110008962	110010124	SYPL2	ENSG00000143028	363	0.21	0.31	0.0098	-0.1	NA
chr1	226249457	226251457	H3F3A	ENSG00000163041	905	0.31	0.22	0.0098	0.091	NA
chr1	35250418	35250736	GJB3	ENSG00000188910	213	0.85	0.96	0.0099	-0.11	NA
chr1	221055492	221055800	HLX	ENSG00000136630	1062	0.98	0.79	0.01	0.19	NA
chr1	21112708	21114121	HP1BP3	ENSG00000127483	-638	0.28	0.17	0.011	0.1	NA
chr1	38455232	38455769	SF3A3	ENSG00000183431	-178	0.2	0.1	0.011	0.11	NA
chr1	54870853	54872476	SSBP3	ENSG00000157216	-487	0.26	0.17	0.011	0.088	NA
chr1	101701785	101702068	RP4-575N6.4	ENSG00000225938	158	0.38	0.18	0.011	0.2	NA
chr1	212457967	212459694	PPP2R5A	ENSG00000066027	48	0.27	0.18	0.011	0.09	NA
chr1	1859246	1859523	C1orf222	ENSG00000142609	-16	0.31	0.51	0.012	-0.2	NA
chr1	1950411	1951479	GABRD	ENSG00000187730	165	0.27	0.17	0.012	0.098	NA
chr1	17865863	17866630	ARHGEF10L	ENSG00000074964	-84	0.25	0.15	0.012	0.099	NA
chr1	28286019	28286838	RP11-460I13.2	ENSG00000227050	276	0.27	0.2	0.012	0.076	NA
chr1	40105010	40105707	HEYL	ENSG00000163909	259	0.28	0.18	0.012	0.099	NA
chr1	41157162	41157975	NFYC	ENSG00000066136	248	0.42	0.19	0.012	0.23	NA
chr1	52834139	52834528	PLA2G12AP1	ENSG00000224680	-14	0.24	0.1	0.012	0.14	NA
chr1	204463293	204464086	PIK3C2B	ENSG00000133056	140	0.38	0.25	0.012	0.13	NA
chr1	8938098	8939409	ENO1	ENSG00000074800	-427	0.27	0.17	0.013	0.098	NA

chr1	33814783	33815770	PHC2	ENSG00000134686	-25	0.43	0.27	0.013	0.16	NA
chr1	62784136	62785133	KANK4	ENSG00000132854	338	0.26	0.16	0.013	0.1	NA
chr1	63833109	63833821	ALG6	ENSG00000088035	204	0.38	0.23	0.013	0.14	NA
chr1	168147963	168148637	TIPRL	ENSG00000143155	129	0.25	0.16	0.013	0.091	NA
chr1	11985643	11986634	KIAA2013	ENSG00000116685	342	0.32	0.21	0.014	0.11	NA
chr1	24969027	24970196	SRRM1	ENSG00000133226	17	0.25	0.18	0.014	0.066	NA
chr1	36590761	36591121	COL8A2	ENSG00000171812	-120	0.36	0.19	0.014	0.16	NA
chr1	114301514	114302272	PHTF1	ENSG00000116793	-116	0.24	0.17	0.014	0.076	NA
chr1	155112976	155113179	DPM3	ENSG00000179085	-57	0.28	1	0.014	-0.72	NA
chr1	169862455	169862722	SCYL3	ENSG00000000457	488	0.25	0.83	0.014	-0.58	NA
chr1	179711947	179713951	FAM163A	ENSG00000143340	651	0.24	0.18	0.014	0.063	NA
chr1	228269729	228271501	ARF1	ENSG00000143761	254	0.28	0.21	0.014	0.077	NA
chr1	247614695	247614944	OR2B11	ENSG00000177535	489	0.85	1	0.014	-0.15	NA
chr1	1203166	1203597	UBE2J2	ENSG00000160087	-1878	0.96	0.85	0.015	0.12	NA
chr1	7740143	7741117	CAMTA1	ENSG00000171735	482	0.3	0.2	0.015	0.1	NA
chr1	25558563	25559178	SYF2	ENSG00000117614	53	0.34	0.21	0.015	0.12	NA
chr1	53791687	53793496	LRP8	ENSG00000157193	480	0.32	0.21	0.015	0.11	NA
chr1	57110663	57111337	PPAP2B	ENSG00000162407	-55	0.32	0.18	0.015	0.15	NA
chr1	94311844	94313086	MIR760	ENSG00000211575	77	0.26	0.16	0.015	0.1	NA
chr1	95391837	95393116	CNN3	ENSG00000117519	162	0.25	0.18	0.015	0.073	NA
chr1	111148983	111150186	KCNA2	ENSG00000177301	-598	0.21	0.14	0.015	0.07	NA
chr1	155147185	155147444	TRIM46	ENSG00000163462	84	0.33	0.17	0.015	0.15	NA
chr1	161136001	161136686	PPOX	ENSG00000143224	143	0.4	0.24	0.015	0.17	NA
chr1	161575534	161576908	HSPA7	ENSG00000225217	140	0.43	0.61	0.015	-0.18	NA
chr1	172412867	172413281	PIGC	ENSG00000135845	12	0.36	0.16	0.015	0.2	NA
chr1	205718238	205719345	NUCKS1	ENSG00000069275	502	0.33	0.17	0.015	0.17	NA
chr1	249152411	249153419	ZNF692	ENSG00000171163	-392	0.35	0.21	0.015	0.14	NA
chr1	875730	878363	SAMD11	ENSG00000187634	590	0.31	0.24	0.016	0.071	NA
chr1	2322481	2323764	MORN1	ENSG00000116151	-12	0.31	0.23	0.016	0.078	NA
chr1	46216233	46216514	IPP	ENSG00000197429	-52	0.21	0.53	0.016	-0.32	NA

chr1	168105316	168106158	GPR161	ENSG00000143147	-116	0.32	0.21	0.016	0.12	NA
chr1	212606105	212606844	NENF	ENSG00000117691	245	0.32	0.17	0.016	0.15	NA
chr1	28157221	28157788	PPP1R8	ENSG00000117751	215	0.32	0.18	0.017	0.13	NA
chr1	33219427	33220028	KIAA1522	ENSG00000162522	107	0.24	0.13	0.017	0.1	NA
chr1	40366595	40368213	MYCL1	ENSG00000116990	150	0.23	0.17	0.017	0.054	NA
chr1	47133674	47134395	ATPAF1	ENSG00000123472	-260	0.29	0.13	0.017	0.16	NA
chr1	55446087	55446846	TMEM61	ENSG00000143001	1	0.32	0.13	0.017	0.19	NA
chr1	173638662	173639045	ANKRD45	ENSG00000183831	118	0.31	0.17	0.017	0.15	NA
chr1	179923716	179924419	CEP350	ENSG00000135837	194	0.41	0.21	0.017	0.2	NA
chr1	211589677	211590293	SNX25P1	ENSG00000236809	-382	0.28	0.16	0.017	0.12	NA
chr1	228651447	228652529	HIST3H2BA	ENSG00000181201	307	0.27	0.19	0.017	0.082	NA
chr1	805198	805628	FAM41C	ENSG00000230368	168	0.23	0.11	0.018	0.12	NA
chr1	994436	995303	RP11-465B22.3	ENSG00000217801	-245	0.22	0.15	0.018	0.07	NA
chr1	1474962	1475220	C1orf70	ENSG00000205090	646	0.31	0.12	0.018	0.19	NA
chr1	1558587	1559359	MIB2	ENSG00000197530	12	0.89	0.95	0.018	-0.057	NA
chr1	27960567	27961023	FGR	ENSG00000000938	850	0.23	0.14	0.018	0.084	NA
chr1	28844653	28845293	RCC1	ENSG00000180198	204	0.24	0.16	0.018	0.081	NA
chr1	154599763	154600505	ADAR	ENSG00000160710	254	0.32	0.21	0.018	0.11	NA
chr1	156720747	156722069	HDGF	ENSG00000143321	-323	0.24	0.16	0.018	0.076	NA
chr1	219347109	219347572	LYPLAL1	ENSG00000143353	154	0.4	0.12	0.018	0.28	NA
chr1	11710459	11710788	FBXO2	ENSG00000116661	147	1	0.17	0.019	0.83	NA
chr1	21616380	21617101	ECE1	ENSG00000117298	10	0.33	0.22	0.019	0.12	NA
chr1	27994727	27995031	RP11-288L9.4	ENSG00000225886	-1100	0.75	1	0.019	-0.25	NA
chr1	59247461	59250940	JUN	ENSG00000177606	585	0.24	0.18	0.019	0.066	NA
chr1	147737015	147737303	U1	ENSG00000199879	1408	0.75	0.43	0.019	0.32	NA
chr1	16085147	16085862	FBLIM1	ENSG00000162458	249	0.47	0.3	0.02	0.17	NA
chr1	33207636	33207874	KIAA1522	ENSG00000162522	269	0.12	0.25	0.02	-0.14	NA
chr1	33282675	33283906	YARS	ENSG00000134684	-372	0.29	0.18	0.02	0.11	NA
chr1	65613041	65614898	AK4	ENSG00000162433	737	0.23	0.17	0.02	0.057	NA
chr1	207669637	207670015	CR1	ENSG00000203710	140	0.27	0.13	0.02	0.15	NA

chr1	229567206	229570684	ACTA1	ENSG00000143632	-83	0.43	0.49	0.02	-0.064	NA
chr1	983174	983612	AGRN	ENSG00000188157	-516	0.76	0.91	0.021	-0.15	NA
chr1	16481484	16482782	RP11-276H7.2	ENSG00000227959	427	0.32	0.24	0.021	0.083	NA
chr1	116184380	116185561	VANGL1	ENSG00000173218	396	0.28	0.2	0.021	0.079	NA
chr1	156022962	156025174	UBQLN4	ENSG00000160803	-627	0.33	0.23	0.021	0.097	NA
chr1	161284118	161284451	SDHC	ENSG00000143252	113	0.15	0.26	0.021	-0.11	NA
chr1	170630456	170630851	PRRX1	ENSG00000116132	-1670	0.57	0.14	0.021	0.44	NA
chr1	249132080	249133310	ZNF672	ENSG00000171161	286	0.24	0.15	0.021	0.088	NA
chr1	4713989	4716555	AJAP1	ENSG00000196581	480	0.26	0.21	0.022	0.052	NA
chr1	6265825	6266778	RP1-120G22.11	ENSG00000226944	-461	0.3	0.23	0.022	0.072	NA
chr1	6305148	6306463	HES3	ENSG00000173673	1553	0.32	0.22	0.022	0.097	NA
chr1	115397448	115397942	SYCP1	ENSG00000198765	240	0.94	0.69	0.022	0.25	NA
chr1	165796653	165797683	UCK2	ENSG00000143179	400	0.23	0.16	0.022	0.065	NA
chr1	241520103	241520790	RGS7	ENSG00000182901	-231	0.21	0.14	0.022	0.069	NA
chr1	65210282	65211238	RAVER2	ENSG00000162437	-18	0.38	0.21	0.023	0.17	NA
chr1	119529819	119530712	TBX15	ENSG00000092607	163	0.35	0.22	0.023	0.13	NA
chr1	153930546	153931130	CRTC2	ENSG00000160741	-239	0.2	0.3	0.023	-0.1	NA
chr1	156877769	156878649	PEAR1	ENSG00000187800	-1540	0.44	0.34	0.023	0.098	NA
chr1	112531559	112533773	KCND3	ENSG00000171385	-889	0.25	0.19	0.024	0.062	NA
chr1	181382290	181382848	CACNA1E	ENSG00000198216	331	0.96	1	0.024	-0.033	NA
chr1	46913786	46914343	RP5-1109J22.2	ENSG00000224863	1312	0.39	0.28	0.025	0.11	NA
chr1	110880942	110882800	RBM15	ENSG00000162775	743	0.35	0.23	0.025	0.12	NA
chr1	143663818	143664138	BX284650.1	ENSG00000223804	9	1	0.34	0.025	0.66	NA
chr1	244816199	244817080	PPPDE1	ENSG00000121644	402	0.26	0.18	0.025	0.084	NA
chr1	26798366	26799842	HMG2	ENSG00000198830	163	0.27	0.15	0.026	0.12	NA
chr1	28052145	28053002	FAM76A	ENSG0000009780	83	0.33	0.21	0.026	0.12	NA
chr1	150039324	150039815	VPS45	ENSG00000136631	200	0.28	0.17	0.026	0.11	NA
chr1	198125896	198126842	NEK7	ENSG00000151414	276	0.3	0.21	0.026	0.083	NA
chr1	1247918	1248493	CPSF3L	ENSG00000127054	-124	0.87	0.78	0.027	0.086	NA
chr1	3342012	3342806	PRDM16	ENSG00000142611	926	0.85	0.92	0.027	-0.074	NA

chr1	21995063	21995914	RAP1GAP	ENSG00000076864	288	0.25	0.16	0.027	0.088	NA
chr1	156627342	156627576	BCAN	ENSG00000132692	938	0.19	0.35	0.027	-0.17	NA
chr1	200589552	200590124	KIF14	ENSG00000118193	24	0.22	0.39	0.027	-0.17	NA
chr1	205196791	205197252	TMCC2	ENSG00000133069	-283	0.54	0.21	0.027	0.32	NA
chr1	223536842	223538628	SUSD4	ENSG00000143502	-538	0.32	0.24	0.027	0.085	NA
chr1	1018099	1018390	C1orf159	ENSG00000131591	1208	0.82	0.9	0.028	-0.081	NA
chr1	1396085	1396338	ATAD3C	ENSG00000215915	-1652	0.7	0.87	0.028	-0.17	NA
chr1	12226876	12227712	TNFRSF1B	ENSG00000028137	234	0.25	0.18	0.028	0.073	NA
chr1	161953616	161954039	OLFML2B	ENSG00000162745	-96	0.87	0.97	0.028	-0.1	NA
chr1	6301695	6302856	HES3	ENSG00000173673	-1977	0.38	0.26	0.029	0.13	NA
chr1	10532177	10532800	PEX14	ENSG00000142655	143	0.31	0.2	0.029	0.11	NA
chr1	16563544	16563799	RSG1	ENSG00000132881	-176	0.33	0.14	0.029	0.2	NA
chr1	32228347	32230252	BAI2	ENSG00000121753	224	0.22	0.16	0.029	0.059	NA
chr1	60280624	60281048	HOOK1	ENSG00000134709	-8	0.26	0.14	0.029	0.12	NA
chr1	109618579	109618832	TAF13	ENSG00000197780	-112	0.28	0.14	0.029	0.14	NA
chr1	114695136	114696672	SYT6	ENSG00000134207	-422	0.24	0.18	0.03	0.064	NA
chr1	153643318	153643529	ILF2	ENSG00000143621	35	0.36	0.18	0.03	0.18	NA
chr1	185125850	185126705	TRMT1L	ENSG00000121486	-164	0.38	0.15	0.03	0.23	NA
chr1	15479219	15481471	TMEM51	ENSG00000171729	116	0.25	0.32	0.031	-0.07	NA
chr1	36614855	36615462	TRAPPC3	ENSG00000054116	-270	0.22	0.16	0.031	0.064	NA
chr1	45205323	45205745	KIF2C	ENSG00000142945	44	0.25	0.11	0.031	0.15	NA
chr1	224301835	224302472	FBXO28	ENSG00000143756	280	0.22	0.15	0.031	0.073	NA
chr1	241587601	241587883	RP11-527D7.1	ENSG00000225554	44	0.22	0.37	0.031	-0.15	NA
chr1	6320137	6320942	GPR153	ENSG00000158292	496	0.22	0.14	0.032	0.081	NA
chr1	36863211	36863603	LSM10	ENSG00000181817	72	0.44	0.31	0.032	0.13	NA
chr1	38219702	38220012	EPHA10	ENSG00000183317	-1191	0.24	0.11	0.032	0.13	NA
chr1	46269099	46269820	MAST2	ENSG00000086015	174	0.13	0.26	0.032	-0.13	NA
chr1	68298371	68299315	GNG12	ENSG00000172380	276	0.34	0.25	0.032	0.096	NA
chr1	25255527	25259005	RUNX3	ENSG00000020633	-1654	0.26	0.22	0.033	0.046	NA
chr1	44063469	44063757	PTPRF	ENSG00000142949	-132	0.93	0.99	0.033	-0.065	NA

chr1	179334794	179335338	AXDND1	ENSG00000162779	211	0.62	0.28	0.033	0.34	NA
chr1	212964866	212965347	NSL1	ENSG00000117697	-183	0.22	0.11	0.033	0.11	NA
chr1	247274585	247275757	C1orf229	ENSG00000221953	548	0.19	0.27	0.033	-0.075	NA
chr1	1208515	1209942	UBE2J2	ENSG00000160087	-377	0.22	0.15	0.034	0.071	NA
chr1	24126799	24127549	GALE	ENSG00000117308	-282	0.2	0.1	0.034	0.1	NA
chr1	26146122	26147349	RP1-317E23.3	ENSG00000228172	-501	0.25	0.18	0.034	0.067	NA
chr1	53098629	53099303	FAM159A	ENSG00000182183	-50	0.35	0.19	0.034	0.16	NA
chr1	65731411	65731849	DNAJC6	ENSG00000116675	1183	0.27	0.17	0.034	0.095	NA
chr1	94313317	94313628	BCAR3	ENSG00000137936	-766	0.6	0.18	0.034	0.42	NA
chr1	117452203	117453452	PTGFRN	ENSG00000134247	148	0.29	0.2	0.035	0.082	NA
chr1	145610679	145611143	POLR3C	ENSG00000186141	-181	0.19	0.4	0.035	-0.21	NA
chr1	212003431	212004280	LPGAT1	ENSG00000123684	-275	0.35	0.25	0.035	0.1	NA
chr1	10755226	10755521	CASZ1	ENSG00000130940	-837	0.43	0.74	0.036	-0.31	NA
chr1	65532161	65533212	RP4-535B20.1	ENSG00000231485	734	0.33	0.22	0.036	0.11	NA
chr1	114447454	114448024	AP4B1	ENSG00000134262	-284	0.29	0.19	0.036	0.095	NA
chr1	156542099	156542502	IQGAP3	ENSG00000183856	32	0.27	0.45	0.037	-0.18	NA
chr1	8763005	8763549	RERE	ENSG00000142599	1	0.28	0.19	0.038	0.087	NA
chr1	32687521	32688040	EIF3I	ENSG00000084623	251	0.37	0.23	0.038	0.14	NA
chr1	40041317	40042667	PABPC4	ENSG00000090621	-539	0.21	0.15	0.038	0.058	NA
chr1	52607400	52608504	ZFYVE9	ENSG00000157077	-94	0.27	0.19	0.038	0.075	NA
chr1	64971358	64971604	CACHD1	ENSG00000158966	-117	0.75	0.19	0.038	0.56	NA
chr1	85039825	85040344	CTBS	ENSG00000117151	20	0.31	0.19	0.038	0.12	NA
chr1	109419544	109420038	GPSM2	ENSG00000121957	188	0.26	0.15	0.038	0.11	NA
chr1	197871588	197872299	C1orf53	ENSG00000203724	166	0.33	0.22	0.038	0.11	NA
chr1	40942784	40943387	ZNF642	ENSG00000187815	198	0.35	0.23	0.039	0.12	NA
chr1	222885326	222886230	AIDA	ENSG00000186063	-173	0.36	0.19	0.039	0.17	NA
chr1	1342004	1342952	MRPL20	ENSG00000242485	-100	0.17	0.24	0.04	-0.064	NA
chr1	36396249	36397262	EIF2C3	ENSG00000126070	436	0.19	0.14	0.04	0.053	NA
chr1	53742297	53742845	LRP8	ENSG00000157193	-1236	0.97	0.92	0.04	0.043	NA
chr1	91316249	91317390	RP4-665J23.1	ENSG00000233593	356	0.22	0.15	0.04	0.068	NA

chr1	10534918	10535172	PEX14	ENSG00000142655	101	0.12	0.33	0.041	-0.21	NA
chr1	110051954	110052505	AMIGO1	ENSG00000181754	75	0.34	0.2	0.041	0.14	NA
chr1	110949892	110950540	RP11-225L12.2	ENSG00000224699	69	0.36	0.24	0.041	0.12	NA
chr1	38259095	38260427	MANEAL	ENSG00000185090	287	0.27	0.2	0.042	0.063	NA
chr1	109505681	109506214	CLCC1	ENSG00000121940	125	0.25	0.17	0.042	0.075	NA
chr1	156051239	156051461	MEX3A	ENSG00000254726	145	0.38	0.65	0.042	-0.26	NA
chr1	202926879	202927476	ADIPOR1	ENSG00000159346	236	0.18	0.12	0.042	0.057	NA
chr1	20810462	20813511	CAMK2N1	ENSG00000162545	-848	0.22	0.17	0.043	0.051	NA
chr1	51810327	51810687	TTC39A	ENSG00000085831	281	0.3	0.15	0.043	0.16	NA
chr1	169763973	169764347	METTL18	ENSG00000171806	-56	0.27	0.13	0.043	0.14	NA
chr1	24018355	24018567	RPL11	ENSG00000142676	136	0.33	0.12	0.044	0.2	NA
chr1	32221887	32222107	BAI2	ENSG00000121753	-132	0.9	0.68	0.044	0.22	NA
chr1	40915605	40916072	ZNF643	ENSG00000187801	64	0.24	0.14	0.044	0.1	NA
chr1	184355415	184356811	C1orf21	ENSG00000116667	-79	0.25	0.18	0.044	0.064	NA
chr1	224805408	224805853	CNIH3	ENSG00000143786	1635	0.49	0.32	0.044	0.17	NA
chr1	49242371	49242810	BEND5	ENSG00000162373	-183	0.32	0.17	0.045	0.15	NA
chr1	85665818	85667650	SYDE2	ENSG00000097096	-538	0.21	0.17	0.045	0.048	NA
chr1	151253658	151255769	ZNF687	ENSG00000143373	619	0.3	0.22	0.045	0.078	NA
chr1	171750399	171750934	METTL13	ENSG0000010165	-122	0.26	0.15	0.045	0.11	NA
chr1	205743900	205744668	RAB7L1	ENSG00000117280	-5	0.26	0.14	0.045	0.12	NA
chr1	33366792	33367002	TMEM54	ENSG00000121900	56	0.19	0.56	0.046	-0.37	NA
chr1	114354373	114355300	RSBN1	ENSG00000081019	79	0.16	0.27	0.046	-0.11	NA
chr1	155292469	155295433	RUSC1	ENSG00000160753	1148	0.26	0.22	0.046	0.047	NA
chr1	52521780	52522296	BTF3L4	ENSG00000134717	241	0.57	0.18	0.047	0.38	NA
chr1	95006837	95008051	F3	ENSG00000117525	-251	0.29	0.22	0.047	0.064	NA
chr1	150521349	150522368	ADAMTSL4	ENSG00000143382	-26	0.34	0.25	0.047	0.093	NA
chr1	207082693	207083202	FAIM3	ENSG00000162894	343	0.33	0.15	0.047	0.18	NA
chr1	46806339	46806836	NSUN4	ENSG00000117481	190	0.36	0.21	0.048	0.15	NA
chr1	67519224	67520139	SLC35D1	ENSG00000116704	101	0.29	0.18	0.048	0.11	NA
chr1	121260857	121261525	EMBP1	ENSG00000231752	48	0.23	0.15	0.048	0.084	NA

chr1	228404148	228404397	OBSCN	ENSG00000154358	882	0.6	0.79	0.049	-0.19	NA
chr1	38022452	38022719	DNALI1	ENSG00000163879	65	0.26	0.58	0.05	-0.32	NA
chr1	22889595	22890096	EPHA8	ENSG00000070886	-212	0.26	0.15	0.051	0.11	NA
chr1	46859724	46860291	FAAH	ENSG00000117480	70	0.32	0.22	0.051	0.1	NA
chr1	51425447	51426070	FAF1	ENSG00000185104	-293	0.27	0.2	0.051	0.068	NA
chr1	68150913	68152270	GADD45A	ENSG00000116717	232	0.2	0.27	0.051	-0.073	NA
chr1	148853996	148855761	RP11-763B22.7	ENSG00000223495	-758	0.41	0.32	0.051	0.09	NA
chr1	32740710	32741544	LCK	ENSG00000182866	-94	0.35	0.23	0.052	0.11	NA
chr1	44115616	44116309	KDM4A	ENSG00000066135	133	0.24	0.5	0.052	-0.26	NA
chr1	149646603	149646851	RP11-353N4.2	ENSG00000239903	-895	0.71	0.94	0.052	-0.23	NA
chr1	231556681	231558447	EGLN1	ENSG00000135766	-330	0.18	0.23	0.052	-0.047	NA
chr1	6844313	6846366	RP11-312B8.1	ENSG00000237436	-436	0.23	0.18	0.053	0.046	NA
chr1	45956345	45956893	TESK2	ENSG00000070759	196	0.15	0.38	0.053	-0.24	NA
chr1	91487158	91487807	ZNF644	ENSG00000122482	-200	0.3	0.16	0.054	0.13	NA
chr1	217804267	217804477	GPATCH2	ENSG00000092978	52	0.34	0.18	0.054	0.16	NA
chr1	39570665	39571859	MACF1	ENSG00000127603	179	0.29	0.21	0.055	0.082	NA
chr1	53392880	53393645	ECHDC2	ENSG00000121310	-378	0.21	0.31	0.055	-0.098	NA
chr1	11333259	11333547	UBIAD1	ENSG00000120942	140	0.28	0.14	0.056	0.15	NA
chr1	38099677	38100864	RSPO1	ENSG00000169218	18	0.26	0.2	0.056	0.058	NA
chr1	101004471	101005885	GPR88	ENSG00000181656	1485	0.31	0.23	0.056	0.075	NA
chr1	26856191	26856684	RPS6KA1	ENSG00000117676	185	0.22	0.13	0.057	0.092	NA
chr1	165324191	165326328	LMX1A	ENSG00000162761	-276	0.38	0.28	0.057	0.094	NA
chr1	10698299	10698910	CASZ1	ENSG00000130940	216	0.95	0.89	0.058	0.064	NA
chr1	43352785	43352994	RP11-342M1.7	ENSG00000233708	1549	1	0.78	0.058	0.22	NA
chr1	205537751	205538443	MFSD4	ENSG00000174514	84	0.27	0.17	0.058	0.095	NA
chr1	223936342	223937044	CAPN2	ENSG00000162909	1883	0.4	0.3	0.058	0.1	NA
chr1	36022680	36023834	KIAA0319L	ENSG00000142687	-281	0.25	0.18	0.059	0.068	NA
chr1	65720047	65720592	DNAJC6	ENSG00000116675	174	0.24	0.16	0.059	0.082	NA
chr1	1370767	1371449	VWA1	ENSG00000179403	205	0.33	0.2	0.06	0.12	NA
chr1	150241047	150241654	APH1A	ENSG00000117362	49	0.27	0.17	0.06	0.091	NA

chr1	179051075	179051948	TOR3A	ENSG00000186283	306	0.28	0.19	0.061	0.08	NA
chr1	45769213	45769917	AL359540.1	ENSG00000246279	1725	0.25	0.34	0.062	-0.092	NA
chr1	201798213	201798698	RP11-90L20.3	ENSG00000231871	-242	0.11	0.22	0.062	-0.1	NA
chr1	39324815	39325721	RRAGC	ENSG00000116954	227	0.24	0.17	0.063	0.069	NA
chr1	53067880	53068608	GPX7	ENSG00000116157	200	0.24	0.18	0.063	0.061	NA
chr1	150980735	150981092	FAM63A	ENSG00000143409	-59	0.36	0.2	0.063	0.16	NA
chr1	156890243	156890806	LRRC71	ENSG00000160838	82	0.21	0.31	0.063	-0.098	NA
chr1	248855030	248855470	XX-CR54.1	ENSG00000229703	-242	0.76	0.68	0.063	0.084	NA
chr1	107682889	107684463	NTNG1	ENSG00000162631	234	0.33	0.25	0.064	0.073	NA
chr1	228194096	228196512	WNT3A	ENSG00000154342	552	0.27	0.21	0.064	0.066	NA
chr1	44871109	44874047	RNF220	ENSG00000187147	1618	0.26	0.22	0.065	0.038	NA
chr1	8483389	8484339	RERE	ENSG00000142599	-385	0.22	0.17	0.066	0.052	NA
chr1	20512360	20512797	UBXN10	ENSG00000162543	0	0.78	0.6	0.066	0.18	NA
chr1	21671360	21672319	ECE1	ENSG00000117298	-209	0.28	0.22	0.067	0.054	NA
chr1	228674346	228675752	RNF187	ENSG00000168159	287	0.23	0.17	0.067	0.06	NA
chr1	152008838	152009112	S100A11	ENSG00000163191	536	0.16	0.5	0.068	-0.34	NA
chr1	153918372	153919334	DENND4B	ENSG00000198837	319	0.27	0.21	0.068	0.06	NA
chr1	156897199	156897796	LRRC71	ENSG00000160838	343	0.33	0.25	0.07	0.076	NA
chr1	116915291	116916813	ATP1A1	ENSG00000163399	170	0.25	0.19	0.071	0.065	NA
chr1	161129138	161129689	RP11-297K8.2	ENSG00000224985	-274	0.27	0.18	0.071	0.085	NA
chr1	228295368	228295569	MRPL55	ENSG00000162910	508	0.94	0.76	0.071	0.18	NA
chr1	31538412	31538938	PUM1	ENSG00000134644	-152	0.16	0.25	0.072	-0.094	NA
chr1	40626913	40627612	RLF	ENSG00000117000	217	0.21	0.14	0.072	0.065	NA
chr1	161695637	161697298	FCRLB	ENSG00000162746	776	0.23	0.17	0.072	0.058	NA
chr1	204797610	204797930	NFASC	ENSG00000163531	-9	0.3	0.11	0.072	0.19	NA
chr1	155145342	155145938	KRTCAP2	ENSG00000163463	74	0.18	0.29	0.073	-0.11	NA
chr1	161102107	161102536	DEDD	ENSG00000158796	-81	0.23	0.13	0.073	0.1	NA
chr1	11750701	11752651	MAD2L2	ENSG00000116670	-142	0.25	0.31	0.074	-0.063	NA
chr1	109940074	109940894	SORT1	ENSG00000134243	-1	0.24	0.17	0.074	0.073	NA
chr1	144931339	144932626	PDE4DIP	ENSG00000178104	-274	0.15	0.12	0.074	0.032	NA

chr1	161368863	161369932	U6	ENSG00000206921	-1682	0.23	0.31	0.074	-0.08	NA
chr1	183386000	183387664	NMNAT2	ENSG00000157064	905	0.21	0.16	0.074	0.058	NA
chr1	10458548	10459997	PGD	ENSG00000142657	623	0.23	0.17	0.075	0.055	NA
chr1	65885856	65886704	LEPR	ENSG00000116678	32	0.17	0.24	0.075	-0.073	NA
chr1	205498003	205498590	CDK18	ENSG00000117266	-26	0.28	0.18	0.075	0.1	NA
chr1	227922643	227923431	SNAP47	ENSG00000143740	340	0.21	0.15	0.075	0.058	NA
chr1	156710798	156711146	MRPL24	ENSG00000143314	-92	0.25	0.53	0.076	-0.28	NA
chr1	214781662	214782556	RP11-365D23.1	ENSG00000250536	74	0.95	0.98	0.076	-0.035	NA
chr1	247170868	247171434	ZNF695	ENSG00000197472	150	0.25	0.17	0.076	0.079	NA
chr1	23670245	23671363	HNRNPR	ENSG00000125944	-49	0.23	0.19	0.077	0.048	NA
chr1	119870226	119870535	RP5-834N19.1	ENSG00000232650	-419	0.28	0.12	0.077	0.16	NA
chr1	167690978	167691852	MPZL1	ENSG00000197965	228	0.25	0.17	0.077	0.072	NA
chr1	713984	714547	RP11-206L10.2	ENSG00000228327	-259	0.5	0.1	0.078	0.4	NA
chr1	949329	949851	ISG15	ENSG00000187608	787	0.7	0.94	0.078	-0.24	NA
chr1	84543146	84544261	PRKACB	ENSG00000142875	-42	0.19	0.29	0.079	-0.096	NA
chr1	40156930	40158514	HPCAL4	ENSG00000116983	-361	0.29	0.21	0.081	0.076	NA
chr1	62207827	62208818	INADL	ENSG00000132849	173	0.27	0.21	0.081	0.068	NA
chr1	159894329	159895398	TAGLN2	ENSG00000158710	-522	0.47	0.35	0.081	0.12	NA
chr1	29557220	29557627	MECR	ENSG00000116353	-43	0.3	0.18	0.082	0.11	NA
chr1	40598508	40599209	RP11-115D7.3	ENSG00000226745	424	0.56	0.36	0.083	0.2	NA
chr1	41826680	41828290	FOXO6	ENSG00000204060	-109	0.27	0.2	0.083	0.076	NA
chr1	113498366	113499312	SLC16A1	ENSG00000155380	-223	0.24	0.16	0.083	0.077	NA
chr1	228593811	228594713	TRIM11	ENSG00000154370	202	0.3	0.22	0.083	0.08	NA
chr1	28099628	28100031	STX12	ENSG00000117758	135	0.19	0.27	0.085	-0.082	NA
chr1	44457150	44457772	CCDC24	ENSG00000159214	181	0.29	0.19	0.085	0.1	NA
chr1	32645154	32645814	TXLNA	ENSG00000084652	197	0.2	0.15	0.086	0.053	NA
chr1	50489417	50489846	AGBL4	ENSG00000186094	-59	0.33	0.2	0.086	0.14	NA
chr1	235667089	235668619	B3GALNT2	ENSG00000162885	-132	0.26	0.21	0.086	0.056	NA
chr1	45476225	45477022	HECTD3	ENSG00000126107	378	0.25	0.19	0.087	0.058	NA
chr1	60392272	60392583	CYP2J2	ENSG00000134716	0	0.41	0.08	0.087	0.33	NA

chr1	154933928	154934735	PYGO2	ENSG00000163348	-107	0.26	0.17	0.087	0.092	NA
chr1	246887264	246888028	SCCPDH	ENSG00000143653	297	0.26	0.16	0.087	0.11	NA
chr1	1590073	1590942	AL691432.2	ENSG00000248333	-1572	0.29	0.21	0.088	0.083	NA
chr1	24104502	24105263	RP5-886K2.3	ENSG00000236810	-105	0.35	0.23	0.088	0.13	NA
chr1	150254365	150254637	C1orf51	ENSG00000159208	-452	0.22	0.5	0.088	-0.28	NA
chr1	156105707	156106171	LMNA	ENSG00000160789	61	0.8	0.64	0.089	0.16	NA
chr1	226186803	226187336	C1orf55	ENSG00000143751	-46	0.24	0.32	0.089	-0.076	NA
chr1	3607096	3607553	TP73	ENSG00000078900	88	0.92	0.98	0.09	-0.055	NA
chr1	109102538	109103212	FAM102B	ENSG00000162636	164	0.3	0.43	0.09	-0.13	NA
chr1	234613936	234614972	TARBP1	ENSG00000059588	395	0.2	0.14	0.091	0.057	NA
chr1	17292904	17293115	CROCC	ENSG00000058453	486	0.97	0.91	0.092	0.061	NA
chr1	151881763	151882407	THEM4	ENSG00000159445	-107	0.29	0.2	0.092	0.091	NA
chr1	1027509	1027730	C1orf159	ENSG00000131591	-65	0.89	1	0.094	-0.11	NA
chr1	117664180	117665148	TRIM45	ENSG00000134253	-314	0.35	0.23	0.094	0.12	NA
chr1	1177885	1178207	FAM132A	ENSG00000184163	492	0.84	0.93	0.096	-0.095	NA
chr1	222817467	222817671	MIA3	ENSG00000154305	-76	0.23	0.44	0.096	-0.21	NA
chr1	226374035	226374760	ACBD3	ENSG00000182827	34	0.25	0.17	0.096	0.083	NA
chr1	61542537	61542877	NFIA	ENSG00000162599	-239	0.25	0.15	0.097	0.097	NA
chr1	64239465	64240779	ROR1	ENSG00000185483	429	0.24	0.19	0.097	0.053	NA
chr1	180471325	180472277	ACBD6	ENSG00000135847	288	0.22	0.16	0.098	0.06	NA
chr1	65991001	65991811	LEPR	ENSG00000116678	34	0.26	0.2	0.099	0.064	NA
chr1	161719414	161720076	DUSP12	ENSG00000081721	197	0.29	0.21	0.099	0.078	NA
chr1	32670569	32671885	IQCC	ENSG00000160051	-9	0.17	0.24	0.1	-0.065	NA
chr1	35325182	35325550	C1orf212	ENSG00000163866	-48	0.27	0.18	0.1	0.089	NA
chr1	40149431	40150013	HPCAL4	ENSG00000116983	553	0.54	0.62	0.1	-0.075	NA
chr1	40839215	40840022	SMAP2	ENSG00000084070	249	0.22	0.32	0.1	-0.095	NA
chr1	45671702	45672388	ZSWIM5	ENSG00000162415	183	0.22	0.15	0.1	0.067	NA
chr1	82265998	82269048	LPHN2	ENSG00000117114	1441	0.21	0.25	0.1	-0.042	NA
chr1	85929940	85931168	DDAH1	ENSG00000153904	-287	0.24	0.19	0.1	0.053	NA
chr1	87380162	87381214	HS2ST1	ENSG00000153936	357	0.22	0.16	0.1	0.056	NA

chr1	113217475	113218097	MOV10	ENSG00000155363	208	0.17	0.25	0.1	-0.075	NA
chr1	113256885	113258149	PPM1J	ENSG00000155367	360	0.27	0.19	0.1	0.08	NA
chr1	147141842	147142918	ACP6	ENSG00000162836	-16	0.26	0.19	0.1	0.07	NA
chr1	154975697	154976624	ZBTB7B	ENSG00000160685	839	0.17	0.25	0.1	-0.086	NA
chr1	170043610	170043997	KIFAP3	ENSG00000075945	-74	0.18	0.3	0.1	-0.13	NA
chr1	183604283	183605333	ARPC5	ENSG00000162704	9	0.22	0.31	0.1	-0.086	NA
chr1	208041862	208042718	C1orf132	ENSG00000203709	205	0.26	0.18	0.1	0.08	NA
chr1	225997646	225998233	EPHX1	ENSG00000143819	145	0.41	0.22	0.1	0.19	NA
chr1	16543683	16544307	ANO7L1	ENSG00000237276	-172	0.35	0.58	0.11	-0.23	NA
chr1	16847280	16847892	RP4-798A10.4	ENSG00000224174	397	0.88	0.77	0.11	0.12	NA
chr1	17764072	17765811	RCC2	ENSG00000179051	116	0.24	0.18	0.11	0.057	NA
chr1	45792419	45793301	HPDL	ENSG00000186603	315	0.31	0.23	0.11	0.076	NA
chr1	68696639	68697628	WLS	ENSG00000116729	237	0.3	0.19	0.11	0.11	NA
chr1	149146208	149146697	U1	ENSG00000202167	427	0.4	0.67	0.11	-0.26	NA
chr1	151319326	151319545	RFX5	ENSG00000143390	-103	0.21	0.12	0.11	0.096	NA
chr1	197170005	197170719	CRB1	ENSG00000134376	-230	0.2	0.14	0.11	0.05	NA
chr1	229643713	229644293	NUP133	ENSG00000069248	42	0.36	0.23	0.11	0.13	NA
chr1	236511353	236511777	EDARADD	ENSG00000186197	3	0.93	0.85	0.11	0.088	NA
chr1	1051178	1052445	C1orf159	ENSG00000131591	-350	0.18	0.24	0.12	-0.056	NA
chr1	2979275	2980758	RP1-163G9.1	ENSG00000177133	230	0.27	0.34	0.12	-0.069	NA
chr1	3816356	3818084	C1orf174	ENSG00000198912	-409	0.33	0.23	0.12	0.098	NA
chr1	10719867	10720581	CASZ1	ENSG00000130940	1231	0.94	0.98	0.12	-0.039	NA
chr1	72748471	72749736	NEGR1	ENSG00000172260	-686	0.18	0.12	0.12	0.06	NA
chr1	89989810	89990986	LRRC8B	ENSG00000197147	3	0.21	0.16	0.12	0.055	NA
chr1	113615591	113616260	RP11-31F15.2	ENSG00000238198	-198	0.23	0.14	0.12	0.092	NA
chr1	155715297	155715908	RP11-243J18.3	ENSG00000203761	-18	0.27	0.65	0.12	-0.37	NA
chr1	159824006	159825011	C1orf204	ENSG00000188004	185	0.2	0.26	0.12	-0.054	NA
chr1	167408512	167409137	CD247	ENSG00000198821	34	0.21	0.15	0.12	0.053	NA
chr1	169396621	169396869	C1orf114	ENSG00000117477	-90	0.24	0.14	0.12	0.1	NA
chr1	173793288	173794095	CENPL	ENSG00000120334	-379	0.21	0.3	0.12	-0.087	NA

chr1	205179963	205180910	DSTYK	ENSG00000133059	258	0.16	0.23	0.12	-0.067	NA
chr1	217262998	217263214	ESRRG	ENSG00000196482	-128	0.27	0.09	0.12	0.17	NA
chr1	9599350	9600444	SLC25A33	ENSG00000171612	356	0.34	0.24	0.13	0.099	NA
chr1	43282574	43283090	ERMAP	ENSG00000164010	37	0.22	0.15	0.13	0.07	NA
chr1	44172668	44173763	RP11-184I16.2	ENSG00000236200	-214	0.22	0.17	0.13	0.052	NA
chr1	92414718	92414986	BRDT	ENSG00000137948	-76	0.94	1	0.13	-0.061	NA
chr1	95699725	95700142	RWDD3	ENSG00000122481	174	0.44	0.15	0.13	0.29	NA
chr1	155531914	155533280	ASH1L	ENSG00000116539	-274	0.32	0.21	0.13	0.11	NA
chr1	167599464	167599839	RCSD1	ENSG00000198771	165	0.31	0.22	0.13	0.088	NA
chr1	197885060	197885389	LHX9	ENSG00000143355	-1265	0.34	0.19	0.13	0.15	NA
chr1	201139874	201140504	TMEM9	ENSG00000116857	513	0.24	0.16	0.13	0.077	NA
chr1	202830061	202830923	RP11-480I12.5	ENSG00000214796	244	0.25	0.16	0.13	0.091	NA
chr1	229406646	229407129	RP5-1061H20.4	ENSG00000177788	-137	0.28	0.19	0.13	0.087	NA
chr1	244614522	244615601	ADSS	ENSG00000035687	-16	0.25	0.2	0.13	0.048	NA
chr1	244998023	244999142	FAM36A	ENSG00000203667	-42	0.31	0.25	0.13	0.056	NA
chr1	858970	861632	SAMD11	ENSG00000187634	41	0.24	0.21	0.14	0.038	NA
chr1	1050515	1050830	C1orf159	ENSG00000131591	789	0.37	0.53	0.14	-0.16	NA
chr1	2158212	2161173	SKI	ENSG00000157933	-442	0.26	0.22	0.14	0.04	NA
chr1	8384387	8384719	SLC45A1	ENSG00000162426	163	0.96	0.89	0.14	0.064	NA
chr1	10853894	10856964	CASZ1	ENSG00000130940	1276	0.28	0.25	0.14	0.036	NA
chr1	25572966	25574521	C1orf63	ENSG00000117616	-717	0.23	0.19	0.14	0.044	NA
chr1	26231950	26233624	STMN1	ENSG00000117632	-807	0.26	0.19	0.14	0.063	NA
chr1	47082016	47082526	MOBKLC2	ENSG00000142961	-134	0.18	0.27	0.14	-0.093	NA
chr1	87169875	87171015	SH3GLB1	ENSG00000097033	186	0.27	0.22	0.14	0.047	NA
chr1	90228744	90229173	LRRC8C	ENSG00000171488	-146	0.27	0.12	0.14	0.15	NA
chr1	93249938	93251096	EVI5	ENSG00000067208	6	0.24	0.17	0.14	0.068	NA
chr1	155163434	155163818	MUC1	ENSG00000185499	-919	0.27	0.14	0.14	0.13	NA
chr1	156646292	156647260	NES	ENSG00000132688	413	0.17	0.29	0.14	-0.12	NA
chr1	165567265	165567530	RP11-306I1.2	ENSG00000236206	-303	0.43	0.24	0.14	0.19	NA
chr1	246670148	246670768	SMYD3	ENSG00000185420	-12	0.49	0.31	0.14	0.17	NA

chr1	247802738	247803141	RP11-634B7.4	ENSG00000235749	-112	0.34	0.27	0.14	0.071	NA
chr1	1420226	1420684	ATAD3B	ENSG00000160072	506	0.91	0.8	0.15	0.11	NA
chr1	8085554	8086854	ERRFI1	ENSG00000116285	139	0.17	0.21	0.15	-0.041	NA
chr1	16175829	16176117	RP11-169K16.9	ENSG00000179743	-1331	0.32	0.18	0.15	0.14	NA
chr1	17215421	17216094	RP11-108M9.5	ENSG00000235241	167	0.28	0.33	0.15	-0.055	NA
chr1	31191574	31191960	RP5-1166H10.2	ENSG00000186056	148	0.18	0.26	0.15	-0.083	NA
chr1	38218190	38218977	EPHA10	ENSG00000183317	-5	0.23	0.15	0.15	0.077	NA
chr1	38273374	38274402	C1orf122	ENSG00000197982	469	0.26	0.2	0.15	0.055	NA
chr1	99729982	99730335	RP4-788L13.1	ENSG00000117600	310	0.3	0.18	0.15	0.12	NA
chr1	109756442	109757098	SARS	ENSG00000031698	230	0.23	0.17	0.15	0.056	NA
chr1	113161591	113162571	ST7L	ENSG00000007341	-360	0.28	0.2	0.15	0.077	NA
chr1	145477022	145477479	LIX1L	ENSG00000152022	165	0.16	0.29	0.15	-0.13	NA
chr1	151031767	151032352	CDC42SE1	ENSG00000197622	-9	0.24	0.13	0.15	0.11	NA
chr1	202113151	202114143	ARL8A	ENSG00000143862	222	0.25	0.19	0.15	0.056	NA
chr1	223567681	223567986	C1orf65	ENSG00000178395	1118	0.98	0.92	0.15	0.061	NA
chr1	234349884	234350471	SLC35F3	ENSG00000183780	160	0.25	0.16	0.15	0.087	NA
chr1	1676885	1678333	SLC35E2	ENSG00000215790	-251	0.21	0.39	0.16	-0.18	NA
chr1	1850098	1851391	TMEM52	ENSG00000178821	-508	0.38	0.32	0.16	0.063	NA
chr1	11322258	11323036	MTOR	ENSG00000198793	-83	0.3	0.22	0.16	0.087	NA
chr1	43353241	43353442	RP11-342M1.7	ENSG00000233708	1097	0.96	0.88	0.16	0.083	NA
chr1	54411057	54411943	HSPB11	ENSG00000081870	-225	0.23	0.16	0.16	0.075	NA
chr1	75596723	75596947	RP11-510C10.3	ENSG00000224149	1426	0.26	0.39	0.16	-0.14	NA
chr1	76540147	76540653	ST6GALNAC3	ENSG00000184005	11	0.24	0.42	0.16	-0.18	NA
chr1	77747314	77748224	AK5	ENSG00000154027	33	0.21	0.16	0.16	0.048	NA
chr1	93645432	93646471	CCDC18	ENSG00000122483	475	0.22	0.18	0.16	0.047	NA
chr1	151512661	151513199	TUFT1	ENSG00000143367	149	0.17	0.26	0.16	-0.091	NA
chr1	154580380	154580797	ADAR	ENSG00000160710	94	0.39	0.21	0.16	0.18	NA
chr1	155830195	155830489	SYT11	ENSG00000132718	995	0.28	0.48	0.16	-0.2	NA
chr1	166944674	166945169	ILDR2	ENSG00000143195	-202	0.37	0.25	0.16	0.11	NA
chr1	171710845	171711607	VAMP4	ENSG00000117533	-26	0.24	0.19	0.16	0.054	NA

chr1	204042245	204044510	SOX13	ENSG00000143842	1096	0.25	0.22	0.16	0.033	NA
chr1	221915474	221916804	DUSP10	ENSG00000143507	-621	0.24	0.19	0.16	0.05	NA
chr1	240254959	240257063	FMN2	ENSG00000155816	831	0.24	0.2	0.16	0.041	NA
chr1	1181756	1182470	FAM132A	ENSG00000184163	-11	0.19	0.24	0.17	-0.058	NA
chr1	22109129	22110261	USP48	ENSG00000090686	-259	0.32	0.24	0.17	0.077	NA
chr1	24828865	24829878	RCAN3	ENSG00000117602	-16	0.23	0.18	0.17	0.048	NA
chr1	45139770	45140584	TMEM53	ENSG00000126106	-103	0.39	0.28	0.17	0.11	NA
chr1	64058937	64059913	PGM1	ENSG00000079739	478	0.28	0.22	0.17	0.062	NA
chr1	85155605	85156574	SSX2IP	ENSG00000117155	-102	0.23	0.19	0.17	0.044	NA
chr1	89458034	89458604	CCBL2	ENSG00000137944	-32	0.25	0.2	0.17	0.051	NA
chr1	109968648	109969570	PSMA5	ENSG00000143106	-355	0.22	0.17	0.17	0.052	NA
chr1	146552328	146552577	U1	ENSG00000201142	1157	0.46	0.35	0.17	0.11	NA
chr1	147380138	147380482	GJA8	ENSG00000121634	227	1	0.92	0.17	0.08	NA
chr1	154298205	154298544	ATP8B2	ENSG00000143515	293	0.15	0.21	0.17	-0.058	NA
chr1	173990805	173991849	RC3H1	ENSG00000135870	108	0.25	0.18	0.17	0.068	NA
chr1	201083458	201084567	RP5-894H24.3	ENSG00000232237	476	0.39	0.34	0.17	0.052	NA
chr1	205781870	205783010	SLC41A1	ENSG00000133065	-136	0.26	0.22	0.17	0.043	NA
chr1	213123647	213125092	VASH2	ENSG00000143494	507	0.25	0.2	0.17	0.053	NA
chr1	10057121	10058108	RBP7	ENSG00000162444	350	0.26	0.19	0.18	0.069	NA
chr1	16939456	16940454	NBPF1	ENSG00000219481	74	0.16	0.13	0.18	0.028	NA
chr1	27560705	27561707	RP11-40H20.4	ENSG00000224311	-363	0.29	0.23	0.18	0.065	NA
chr1	36643955	36644327	MAP7D1	ENSG00000116871	129	0.95	0.9	0.18	0.045	NA
chr1	43353947	43354170	RP11-342M1.7	ENSG00000233708	380	1	0.93	0.18	0.075	NA
chr1	145589135	145589535	NUDT17	ENSG00000186364	74	0.29	0.2	0.18	0.092	NA
chr1	211848641	211849176	NEK2	ENSG00000117650	-9	0.3	0.18	0.18	0.12	NA
chr1	249120450	249120731	SH3BP5L	ENSG00000175137	242	0.23	0.15	0.18	0.081	NA
chr1	6484503	6485327	HES2	ENSG00000069812	-185	0.23	0.33	0.19	-0.1	NA
chr1	11159387	11160136	RP4-635E18.6	ENSG00000230337	29	0.21	0.29	0.19	-0.084	NA
chr1	32757414	32758034	HDAC1	ENSG00000116478	37	0.26	0.2	0.19	0.053	NA
chr1	42383640	42384003	HIVEP3	ENSG00000127124	348	0.25	0.14	0.19	0.11	NA

chr1	43312258	43312513	ZNF691	ENSG00000164011	105	0.46	0.24	0.19	0.22	NA
chr1	146522288	146522555	RP11-325P15.1	ENSG00000225603	42	0.91	0.97	0.19	-0.057	NA
chr1	151118049	151119373	SEMA6C	ENSG00000143434	222	0.2	0.17	0.19	0.036	NA
chr1	153508424	153508840	S100A6	ENSG00000197956	-165	0.33	0.2	0.19	0.13	NA
chr1	161147061	161147451	B4GALT3	ENSG00000158850	-46	0.2	0.33	0.19	-0.13	NA
chr1	178006830	178007284	RP11-568K15.1	ENSG00000242193	2	0.4	0.3	0.19	0.1	NA
chr1	178994804	178995917	FAM20B	ENSG00000116199	421	0.25	0.21	0.19	0.039	NA
chr1	197743931	197744788	DENND1B	ENSG00000213047	-37	0.27	0.2	0.19	0.075	NA
chr1	204485473	204485831	MDM4	ENSG00000198625	141	0.36	0.25	0.19	0.11	NA
chr1	228362442	228362691	IBA57	ENSG00000181873	315	0.99	0.92	0.19	0.065	NA
chr1	231175062	231176317	FAM89A	ENSG00000182118	303	0.21	0.26	0.19	-0.044	NA
chr1	235490338	235492160	GGPS1	ENSG00000152904	584	0.29	0.24	0.19	0.042	NA
chr1	2398825	2399055	PLCH2	ENSG00000149527	42	0.71	0.36	0.2	0.36	NA
chr1	12289954	12290585	VPS13D	ENSG00000048707	145	0.28	0.21	0.2	0.069	NA
chr1	21766272	21767224	NBPF3	ENSG00000142794	127	0.39	0.45	0.2	-0.068	NA
chr1	27692412	27693243	MAP3K6	ENSG00000142733	510	0.28	0.23	0.2	0.047	NA
chr1	32538205	32539052	TMEM39B	ENSG00000121775	125	0.3	0.24	0.2	0.064	NA
chr1	32666231	32666460	CCDC28B	ENSG00000160050	111	0.33	0.22	0.2	0.1	NA
chr1	36929414	36930131	MRPS15	ENSG00000116898	174	0.25	0.18	0.2	0.068	NA
chr1	44440142	44441256	ATP6V0B	ENSG00000117410	540	0.2	0.16	0.2	0.045	NA
chr1	94344507	94344822	DNTTIP2	ENSG00000067334	48	0.31	0.43	0.2	-0.13	NA
chr1	94712906	94713517	RP11-148B18.1	ENSG00000231363	-253	0.24	0.17	0.2	0.065	NA
chr1	107599205	107600410	PRMT6	ENSG00000198890	540	0.21	0.26	0.2	-0.044	NA
chr1	180123555	180124584	QSOX1	ENSG00000116260	100	0.2	0.16	0.2	0.039	NA
chr1	206858091	206859651	MAPKAPK2	ENSG00000162889	582	0.22	0.18	0.2	0.041	NA
chr1	208416489	208418016	PLXNA2	ENSG00000076356	394	0.22	0.19	0.2	0.037	NA
chr1	210502133	210502793	HHAT	ENSG00000054392	213	0.28	0.23	0.2	0.058	NA
chr1	228289669	228291184	C1orf35	ENSG00000143793	277	0.24	0.21	0.2	0.039	NA
chr1	236849472	236850323	ACTN2	ENSG00000077522	143	0.21	0.17	0.2	0.042	NA
chr1	8013993	8014651	PARK7	ENSG00000116288	-29	0.22	0.17	0.21	0.052	NA

chr1	21058006	21059366	SH2D5	ENSG00000189410	-602	0.21	0.17	0.21	0.033	NA
chr1	22468912	22470252	WNT4	ENSG00000162552	-123	0.21	0.18	0.21	0.034	NA
chr1	35544927	35545303	ZMYM1	ENSG00000197056	147	0.32	0.2	0.21	0.11	NA
chr1	45452037	45452444	EIF2B3	ENSG00000070785	18	0.23	0.16	0.21	0.072	NA
chr1	47184402	47185083	KIAA0494	ENSG00000159658	-6	0.22	0.14	0.21	0.073	NA
chr1	53904140	53905247	RP4-796B4.1	ENSG00000236253	353	1	0.98	0.21	0.02	NA
chr1	142618751	142619238	AL583842.3	ENSG00000230880	228	0.64	0.59	0.21	0.044	NA
chr1	145470241	145470673	POLR3GL	ENSG00000121851	-83	0.27	0.35	0.21	-0.079	NA
chr1	145575130	145576219	PIAS3	ENSG00000131788	441	0.19	0.25	0.21	-0.062	NA
chr1	165599563	165600574	MGST3	ENSG00000143198	-30	0.2	0.13	0.21	0.068	NA
chr1	228296787	228297276	MRPL55	ENSG00000162910	-76	0.24	0.34	0.21	-0.1	NA
chr1	236958314	236959202	MTR	ENSG00000116984	177	0.31	0.25	0.21	0.054	NA
chr1	65431455	65432614	JAK1	ENSG00000162434	153	0.22	0.18	0.22	0.048	NA
chr1	155022988	155024332	ADAM15	ENSG00000143537	618	0.2	0.24	0.22	-0.044	NA
chr1	210111179	210112054	SYT14	ENSG00000143469	78	0.23	0.18	0.22	0.051	NA
chr1	225117220	225117781	DNAH14	ENSG00000185842	144	0.19	0.3	0.22	-0.11	NA
chr1	233749373	233750314	KCNK1	ENSG00000135750	93	0.2	0.31	0.22	-0.11	NA
chr1	3688553	3689684	RP1-286D6.2	ENSG00000235169	-234	0.31	0.26	0.23	0.052	NA
chr1	9648586	9649517	TMEM201	ENSG00000188807	119	0.25	0.2	0.23	0.046	NA
chr1	26372281	26373313	SLC30A2	ENSG00000158014	-352	0.26	0.21	0.23	0.047	NA
chr1	26437319	26438917	PDIK1L	ENSG00000175087	454	0.27	0.21	0.23	0.052	NA
chr1	42500855	42501980	HIVEP3	ENSG00000127124	179	0.32	0.25	0.23	0.063	NA
chr1	44444635	44445622	B4GALT2	ENSG00000117411	262	0.23	0.19	0.23	0.041	NA
chr1	54303758	54304262	TMEM48	ENSG00000058804	-70	0.2	0.14	0.23	0.066	NA
chr1	55229992	55230369	PARS2	ENSG00000162396	7	0.35	0.27	0.23	0.08	NA
chr1	76262536	76262903	MSH4	ENSG00000057468	152	0.98	0.92	0.23	0.062	NA
chr1	115053060	115054264	TRIM33	ENSG00000197323	119	0.26	0.21	0.23	0.049	NA
chr1	179198163	179199200	ABL2	ENSG00000143322	-149	0.24	0.31	0.23	-0.069	NA
chr1	210405952	210407250	SERTAD4	ENSG00000082497	457	0.25	0.16	0.23	0.092	NA
chr1	224803637	224805314	RP11-100E13.1	ENSG00000233384	-553	0.26	0.29	0.23	-0.033	NA

chr1	42928797	42929500	CCDC30	ENSG00000186409	147	0.21	0.3	0.24	-0.083	NA
chr1	59762102	59762794	FGGY	ENSG00000172456	-19	0.24	0.15	0.24	0.095	NA
chr1	101491317	101491680	DPH5	ENSG00000117543	-181	0.19	0.3	0.24	-0.11	NA
chr1	120835961	120839391	FAM72B	ENSG00000188610	404	0.27	0.33	0.24	-0.055	NA
chr1	146549850	146550075	AL596177.1	ENSG00000240560	-216	0.6	0.89	0.24	-0.29	NA
chr1	153662203	153662439	NPR1	ENSG00000169418	864	0.81	0.91	0.24	-0.099	NA
chr1	156674858	156676654	CRABP2	ENSG00000143320	-363	0.21	0.27	0.24	-0.056	NA
chr1	202183193	202183526	LGR6	ENSG00000133067	76	0.2	0.27	0.24	-0.072	NA
chr1	245316547	245320247	KIF26B	ENSG00000162849	110	0.25	0.22	0.24	0.03	NA
chr1	2064628	2064855	PRKCZ	ENSG00000067606	-336	0.43	0.18	0.25	0.25	NA
chr1	6550083	6551115	PLEKHG5	ENSG00000171680	31	0.27	0.32	0.25	-0.051	NA
chr1	10270015	10271306	KIF1B	ENSG00000054523	-104	0.21	0.18	0.25	0.031	NA
chr1	11714217	11715304	FBXO2	ENSG00000116661	-506	0.2	0.26	0.25	-0.061	NA
chr1	11994694	11994969	PLOD1	ENSG00000083444	80	0.22	0.15	0.25	0.07	NA
chr1	53703959	53704642	MAGOH	ENSG00000162385	-129	0.2	0.3	0.25	-0.1	NA
chr1	54518601	54519299	TMEM59	ENSG00000116209	-85	0.22	0.12	0.25	0.099	NA
chr1	109633188	109633632	TMEM167B	ENSG00000215717	53	0.25	0.18	0.25	0.067	NA
chr1	149148145	149148374	AL356957.3	ENSG00000243493	-264	0.36	0.5	0.25	-0.14	NA
chr1	220960016	220960603	MOSC1	ENSG00000186205	208	0.2	0.15	0.25	0.05	NA
chr1	6685071	6685691	THAP3	ENSG00000041988	150	0.27	0.22	0.26	0.054	NA
chr1	12123488	12124148	TNFRSF8	ENSG00000120949	291	0.27	0.21	0.26	0.064	NA
chr1	16532917	16534580	ARHGEF19	ENSG00000142632	-727	0.45	0.42	0.26	0.037	NA
chr1	33896002	33896929	PHC2	ENSG00000134686	-249	0.26	0.2	0.26	0.06	NA
chr1	98386189	98386724	DPYD	ENSG00000188641	97	0.24	0.18	0.26	0.067	NA
chr1	145039740	145040180	PDE4DIP	ENSG00000178104	-189	0.16	0.1	0.26	0.066	NA
chr1	233086191	233086595	NTPCR	ENSG00000135778	42	0.2	0.16	0.26	0.041	NA
chr1	233431149	233431540	PCNXL2	ENSG00000135749	115	0.31	0.23	0.26	0.079	NA
chr1	14219350	14219737	C1orf196	ENSG00000218328	491	0.24	0.15	0.27	0.093	NA
chr1	17306551	17307363	MFAP2	ENSG00000117122	159	0.39	0.33	0.27	0.062	NA
chr1	26324549	26324934	PAFAH2	ENSG00000158006	-133	0.85	0.33	0.27	0.51	NA

chr1	26606362	26606913	SH3BGRL3	ENSG00000142669	24	0.31	0.22	0.27	0.09	NA
chr1	38325150	38325999	MTF1	ENSG00000188786	-282	0.18	0.23	0.27	-0.053	NA
chr1	61519352	61519971	NFIA	ENSG00000162599	159	0.35	0.26	0.27	0.084	NA
chr1	85724701	85725524	C1orf52	ENSG00000162642	204	0.35	0.28	0.27	0.072	NA
chr1	91966263	91966999	CDC7	ENSG00000097046	227	0.25	0.18	0.27	0.07	NA
chr1	149871079	149871946	BOLA1	ENSG00000178096	362	0.36	0.3	0.27	0.06	NA
chr1	154192843	154193852	C1orf43	ENSG00000143612	-338	0.2	0.25	0.27	-0.049	NA
chr1	155108007	155108611	SLC50A1	ENSG00000169241	5	0.23	0.17	0.27	0.057	NA
chr1	242686916	242687476	PLD5	ENSG00000180287	624	0.23	0.33	0.27	-0.1	NA
chr1	6661776	6663844	KLHL21	ENSG00000162413	119	0.23	0.2	0.28	0.033	NA
chr1	28559145	28559597	DNAJC8	ENSG00000126698	144	0.27	0.43	0.28	-0.17	NA
chr1	28562510	28562976	ATPIF1	ENSG00000130770	123	0.37	0.23	0.28	0.15	NA
chr1	33358469	33359449	HPCA	ENSG00000121905	-166	0.23	0.16	0.28	0.066	NA
chr1	36038927	36040051	TFAP2E	ENSG00000116819	518	0.46	0.5	0.28	-0.044	NA
chr1	47696504	47698197	TAL1	ENSG00000162367	-460	0.25	0.21	0.28	0.046	NA
chr1	55462688	55463010	BSND	ENSG00000162399	-1757	0.53	0.61	0.28	-0.088	NA
chr1	68962283	68963006	RP4-694A7.4	ENSG00000234264	285	0.31	0.23	0.28	0.082	NA
chr1	75601998	75602878	LHX8	ENSG00000162624	1871	0.27	0.41	0.28	-0.14	NA
chr1	92495367	92495964	EPHX4	ENSG00000172031	126	0.2	0.31	0.28	-0.11	NA
chr1	100598130	100598754	SASS6	ENSG00000156876	2	0.24	0.32	0.28	-0.078	NA
chr1	169454558	169455577	SLC19A2	ENSG00000117479	79	0.24	0.19	0.28	0.052	NA
chr1	181452706	181453073	CACNA1E	ENSG00000198216	173	0.63	0.45	0.28	0.18	NA
chr1	184005359	184006766	GLT25D2	ENSG00000198756	549	0.23	0.19	0.28	0.046	NA
chr1	202317657	202318196	PPP1R12B	ENSG00000077157	99	0.25	0.16	0.28	0.091	NA
chr1	28879402	28879704	TRNAU1AP	ENSG00000180098	-44	0.28	0.21	0.29	0.071	NA
chr1	39338479	39339349	MYCBP	ENSG00000214114	36	0.22	0.18	0.29	0.04	NA
chr1	77684996	77685252	PIGK	ENSG00000142892	-13	0.2	0.13	0.29	0.07	NA
chr1	155220082	155220549	FAM189B	ENSG00000160767	1284	0.51	0.44	0.29	0.065	NA
chr1	160312928	160313338	COPA	ENSG00000122218	-95	0.23	0.17	0.29	0.059	NA
chr1	166134258	166136448	RP11-9L18.3	ENSG00000230898	-1021	0.21	0.24	0.29	-0.03	NA

chr1	181451311	181452049	CACNA1E	ENSG00000198216	-767	0.34	0.28	0.29	0.063	NA
chr1	206680236	206681444	RASSF5	ENSG00000136653	-39	0.31	0.25	0.29	0.054	NA
chr1	207818389	207818952	CR1L	ENSG00000197721	212	0.25	0.2	0.29	0.047	NA
chr1	1189396	1190245	UBE2J2	ENSG00000160087	1895	0.93	0.96	0.3	-0.034	NA
chr1	1935166	1935452	C1orf222	ENSG00000142609	-33	0.22	0.16	0.3	0.062	NA
chr1	20208807	20209462	OTUD3	ENSG00000169914	128	0.21	0.13	0.3	0.088	NA
chr1	24306363	24307017	SRSF10	ENSG00000188529	71	0.17	0.38	0.3	-0.22	NA
chr1	94146321	94147504	BCAR3	ENSG00000137936	14	0.28	0.23	0.3	0.048	NA
chr1	100435297	100436070	SLC35A3	ENSG00000117620	338	0.19	0.24	0.3	-0.055	NA
chr1	112298041	112298992	C1orf183	ENSG00000197852	-385	0.19	0.24	0.3	-0.052	NA
chr1	200880593	200881270	C1orf106	ENSG00000163362	-156	0.92	0.96	0.3	-0.041	NA
chr1	202896204	202896524	KLHL12	ENSG00000117153	26	0.15	0.23	0.3	-0.081	NA
chr1	228404717	228405013	OBSCN	ENSG00000154358	1475	0.97	0.99	0.3	-0.023	NA
chr1	236767361	236767998	HEATR1	ENSG00000119285	109	0.22	0.17	0.3	0.057	NA
chr1	990274	990694	RP11-54O7.14	ENSG00000242590	71	0.95	0.9	0.31	0.057	NA
chr1	2452795	2453007	PANK4	ENSG00000157881	-561	0.9	1	0.31	-0.098	NA
chr1	95285602	95286319	RP11-86H7.1	ENSG00000224081	-308	0.18	0.23	0.31	-0.049	NA
chr1	156698111	156698916	ISG20L2	ENSG00000143319	-292	0.21	0.16	0.31	0.044	NA
chr1	157107749	157108645	ETV3	ENSG00000117036	-70	0.34	0.27	0.31	0.076	NA
chr1	213188519	213189261	ANGEL2	ENSG00000174606	-70	0.28	0.23	0.31	0.057	NA
chr1	236029587	236030597	LYST	ENSG00000143669	83	0.25	0.2	0.31	0.051	NA
chr1	15250373	15251545	KAZN	ENSG00000189337	333	0.27	0.23	0.32	0.034	NA
chr1	37498377	37500624	GRIK3	ENSG00000163873	226	0.23	0.2	0.32	0.024	NA
chr1	43232214	43233359	LEPRE1	ENSG00000117385	-129	0.22	0.18	0.32	0.039	NA
chr1	44412073	44412804	RP11-7O11.3	ENSG00000237950	-215	0.28	0.24	0.32	0.048	NA
chr1	59612407	59612723	RP11-470E16.1	ENSG00000224609	-166	0.3	0.37	0.32	-0.065	NA
chr1	84464223	84465232	TTLL7	ENSG00000137941	-19	0.25	0.31	0.32	-0.057	NA
chr1	91869876	91870390	HFM1	ENSG00000162669	159	0.3	0.22	0.32	0.085	NA
chr1	110527248	110528026	AHCYL1	ENSG00000168710	329	0.26	0.3	0.32	-0.043	NA
chr1	145713966	145714203	CD160	ENSG00000117281	1481	0.54	0.3	0.32	0.24	NA

chr1	149857769	149859470	HIST2H2BE	ENSG00000184678	-387	0.23	0.2	0.32	0.037	NA
chr1	209848443	209849428	RP1-28O10.1	ENSG00000227591	-343	0.24	0.12	0.32	0.12	NA
chr1	222763021	222763270	TAF1A	ENSG00000143498	-44	0.18	0.11	0.32	0.071	NA
chr1	222791399	222792083	MIA3	ENSG00000154305	313	0.19	0.15	0.32	0.041	NA
chr1	244080540	244081093	RP11-278H7.1	ENSG00000226828	112	0.37	0.26	0.32	0.11	NA
chr1	2457241	2458259	PANK4	ENSG00000157881	-124	0.25	0.21	0.33	0.038	NA
chr1	32859770	32860348	BSDC1	ENSG00000160058	-33	0.3	0.23	0.33	0.07	NA
chr1	45987163	45987803	PRDX1	ENSG00000117450	43	0.19	0.24	0.33	-0.047	NA
chr1	52498452	52499505	RP11-91A18.4	ENSG00000223390	-85	0.23	0.2	0.33	0.031	NA
chr1	118471840	118472720	GDAP2	ENSG00000196505	-97	0.15	0.19	0.33	-0.04	NA
chr1	155990389	155990780	SSR2	ENSG00000163479	-4	0.5	0.23	0.33	0.27	NA
chr1	177140120	177140323	FAM5B	ENSG00000198797	158	0.2	0.31	0.33	-0.11	NA
chr1	211555939	211556332	C1orf97	ENSG00000153363	-10	0.23	0.18	0.33	0.052	NA
chr1	1267085	1267286	TAS1R3	ENSG00000169962	491	0.41	1	0.34	-0.59	NA
chr1	1563674	1564032	MIB2	ENSG00000197530	-16	0.91	0.95	0.34	-0.042	NA
chr1	6659125	6659505	KLHL21	ENSG00000162413	561	0.94	0.84	0.34	0.099	NA
chr1	28919041	28919454	RAB42	ENSG00000188060	220	0.21	0.25	0.34	-0.046	NA
chr1	44435409	44436114	DPH2	ENSG00000132768	89	0.26	0.21	0.34	0.043	NA
chr1	110282351	110283306	GSTM3	ENSG00000134202	95	0.31	0.38	0.34	-0.078	NA
chr1	115323075	115323462	SIKE1	ENSG00000052723	-152	0.23	0.18	0.34	0.05	NA
chr1	146714089	146715278	CHD1L	ENSG00000131778	392	0.27	0.23	0.34	0.038	NA
chr1	154300975	154301528	ATP8B2	ENSG00000143515	-24	0.32	0.25	0.34	0.07	NA
chr1	167189130	167191361	POU2F1	ENSG00000143190	125	0.25	0.22	0.34	0.029	NA
chr1	180601027	180601816	XPR1	ENSG00000143324	281	0.29	0.21	0.34	0.082	NA
chr1	225840270	225841795	ENAH	ENSG00000154380	-614	0.26	0.22	0.34	0.043	NA
chr1	1334071	1335602	CCNL2	ENSG00000221978	-500	0.23	0.2	0.35	0.027	NA
chr1	1417285	1417753	ATAD3B	ENSG00000160072	-1346	0.97	0.92	0.35	0.041	NA
chr1	13881410	13881612	RP4-597A16.3	ENSG00000215909	15	0.99	0.96	0.35	0.029	NA
chr1	19614998	19615660	AKR7A3	ENSG00000162482	415	0.26	0.32	0.35	-0.06	NA
chr1	25942661	25943191	MAN1C1	ENSG00000117643	-1033	0.2	0.15	0.35	0.045	NA

chr1	36348501	36349731	EIF2C1	ENSG00000092847	306	0.27	0.21	0.35	0.058	NA
chr1	40723386	40723698	ZMPSTE24	ENSG00000084073	-237	0.27	0.11	0.35	0.15	NA
chr1	46668821	46669258	C1orf190	ENSG00000171357	33	0.37	0.31	0.35	0.065	NA
chr1	55680465	55681708	USP24	ENSG00000162402	-324	0.25	0.22	0.35	0.035	NA
chr1	98510966	98511710	RP4-672J20.2	ENSG00000225206	-324	0.33	0.25	0.35	0.088	NA
chr1	150293835	150294140	PRPF3	ENSG00000117360	62	0.23	0.17	0.35	0.059	NA
chr1	2451217	2451551	PANK4	ENSG00000157881	-650	0.84	0.93	0.36	-0.093	NA
chr1	85358359	85359187	LPAR3	ENSG00000171517	123	0.22	0.14	0.36	0.082	NA
chr1	94374369	94375467	GCLM	ENSG00000023909	-438	0.2	0.17	0.36	0.036	NA
chr1	145139472	145139944	AL359758.1	ENSG00000177144	-139	0.14	0.07	0.36	0.066	NA
chr1	145382416	145382740	U1	ENSG00000201558	-179	0.54	0.3	0.36	0.24	NA
chr1	156163672	156164052	SLC25A44	ENSG00000160785	-18	0.32	0.21	0.36	0.11	NA
chr1	200011400	200012055	NR5A2	ENSG00000116833	10	0.31	0.25	0.36	0.056	NA
chr1	226411007	226411880	MIXL1	ENSG00000185155	124	0.21	0.24	0.36	-0.031	NA
chr1	243650990	243651529	SDCCAG8	ENSG00000054282	142	0.98	0.96	0.36	0.026	NA
chr1	10092532	10093404	UBE4B	ENSG00000130939	78	0.23	0.16	0.37	0.071	NA
chr1	10490200	10491072	APITD1-CORT	ENSG00000251503	195	0.34	0.27	0.37	0.067	NA
chr1	20987516	20988238	DDOST	ENSG00000244038	-15	0.16	0.13	0.37	0.031	NA
chr1	63153380	63154349	DOCK7	ENSG00000116641	89	0.25	0.2	0.37	0.046	NA
chr1	86046362	86047240	CYR61	ENSG00000142871	357	0.2	0.26	0.37	-0.055	NA
chr1	200009807	200010036	NR5A2	ENSG00000116833	-1796	0.28	0.21	0.37	0.072	NA
chr1	202976328	202977028	TMEM183A	ENSG00000163444	164	0.27	0.22	0.37	0.046	NA
chr1	205424829	205426556	RP11-576D8.4	ENSG00000224717	635	0.24	0.27	0.37	-0.027	NA
chr1	212872460	212874048	BATF3	ENSG00000123685	73	0.2	0.18	0.37	0.019	NA
chr1	162336876	162337321	NOS1AP	ENSG00000198929	-4	1	0.88	0.38	0.12	NA
chr1	44401757	44402423	ARTN	ENSG00000117407	611	0.18	0.22	0.39	-0.045	NA
chr1	45265534	45266783	PLK3	ENSG00000173846	261	0.21	0.24	0.39	-0.035	NA
chr1	45965586	45966049	CCDC163P	ENSG00000236624	-171	0.39	0.29	0.39	0.1	NA
chr1	147623646	147624656	NBPF24	ENSG00000203836	116	0.23	0.14	0.39	0.097	NA
chr1	177133392	177133846	ASTN1	ENSG00000152092	200	0.28	0.23	0.39	0.059	NA

chr1	179560751	179561596	TDRD5	ENSG00000162782	148	0.28	0.19	0.39	0.089	NA
chr1	11865462	11866566	MTHFR	ENSG00000177000	-544	0.27	0.24	0.4	0.031	NA
chr1	23036823	23038362	EPHB2	ENSG00000133216	260	0.31	0.27	0.4	0.037	NA
chr1	33546524	33547243	AK2	ENSG00000004455	-286	0.21	0.3	0.4	-0.086	NA
chr1	87018668	87019254	RP4-651E10.3	ENSG00000224466	64	0.83	0.89	0.4	-0.069	NA
chr1	90308839	90309606	LRRC8D	ENSG00000171492	240	0.24	0.2	0.4	0.037	NA
chr1	100678766	100679098	BRI3P1	ENSG00000225169	83	0.95	1	0.4	-0.046	NA
chr1	202776003	202777727	KDM5B	ENSG00000117139	-532	0.23	0.21	0.4	0.023	NA
chr1	202857683	202858394	RABIF	ENSG00000183155	225	0.27	0.21	0.4	0.06	NA
chr1	228134422	228136282	WNT9A	ENSG00000143816	247	0.28	0.25	0.4	0.028	NA
chr1	23750508	23751663	TCEA3	ENSG00000204219	115	0.23	0.2	0.41	0.028	NA
chr1	27286065	27287101	C1orf172	ENSG00000175707	293	0.28	0.31	0.41	-0.039	NA
chr1	179262771	179263321	SOAT1	ENSG00000057252	121	0.16	0.13	0.41	0.033	NA
chr1	236305534	236306674	GPR137B	ENSG00000077585	272	0.18	0.15	0.41	0.031	NA
chr1	18434105	18434813	IGSF21	ENSG00000117154	219	0.18	0.13	0.42	0.056	NA
chr1	25664286	25665398	TMEM50A	ENSG00000183726	434	0.26	0.21	0.42	0.049	NA
chr1	27481345	27481742	SLC9A1	ENSG00000090020	-142	0.57	0.29	0.42	0.28	NA
chr1	64935554	64936614	CACHD1	ENSG00000158966	-344	0.25	0.21	0.42	0.036	NA
chr1	147826167	147826388	TRNAQ51P	ENSG00000244591	588	0.78	0.62	0.42	0.16	NA
chr1	151810460	151811684	C2CD4D	ENSG00000225556	1961	0.37	0.41	0.42	-0.037	NA
chr1	154973250	154974358	ZBTB7B	ENSG00000160685	-1323	0.29	0.23	0.42	0.062	NA
chr1	156611639	156612447	BCAN	ENSG00000132692	310	0.35	0.28	0.42	0.061	NA
chr1	159750416	159751353	DUSP23	ENSG00000158716	162	0.23	0.29	0.42	-0.058	NA
chr1	200638546	200639384	RP11-92G12.3	ENSG00000232257	330	0.24	0.28	0.42	-0.041	NA
chr1	15850493	15850699	CASP9	ENSG00000132906	91	0.31	0.23	0.43	0.081	NA
chr1	32892428	32892835	RP11-395N6.2	ENSG00000229259	-241	0.12	0.38	0.43	-0.25	NA
chr1	36851089	36851873	STK40	ENSG00000196182	-4	0.35	0.26	0.43	0.088	NA
chr1	148555640	148556626	NBPF15	ENSG00000243452	154	0.22	0.26	0.43	-0.038	NA
chr1	153606177	153606974	S100A13	ENSG00000189171	-50	0.2	0.23	0.43	-0.039	NA
chr1	1259643	1260635	CPSF3L	ENSG00000127054	-156	0.18	0.2	0.44	-0.022	NA

chr1	32479102	32480583	KHDRBS1	ENSG00000121774	412	0.24	0.21	0.44	0.033	NA
chr1	43832814	43833073	ELOVL1	ENSG00000066322	144	0.46	0.38	0.44	0.082	NA
chr1	84971344	84972491	SPATA1	ENSG00000122432	-57	0.22	0.19	0.44	0.032	NA
chr1	166808341	166809344	POGK	ENSG00000143157	161	0.15	0.19	0.44	-0.038	NA
chr1	202936045	202936252	CYB5R1	ENSG00000159348	205	0.2	0.33	0.44	-0.13	NA
chr1	233463526	233464414	RP5-862P8.2	ENSG00000143674	456	0.23	0.2	0.44	0.029	NA
chr1	244013802	244014592	AKT3	ENSG00000117020	184	0.23	0.29	0.44	-0.06	NA
chr1	27153033	27153243	ZDHHC18	ENSG00000204160	-63	0.18	0.14	0.45	0.038	NA
chr1	35586331	35586591	RP11-181E22.1	ENSG00000228348	-1162	0.35	0.42	0.45	-0.075	NA
chr1	111505881	111507007	LRIF1	ENSG00000121931	143	0.22	0.19	0.45	0.029	NA
chr1	155057187	155058056	EFNA3	ENSG00000143590	-371	0.19	0.16	0.45	0.03	NA
chr1	162760250	162760722	HSD17B7	ENSG00000132196	-6	0.38	0.2	0.45	0.18	NA
chr1	214156000	214156851	PROX1	ENSG00000117707	-99	0.18	0.22	0.45	-0.046	NA
chr1	9711780	9713001	PIK3CD	ENSG00000171608	600	0.21	0.18	0.46	0.029	NA
chr1	18703295	18703496	IGSF21	ENSG00000117154	944	0.98	0.94	0.46	0.039	NA
chr1	34090605	34090854	CSMD2	ENSG00000121904	1455	0.92	0.95	0.46	-0.029	NA
chr1	173683985	173684403	KLHL20	ENSG00000076321	114	0.2	0.15	0.46	0.051	NA
chr1	205648975	205649903	SLC45A3	ENSG00000158715	148	0.21	0.19	0.46	0.025	NA
chr1	222988244	222988561	RP11-452F19.3	ENSG00000228106	38	0.33	0.23	0.46	0.1	NA
chr1	246952214	246952511	RP11-439E19.3	ENSG00000227953	-34	0.35	0.3	0.46	0.048	NA
chr1	20569455	20569817	RP3-340N1.6	ENSG00000228105	48	0.92	0.95	0.47	-0.036	NA
chr1	34642382	34643024	C1orf94	ENSG00000142698	-568	0.37	0.32	0.47	0.047	NA
chr1	40974056	40974786	RP11-656D10.3	ENSG00000238287	-88	0.27	0.24	0.47	0.029	NA
chr1	147782066	147782473	AL592207.2	ENSG00000239842	-1168	0.26	0.3	0.47	-0.037	NA
chr1	149261001	149261249	RP11-403I13.6	ENSG00000242352	-412	0.89	0.94	0.47	-0.043	NA
chr1	150551328	150552353	MCL1	ENSG00000143384	166	0.21	0.25	0.47	-0.038	NA
chr1	155657832	155659125	YY1AP1	ENSG00000163374	-393	0.28	0.22	0.47	0.054	NA
chr1	201475885	201476516	CSRP1	ENSG00000159176	-233	0.24	0.2	0.47	0.038	NA
chr1	201924336	201925053	TIMM17A	ENSG00000134375	75	0.22	0.28	0.47	-0.059	NA
chr1	213031359	213032119	NCRNA00292	ENSG00000198468	-309	0.24	0.21	0.47	0.029	NA

chr1	226736354	226737412	C1orf95	ENSG00000203685	382	0.22	0.2	0.47	0.023	NA
chr1	229761128	229762299	TAF5L	ENSG00000135801	4	0.16	0.14	0.47	0.018	NA
chr1	243652413	243652763	SDCCAG8	ENSG00000054282	1471	0.93	1	0.47	-0.073	NA
chr1	1446878	1448205	ATAD3A	ENSG00000197785	10	0.22	0.19	0.48	0.027	NA
chr1	6295528	6296261	ICMT	ENSG00000116237	106	0.2	0.17	0.48	0.027	NA
chr1	7843460	7843693	PER3	ENSG00000049246	-804	0.43	0.22	0.48	0.2	NA
chr1	7887198	7887476	RP3-467L1.4	ENSG00000236266	65	0.9	0.84	0.48	0.055	NA
chr1	27216161	27217045	GPN2	ENSG00000142751	-16	0.23	0.18	0.48	0.045	NA
chr1	32817198	32817588	RP4-811H24.8	ENSG00000224021	271	0.19	0.13	0.48	0.062	NA
chr1	52520746	52521124	TXNDC12	ENSG00000117862	-87	0.26	0.18	0.48	0.072	NA
chr1	144519969	144521503	AL592284.1	ENSG00000236943	105	0.3	0.15	0.48	0.15	NA
chr1	171810467	171811325	DNM3	ENSG00000197959	275	0.19	0.22	0.48	-0.031	NA
chr1	205473877	205474109	CDK18	ENSG00000117266	116	0.24	0.29	0.48	-0.047	NA
chr1	206135444	206138863	FAM72A	ENSG00000196550	237	0.31	0.27	0.48	0.045	NA
chr1	2116432	2116801	RP11-181G12.2	ENSG00000182873	-788	0.8	0.67	0.49	0.13	NA
chr1	6500168	6501130	ESPN	ENSG00000187017	211	0.25	0.3	0.49	-0.054	NA
chr1	7831378	7831846	VAMP3	ENSG00000049245	283	0.12	0.16	0.49	-0.04	NA
chr1	28285020	28285304	XKR8	ENSG00000158156	-811	1	0.91	0.49	0.091	NA
chr1	86042229	86042935	DDAH1	ENSG00000153904	-41	0.29	0.25	0.49	0.044	NA
chr1	999678	999911	RP11-465B22.3	ENSG00000217801	-81	0.33	0.44	0.5	-0.11	NA
chr1	1709394	1710582	NADK	ENSG00000008130	-130	0.23	0.2	0.5	0.03	NA
chr1	23504059	23504633	LUZP1	ENSG00000169641	-45	0.3	0.41	0.5	-0.11	NA
chr1	24742671	24743039	C1orf201	ENSG00000001460	-212	0.34	0.26	0.5	0.081	NA
chr1	32208486	32208704	BAI2	ENSG00000121753	679	0.93	0.88	0.5	0.046	NA
chr1	100503482	100504404	HIAT1	ENSG00000156875	290	0.23	0.21	0.5	0.028	NA
chr1	120904698	120905076	RP11-439A17.2	ENSG00000213244	212	0.67	0.3	0.5	0.37	NA
chr1	152487978	152488270	CRCT1	ENSG00000169509	1146	0.35	0.23	0.5	0.12	NA
chr1	162467599	162468027	UHMK1	ENSG00000152332	180	0.22	0.19	0.5	0.036	NA
chr1	94702690	94703344	ARHGAP29	ENSG00000137962	104	0.2	0.18	0.51	0.022	NA
chr1	113008844	113009154	WNT2B	ENSG00000134245	-164	0.31	0.5	0.51	-0.19	NA

chr1	172501910	172502545	C1orf9	ENSG00000094975	-130	0.16	0.19	0.51	-0.03	NA
chr1	247494249	247495840	ZNF496	ENSG00000162714	1	0.18	0.2	0.51	-0.023	NA
chr1	844299	845883	RP11-54O7.1	ENSG00000230699	-1724	0.45	0.48	0.52	-0.033	NA
chr1	19577884	19578708	KIAA0090	ENSG00000127463	-293	0.28	0.32	0.52	-0.042	NA
chr1	26758492	26758856	DHDDS	ENSG00000117682	-99	0.18	0.29	0.52	-0.11	NA
chr1	28199031	28199257	C1orf38	ENSG00000130775	89	0.16	0.12	0.52	0.042	NA
chr1	47799411	47800426	CMPK1	ENSG00000162368	449	0.22	0.19	0.52	0.033	NA
chr1	70385043	70385270	PIN1P1	ENSG00000229359	151	1	0.88	0.52	0.12	NA
chr1	156182584	156183097	PMF1	ENSG00000160783	67	0.17	0.23	0.52	-0.059	NA
chr1	156261199	156261425	C1orf85	ENSG00000198715	-15	0.3	0.21	0.52	0.089	NA
chr1	227751409	227751635	ZNF678	ENSG00000181450	241	0.28	0.4	0.52	-0.12	NA
chr1	31712078	31712812	NKAIN1	ENSG00000084628	-44	0.16	0.19	0.53	-0.031	NA
chr1	53308294	53309262	ZYG11A	ENSG00000203995	370	0.24	0.21	0.53	0.026	NA
chr1	115631850	115632584	TSPAN2	ENSG00000134198	-182	0.23	0.2	0.53	0.034	NA
chr1	1254322	1254548	CPSF3L	ENSG00000127054	291	0.86	1	0.54	-0.14	NA
chr1	1821405	1823272	GNB1	ENSG00000078369	-498	0.23	0.21	0.54	0.016	NA
chr1	27189912	27190128	SFN	ENSG00000175793	316	1	0.97	0.54	0.033	NA
chr1	28415098	28415312	EYA3	ENSG00000158161	-97	0.34	0.28	0.54	0.059	NA
chr1	40723796	40724010	ZMPSTE24	ENSG00000084073	-5	0.44	0.3	0.54	0.13	NA
chr1	41131111	41131378	RIMS3	ENSG00000117016	-127	0.19	0.25	0.54	-0.058	NA
chr1	52831511	52832181	CC2D1B	ENSG00000154222	-18	0.23	0.15	0.54	0.076	NA
chr1	99469932	99470968	AL161744.1	ENSG00000117598	-410	0.3	0.27	0.54	0.031	NA
chr1	110036545	110036943	CYB561D1	ENSG00000174151	70	0.12	0.16	0.54	-0.036	NA
chr1	156052072	156052803	LMNA	ENSG00000160789	73	0.31	0.41	0.54	-0.097	NA
chr1	166844996	166845773	TADA1	ENSG00000152382	180	0.29	0.23	0.54	0.056	NA
chr1	201951754	201952579	RNPEP	ENSG00000176393	386	0.21	0.17	0.54	0.036	NA
chr1	229693772	229695074	ABCB10	ENSG00000135776	19	0.23	0.21	0.54	0.019	NA
chr1	247267179	247267884	ZNF669	ENSG00000188295	49	0.29	0.41	0.54	-0.11	NA
chr1	6188873	6189120	CHD5	ENSG00000116254	-394	0.92	1	0.55	-0.075	NA
chr1	11072319	11073245	TARDBP	ENSG00000120948	368	0.24	0.21	0.55	0.027	NA

chr1	16693621	16694270	C1orf144	ENSG00000055070	225	0.25	0.29	0.55	-0.045	NA
chr1	23345814	23346677	KDM1A	ENSG00000004487	304	0.28	0.25	0.55	0.028	NA
chr1	28908069	28908799	SNHG12	ENSG00000197989	-259	0.29	0.23	0.55	0.064	NA
chr1	38941919	38942404	RP11-329N22.1	ENSG00000238063	1293	0.3	0.25	0.55	0.055	NA
chr1	53163688	53164180	SELRC1	ENSG00000162377	-194	0.23	0.27	0.55	-0.039	NA
chr1	62190647	62190942	TM2D1	ENSG00000162604	-72	0.3	0.38	0.55	-0.074	NA
chr1	66998728	66999060	SGIP1	ENSG00000118473	-172	0.24	0.31	0.55	-0.065	NA
chr1	100315420	100316009	AGL	ENSG00000162688	74	0.21	0.17	0.55	0.035	NA
chr1	149764128	149764989	RP11-196G18.3	ENSG00000233030	18	0.17	0.22	0.55	-0.056	NA
chr1	170633274	170634178	PRRX1	ENSG00000116132	251	0.2	0.22	0.55	-0.025	NA
chr1	178062712	178063846	RP11-21M7.1	ENSG00000224687	-544	0.2	0.23	0.55	-0.026	NA
chr1	179846879	179847106	TOR1AIP2	ENSG00000169905	-85	0.33	0.26	0.55	0.071	NA
chr1	224033085	224034263	TP53BP2	ENSG00000143514	-178	0.21	0.2	0.55	0.014	NA
chr1	224517729	224518193	NVL	ENSG00000143748	-138	0.44	0.3	0.55	0.14	NA
chr1	36549554	36549965	TEKT2	ENSG00000092850	83	0.23	0.26	0.56	-0.033	NA
chr1	40235767	40237190	OXCT2	ENSG00000198754	539	0.3	0.21	0.56	0.092	NA
chr1	90098230	90099292	RP5-1007M22.2	ENSG00000231999	-455	0.32	0.28	0.56	0.042	NA
chr1	204120398	204121109	ETNK2	ENSG00000143845	-197	0.25	0.31	0.56	-0.055	NA
chr1	214454096	214455047	SMYD2	ENSG00000143499	126	0.2	0.18	0.56	0.023	NA
chr1	225965330	225965734	SRP9	ENSG00000143742	1	0.2	0.14	0.56	0.055	NA
chr1	2144199	2144497	C1orf86	ENSG00000162585	-189	0.5	0.23	0.57	0.27	NA
chr1	3155160	3155361	PRDM16	ENSG00000142611	765	0.65	0.61	0.57	0.041	NA
chr1	11919115	11919555	NPPB	ENSG00000120937	-347	0.26	0.22	0.57	0.043	NA
chr1	16269900	16270259	ZBTB17	ENSG00000116809	-200	0.97	0.95	0.57	0.026	NA
chr1	27648453	27649006	TMEM222	ENSG00000186501	78	0.2	0.24	0.57	-0.038	NA
chr1	31381538	31381966	SDC3	ENSG00000162512	-144	0.19	0.25	0.57	-0.059	NA
chr1	41249090	41250161	KCNQ4	ENSG00000117013	-59	0.24	0.26	0.57	-0.024	NA
chr1	236558459	236559336	EDARADD	ENSG00000186197	181	0.25	0.21	0.57	0.038	NA
chr1	2066367	2066666	PRKCZ	ENSG00000067606	87	0.76	0.5	0.58	0.26	NA
chr1	3662963	3664085	TP73-AS1	ENSG00000227372	-184	0.34	0.29	0.58	0.046	NA

chr1	119543056	119543454	RP4-712E4.1	ENSG00000226172	760	0.22	0.26	0.58	-0.041	NA
chr1	156338758	156339251	RHBG	ENSG00000132677	1	0.25	0.21	0.58	0.037	NA
chr1	186649310	186650081	PTGS2	ENSG00000073756	-140	0.25	0.16	0.58	0.085	NA
chr1	9294401	9295118	H6PD	ENSG00000049239	-104	0.28	0.24	0.59	0.042	NA
chr1	27718892	27719349	GPR3	ENSG00000181773	-28	0.17	0.26	0.59	-0.089	NA
chr1	33502201	33502719	AK2	ENSG00000004455	-19	0.56	0.4	0.59	0.16	NA
chr1	53925191	53926228	DMRTB1	ENSG00000143006	226	0.97	0.96	0.59	0.012	NA
chr1	110453143	110453889	CSF1	ENSG00000184371	289	0.28	0.23	0.59	0.045	NA
chr1	149162389	149162615	TRNAE30P	ENSG00000242424	-803	0.36	0.43	0.59	-0.071	NA
chr1	163291479	163292021	RP11-267N12.3	ENSG00000232995	-256	0.16	0.2	0.59	-0.034	NA
chr1	1190522	1190799	UBE2J2	ENSG00000160087	1055	0.96	0.87	0.6	0.084	NA
chr1	1631086	1633226	MMP23A	ENSG00000215914	787	0.9	0.5	0.6	0.4	NA
chr1	22155300	22155565	HSPG2	ENSG00000142798	1774	0.88	1	0.6	-0.12	NA
chr1	40420487	40421366	MFSD2A	ENSG00000168389	124	0.24	0.28	0.6	-0.035	NA
chr1	101361549	101361808	EXTL2	ENSG00000162694	-124	0.24	0.19	0.6	0.049	NA
chr1	149379198	149380059	RP5-998N21.4	ENSG00000234571	18	0.2	0.47	0.6	-0.27	NA
chr1	154377670	154378445	IL6R	ENSG00000160712	358	0.19	0.17	0.6	0.024	NA
chr1	38019606	38019823	SNIP1	ENSG00000163877	135	0.29	0.22	0.61	0.075	NA
chr1	47779707	47780211	STIL	ENSG00000123473	-147	0.2	0.25	0.61	-0.05	NA
chr1	115212239	115212985	DENND2C	ENSG00000175984	44	0.21	0.19	0.61	0.028	NA
chr1	211380406	211380783	RP11-543B16.2	ENSG00000226986	13	1	0.96	0.61	0.042	NA
chr1	212208837	212209364	INTS7	ENSG00000143493	-238	0.18	0.14	0.61	0.041	NA
chr1	11740828	11741717	MAD2L2	ENSG00000116670	-104	0.2	0.18	0.62	0.02	NA
chr1	33351686	33352397	HPCA	ENSG00000121905	5	0.26	0.24	0.62	0.021	NA
chr1	46049590	46050582	NASP	ENSG00000132780	425	0.22	0.25	0.62	-0.032	NA
chr1	109825710	109826207	PSRC1	ENSG00000134222	-221	0.14	0.26	0.62	-0.11	NA
chr1	117209824	117210621	IGSF3	ENSG00000143061	92	0.25	0.22	0.62	0.024	NA
chr1	150206971	150207842	ANP32E	ENSG00000143401	-380	0.15	0.13	0.62	0.021	NA
chr1	151483573	151483902	CGN	ENSG00000143375	-126	0.17	0.23	0.62	-0.065	NA
chr1	160040128	160040668	KCNJ10	ENSG00000177807	-360	0.23	0.19	0.62	0.038	NA

chr1	33721448	33721703	ZNF362	ENSG00000160094	-571	0.22	0.27	0.63	-0.043	NA
chr1	44820657	44821113	ERI3	ENSG00000117419	-5	0.2	0.13	0.63	0.067	NA
chr1	224621560	224622106	WDR26	ENSG00000162923	-118	0.26	0.23	0.63	0.038	NA
chr1	10753773	10754176	CASZ1	ENSG00000130940	-5	0.31	0.26	0.64	0.056	NA
chr1	28696041	28696731	PHACTR4	ENSG00000204138	272	0.21	0.24	0.64	-0.034	NA
chr1	35734223	35734855	ZMYM4	ENSG00000146463	-29	0.22	0.2	0.64	0.021	NA
chr1	38397236	38397721	INPP5B	ENSG00000204084	-57	0.2	0.22	0.64	-0.027	NA
chr1	85741865	85742535	BCL10	ENSG00000142867	-61	0.24	0.21	0.64	0.032	NA
chr1	1109314	1110145	TLL10	ENSG00000162571	443	0.36	0.4	0.65	-0.041	NA
chr1	35497121	35497587	ZMYM6	ENSG00000163867	-121	0.17	0.14	0.65	0.036	NA
chr1	67395683	67396483	MIER1	ENSG00000198160	157	0.26	0.23	0.65	0.03	NA
chr1	84764108	84764906	SAMD13	ENSG00000203943	458	0.23	0.19	0.65	0.036	NA
chr1	86621278	86622871	COL24A1	ENSG00000171502	47	0.41	0.43	0.65	-0.023	NA
chr1	150601710	150602201	ENSA	ENSG00000143420	23	0.29	0.17	0.65	0.12	NA
chr1	206223537	206224028	RP11-38J22.3	ENSG00000226780	-234	0.33	0.26	0.65	0.077	NA
chr1	214725192	214725528	PTPN14	ENSG00000152104	-415	0.3	0.24	0.65	0.058	NA
chr1	227127069	227128430	ADCK3	ENSG00000163050	-238	0.2	0.22	0.65	-0.022	NA
chr1	12290955	12291199	VPS13D	ENSG00000048707	953	0.2	0.24	0.66	-0.037	NA
chr1	36184248	36184774	C1orf216	ENSG00000142686	-88	0.21	0.23	0.66	-0.025	NA
chr1	40505411	40506703	CAP1	ENSG00000131236	152	0.24	0.26	0.66	-0.016	NA
chr1	47690980	47691727	RP1-18D14.7	ENSG00000226252	-116	0.3	0.26	0.66	0.039	NA
chr1	92683438	92683682	C1orf146	ENSG00000203910	63	0.96	1	0.66	-0.042	NA
chr1	110752256	110754794	KCNC4-AS1	ENSG00000224965	-916	0.26	0.25	0.66	0.011	NA
chr1	143912736	143916156	FAM72D	ENSG00000215784	-1303	0.22	0.25	0.66	-0.03	NA
chr1	146551476	146551764	U1	ENSG00000201142	325	0.36	0.22	0.66	0.13	NA
chr1	151020162	151020627	C1orf56	ENSG00000143443	178	0.19	0.22	0.66	-0.026	NA
chr1	153631065	153631369	SNAPIN	ENSG00000143553	87	0.33	0.27	0.66	0.058	NA
chr1	173837172	173837917	ZBTB37	ENSG00000185278	324	0.26	0.24	0.66	0.018	NA
chr1	207224089	207224450	YOD1	ENSG00000180667	153	0.24	0.28	0.66	-0.047	NA
chr1	1141670	1142150	TNFRSF18	ENSG00000186891	41	0.24	0.22	0.67	0.027	NA

chr1	9969845	9970063	CTNNBIP1	ENSG00000178585	367	0.17	0.14	0.67	0.026	NA
chr1	24229115	24229537	RP11-4M23.2	ENSG00000229106	-99	0.2	0.18	0.67	0.017	NA
chr1	26672445	26672650	AIM1L	ENSG00000176092	601	0.98	0.94	0.67	0.04	NA
chr1	150488036	150488416	RP11-54A4.8	ENSG00000228126	-7	0.21	0.24	0.67	-0.027	NA
chr1	3447449	3447950	MEGF6	ENSG00000162591	313	0.27	0.31	0.68	-0.034	NA
chr1	3528333	3528683	MEGF6	ENSG00000162591	-449	0.27	0.16	0.68	0.11	NA
chr1	32574061	32574318	KPNA6	ENSG00000025800	300	0.13	0.09	0.68	0.044	NA
chr1	70876622	70877091	CTH	ENSG00000116761	-45	0.31	0.25	0.68	0.059	NA
chr1	77333111	77334534	ST6GALNAC5	ENSG00000117069	696	0.23	0.25	0.68	-0.016	NA
chr1	78956624	78957516	PTGFR	ENSG00000122420	313	0.19	0.22	0.68	-0.022	NA
chr1	87797368	87797884	LMO4	ENSG00000143013	162	0.29	0.25	0.68	0.035	NA
chr1	108507251	108507841	VAV3	ENSG00000134215	-71	0.25	0.23	0.68	0.025	NA
chr1	109583855	109585032	WDR47	ENSG00000085433	-274	0.25	0.23	0.68	0.021	NA
chr1	117602388	117603270	TTF2	ENSG00000116830	-96	0.18	0.29	0.68	-0.11	NA
chr1	120190377	120191251	ZNF697	ENSG00000143067	-418	0.18	0.16	0.68	0.02	NA
chr1	3773187	3774465	CEP104	ENSG00000116198	-68	0.27	0.24	0.69	0.022	NA
chr1	6639427	6640361	ZBTB48	ENSG00000204859	-167	0.21	0.19	0.69	0.019	NA
chr1	19811703	19812644	CAPZB	ENSG00000077549	-194	0.25	0.23	0.69	0.024	NA
chr1	23694690	23696050	ZNF436	ENSG00000125945	-539	0.18	0.16	0.69	0.015	NA
chr1	27683277	27683590	MAP3K6	ENSG00000142733	225	0.91	0.88	0.69	0.034	NA
chr1	29213438	29214300	EPB41	ENSG00000159023	266	0.2	0.18	0.69	0.016	NA
chr1	33005423	33005739	ZBTB8A	ENSG00000160062	551	0.21	0.18	0.69	0.035	NA
chr1	42845978	42846988	RIMKLA	ENSG00000177181	17	0.19	0.18	0.69	0.014	NA
chr1	32800859	32802229	MARCKSL1	ENSG00000175130	436	0.23	0.21	0.7	0.015	NA
chr1	44679003	44679465	DMAP1	ENSG00000178028	107	0.2	0.16	0.7	0.038	NA
chr1	78148217	78149418	ZZZ3	ENSG00000036549	-489	0.18	0.23	0.7	-0.048	NA
chr1	144491618	144492007	AL592284.1	ENSG00000236943	-91	0.3	1	0.7	-0.7	NA
chr1	179555401	179555770	RP11-545A16.3	ENSG00000227141	-255	0.23	0.19	0.7	0.042	NA
chr1	202162958	202163390	LGR6	ENSG00000133067	145	0.23	0.21	0.7	0.028	NA
chr1	231762414	231763115	DISC1	ENSG00000162946	203	0.21	0.18	0.7	0.025	NA

chr1	14026481	14027200	PRDM2	ENSG00000116731	147	0.2	0.18	0.71	0.017	NA
chr1	15573620	15573953	FHAD1	ENSG00000142621	18	0.16	0.21	0.71	-0.044	NA
chr1	26185472	26186356	C1orf135	ENSG00000127423	-11	0.33	0.29	0.71	0.042	NA
chr1	29562745	29565307	PTPRU	ENSG00000060656	998	0.24	0.24	0.71	-0.0077	NA
chr1	151431540	151432032	POGZ	ENSG00000143442	-132	0.25	0.21	0.71	0.037	NA
chr1	155904072	155904307	KIAA0907	ENSG00000132680	-25	0.33	0.52	0.71	-0.19	NA
chr1	161110859	161111107	ACA64	ENSG00000238934	143	0.94	0.96	0.71	-0.016	NA
chr1	182359697	182361563	GLUL	ENSG00000135821	-91	0.2	0.21	0.71	-0.012	NA
chr1	241682473	241683112	FH	ENSG00000091483	-188	0.23	0.2	0.71	0.026	NA
chr1	35450649	35451037	RP11-244H3.1	ENSG00000241014	71	0.27	0.18	0.72	0.091	NA
chr1	36234924	36235800	CLSPN	ENSG00000092853	167	0.24	0.27	0.72	-0.024	NA
chr1	75595813	75596162	LHX8	ENSG00000162624	1868	0.27	0.35	0.72	-0.078	NA
chr1	85513509	85514555	MCOLN3	ENSG00000055732	97	0.22	0.2	0.72	0.016	NA
chr1	114471965	114472899	HIPK1	ENSG00000163349	436	0.22	0.2	0.72	0.016	NA
chr1	149982153	149982860	OTUD7B	ENSG00000163113	118	0.19	0.15	0.72	0.04	NA
chr1	155224624	155225655	FAM189B	ENSG00000160767	-440	0.18	0.2	0.72	-0.019	NA
chr1	176175711	176176811	RFWD2	ENSG00000143207	-434	0.21	0.22	0.72	-0.017	NA
chr1	183774193	183774416	RGL1	ENSG00000143344	50	0.4	0.27	0.72	0.13	NA
chr1	192777632	192778198	RGS2	ENSG00000116741	-254	0.21	0.19	0.72	0.024	NA
chr1	205197632	205197959	TMCC2	ENSG00000133069	-264	0.23	0.28	0.72	-0.055	NA
chr1	224622597	224622818	CNIH3	ENSG00000143786	93	0.23	0.2	0.72	0.028	NA
chr1	982152	982511	AGRN	ENSG00000188157	-250	0.99	0.98	0.73	0.014	NA
chr1	984206	984429	AGRN	ENSG00000188157	408	0.86	0.89	0.73	-0.032	NA
chr1	9749295	9750228	PIK3CD	ENSG00000171608	1527	0.23	0.21	0.73	0.018	NA
chr1	38157295	38158586	C1orf109	ENSG00000116922	-63	0.29	0.24	0.73	0.044	NA
chr1	89149594	89150658	PKN2	ENSG00000065243	221	0.19	0.21	0.73	-0.017	NA
chr1	113741473	113741745	RP11-389O22.5	ENSG00000236887	162	0.97	0.99	0.73	-0.015	NA
chr1	150946496	150947950	LASS2	ENSG00000143418	-312	0.24	0.22	0.73	0.014	NA
chr1	223899990	223900823	CAPN2	ENSG00000162909	372	0.19	0.17	0.73	0.013	NA
chr1	240986654	240986909	RFKP1	ENSG00000215802	-48	1	0.97	0.73	0.031	NA

chr1	2449922	2450206	PANK4	ENSG00000157881	670	0.94	0.91	0.74	0.031	NA
chr1	21043832	21044771	KIF17	ENSG00000117245	-317	0.25	0.24	0.74	0.015	NA
chr1	22149683	22149897	HSPG2	ENSG00000142798	969	0.96	0.93	0.74	0.022	NA
chr1	28240584	28241535	RPA2	ENSG00000117748	-35	0.37	0.3	0.74	0.073	NA
chr1	51796097	51796589	TTC39A	ENSG00000085831	-111	0.15	0.18	0.74	-0.03	NA
chr1	95582750	95583572	TMEM56	ENSG00000152078	267	0.29	0.27	0.74	0.023	NA
chr1	100817709	100818899	CDC14A	ENSG00000079335	281	0.24	0.21	0.74	0.022	NA
chr1	160370112	160370658	VANGL2	ENSG00000162738	9	0.2	0.18	0.74	0.019	NA
chr1	196577708	196578011	KCNT2	ENSG00000162687	-318	0.16	0.2	0.74	-0.044	NA
chr1	214776256	214776935	CENPF	ENSG00000117724	57	0.26	0.21	0.74	0.045	NA
chr1	43637503	43638052	WDR65	ENSG00000243710	-43	0.25	0.22	0.75	0.034	NA
chr1	43855375	43855921	MED8	ENSG00000159479	-193	0.25	0.22	0.75	0.026	NA
chr1	55505060	55506015	PCSK9	ENSG00000169174	316	0.46	0.44	0.75	0.02	NA
chr1	111746337	111747303	DENND2D	ENSG00000162777	104	0.27	0.3	0.75	-0.023	NA
chr1	200116696	200117204	RP11-47A17.2	ENSG00000229220	457	0.99	0.99	0.75	0.0083	NA
chr1	203097233	203097496	ADORA1	ENSG00000163485	-70	0.21	0.17	0.75	0.039	NA
chr1	214160798	214161034	PROX1	ENSG00000117707	-364	0.27	0.23	0.75	0.038	NA
chr1	236304758	236305025	GPR137B	ENSG00000077585	-941	0.21	0.26	0.75	-0.044	NA
chr1	906296	906538	PLEKHN1	ENSG00000187583	162	0.26	0.23	0.76	0.028	NA
chr1	16070628	16070853	TMEM82	ENSG00000162460	1698	0.7	1	0.76	-0.3	NA
chr1	20834416	20834883	MUL1	ENSG00000090432	5	0.22	0.2	0.76	0.027	NA
chr1	147999931	148000778	RP3-328E19.4	ENSG00000223491	141	0.29	0.35	0.76	-0.062	NA
chr1	156215368	156215899	PAQR6	ENSG00000160781	52	0.24	0.22	0.76	0.02	NA
chr1	159141202	159141718	CADM3	ENSG00000162706	61	0.16	0.2	0.76	-0.041	NA
chr1	185285329	185286735	IVNS1ABP	ENSG00000116679	373	0.16	0.17	0.76	-0.015	NA
chr1	6086244	6086494	KCNAB2	ENSG00000069424	9	0.78	0.89	0.77	-0.11	NA
chr1	38061428	38061740	GNL2	ENSG00000134697	-62	0.33	0.14	0.77	0.19	NA
chr1	47489226	47489633	CYP4X1	ENSG00000186377	189	0.26	0.3	0.77	-0.04	NA
chr1	97187102	97187606	PTBP2	ENSG00000117569	133	0.29	0.26	0.77	0.025	NA
chr1	118147958	118149670	AL157902.3	ENSG00000236866	-507	0.32	0.3	0.77	0.019	NA

chr1	214162508	214162737	PROX1	ENSG00000117707	762	0.33	0.3	0.77	0.033	NA
chr1	228645196	228646434	HIST3H2A	ENSG00000181218	-255	0.24	0.23	0.77	0.016	NA
chr1	244624501	244624920	C1orf101	ENSG00000179397	37	0.24	0.22	0.77	0.022	NA
chr1	27226492	27227009	NUDC	ENSG00000090273	21	0.22	0.18	0.78	0.036	NA
chr1	40997160	40997439	ZNF684	ENSG00000117010	66	0.17	0.19	0.78	-0.018	NA
chr1	92350913	92352085	TGFBR3	ENSG00000069702	-10	0.27	0.26	0.78	0.01	NA
chr1	108742400	108743201	SLC25A24	ENSG00000085491	98	0.23	0.28	0.78	-0.045	NA
chr1	153747655	153748698	SLC27A3	ENSG00000143554	408	0.23	0.22	0.78	0.017	NA
chr1	167522469	167523070	CREG1	ENSG00000143162	235	0.22	0.24	0.78	-0.015	NA
chr1	1600981	1601231	SLC35E2B	ENSG00000189339	472	0.94	0.97	0.79	-0.028	NA
chr1	2527239	2527503	MMEL1	ENSG00000142606	-1859	0.71	0.82	0.79	-0.1	NA
chr1	22213902	22214119	HSPG2	ENSG00000142798	1204	0.94	0.96	0.79	-0.021	NA
chr1	31885794	31887010	SERINC2	ENSG00000168528	439	0.23	0.24	0.79	-0.012	NA
chr1	92545819	92546480	BTBD8	ENSG00000189195	287	0.15	0.18	0.79	-0.024	NA
chr1	165667544	165667817	ALDH9A1	ENSG00000143149	-135	0.32	0.39	0.79	-0.068	NA
chr1	183440351	183442255	RP11-74N20.1	ENSG00000232860	-439	0.22	0.21	0.79	0.012	NA
chr1	204950982	204951210	NFASC	ENSG00000163531	112	1	0.92	0.79	0.075	NA
chr1	207842805	207843259	CR1L	ENSG00000197721	248	0.27	0.3	0.79	-0.022	NA
chr1	237205126	237206644	RYR2	ENSG00000198626	380	0.19	0.18	0.79	0.0095	NA
chr1	762416	763445	NCRNA00115	ENSG00000225880	-44	0.23	0.21	0.8	0.024	NA
chr1	16173889	16175396	SPEN	ENSG00000065526	283	0.23	0.24	0.8	-0.0094	NA
chr1	18435566	18435904	IGSF21	ENSG00000117154	1495	0.31	0.27	0.8	0.037	NA
chr1	67390468	67391109	WDR78	ENSG00000152763	-286	0.22	0.19	0.8	0.022	NA
chr1	154540233	154540573	CHRNA2	ENSG00000160716	146	0.26	0.24	0.8	0.022	NA
chr1	1322644	1322924	CCNL2	ENSG00000221978	1309	0.93	0.94	0.81	-0.013	NA
chr1	16011266	16011502	PLEKHM2	ENSG00000116786	348	0.33	0.24	0.81	0.089	NA
chr1	40781004	40781445	COL9A2	ENSG00000049089	-114	0.27	0.25	0.81	0.028	NA
chr1	42921716	42922575	PPCS	ENSG00000127125	357	0.2	0.21	0.81	-0.013	NA
chr1	59012326	59012577	OMA1	ENSG00000162600	-73	0.14	0.18	0.81	-0.035	NA
chr1	153650830	153652375	NPR1	ENSG00000169418	489	0.19	0.18	0.81	0.011	NA

chr1	1019818	1020026	C1orf159	ENSG00000131591	-470	0.93	0.95	0.82	-0.015	NA
chr1	15853108	15853663	DNAJC16	ENSG00000116138	77	0.21	0.22	0.82	-0.014	NA
chr1	62901651	62903667	USP1	ENSG00000162607	691	0.2	0.2	0.82	0.006	NA
chr1	92001023	92001444	RP11-47K11.2	ENSG00000241318	-70	1	0.98	0.82	0.023	NA
chr1	117112960	117113883	CD58	ENSG00000116815	185	0.18	0.17	0.82	0.011	NA
chr1	174968490	174969624	CACYBP	ENSG00000116161	486	0.25	0.27	0.82	-0.016	NA
chr1	2333550	2334172	RER1	ENSG00000157916	471	0.97	0.96	0.83	0.012	NA
chr1	8877012	8877283	RERE	ENSG00000142599	377	0.22	0.12	0.83	0.099	NA
chr1	29063066	29064315	YTHDF2	ENSG00000198492	557	0.2	0.19	0.83	0.01	NA
chr1	33116543	33117363	RBBP4	ENSG00000162521	210	0.2	0.18	0.83	0.029	NA
chr1	40348941	40349288	TRIT1	ENSG00000043514	-8	0.2	0.19	0.83	0.015	NA
chr1	204654132	204654885	LRRN2	ENSG00000170382	-27	0.23	0.25	0.83	-0.012	NA
chr1	215740507	215741266	KCTD3	ENSG00000136636	151	0.2	0.18	0.83	0.021	NA
chr1	25944099	25944772	MAN1C1	ENSG00000117643	94	0.36	0.38	0.84	-0.023	NA
chr1	84944932	84945350	RPF1	ENSG00000117133	199	0.28	0.22	0.84	0.059	NA
chr1	152161321	152161928	RP1-14N1.2	ENSG00000237975	-203	0.28	0.29	0.84	-0.014	NA
chr1	165323486	165323811	LMX1A	ENSG00000162761	1335	1	0.39	0.84	0.61	NA
chr1	193028221	193029271	UCHL5	ENSG00000116750	-399	0.16	0.17	0.84	-0.0074	NA
chr1	201123245	201123746	TMEM9	ENSG00000116857	51	0.33	0.29	0.84	0.036	NA
chr1	242011151	242011744	EXO1	ENSG00000174371	178	0.28	0.31	0.84	-0.025	NA
chr1	1362954	1363299	RP4-758J18.8	ENSG00000230270	53	0.33	0.36	0.85	-0.026	NA
chr1	38156042	38156279	C1orf109	ENSG00000116922	-6	0.19	0.33	0.85	-0.14	NA
chr1	39456655	39457271	AKIRIN1	ENSG00000174574	68	0.2	0.21	0.85	-0.011	NA
chr1	43123977	43124422	PPIH	ENSG00000171960	103	0.33	0.26	0.85	0.072	NA
chr1	46598126	46599129	PIK3R3	ENSG00000117461	-339	0.25	0.26	0.85	-0.012	NA
chr1	148605087	148605420	U1	ENSG00000207205	-181	0.94	0.88	0.85	0.062	NA
chr1	149398825	149399250	RP5-998N21.5	ENSG00000240929	142	0.38	1	0.85	-0.62	NA
chr1	151170847	151171532	PIP5K1A	ENSG00000143398	162	0.15	0.16	0.85	-0.016	NA
chr1	223566642	223567268	C1orf65	ENSG00000178395	240	0.26	0.25	0.85	0.013	NA
chr1	228742996	228743461	5S_rRNA	ENSG00000202056	-266	0.63	0.64	0.85	-0.011	NA

chr1	231473012	231474382	EXOC8	ENSG00000116903	-119	0.22	0.22	0.85	0.0072	NA
chr1	45251962	45252292	BEST4	ENSG00000142959	1250	0.25	0.14	0.86	0.11	NA
chr1	48937304	48937683	SPATA6	ENSG00000132122	189	0.26	0.28	0.86	-0.018	NA
chr1	70032967	70034495	LRRC7	ENSG00000033122	-350	0.27	0.25	0.86	0.025	NA
chr1	110162464	110162716	AMPD2	ENSG00000116337	122	0.35	0.29	0.86	0.062	NA
chr1	158150620	158151503	CD1D	ENSG00000158473	1324	0.25	0.24	0.86	0.011	NA
chr1	207494543	207495364	CD55	ENSG00000196352	100	0.29	0.26	0.86	0.025	NA
chr1	207925171	207925964	CD46	ENSG00000117335	165	0.35	0.32	0.86	0.027	NA
chr1	66258440	66258918	PDE4B	ENSG00000184588	-185	0.29	0.26	0.87	0.027	NA
chr1	954768	956343	AGRN	ENSG00000188157	52	0.22	0.22	0.88	-0.0094	NA
chr1	23809977	23810693	ASAP3	ENSG00000088280	336	0.23	0.22	0.88	0.011	NA
chr1	28655365	28655667	MED18	ENSG00000130772	3	0.25	0.24	0.88	0.014	NA
chr1	28969553	28969898	TAF12	ENSG00000120656	-147	0.36	0.32	0.88	0.043	NA
chr1	67773329	67773767	IL12RB2	ENSG00000081985	-8	0.26	0.25	0.88	0.011	NA
chr1	149224358	149224642	RNU1-5	ENSG00000206737	-279	0.17	0.22	0.88	-0.048	NA
chr1	154946742	154947486	SHC1	ENSG00000160691	-302	0.24	0.18	0.88	0.055	NA
chr1	193074174	193074778	GLRX2	ENSG00000023572	85	0.4	0.42	0.88	-0.028	NA
chr1	5937157	5937392	NPHP4	ENSG00000131697	252	0.88	0.9	0.89	-0.022	NA
chr1	17380456	17380722	SDHB	ENSG00000117118	-87	0.19	0.17	0.89	0.018	NA
chr1	55352463	55353328	DHCR24	ENSG00000116133	-414	0.26	0.25	0.89	0.0099	NA
chr1	110692988	110694264	SLC6A17	ENSG00000197106	518	0.19	0.18	0.89	0.0076	NA
chr1	113249342	113250198	RHOC	ENSG00000155366	-92	0.27	0.26	0.89	0.0097	NA
chr1	201617041	201619788	NAV1	ENSG00000134369	1037	0.23	0.23	0.89	0.0066	NA
chr1	213224611	213224867	RPS6KC1	ENSG00000136643	135	0.21	0.27	0.89	-0.053	NA
chr1	1457954	1459029	ATAD3A	ENSG00000197785	-1162	0.96	0.95	0.9	0.0063	NA
chr1	27248048	27248619	NUDC	ENSG00000090273	116	0.17	0.16	0.9	0.0068	NA
chr1	70687300	70687560	SRSF11	ENSG00000116754	23	0.44	0.4	0.9	0.036	NA
chr1	85463884	85464167	WDR63	ENSG00000162643	-805	0.25	0.23	0.9	0.024	NA
chr1	204226544	204226908	PLEKHA6	ENSG00000143850	-119	0.67	0.73	0.9	-0.06	NA
chr1	31380844	31381078	SDC3	ENSG00000162512	647	0.31	0.27	0.91	0.04	NA

chr1	47069615	47070179	MKNK1	ENSG00000079277	-11	0.23	0.24	0.91	-0.012	NA
chr1	55007704	55008448	ACOT11	ENSG00000162390	146	0.22	0.21	0.91	0.011	NA
chr1	149286812	149287773	AL356957.2	ENSG00000241802	138	0.21	0.22	0.91	-0.011	NA
chr1	156469617	156471060	MEF2D	ENSG00000116604	191	0.26	0.27	0.91	-0.013	NA
chr1	202678881	202679769	SYT2	ENSG00000143858	220	0.31	0.32	0.91	-0.016	NA
chr1	242687922	242688682	PLD5	ENSG00000180287	-329	0.2	0.21	0.91	-0.0088	NA
chr1	15929823	15930289	RP4-680D5.2	ENSG00000237301	65	0.2	0.19	0.92	0.019	NA
chr1	20126029	20126780	TMCO4	ENSG00000162542	6	0.21	0.2	0.92	0.014	NA
chr1	34628783	34630976	CSMD2	ENSG00000121904	996	0.21	0.22	0.92	-0.0083	NA
chr1	43824134	43825059	RP1-92O14.3	ENSG00000234694	-267	0.29	0.28	0.92	0.0083	NA
chr1	153949712	153950525	JTB	ENSG00000143543	-248	0.22	0.2	0.92	0.019	NA
chr1	220863507	220864249	C1orf115	ENSG00000162817	691	0.21	0.2	0.92	0.01	NA
chr1	8385895	8386168	SLC45A1	ENSG00000162426	1641	0.98	0.96	0.93	0.015	NA
chr1	28857037	28857311	RCC1	ENSG00000180198	-1273	0.96	0.95	0.93	0.012	NA
chr1	35258564	35258791	GJA4	ENSG00000187513	78	0.34	0.38	0.93	-0.038	NA
chr1	85462585	85463435	MCOLN2	ENSG00000153898	-387	0.47	0.46	0.93	0.013	NA
chr1	151372014	151372582	PSMB4	ENSG00000159377	262	0.24	0.22	0.93	0.024	NA
chr1	157963540	157963947	KIRREL	ENSG00000183853	308	0.31	0.27	0.93	0.038	NA
chr1	1414034	1414532	ATAD3B	ENSG00000160072	-146	0.89	1	0.94	-0.11	NA
chr1	1562049	1562398	MIB2	ENSG00000197530	-17	0.94	0.93	0.94	0.016	NA
chr1	14924610	14925993	KAZN	ENSG00000189337	101	0.22	0.21	0.94	0.0061	NA
chr1	40136988	40138087	NT5C1A	ENSG00000116981	173	0.21	0.21	0.94	-0.0087	NA
chr1	40204312	40204739	PPIE	ENSG00000084072	-26	0.16	0.18	0.94	-0.023	NA
chr1	51984547	51985216	EPS15	ENSG00000085832	18	0.16	0.18	0.94	-0.015	NA
chr1	109234788	109235161	PRPF38B	ENSG00000134186	29	0.17	0.19	0.94	-0.016	NA
chr1	153935781	153936276	SLC39A1	ENSG00000143570	-230	0.22	0.2	0.94	0.019	NA
chr1	156737035	156738013	PRCC	ENSG00000143294	232	0.21	0.21	0.94	-0.0079	NA
chr1	248020330	248021252	TRIM58	ENSG00000162722	290	0.26	0.27	0.94	-0.0056	NA
chr1	6259178	6259883	RPL22	ENSG00000116251	83	0.16	0.17	0.95	-0.013	NA
chr1	9324687	9325016	H6PD	ENSG00000049239	-738	0.96	1	0.95	-0.04	NA

chr1	43919083	43919814	HYI	ENSG00000178922	-325	0.22	0.21	0.95	0.0058	NA
chr1	202311043	202311312	UBE2T	ENSG00000077152	-69	0.28	0.24	0.95	0.035	NA
chr1	220921411	220922176	MOSC2	ENSG00000117791	226	0.16	0.15	0.95	0.0087	NA
chr1	228353108	228353986	C1orf148	ENSG00000203684	-334	0.28	0.27	0.95	0.007	NA
chr1	1023143	1023347	C1orf159	ENSG00000131591	-229	0.98	0.96	0.96	0.017	NA
chr1	8877598	8878092	RERE	ENSG00000142599	-143	0.33	0.25	0.96	0.083	NA
chr1	91182097	91182364	BARHL2	ENSG00000143032	564	0.4	0.37	0.96	0.033	NA
chr1	147806900	147807170	U1	ENSG00000202408	-149	0.24	0.3	0.96	-0.065	NA
chr1	155164199	155165160	MIR92B	ENSG00000208011	-289	0.22	0.22	0.96	0.0061	NA
chr1	155947678	155948490	ARHGEF2	ENSG00000116584	-133	0.28	0.28	0.96	-0.0051	NA
chr1	218519057	218519674	TGFB2	ENSG00000092969	-212	0.29	0.2	0.96	0.086	NA
chr1	16270591	16271582	ZBTB17	ENSG00000116809	-233	0.96	0.96	0.97	0.0051	NA
chr1	27320127	27321146	TRNP1	ENSG00000253368	438	0.28	0.29	0.97	-0.011	NA
chr1	41444870	41446116	CTPS	ENSG00000171793	486	0.23	0.22	0.97	0.0039	NA
chr1	109791945	109792723	CELSR2	ENSG00000143126	-307	0.21	0.21	0.97	-0.0047	NA
chr1	151584374	151585205	RP11-404E16.1	ENSG00000250734	275	0.29	0.3	0.97	-0.016	NA
chr1	155239278	155239494	CLK2	ENSG00000176444	-232	0.93	0.92	0.97	0.013	NA
chr1	155278407	155278743	FDPS	ENSG00000160752	36	0.23	0.5	0.97	-0.27	NA
chr1	160068040	160068430	IGSF8	ENSG00000162729	174	0.33	0.31	0.97	0.028	NA
chr1	182758395	182759097	NPL	ENSG00000135838	318	0.18	0.17	0.97	0.0066	NA
chr1	202995472	202996185	PPFIA4	ENSG00000143847	202	0.27	0.26	0.97	0.0085	NA
chr1	215256051	215256636	KCNK2	ENSG00000082482	-124	0.25	0.26	0.97	-0.0062	NA
chr1	235324264	235324717	RBM34	ENSG00000188739	-213	0.28	0.3	0.97	-0.019	NA
chr1	247373735	247374304	RP11-488L18.4	ENSG00000227671	-1224	0.22	0.23	0.97	-0.016	NA
chr1	1886344	1886870	C1orf222	ENSG00000142609	547	0.9	0.91	0.98	-0.012	NA
chr1	21835548	21836344	ALPL	ENSG00000162551	88	0.22	0.23	0.98	-0.0043	NA
chr1	45308543	45309159	PTCH2	ENSG00000117425	-235	0.26	0.26	0.98	-0.0046	NA
chr1	46151751	46153080	GPBP1L1	ENSG00000159592	-207	0.21	0.21	0.98	-0.0029	NA
chr1	155034925	155036578	EFNA4	ENSG00000243364	-456	0.3	0.31	0.98	-0.0061	NA
chr1	180991719	180992149	STX6	ENSG00000135823	71	0.24	0.27	0.98	-0.036	NA

chr1	200378899	200379365	ZNF281	ENSG00000162702	-16	0.28	0.3	0.98	-0.013	NA
chr1	217311467	217311773	ESRRG	ENSG00000196482	-523	0.77	0.5	0.98	0.27	NA
chr1	245026434	245028020	HNRNPU	ENSG00000153187	-270	0.22	0.22	0.98	-0.0031	NA
chr1	2040997	2041302	PRKCZ	ENSG00000067606	-1944	0.97	0.96	0.99	0.0081	NA
chr1	22778236	22778817	ZBTB40	ENSG00000184677	182	0.22	0.22	0.99	-0.0055	NA
chr1	109824313	109824526	PSRC1	ENSG00000134222	622	0.89	1	0.99	-0.11	NA
chr1	110091039	110091590	GNAI3	ENSG00000065135	81	0.22	0.21	0.99	0.0061	NA
chr1	143743395	143744949	BX284650.1	ENSG00000223804	183	0.21	0.22	0.99	-0.016	NA
chr1	241802960	241803649	OPN3	ENSG00000054277	208	0.25	0.2	0.99	0.05	NA
chr1	135124	135563	RP11-34P13.7	ENSG00000238009	-1777	1	1	1	0	NA
chr1	912869	913153	C1orf170	ENSG00000187642	-990	1	1	1	0	NA
chr1	1024075	1024614	C1orf159	ENSG00000131591	-1328	0.92	0.92	1	-0.0034	NA
chr1	1406844	1407821	ATAD3B	ENSG00000160072	189	0.36	0.36	1	0.0046	NA
chr1	1452701	1453199	ATAD3A	ENSG00000197785	-51	0.84	0.89	1	-0.047	NA
chr1	1560780	1561055	MIB2	ENSG00000197530	-30	0.88	1	1	-0.12	NA
chr1	1685373	1685971	NADK	ENSG00000008130	150	0.91	0.91	1	0.0023	NA
chr1	2345891	2346156	PEX10	ENSG00000157911	-787	0.32	0.32	1	0.00085	NA
chr1	2409757	2410049	PLCH2	ENSG00000149527	-12	1	0.92	1	0.083	NA
chr1	2445355	2445648	PANK4	ENSG00000157881	23	0.77	0.77	1	0.0062	NA
chr1	3527619	3528078	MEGF6	ENSG00000162591	211	0.21	0.21	1	0.0021	NA
chr1	6202118	6202359	CHD5	ENSG00000116254	1926	0.93	1	1	-0.067	NA
chr1	6525996	6526228	TNFRSF25	ENSG00000215788	47	0.82	0.83	1	-0.011	NA
chr1	8021301	8022226	PARK7	ENSG00000116288	40	0.21	0.21	1	-0.0006	NA
chr1	8390202	8390800	SLC45A1	ENSG00000162426	13	0.91	0.91	1	-0.0043	NA
chr1	9324202	9324439	H6PD	ENSG00000049239	-1269	0.61	0.62	1	-0.0047	NA
chr1	9416126	9416404	SPSB1	ENSG00000171621	499	1	1	1	0	NA
chr1	9775708	9775997	PIK3CD	ENSG00000171608	95	0.95	1	1	-0.053	NA
chr1	10003165	10003585	LZIC	ENSG00000162441	12	0.27	0.28	1	-0.008	NA
chr1	11822139	11822363	C1orf167	ENSG00000215910	407	0.26	0.23	1	0.034	NA
chr1	12079251	12079903	MIIP	ENSG00000116691	54	0.19	0.19	1	0.0032	NA

chr1	15911088	15911608	AGMAT	ENSG00000116771	257	0.17	0.16	1	0.011	NA
chr1	16399648	16400072	FAM131C	ENSG00000185519	261	0.2	0.19	1	0.012	NA
chr1	16678574	16679192	FBXO42	ENSG00000037637	66	0.28	0.27	1	0.0063	NA
chr1	16766998	16767803	NECAP2	ENSG00000157191	233	0.23	0.23	1	-0.0014	NA
chr1	17331885	17332093	ATP13A2	ENSG00000159363	-99	1	0.95	1	0.049	NA
chr1	17337829	17338590	ATP13A2	ENSG00000159363	58	0.37	0.37	1	0.0023	NA
chr1	19536151	19537046	UBR4	ENSG00000127481	148	0.19	0.19	1	-0.0008	NA
chr1	19923341	19924002	C1orf151	ENSG00000173436	194	0.22	0.22	1	0.00057	NA
chr1	21022939	21023189	KIF17	ENSG00000117245	1868	0.45	0.42	1	0.027	NA
chr1	21996161	21996409	RAP1GAP	ENSG00000076864	-429	0.36	0.33	1	0.035	NA
chr1	22456023	22456225	WNT4	ENSG00000162552	220	1	1	1	0	NA
chr1	24069695	24070615	TCEB3	ENSG00000011007	-369	0.18	0.18	1	#####	NA
chr1	24117482	24117824	LYPLA2	ENSG00000011009	7	0.26	0.26	1	0.0027	NA
chr1	24739857	24740262	C1orf201	ENSG00000001460	156	0.36	0.37	1	-0.0097	NA
chr1	26097904	26098107	MAN1C1	ENSG00000117643	-555	0.27	0.27	1	0.0059	NA
chr1	26632836	26633316	UBXN11	ENSG00000158062	-9	1	1	1	0	NA
chr1	26662538	26663466	AIM1L	ENSG00000176092	-128	0.26	0.27	1	-0.002	NA
chr1	27114118	27114692	PIGV	ENSG00000060642	-50	0.23	0.23	1	0.0013	NA
chr1	27527884	27528085	RP11-40H20.1	ENSG00000214973	-20	0.96	0.96	1	0.0034	NA
chr1	29240768	29241969	EPB41	ENSG00000159023	277	0.23	0.23	1	-0.0011	NA
chr1	29587087	29587412	PTPRU	ENSG00000060656	556	0.83	0.85	1	-0.013	NA
chr1	31769246	31769978	SNRNP40	ENSG00000060688	5	0.28	0.27	1	0.0015	NA
chr1	32083149	32084069	HCRTR1	ENSG00000121764	322	0.23	0.23	1	#####	NA
chr1	32254004	32254353	RP11-84A19.3	ENSG00000254545	-553	0.34	0.33	1	0.0088	NA
chr1	32930500	32931061	RP1-27O5.3	ENSG00000254553	122	0.2	0.5	1	-0.3	NA
chr1	33745741	33745990	ZNF362	ENSG00000160094	-86	1	1	1	0	NA
chr1	33815950	33816193	RP11-415J8.5	ENSG00000233246	118	0.33	0.33	1	0.00033	NA
chr1	36554325	36554955	ADPRHL2	ENSG00000116863	164	0.16	0.16	1	0.0013	NA
chr1	38478082	38478727	UTP11L	ENSG00000183520	-2	0.22	0.2	1	0.022	NA
chr1	39547013	39547959	MACF1	ENSG00000127603	498	0.24	0.24	1	0.0038	NA

chr1	40562666	40563128	PPT1	ENSG00000131238	-172	0.16	0.15	1	0.0084	NA
chr1	43613488	43613842	FAM183A	ENSG00000186973	127	0.14	0.07	1	0.072	NA
chr1	43833828	43834137	ELOVL1	ENSG00000066322	-285	0.16	0.17	1	-0.0088	NA
chr1	44056755	44057179	PTPRF	ENSG00000142949	-154	0.9	1	1	-0.1	NA
chr1	44070892	44071142	PTPRF	ENSG00000142949	-236	1	1	1	0	NA
chr1	45241013	45241900	RPS8	ENSG00000142937	347	0.24	0.21	1	0.027	NA
chr1	45805564	45805983	MUTYH	ENSG00000132781	-166	0.43	0.5	1	-0.071	NA
chr1	46016403	46016694	AKR1A1	ENSG00000117448	72	0.19	0.19	1	-0.0021	NA
chr1	48459812	48460061	RP4-683M8.1	ENSG00000239802	336	1	1	1	0	NA
chr1	52869867	52870305	ORC1	ENSG00000085840	-27	0.25	0.25	1	0.003	NA
chr1	53192023	53192428	ZYG11B	ENSG00000162378	99	0.67	0.79	1	-0.12	NA
chr1	53544104	53544683	PODN	ENSG00000174348	110	1	1	1	0	NA
chr1	53558388	53558642	SLC1A7	ENSG00000162383	-1861	1	1	1	0	NA
chr1	53662309	53662815	CPT2	ENSG00000157184	31	0.22	0.22	1	0.00019	NA
chr1	53685945	53686391	C1orf123	ENSG00000162384	96	0.33	0.37	1	-0.035	NA
chr1	54355354	54355656	YIPF1	ENSG00000058799	-53	0.17	0.16	1	0.0052	NA
chr1	54665821	54666259	MRPL37	ENSG00000116221	200	0.21	0.25	1	-0.031	NA
chr1	54723696	54724019	SSBP3	ENSG00000157216	-918	0.97	0.96	1	0.0074	NA
chr1	55181345	55181853	TTC4	ENSG00000243725	104	0.2	0.19	1	0.011	NA
chr1	57044102	57045117	PPAP2B	ENSG00000162407	632	0.28	0.27	1	0.0027	NA
chr1	61548753	61549564	NFIA	ENSG00000162599	763	0.2	0.2	1	-0.0015	NA
chr1	68628999	68629202	RP11-518D3.3	ENSG00000234383	-327	0.98	1	1	-0.023	NA
chr1	71546486	71546783	ZRANB2	ENSG00000132485	60	0.21	0.2	1	0.012	NA
chr1	78354381	78354673	NEXN	ENSG00000162614	180	0.22	0.24	1	-0.013	NA
chr1	86861566	86862083	ODF2L	ENSG00000122417	-164	0.21	0.19	1	0.025	NA
chr1	87793802	87795142	LMO4	ENSG00000143013	321	0.24	0.24	1	-0.0047	NA
chr1	89356963	89357391	GTF2B	ENSG00000137947	2	0.17	0.18	1	-0.01	NA
chr1	91182509	91182857	BARHL2	ENSG00000143032	111	0.25	0.25	1	-0.0036	NA
chr1	91359122	91359563	PHKA1P1	ENSG00000232882	-173	0.97	0.98	1	-0.0045	NA
chr1	92764173	92764926	RPAP2	ENSG00000122484	27	0.18	0.18	1	0.0032	NA

chr1	93544558	93545032	MTF2	ENSG00000143033	3	0.25	0.24	1	0.012	NA
chr1	93811218	93811940	RP4-717I23.3	ENSG00000223745	-239	0.18	0.19	1	-0.01	NA
chr1	95538251	95538551	ALG14	ENSG00000172339	29	0.27	0.27	1	#####	NA
chr1	108735227	108735513	SLC25A24	ENSG00000085491	61	0.97	0.96	1	0.014	NA
chr1	109642663	109643384	SCARNA2	ENSG00000238881	208	0.27	0.3	1	-0.027	NA
chr1	110026630	110026903	ATXN7L2	ENSG00000162650	205	0.28	0.27	1	0.0039	NA
chr1	110577199	110577942	FAM40A	ENSG00000143093	332	0.19	0.19	1	-0.0003	NA
chr1	110765665	110766012	KCNC4	ENSG00000116396	-622	0.98	0.98	1	0.0026	NA
chr1	111682227	111683303	CEPT1	ENSG00000134255	516	0.28	0.27	1	0.0071	NA
chr1	111991304	111992202	WDR77	ENSG00000116455	-402	0.26	0.26	1	0.0057	NA
chr1	112162204	112162837	RAP1A	ENSG00000116473	121	0.23	0.23	1	0.0029	NA
chr1	116961182	116961542	ATP1A1OS	ENSG00000203865	-176	0.16	0.16	1	-0.0051	NA
chr1	120611348	120612440	NOTCH2	ENSG00000134250	181	0.1	0.09	1	0.0047	NA
chr1	120905971	120906396	HIST2H2BA	ENSG00000223345	155	0.14	0.2	1	-0.057	NA
chr1	120925178	120926081	RP11-439A17.9	ENSG00000233029	-5	0.27	0.31	1	-0.048	NA
chr1	145208944	145210075	NOTCH2NL	ENSG00000213240	390	0.12	0.12	1	0.0014	NA
chr1	145507588	145507931	RBM8A	ENSG00000131795	161	0.28	0.29	1	-0.0017	NA
chr1	145826491	145827224	GPR89A	ENSG00000117262	158	0.27	0.27	1	0.00066	NA
chr1	146556312	146556676	RP11-325P15.2	ENSG00000230832	-1367	0.2	0.2	1	0.0034	NA
chr1	147071249	147071875	BCL9	ENSG00000116128	-426	0.3	0.29	1	0.004	NA
chr1	147400354	147401087	GPR89B	ENSG00000188092	214	0.22	0.21	1	0.0047	NA
chr1	148241109	148241449	U1	ENSG00000207501	-186	0.76	0.79	1	-0.033	NA
chr1	149230771	149231197	RP11-403I13.5	ENSG00000232721	268	0.29	0.27	1	0.015	NA
chr1	149399898	149400518	RP5-998N21.7	ENSG00000230186	145	0.17	0.17	1	-0.0069	NA
chr1	149811754	149815044	HIST2H3C	ENSG00000203811	-634	0.2	0.23	1	-0.027	NA
chr1	149821901	149825191	HIST2H2BD	ENSG00000203819	-1206	1	1	1	0	NA
chr1	149899625	149899893	SF3B4	ENSG00000143368	-276	0.23	0.21	1	0.018	NA
chr1	150336831	150337289	RPRD2	ENSG00000163125	-66	0.17	0.17	1	0	NA
chr1	150848994	150849265	ARNT	ENSG00000143437	-85	0.33	0.27	1	0.066	NA
chr1	151762604	151764007	TDRKH	ENSG00000182134	-399	0.28	0.27	1	0.0074	NA

chr1	153700216	153700607	INTS3	ENSG00000143624	-132	0.42	0.42	1	-0.0039	NA
chr1	153894837	153895921	GATAD2B	ENSG00000143614	72	0.25	0.24	1	0.0043	NA
chr1	153939643	153939980	CREB3L4	ENSG00000143578	-199	0.32	0.32	1	-0.0042	NA
chr1	153963227	153963510	RPS27	ENSG00000177954	133	1	1	1	0	NA
chr1	154531054	154531565	UBE2Q1	ENSG00000160714	-200	0.2	0.18	1	0.016	NA
chr1	154975209	154975411	ZBTB7B	ENSG00000160685	15	0.27	0.5	1	-0.23	NA
chr1	155231812	155232312	SCAMP3	ENSG00000116521	-44	0.29	0.35	1	-0.064	NA
chr1	155242861	155243436	CLK2	ENSG00000176444	-70	0.22	0.2	1	0.013	NA
chr1	155246991	155247748	HCN3	ENSG00000143630	-5	0.21	0.2	1	0.011	NA
chr1	156426549	156427362	RP11-98G7.1	ENSG00000236947	-586	0.22	0.23	1	-0.0081	NA
chr1	156593657	156595283	HAPLN2	ENSG00000132702	614	0.31	0.31	1	0.0031	NA
chr1	159869901	159870143	CCDC19	ENSG00000213085	-120	0.17	0.17	1	-0.0027	NA
chr1	159915368	159915797	IGSF9	ENSG00000085552	-199	0.17	0.33	1	-0.17	NA
chr1	160231755	160232451	DCAF8	ENSG00000132716	94	0.26	0.26	1	-0.0002	NA
chr1	160990718	160991225	F11R	ENSG00000158769	-85	0.5	0.33	1	0.17	NA
chr1	161087722	161088112	PFDN2	ENSG00000143256	-72	0.17	0.17	1	0.005	NA
chr1	161171809	161172256	NDUFS2	ENSG00000158864	196	0.23	0.23	1	#####	NA
chr1	161283775	161284007	SDHC	ENSG00000143252	-156	1	1	1	0	NA
chr1	163392877	163393100	RP11-408E1.1	ENSG00000225122	-34	1	0.99	1	0.0098	NA
chr1	166958220	166958683	MAEL	ENSG00000143194	105	0.97	0.98	1	-0.0059	NA
chr1	171454517	171455239	PRRC2C	ENSG00000117523	227	0.24	0.24	1	-0.0028	NA
chr1	171639947	171640224	RP4-560B9.2	ENSG00000233328	-6	1	1	1	0	NA
chr1	178511362	178512356	C1orf220	ENSG00000213057	-28	0.2	0.2	1	-0.0008	NA
chr1	184020781	184021054	TSEN15	ENSG00000198860	106	0.31	0.33	1	-0.024	NA
chr1	193090728	193091224	CDC73	ENSG00000134371	-171	0.19	0.33	1	-0.14	NA
chr1	197887088	197887791	LHX9	ENSG00000143355	910	0.27	0.26	1	0.0061	NA
chr1	200010625	200010832	NR5A2	ENSG00000116833	-989	0.5	0.43	1	0.072	NA
chr1	200860076	200860576	C1orf106	ENSG00000163362	150	0.24	0.27	1	-0.031	NA
chr1	202611668	202613039	SYT2	ENSG00000143858	228	0.34	0.34	1	-0.001	NA
chr1	202779790	202780684	RP11-480I12.3	ENSG00000228288	155	0.25	0.24	1	0.00059	NA

chr1	203764568	203765293	ZC3H11A	ENSG00000058673	148	0.35	0.35	1	-0.0045	NA
chr1	204346732	204347430	RP11-739N20.1	ENSG00000223673	-288	0.25	0.25	1	0.00043	NA
chr1	205290232	205291035	NUAK2	ENSG00000163545	250	0.23	0.23	1	-0.0003	NA
chr1	205631977	205632254	SLC45A3	ENSG00000158715	-319	1	1	1	0	NA
chr1	208084098	208084513	CD34	ENSG00000174059	156	0.15	0.12	1	0.026	NA
chr1	214161197	214161415	PROX1	ENSG00000117707	26	0.33	0.32	1	0.0054	NA
chr1	215043777	215044003	GAPDHP24	ENSG00000185221	-187	1	1	1	0	NA
chr1	218458019	218458684	RRP15	ENSG00000067533	-278	0.33	0.31	1	0.02	NA
chr1	219786334	219786562	ZC3H11B	ENSG00000215817	14	1	1	1	0	NA
chr1	220219416	220219824	EPRS	ENSG00000136628	178	0.28	0.29	1	-0.011	NA
chr1	220267314	220267934	IARS2	ENSG00000067704	180	0.18	0.18	1	-0.0003	NA
chr1	220445480	220445933	RAB3GAP2	ENSG00000118873	-27	0.19	0.19	1	0.0038	NA
chr1	223741965	223744525	WI2-2998D17.2	ENSG00000235428	-383	0.5	0.4	1	0.1	NA
chr1	226496361	226497501	LIN9	ENSG00000183814	-159	0.2	0.2	1	-0.0009	NA
chr1	227505446	227506752	CDC42BPA	ENSG00000143776	-273	0.21	0.21	1	-0.0023	NA
chr1	228003827	228004083	PRSS38	ENSG00000185888	561	1	1	1	0	NA
chr1	228161368	228161576	RP11-192I3.2	ENSG00000233003	1914	0.98	1	1	-0.024	NA
chr1	228403232	228403528	OBSCN	ENSG00000154358	-10	0.94	0.96	1	-0.014	NA
chr1	228463249	228464488	OBSCN	ENSG00000154358	-1011	0.24	0.24	1	0.0031	NA
chr1	228603706	228604567	TRIM17	ENSG00000162931	-406	0.2	0.19	1	0.0079	NA
chr1	228870810	228872297	RHOU	ENSG00000116574	729	0.24	0.24	1	0.0014	NA
chr1	229478014	229478935	C1orf96	ENSG00000154429	-210	0.2	0.2	1	-0.0042	NA
chr1	231003631	231004655	C1orf198	ENSG00000119280	256	0.26	0.25	1	0.0028	NA
chr1	231176785	231177009	FAM89A	ENSG00000182118	-905	0.24	0.22	1	0.016	NA
chr1	231376796	231377243	C1orf131	ENSG00000143633	-183	0.21	0.21	1	0.0025	NA
chr1	232941054	232941707	KIAA1383	ENSG00000212916	737	0.2	0.19	1	0.0059	NA
chr1	233121927	233122136	PCNXL2	ENSG00000135749	-401	0.99	0.99	1	0.003	NA
chr1	234508994	234509501	C1orf31	ENSG00000168275	45	0.26	0.26	1	-0.0083	NA
chr1	242220284	242220615	RP11-323D18.4	ENSG00000224625	62	0.89	0.88	1	0.012	NA
chr1	242220749	242221000	RP11-323D18.4	ENSG00000224625	487	1	1	1	0	NA

chr1	247094485	247095667	AHCTF1	ENSG00000153207	-411	0.24	0.23	1	0.0023	NA
chr1	248100325	248100726	OR2L13	ENSG00000196071	32	0.25	0.24	1	0.0078	NA
chr1	327790	328229	RP4-669L17.4	ENSG00000224813	-1775	NA	1	NA	NA	NA
chr1	981068	981400	AGRN	ENSG00000188157	455	0.77	NA	NA	NA	NA
chr1	1026377	1026625	C1orf159	ENSG00000131591	956	1	NA	NA	NA	NA
chr1	1691767	1692063	NADK	ENSG00000008130	-1834	0.88	NA	NA	NA	NA
chr1	2938633	2939043	ACTRT2	ENSG00000169717	587	0.86	NA	NA	NA	NA
chr1	6268820	6269588	RNF207	ENSG00000158286	284	0.2	NA	NA	NA	NA
chr1	11795975	11796263	AGTRAP	ENSG00000177674	-22	0.38	NA	NA	NA	NA
chr1	17734435	17734645	RCC2	ENSG00000179051	1002	1	NA	NA	NA	NA
chr1	22351917	22352194	RP1-224A6.4	ENSG00000218510	51	0.62	NA	NA	NA	NA
chr1	23945941	23946295	AL451000.1	ENSG00000247296	-161	0.19	NA	NA	NA	NA
chr1	24285785	24286701	PNRC2	ENSG00000189266	-59	NA	1	NA	NA	NA
chr1	25593277	25593678	C1orf63	ENSG00000117616	850	1	NA	NA	NA	NA
chr1	25593957	25594487	C1orf63	ENSG00000117616	105	0.18	NA	NA	NA	NA
chr1	31190972	31191221	RP5-1166H10.2	ENSG00000186056	156	NA	1	NA	NA	NA
chr1	32713918	32714186	FAM167B	ENSG00000183615	1218	NA	0.5	NA	NA	NA
chr1	35227028	35227276	GJB4	ENSG00000189433	1810	1	NA	NA	NA	NA
chr1	36689759	36690087	THRAP3	ENSG00000054118	-94	NA	0.83	NA	NA	NA
chr1	40781679	40781956	COL9A2	ENSG00000049089	-110	0.22	NA	NA	NA	NA
chr1	43204115	43204323	CLDN19	ENSG00000164007	1592	1	NA	NA	NA	NA
chr1	54821990	54822333	SSBP3	ENSG00000157216	330	0.19	NA	NA	NA	NA
chr1	54872673	54873000	SSBP3	ENSG00000157216	-744	NA	0.31	NA	NA	NA
chr1	62119874	62120093	RP11-430G17.1	ENSG00000223920	162	1	NA	NA	NA	NA
chr1	65533592	65533965	RP4-535B20.1	ENSG00000231485	-358	0.27	NA	NA	NA	NA
chr1	78277366	78277607	RP11-181C21.4	ENSG00000219201	-20	NA	0.46	NA	NA	NA
chr1	78444303	78444605	FUBP1	ENSG00000162613	291	NA	0.21	NA	NA	NA
chr1	101360588	101360832	EXTL2	ENSG00000162694	-323	NA	0.33	NA	NA	NA
chr1	108815330	108815872	RP11-483I13.4	ENSG00000188740	36	NA	1	NA	NA	NA
chr1	108963749	108964291	RP11-242D10.2	ENSG00000238118	-103	NA	1	NA	NA	NA

chr1	109656095	109656611	KIAA1324	ENSG00000116299	52	1	NA	NA	NA	NA
chr1	110230238	110230614	GSTM1	ENSG00000134184	-10	NA	0.54	NA	NA	NA
chr1	110880394	110880624	RBM15	ENSG00000162775	-619	0.26	NA	NA	NA	NA
chr1	111889138	111889539	C1orf88	ENSG00000173947	116	0.42	NA	NA	NA	NA
chr1	113497986	113498206	SLC16A1	ENSG00000155380	520	1	NA	NA	NA	NA
chr1	118727816	118728097	SPAG17	ENSG00000155761	-110	0.33	NA	NA	NA	NA
chr1	120254844	120255499	PHGDH	ENSG00000092621	585	1	NA	NA	NA	NA
chr1	120395809	120396075	RP5-1042I8.3	ENSG00000227205	3	NA	1	NA	NA	NA
chr1	144481122	144481711	AL592284.1	ENSG00000236943	93	0.64	NA	NA	NA	NA
chr1	145611270	145611519	RNF115	ENSG00000121848	99	NA	0.12	NA	NA	NA
chr1	146550290	146551260	U1	ENSG00000201142	-520	0.22	NA	NA	NA	NA
chr1	147486967	147487310	U1	ENSG00000206791	-323	1	NA	NA	NA	NA
chr1	147752859	147753165	RP11-495P10.6	ENSG00000234283	-157	0.33	NA	NA	NA	NA
chr1	147930918	147932478	RP11-495P10.2	ENSG00000215863	183	0.56	NA	NA	NA	NA
chr1	148247245	148248092	RP11-89F3.2	ENSG00000236140	436	0.21	NA	NA	NA	NA
chr1	148598409	148599257	RP11-666A1.3	ENSG00000226675	143	0.46	NA	NA	NA	NA
chr1	149575948	149577505	RP11-277L2.2	ENSG00000232151	565	1	NA	NA	NA	NA
chr1	149832164	149833251	HIST2H4B	ENSG00000182217	-3	NA	1	NA	NA	NA
chr1	150266476	150266689	MRPS21	ENSG00000187145	242	0.39	NA	NA	NA	NA
chr1	150534075	150534301	C1orf138	ENSG00000203804	-219	0.3	NA	NA	NA	NA
chr1	150898619	150898839	SETDB1	ENSG00000143379	-10	0.27	NA	NA	NA	NA
chr1	151300522	151300724	PI4KB	ENSG00000143393	-432	1	NA	NA	NA	NA
chr1	154946237	154946498	SHC1	ENSG00000160691	445	0.4	NA	NA	NA	NA
chr1	155197116	155197534	GBAP1	ENSG00000160766	-112	0.33	NA	NA	NA	NA
chr1	156308173	156308442	CCT3	ENSG00000163468	-51	0.26	NA	NA	NA	NA
chr1	167789396	167789647	RP1-313L4.4	ENSG00000250762	-35	NA	0.67	NA	NA	NA
chr1	180991227	180991465	STX6	ENSG00000135823	659	0.5	NA	NA	NA	NA
chr1	182573375	182573760	RGS16	ENSG00000143333	-24	1	NA	NA	NA	NA
chr1	185703458	185703662	HMCN1	ENSG00000143341	-123	0.2	NA	NA	NA	NA
chr1	203830507	203830901	SNRPE	ENSG00000182004	-27	0.26	NA	NA	NA	NA

chr1	205561089	205561473	MFSD4	ENSG00000174514	116	1	NA	NA	NA	NA
chr1	222790947	222791220	MIA3	ENSG00000154305	-345	0.29	NA	NA	NA	NA
chr1	227682216	227682938	RP11-275O4.1	ENSG00000237469	266	NA	1	NA	NA	NA
chr1	227693787	227694509	RP11-275O4.2	ENSG00000235827	265	1	NA	NA	NA	NA
chr1	227916425	227916736	SNAP47	ENSG00000143740	172	0.24	NA	NA	NA	NA
chr1	228612580	228613103	HIST3H3	ENSG00000168148	185	1	NA	NA	NA	NA
chr1	230778077	230778593	COG2	ENSG00000135775	100	0.22	NA	NA	NA	NA
chr1	243264940	243265196	RP11-261C10.3	ENSG00000214837	-48	0.5	NA	NA	NA	NA
chr10	135123238	135123448	ZNF511	ENSG00000198546	399	0.96	0.52	1.70E-09	0.45	NA
chr10	49674243	49674776	ARHGAP22	ENSG00000128805	230	0.42	0.17	2.20E-09	0.24	NA
chr10	101874821	101875139	RP11-316M21.8	ENSG00000232230	0	0.97	0.37	3.70E-09	0.6	NA
chr10	8100384	8100768	GATA3	ENSG00000107485	214	0.96	0.62	6.20E-09	0.35	NA
chr10	99531025	99531968	SFRP5	ENSG00000120057	213	0.48	0.14	9.40E-09	0.34	NA
chr10	3823789	3824017	KLF6	ENSG00000067082	340	0.98	0.68	1.10E-08	0.3	NA
chr10	82295501	82296192	RP11-137H2.4	ENSG00000226659	-148	0.91	0.65	1.20E-08	0.26	NA
chr10	118895963	118898037	VAX1	ENSG00000148704	567	0.57	0.37	3.90E-08	0.2	NA
chr10	44101813	44102366	ZNF485	ENSG00000198298	234	0.42	0.15	6.20E-08	0.26	NA
chr10	1404659	1406219	RP11-398B16.2	ENSG00000233052	-1607	0.97	0.87	6.50E-08	0.1	NA
chr10	27529218	27530102	ACBD5	ENSG00000107897	-173	0.32	0.14	1.30E-07	0.18	NA
chr10	101989127	101989533	CHUK	ENSG00000213341	46	0.35	0.11	1.30E-07	0.24	NA
chr10	134209367	134211056	PWWP2B	ENSG00000171813	-461	0.36	0.21	1.40E-07	0.15	NA
chr10	99078811	99081048	FRAT1	ENSG00000165879	907	0.31	0.17	1.50E-07	0.14	NA
chr10	125751132	125751984	RP11-47G11.3	ENSG00000213438	132	0.54	0.27	2.30E-07	0.28	NA
chr10	25305318	25306024	THNSL1	ENSG00000185875	84	0.59	0.16	2.60E-07	0.43	NA
chr10	133998912	134001500	RP11-140A10.3	ENSG00000235010	-740	0.4	0.27	2.60E-07	0.13	NA
chr10	15412419	15413040	FAM171A1	ENSG00000148468	329	0.44	0.22	3.20E-07	0.23	NA
chr10	105420685	105421076	SH3PXD2A	ENSG00000107957	582	0.75	0.41	6.90E-07	0.34	NA
chr10	106399567	106402812	SORCS3	ENSG00000156395	330	0.29	0.18	7.80E-07	0.11	NA
chr10	127407627	127408566	RP11-383C5.5	ENSG00000234134	-162	0.22	0.43	7.90E-07	-0.21	NA
chr10	27702368	27703378	PTCHD3	ENSG00000182077	424	0.76	0.52	1.10E-06	0.24	NA

chr10	102503913	102506146	PAX2	ENSG00000075891	-439	0.3	0.18	1.10E-06	0.12	NA
chr10	22634000	22634862	SPAG6	ENSG00000077327	32	0.33	0.21	1.50E-06	0.12	NA
chr10	103588913	103589254	KCNIP2	ENSG00000120049	221	0.86	0.53	1.70E-06	0.33	NA
chr10	70091055	70092573	HNRNPH3	ENSG00000096746	336	0.6	0.17	2.10E-06	0.43	NA
chr10	104401821	104404968	TRIM8	ENSG00000171206	-858	0.33	0.21	2.10E-06	0.12	NA
chr10	118500868	118502706	HSPA12A	ENSG00000165868	298	0.29	0.15	2.60E-06	0.14	NA
chr10	132893428	132893688	RP11-462G8.3	ENSG00000230098	77	0.22	0.84	3.00E-06	-0.62	NA
chr10	120353692	120355821	PRLHR	ENSG00000119973	0	0.31	0.18	4.40E-06	0.13	NA
chr10	104000254	104001741	PITX3	ENSG00000107859	234	0.38	0.21	5.70E-06	0.16	NA
chr10	116391466	116391827	ABLIM1	ENSG00000099204	96	0.65	0.19	6.10E-06	0.46	NA
chr10	94452200	94452428	HHEX	ENSG00000152804	702	0.57	0.27	6.40E-06	0.3	NA
chr10	102766321	102766693	RP11-108L7.7	ENSG00000224915	1005	0.8	0.24	8.90E-06	0.57	NA
chr10	122216259	122217377	PPAPDC1A	ENSG00000203805	352	0.36	0.17	9.10E-06	0.19	NA
chr10	72575513	72576302	SGPL1	ENSG00000166224	190	0.36	0.13	9.40E-06	0.23	NA
chr10	73846806	73848233	SPOCK2	ENSG00000107742	567	0.46	0.27	9.60E-06	0.19	NA
chr10	12171225	12172038	SEC61A2	ENSG00000065665	-5	0.36	0.14	1.00E-05	0.22	NA
chr10	134597357	134602649	RP11-288G11.3	ENSG00000234531	-1734	0.33	0.27	1.20E-05	0.061	NA
chr10	135270783	135271061	RP11-108K14.4	ENSG00000214279	965	0.72	0.99	1.20E-05	-0.27	NA
chr10	75633600	75634796	CAMK2G	ENSG00000148660	21	0.26	0.13	1.40E-05	0.13	NA
chr10	101290625	101291178	RP11-129J12.2	ENSG00000257582	33	0.53	0.24	1.40E-05	0.29	NA
chr10	102790820	102791049	PDZD7	ENSG00000186862	-72	0.41	0.15	1.60E-05	0.26	NA
chr10	102893660	102895059	TLX1	ENSG00000107807	288	0.37	0.16	1.80E-05	0.21	NA
chr10	26504383	26507434	GAD2	ENSG00000136750	672	0.35	0.21	2.30E-05	0.14	NA
chr10	50822350	50822666	CHAT	ENSG00000070748	28	0.24	0.54	2.50E-05	-0.3	NA
chr10	128076155	128077482	ADAM12	ENSG00000148848	206	0.37	0.23	3.10E-05	0.14	NA
chr10	102789777	102789994	PDZD7	ENSG00000186862	2	0.95	0.48	3.60E-05	0.47	NA
chr10	135383225	135383518	SPRNP1	ENSG00000230786	91	0.81	0.47	4.30E-05	0.34	NA
chr10	94526	95301	RP11-631M21.2	ENSG00000173876	296	0.99	0.76	4.90E-05	0.23	NA
chr10	74033167	74034698	DDIT4	ENSG00000168209	254	0.31	0.17	5.70E-05	0.15	NA
chr10	35625049	35626540	CCNY	ENSG00000108100	339	0.24	0.15	6.10E-05	0.094	NA

chr10	13043094	13043781	CCDC3	ENSG00000151468	260	0.45	0.25	6.60E-05	0.21	NA
chr10	32635217	32636655	RP11-135A24.4	ENSG00000233825	509	0.34	0.22	7.20E-05	0.12	NA
chr10	44879714	44882391	CXCL12	ENSG00000107562	-561	0.38	0.25	7.40E-05	0.13	NA
chr10	124905634	124906161	HMX2	ENSG00000188816	-1741	0.41	0.19	7.80E-05	0.21	NA
chr10	93557970	93558699	RP11-251A15.4	ENSG00000228701	-286	0.31	0.17	7.90E-05	0.13	NA
chr10	83633820	83635729	NRG3	ENSG00000185737	-32	0.27	0.16	8.70E-05	0.11	NA
chr10	43724528	43725613	RASGEF1A	ENSG00000198915	117	0.35	0.21	1.00E-04	0.14	NA
chr10	28030182	28035211	MKX	ENSG00000150051	-406	0.28	0.21	0.00015	0.075	NA
chr10	124739792	124740292	PSTK	ENSG00000179988	112	0.28	0.14	0.00019	0.14	NA
chr10	112402953	112404328	RBM20	ENSG00000203867	-515	0.29	0.16	0.00021	0.13	NA
chr10	35103124	35105243	PARD3	ENSG00000148498	66	0.32	0.22	0.00025	0.1	NA
chr10	125851151	125853233	CHST15	ENSG00000182022	-262	0.32	0.22	0.00025	0.1	NA
chr10	135278716	135279116	RP11-108K14.4	ENSG00000214279	1180	0.4	0.63	0.00025	-0.23	NA
chr10	120938028	120938418	PRDX3	ENSG00000165672	122	0.41	0.18	0.00027	0.23	NA
chr10	105211950	105212306	CALHM2	ENSG00000138172	-84	0.9	0.52	3.00E-04	0.38	NA
chr10	129705217	129706237	PTPRE	ENSG00000132334	402	0.28	0.18	0.00031	0.097	NA
chr10	135020618	135020932	KNDC1	ENSG00000171798	9	0.79	0.95	0.00032	-0.16	NA
chr10	81892222	81892640	PLAC9	ENSG00000189129	84	0.32	0.16	0.00033	0.16	NA
chr10	82116202	82117120	DYDC1	ENSG00000170788	-191	0.2	0.43	0.00034	-0.23	NA
chr10	73723711	73724770	CHST3	ENSG00000122863	117	0.37	0.23	0.00035	0.13	NA
chr10	103329852	103330311	DPCD	ENSG00000166171	-236	0.46	0.15	0.00039	0.31	NA
chr10	126847224	126851327	CTBP2	ENSG00000175029	-1990	0.38	0.28	0.00039	0.095	NA
chr10	94448693	94450479	HHEX	ENSG00000152804	-126	0.28	0.2	0.00041	0.084	NA
chr10	101379708	101381445	SLC25A28	ENSG00000155287	-672	0.29	0.16	0.00041	0.13	NA
chr10	43571939	43573434	RET	ENSG00000165731	211	0.22	0.14	0.00046	0.085	NA
chr10	60935827	60937049	PHYHIP1L	ENSG00000165443	88	0.33	0.16	0.00048	0.17	NA
chr10	31607227	31610094	ZEB1	ENSG00000148516	913	0.26	0.19	5.00E-04	0.071	NA
chr10	72977123	72977774	RP11-790G19.2	ENSG00000237512	134	0.45	0.15	0.00051	0.3	NA
chr10	101418868	101419589	ENTPD7	ENSG00000198018	-35	0.34	0.18	0.00051	0.16	NA
chr10	135121991	135122669	TUBGCP2	ENSG00000130640	22	0.29	0.16	0.00055	0.13	NA

chr10	119133803	119135632	PDZD8	ENSG00000165650	-725	0.28	0.2	0.00062	0.085	NA
chr10	104952242	104953232	NT5C2	ENSG00000076685	292	0.29	0.15	0.00063	0.14	NA
chr10	62492785	62493376	ANK3	ENSG00000151150	2	0.43	0.2	0.00068	0.23	NA
chr10	123686972	123688109	ATE1	ENSG00000107669	-124	0.31	0.2	0.00073	0.11	NA
chr10	99609425	99610116	RP11-459F3.3	ENSG00000227356	-235	0.38	0.2	0.00074	0.18	NA
chr10	94050423	94051412	CPEB3	ENSG00000107864	-73	0.3	0.14	0.00082	0.15	NA
chr10	99093406	99094955	RP11-452K12.4	ENSG00000225850	-141	0.29	0.17	0.00085	0.12	NA
chr10	135138682	135139717	CALY	ENSG00000130643	480	0.37	0.19	0.00091	0.18	NA
chr10	96305116	96305893	HELLS	ENSG00000119969	-43	0.39	0.16	0.001	0.23	NA
chr10	43047584	43048472	ZNF37BP	ENSG00000234420	214	0.34	0.15	0.0011	0.19	NA
chr10	94820026	94823252	RP11-348J12.2	ENSG00000226425	-1456	0.72	0.64	0.0011	0.081	NA
chr10	99185778	99186294	AL355490.1	ENSG00000224474	-205	0.31	0.14	0.0011	0.16	NA
chr10	120839592	120840480	EIF3A	ENSG00000107581	-5	0.32	0.19	0.0011	0.13	NA
chr10	134350302	134351119	INPP5A	ENSG00000068383	-614	0.34	0.15	0.0012	0.19	NA
chr10	48964083	48964976	RP11-508M1.9	ENSG00000213686	1348	0.98	0.78	0.0013	0.2	NA
chr10	121301478	121303169	RGS10	ENSG00000148908	-103	0.28	0.19	0.0014	0.087	NA
chr10	126106818	126107862	OAT	ENSG00000065154	165	0.24	0.15	0.0014	0.094	NA
chr10	94608037	94609039	EXOC6	ENSG00000138190	296	0.34	0.2	0.0015	0.14	NA
chr10	118429430	118429853	C10orf82	ENSG00000165863	-171	0.59	0.3	0.0015	0.29	NA
chr10	6242975	6246457	RP11-414H17.5	ENSG00000213994	-60	0.28	0.21	0.0016	0.068	NA
chr10	76969992	76971002	VDAC2	ENSG00000165637	94	0.3	0.16	0.0016	0.14	NA
chr10	102899177	102899489	RP11-31L23.3	ENSG00000226740	135	0.8	0.38	0.0016	0.41	NA
chr10	119494493	119494991	RP11-328K15.1	ENSG00000234952	-82	0.44	0.26	0.0016	0.18	NA
chr10	101491680	101492232	COX15	ENSG00000014919	-99	0.31	0.15	0.0017	0.15	NA
chr10	105036628	105038084	AL360001.1	ENSG00000244967	-605	0.32	0.19	0.0017	0.12	NA
chr10	121631654	121633104	MCMBP	ENSG00000197771	-113	0.3	0.19	0.0017	0.11	NA
chr10	64564435	64565818	ADO	ENSG00000181915	610	0.24	0.15	0.0018	0.091	NA
chr10	75545264	75546124	KIAA0913	ENSG00000214655	311	0.25	0.15	0.0019	0.093	NA
chr10	88122924	88127364	GRID1	ENSG00000182771	1091	0.24	0.3	0.002	-0.06	NA
chr10	13203436	13203790	MCM10	ENSG00000065328	59	0.34	0.19	0.0023	0.15	NA

chr10	72141560	72142637	LRRC20	ENSG00000172731	-428	0.36	0.17	0.0023	0.18	NA
chr10	126150243	126150740	LHPP	ENSG00000107902	88	0.2	0.11	0.0026	0.087	NA
chr10	131934520	131935324	GLRX3	ENSG00000108010	259	0.27	0.16	0.0027	0.12	NA
chr10	80827070	80830537	RP11-202P11.1	ENSG00000224596	-1578	0.27	0.2	0.0028	0.068	NA
chr10	25011963	25013816	ARHGAP21	ENSG00000107863	-720	0.26	0.16	0.003	0.1	NA
chr10	23002155	23003790	PIP4K2A	ENSG00000150867	65	0.22	0.14	0.0031	0.076	NA
chr10	50323184	50323735	C10orf72	ENSG00000165633	95	0.31	0.18	0.0032	0.13	NA
chr10	79396095	79398495	KCNMA1	ENSG00000156113	-90	0.29	0.21	0.0032	0.086	NA
chr10	88391746	88392242	RPL7AP8	ENSG00000230507	-609	0.43	0.23	0.0032	0.2	NA
chr10	60094731	60095306	UBE2D1	ENSG00000072401	283	0.26	0.14	0.0033	0.12	NA
chr10	97802871	97804262	CCNJ	ENSG00000107443	415	0.25	0.17	0.0033	0.084	NA
chr10	75570928	75571809	NDST2	ENSG00000166507	-26	0.38	0.22	0.0035	0.16	NA
chr10	77054582	77054929	RP11-399K21.6	ENSG00000226051	-1386	0.39	0.16	0.0038	0.23	NA
chr10	135191594	135193307	PAOX	ENSG00000148832	-245	0.28	0.18	0.0039	0.095	NA
chr10	70939896	70940304	SUPV3L1	ENSG00000156502	112	0.15	0.29	0.004	-0.15	NA
chr10	90750293	90751108	FAS	ENSG00000026103	286	0.28	0.16	0.004	0.12	NA
chr10	6018944	6020073	IL15RA	ENSG00000134470	-331	0.23	0.16	0.0041	0.075	NA
chr10	104677315	104679312	CNNM2	ENSG00000148842	242	0.27	0.2	0.0041	0.071	NA
chr10	44788811	44789120	RP11-20J15.3	ENSG00000229116	192	1	0.78	0.0044	0.22	NA
chr10	75489947	75490554	RP11-464F9.1	ENSG00000242288	-26	0.25	0.13	0.0045	0.12	NA
chr10	52382472	52385155	SGMS1	ENSG00000198964	-70	0.25	0.17	0.0046	0.076	NA
chr10	126431314	126433285	FAM53B	ENSG00000189319	-760	0.27	0.19	0.0047	0.075	NA
chr10	73156164	73157954	CDH23	ENSG00000107736	368	0.27	0.2	0.0048	0.074	NA
chr10	15138965	15139851	RPP38	ENSG00000152464	229	0.27	0.17	0.0049	0.1	NA
chr10	135018677	135019084	KNDC1	ENSG00000171798	-1886	0.71	0.89	0.0053	-0.18	NA
chr10	75012126	75012531	MRPS16	ENSG00000182180	-166	0.23	0.11	0.0056	0.12	NA
chr10	101824961	101825186	CPN1	ENSG00000120054	78	0.73	0.17	0.0056	0.56	NA
chr10	72163717	72164573	EIF4EBP2	ENSG00000148730	10	0.24	0.16	0.0057	0.086	NA
chr10	105726687	105727255	SLK	ENSG00000065613	12	0.32	0.09	0.0059	0.23	NA
chr10	21805879	21806630	C10orf140	ENSG00000180592	594	0.23	0.14	0.0061	0.082	NA

chr10	69834413	69835233	HERC4	ENSG00000148634	-209	0.27	0.17	0.0061	0.096	NA
chr10	100028204	100028508	LOXL4	ENSG00000138131	-349	0.57	0.21	0.0061	0.37	NA
chr10	106097595	106098556	ITPRIP	ENSG00000148841	87	0.35	0.23	0.0061	0.12	NA
chr10	14879769	14881041	CDNF	ENSG00000185267	-484	0.32	0.24	0.0065	0.086	NA
chr10	88515426	88517217	BMPR1A	ENSG00000107779	-75	0.26	0.2	0.007	0.069	NA
chr10	48438411	48439320	GDF10	ENSG00000107623	111	0.33	0.21	0.0071	0.12	NA
chr10	104153729	104155557	NFKB2	ENSG00000077150	414	0.26	0.19	0.0071	0.073	NA
chr10	28287447	28288057	ARMC4	ENSG00000169126	225	0.25	0.14	0.0073	0.11	NA
chr10	91404237	91405048	PANK1	ENSG00000152782	330	0.33	0.15	0.0073	0.19	NA
chr10	88022640	88023279	MIR346	ENSG00000199104	1586	0.27	0.67	0.0075	-0.39	NA
chr10	26986142	26987088	PDSS1	ENSG00000148459	27	0.28	0.2	0.008	0.081	NA
chr10	31892189	31892752	RP11-472N13.2	ENSG00000223834	-1058	0.35	0.2	0.008	0.15	NA
chr10	30722378	30723707	MAP3K8	ENSG00000107968	176	0.24	0.16	0.0082	0.081	NA
chr10	70166206	70167342	RUFY2	ENSG00000204130	-67	0.3	0.19	0.0083	0.11	NA
chr10	75936217	75936726	ADK	ENSG00000156110	27	0.1	1	0.0083	-0.9	NA
chr10	104614000	104614326	C10orf32	ENSG00000166275	144	0.17	0.42	0.0086	-0.25	NA
chr10	977260	978072	LARP4B	ENSG00000107929	-250	0.3	0.19	0.0087	0.11	NA
chr10	114712115	114712544	RP11-57H14.2	ENSG00000233547	-695	0.41	0.24	0.0089	0.17	NA
chr10	54170771	54170978	PRKRIRP3	ENSG00000227972	-21	0.94	0.65	0.0091	0.29	NA
chr10	27793049	27793764	RAB18	ENSG00000099246	209	0.21	0.11	0.0092	0.1	NA
chr10	42971195	42971834	RP11-178A10.1	ENSG00000185904	438	0.32	0.2	0.0092	0.12	NA
chr10	42972752	42972953	RP11-178A10.1	ENSG00000185904	1776	0.49	0.8	0.0094	-0.31	NA
chr10	134120447	134122422	STK32C	ENSG00000165752	-716	0.26	0.2	0.0098	0.066	NA
chr10	135450883	135451867	XX-2136C111.2	ENSG00000213543	21	0.75	0.53	0.011	0.22	NA
chr10	6186520	6187855	PFKFB3	ENSG00000170525	306	0.26	0.18	0.012	0.086	NA
chr10	65280870	65282030	REEP3	ENSG00000165476	327	0.22	0.37	0.012	-0.15	NA
chr10	90967555	90967900	CH25H	ENSG00000138135	-656	0.35	0.19	0.012	0.16	NA
chr10	38265075	38265723	ZNF25	ENSG00000175395	121	0.27	0.18	0.013	0.089	NA
chr10	118927021	118928132	RP11-501J20.2	ENSG00000234474	990	0.25	0.17	0.013	0.085	NA
chr10	12390802	12392589	CAMK1D	ENSG00000183049	214	0.25	0.19	0.014	0.059	NA

chr10	64574660	64578778	EGR2	ENSG00000122877	-604	0.23	0.18	0.014	0.048	NA
chr10	97453478	97454013	TCTN3	ENSG00000119977	-150	0.32	0.15	0.014	0.17	NA
chr10	113943283	113943657	GPAM	ENSG00000119927	-2	0.42	0.24	0.014	0.19	NA
chr10	5454431	5454779	NET1	ENSG00000173848	91	0.28	0.16	0.015	0.12	NA
chr10	13698562	13699540	FRMD4A	ENSG00000151474	-268	0.98	0.91	0.015	0.078	NA
chr10	65224870	65225887	JMJD1C	ENSG00000171988	263	0.23	0.16	0.015	0.071	NA
chr10	71331926	71333392	NEUROG3	ENSG00000122859	335	0.25	0.18	0.015	0.068	NA
chr10	75910836	75911480	ADK	ENSG00000156110	198	0.3	0.13	0.015	0.17	NA
chr10	43891546	43892917	HNRNPF	ENSG00000169813	34	0.3	0.2	0.016	0.098	NA
chr10	74855858	74856985	P4HA1	ENSG00000122884	187	0.23	0.14	0.016	0.094	NA
chr10	81585357	81586971	RP11-773D16.1	ENSG00000225484	-626	0.31	0.53	0.016	-0.22	NA
chr10	86088395	86088791	FAM190B	ENSG00000107771	174	0.45	0.2	0.016	0.24	NA
chr10	118764228	118765146	KIAA1598	ENSG00000187164	189	0.27	0.18	0.016	0.084	NA
chr10	135043221	135044560	UTF1	ENSG00000171794	112	0.29	0.21	0.016	0.079	NA
chr10	11059442	11060524	CELF2	ENSG00000048740	90	0.25	0.18	0.017	0.07	NA
chr10	4868125	4868949	AKR1E2	ENSG00000165568	168	0.31	0.19	0.018	0.13	NA
chr10	5930914	5932389	ANKRD16	ENSG00000134461	-330	0.28	0.21	0.018	0.07	NA
chr10	6130786	6131774	RBM17	ENSG00000134453	331	0.3	0.19	0.018	0.12	NA
chr10	104159096	104159536	NFKB2	ENSG00000077150	-1019	0.25	0.13	0.018	0.12	NA
chr10	20104451	20106105	PLXDC2	ENSG00000120594	110	0.23	0.15	0.019	0.075	NA
chr10	104263676	104264155	SUFU	ENSG00000107882	171	0.27	0.55	0.019	-0.28	NA
chr10	127511329	127512197	UROS	ENSG00000188690	-105	0.24	0.14	0.019	0.095	NA
chr10	23480697	23482455	PTF1A	ENSG00000168267	320	0.29	0.22	0.02	0.078	NA
chr10	92980347	92980832	PCGF5	ENSG00000180628	49	0.24	0.13	0.02	0.11	NA
chr10	103892659	103893590	PPRC1	ENSG00000148840	337	0.24	0.15	0.02	0.092	NA
chr10	71812318	71813693	H2AFY2	ENSG00000099284	453	0.33	0.25	0.021	0.079	NA
chr10	115803358	115805468	ADRB1	ENSG00000043591	607	0.34	0.25	0.021	0.088	NA
chr10	133058338	133058609	TCERG1L	ENSG00000176769	126	0.99	0.89	0.021	0.097	NA
chr10	135089969	135090491	ADAM8	ENSG00000151651	130	0.36	0.23	0.021	0.13	NA
chr10	26222921	26224022	MYO3A	ENSG00000095777	275	0.25	0.18	0.022	0.068	NA

chr10	134504420	134505591	INPP5A	ENSG00000068383	1109	0.98	0.92	0.022	0.063	NA
chr10	79793494	79793952	RPS24	ENSG00000138326	205	0.22	0.42	0.024	-0.21	NA
chr10	99400263	99400982	PI4K2A	ENSG00000155252	179	0.23	0.13	0.024	0.11	NA
chr10	126605120	126606212	RP11-298J20.4	ENSG00000249456	-46	0.21	0.14	0.024	0.072	NA
chr10	111985563	111986204	MXI1	ENSG00000119950	132	0.22	0.14	0.026	0.083	NA
chr10	124913631	124914726	BUB3	ENSG00000154473	385	0.25	0.34	0.026	-0.094	NA
chr10	54073989	54074827	DKK1	ENSG00000107984	352	0.42	0.27	0.027	0.16	NA
chr10	17270430	17272617	VIM	ENSG00000026025	1009	0.26	0.2	0.028	0.068	NA
chr10	98945062	98946239	SLIT1	ENSG00000187122	-270	0.33	0.45	0.028	-0.12	NA
chr10	45938626	45939679	ALOX5	ENSG00000012779	462	1	0.97	0.029	0.026	NA
chr10	1102144	1103341	WDR37	ENSG00000047056	398	0.28	0.18	0.03	0.093	NA
chr10	75173411	75173950	ANXA7	ENSG00000138279	136	0.29	0.18	0.03	0.11	NA
chr10	27541297	27541883	RP11-85G18.4	ENSG00000230445	-868	0.65	0.47	0.031	0.18	NA
chr10	43902580	43904792	HNRNPF	ENSG00000169813	-419	0.23	0.18	0.032	0.047	NA
chr10	98479725	98480487	PIK3AP1	ENSG00000155629	165	0.11	0.28	0.032	-0.17	NA
chr10	123922850	123923542	TACC2	ENSG00000138162	255	0.38	0.24	0.032	0.14	NA
chr10	129534410	129537366	AL391005.1	ENSG00000188722	-919	0.23	0.18	0.032	0.05	NA
chr10	104473399	104474711	ARL3	ENSG00000138175	109	0.23	0.42	0.035	-0.19	NA
chr10	116163391	116164599	AFAP1L2	ENSG00000169129	244	0.27	0.2	0.035	0.071	NA
chr10	135186693	135187181	ECHS1	ENSG00000127884	256	0.3	0.16	0.035	0.15	NA
chr10	22614275	22614934	BMI1	ENSG00000168283	29	0.44	0.26	0.036	0.19	NA
chr10	32217353	32218392	ARHGAP12	ENSG00000165322	-144	0.24	0.17	0.036	0.075	NA
chr10	104168558	104169153	PSD	ENSG00000059915	192	0.29	0.11	0.037	0.18	NA
chr10	38893386	38894333	ABCD1P2	ENSG00000215151	-690	0.83	0.73	0.038	0.094	NA
chr10	103535636	103536505	FGF8	ENSG00000107831	-413	0.34	0.25	0.038	0.085	NA
chr10	85954199	85955303	CDHR1	ENSG00000148600	341	0.31	0.17	0.039	0.14	NA
chr10	89264370	89265371	MINPP1	ENSG00000107789	238	0.23	0.17	0.039	0.064	NA
chr10	93683430	93683839	BTAF1	ENSG00000095564	-188	0.2	0.12	0.04	0.078	NA
chr10	99789614	99791320	CRTAC1	ENSG00000095713	118	0.19	0.24	0.04	-0.056	NA
chr10	44143856	44144698	ZNF32	ENSG00000169740	-132	0.33	0.2	0.041	0.13	NA

chr10	17658665	17659639	PTPLA	ENSG00000165996	82	0.27	0.18	0.042	0.094	NA
chr10	81964681	81965558	ANXA11	ENSG00000122359	154	0.32	0.22	0.042	0.098	NA
chr10	15761423	15762101	ITGA8	ENSG00000077943	8	0.27	0.19	0.043	0.078	NA
chr10	32216901	32217102	ARHGAP12	ENSG00000165322	727	0.18	0.48	0.047	-0.3	NA
chr10	47254936	47256041	RP11-144G6.9	ENSG00000215065	1241	0.88	0.5	0.048	0.38	NA
chr10	96943195	96943737	RP11-310E22.2	ENSG00000225533	56	0.25	0.16	0.049	0.093	NA
chr10	135333722	135334062	CYP2E1	ENSG00000130649	-18	0.42	0.14	0.05	0.27	NA
chr10	134016043	134016344	DPYSL4	ENSG00000151640	-864	0.87	0.95	0.052	-0.075	NA
chr10	734707	735606	DIP2C	ENSG00000151240	450	0.3	0.19	0.053	0.11	NA
chr10	25241110	25241900	PRTFDC1	ENSG00000099256	8	0.19	0.26	0.053	-0.075	NA
chr10	72200065	72201368	NODAL	ENSG00000156574	707	0.25	0.31	0.053	-0.053	NA
chr10	72432242	72432738	ADAMTS14	ENSG00000138316	-69	0.22	0.13	0.054	0.092	NA
chr10	13570128	13570864	RP11-214D15.2	ENSG00000227175	-20	0.23	0.12	0.055	0.1	NA
chr10	134973510	134974311	KNDC1	ENSG00000171798	-41	0.22	0.15	0.056	0.069	NA
chr10	128993505	128995167	FAM196A	ENSG00000188916	86	0.25	0.2	0.057	0.056	NA
chr10	52499392	52500021	ASAH2B	ENSG00000204147	10	0.2	0.14	0.06	0.06	NA
chr10	62761163	62761595	RHOBTB1	ENSG00000072422	-181	0.3	0.18	0.06	0.12	NA
chr10	135378883	135379767	SYCE1	ENSG00000171772	-238	0.76	0.68	0.06	0.079	NA
chr10	89101402	89103018	RP11-322M19.1	ENSG00000223482	-166	0.38	0.15	0.061	0.24	NA
chr10	64133789	64134420	ZNF365	ENSG00000138311	153	0.28	0.18	0.062	0.094	NA
chr10	45868718	45870156	ALOX5	ENSG00000012779	-224	0.26	0.18	0.066	0.076	NA
chr10	76993892	76995953	COMTD1	ENSG00000165644	172	0.24	0.2	0.066	0.045	NA
chr10	102825929	102827693	KAZALD1	ENSG00000107821	755	0.28	0.21	0.066	0.066	NA
chr10	105217966	105218287	CALHM1	ENSG00000185933	519	0.91	0.82	0.066	0.088	NA
chr10	120966127	120967623	GRK5	ENSG00000198873	-226	0.24	0.2	0.067	0.048	NA
chr10	111682775	111683483	XPNPEP1	ENSG00000108039	-272	0.24	0.33	0.068	-0.09	NA
chr10	118885565	118885884	KIAA1598	ENSG00000187164	373	0.92	0.81	0.068	0.11	NA
chr10	82213556	82214760	TSPAN14	ENSG00000108219	236	0.18	0.23	0.07	-0.052	NA
chr10	120863620	120864216	FAM45A	ENSG00000119979	289	0.21	0.14	0.07	0.076	NA
chr10	103454126	103454478	FBXW4	ENSG00000107829	168	0.2	0.12	0.072	0.077	NA

chr10	72043446	72043886	NPFFR1	ENSG00000148734	-226	0.23	0.15	0.074	0.078	NA
chr10	115439007	115440196	CASP7	ENSG00000165806	175	0.2	0.29	0.075	-0.088	NA
chr10	94180315	94180754	AL161652.2	ENSG00000256759	-187	0.38	0.51	0.076	-0.13	NA
chr10	74113815	74114792	DNAJB12	ENSG00000148719	-165	0.28	0.21	0.078	0.07	NA
chr10	102046142	102046632	BLOC1S2	ENSG00000196072	50	0.27	0.18	0.078	0.098	NA
chr10	12084236	12085431	UPF2	ENSG00000151461	0	0.31	0.21	0.08	0.095	NA
chr10	22292300	22292897	DNAJC1	ENSG00000136770	-270	0.27	0.16	0.08	0.1	NA
chr10	14645752	14646705	FAM107B	ENSG00000065809	41	0.29	0.19	0.081	0.097	NA
chr10	74451828	74452597	CCDC109A	ENSG00000156026	323	0.38	0.28	0.081	0.099	NA
chr10	102672367	102673159	FAM178A	ENSG00000119906	43	0.28	0.2	0.082	0.078	NA
chr10	102891010	102891794	TLX1	ENSG00000107807	-83	0.26	0.18	0.083	0.085	NA
chr10	13344235	13344498	PHYH	ENSG00000107537	46	0.27	0.17	0.084	0.1	NA
chr10	7449376	7455339	SFMBT2	ENSG00000198879	-1650	0.25	0.22	0.086	0.033	NA
chr10	38691424	38692162	SEPT7L	ENSG00000120555	-272	0.26	0.18	0.087	0.079	NA
chr10	43632966	43634222	CSGALNACT2	ENSG00000169826	-340	0.23	0.18	0.088	0.054	NA
chr10	95326229	95327108	O3FAR1	ENSG00000186188	246	0.18	0.29	0.088	-0.11	NA
chr10	129923813	129924962	MKI67	ENSG00000148773	-456	0.34	0.24	0.09	0.1	NA
chr10	6621907	6622642	PRKCQ	ENSG00000065675	-73	0.21	0.15	0.091	0.064	NA
chr10	134778683	134779073	RP13-137A17.4	ENSG00000232903	-85	1	0.91	0.091	0.091	NA
chr10	111767087	111768355	ADD3	ENSG00000148700	1	0.27	0.21	0.093	0.064	NA
chr10	134755663	134756852	C10orf93	ENSG00000171811	-210	0.29	0.35	0.094	-0.065	NA
chr10	60027007	60029241	IPMK	ENSG00000151151	-430	0.26	0.21	0.095	0.048	NA
chr10	106014667	106015087	GSTO1	ENSG00000148834	133	0.28	0.21	0.096	0.076	NA
chr10	106074965	106075368	ITPRIP	ENSG00000148841	-1527	1	0.95	0.098	0.052	NA
chr10	71211116	71211780	TSPAN15	ENSG00000099282	219	0.39	0.25	0.099	0.14	NA
chr10	121485063	121485319	INPP5F	ENSG00000198825	-418	0.17	0.33	0.099	-0.16	NA
chr10	49731448	49732638	ARHGAP22	ENSG00000128805	238	0.19	0.15	0.1	0.045	NA
chr10	70480704	70481598	CCAR1	ENSG00000060339	382	0.24	0.32	0.1	-0.08	NA
chr10	91174405	91175166	IFIT5	ENSG00000152778	266	0.27	0.19	0.1	0.077	NA
chr10	99446696	99447400	AVPI1	ENSG00000119986	32	0.25	0.18	0.1	0.067	NA

chr10	1033790	1034615	AL359878.1	ENSG00000205740	79	0.23	0.18	0.11	0.053	NA
chr10	11652834	11653962	AL512631.1	ENSG00000249107	267	0.23	0.17	0.11	0.069	NA
chr10	15130386	15130913	ACBD7	ENSG00000176244	-169	0.29	0.22	0.11	0.074	NA
chr10	16859089	16859975	RSU1	ENSG00000148484	-150	0.32	0.46	0.11	-0.14	NA
chr10	25463756	25465639	GPR158	ENSG00000151025	706	0.26	0.22	0.11	0.038	NA
chr10	33623120	33626197	NRP1	ENSG00000099250	-1348	0.26	0.21	0.11	0.047	NA
chr10	46222416	46223287	FAM21C	ENSG00000172661	203	0.27	0.21	0.11	0.064	NA
chr10	53459251	53459759	CSTF2T	ENSG00000177613	-150	0.28	0.2	0.11	0.079	NA
chr10	63422538	63423105	C10orf107	ENSG00000183346	102	0.25	0.14	0.11	0.11	NA
chr10	97050185	97051124	PDLIM1	ENSG00000107438	115	0.28	0.2	0.11	0.072	NA
chr10	102106182	102107722	SCD	ENSG00000099194	75	0.26	0.21	0.11	0.052	NA
chr10	102792042	102792266	SFXN3	ENSG00000107819	1158	0.37	0.18	0.11	0.19	NA
chr10	106028542	106029047	GSTO2	ENSG00000065621	163	0.32	0.2	0.11	0.12	NA
chr10	106034574	106034803	GSTO2	ENSG00000065621	39	0.31	0.13	0.11	0.17	NA
chr10	135170645	135171954	C10orf125	ENSG00000148803	-58	0.32	0.25	0.11	0.067	NA
chr10	1094337	1095594	IDI1	ENSG00000067064	-628	0.23	0.18	0.12	0.047	NA
chr10	21822850	21824410	MLLT10	ENSG00000078403	536	0.19	0.15	0.12	0.044	NA
chr10	71561302	71562876	COL13A1	ENSG00000197467	445	0.21	0.26	0.12	-0.046	NA
chr10	75757484	75758227	VCL	ENSG00000035403	-17	0.18	0.13	0.12	0.054	NA
chr10	102756834	102759798	LZTS2	ENSG00000107816	1445	0.24	0.2	0.12	0.044	NA
chr10	104180478	104182042	FBXL15	ENSG00000107872	662	0.27	0.22	0.12	0.05	NA
chr10	116697893	116698376	TRUB1	ENSG00000165832	182	0.48	0.2	0.12	0.27	NA
chr10	96162023	96163327	TBC1D12	ENSG00000108239	414	0.2	0.28	0.13	-0.078	NA
chr10	105677555	105678040	OBFC1	ENSG00000107960	91	0.33	0.2	0.13	0.13	NA
chr10	124907283	124911035	HMX2	ENSG00000188816	1521	0.26	0.23	0.13	0.033	NA
chr10	15902079	15902402	FAM188A	ENSG00000148481	257	0.31	0.19	0.14	0.13	NA
chr10	21462128	21463808	NEBL	ENSG00000078114	-201	0.2	0.24	0.14	-0.042	NA
chr10	43697777	43698177	RASGEF1A	ENSG00000198915	153	0.24	0.47	0.14	-0.23	NA
chr10	70660525	70661473	DDX50	ENSG00000107625	-35	0.2	0.27	0.14	-0.071	NA
chr10	103070291	103070504	RP11-107114.2	ENSG00000225208	-378	0.2	0.4	0.14	-0.2	NA

chr10	103990213	103991829	PITX3	ENSG00000107859	819	0.25	0.21	0.14	0.04	NA
chr10	133794406	133794637	BNIP3	ENSG00000176171	906	0.6	0.19	0.14	0.41	NA
chr10	27149166	27150229	ABI1	ENSG00000136754	95	0.31	0.22	0.15	0.084	NA
chr10	38383200	38383962	ZNF37A	ENSG00000075407	317	0.5	1	0.15	-0.5	NA
chr10	47083341	47083633	PPYR1	ENSG00000204174	-47	0.23	0.41	0.15	-0.18	NA
chr10	79789138	79789441	POLR3A	ENSG00000148606	-11	0.15	0.25	0.15	-0.099	NA
chr10	88728039	88728720	C10orf116	ENSG00000148671	190	0.29	0.22	0.15	0.077	NA
chr10	43837787	43838144	U6atac	ENSG00000221468	731	0.93	0.86	0.16	0.075	NA
chr10	120513949	120515108	C10orf46	ENSG00000151893	-539	0.24	0.18	0.16	0.061	NA
chr10	124713268	124714249	C10orf88	ENSG00000119965	69	0.3	0.23	0.16	0.066	NA
chr10	125425495	125426642	GPR26	ENSG00000154478	197	0.22	0.27	0.16	-0.045	NA
chr10	135453951	135454528	AGGF1P2	ENSG00000233435	-1351	0.15	0.28	0.16	-0.13	NA
chr10	28957408	28958116	U6	ENSG00000207483	914	0.29	0.39	0.17	-0.095	NA
chr10	104005139	104005592	GBF1	ENSG00000107862	76	0.23	0.32	0.17	-0.09	NA
chr10	3826853	3828126	KLF6	ENSG00000067082	-114	0.27	0.23	0.18	0.038	NA
chr10	5854706	5855965	GDI2	ENSG00000057608	15	0.29	0.25	0.18	0.041	NA
chr10	15001272	15001840	MEIG1	ENSG00000197889	118	0.19	0.14	0.18	0.057	NA
chr10	73975671	73976115	ASCC1	ENSG00000138303	-199	0.33	0.12	0.18	0.21	NA
chr10	75255033	75255808	RP11-137L10.6	ENSG00000221817	137	0.28	0.23	0.18	0.048	NA
chr10	97320424	97321483	SORBS1	ENSG00000095637	177	0.18	0.22	0.18	-0.045	NA
chr10	119805825	119806544	RAB11FIP2	ENSG00000107560	-70	0.4	0.29	0.18	0.11	NA
chr10	124134088	124134933	PLEKHA1	ENSG00000107679	337	0.21	0.26	0.18	-0.047	NA
chr10	98346049	98347064	TM9SF3	ENSG00000077147	-40	0.26	0.21	0.19	0.049	NA
chr10	69990893	69991523	ATOH7	ENSG00000179774	663	0.22	0.17	0.2	0.05	NA
chr10	71892092	71892802	AIFM2	ENSG00000042286	121	0.25	0.21	0.2	0.041	NA
chr10	71905215	71906675	TYSND1	ENSG00000156521	397	0.26	0.21	0.2	0.046	NA
chr10	72972075	72973895	UNC5B	ENSG00000107731	658	0.21	0.18	0.2	0.033	NA
chr10	94333247	94334467	IDE	ENSG00000119912	-33	0.24	0.19	0.2	0.047	NA
chr10	105110265	105111008	PCGF6	ENSG00000156374	47	0.2	0.14	0.2	0.057	NA
chr10	23727836	23729523	OTUD1	ENSG00000165312	481	0.21	0.17	0.21	0.034	NA

chr10	81743127	81743547	RP11-479O17.7	ENSG00000225100	-341	0.68	0.83	0.21	-0.15	NA
chr10	35415788	35416685	CREM	ENSG00000095794	435	0.22	0.17	0.22	0.049	NA
chr10	134145177	134146025	STK32C	ENSG00000165752	-275	0.33	0.46	0.22	-0.13	NA
chr10	7829588	7830517	KIN	ENSG00000151657	-108	0.35	0.46	0.23	-0.11	NA
chr10	97849568	97850095	RP11-429G19.2	ENSG00000226688	81	0.22	0.17	0.23	0.042	NA
chr10	133794898	133796598	BNIP3	ENSG00000176171	-321	0.23	0.2	0.23	0.031	NA
chr10	43600146	43601165	RET	ENSG00000165731	475	0.23	0.19	0.24	0.039	NA
chr10	45455239	45455474	RASSF4	ENSG00000107551	116	0.5	0.17	0.24	0.33	NA
chr10	81838359	81839078	C10orf57	ENSG00000133678	316	0.23	0.32	0.24	-0.091	NA
chr10	94833272	94835256	CYP26A1	ENSG00000095596	617	0.27	0.22	0.24	0.045	NA
chr10	101945571	101945907	ERLIN1	ENSG00000107566	47	0.2	0.12	0.24	0.082	NA
chr10	30637961	30638279	MTPAP	ENSG00000107951	-30	0.26	0.12	0.25	0.14	NA
chr10	52833539	52834752	PRKG1	ENSG00000185532	211	0.28	0.22	0.25	0.058	NA
chr10	75118205	75118679	TTC18	ENSG00000156042	9	0.19	0.27	0.25	-0.081	NA
chr10	98272207	98273939	TLL2	ENSG00000095587	595	0.26	0.3	0.25	-0.041	NA
chr10	112835990	112839303	ADRA2A	ENSG00000150594	856	0.42	0.39	0.25	0.027	NA
chr10	115614373	115615056	NHLRC2	ENSG00000196865	294	0.19	0.24	0.25	-0.053	NA
chr10	133793426	133793647	BNIP3	ENSG00000176171	1891	0.45	0.36	0.25	0.094	NA
chr10	30347599	30348416	KIAA1462	ENSG00000165757	446	0.18	0.14	0.26	0.042	NA
chr10	76584625	76586746	MYST4	ENSG00000156650	345	0.23	0.19	0.26	0.036	NA
chr10	88730554	88731632	AGAP11	ENSG00000151303	595	0.64	0.58	0.26	0.056	NA
chr10	101287162	101287920	RP11-129J12.2	ENSG00000257582	-341	0.69	0.55	0.26	0.14	NA
chr10	51827416	51828287	RP11-324H6.5	ENSG00000235618	-288	0.18	0.23	0.27	-0.049	NA
chr10	11784407	11784937	ECHDC3	ENSG00000134463	227	0.34	0.29	0.28	0.051	NA
chr10	58121059	58121275	ZWINT	ENSG00000122952	-131	0.14	0.26	0.28	-0.12	NA
chr10	64892879	64893336	NRBF2	ENSG00000148572	57	0.21	0.14	0.28	0.067	NA
chr10	70715938	70716494	DDX21	ENSG00000165732	287	0.22	0.18	0.28	0.042	NA
chr10	71389862	71390355	C10orf35	ENSG00000171224	101	0.29	0.2	0.28	0.088	NA
chr10	73078857	73079181	SLC29A3	ENSG00000198246	4	0.35	0.22	0.28	0.12	NA
chr10	94352667	94353159	KIF11	ENSG00000138160	-130	0.24	0.18	0.28	0.06	NA

chr10	95653641	95654181	TMEM20	ENSG00000176273	181	0.23	0.18	0.28	0.053	NA
chr10	108923780	108924805	SORCS1	ENSG00000108018	-8	0.21	0.17	0.28	0.036	NA
chr10	126135809	126138896	NKX1-2	ENSG00000229544	1198	0.27	0.29	0.28	-0.029	NA
chr10	135148196	135150565	CALY	ENSG00000130643	996	0.25	0.28	0.28	-0.032	NA
chr10	12110700	12111303	DHTKD1	ENSG00000181192	30	0.22	0.18	0.29	0.045	NA
chr10	46167677	46168642	ANUBL1	ENSG00000172671	-437	0.21	0.17	0.29	0.044	NA
chr10	70231396	70231797	DNA2	ENSG00000138346	47	0.21	0.14	0.29	0.072	NA
chr10	70586917	70588209	STOX1	ENSG00000165730	265	0.29	0.23	0.29	0.064	NA
chr10	73610661	73611145	PSAP	ENSG00000197746	103	0.27	0.4	0.29	-0.13	NA
chr10	97667243	97667978	RP11-429G19.2	ENSG00000226688	-78	0.14	0.18	0.29	-0.043	NA
chr10	30024072	30026077	SVIL	ENSG00000197321	-344	0.21	0.18	0.3	0.025	NA
chr10	81205001	81205811	ZCCHC24	ENSG00000165424	-23	0.17	0.23	0.3	-0.061	NA
chr10	91460899	91461615	RP11-80H5.4	ENSG00000235100	-80	0.21	0.38	0.3	-0.17	NA
chr10	118899247	118900329	VAX1	ENSG00000148704	-1976	0.47	0.41	0.3	0.06	NA
chr10	123356616	123358285	FGFR2	ENSG00000066468	136	0.22	0.19	0.3	0.032	NA
chr10	17495407	17496721	ST8SIA6	ENSG00000148488	265	0.21	0.18	0.31	0.029	NA
chr10	103879633	103880628	LDB1	ENSG00000198728	75	0.35	0.27	0.31	0.085	NA
chr10	116581522	116582434	FAM160B1	ENSG00000151553	449	0.19	0.23	0.31	-0.038	NA
chr10	121652003	121652507	SEC23IP	ENSG00000107651	32	0.17	0.26	0.31	-0.091	NA
chr10	11911554	11912432	C10orf47	ENSG00000148426	350	0.39	0.33	0.32	0.059	NA
chr10	18948113	18948711	RP11-139J15.2	ENSG00000152487	-245	0.19	0.16	0.32	0.029	NA
chr10	74385467	74386041	CBARA1	ENSG00000107745	83	0.27	0.35	0.32	-0.087	NA
chr10	95753347	95754201	PLCE1	ENSG00000138193	28	0.21	0.25	0.32	-0.041	NA
chr10	32344550	32345570	KIF5B	ENSG00000170759	299	0.17	0.2	0.33	-0.029	NA
chr10	37414145	37414769	ANKRD30A	ENSG00000148513	-328	0.88	0.92	0.33	-0.034	NA
chr10	52750956	52751765	PRKG1	ENSG00000185532	242	0.21	0.14	0.33	0.07	NA
chr10	70748435	70749334	KIAA1279	ENSG00000198954	397	0.18	0.22	0.33	-0.044	NA
chr10	71930007	71930587	SAR1A	ENSG00000079332	-69	0.28	0.21	0.33	0.071	NA
chr10	75503973	75504222	SEC24C	ENSG00000176986	-23	0.32	0.24	0.33	0.079	NA
chr10	91011325	91011864	LIPA	ENSG00000107798	-62	0.33	0.52	0.33	-0.19	NA

chr10	102279162	102279730	SEC31B	ENSG00000075826	145	0.26	0.21	0.33	0.048	NA
chr10	114206604	114207320	ZDHHC6	ENSG00000023041	-303	0.26	0.22	0.33	0.035	NA
chr10	180582	182452	ZMYND11	ENSG00000015171	874	0.25	0.22	0.34	0.028	NA
chr10	14920320	14921688	SUV39H2	ENSG00000152455	185	0.21	0.18	0.35	0.027	NA
chr10	120924785	120925558	SFXN4	ENSG00000183605	-117	0.24	0.2	0.35	0.036	NA
chr10	60272467	60273456	BICC1	ENSG00000122870	61	0.3	0.23	0.36	0.071	NA
chr10	124578126	124578443	RP11-107C16.2	ENSG00000176584	-48	0.38	0.33	0.36	0.05	NA
chr10	27443030	27443405	YME1L1	ENSG00000136758	-62	0.19	0.28	0.37	-0.089	NA
chr10	35378834	35379632	CUL2	ENSG00000108094	-270	0.35	0.28	0.37	0.066	NA
chr10	43931958	43932879	ZNF487P	ENSG00000243660	136	0.18	0.15	0.37	0.038	NA
chr10	44069359	44070179	ZNF239	ENSG00000196793	263	0.19	0.15	0.37	0.038	NA
chr10	50817095	50817309	CHAT	ENSG00000070748	61	0.18	0.33	0.37	-0.15	NA
chr10	73533091	73533492	C10orf54	ENSG00000107738	-36	0.26	0.19	0.37	0.066	NA
chr10	99392786	99393375	MORN4	ENSG00000171160	157	0.23	0.17	0.37	0.055	NA
chr10	102729299	102729710	SEMA4G	ENSG00000095539	214	0.18	0.24	0.37	-0.055	NA
chr10	115933379	115934262	C10orf118	ENSG00000165813	86	0.24	0.29	0.37	-0.05	NA
chr10	23983366	23984978	KIAA1217	ENSG00000120549	497	0.27	0.23	0.38	0.04	NA
chr10	71331449	71331691	NEUROG3	ENSG00000122859	1424	0.36	0.26	0.38	0.097	NA
chr10	102133021	102133557	NCRNA00263	ENSG00000235823	-83	0.3	0.24	0.38	0.065	NA
chr10	43133523	43134150	ZNF33B	ENSG00000196693	133	0.26	0.37	0.39	-0.11	NA
chr10	69644169	69645178	SIRT1	ENSG00000096717	246	0.2	0.17	0.39	0.036	NA
chr10	124220338	124222240	HTRA1	ENSG00000166033	248	0.28	0.25	0.39	0.036	NA
chr10	76871055	76871620	SAMD8	ENSG00000156671	108	0.32	0.26	0.4	0.06	NA
chr10	81664389	81665076	MBL1P	ENSG00000242600	78	0.15	0.19	0.4	-0.036	NA
chr10	102748870	102749088	C10orf2	ENSG00000107815	1196	0.88	0.73	0.4	0.15	NA
chr10	71077946	71079377	HK1	ENSG00000156515	61	0.21	0.19	0.41	0.023	NA
chr10	85899058	85899640	GHITM	ENSG00000165678	153	0.37	0.29	0.41	0.081	NA
chr10	102746533	102747501	MRPL43	ENSG00000055950	-64	0.2	0.23	0.41	-0.037	NA
chr10	112678307	112679894	BBIP1	ENSG00000214413	-185	0.24	0.28	0.41	-0.04	NA
chr10	134901198	134902619	GPR123	ENSG00000197177	499	0.25	0.22	0.41	0.032	NA

chr10	13628789	13629266	PRPF18	ENSG00000165630	100	0.34	0.41	0.42	-0.073	NA
chr10	89621772	89624128	KLLN	ENSG00000227268	-706	0.27	0.31	0.42	-0.04	NA
chr10	135236687	135238237	SPRN	ENSG00000203772	614	0.35	0.24	0.43	0.12	NA
chr10	28821189	28823092	RP11-164A7.1	ENSG00000254635	-857	0.26	0.24	0.44	0.023	NA
chr10	112064137	112064859	SMNDC1	ENSG00000119953	-43	0.19	0.23	0.45	-0.042	NA
chr10	64028041	64028706	RTKN2	ENSG00000182010	93	0.27	0.19	0.46	0.078	NA
chr10	103911696	103912546	NOLC1	ENSG00000166197	188	0.32	0.24	0.47	0.082	NA
chr10	104262224	104262524	ACTR1A	ENSG00000138107	37	0.23	0.18	0.47	0.047	NA
chr10	112631414	112632476	PDCD4	ENSG00000150593	380	0.25	0.21	0.47	0.035	NA
chr10	82168064	82168917	C10orf58	ENSG00000122378	241	0.2	0.23	0.49	-0.028	NA
chr10	105128002	105128463	TAF5	ENSG00000148835	508	0.24	0.19	0.49	0.047	NA
chr10	105991899	105992248	WDR96	ENSG00000197748	-10	0.35	0.28	0.49	0.073	NA
chr10	5540785	5541515	CALML5	ENSG00000178372	383	0.94	0.91	0.5	0.028	NA
chr10	81204452	81204790	ZCCHC24	ENSG00000165424	-646	0.37	0.47	0.5	-0.1	NA
chr10	99473520	99474664	MARVELD1	ENSG00000155254	-359	0.2	0.24	0.5	-0.042	NA
chr10	31320483	31321553	ZNF438	ENSG00000183621	-234	0.22	0.25	0.51	-0.036	NA
chr10	71992414	71993467	PPA1	ENSG00000180817	153	0.23	0.2	0.51	0.03	NA
chr10	7860261	7861107	TAF3	ENSG00000165632	217	0.24	0.2	0.52	0.042	NA
chr10	22604907	22605632	COMMD3	ENSG00000148444	-45	0.33	0.39	0.53	-0.06	NA
chr10	61122306	61122536	FAM13C	ENSG00000148541	-113	0.17	0.13	0.53	0.039	NA
chr10	43277849	43278532	BMS1	ENSG00000165733	-59	0.28	0.31	0.54	-0.034	NA
chr10	97415860	97416726	ALDH18A1	ENSG00000059573	73	0.2	0.23	0.54	-0.023	NA
chr10	122739052	122739391	RP11-95116.2	ENSG00000227307	992	0.25	0.3	0.54	-0.046	NA
chr10	38299490	38300099	ZNF33A	ENSG00000189180	216	0.24	0.28	0.55	-0.039	NA
chr10	103113523	103114414	BTRC	ENSG00000166167	148	0.18	0.15	0.55	0.027	NA
chr10	103603166	103603642	KCNIP2	ENSG00000120049	-79	0.22	0.26	0.55	-0.041	NA
chr10	131908731	131909886	RP11-500G10.1	ENSG00000237489	-227	0.18	0.2	0.55	-0.025	NA
chr10	27530938	27531363	ACBD5	ENSG00000107897	-133	0.25	0.21	0.56	0.041	NA
chr10	48354459	48355197	ZNF488	ENSG00000165388	-196	0.39	0.3	0.56	0.091	NA
chr10	89419346	89420027	PAPSS2	ENSG00000198682	316	0.23	0.26	0.56	-0.027	NA

chr10	122610678	122611052	WDR11	ENSG00000120008	170	0.11	0.17	0.56	-0.058	NA
chr10	127464156	127464385	MMP21	ENSG00000154485	120	0.96	0.93	0.56	0.034	NA
chr10	135048797	135052077	VENTX	ENSG00000151650	-971	0.25	0.24	0.56	0.012	NA
chr10	6262647	6262871	PFKFB3	ENSG00000170525	-608	0.93	0.95	0.58	-0.022	NA
chr10	88280635	88282089	WAPAL	ENSG00000062650	125	0.21	0.23	0.58	-0.019	NA
chr10	15209824	15210714	NMT2	ENSG00000152465	176	0.18	0.16	0.59	0.019	NA
chr10	26855906	26856198	AL160287.1	ENSG00000246873	-214	0.34	0.28	0.59	0.067	NA
chr10	42644821	42646412	AL031601.3	ENSG00000229485	-619	0.66	0.68	0.59	-0.021	NA
chr10	97889636	97890412	ZNF518A	ENSG00000177853	368	0.24	0.21	0.59	0.025	NA
chr10	133109193	133111052	TCERG1L	ENSG00000176769	-138	0.24	0.23	0.59	0.016	NA
chr10	99205476	99206274	EXOSC1	ENSG00000171311	-285	0.18	0.16	0.6	0.021	NA
chr10	124894075	124897366	HMX3	ENSG00000188620	242	0.23	0.22	0.6	0.011	NA
chr10	135044780	135044992	UTF1	ENSG00000171794	1108	0.4	0.2	0.6	0.2	NA
chr10	98591707	98593273	LCOR	ENSG00000196233	473	0.19	0.18	0.61	0.014	NA
chr10	103985852	103986246	ELOVL3	ENSG00000119915	-36	0.27	0.18	0.61	0.09	NA
chr10	134774213	134774485	RP13-137A17.5	ENSG00000224758	1392	0.89	1	0.61	-0.11	NA
chr10	18940528	18940765	NSUN6	ENSG00000241058	-95	0.27	0.24	0.62	0.036	NA
chr10	45496275	45496550	C10orf25	ENSG00000165511	-76	0.17	0.2	0.63	-0.027	NA
chr10	94831512	94832312	CYP26A1	ENSG00000095596	-1320	0.18	0.16	0.63	0.024	NA
chr10	112257163	112258684	DUSP5	ENSG00000138166	327	0.19	0.21	0.63	-0.017	NA
chr10	23982382	23982589	KIAA1217	ENSG00000120549	-1190	0.24	0.2	0.64	0.039	NA
chr10	49812852	49813352	ARHGAP22	ENSG00000128805	-105	0.27	0.38	0.64	-0.11	NA
chr10	49863620	49864601	ARHGAP22	ENSG00000128805	200	0.25	0.21	0.64	0.038	NA
chr10	75670696	75671379	PLAU	ENSG00000122861	175	0.32	0.27	0.64	0.048	NA
chr10	13341377	13342223	PHYH	ENSG00000107537	-251	0.24	0.21	0.65	0.023	NA
chr10	105614511	105615456	SH3PXD2A	ENSG00000107957	181	0.21	0.24	0.65	-0.033	NA
chr10	3214721	3215260	PITRM1	ENSG00000107959	-16	0.38	0.32	0.66	0.057	NA
chr10	49514331	49515400	MAPK8	ENSG00000107643	167	0.21	0.24	0.66	-0.026	NA
chr10	70286960	70287396	SLC25A16	ENSG00000122912	-5	0.2	0.17	0.66	0.028	NA
chr10	105155820	105156484	USMG5	ENSG00000173915	-321	0.26	0.29	0.66	-0.031	NA

chr10	105452338	105453230	SH3PXD2A	ENSG00000107957	146	0.22	0.25	0.67	-0.023	NA
chr10	3108650	3111419	PFKP	ENSG00000067057	322	0.27	0.26	0.68	0.01	NA
chr10	105315007	105315244	NEURL	ENSG00000107954	-12	0.28	0.24	0.68	0.041	NA
chr10	115999008	115999603	VWA2	ENSG00000165816	216	0.24	0.21	0.68	0.033	NA
chr10	12237832	12238377	NUDT5	ENSG00000165609	-260	0.38	0.41	0.69	-0.028	NA
chr10	50746634	50747329	ERCC6	ENSG00000225830	91	0.21	0.19	0.69	0.027	NA
chr10	126480092	126480810	FAM53B	ENSG00000189319	-155	0.22	0.2	0.69	0.028	NA
chr10	50969658	50970605	OGDHL	ENSG00000197444	238	0.28	0.23	0.7	0.049	NA
chr10	81741228	81742293	RP11-479O17.8	ENSG00000235924	165	0.21	0.18	0.7	0.022	NA
chr10	21805197	21805459	C10orf140	ENSG00000180592	1520	0.19	0.26	0.71	-0.072	NA
chr10	38146502	38147104	ZNF248	ENSG00000198105	-265	0.29	0.2	0.72	0.088	NA
chr10	90342528	90343221	RNLS	ENSG00000184719	73	0.21	0.19	0.72	0.02	NA
chr10	99894265	99894914	C10orf28	ENSG00000166024	202	0.26	0.22	0.72	0.039	NA
chr10	111967428	111970723	MXI1	ENSG00000119950	1633	0.22	0.23	0.72	-0.012	NA
chr10	101190451	101190925	RP11-441O15.3	ENSG00000224934	-260	0.22	0.2	0.73	0.019	NA
chr10	61468610	61469999	SLC16A9	ENSG00000165449	-24	0.21	0.23	0.74	-0.013	NA
chr10	79685719	79686507	DLG5	ENSG00000151208	171	0.21	0.24	0.74	-0.021	NA
chr10	120101564	120101937	C10orf84	ENSG00000165669	2	0.26	0.3	0.74	-0.043	NA
chr10	11936169	11937060	RP11-401F24.4	ENSG00000225778	85	0.95	0.96	0.75	-0.012	NA
chr10	102778604	102778922	PDZD7	ENSG00000186862	-137	0.25	0.24	0.75	0.016	NA
chr10	21814786	21815716	C10orf140	ENSG00000180592	-640	0.22	0.2	0.78	0.021	NA
chr10	50887565	50887862	C10orf53	ENSG00000178645	16	0.62	0.5	0.78	0.12	NA
chr10	5726455	5727697	C10orf18	ENSG00000108021	275	0.19	0.2	0.79	-0.011	NA
chr10	50602989	50606783	DRGX	ENSG00000165606	-900	0.28	0.29	0.8	-0.0086	NA
chr10	72360255	72360605	PRF1	ENSG00000180644	-1593	0.95	1	0.8	-0.045	NA
chr10	104220983	104221287	TMEM180	ENSG00000138111	-14	0.16	0.19	0.8	-0.023	NA
chr10	135381534	135383032	SYCE1	ENSG00000171772	-488	0.96	0.98	0.8	-0.015	NA
chr10	5707980	5708798	ASB13	ENSG00000196372	152	0.32	0.3	0.81	0.027	NA
chr10	27389075	27389622	ANKRD26	ENSG00000107890	-28	0.18	0.21	0.81	-0.028	NA
chr10	63212495	63213009	TMEM26	ENSG00000196932	173	0.18	0.2	0.81	-0.019	NA

chr10	102820488	102822874	KAZALD1	ENSG00000107821	682	0.3	0.3	0.81	-0.0075	NA
chr10	116852261	116854094	ATRNL1	ENSG00000107518	53	0.23	0.22	0.81	0.0093	NA
chr10	50821487	50821688	CHAT	ENSG00000070748	422	0.52	0.57	0.82	-0.056	NA
chr10	62703307	62704290	RHOBTB1	ENSG00000072422	207	0.24	0.23	0.83	0.013	NA
chr10	75385082	75385994	USP54	ENSG00000166348	-130	0.27	0.29	0.83	-0.019	NA
chr10	121355813	121356958	TIAL1	ENSG00000151923	-378	0.24	0.25	0.84	-0.012	NA
chr10	26727061	26727992	APBB1IP	ENSG00000077420	394	0.27	0.29	0.85	-0.012	NA
chr10	88853757	88855498	GLUD1	ENSG00000148672	-800	0.21	0.2	0.85	0.0071	NA
chr10	91294947	91295925	SLC16A12	ENSG00000152779	-123	0.26	0.25	0.85	0.012	NA
chr10	90639787	90640623	STAMBPL1	ENSG00000138134	224	0.23	0.21	0.86	0.016	NA
chr10	112327072	112327870	SMC3	ENSG00000108055	22	0.2	0.22	0.86	-0.021	NA
chr10	135207467	135208073	AL360181.1	ENSG00000148824	172	0.24	0.22	0.87	0.012	NA
chr10	29698362	29699044	RP11-534G20.3	ENSG00000224597	235	0.21	0.2	0.88	0.017	NA
chr10	104178528	104179548	PSD	ENSG00000059915	-137	0.16	0.2	0.88	-0.04	NA
chr10	14995680	14996431	DCLRE1C	ENSG00000152457	-38	0.26	0.25	0.89	0.011	NA
chr10	126490161	126490934	FAM175B	ENSG00000165660	193	0.2	0.18	0.89	0.014	NA
chr10	5683648	5683878	ASB13	ENSG00000196372	12	0.97	0.96	0.9	0.011	NA
chr10	33246271	33247707	ITGB1	ENSG00000150093	-267	0.19	0.19	0.9	0.0061	NA
chr10	77191061	77191571	C10orf11	ENSG00000148655	105	0.3	0.28	0.9	0.023	NA
chr10	99496649	99497451	ZFYVE27	ENSG00000155256	172	0.22	0.21	0.9	0.013	NA
chr10	93392667	93393147	PPP1R3C	ENSG00000119938	-158	0.2	0.19	0.91	0.0093	NA
chr10	131264948	131265710	MGMT	ENSG00000170430	-119	0.29	0.29	0.91	-0.0072	NA
chr10	134729798	134730022	C10orf93	ENSG00000171811	276	0.94	0.97	0.91	-0.029	NA
chr10	3145919	3146206	PFKP	ENSG00000067057	-854	0.93	0.95	0.92	-0.028	NA
chr10	70883663	70884353	VPS26A	ENSG00000122958	100	0.21	0.2	0.92	0.011	NA
chr10	71168699	71168952	TACR2	ENSG00000075073	213	0.24	0.12	0.92	0.11	NA
chr10	72647738	72648317	PCBD1	ENSG00000166228	-16	0.23	0.21	0.92	0.019	NA
chr10	95462160	95462500	FRA10AC1	ENSG00000148690	-5	0.36	0.41	0.92	-0.042	NA
chr10	118608599	118609377	ENO4	ENSG00000188316	-35	0.26	0.24	0.92	0.018	NA
chr10	81107667	81107947	PPIF	ENSG00000108179	393	0.28	0.24	0.93	0.041	NA

chr10	103347679	103348215	POLL	ENSG00000166169	-64	0.18	0.2	0.93	-0.017	NA
chr10	75531970	75532817	FUT11	ENSG00000196968	344	0.3	0.3	0.94	0.0059	NA
chr10	99257940	99259520	MMS19	ENSG00000155229	-589	0.24	0.25	0.94	-0.0052	NA
chr10	103542711	103543290	NPM3	ENSG00000107833	132	0.23	0.26	0.94	-0.026	NA
chr10	135083739	135083962	ADAM8	ENSG00000151651	1079	0.84	0.82	0.94	0.018	NA
chr10	75006629	75007184	C10orf103	ENSG00000236756	-40	0.24	0.25	0.95	-0.01	NA
chr10	127584249	127585538	DHX32	ENSG00000089876	112	0.56	0.56	0.96	-0.0011	NA
chr10	11865125	11865984	C10orf47	ENSG00000148426	216	0.23	0.24	0.97	-0.0055	NA
chr10	21783198	21786420	MIR1915	ENSG00000222071	761	0.21	0.2	0.97	0.0024	NA
chr10	50817601	50820356	SLC18A3	ENSG00000187714	631	0.27	0.27	0.97	-0.0039	NA
chr10	124638743	124639793	FAM24B	ENSG00000213185	-171	0.19	0.19	0.97	-0.0056	NA
chr10	33269511	33269870	RP11-462L8.1	ENSG00000229656	-1779	0.4	0.25	0.98	0.15	NA
chr10	61665656	61666794	CCDC6	ENSG00000108091	189	0.23	0.23	0.98	0.0048	NA
chr10	98510218	98510427	RPL13AP5	ENSG00000236552	277	1	0.94	0.98	0.056	NA
chr10	104210095	104210985	C10orf95	ENSG00000120055	662	0.2	0.21	0.98	-0.015	NA
chr10	391382	394008	DIP2C	ENSG00000151240	1190	0.99	0.99	0.99	0.0015	NA
chr10	60144723	60145335	TFAM	ENSG00000108064	247	0.17	0.17	0.99	0.0042	NA
chr10	72237661	72238821	KIAA1274	ENSG00000107719	-323	0.23	0.23	0.99	-0.0023	NA
chr10	81966989	81967517	RP11-40F6.2	ENSG00000237523	-213	0.95	0.97	0.99	-0.022	NA
chr10	1205562	1205859	NCRNA00200	ENSG00000229205	2	0.98	0.97	1	0.0041	NA
chr10	1230813	1231214	ADARB2	ENSG00000185736	1493	0.87	0.87	1	1.00E-04	NA
chr10	1778784	1780018	ADARB2	ENSG00000185736	269	0.24	0.24	1	-0.0019	NA
chr10	3180174	3180578	PITRM1	ENSG00000107959	406	0.95	0.96	1	-0.0092	NA
chr10	5567122	5567828	RP11-116G8.5	ENSG00000256462	230	0.93	0.93	1	0.0031	NA
chr10	7618377	7618615	ITIH5	ENSG00000123243	64	0.98	0.98	1	-0.0042	NA
chr10	8555658	8556102	KRT8P37	ENSG00000213771	1189	0.92	0.93	1	-0.0024	NA
chr10	13141778	13142493	OPTN	ENSG00000123240	-24	0.2	0.21	1	-0.0085	NA
chr10	16478803	16479303	PTER	ENSG00000165983	89	0.32	0.32	1	0.0014	NA
chr10	17686097	17686335	STAM	ENSG00000136738	92	0.12	0.11	1	0.017	NA
chr10	18429125	18430234	CACNB2	ENSG00000165995	73	0.24	0.24	1	-0.002	NA

chr10	23384533	23385078	MSRB2	ENSG00000148450	370	0.29	0.3	1	-0.014	NA
chr10	28591622	28592117	MPP7	ENSG00000150054	126	0.24	0.23	1	0.0083	NA
chr10	28965704	28967266	BAMBI	ENSG00000095739	214	0.19	0.18	1	0.0027	NA
chr10	38645112	38645513	HSD17B7P2	ENSG00000099251	7	0.29	0.3	1	-0.0082	NA
chr10	43818074	43818604	RP11-168L22.2	ENSG00000224265	-774	0.26	0.26	1	-0.0057	NA
chr10	45454795	45455044	RASSF4	ENSG00000107551	64	0.16	0.18	1	-0.026	NA
chr10	46089871	46090462	RP11-358L16.2	ENSG00000242639	-120	0.25	0.25	1	0.00053	NA
chr10	46992447	46993295	GPRIN2	ENSG00000204175	-1216	0.19	0.18	1	0.0015	NA
chr10	47151424	47151676	AL391137.1	ENSG00000179251	298	0.17	0.17	1	0.0082	NA
chr10	47395840	47396088	RP11-575L16.2	ENSG00000226964	-259	0.4	0.33	1	0.07	NA
chr10	48389019	48389375	RBP3	ENSG00000107618	1794	1	0.99	1	0.012	NA
chr10	49348137	49348676	PTPN20C	ENSG00000126542	63	0.99	0.99	1	0.0027	NA
chr10	49687661	49687870	ARHGAP22	ENSG00000128805	-516	1	0.86	1	0.14	NA
chr10	51565071	51565648	NCOA4	ENSG00000138293	251	0.41	0.39	1	0.017	NA
chr10	57388068	57388528	PCDH15	ENSG00000150275	-596	0.25	0.22	1	0.028	NA
chr10	59866382	59866798	RP11-123G9.1	ENSG00000232115	50	1	1	1	0	NA
chr10	62537970	62538862	CDK1	ENSG00000170312	327	0.27	0.27	1	-0.0005	NA
chr10	65930617	65930890	RP11-386C23.1	ENSG00000235489	-142	0.98	1	1	-0.023	NA
chr10	70320130	70320822	TET1	ENSG00000138336	63	0.21	0.21	1	-0.0012	NA
chr10	71008272	71008478	HKDC1	ENSG00000156510	1109	0.83	0.86	1	-0.031	NA
chr10	74927642	74928063	ECD	ENSG00000122882	-153	0.33	0.28	1	0.052	NA
chr10	75541557	75542206	CHCHD1	ENSG00000172586	76	0.24	0.24	1	8.60E-05	NA
chr10	81107082	81107488	PPIF	ENSG00000108179	60	0.22	0.22	1	-0.0087	NA
chr10	81444163	81444474	RP11-119F19.4	ENSG00000224886	421	1	1	1	0	NA
chr10	89577481	89578287	CFL1P1	ENSG00000223820	199	0.28	0.28	1	1.00E-04	NA
chr10	93169487	93170573	HECTD2	ENSG00000165338	-66	0.23	0.24	1	-0.0071	NA
chr10	93668002	93668771	FGFBP3	ENSG00000174721	854	0.21	0.21	1	0.0057	NA
chr10	95256133	95256562	CEP55	ENSG00000138180	-42	0.13	0.12	1	0.0095	NA
chr10	96122540	96122904	NOC3L	ENSG00000173145	-26	0.24	0.24	1	0.0048	NA
chr10	99160814	99161116	RP11-452K12.7	ENSG00000231970	93	0.2	0.21	1	-0.01	NA

chr10	100993820	100994188	HPSE2	ENSG00000172987	1555	0.2	0.2	1	0.0015	NA
chr10	101292436	101292851	NKX2-3	ENSG00000119919	-47	0.26	0.25	1	0.012	NA
chr10	101293015	101293238	NKX2-3	ENSG00000119919	436	0.33	1	1	-0.67	NA
chr10	102289150	102289742	NDUFB8	ENSG00000166136	173	0.2	0.21	1	-0.0096	NA
chr10	103329326	103329535	DPCD	ENSG00000166171	-887	0.19	0.2	1	-0.0083	NA
chr10	103577394	103578256	MGEA5	ENSG00000198408	-202	0.34	0.33	1	0.0079	NA
chr10	103815502	103816105	C10orf76	ENSG00000120029	147	0.3	0.3	1	0.0066	NA
chr10	103824894	103825778	HPS6	ENSG00000166189	189	0.19	0.19	1	0.0011	NA
chr10	104191984	104192527	CUEDC2	ENSG00000107874	70	0.15	0.12	1	0.035	NA
chr10	104416555	104417165	TRIM8	ENSG00000171206	1822	0.89	0.89	1	-0.0058	NA
chr10	105253191	105254428	NEURL	ENSG00000107954	73	0.25	0.25	1	0.0017	NA
chr10	119000435	119001530	SLC18A2	ENSG00000165646	378	0.2	0.2	1	4.00E-04	NA
chr10	123734027	123734865	NSMCE4A	ENSG00000107672	-192	0.25	0.25	1	0.0023	NA
chr10	123872119	123873462	TACC2	ENSG00000138162	245	0.19	0.19	1	0.00051	NA
chr10	124767758	124768897	IKZF5	ENSG00000095574	-38	0.22	0.23	1	-0.0047	NA
chr10	128193311	128193531	C10orf90	ENSG00000154493	-734	0.95	1	1	-0.046	NA
chr10	128973590	128974064	FAM196A	ENSG00000188916	1446	0.99	0.98	1	0.0077	NA
chr10	134672369	134672604	C10orf93	ENSG00000171811	-1250	0.95	0.94	1	0.0081	NA
chr10	134884426	134884646	GPR123	ENSG00000197177	103	1	0.95	1	0.048	NA
chr10	134980302	134981059	KNDC1	ENSG00000171798	-8	0.63	0.64	1	-0.011	NA
chr10	135103295	135103554	TUBGCP2	ENSG00000130640	1114	0.98	0.98	1	0.0083	NA
chr10	669070	669336	AL358216.1	ENSG00000236454	1826	1	NA	NA	NA	NA
chr10	1284151	1284422	ADARB2	ENSG00000185736	-1693	0.83	NA	NA	NA	NA
chr10	2357248	2357471	RP11-311B18.1	ENSG00000234556	-90	NA	1	NA	NA	NA
chr10	5488484	5488686	NET1	ENSG00000173848	13	0.89	NA	NA	NA	NA
chr10	17243304	17243787	TRDMT1	ENSG00000107614	-118	0.15	NA	NA	NA	NA
chr10	20106643	20106946	PLXDC2	ENSG00000120594	1428	0.29	NA	NA	NA	NA
chr10	21816296	21816528	C10orf140	ENSG00000180592	-1801	0.19	NA	NA	NA	NA
chr10	27444133	27444494	YME1L1	ENSG00000136758	-118	NA	0.11	NA	NA	NA
chr10	32398836	32399096	RP11-241I20.4	ENSG00000235113	177	0.87	NA	NA	NA	NA

chr10	47967314	47967636	SLC9A3P4	ENSG00000237393	1715	0.14	NA	NA	NA	NA
chr10	51623044	51623943	TIMM23	ENSG00000138297	-290	NA	0.23	NA	NA	NA
chr10	92913390	92913694	RP11-56M3.1	ENSG00000234043	-436	0.88	NA	NA	NA	NA
chr10	99051934	99052490	ARHGAP19	ENSG00000213390	168	0.5	NA	NA	NA	NA
chr10	99473084	99473291	MARVELD1	ENSG00000155254	-87	0.4	NA	NA	NA	NA
chr10	102027099	102027490	CWF19L1	ENSG00000095485	61	0.23	NA	NA	NA	NA
chr10	103590286	103590609	KCNIP2	ENSG00000120049	-252	NA	1	NA	NA	NA
chr10	104629038	104629479	AS3MT	ENSG00000214435	-15	0.2	NA	NA	NA	NA
chr10	105881449	105881947	MEIR5	ENSG00000156384	-118	0.13	NA	NA	NA	NA
chr10	115938962	115939292	TDRD1	ENSG00000095627	98	1	NA	NA	NA	NA
chr10	134165143	134166313	LRRC27	ENSG00000148814	617	1	NA	NA	NA	NA
chr10	135122851	135123109	ZNF511	ENSG00000198546	66	1	NA	NA	NA	NA
chr10	135203101	135203316	MTG1	ENSG00000254536	-1130	1	NA	NA	NA	NA
chr10	135238430	135238747	SPRN	ENSG00000203772	-512	1	NA	NA	NA	NA
chr10	135390624	135390978	RP11-108K14.7	ENSG00000233685	-1266	1	NA	NA	NA	NA
chr11	64509433	64513826	RASGRP2	ENSG00000068831	-1220	0.49	0.32	3.80E-09	0.17	NA
chr11	64335489	64335965	SLC22A11	ENSG00000168065	655	0.74	0.3	4.80E-09	0.44	NA
chr11	65374699	65375308	MAP3K11	ENSG00000173327	338	0.43	0.12	6.10E-09	0.3	NA
chr11	68205925	68206126	LRP5	ENSG00000162337	-36	0.96	0.49	6.30E-09	0.47	NA
chr11	66102024	66102279	RP11-867G23.12	ENSG00000254756	186	0.74	0.26	9.20E-09	0.48	NA
chr11	16759945	16760386	C11orf58	ENSG00000110696	217	0.77	0.09	1.50E-08	0.68	NA
chr11	94770606	94771404	RP11-60C6.5	ENSG00000256779	359	0.61	0.39	3.00E-08	0.22	NA
chr11	32913989	32915514	QSER1	ENSG00000060749	27	0.3	0.14	3.80E-08	0.16	NA
chr11	116371182	116371606	AP001891.1	ENSG00000236437	-47	0.36	0.97	4.90E-08	-0.61	NA
chr11	119191535	119192182	MCAM	ENSG00000076706	-59	0.74	0.37	8.80E-08	0.37	NA
chr11	121233742	121233995	BMPR1APS2	ENSG00000232460	-294	0.76	1	2.20E-07	-0.24	NA
chr11	45907006	45907809	MAPK8IP1	ENSG00000121653	205	0.35	0.14	2.30E-07	0.21	NA
chr11	72295167	72295875	PDE2A	ENSG00000186642	-4	0.52	0.3	2.60E-07	0.21	NA
chr11	420265	420975	ANO9	ENSG00000185101	666	0.8	0.58	3.60E-07	0.22	NA
chr11	35965642	35966454	LDLRAD3	ENSG00000179241	399	0.39	0.13	4.00E-07	0.25	NA

chr11	134123209	134123996	THYN1	ENSG00000151500	-364	0.45	0.17	5.10E-07	0.28	NA
chr11	72145155	72145636	CLPB	ENSG00000162129	-210	0.22	0.59	6.40E-07	-0.37	NA
chr11	624780	625053	CDHR5	ENSG00000099834	16	0.18	0.73	8.30E-07	-0.55	NA
chr11	78673007	78673213	ODZ4	ENSG00000149256	154	0.76	0.2	1.10E-06	0.56	NA
chr11	6676496	6677096	DCHS1	ENSG00000166341	289	0.38	0.19	1.40E-06	0.19	NA
chr11	48921725	48922742	RP11-56P9.10	ENSG00000254728	1500	0.93	0.77	1.60E-06	0.16	NA
chr11	64428238	64428459	NRXN2	ENSG00000110076	502	0.94	0.7	2.30E-06	0.24	NA
chr11	110581839	110583883	ARHGAP20	ENSG00000137727	-88	0.31	0.17	2.30E-06	0.14	NA
chr11	57334971	57335486	UBE2L6	ENSG00000156587	52	0.31	0.09	2.40E-06	0.22	NA
chr11	120039601	120040210	AP000679.2	ENSG00000176984	220	0.36	0.14	3.00E-06	0.22	NA
chr11	61544727	61545563	C11orf9	ENSG00000124920	67	0.52	0.33	3.60E-06	0.19	NA
chr11	62446038	62446613	UBXN1	ENSG00000162191	157	0.39	0.16	4.10E-06	0.23	NA
chr11	74659931	74660373	XRRA1	ENSG00000166435	-87	0.4	0.15	5.70E-06	0.26	NA
chr11	32851160	32851951	PRRG4	ENSG00000135378	66	0.33	0.18	5.90E-06	0.15	NA
chr11	64066757	64068741	C11orf20	ENSG00000219435	-114	0.34	0.22	6.30E-06	0.12	NA
chr11	111749570	111750078	C11orf1	ENSG00000137720	165	0.42	0.1	6.30E-06	0.33	NA
chr11	62648237	62649161	SLC3A2	ENSG00000168003	355	0.27	0.12	6.40E-06	0.16	NA
chr11	60619924	60621111	RP11-804A23.4	ENSG00000256813	-1963	0.85	0.74	7.50E-06	0.11	NA
chr11	554713	556560	C11orf35	ENSG00000185522	784	0.35	0.22	8.30E-06	0.14	NA
chr11	64135815	64136381	MIR1237	ENSG00000221273	24	0.93	0.64	8.80E-06	0.29	NA
chr11	9779592	9780470	RP11-540A21.2	ENSG00000245522	-320	0.32	0.09	1.20E-05	0.22	NA
chr11	65314912	65315476	LTBP3	ENSG00000168056	-158	0.92	0.7	1.20E-05	0.22	NA
chr11	76750692	76751778	B3GNT6	ENSG00000198488	639	0.38	0.26	1.30E-05	0.12	NA
chr11	30038934	30039148	KCNA4	ENSG00000182255	-471	0.59	0.25	1.40E-05	0.34	NA
chr11	64532936	64533763	SF1	ENSG00000168066	1740	0.85	0.5	1.50E-05	0.35	NA
chr11	6502423	6502927	ARFIP2	ENSG00000132254	-148	0.32	0.15	1.90E-05	0.17	NA
chr11	119252130	119252564	USP2	ENSG00000036672	-26	0.44	0.16	1.90E-05	0.28	NA
chr11	31827696	31827921	PAX6	ENSG00000007372	-247	0.61	0.32	2.20E-05	0.29	NA
chr11	79148358	79152200	ODZ4	ENSG00000149256	-35	0.3	0.19	2.40E-05	0.11	NA
chr11	66056209	66057324	YIF1A	ENSG00000174851	-288	0.3	0.16	2.70E-05	0.14	NA

chr11	13030330	13032584	RASSF10	ENSG00000189431	761	0.28	0.15	2.90E-05	0.13	NA
chr11	6591960	6592795	DNHD1	ENSG00000179532	81	0.99	0.86	3.30E-05	0.13	NA
chr11	124629723	124629926	RP11-677M14.3	ENSG00000250073	799	0.93	0.55	3.30E-05	0.37	NA
chr11	65029040	65029926	POLA2	ENSG00000014138	250	0.35	0.17	3.80E-05	0.18	NA
chr11	96122536	96123587	CCDC82	ENSG00000149231	-485	0.32	0.16	3.90E-05	0.16	NA
chr11	7534554	7535727	PPFIBP2	ENSG00000166387	141	0.3	0.15	4.10E-05	0.16	NA
chr11	12131813	12133016	MICAL2	ENSG00000133816	276	0.31	0.17	4.20E-05	0.15	NA
chr11	65340117	65340483	FAM89B	ENSG00000176973	159	0.49	0.23	4.20E-05	0.25	NA
chr11	849087	850982	TSPAN4	ENSG00000214063	218	0.27	0.17	4.80E-05	0.099	NA
chr11	72437676	72438005	ARAP1	ENSG00000186635	333	0.74	0.95	4.90E-05	-0.22	NA
chr11	46402624	46404139	MDK	ENSG00000110492	624	0.3	0.18	5.30E-05	0.11	NA
chr11	534691	537718	HRAS	ENSG00000174775	-865	0.28	0.19	5.60E-05	0.092	NA
chr11	2158951	2162484	IGF2	ENSG00000167244	-513	0.28	0.18	5.70E-05	0.093	NA
chr11	73371800	73372632	PLEKHB1	ENSG00000021300	862	0.39	0.19	5.80E-05	0.2	NA
chr11	63766058	63768666	MACROD1	ENSG00000133315	-668	0.3	0.41	5.90E-05	-0.11	NA
chr11	2017459	2018253	H19	ENSG00000130600	-159	0.69	0.85	6.30E-05	-0.16	NA
chr11	65657874	65658970	CCDC85B	ENSG00000175602	547	0.27	0.15	6.50E-05	0.12	NA
chr11	120206460	120207649	ARHGEF12	ENSG00000196914	-733	0.3	0.18	6.70E-05	0.12	NA
chr11	12695414	12696981	TEAD1	ENSG00000187079	228	0.33	0.16	7.10E-05	0.16	NA
chr11	65413778	65415203	SIPA1	ENSG00000213445	-347	0.53	0.41	7.10E-05	0.12	NA
chr11	65341620	65342501	EHBP1L1	ENSG00000173442	-1449	0.34	0.16	7.50E-05	0.19	NA
chr11	65121938	65122712	TIGD3	ENSG00000173825	87	0.26	0.11	8.40E-05	0.14	NA
chr11	9025095	9026315	NRIP3	ENSG00000175352	-157	0.37	0.2	8.60E-05	0.16	NA
chr11	57226766	57228707	RTN4RL2	ENSG00000186907	-286	0.27	0.42	8.60E-05	-0.15	NA
chr11	55641710	55642120	RP11-738O11.13	ENSG00000254547	98	0.73	0.93	9.50E-05	-0.2	NA
chr11	66824118	66824621	RHOD	ENSG00000173156	80	0.57	0.27	9.50E-05	0.3	NA
chr11	76571963	76572291	ACER3	ENSG00000078124	162	0.33	0.14	9.50E-05	0.19	NA
chr11	66627530	66627732	PC	ENSG00000173599	315	0.9	0.62	9.60E-05	0.28	NA
chr11	2949788	2951756	PHLDA2	ENSG00000181649	-87	0.38	0.2	1.00E-04	0.18	NA
chr11	1410119	1412346	BRSK2	ENSG00000174672	103	0.35	0.2	0.00011	0.15	NA

chr11	1947531	1947958	TNNT3	ENSG00000130595	1596	0.77	0.97	0.00011	-0.21	NA
chr11	63741900	63742614	COX8A	ENSG00000176340	178	0.35	0.14	0.00011	0.21	NA
chr11	2923301	2923817	SLC22A18	ENSG00000110628	136	0.3	0.14	0.00012	0.16	NA
chr11	30606004	30608128	MPPED2	ENSG00000066382	762	0.26	0.17	0.00012	0.093	NA
chr11	45868742	45869413	CRY2	ENSG00000121671	120	0.25	0.14	0.00012	0.11	NA
chr11	61447599	61448273	DAGLA	ENSG00000134780	31	0.31	0.16	0.00012	0.15	NA
chr11	8289532	8290322	LMO1	ENSG00000166407	336	0.35	0.16	0.00013	0.19	NA
chr11	13689588	13690724	FAR1	ENSG00000197601	-61	0.26	0.15	0.00014	0.11	NA
chr11	64875134	64876243	C11orf2	ENSG00000149823	-839	0.82	0.7	0.00014	0.12	NA
chr11	92702789	92703434	MTNR1B	ENSG00000134640	225	0.37	0.18	0.00014	0.19	NA
chr11	111636594	111637214	PPP2R1B	ENSG00000137713	-118	0.35	0.16	0.00014	0.19	NA
chr11	57424937	57425262	CLP1	ENSG00000172409	-125	0.33	0.18	0.00015	0.16	NA
chr11	406491	407871	SIGIRR	ENSG00000185187	-46	0.45	0.31	0.00018	0.15	NA
chr11	31839363	31839813	PAX6	ENSG00000007372	-103	0.38	0.17	0.00018	0.2	NA
chr11	63997662	63998412	DNAJC4	ENSG00000110011	287	0.3	0.16	0.00018	0.14	NA
chr11	118781060	118781732	BCL9L	ENSG00000186174	217	0.4	0.21	0.00018	0.19	NA
chr11	61275825	61277329	LRRC10B	ENSG00000204950	305	0.22	0.3	0.00019	-0.084	NA
chr11	64611714	64612634	CDC42BPG	ENSG00000171219	-133	0.3	0.12	0.00019	0.18	NA
chr11	44330542	44331761	ALX4	ENSG00000052850	565	0.41	0.28	0.00025	0.13	NA
chr11	69588826	69590546	FGF4	ENSG00000075388	246	0.28	0.18	0.00025	0.098	NA
chr11	73087229	73088294	RELT	ENSG00000054967	452	0.33	0.17	0.00025	0.16	NA
chr11	1330390	1331498	TOLLIP	ENSG00000078902	-131	0.27	0.17	0.00027	0.1	NA
chr11	74442260	74442874	CHRDL2	ENSG00000054938	-137	0.32	0.17	0.00028	0.15	NA
chr11	32448261	32449744	WT1	ENSG00000184937	1573	0.32	0.19	3.00E-04	0.12	NA
chr11	102322529	102323762	TMEM123	ENSG00000152558	-59	0.37	0.15	0.00032	0.23	NA
chr11	66083955	66084535	CD248	ENSG00000174807	270	0.41	0.62	0.00033	-0.21	NA
chr11	118661305	118663026	DDX6	ENSG00000110367	-577	0.27	0.17	0.00034	0.095	NA
chr11	14541600	14542225	PSMA1	ENSG00000129084	-294	0.42	0.2	0.00036	0.22	NA
chr11	117666634	117668141	DSCAML1	ENSG00000177103	419	0.28	0.16	0.00036	0.12	NA
chr11	67980011	67982068	SUV420H1	ENSG00000110066	-818	0.29	0.19	0.00037	0.099	NA

chr11	92930760	92931391	SLC36A4	ENSG00000180773	20	0.32	0.18	0.00039	0.14	NA
chr11	64112327	64112607	CCDC88B	ENSG00000168071	821	0.99	0.78	0.00043	0.2	NA
chr11	67275067	67276431	CDK2AP2	ENSG00000167797	-202	0.28	0.18	0.00047	0.098	NA
chr11	1007921	1008343	AP2A2	ENSG00000183020	-1223	0.79	0.6	0.00049	0.19	NA
chr11	10829361	10831121	EIF4G2	ENSG00000110321	-818	0.22	0.13	0.00056	0.098	NA
chr11	66511803	66512719	C11orf80	ENSG00000173715	339	0.24	0.13	0.00057	0.11	NA
chr11	89519060	89519482	RP11-358N4.3	ENSG00000255162	158	0.92	0.53	0.00058	0.39	NA
chr11	72928982	72929885	P2RY2	ENSG00000175591	90	0.37	0.24	0.00059	0.13	NA
chr11	27721661	27722639	BDNF	ENSG00000176697	-115	0.31	0.17	0.00061	0.14	NA
chr11	47600129	47600927	KBTBD4	ENSG00000123444	-208	0.12	0.31	0.00061	-0.19	NA
chr11	1593550	1594378	RP13-25N22.1	ENSG00000233930	-7	0.52	0.28	0.00067	0.25	NA
chr11	30605558	30605800	RP5-1024C24.1	ENSG00000254489	2	0.63	0.2	0.00071	0.42	NA
chr11	69924338	69925197	ANO1	ENSG00000131620	359	0.27	0.17	0.00077	0.1	NA
chr11	72975469	72975797	P2RY6	ENSG00000171631	83	0.37	0.23	0.00092	0.14	NA
chr11	117198423	117198950	CEP164	ENSG00000110274	120	0.22	0.43	0.00092	-0.2	NA
chr11	134211759	134212611	GLB1L2	ENSG00000149328	-562	0.97	0.91	0.00097	0.067	NA
chr11	27743472	27744564	BDNF	ENSG00000176697	-413	0.4	0.2	0.001	0.2	NA
chr11	66335575	66336151	CTSF	ENSG00000174080	204	0.32	0.15	0.001	0.17	NA
chr11	67271659	67272942	PITPNM1	ENSG00000110697	-577	0.4	0.26	0.001	0.14	NA
chr11	118305422	118307705	RP11-770J1.4	ENSG00000255384	-642	0.33	0.22	0.001	0.1	NA
chr11	206975	209225	BET1L	ENSG00000177951	-879	0.34	0.23	0.0011	0.12	NA
chr11	66233899	66234964	MRPL11	ENSG00000174547	-222	0.26	0.17	0.0011	0.09	NA
chr11	66113970	66114258	B3GNT1	ENSG00000174684	950	0.62	0.27	0.0013	0.35	NA
chr11	72852176	72854160	FCHSD2	ENSG00000137478	-779	0.23	0.15	0.0014	0.081	NA
chr11	746877	748032	TALDO1	ENSG00000177156	125	0.23	0.14	0.0015	0.082	NA
chr11	67396844	67398294	NUDT8	ENSG00000167799	-177	0.26	0.18	0.0016	0.078	NA
chr11	9406108	9406702	IPO7	ENSG00000205339	236	0.23	0.15	0.0017	0.088	NA
chr11	107798958	107799980	SLC35F2	ENSG00000110660	-450	0.32	0.19	0.0017	0.13	NA
chr11	128391712	128392611	ETS1	ENSG00000134954	-65	0.31	0.18	0.0017	0.13	NA
chr11	394257	394619	PKP3	ENSG00000184363	195	0.97	0.82	0.0018	0.15	NA

chr11	33721713	33721978	C11orf91	ENSG00000205177	98	0.58	0.29	0.0018	0.28	NA
chr11	124735069	124736465	ROBO3	ENSG00000154134	485	0.3	0.2	0.0018	0.1	NA
chr11	125757055	125758107	HYLS1	ENSG00000198331	-96	0.39	0.25	0.0018	0.13	NA
chr11	6439863	6440732	APBB1	ENSG00000166313	3	0.44	0.21	0.0019	0.23	NA
chr11	3876287	3877431	AC090587.5	ENSG00000228661	-120	0.17	0.31	0.002	-0.14	NA
chr11	7272757	7274235	SYT9	ENSG00000170743	315	0.34	0.24	0.002	0.11	NA
chr11	76155407	76156827	RP11-111M22.3	ENSG00000255135	-499	0.34	0.19	0.002	0.15	NA
chr11	3012799	3014181	NAP1L4	ENSG00000205531	-158	0.25	0.12	0.0021	0.13	NA
chr11	63706029	63706868	NAA40	ENSG00000110583	17	0.3	0.16	0.0022	0.14	NA
chr11	124823793	124824329	CCDC15	ENSG00000149548	44	0.4	0.2	0.0022	0.2	NA
chr11	71318220	71319488	AP000867.1	ENSG00000187811	-367	0.16	0.26	0.0023	-0.1	NA
chr11	89784903	89785927	RP11-529A4.12	ENSG00000254916	1489	1	0.43	0.0023	0.57	NA
chr11	8040409	8041558	TUB	ENSG00000166402	192	0.34	0.22	0.0024	0.12	NA
chr11	77531186	77532262	RSF1	ENSG00000048649	21	0.26	0.16	0.0024	0.097	NA
chr11	76494416	76495672	TSKU	ENSG00000182704	-148	0.25	0.42	0.0025	-0.17	NA
chr11	102217574	102218247	BIRC2	ENSG00000110330	-32	0.32	0.17	0.0025	0.16	NA
chr11	94226672	94227412	ANKRD49	ENSG00000168876	247	0.11	0.33	0.0027	-0.22	NA
chr11	64109822	64110228	CCDC88B	ENSG00000168071	-178	0.32	1	0.0029	-0.68	NA
chr11	45234222	45234428	AC103681.1	ENSG00000246343	1964	0.94	0.74	0.0031	0.2	NA
chr11	20408755	20409781	PRMT3	ENSG00000185238	192	0.18	0.28	0.0032	-0.11	NA
chr11	64815040	64815722	NAALADL1	ENSG00000168060	-177	0.84	0.69	0.0032	0.15	NA
chr11	6704296	6704943	MRPL17	ENSG00000158042	-92	0.3	0.09	0.0033	0.22	NA
chr11	66790543	66791440	SYT12	ENSG00000173227	175	0.25	0.17	0.0033	0.086	NA
chr11	118023352	118024194	SCN4B	ENSG00000177098	-238	0.29	0.17	0.0036	0.13	NA
chr11	43963626	43966048	C11orf96	ENSG00000187479	782	0.29	0.2	0.0037	0.091	NA
chr11	77348423	77348959	CLNS1A	ENSG00000074201	105	0.42	0.15	0.0037	0.27	NA
chr11	2290104	2292932	ASCL2	ENSG00000183734	664	0.35	0.27	0.0039	0.077	NA
chr11	65547499	65549261	RP11-770G2.3	ENSG00000254470	-884	0.27	0.17	0.0044	0.11	NA
chr11	47198027	47198885	ARFGAP2	ENSG00000149182	-121	0.22	0.36	0.0045	-0.13	NA
chr11	115373574	115375881	CADM1	ENSG00000182985	380	0.26	0.2	0.0045	0.065	NA

chr11	1768979	1770712	IFITM10	ENSG00000244242	487	0.29	0.21	0.0047	0.077	NA
chr11	47207188	47209176	PACSIN3	ENSG00000165912	-750	0.28	0.18	0.0047	0.11	NA
chr11	4115689	4116489	RRM1	ENSG00000167325	152	0.4	0.21	0.0048	0.19	NA
chr11	59383165	59383410	OSBP	ENSG00000110048	-150	0.31	0.16	0.0048	0.15	NA
chr11	94800243	94801117	SRSF8	ENSG00000180771	319	0.32	0.2	0.0048	0.12	NA
chr11	46958170	46958529	C11orf49	ENSG00000149179	109	0.24	0.73	0.005	-0.49	NA
chr11	76091524	76092638	PRKRIR	ENSG00000137492	-95	0.28	0.17	0.005	0.11	NA
chr11	65655469	65656206	FIBP	ENSG00000172500	70	0.31	0.17	0.0055	0.14	NA
chr11	299389	299635	IFITM5	ENSG00000206013	14	0.81	0.95	0.0056	-0.13	NA
chr11	64072064	64073914	ESRRA	ENSG00000173153	-55	0.29	0.21	0.0058	0.083	NA
chr11	89224416	89224718	NOX4	ENSG00000086991	-71	0.42	0.26	0.0058	0.16	NA
chr11	2465171	2465648	KCNQ1	ENSG00000053918	-505	0.32	0.21	0.0063	0.12	NA
chr11	67139887	67141146	AP003419.11	ENSG00000256514	539	0.25	0.17	0.0063	0.079	NA
chr11	128562671	128565011	FLI1	ENSG00000151702	-49	0.29	0.21	0.0067	0.072	NA
chr11	118977878	118978785	C2CD2L	ENSG00000172375	238	0.24	0.15	0.0069	0.093	NA
chr11	20690579	20691845	NELL1	ENSG00000165973	95	0.24	0.14	0.0071	0.098	NA
chr11	73498947	73499265	MRPL48	ENSG00000175581	155	0.23	0.38	0.0071	-0.14	NA
chr11	379295	380768	B4GALNT4	ENSG00000182272	49	0.96	0.92	0.0074	0.04	NA
chr11	1784805	1785553	AC068580.5	ENSG00000229512	-200	0.36	0.21	0.0074	0.15	NA
chr11	67195800	67196190	RPS6KB2	ENSG00000175634	64	0.28	0.15	0.0077	0.13	NA
chr11	35160375	35161000	CD44	ENSG00000026508	270	0.37	0.18	0.0078	0.18	NA
chr11	70049099	70049806	FADD	ENSG00000168040	183	0.25	0.15	0.0088	0.094	NA
chr11	63532453	63532700	C11orf95	ENSG00000188070	858	0.91	0.72	0.0089	0.2	NA
chr11	93583374	93583717	C11orf90	ENSG00000214376	152	0.31	0.15	0.0093	0.16	NA
chr11	63535652	63537435	C11orf95	ENSG00000188070	-430	0.26	0.17	0.0094	0.09	NA
chr11	2466247	2466818	KCNQ1	ENSG00000053918	-20	0.25	0.14	0.0096	0.11	NA
chr11	18343625	18344238	HPS5	ENSG00000110756	-210	0.19	0.33	0.01	-0.13	NA
chr11	82904478	82905660	RP11-727A23.5	ENSG00000247137	-458	0.23	0.1	0.01	0.14	NA
chr11	17410436	17411287	KCNJ11	ENSG00000187486	-229	0.37	0.21	0.011	0.16	NA
chr11	27740644	27741236	BDNF	ENSG00000176697	354	0.41	0.17	0.011	0.24	NA

chr11	35547139	35547396	PAMR1	ENSG00000149090	-122	0.37	0.2	0.011	0.17	NA
chr11	2883689	2884461	KCNQ1OT1	ENSG00000229414	-1277	0.35	0.25	0.012	0.11	NA
chr11	35639629	35641485	FJX1	ENSG00000179431	822	0.27	0.2	0.012	0.07	NA
chr11	64058808	64060118	KCNK4	ENSG00000182450	582	0.27	0.19	0.012	0.075	NA
chr11	66035828	66036808	RAB1B	ENSG00000174903	314	0.27	0.16	0.012	0.1	NA
chr11	71164097	71164680	NADSYN1	ENSG00000172890	233	0.31	0.14	0.012	0.17	NA
chr11	85339343	85339629	TMEM126B	ENSG00000171204	-143	0.3	0.13	0.012	0.17	NA
chr11	115630398	115631117	CTC-774J1.2	ENSG00000246100	147	0.44	0.29	0.012	0.15	NA
chr11	49873117	49874152	RP11-163O19.1	ENSG00000254714	1453	0.52	0.4	0.013	0.12	NA
chr11	1958934	1959247	TNNT3	ENSG00000130595	-340	0.4	0.65	0.014	-0.25	NA
chr11	117102742	117103452	PCSK7	ENSG00000160613	-338	0.26	0.15	0.014	0.11	NA
chr11	2890388	2891337	KCNQ1DN	ENSG00000237941	-401	0.29	0.17	0.015	0.12	NA
chr11	65189463	65190295	NEAT1	ENSG00000245532	-366	0.25	0.17	0.015	0.08	NA
chr11	65769397	65770057	BANF1	ENSG00000175334	177	0.18	0.29	0.015	-0.11	NA
chr11	116661034	116661410	APOA5	ENSG00000110243	1389	0.9	0.78	0.015	0.12	NA
chr11	67070807	67071801	SSH3	ENSG00000172830	385	0.34	0.21	0.017	0.12	NA
chr11	124738712	124739011	ROBO3	ENSG00000154134	497	0.78	0.33	0.017	0.44	NA
chr11	17098839	17099506	RPS13	ENSG00000110700	22	0.18	0.36	0.018	-0.18	NA
chr11	68671107	68671982	MRPL21	ENSG00000197345	-290	0.29	0.2	0.018	0.094	NA
chr11	71497571	71499065	FAM86C	ENSG00000158483	-238	0.33	0.16	0.018	0.17	NA
chr11	118927374	118928412	HYOU1	ENSG00000149428	-332	0.3	0.2	0.018	0.11	NA
chr11	818974	820271	PNPLA2	ENSG00000177666	720	0.25	0.18	0.019	0.067	NA
chr11	7110132	7111376	RBMXL2	ENSG00000170748	589	0.94	0.9	0.019	0.038	NA
chr11	34072986	34074703	CAPRN1	ENSG00000135387	614	0.28	0.2	0.019	0.072	NA
chr11	34378229	34379993	ABTB2	ENSG00000166016	-309	0.28	0.21	0.019	0.069	NA
chr11	46299544	46300216	CREB3L1	ENSG00000157613	652	0.49	0.28	0.02	0.21	NA
chr11	57102841	57103430	SSRP1	ENSG00000149136	-188	0.34	0.16	0.02	0.18	NA
chr11	57267006	57267316	SLC43A1	ENSG00000149150	-11	0.46	0.19	0.02	0.27	NA
chr11	111945058	111945451	C11orf57	ENSG00000150776	199	0.22	0.56	0.02	-0.35	NA
chr11	61100073	61100972	DDB1	ENSG00000167986	-215	0.22	0.15	0.021	0.078	NA

chr11	130183948	130184668	ZBTB44	ENSG00000196323	13	0.21	0.32	0.021	-0.12	NA
chr11	626728	628037	SCT	ENSG00000070031	-239	0.39	0.27	0.022	0.12	NA
chr11	63993589	63993834	TRPT1	ENSG00000149743	-98	1	0.15	0.022	0.85	NA
chr11	101980632	101982330	YAP1	ENSG00000137693	289	0.26	0.2	0.022	0.064	NA
chr11	119181396	119181670	MCAM	ENSG00000076706	51	1	0.75	0.022	0.25	NA
chr11	43543835	43544086	RP11-513I7.2	ENSG00000213697	374	0.82	0.93	0.024	-0.11	NA
chr11	64948715	64949060	CAPN1	ENSG00000014216	3	0.23	0.13	0.024	0.095	NA
chr11	560382	561397	RASSF7	ENSG00000099849	485	0.26	0.17	0.026	0.095	NA
chr11	19798537	19798949	NAV2	ENSG00000166833	-270	0.38	0.16	0.026	0.22	NA
chr11	62313282	62314314	RP11-864I4.4	ENSG00000257058	327	0.3	0.16	0.026	0.15	NA
chr11	797640	798544	SLC25A22	ENSG00000177542	-98	0.22	0.14	0.027	0.08	NA
chr11	2421040	2422474	TSSC4	ENSG00000184281	39	0.25	0.17	0.027	0.073	NA
chr11	2930289	2931093	SLC22A18	ENSG00000110628	188	0.36	0.24	0.028	0.12	NA
chr11	58910127	58910584	FAM111A	ENSG00000166801	134	0.15	0.45	0.028	-0.31	NA
chr11	65382824	65383857	MAP3K11	ENSG00000173327	-487	0.3	0.22	0.028	0.082	NA
chr11	111807607	111808203	DIXDC1	ENSG00000150764	-22	0.29	0.14	0.028	0.15	NA
chr11	85565908	85566451	AP000974.1	ENSG00000215504	-193	0.48	0.22	0.029	0.26	NA
chr11	124932730	124933657	SLC37A2	ENSG00000134955	230	0.22	0.34	0.029	-0.12	NA
chr11	62368454	62370491	MTA2	ENSG00000149480	-725	0.28	0.22	0.03	0.058	NA
chr11	119039429	119039944	NLRX1	ENSG00000160703	249	0.39	0.23	0.03	0.17	NA
chr11	129910305	129910950	RP11-679I18.4	ENSG00000255535	367	0.96	0.9	0.03	0.052	NA
chr11	14665053	14666674	PSMA1	ENSG00000129084	-700	0.24	0.17	0.031	0.072	NA
chr11	46939358	46940118	LRP4	ENSG00000134569	435	0.26	0.15	0.031	0.1	NA
chr11	108535584	108536196	DDX10	ENSG00000178105	138	0.16	0.24	0.031	-0.089	NA
chr11	48001604	48003170	PTPRJ	ENSG00000149177	277	0.28	0.21	0.032	0.065	NA
chr11	74951647	74953491	CTD-2562J17.4	ENSG00000255136	-351	0.23	0.29	0.032	-0.068	NA
chr11	118795950	118796819	BCL9L	ENSG00000186174	-67	0.33	0.2	0.032	0.13	NA
chr11	62554066	62555262	TMEM179B	ENSG00000185475	-223	0.25	0.19	0.033	0.058	NA
chr11	65081937	65083333	CDC42EP2	ENSG00000149798	346	0.27	0.21	0.033	0.06	NA
chr11	65686287	65687554	C11orf68	ENSG00000175573	-387	0.25	0.17	0.033	0.083	NA

chr11	61347808	61349038	SYT7	ENSG00000011347	-131	0.23	0.16	0.034	0.068	NA
chr11	64545666	64546684	SF1	ENSG00000168066	-234	0.26	0.14	0.034	0.12	NA
chr11	1009403	1009649	AP2A2	ENSG00000183020	171	0.92	0.84	0.035	0.078	NA
chr11	2905023	2907024	CDKN1C	ENSG00000129757	-92	0.3	0.23	0.035	0.069	NA
chr11	44087518	44088165	ACCS	ENSG00000110455	112	0.37	0.2	0.035	0.16	NA
chr11	59522425	59523303	AP000640.10	ENSG00000254477	-416	0.3	0.21	0.035	0.085	NA
chr11	122753386	122753951	C11orf63	ENSG00000109944	277	0.33	0.23	0.035	0.11	NA
chr11	126173539	126174042	DCPS	ENSG00000110063	143	0.16	0.35	0.035	-0.19	NA
chr11	134281380	134282919	B3GAT1	ENSG00000109956	-337	0.31	0.23	0.036	0.08	NA
chr11	318361	319052	RP11-326C3.11	ENSG00000251661	66	0.32	0.14	0.038	0.19	NA
chr11	826941	827625	EFCAB4A	ENSG00000177685	35	0.31	0.23	0.038	0.08	NA
chr11	6261340	6261735	CNGA4	ENSG00000132259	1215	0.92	0.99	0.038	-0.068	NA
chr11	124669377	124670519	C11orf61	ENSG00000120458	331	0.26	0.2	0.038	0.067	NA
chr11	22646706	22647441	AC103801.2	ENSG00000229387	213	0.24	0.13	0.039	0.11	NA
chr11	45671197	45672412	CHST1	ENSG00000175264	-620	0.93	0.86	0.039	0.075	NA
chr11	47447704	47448257	PSMC3	ENSG00000165916	-231	0.35	0.21	0.039	0.14	NA
chr11	129902811	129903119	TCEB2P2	ENSG00000255262	150	0.99	0.93	0.039	0.057	NA
chr11	3239217	3239988	C11orf36	ENSG00000236301	40	0.86	0.97	0.041	-0.11	NA
chr11	14912900	14913771	CYP2R1	ENSG00000186104	-297	0.3	0.18	0.042	0.12	NA
chr11	118965017	118966464	H2AFX	ENSG00000188486	419	0.22	0.16	0.042	0.056	NA
chr11	62413632	62414293	GANAB	ENSG00000089597	112	0.32	0.2	0.043	0.12	NA
chr11	75272950	75273616	SERPINH1	ENSG00000149257	182	0.25	0.16	0.043	0.091	NA
chr11	102962274	102963049	DCUN1D5	ENSG00000137692	-71	0.35	0.25	0.043	0.095	NA
chr11	131780328	131781532	NTM	ENSG00000182667	217	0.24	0.18	0.043	0.064	NA
chr11	61159836	61160285	TMEM216	ENSG00000187049	195	0.21	0.13	0.044	0.079	NA
chr11	64879046	64880413	AP003068.9	ENSG00000254501	-562	0.25	0.18	0.044	0.071	NA
chr11	133906735	133907359	RP11-713P17.4	ENSG00000254648	-45	0.28	0.18	0.044	0.094	NA
chr11	14995128	14995908	CALCA	ENSG00000110680	-1618	0.29	0.19	0.046	0.1	NA
chr11	113644299	113644657	ZW10	ENSG00000086827	-65	1	0.18	0.047	0.82	NA
chr11	122852411	122852699	BSX	ENSG00000188909	-127	0.7	0.52	0.047	0.17	NA

chr11	60928560	60929262	VPS37C	ENSG00000167987	-303	0.17	0.11	0.048	0.052	NA
chr11	120434822	120435940	GRIK4	ENSG00000149403	238	0.26	0.35	0.048	-0.086	NA
chr11	2019565	2019863	H19	ENSG00000130600	-609	0.59	0.44	0.049	0.15	NA
chr11	86667041	86667289	RP11-736K20.6	ENSG00000246523	32	0.28	0.56	0.049	-0.29	NA
chr11	15094957	15095872	CALCB	ENSG00000175868	306	0.37	0.2	0.05	0.17	NA
chr11	118955574	118955832	HMBS	ENSG00000256269	127	0.24	0.1	0.05	0.14	NA
chr11	10879102	10880453	ZBED5	ENSG00000236287	-593	0.18	0.31	0.051	-0.13	NA
chr11	636435	636668	DRD4	ENSG00000069696	-742	0.95	0.82	0.052	0.13	NA
chr11	6255768	6256179	FAM160A2	ENSG00000051009	-127	0.17	0.29	0.052	-0.11	NA
chr11	6411346	6411913	SMPD1	ENSG00000166311	-26	0.36	0.21	0.052	0.15	NA
chr11	129765145	129765617	NFRKB	ENSG00000170322	71	0.42	0.14	0.052	0.28	NA
chr11	8710367	8710811	RPL27A	ENSG00000166441	-88	0.31	0.18	0.053	0.13	NA
chr11	77300360	77301391	AQP11	ENSG00000178301	439	0.24	0.17	0.053	0.068	NA
chr11	132812662	132813075	OPCML	ENSG00000183715	37	0.77	0.57	0.053	0.2	NA
chr11	304079	304379	RP11-326C3.4	ENSG00000255533	-85	0.89	0.79	0.054	0.099	NA
chr11	725596	726870	EPS8L2	ENSG00000177106	152	0.3	0.35	0.054	-0.057	NA
chr11	68778569	68778851	AP003071.1	ENSG00000256508	-1189	0.4	0.24	0.054	0.17	NA
chr11	18812572	18814079	PTPN5	ENSG00000110786	-138	0.28	0.2	0.055	0.08	NA
chr11	85374872	85376234	CREBZF	ENSG00000137504	-650	0.27	0.2	0.057	0.076	NA
chr11	70116237	70117497	PPFIA1	ENSG00000131626	61	0.25	0.19	0.058	0.06	NA
chr11	10472000	10472857	AMPD3	ENSG00000133805	200	0.25	0.18	0.059	0.071	NA
chr11	10562225	10562942	RNF141	ENSG00000110315	-130	0.2	0.13	0.059	0.066	NA
chr11	57435204	57436146	ZDHHC5	ENSG00000156599	456	0.3	0.21	0.06	0.097	NA
chr11	126152722	126153400	TIRAP	ENSG00000150455	101	0.21	0.13	0.06	0.087	NA
chr11	57281671	57283305	SLC43A1	ENSG00000149150	-400	0.28	0.21	0.061	0.075	NA
chr11	71791385	71791960	NUMA1	ENSG00000137497	-237	0.24	0.15	0.061	0.09	NA
chr11	126138359	126139166	SRPR	ENSG00000182934	53	0.26	0.2	0.061	0.066	NA
chr11	61722744	61723483	BEST1	ENSG00000167995	484	0.19	0.28	0.062	-0.095	NA
chr11	59578090	59578379	MRPL16	ENSG00000166902	12	0.27	0.14	0.063	0.13	NA
chr11	75140737	75141849	KLHL35	ENSG00000149243	-186	0.24	0.17	0.063	0.07	NA

chr11	46721979	46722428	ARHGAP1	ENSG00000175220	-54	0.23	0.33	0.064	-0.11	NA
chr11	58939046	58940308	DTX4	ENSG00000110042	-288	0.19	0.26	0.064	-0.072	NA
chr11	118900986	118901749	SLC37A4	ENSG00000137700	204	0.24	0.16	0.064	0.085	NA
chr11	3253768	3254066	MIRGPRE	ENSG00000184350	-301	0.46	0.24	0.065	0.22	NA
chr11	6624552	6625073	RRP8	ENSG00000132275	-3	0.32	0.21	0.065	0.1	NA
chr11	69517840	69519929	FGF19	ENSG00000162344	526	0.26	0.31	0.065	-0.053	NA
chr11	67236264	67236953	TMEM134	ENSG00000172663	31	0.24	0.13	0.066	0.11	NA
chr11	75918741	75922084	WNT11	ENSG00000085741	1362	0.24	0.21	0.066	0.038	NA
chr11	567938	569461	MIR210	ENSG00000199038	-501	0.26	0.2	0.067	0.069	NA
chr11	115529997	115530548	AP000797.3	ENSG00000256717	-104	0.28	0.19	0.068	0.088	NA
chr11	36397926	36399398	PRR5L	ENSG00000135362	731	0.2	0.26	0.069	-0.064	NA
chr11	72504665	72505127	STARD10	ENSG00000214530	-208	0.21	0.29	0.07	-0.082	NA
chr11	82996642	82997536	CCDC90B	ENSG00000137500	-82	0.21	0.5	0.07	-0.29	NA
chr11	107461743	107462648	ELMOD1	ENSG00000110675	378	0.24	0.17	0.07	0.071	NA
chr11	130297401	130298517	ADAMTS8	ENSG00000134917	454	0.22	0.16	0.071	0.064	NA
chr11	65779311	65779767	CST6	ENSG00000175315	227	0.3	0.18	0.072	0.12	NA
chr11	66059287	66059935	TMEM151A	ENSG00000179292	270	0.24	0.18	0.072	0.067	NA
chr11	129243998	129244567	BARX2	ENSG00000043039	-1553	0.14	0.22	0.072	-0.077	NA
chr11	3861855	3862996	RHOG	ENSG00000177105	-353	0.43	0.3	0.073	0.13	NA
chr11	694761	696375	DEAF1	ENSG00000177030	-637	0.25	0.19	0.079	0.057	NA
chr11	705794	706534	EPS8L2	ENSG00000177106	51	0.32	0.21	0.079	0.11	NA
chr11	74394410	74394761	7SK	ENSG00000223202	-1684	0.22	0.32	0.079	-0.1	NA
chr11	506353	508009	RNH1	ENSG00000023191	-825	0.26	0.21	0.08	0.05	NA
chr11	119076641	119077277	CBL	ENSG00000110395	207	0.4	0.29	0.081	0.11	NA
chr11	10315279	10315933	SBF2	ENSG00000133812	148	0.28	0.16	0.082	0.12	NA
chr11	65553749	65555573	OVOL1	ENSG00000172818	168	0.28	0.23	0.083	0.05	NA
chr11	118505508	118505741	PHLDB1	ENSG00000019144	-72	0.3	0.7	0.083	-0.4	NA
chr11	68518754	68518968	MTL5	ENSG00000132749	67	0.38	0.15	0.085	0.23	NA
chr11	75378416	75379882	MAP6	ENSG00000171533	302	0.24	0.19	0.086	0.047	NA
chr11	63683743	63684628	RCOR2	ENSG00000167771	131	0.25	0.18	0.087	0.069	NA

chr11	67159170	67159971	RAD9A	ENSG00000172613	394	0.26	0.37	0.09	-0.1	NA
chr11	66383571	66385047	RBM14	ENSG00000239306	256	0.23	0.17	0.091	0.059	NA
chr11	33890357	33891495	LMO2	ENSG00000135363	156	0.31	0.24	0.092	0.068	NA
chr11	69831571	69832484	RP11-626H12.1	ENSG00000255191	45	0.22	0.32	0.092	-0.099	NA
chr11	62432319	62433417	RP11-831H9.11	ENSG00000255432	-218	0.21	0.27	0.094	-0.06	NA
chr11	86511184	86511889	PRSS23	ENSG00000150687	254	0.24	0.17	0.095	0.073	NA
chr11	22362862	22363377	SLC17A6	ENSG00000091664	-1237	1	0.74	0.096	0.26	NA
chr11	62341228	62341695	EEF1G	ENSG00000254772	-129	0.27	0.1	0.096	0.17	NA
chr11	101453357	101454684	TRPC6	ENSG00000137672	214	0.32	0.23	0.097	0.088	NA
chr11	62598679	62600064	STX5	ENSG00000162236	132	0.3	0.22	0.099	0.088	NA
chr11	464450	464685	RP13-317D12.3	ENSG00000255237	-668	0.99	0.92	0.1	0.065	NA
chr11	842293	843396	POLR2L	ENSG00000177700	-315	0.27	0.22	0.1	0.053	NA
chr11	27493640	27494357	LGR4	ENSG00000205213	-137	0.21	0.15	0.1	0.06	NA
chr11	114310001	114310586	REXO2	ENSG00000076043	185	0.28	0.19	0.1	0.094	NA
chr11	449961	451178	PTDSS2	ENSG00000174915	289	0.26	0.19	0.11	0.065	NA
chr11	776803	777998	PDDC1	ENSG00000177225	-221	0.27	0.21	0.11	0.053	NA
chr11	4629098	4629530	TRIM68	ENSG00000167333	54	0.5	0.28	0.11	0.22	NA
chr11	17793276	17793959	KCNC1	ENSG00000129159	-1481	0.95	0.76	0.11	0.19	NA
chr11	31531131	31531501	IMMP1L	ENSG00000148950	-177	0.19	0.08	0.11	0.12	NA
chr11	43702016	43702597	HSD17B12	ENSG00000149084	76	0.29	0.22	0.11	0.076	NA
chr11	47788200	47789022	FNBP4	ENSG00000109920	227	0.31	0.24	0.11	0.067	NA
chr11	63685489	63685968	RCOR2	ENSG00000167771	-1412	0.24	0.36	0.11	-0.12	NA
chr11	64008283	64009487	FKBP2	ENSG00000173486	410	0.23	0.18	0.11	0.046	NA
chr11	64409877	64411253	NRXN2	ENSG00000110076	-407	0.28	0.21	0.11	0.065	NA
chr11	65837254	65838649	PACS1	ENSG00000175115	117	0.24	0.19	0.11	0.055	NA
chr11	66083572	66083782	CD248	ENSG00000174807	838	0.81	0.89	0.11	-0.086	NA
chr11	67250344	67250864	AIP	ENSG00000110711	92	0.2	0.3	0.11	-0.098	NA
chr11	68608155	68609419	CPT1A	ENSG00000110090	597	0.26	0.2	0.11	0.063	NA
chr11	71954816	71955659	PHOX2A	ENSG00000165462	-17	0.27	0.21	0.11	0.059	NA
chr11	111169304	111170428	C11orf93	ENSG00000214290	301	0.33	0.4	0.11	-0.069	NA

chr11	129245108	129246395	BARX2	ENSG00000043039	-84	0.34	0.27	0.11	0.079	NA
chr11	3601851	3602616	RP13-726E6.2	ENSG00000255367	208	0.39	0.24	0.12	0.16	NA
chr11	8615397	8615889	STK33	ENSG00000130413	-140	0.3	0.18	0.12	0.12	NA
chr11	17373019	17373665	RP1-239B22.1	ENSG00000188211	69	0.2	0.13	0.12	0.075	NA
chr11	17801026	17801277	KCNC1	ENSG00000129159	432	0.96	0.84	0.12	0.12	NA
chr11	49913319	49914335	RP11-163O19.8	ENSG00000255111	1502	0.29	0.41	0.12	-0.12	NA
chr11	61594996	61596710	FADS2	ENSG00000134824	620	0.25	0.2	0.12	0.058	NA
chr11	63952677	63954228	STIP1	ENSG00000168439	708	0.2	0.16	0.12	0.048	NA
chr11	66138806	66139729	SLC29A2	ENSG00000174669	-149	0.26	0.2	0.12	0.065	NA
chr11	67188087	67188879	CARNS1	ENSG00000172508	-96	0.36	0.22	0.12	0.14	NA
chr11	74699815	74700186	NEU3	ENSG00000162139	30	0.29	0.16	0.12	0.13	NA
chr11	133938850	133939681	JAM3	ENSG00000166086	299	0.26	0.2	0.12	0.064	NA
chr11	279072	281700	NLRP6	ENSG00000174885	1327	0.26	0.23	0.13	0.032	NA
chr11	9594346	9596536	WEE1	ENSG00000166483	213	0.24	0.2	0.13	0.047	NA
chr11	63381143	63382096	PLA2G16	ENSG00000176485	11	0.31	0.25	0.13	0.067	NA
chr11	67797802	67798413	RP5-901A4.1	ENSG00000255306	-179	0.26	0.17	0.13	0.083	NA
chr11	111472723	111473939	SIK2	ENSG00000170145	216	0.21	0.16	0.13	0.047	NA
chr11	18655811	18656482	SPTY2D1	ENSG00000179119	-210	0.14	0.25	0.14	-0.11	NA
chr11	34460165	34460857	CAT	ENSG00000121691	39	0.36	0.2	0.14	0.17	NA
chr11	62493994	62495127	HNRNPUL2	ENSG00000214753	261	0.15	0.22	0.14	-0.067	NA
chr11	64781450	64782385	ARL2	ENSG00000213465	332	0.28	0.21	0.14	0.074	NA
chr11	75136407	75136689	KLHL35	ENSG00000149243	-607	0.96	0.88	0.14	0.074	NA
chr11	78127965	78129400	GAB2	ENSG00000033327	135	0.23	0.18	0.14	0.046	NA
chr11	112832524	112834490	RP11-629G13.1	ENSG00000247416	675	0.25	0.2	0.14	0.056	NA
chr11	120894689	120895082	TBCEL	ENSG00000154114	104	0.25	0.17	0.14	0.085	NA
chr11	124790814	124791354	HEPN1	ENSG00000221932	1944	0.34	0.27	0.14	0.071	NA
chr11	45376931	45377243	RP11-430H10.1	ENSG00000254427	36	0.34	0.5	0.15	-0.16	NA
chr11	65479349	65480024	KAT5	ENSG00000172977	219	0.36	0.45	0.15	-0.085	NA
chr11	66725503	66726373	PC	ENSG00000173599	-123	0.24	0.19	0.15	0.051	NA
chr11	77850482	77850845	ALG8	ENSG00000159063	-25	0.29	0.07	0.15	0.22	NA

chr11	109293519	109294983	C11orf87	ENSG00000185742	1405	0.26	0.19	0.15	0.077	NA
chr11	3663052	3663802	ART5	ENSG00000167311	-205	0.26	0.19	0.16	0.074	NA
chr11	18415922	18416680	LDHA	ENSG00000134333	366	0.3	0.25	0.16	0.051	NA
chr11	49914943	49915372	RP11-163O19.8	ENSG00000255111	172	0.73	0.8	0.16	-0.078	NA
chr11	61891198	61891726	INCENP	ENSG00000149503	17	0.29	0.22	0.16	0.067	NA
chr11	63885581	63885788	RP11-21A7A.3	ENSG00000256341	998	0.96	0.84	0.16	0.12	NA
chr11	64570248	64570901	MAP4K2	ENSG00000168067	-92	0.22	0.18	0.16	0.048	NA
chr11	117856638	117857298	IL10RA	ENSG00000110324	-95	0.18	0.29	0.16	-0.11	NA
chr11	119292689	119292891	THY1	ENSG00000154096	482	0.23	0.34	0.16	-0.1	NA
chr11	120008046	120008710	TRIM29	ENSG00000137699	444	0.88	0.94	0.16	-0.06	NA
chr11	10772493	10773089	CTR9	ENSG00000198730	257	0.23	0.17	0.17	0.053	NA
chr11	27527863	27528517	LIN7C	ENSG00000148943	126	0.71	0.47	0.17	0.24	NA
chr11	58873889	58874486	FAM111B	ENSG00000189057	-471	0.43	0.1	0.17	0.33	NA
chr11	65222490	65222750	AP000769.1	ENSG00000173727	-108	1	0.2	0.17	0.8	NA
chr11	82443435	82444976	FAM181B	ENSG00000182103	701	0.22	0.18	0.17	0.037	NA
chr11	94822597	94823611	ENDOD1	ENSG00000149218	130	0.22	0.17	0.17	0.047	NA
chr11	116643309	116643892	BUD13	ENSG00000137656	103	0.29	0.22	0.17	0.072	NA
chr11	2398223	2399598	CD81	ENSG00000110651	386	0.27	0.21	0.18	0.059	NA
chr11	9335730	9336477	TMEM41B	ENSG00000166471	11	0.19	0.12	0.18	0.069	NA
chr11	17034843	17036404	PLEKHA7	ENSG00000166689	-734	0.25	0.21	0.18	0.042	NA
chr11	20622720	20623399	SLC6A5	ENSG00000165970	1919	0.3	0.24	0.18	0.061	NA
chr11	43333439	43333887	API5	ENSG00000166181	150	0.44	0.28	0.18	0.17	NA
chr11	65816404	65816665	GAL3ST3	ENSG00000175229	88	0.39	0.29	0.18	0.095	NA
chr11	70508328	70508617	SHANK2	ENSG00000162105	-527	0.36	0.25	0.18	0.11	NA
chr11	74108894	74109937	PGM2L1	ENSG00000165434	38	0.25	0.19	0.18	0.056	NA
chr11	75236189	75237781	GDPD5	ENSG00000158555	-684	0.26	0.21	0.18	0.049	NA
chr11	100557923	100558401	ARHGAP42	ENSG00000165895	-222	0.3	0.21	0.18	0.09	NA
chr11	111383168	111383892	MIR34B	ENSG00000207811	-133	0.29	0.21	0.18	0.079	NA
chr11	129148497	129149917	ARHGAP32	ENSG00000134909	12	0.28	0.22	0.18	0.065	NA
chr11	1311351	1311619	TOLLIP	ENSG00000078902	1915	0.91	0.62	0.19	0.29	NA

chr11	18034129	18035268	SERGEF	ENSG00000129158	-253	0.25	0.2	0.19	0.047	NA
chr11	22688285	22688617	GAS2	ENSG00000148935	-171	0.21	0.31	0.19	-0.095	NA
chr11	46368650	46369660	DGKZ	ENSG00000149091	199	0.27	0.31	0.19	-0.038	NA
chr11	67383537	67383809	DOC2GP	ENSG00000231793	55	0.18	0.33	0.19	-0.16	NA
chr11	89520089	89521109	RP11-358N4.3	ENSG00000255162	1486	0.33	0.2	0.19	0.13	NA
chr11	94134226	94134848	GPR83	ENSG00000123901	21	0.19	0.25	0.19	-0.063	NA
chr11	111410932	111412199	LAYN	ENSG00000204381	560	0.29	0.21	0.19	0.073	NA
chr11	117049399	117050234	SIDT2	ENSG00000149577	367	0.34	0.21	0.19	0.13	NA
chr11	123065426	123066184	CLMP	ENSG00000166250	184	0.37	0.29	0.19	0.079	NA
chr11	1595809	1596143	RP13-25N22.1	ENSG00000233930	1097	0.27	0.15	0.2	0.11	NA
chr11	1978152	1978427	MRPL23	ENSG00000214026	1482	0.96	0.91	0.2	0.058	NA
chr11	15136058	15136545	INSC	ENSG00000188487	-183	1	0.62	0.2	0.38	NA
chr11	16634957	16635969	C11orf58	ENSG00000110696	784	0.24	0.18	0.2	0.06	NA
chr11	46260617	46260945	CTD-2589M5.5	ENSG00000254639	848	0.21	0.12	0.2	0.091	NA
chr11	62138621	62138873	CTD-2531D15.1	ENSG00000254454	129	0.94	0.86	0.2	0.077	NA
chr11	77184193	77185504	PAK1	ENSG00000149269	-308	0.24	0.31	0.2	-0.066	NA
chr11	93275814	93276721	C11orf75	ENSG00000166002	254	0.28	0.22	0.2	0.058	NA
chr11	94963753	94964573	SESN3	ENSG00000149212	47	0.21	0.17	0.2	0.042	NA
chr11	110166564	110167759	RDX	ENSG00000137710	161	0.23	0.19	0.2	0.043	NA
chr11	134093696	134095491	NCAPD3	ENSG00000151503	-758	0.26	0.23	0.2	0.036	NA
chr11	288847	289239	ATHL1	ENSG00000142102	-92	0.28	0.16	0.21	0.12	NA
chr11	72492281	72492644	STARD10	ENSG00000214530	-301	0.17	0.23	0.21	-0.059	NA
chr11	101918073	101918493	C11orf70	ENSG00000137691	109	0.39	0.25	0.21	0.14	NA
chr11	45201783	45202728	PRDM11	ENSG00000019485	-1173	0.23	0.19	0.22	0.043	NA
chr11	62539001	62539322	TAF6L	ENSG00000162227	286	0.18	0.5	0.22	-0.32	NA
chr11	62572710	62573149	NXF1	ENSG00000162231	-28	0.31	0.24	0.22	0.07	NA
chr11	70244288	70245001	AP000487.5	ENSG00000246889	-236	0.25	0.2	0.22	0.048	NA
chr11	85358865	85359226	TMEM126A	ENSG00000171202	34	0.17	0.24	0.22	-0.071	NA
chr11	123524733	123525685	SCN3B	ENSG00000166257	103	0.3	0.23	0.22	0.071	NA
chr11	1968558	1969003	MRPL23	ENSG00000214026	218	0.17	0.11	0.23	0.056	NA

chr11	14379808	14380737	RRAS2	ENSG00000133818	-241	0.25	0.21	0.23	0.045	NA
chr11	50227031	50227326	RP11-347H15.2	ENSG00000255500	-154	0.77	0.71	0.23	0.064	NA
chr11	64808330	64809264	SAC3D1	ENSG00000168061	424	0.18	0.15	0.23	0.033	NA
chr11	112097022	112097547	PTS	ENSG00000150787	196	0.22	0.28	0.23	-0.059	NA
chr11	119598382	119600157	PVRL1	ENSG00000110400	-6	0.19	0.23	0.23	-0.041	NA
chr11	8932573	8933294	AKIP1	ENSG00000166452	247	0.23	0.16	0.24	0.072	NA
chr11	46259264	46260048	CTD-2589M5.5	ENSG00000254639	-277	0.3	0.24	0.24	0.061	NA
chr11	49229717	49230040	FOLH1	ENSG00000086205	1	0.4	1	0.24	-0.6	NA
chr11	67260413	67262715	PITPNM1	ENSG00000110697	852	0.9	0.93	0.24	-0.025	NA
chr11	67374150	67374726	C11orf72	ENSG00000184224	-261	0.13	0.18	0.24	-0.052	NA
chr11	70672834	70673055	SHANK2	ENSG00000162105	-82	0.17	0.24	0.24	-0.068	NA
chr11	72463092	72463717	ARAP1	ENSG00000186635	44	0.34	0.26	0.24	0.081	NA
chr11	116968849	116969512	SIK3	ENSG00000160584	-193	0.24	0.2	0.24	0.043	NA
chr11	125462323	125462884	RP11-791J7.2	ENSG00000254671	-140	0.4	0.24	0.24	0.16	NA
chr11	4208448	4209153	RP11-23F23.2	ENSG00000254480	430	0.19	0.24	0.25	-0.051	NA
chr11	64001572	64002712	RP11-783K16.14	ENSG00000256116	-378	0.21	0.25	0.25	-0.043	NA
chr11	125365137	125366319	FEZ1	ENSG00000149557	-167	0.23	0.18	0.25	0.042	NA
chr11	129685737	129686211	TMEM45B	ENSG00000151715	229	0.35	0.21	0.25	0.13	NA
chr11	69489754	69490329	ORAOV1	ENSG00000149716	-26	0.38	0.31	0.26	0.076	NA
chr11	75525711	75525916	RP11-535A19.2	ENSG00000255507	29	0.22	0.15	0.26	0.066	NA
chr11	124609552	124610471	NRGN	ENSG00000154146	182	0.27	0.21	0.26	0.063	NA
chr11	35440375	35441882	RP4-683L5.1	ENSG00000255542	524	0.22	0.26	0.27	-0.036	NA
chr11	46164651	46164852	RP11-702F3.2	ENSG00000254871	484	0.91	0.8	0.27	0.11	NA
chr11	46638637	46639486	HARBI1	ENSG00000180423	-284	0.21	0.15	0.27	0.064	NA
chr11	62623359	62623877	SNHG1	ENSG00000255717	-232	0.19	0.13	0.27	0.062	NA
chr11	71159014	71159831	DHCR7	ENSG00000172893	-298	0.21	0.15	0.27	0.058	NA
chr11	77705600	77706035	INTS4	ENSG00000149262	-118	0.24	0.16	0.27	0.084	NA
chr11	114270799	114271690	C11orf71	ENSG00000180425	-105	0.24	0.16	0.27	0.08	NA
chr11	125932082	125933003	CDON	ENSG00000064309	164	0.16	0.21	0.27	-0.046	NA
chr11	133825337	133827457	IGSF9B	ENSG00000080854	483	0.25	0.28	0.27	-0.035	NA

chr11	611691	611943	IRF7	ENSG00000185507	1774	0.8	0.87	0.28	-0.078	NA
chr11	65819367	65820224	SF3B2	ENSG00000087365	-7	0.26	0.32	0.28	-0.057	NA
chr11	73018452	73020563	ARHGEF17	ENSG00000110237	173	0.37	0.33	0.28	0.04	NA
chr11	75526396	75526926	RP11-535A19.2	ENSG00000255507	-210	0.22	0.18	0.28	0.041	NA
chr11	110300574	110301334	FDX1	ENSG00000137714	347	0.2	0.17	0.28	0.032	NA
chr11	118888878	118890115	RPS25	ENSG00000118181	-456	0.26	0.35	0.28	-0.095	NA
chr11	124632063	124633239	ESAM	ENSG00000149564	-475	0.19	0.15	0.28	0.043	NA
chr11	132813562	132814395	OPCML	ENSG00000183715	-412	0.23	0.31	0.28	-0.074	NA
chr11	575464	577093	AP006284.1	ENSG00000246532	-393	0.33	0.27	0.29	0.061	NA
chr11	30038522	30038823	KCNA4	ENSG00000182255	-102	0.29	0.19	0.29	0.094	NA
chr11	34380488	34380710	ABTB2	ENSG00000166016	-1044	0.23	0.15	0.29	0.074	NA
chr11	44586602	44587404	CD82	ENSG00000085117	-138	0.25	0.21	0.29	0.048	NA
chr11	63580537	63581740	C11orf84	ENSG00000168005	278	0.32	0.27	0.3	0.045	NA
chr11	74459858	74460558	RNF169	ENSG00000166439	295	0.24	0.17	0.3	0.062	NA
chr11	75139454	75139817	KLHL35	ENSG00000149243	1472	0.28	0.23	0.3	0.053	NA
chr11	111741953	111742292	ALG9	ENSG00000086848	-116	0.2	0.28	0.3	-0.081	NA
chr11	126225355	126226073	AP001318.3	ENSG00000247445	-283	0.24	0.31	0.3	-0.063	NA
chr11	71934247	71936321	INPPL1	ENSG00000165458	539	0.24	0.21	0.31	0.031	NA
chr11	111385337	111385712	C11orf88	ENSG00000183644	14	0.21	0.27	0.31	-0.061	NA
chr11	117186344	117186979	BACE1	ENSG00000186318	-150	0.25	0.32	0.31	-0.068	NA
chr11	119234480	119235214	USP2	ENSG00000036672	-223	0.27	0.22	0.31	0.049	NA
chr11	17229114	17229833	PIK3C2A	ENSG00000011405	-6	0.21	0.16	0.32	0.054	NA
chr11	45686160	45687495	CHST1	ENSG00000175264	317	0.19	0.22	0.32	-0.028	NA
chr11	65153726	65154606	FRMD8	ENSG00000126391	96	0.26	0.21	0.32	0.044	NA
chr11	70962173	70964161	SHANK2	ENSG00000162105	456	0.27	0.24	0.32	0.028	NA
chr11	77899564	77899990	KCTD21	ENSG00000188997	-143	0.25	0.21	0.32	0.044	NA
chr11	117014699	117015560	RP11-109L13.5	ENSG00000254678	-222	0.26	0.21	0.33	0.055	NA
chr11	3400155	3400419	ZNF195	ENSG00000005801	43	0.26	0.18	0.34	0.082	NA
chr11	63974829	63975048	FERMT3	ENSG00000149781	-351	0.85	1	0.34	-0.15	NA
chr11	85779725	85780397	PICALM	ENSG00000073921	-239	0.26	0.21	0.34	0.052	NA

chr11	119205023	119205568	RNF26	ENSG00000173456	58	0.26	0.21	0.34	0.057	NA
chr11	18610010	18610463	UEVLD	ENSG00000151116	-15	0.32	0.26	0.35	0.059	NA
chr11	59382687	59382929	OSBP	ENSG00000110048	329	0.18	0.24	0.35	-0.056	NA
chr11	62473453	62474156	BSCL2	ENSG00000168000	-114	0.28	0.22	0.35	0.062	NA
chr11	66035216	66035447	RP11-867G23.2	ENSG00000254762	269	0.33	0.16	0.35	0.17	NA
chr11	118991886	118992751	HINFP	ENSG00000172273	21	0.25	0.2	0.35	0.05	NA
chr11	124492664	124493153	TBRG1	ENSG00000154144	176	0.2	0.17	0.35	0.034	NA
chr11	396685	397462	PKP3	ENSG00000184363	-299	0.22	0.26	0.36	-0.042	NA
chr11	35684421	35684846	TRIM44	ENSG00000166326	280	0.31	0.25	0.36	0.059	NA
chr11	61129221	61129879	CYBASC3	ENSG00000162144	-238	0.22	0.17	0.36	0.048	NA
chr11	1892037	1892556	LSP1	ENSG00000130592	180	0.23	0.16	0.37	0.071	NA
chr11	30037672	30037944	KCNA4	ENSG00000182255	98	0.25	0.67	0.37	-0.42	NA
chr11	67182965	67183393	CARNS1	ENSG00000172508	30	0.25	0.19	0.37	0.066	NA
chr11	73308799	73309500	FAM168A	ENSG00000054965	-6	0.22	0.18	0.37	0.039	NA
chr11	86382695	86383586	ME3	ENSG00000151376	-276	0.26	0.19	0.37	0.067	NA
chr11	121163244	121163952	SC5DL	ENSG00000109929	208	0.28	0.2	0.37	0.079	NA
chr11	125439122	125439730	EI24	ENSG00000149547	250	0.15	0.2	0.37	-0.047	NA
chr11	65337213	65338474	SSSCA1	ENSG00000173465	-58	0.22	0.2	0.38	0.026	NA
chr11	77790478	77791101	NDUFC2	ENSG00000151366	76	0.3	0.26	0.38	0.041	NA
chr11	119186947	119187894	MCAM	ENSG00000076706	132	0.24	0.3	0.38	-0.053	NA
chr11	130318234	130320198	ADAMTS15	ENSG00000166106	347	0.24	0.2	0.38	0.036	NA
chr11	9482109	9483152	ZNF143	ENSG00000166478	118	0.27	0.23	0.39	0.046	NA
chr11	17740789	17743779	MYOD1	ENSG00000129152	1169	0.2	0.22	0.39	-0.019	NA
chr11	33278657	33280175	HIPK3	ENSG00000110422	283	0.27	0.24	0.39	0.027	NA
chr11	74303529	74304040	POLD3	ENSG00000077514	209	0.22	0.35	0.39	-0.12	NA
chr11	125034896	125036426	PKNOX2	ENSG00000165495	1011	0.23	0.2	0.39	0.029	NA
chr11	1471339	1471595	BRSK2	ENSG00000174672	-448	0.78	0.54	0.4	0.24	NA
chr11	3435033	3435239	AC123788.1	ENSG00000182139	-1016	0.88	0.94	0.4	-0.063	NA
chr11	44748205	44749761	TSPAN18	ENSG00000157570	622	0.26	0.23	0.4	0.029	NA
chr11	64013772	64015341	PPP1R14B	ENSG00000173457	-143	0.18	0.21	0.4	-0.037	NA

chr11	64901526	64902107	SYVN1	ENSG00000162298	84	0.27	0.21	0.4	0.057	NA
chr11	113345068	113346328	DRD2	ENSG00000149295	144	0.22	0.19	0.4	0.027	NA
chr11	118868641	118869204	RP11-110I1.12	ENSG00000255121	-208	0.38	0.23	0.4	0.16	NA
chr11	12029737	12030841	DKK3	ENSG00000050165	-159	0.2	0.24	0.41	-0.042	NA
chr11	43902254	43902528	RP11-613D13.5	ENSG00000246250	-115	0.2	0.29	0.41	-0.089	NA
chr11	94706291	94707060	CWC15	ENSG00000150316	33	0.38	0.59	0.41	-0.21	NA
chr11	98891543	98891821	CNTN5	ENSG00000149972	-1	0.23	0.16	0.41	0.072	NA
chr11	3443245	3444896	AC123788.4	ENSG00000166492	-344	0.19	0.23	0.42	-0.047	NA
chr11	13484273	13485290	BTBD10	ENSG00000148925	-54	0.24	0.19	0.42	0.046	NA
chr11	19138497	19139216	ZDHHC13	ENSG00000177054	210	0.24	0.27	0.42	-0.038	NA
chr11	289771	290010	ATHL1	ENSG00000142102	-30	0.85	0.9	0.43	-0.048	NA
chr11	2154033	2154387	MIR483	ENSG00000207805	1229	0.22	0.29	0.43	-0.068	NA
chr11	3829696	3830004	PGAP2	ENSG00000148985	79	0.17	0.12	0.43	0.048	NA
chr11	13298796	13300735	ARNTL	ENSG00000133794	579	0.25	0.23	0.43	0.026	NA
chr11	61106710	61106927	DAK	ENSG00000149476	228	0.93	0.96	0.43	-0.031	NA
chr11	129871690	129873423	PRDM10	ENSG00000170325	124	0.18	0.2	0.43	-0.022	NA
chr11	8892072	8892794	ST5	ENSG00000166444	31	0.24	0.19	0.44	0.048	NA
chr11	18417667	18417925	LDHA	ENSG00000134333	-17	0.33	0.26	0.44	0.076	NA
chr11	62104779	62105636	ASRGL1	ENSG00000162174	287	0.23	0.2	0.44	0.027	NA
chr11	118272261	118272546	ATP5L	ENSG00000167283	78	0.21	0.15	0.44	0.057	NA
chr11	10324353	10324828	RP11-351I24.1	ENSG00000254554	661	0.23	0.13	0.45	0.096	NA
chr11	61559907	61560549	MIR611	ENSG00000207601	-195	0.26	0.19	0.45	0.071	NA
chr11	76381449	76382295	LRRC32	ENSG00000137507	-81	0.26	0.22	0.45	0.042	NA
chr11	77122736	77123088	PAK1	ENSG00000149269	37	0.23	0.13	0.45	0.095	NA
chr11	101785594	101786128	KIAA1377	ENSG00000110318	115	0.22	0.18	0.45	0.037	NA
chr11	124615389	124617006	RP11-677M14.2-001	ENSG00000255045	36	0.24	0.27	0.45	-0.039	NA
chr11	49839280	49839568	RP11-707M1.5	ENSG00000254520	237	0.86	0.83	0.46	0.032	NA
chr11	50257255	50257772	RP11-347H15.4	ENSG00000254518	-237	0.63	0.59	0.46	0.041	NA
chr11	60609392	60609786	CCDC86	ENSG00000110104	45	0.35	0.44	0.46	-0.091	NA
chr11	61196921	61197697	CPSF7	ENSG00000149532	-304	0.24	0.28	0.46	-0.038	NA

chr11	65101109	65101843	DPF2	ENSG00000133884	251	0.14	0.17	0.46	-0.034	NA
chr11	66114497	66115525	B3GNT1	ENSG00000174684	53	0.25	0.3	0.46	-0.049	NA
chr11	636906	640628	DRD4	ENSG00000069696	1474	0.28	0.26	0.47	0.022	NA
chr11	63606114	63607474	MARK2	ENSG00000072518	394	0.25	0.23	0.47	0.023	NA
chr11	64577277	64578349	MEN1	ENSG00000133895	-209	0.23	0.2	0.47	0.031	NA
chr11	69258149	69258544	AP000439.2	ENSG00000255606	1165	0.17	0.22	0.47	-0.044	NA
chr11	64972185	64972404	CAPN1	ENSG00000014216	-1434	0.83	0.71	0.48	0.12	NA
chr11	789871	790133	CEND1	ENSG00000184524	111	0.37	0.29	0.49	0.08	NA
chr11	6292256	6292693	CCKBR	ENSG00000110148	468	0.93	0.96	0.49	-0.027	NA
chr11	74022428	74022703	P4HA3	ENSG00000149380	104	0.2	1	0.49	-0.8	NA
chr11	89955742	89956358	CHORDC1	ENSG00000110172	148	0.29	0.32	0.49	-0.034	NA
chr11	108368498	108369407	KDEL2	ENSG00000178202	207	0.27	0.32	0.49	-0.05	NA
chr11	118842379	118842933	FOXR1	ENSG00000176302	239	0.82	0.88	0.49	-0.054	NA
chr11	124745909	124746773	ROBO3	ENSG00000154134	324	0.23	0.19	0.49	0.043	NA
chr11	62528903	62529428	POLR2G	ENSG00000168002	149	0.23	0.14	0.5	0.088	NA
chr11	66112251	66112803	BRMS1	ENSG00000174744	-244	0.26	0.31	0.5	-0.053	NA
chr11	66176034	66176649	RP11-867G23.10	ENSG00000254510	-288	0.2	0.15	0.5	0.047	NA
chr11	720561	721369	EPS8L2	ENSG00000177106	359	0.25	0.21	0.51	0.035	NA
chr11	7041072	7041949	ZNF214	ENSG00000149050	-44	0.29	0.22	0.51	0.071	NA
chr11	65666676	65668209	FOSL1	ENSG00000175592	417	0.21	0.23	0.51	-0.019	NA
chr11	73471275	73472483	RP11-707G14.1	ENSG00000256034	271	0.19	0.21	0.51	-0.023	NA
chr11	95656912	95657365	MTMR2	ENSG00000087053	-211	0.33	0.27	0.51	0.051	NA
chr11	621963	622176	CDHR5	ENSG00000099834	-932	0.88	0.92	0.52	-0.045	NA
chr11	9286273	9287091	DENND5A	ENSG00000184014	-48	0.28	0.23	0.52	0.05	NA
chr11	60691785	60692532	TMEM132A	ENSG00000006118	223	0.27	0.23	0.52	0.04	NA
chr11	64490493	64491146	NRXN2	ENSG00000110076	-159	0.57	0.7	0.52	-0.13	NA
chr11	120381877	120382935	GRIK4	ENSG00000149403	-62	0.23	0.2	0.52	0.025	NA
chr11	126081369	126082028	RPUSD4	ENSG00000165526	-174	0.28	0.23	0.52	0.051	NA
chr11	126873091	126873809	AP002833.1	ENSG00000256527	152	0.26	0.22	0.52	0.036	NA
chr11	43380241	43381040	TTC17	ENSG00000052841	158	0.44	0.33	0.53	0.11	NA

chr11	67168616	67169098	PPP1CA	ENSG00000172531	191	0.22	0.18	0.53	0.041	NA
chr11	430814	431775	ANO9	ENSG00000185101	-1181	0.9	0.85	0.54	0.059	NA
chr11	33060699	33061846	TCP11L1	ENSG00000176148	309	0.19	0.16	0.54	0.026	NA
chr11	61684591	61685216	RAB3IL1	ENSG00000167994	94	0.19	0.22	0.54	-0.023	NA
chr11	64329520	64329825	SLC22A11	ENSG00000168065	118	0.5	1	0.54	-0.5	NA
chr11	64884115	64885448	AP003068.12	ENSG00000255173	152	0.2	0.18	0.54	0.022	NA
chr11	73587673	73588102	CHCHD8	ENSG00000181924	-168	0.29	0.38	0.54	-0.086	NA
chr11	32460586	32461004	WT1-AS	ENSG00000183242	879	0.28	0.16	0.55	0.12	NA
chr11	49455935	49456211	RP11-61N20.3	ENSG00000226268	-83	0.99	0.97	0.55	0.022	NA
chr11	62439047	62439803	C11orf48	ENSG00000162194	-339	0.28	0.24	0.55	0.039	NA
chr11	65408344	65408631	SIPA1	ENSG00000213445	188	0.9	0.94	0.55	-0.042	NA
chr11	72353222	72354358	PDE2A	ENSG00000186642	-335	0.26	0.23	0.55	0.034	NA
chr11	87908243	87908614	RAB38	ENSG00000123892	173	0.21	0.17	0.55	0.041	NA
chr11	111895576	111896447	DLAT	ENSG00000150768	-121	0.2	0.25	0.55	-0.047	NA
chr11	46354091	46355190	DGKZ	ENSG00000149091	185	0.18	0.16	0.56	0.027	NA
chr11	60775036	60776307	CD6	ENSG0000013725	-152	0.49	0.52	0.56	-0.03	NA
chr11	72532612	72533774	ATG16L2	ENSG00000168010	260	0.24	0.22	0.56	0.025	NA
chr11	86665901	86666567	FZD4	ENSG00000174804	199	0.23	0.2	0.56	0.023	NA
chr11	119019643	119020887	ABCG4	ENSG00000172350	543	0.21	0.19	0.56	0.021	NA
chr11	460468	460715	PTDSS2	ENSG00000174915	1917	0.94	0.97	0.57	-0.027	NA
chr11	47416357	47416598	RP11-750H9.5	ENSG00000255197	714	0.92	0.89	0.57	0.031	NA
chr11	57194340	57194650	SLC43A3	ENSG00000134802	-77	0.25	0.32	0.57	-0.065	NA
chr11	60681552	60682268	TMEM109	ENSG00000110108	233	0.25	0.31	0.57	-0.055	NA
chr11	66079092	66080920	RP11-867G23.13	ENSG00000254458	-318	0.25	0.27	0.57	-0.023	NA
chr11	107992004	107992731	ACAT1	ENSG00000075239	124	0.17	0.2	0.57	-0.03	NA
chr11	2013333	2013617	AC051649.6	ENSG00000232987	1149	0.85	0.92	0.58	-0.074	NA
chr11	17409452	17409692	KCNJ11	ENSG00000187486	634	0.93	0.85	0.58	0.077	NA
chr11	62420544	62420924	INTS5	ENSG00000185085	40	0.16	0.18	0.58	-0.022	NA
chr11	66494937	66496387	SPTBN2	ENSG00000173898	768	0.23	0.21	0.58	0.018	NA
chr11	69451136	69458596	CCND1	ENSG00000110092	-989	0.24	0.25	0.58	-0.012	NA

chr11	122526278	122527479	UBASH3B	ENSG00000154127	495	0.3	0.27	0.58	0.033	NA
chr11	61734760	61735932	FTH1	ENSG00000167996	-288	0.32	0.29	0.59	0.034	NA
chr11	118401235	118402069	RP11-770J1.3	ENSG00000255435	-368	0.21	0.18	0.59	0.028	NA
chr11	375851	377380	B4GALNT4	ENSG00000182272	1154	0.96	0.95	0.6	0.0069	NA
chr11	8985452	8986507	TMEM9B	ENSG00000175348	-252	0.19	0.21	0.6	-0.024	NA
chr11	11642121	11643819	GALNTL4	ENSG00000110328	335	0.22	0.2	0.6	0.016	NA
chr11	44971048	44972685	TP53I11	ENSG00000175274	-155	0.23	0.21	0.6	0.019	NA
chr11	73693702	73694802	UCP2	ENSG00000175567	-377	0.24	0.21	0.6	0.031	NA
chr11	76777569	76778453	CAPN5	ENSG00000149260	32	0.25	0.23	0.6	0.022	NA
chr11	45825615	45826872	SLC35C1	ENSG00000181830	620	0.27	0.24	0.61	0.025	NA
chr11	47663577	47664331	MTCH2	ENSG00000109919	50	0.18	0.15	0.61	0.031	NA
chr11	57091614	57092831	TNKS1BP1	ENSG00000149115	179	0.25	0.23	0.61	0.021	NA
chr11	63932990	63934070	MACROD1	ENSG00000133315	-283	0.19	0.18	0.61	0.017	NA
chr11	67120856	67121228	POLD4	ENSG00000175482	-81	0.25	0.18	0.61	0.07	NA
chr11	75917271	75917926	WNT11	ENSG00000085741	-22	0.2	0.22	0.61	-0.018	NA
chr11	118972181	118972409	DPAGT1	ENSG00000172269	247	0.16	0.22	0.61	-0.058	NA
chr11	11863272	11864018	USP47	ENSG00000170242	158	0.27	0.23	0.62	0.035	NA
chr11	18720271	18720821	TMEM86A	ENSG00000151117	220	0.22	0.19	0.62	0.033	NA
chr11	19733936	19735320	NAV2	ENSG00000166833	-253	0.21	0.23	0.62	-0.022	NA
chr11	22850765	22851367	SVIP	ENSG00000198168	-147	0.22	0.2	0.62	0.024	NA
chr11	61355038	61355363	RP11-855O10.2	ENSG00000250230	-766	0.31	0.22	0.62	0.094	NA
chr11	65430142	65431079	RELA	ENSG00000173039	-359	0.24	0.22	0.62	0.021	NA
chr11	73881899	73882572	C2CD3	ENSG00000168014	-322	0.35	0.32	0.62	0.029	NA
chr11	85955385	85955590	EED	ENSG00000074266	-99	0.19	0.33	0.62	-0.14	NA
chr11	94501366	94502696	AMOTL1	ENSG00000166025	523	0.21	0.23	0.62	-0.021	NA
chr11	116658411	116658895	ZNF259	ENSG00000109917	-39	0.17	0.2	0.62	-0.027	NA
chr11	910677	911581	CHID1	ENSG00000177830	-338	0.21	0.19	0.63	0.023	NA
chr11	6494725	6495453	TRIM3	ENSG00000110171	-103	0.25	0.35	0.63	-0.1	NA
chr11	61519741	61519972	C11orf9	ENSG00000124920	-258	0.27	0.2	0.63	0.065	NA
chr11	64216411	64216709	AP003774.4	ENSG00000181908	14	0.2	0.26	0.63	-0.053	NA

chr11	64863698	64863980	C11orf2	ENSG00000149823	140	0.29	0.22	0.63	0.067	NA
chr11	68080365	68080931	LRP5	ENSG00000162337	496	0.16	0.18	0.63	-0.022	NA
chr11	120081487	120082345	OAF	ENSG00000184232	-93	0.18	0.2	0.63	-0.013	NA
chr11	67176945	67177169	TBC1D10C	ENSG00000175463	719	0.59	0.64	0.64	-0.049	NA
chr11	93474085	93475075	TAF1D	ENSG00000166012	62	0.22	0.2	0.64	0.022	NA
chr11	130029658	130030262	ST14	ENSG00000149418	237	0.2	0.18	0.64	0.023	NA
chr11	6477603	6478178	TRIM3	ENSG00000110171	-49	0.96	0.94	0.65	0.018	NA
chr11	62521370	62521962	ZBTB3	ENSG00000185670	-35	0.33	0.28	0.65	0.05	NA
chr11	65321225	65321823	LTBP3	ENSG00000168056	-190	0.91	0.89	0.65	0.019	NA
chr11	68039300	68039880	C11orf24	ENSG00000171067	-206	0.26	0.28	0.65	-0.025	NA
chr11	68227860	68228608	PPP6R3	ENSG00000110075	48	0.28	0.24	0.65	0.04	NA
chr11	26353537	26353812	ANO3	ENSG00000134343	6	0.18	0.21	0.66	-0.031	NA
chr11	64009698	64009999	FKBP2	ENSG00000173486	628	0.33	0.12	0.66	0.21	NA
chr11	64739010	64739750	C11orf85	ENSG00000168070	-22	0.42	0.39	0.66	0.031	NA
chr11	45943513	45944852	GYLTL1B	ENSG00000165905	-61	0.21	0.19	0.67	0.014	NA
chr11	134201784	134202407	GLB1L2	ENSG00000149328	233	0.23	0.21	0.67	0.019	NA
chr11	47270234	47270633	ACP2	ENSG00000134575	-80	0.25	0.21	0.68	0.037	NA
chr11	61061751	61063063	VWCE	ENSG00000167992	91	0.34	0.33	0.68	0.018	NA
chr11	62559099	62559555	TMEM223	ENSG00000168569	-112	0.23	0.18	0.68	0.047	NA
chr11	102188179	102188440	BIRC3	ENSG00000023445	94	0.27	0.16	0.68	0.11	NA
chr11	31820060	31821416	PAX6	ENSG00000007372	1456	0.41	0.37	0.69	0.04	NA
chr11	123611898	123612545	ZNF202	ENSG00000166261	101	0.21	0.24	0.69	-0.037	NA
chr11	57479486	57480308	MED19	ENSG00000156603	-224	0.15	0.29	0.7	-0.14	NA
chr11	64794832	64795362	SNX15	ENSG00000110025	217	0.2	0.16	0.7	0.038	NA
chr11	67033675	67034660	ADRBK1	ENSG00000173020	286	0.22	0.21	0.7	0.017	NA
chr11	68451359	68452846	GAL	ENSG00000069482	159	0.32	0.3	0.7	0.018	NA
chr11	108463598	108464103	EXPH5	ENSG00000110723	524	0.29	0.14	0.7	0.15	NA
chr11	123301049	123302149	AP000783.1	ENSG000000254667	541	0.23	0.21	0.7	0.018	NA
chr11	125034243	125034495	RP11-687M24.5	ENSG000000254880	136	0.26	0.36	0.7	-0.093	NA
chr11	31391087	31391498	DCDC1	ENSG00000188682	29	0.18	0.22	0.71	-0.04	NA

chr11	34937328	34938380	PDHX	ENSG00000110435	478	0.24	0.27	0.71	-0.03	NA
chr11	44117117	44117994	EXT2	ENSG00000151348	332	0.24	0.26	0.71	-0.024	NA
chr11	58345673	58347321	LPXN	ENSG00000110031	-804	0.25	0.23	0.71	0.018	NA
chr11	60673597	60674184	PRPF19	ENSG00000110107	123	0.28	0.31	0.71	-0.027	NA
chr11	95522460	95524043	FAM76B	ENSG00000077458	-526	0.24	0.22	0.71	0.02	NA
chr11	120195805	120196372	TMEM136	ENSG00000181264	250	0.29	0.23	0.71	0.066	NA
chr11	46316875	46317485	CREB3L1	ENSG00000157613	503	0.24	0.26	0.72	-0.026	NA
chr11	804827	805608	LRDD	ENSG00000177595	-114	0.18	0.2	0.73	-0.015	NA
chr11	8102358	8102913	TUB	ENSG00000166402	-274	0.24	0.21	0.73	0.03	NA
chr11	34126828	34127573	NAT10	ENSG00000135372	51	0.24	0.21	0.73	0.033	NA
chr11	66405742	66406691	RBM4	ENSG00000173933	128	0.27	0.31	0.73	-0.033	NA
chr11	113660755	113661046	RP11-667M19.6	ENSG00000256167	-140	0.9	1	0.73	-0.095	NA
chr11	119210290	119211658	C1QTNF5	ENSG00000223953	534	0.21	0.2	0.73	0.014	NA
chr11	124981319	124981769	TMEM218	ENSG00000150433	-69	0.33	1	0.73	-0.67	NA
chr11	3078142	3078984	CARS	ENSG00000110619	47	0.26	0.23	0.74	0.026	NA
chr11	3818447	3819307	NUP98	ENSG00000110713	-189	0.18	0.22	0.74	-0.04	NA
chr11	6947520	6948212	ZNF215	ENSG00000149054	231	0.27	0.33	0.74	-0.06	NA
chr11	30040072	30040294	KCNA4	ENSG00000182255	-1613	0.92	1	0.74	-0.083	NA
chr11	33037206	33037917	DEPDC7	ENSG00000121690	151	0.21	0.19	0.74	0.017	NA
chr11	33722142	33722599	C11orf91	ENSG00000205177	-84	0.2	0.23	0.74	-0.025	NA
chr11	43600712	43601409	HSD17B12	ENSG00000149084	15	0.39	0.34	0.74	0.041	NA
chr11	65292571	65292940	SCYL1	ENSG00000142186	172	0.18	0.2	0.74	-0.021	NA
chr11	130416800	130417098	BAK1P2	ENSG00000236616	375	0.96	0.99	0.74	-0.023	NA
chr11	130786111	130786634	SNX19	ENSG00000120451	-33	0.17	0.19	0.74	-0.018	NA
chr11	3612650	3612885	AP006294.2	ENSG00000230851	78	0.97	0.94	0.75	0.032	NA
chr11	6281076	6281307	CCKBR	ENSG00000110148	86	0.18	0.15	0.75	0.033	NA
chr11	8703783	8704616	RPL27A	ENSG00000166441	241	0.33	0.29	0.75	0.037	NA
chr11	62606541	62607120	WDR74	ENSG00000133316	186	0.18	0.15	0.75	0.027	NA
chr11	66458783	66459123	SPTBN2	ENSG00000173898	-1124	0.9	1	0.75	-0.1	NA
chr11	68816341	68816951	TPCN2	ENSG00000162341	296	0.2	0.18	0.75	0.025	NA

chr11	106888323	106890203	GUCY1A2	ENSG00000152402	-386	0.21	0.23	0.75	-0.021	NA
chr11	1592498	1592810	RP13-25N22.1	ENSG00000233930	71	0.23	0.27	0.76	-0.036	NA
chr11	2907308	2907675	CDKN1C	ENSG00000129757	-380	0.18	0.21	0.76	-0.03	NA
chr11	9112461	9113459	SCUBE2	ENSG00000175356	133	0.27	0.29	0.76	-0.019	NA
chr11	22214172	22215320	ANO5	ENSG00000171714	24	0.26	0.28	0.76	-0.019	NA
chr11	66024910	66026253	KLC2	ENSG00000174996	490	0.21	0.2	0.76	0.014	NA
chr11	69632033	69634710	FGF3	ENSG00000186895	421	0.31	0.3	0.76	0.0096	NA
chr11	12398965	12399863	PARVA	ENSG00000197702	304	0.24	0.26	0.77	-0.024	NA
chr11	57434542	57434788	ZDHHC5	ENSG00000156599	-554	0.24	0.2	0.77	0.041	NA
chr11	67055931	67057249	ANKRD13D	ENSG00000172932	572	0.19	0.2	0.77	-0.011	NA
chr11	75110493	75110924	RPS3	ENSG00000149273	178	0.2	0.24	0.77	-0.042	NA
chr11	105892725	105892952	KIAA1826	ENSG00000170903	116	0.24	0.2	0.77	0.033	NA
chr11	800551	800866	LRDD	ENSG00000177595	1378	0.98	0.95	0.78	0.022	NA
chr11	1903078	1903334	LSP1	ENSG00000130592	1299	0.73	0.77	0.78	-0.043	NA
chr11	46406904	46407441	CHRM4	ENSG00000180720	935	0.98	0.96	0.78	0.015	NA
chr11	65325081	65326209	LTBP3	ENSG00000168056	-409	0.22	0.2	0.78	0.013	NA
chr11	67052394	67053110	ADRBK1	ENSG00000173020	1010	0.91	0.92	0.78	-0.018	NA
chr11	47615710	47616055	C1QTNF4	ENSG00000172247	329	0.19	0.14	0.79	0.05	NA
chr11	93517309	93518130	MED17	ENSG00000042429	326	0.22	0.24	0.79	-0.019	NA
chr11	118016237	118016984	SCN4B	ENSG00000177098	-195	0.2	0.18	0.79	0.016	NA
chr11	126870226	126870552	KIRREL3	ENSG00000149571	27	0.2	0.22	0.79	-0.023	NA
chr11	13984066	13986349	SPON1	ENSG00000152268	1023	0.25	0.26	0.8	-0.011	NA
chr11	18548060	18548629	TSG101	ENSG00000074319	24	0.19	0.21	0.8	-0.024	NA
chr11	46867194	46868077	CKAP5	ENSG00000175216	145	0.28	0.26	0.8	0.016	NA
chr11	64018435	64019377	PLCB3	ENSG00000149782	-89	0.2	0.21	0.8	-0.014	NA
chr11	64480199	64481344	NRXN2	ENSG00000110076	-554	0.47	0.49	0.81	-0.011	NA
chr11	66610366	66611267	RCE1	ENSG00000173653	-67	0.26	0.27	0.81	-0.016	NA
chr11	71952112	71952528	PHOX2A	ENSG00000165462	-84	0.27	0.25	0.81	0.018	NA
chr11	85521991	85522285	SYTL2	ENSG00000137501	34	0.16	0.14	0.81	0.02	NA
chr11	119293320	119293943	THY1	ENSG00000154096	251	0.18	0.16	0.81	0.02	NA

chr11	129938936	129940798	APLP2	ENSG00000084234	135	0.22	0.21	0.81	0.0083	NA
chr11	57508730	57509569	C11orf31	ENSG00000211450	324	0.24	0.23	0.82	0.018	NA
chr11	63438301	63439314	ATL3	ENSG00000184743	277	0.28	0.29	0.82	-0.014	NA
chr11	64052607	64053652	GPR137	ENSG00000173264	403	0.2	0.19	0.82	0.01	NA
chr11	64645429	64646566	EHD1	ENSG00000110047	16	0.2	0.21	0.82	-0.011	NA
chr11	65789909	65790168	CATSPER1	ENSG00000175294	-1353	0.24	0.19	0.82	0.041	NA
chr11	71823668	71823975	C11orf51	ENSG00000110200	-89	0.21	0.19	0.82	0.021	NA
chr11	121322538	121323302	SORL1	ENSG00000137642	8	0.18	0.17	0.82	0.011	NA
chr11	134145559	134147180	GLB1L3	ENSG00000166105	-266	0.31	0.29	0.82	0.016	NA
chr11	20181200	20182325	DBX1	ENSG00000109851	108	0.31	0.3	0.83	0.013	NA
chr11	30344536	30344946	C11orf46	ENSG00000152219	143	0.2	0.18	0.83	0.025	NA
chr11	32459422	32459878	WT1-AS	ENSG00000183242	175	0.5	0.25	0.83	0.25	NA
chr11	123172454	123173104	U8	ENSG00000200496	681	0.21	0.22	0.83	-0.015	NA
chr11	23751953	23752361	RP11-945A11.1	ENSG00000255193	23	0.98	0.97	0.84	0.0084	NA
chr11	27384359	27384870	CCDC34	ENSG00000109881	167	0.33	0.1	0.84	0.23	NA
chr11	58672851	58673288	GLYATL1	ENSG00000166840	198	0.5	0.25	0.84	0.25	NA
chr11	63753414	63754454	OTUB1	ENSG00000167770	465	0.31	0.29	0.84	0.017	NA
chr11	66314207	66314455	ACTN3	ENSG00000248746	19	0.4	0.42	0.84	-0.019	NA
chr11	118938193	118938815	VPS11	ENSG00000160695	101	0.19	0.18	0.84	0.016	NA
chr11	1034834	1035146	MUC6	ENSG00000184956	1716	0.23	0.3	0.85	-0.071	NA
chr11	1247830	1248140	MUC5B	ENSG00000117983	-1765	0.93	0.96	0.85	-0.029	NA
chr11	92648683	92649103	EEF1A1P18	ENSG00000255127	1125	0.97	0.98	0.85	-0.0073	NA
chr11	1774588	1775040	CTSD	ENSG00000117984	1362	0.85	1	0.86	-0.15	NA
chr11	36531167	36531915	TRAF6	ENSG00000175104	265	0.18	0.14	0.86	0.037	NA
chr11	47291200	47291858	MADD	ENSG00000110514	306	0.18	0.16	0.86	0.022	NA
chr11	47736739	47737106	AGBL2	ENSG00000165923	-18	0.16	0.17	0.86	-0.013	NA
chr11	49123969	49124178	RP11-107P7.6	ENSG00000254412	-1353	0.83	0.92	0.86	-0.083	NA
chr11	63448704	63449386	RTN3	ENSG00000133318	127	0.27	0.29	0.86	-0.025	NA
chr11	105948097	105948830	KBTD3	ENSG00000182359	-277	0.2	0.22	0.86	-0.022	NA
chr11	64851302	64851828	CDCA5	ENSG00000146670	-197	0.24	0.26	0.87	-0.017	NA

chr11	117103725	117103941	RNF214	ENSG00000167257	381	0.23	0.2	0.87	0.027	NA
chr11	117747102	117747717	FXVD6	ENSG00000137726	-51	0.25	0.28	0.87	-0.033	NA
chr11	235918	237290	SIRT3	ENSG00000142082	-278	0.22	0.22	0.88	0.0057	NA
chr11	925183	926083	AP2A2	ENSG00000183020	-237	0.2	0.19	0.88	0.0093	NA
chr11	10326048	10326590	ADM	ENSG00000148926	92	0.24	0.22	0.88	0.018	NA
chr11	47869793	47870356	NUP160	ENSG0000030066	-209	0.36	0.34	0.88	0.028	NA
chr11	64036875	64037974	GPR137	ENSG00000173264	-110	0.23	0.22	0.88	0.0091	NA
chr11	64084646	64086057	TRMT112	ENSG00000173113	-538	0.32	0.33	0.88	-0.016	NA
chr11	109963240	109964677	ZC3H12C	ENSG00000149289	-129	0.25	0.24	0.88	0.0085	NA
chr11	124543384	124544046	SPA17	ENSG00000064199	21	0.21	0.2	0.88	0.011	NA
chr11	489247	490115	PTDSS2	ENSG00000174915	331	0.94	0.93	0.89	0.0067	NA
chr11	47573911	47574899	CELF1	ENSG00000149187	264	0.18	0.17	0.89	0.0092	NA
chr11	75062224	75062977	ARRB1	ENSG00000137486	104	0.27	0.25	0.89	0.02	NA
chr11	72408050	72408513	ARAP1	ENSG00000186635	-215	0.84	0.88	0.9	-0.035	NA
chr11	75294067	75294815	CTD-2530H12.4	ENSG00000255326	200	0.25	0.27	0.9	-0.013	NA
chr11	100998030	100999774	PGR	ENSG00000082175	899	0.21	0.22	0.9	-0.0058	NA
chr11	107328441	107328691	CWF19L2	ENSG00000152404	4	0.37	0.33	0.9	0.036	NA
chr11	107879500	107880398	CUL5	ENSG00000166266	303	0.23	0.24	0.9	-0.0097	NA
chr11	45168618	45169101	PRDM11	ENSG00000019485	-35	0.23	0.21	0.91	0.014	NA
chr11	46389074	46389378	DGKZ	ENSG00000149091	24	0.63	0.59	0.91	0.042	NA
chr11	67350928	67351953	GSTP1	ENSG00000084207	374	0.25	0.25	0.91	0.0076	NA
chr11	43602545	43603215	MIR129-2	ENSG00000199077	-64	0.23	0.21	0.92	0.017	NA
chr11	60701682	60702219	TMEM132A	ENSG00000006118	140	0.94	0.93	0.92	0.011	NA
chr11	66313169	66313822	ZDHHC24	ENSG00000174165	-18	0.15	0.16	0.92	-0.0086	NA
chr11	17297779	17298694	NUCB2	ENSG00000070081	-42	0.22	0.23	0.93	-0.0098	NA
chr11	46387905	46388535	DGKZ	ENSG00000149091	-645	0.94	0.95	0.93	-0.011	NA
chr11	59436201	59437232	PATL1	ENSG00000166889	-263	0.28	0.27	0.93	0.0073	NA
chr11	61658569	61659592	FADS3	ENSG00000221968	-227	0.23	0.24	0.93	-0.008	NA
chr11	10327013	10329831	AMPD3	ENSG00000133805	-1438	0.23	0.23	0.94	0.0051	NA
chr11	33795392	33796319	FBXO3	ENSG00000110429	5	0.3	0.29	0.94	0.012	NA

chr11	71524539	71524853	CTD-2313N18.5	ENSG00000248671	195	0.2	0.22	0.94	-0.019	NA
chr11	72525005	72526098	ATG16L2	ENSG00000168010	198	0.21	0.21	0.94	-0.0058	NA
chr11	16626053	16629180	SOX6	ENSG00000110693	-78	0.25	0.25	0.95	0.0029	NA
chr11	64692060	64692496	PPP2R5B	ENSG00000068971	135	0.17	0.16	0.95	0.0053	NA
chr11	64889136	64889931	FAU	ENSG00000149806	-240	0.2	0.18	0.95	0.019	NA
chr11	128760441	128761233	KCNJ5	ENSG00000120457	-414	0.17	0.18	0.95	-0.0076	NA
chr11	416419	417650	SIGIRR	ENSG00000185187	291	0.28	0.27	0.96	0.01	NA
chr11	617226	617797	IRF7	ENSG00000185507	-1512	0.97	0.98	0.96	-0.0082	NA
chr11	60282783	60283045	MS4A13	ENSG00000204979	28	0.98	0.96	0.96	0.017	NA
chr11	65264957	65265398	MALAT1	ENSG00000251562	-56	0.33	0.31	0.96	0.019	NA
chr11	66045211	66045708	CNIH2	ENSG00000174871	-202	0.23	0.21	0.96	0.015	NA
chr11	66444997	66445471	RBM4B	ENSG00000173914	-15	0.21	0.2	0.96	0.0098	NA
chr11	82612259	82612844	PRCP	ENSG00000137509	24	0.29	0.31	0.96	-0.016	NA
chr11	82867960	82868560	PCF11	ENSG00000165494	230	0.3	0.28	0.96	0.019	NA
chr11	113929633	113932190	ZBTB16	ENSG00000109906	596	0.24	0.24	0.96	0.0026	NA
chr11	122932173	122933803	HSPA8	ENSG00000109971	-797	0.2	0.19	0.96	0.0055	NA
chr11	129306659	129306882	BARX2	ENSG00000043039	701	0.95	0.9	0.96	0.052	NA
chr11	3186131	3186768	OSBPL5	ENSG00000021762	54	0.21	0.2	0.97	0.0079	NA
chr11	45921387	45922167	MAPK8IP1	ENSG00000121653	68	0.25	0.24	0.97	0.01	NA
chr11	65601069	65601551	SNX32	ENSG00000172803	198	0.18	0.18	0.97	-0.0044	NA
chr11	67806251	67806611	TCIRG1	ENSG00000110719	-52	0.18	0.19	0.98	-0.0088	NA
chr11	76890783	76890986	MYO7A	ENSG00000137474	13	0.98	0.96	0.98	0.018	NA
chr11	134582296	134582581	RP11-469N6.2	ENSG00000255344	-1998	0.94	1	0.98	-0.059	NA
chr11	809202	810509	LRDD	ENSG00000177595	-356	0.21	0.21	0.99	0.0071	NA
chr11	9685520	9686050	SWAP70	ENSG00000133789	161	0.22	0.24	0.99	-0.015	NA
chr11	47399788	47400006	SPI1	ENSG00000066336	45	0.81	0.84	0.99	-0.027	NA
chr11	47429733	47430346	SLC39A13	ENSG00000165915	-96	0.19	0.18	0.99	0.0051	NA
chr11	86085693	86086006	CCDC81	ENSG00000149201	71	0.27	0.27	0.99	0.0069	NA
chr11	133994709	133995090	PTP4A2P2	ENSG00000254481	-675	0.33	0.36	0.99	-0.025	NA
chr11	459088	459345	PTDSS2	ENSG00000174915	542	1	0.8	1	0.2	NA

chr11	1312846	1313129	TOLLIP	ENSG00000078902	413	1	1	1	0	NA
chr11	2187488	2188245	TH	ENSG00000180176	138	0.25	0.26	1	-0.009	NA
chr11	2417650	2417993	CD81	ENSG00000110651	278	0.91	0.92	1	-0.0089	NA
chr11	2942794	2943066	SLC22A18	ENSG00000110628	-268	1	0.89	1	0.11	NA
chr11	3141642	3141877	OSBPL5	ENSG00000021762	-542	0.97	0.97	1	0.0029	NA
chr11	3181574	3182120	OSBPL5	ENSG00000021762	776	1	1	1	0	NA
chr11	3254239	3254476	MRGPRE	ENSG00000184350	-741	0.97	1	1	-0.026	NA
chr11	6291338	6291558	CCKBR	ENSG00000110148	-558	1	1	1	0	NA
chr11	6632879	6633787	TAF10	ENSG00000166337	-154	0.23	0.23	1	0.0046	NA
chr11	8009047	8009251	EIF3F	ENSG00000175390	246	0.11	0.05	1	0.058	NA
chr11	8284102	8285032	LMO1	ENSG00000166407	368	0.22	0.2	1	0.023	NA
chr11	10316232	10316469	SBF2	ENSG00000133812	-596	0.31	0.35	1	-0.046	NA
chr11	17374928	17375422	RP1-239B22.1	ENSG00000188211	1729	0.25	0.2	1	0.054	NA
chr11	17497463	17498626	ABCC8	ENSG00000006071	310	0.19	0.2	1	-0.0017	NA
chr11	17717505	17717767	RP11-358H18.2	ENSG00000255335	851	0.32	0.35	1	-0.022	NA
chr11	18127296	18127711	SAAL1	ENSG00000166788	63	0.25	0.25	1	-0.0005	NA
chr11	18210884	18211205	AC090099.2	ENSG00000224002	-3	0.96	1	1	-0.044	NA
chr11	19261912	19262156	E2F8	ENSG00000129173	417	0.21	0.21	1	0.0043	NA
chr11	20385161	20385673	HTATIP2	ENSG00000109854	186	0.21	0.21	1	0.0072	NA
chr11	23426952	23427349	RP11-787P24.1	ENSG00000255293	1799	1	0.99	1	0.01	NA
chr11	24518224	24518738	LUZP2	ENSG00000187398	-35	0.2	0.2	1	0.00072	NA
chr11	28131863	28132221	METTL15	ENSG00000169519	180	0.16	0.17	1	-0.014	NA
chr11	32112394	32113277	RCN1	ENSG00000049449	385	0.26	0.26	1	-0.0016	NA
chr11	32605183	32605729	EIF3M	ENSG00000149100	112	0.23	0.22	1	0.0098	NA
chr11	33182987	33183264	CSTF3	ENSG00000176102	-119	0.15	0.15	1	-0.0035	NA
chr11	33757476	33758122	CD59	ENSG00000085063	155	0.22	0.22	1	0.0022	NA
chr11	45307441	45307975	SYT13	ENSG00000019505	-233	0.19	0.19	1	-0.0054	NA
chr11	45939296	45940141	PEX16	ENSG00000121680	-342	0.23	0.23	1	-0.0012	NA
chr11	46366876	46367101	DGKZ	ENSG00000149091	35	0.8	0.8	1	-0.0019	NA
chr11	46615197	46615664	AMBRA1	ENSG00000110497	68	0.24	0.23	1	0.003	NA

chr11	47236404	47236933	DDB2	ENSG00000134574	175	0.21	0.23	1	-0.021	NA
chr11	48901697	48901915	RP11-56P9.5	ENSG00000255551	143	1	0.93	1	0.072	NA
chr11	49872066	49872440	RP11-163O19.1	ENSG00000254714	72	0.96	1	1	-0.04	NA
chr11	57520333	57520753	CTNND1	ENSG00000198561	-172	0.96	0.97	1	-0.015	NA
chr11	58940830	58941052	DTX4	ENSG00000110042	976	0.2	0.19	1	0.007	NA
chr11	62358813	62359674	TUT1	ENSG00000149016	-248	0.22	0.22	1	0.0014	NA
chr11	62379638	62380556	EML3	ENSG00000149499	-345	0.25	0.25	1	0.00085	NA
chr11	62389337	62389791	B3GAT3	ENSG00000149541	-108	0.32	0.32	1	-0.0055	NA
chr11	62476770	62477481	BSCL2	ENSG00000168000	-333	0.19	0.2	1	-0.0012	NA
chr11	63258378	63258804	HRASLS5	ENSG00000168004	-180	1	0.5	1	0.5	NA
chr11	63803375	63804365	RP11-21A7A.2	ENSG00000256824	428	0.19	0.2	1	-0.004	NA
chr11	64038964	64039306	BAD	ENSG00000002330	205	0.31	0.32	1	-0.0091	NA
chr11	64055167	64055388	GPR137	ENSG00000173264	-278	0.89	0.91	1	-0.02	NA
chr11	64126430	64126960	RPS6KA4	ENSG00000162302	75	0.23	0.24	1	-0.0077	NA
chr11	64405451	64406006	NRXN2	ENSG00000110076	-811	0.26	0.23	1	0.033	NA
chr11	64478843	64479598	NRXN2	ENSG00000110076	997	0.22	0.21	1	0.0082	NA
chr11	64684599	64684826	ATG2A	ENSG00000110046	-34	0.25	0.2	1	0.053	NA
chr11	65343329	65343849	EHBP1L1	ENSG00000173442	80	0.24	0.24	1	-0.0015	NA
chr11	65381582	65381872	MAP3K11	ENSG00000173327	-20	0.24	0.24	1	0.00012	NA
chr11	65487660	65488348	RNASEH2C	ENSG00000172922	-65	0.18	0.18	1	-0.0007	NA
chr11	65639835	65641374	EFEMP2	ENSG00000172638	-479	0.3	0.3	1	0.0018	NA
chr11	66034751	66035054	RP11-867G23.2	ENSG00000254762	698	0.23	0.24	1	-0.012	NA
chr11	66049750	66050229	CNIH2	ENSG00000174871	-76	0.23	0.33	1	-0.1	NA
chr11	66188130	66189397	NPAS4	ENSG00000174576	288	0.23	0.23	1	0.0037	NA
chr11	66247269	66248249	DPP3	ENSG00000254986	275	0.29	0.29	1	0.0039	NA
chr11	66326639	66326840	CTD-3074O7.2	ENSG00000250105	1116	0.33	0.29	1	0.047	NA
chr11	66360097	66360834	CCS	ENSG00000173992	173	0.33	0.34	1	-0.0031	NA
chr11	66529656	66529896	RP11-658F2.3	ENSG00000213409	94	1	0.98	1	0.024	NA
chr11	67166292	67166522	PPP1CA	ENSG00000172531	670	0.75	1	1	-0.25	NA
chr11	67572486	67573851	RP11-119D9.2	ENSG00000160172	-384	0.23	0.23	1	-0.0013	NA

chr11	67764918	67765256	UNC93B1	ENSG00000110057	1577	1	1	1	0	NA
chr11	67895786	67896104	CTD-2655K5.1	ENSG00000255236	-1320	0.22	0.21	1	0.0052	NA
chr11	68178918	68179162	LRP5	ENSG00000162337	1543	0.95	0.96	1	-0.0019	NA
chr11	68216289	68216547	LRP5	ENSG00000162337	1969	1	1	1	0	NA
chr11	71814203	71814529	LAMTOR1	ENSG00000149357	-84	0.23	0.23	1	0.0063	NA
chr11	71950815	71951408	PHOX2A	ENSG00000165462	1125	0.22	0.21	1	0.014	NA
chr11	72465884	72466209	STARD10-AS1	ENSG00000255709	-328	0.92	0.91	1	0.0057	NA
chr11	75277366	75278032	SERPINH1	ENSG00000149257	-1128	0.89	0.88	1	0.0053	NA
chr11	76813889	76814339	OMP	ENSG00000254550	228	1	0.88	1	0.12	NA
chr11	77524642	77524844	AP000580.1	ENSG00000219529	-21	0.97	1	1	-0.03	NA
chr11	78614205	78614597	ODZ4	ENSG00000149256	530	0.96	0.97	1	-0.0069	NA
chr11	82400585	82400858	RP11-742N3.1	ENSG00000227097	120	0.99	0.98	1	0.011	NA
chr11	85645714	85646191	RP11-878E11.1	ENSG00000254479	172	0.67	0.65	1	0.018	NA
chr11	85955808	85956517	EED	ENSG00000074266	347	0.27	0.29	1	-0.015	NA
chr11	86748660	86749093	TMEM135	ENSG00000166575	-10	0.19	0.17	1	0.023	NA
chr11	89463449	89463690	RP11-313I2.5	ENSG00000255540	-616	1	0.97	1	0.03	NA
chr11	92615835	92616668	FAT3	ENSG00000165323	-214	0.98	0.99	1	-0.0031	NA
chr11	93394678	93395273	KIAA1731	ENSG00000166004	170	0.21	0.2	1	0.0034	NA
chr11	93861560	93862773	PANX1	ENSG00000110218	72	0.38	0.38	1	0.0028	NA
chr11	94473535	94474338	RP11-867G2.8	ENSG00000255929	-415	0.22	0.22	1	0.0011	NA
chr11	103907405	103907990	PDGFD	ENSG00000170962	57	0.98	0.97	1	0.01	NA
chr11	104034536	104035058	PDGFD	ENSG00000170962	38	0.27	0.28	1	-0.006	NA
chr11	107728949	107729586	SLC35F2	ENSG00000110660	20	0.23	0.23	1	-0.0039	NA
chr11	108093211	108093969	ATM	ENSG00000149311	379	0.17	0.21	1	-0.047	NA
chr11	111797551	111798030	DIXDC1	ENSG00000150764	-78	0.18	0.16	1	0.017	NA
chr11	111847927	111848401	DIXDC1	ENSG00000150764	131	0.21	0.2	1	0.008	NA
chr11	111957352	111957681	TIMM8B	ENSG00000150779	-70	0.33	0.25	1	0.083	NA
chr11	112160815	112161201	RP11-356J5.12	ENSG00000250303	84	0.29	0.28	1	0.0025	NA
chr11	113745816	113746693	USP28	ENSG00000048028	-36	0.23	0.23	1	-0.0036	NA
chr11	116706481	116706910	AP006216.12	ENSG00000235910	-138	0.21	0.21	1	0.0013	NA

chr11	118230164	118230368	UBE4A	ENSG00000110344	-34	0.75	0.77	1	-0.019	NA
chr11	118443087	118443631	ARCN1	ENSG00000095139	254	0.24	0.23	1	0.0092	NA
chr11	120110497	120110719	POU2F3	ENSG00000137709	-295	0.17	0.12	1	0.047	NA
chr11	125495233	125495866	CHEK1	ENSG00000149554	-11	0.33	0.28	1	0.055	NA
chr11	125774292	125774584	DDX25	ENSG00000109832	34	0.22	0.24	1	-0.01	NA
chr11	133734701	133735164	RP11-259P6.3	ENSG00000213153	590	0.98	1	1	-0.015	NA
chr11	134122762	134122981	THYN1	ENSG00000151500	271	0.2	0.2	1	0	NA
chr11	134336292	134336502	RP11-627G23.1	ENSG00000255545	318	0.29	0.31	1	-0.029	NA
chr11	471871	472145	PTDSS2	ENSG00000174915	-1912	1	NA	NA	NA	NA
chr11	910242	910500	CHID1	ENSG00000177830	420	NA	0.38	NA	NA	NA
chr11	1010479	1010753	AP2A2	ENSG00000183020	1261	1	NA	NA	NA	NA
chr11	1033084	1033356	MUC6	ENSG00000184956	-11	0.83	NA	NA	NA	NA
chr11	1430939	1431834	BRSK2	ENSG00000174672	397	0.56	NA	NA	NA	NA
chr11	1977523	1977765	MRPL23	ENSG00000214026	837	0.79	NA	NA	NA	NA
chr11	2965785	2966102	AC131971.3	ENSG00000224636	275	0.92	NA	NA	NA	NA
chr11	8190226	8190671	RIC3	ENSG00000166405	88	0.15	NA	NA	NA	NA
chr11	17249822	17250033	RP11-452G18.2	ENSG00000197149	101	0.97	NA	NA	NA	NA
chr11	27742059	27742273	BDNF	ENSG00000176697	104	0.75	NA	NA	NA	NA
chr11	44332314	44332757	ALX4	ENSG00000052850	-819	NA	NA	NA	NA	NA
chr11	46396983	46397186	DGKZ	ENSG00000149091	510	1	NA	NA	NA	NA
chr11	57414400	57414664	AP000662.4	ENSG00000254602	173	NA	0.19	NA	NA	NA
chr11	62690974	62691488	CHRM1	ENSG00000168539	-1952	0.33	NA	NA	NA	NA
chr11	63679403	63679638	RCOR2	ENSG00000167771	259	NA	1	NA	NA	NA
chr11	63887355	63887600	RP11-21A7A.3	ENSG00000256341	-795	0.81	NA	NA	NA	NA
chr11	67432755	67433051	ALDH3B2	ENSG00000132746	-131	1	NA	NA	NA	NA
chr11	67789044	67789339	ALDH3B1	ENSG00000006534	-121	1	NA	NA	NA	NA
chr11	74204135	74204856	LIPT2	ENSG00000175536	-135	0.29	NA	NA	NA	NA
chr11	75922169	75922376	WNT11	ENSG00000085741	-469	NA	0.69	NA	NA	NA
chr11	77446042	77446274	FTH1P16	ENSG00000227376	-87	NA	1	NA	NA	NA
chr11	78285405	78285995	NARS2	ENSG00000137513	-137	1	NA	NA	NA	NA

chr11	88070501	88071042	CTSC	ENSG00000109861	69	NA	0.31	NA	NA	NA
chr11	89713070	89713801	RP11-529A4.7	ENSG00000255305	1727	1	NA	NA	NA	NA
chr11	89786602	89786956	RP11-529A4.12	ENSG00000254916	125	0.8	NA	NA	NA	NA
chr11	93063598	93064076	CCDC67	ENSG00000165325	69	NA	0.12	NA	NA	NA
chr11	94245546	94245891	RP11-867G2.2	ENSG00000257057	-29	0.5	NA	NA	NA	NA
chr11	105481126	105481422	GRIA4	ENSG00000152578	-125	NA	0.17	NA	NA	NA
chr11	116691949	116692360	APOA4	ENSG00000110244	1868	0.87	NA	NA	NA	NA
chr12	54387825	54388732	HOXC9	ENSG00000180806	-401	0.47	0.17	1.20E-09	0.29	NA
chr12	101801047	101802153	ARL1	ENSG00000120805	-361	0.33	0.14	1.20E-08	0.19	NA
chr12	56329518	56329790	DGKA	ENSG00000065357	36	0.86	0.32	1.70E-08	0.54	NA
chr12	101109863	101111622	ANO4	ENSG00000151572	-562	0.52	0.19	1.80E-08	0.33	NA
chr12	96350518	96350721	AMDHD1	ENSG00000139344	200	0.83	0.35	3.90E-08	0.48	NA
chr12	3067960	3069444	TEAD4	ENSG00000197905	206	0.28	0.15	4.40E-08	0.13	NA
chr12	52473350	52474178	RP1-288H2.1	ENSG00000257542	284	0.93	0.77	5.50E-08	0.16	NA
chr12	94541727	94544000	PLXNC1	ENSG00000136040	364	0.29	0.14	5.60E-08	0.15	NA
chr12	42982832	42983881	PRICKLE1	ENSG00000139174	122	0.33	0.12	7.30E-08	0.21	NA
chr12	65514878	65515863	WIF1	ENSG00000156076	-24	0.6	0.34	1.20E-07	0.26	NA
chr12	132862586	132862956	GALNT9	ENSG00000182870	286	0.96	0.5	1.70E-07	0.46	NA
chr12	133812403	133813102	AC226150.2	ENSG00000227059	-338	0.76	0.55	2.10E-07	0.21	NA
chr12	96252020	96252246	RP11-536G4.2	ENSG00000258343	338	0.65	0.13	2.30E-07	0.51	NA
chr12	50361367	50361652	AQP6	ENSG00000086159	487	1	0.2	2.50E-07	0.8	NA
chr12	81471569	81472119	ACSS3	ENSG00000111058	8	0.5	0.23	2.80E-07	0.27	NA
chr12	51157498	51158842	ATF1	ENSG00000123268	309	0.29	0.11	3.70E-07	0.17	NA
chr12	124456573	124458728	CCDC92	ENSG00000119242	-1052	0.35	0.21	4.10E-07	0.13	NA
chr12	120554162	120555224	RAB35	ENSG00000111737	-153	0.33	0.18	4.20E-07	0.14	NA
chr12	96183873	96185199	NTN4	ENSG00000074527	-449	0.24	0.12	5.90E-07	0.12	NA
chr12	109490238	109490673	USP30	ENSG00000135093	64	0.38	0.13	8.10E-07	0.25	NA
chr12	117627650	117628488	FBXO21	ENSG00000135108	22	0.33	0.18	9.10E-07	0.15	NA
chr12	96883286	96883737	C12orf63	ENSG00000188596	126	0.39	0.14	9.20E-07	0.24	NA
chr12	5603587	5603990	NTF3	ENSG00000185652	490	0.88	0.55	1.50E-06	0.33	NA

chr12	1099557	1100785	ERC1	ENSG00000082805	496	0.18	0.46	1.90E-06	-0.28	NA
chr12	133337981	133338989	ANKLE2	ENSG00000176915	-86	0.31	0.15	2.80E-06	0.16	NA
chr12	131647814	131648375	RP11-638F5.1	ENSG00000204603	-1462	0.92	0.73	3.60E-06	0.19	NA
chr12	124118097	124118479	EIF2B1	ENSG00000111361	-137	0.58	0.23	4.10E-06	0.35	NA
chr12	48723323	48723876	H1FNT	ENSG00000187166	836	0.95	0.78	5.20E-06	0.16	NA
chr12	104323017	104324811	HSP90B1	ENSG00000166598	29	0.42	0.19	5.20E-06	0.23	NA
chr12	48399168	48399372	COL2A1	ENSG00000139219	-1001	0.64	0.29	5.80E-06	0.35	NA
chr12	49760221	49761127	SPATS2	ENSG00000123352	307	0.27	0.15	8.60E-06	0.12	NA
chr12	6472660	6473322	SCNN1A	ENSG00000111319	-200	0.68	0.46	1.20E-05	0.22	NA
chr12	9066946	9067480	PHC1	ENSG00000111752	64	0.51	0.18	1.20E-05	0.33	NA
chr12	24714956	24716243	RP11-444D3.1	ENSG00000255864	-283	0.35	0.19	1.20E-05	0.16	NA
chr12	49729728	49731162	C1QL4	ENSG00000186897	526	0.52	0.32	1.30E-05	0.2	NA
chr12	54360374	54360660	HOTAIR	ENSG00000228630	-103	0.99	0.7	1.60E-05	0.29	NA
chr12	96793191	96794530	CDK17	ENSG00000059758	-8	0.24	0.14	2.10E-05	0.096	NA
chr12	123634826	123636176	PITPNM2	ENSG00000090975	-939	0.27	0.15	2.10E-05	0.12	NA
chr12	117316389	117317611	HRK	ENSG00000135116	422	0.44	0.25	2.30E-05	0.19	NA
chr12	128751041	128753151	TMEM132C	ENSG00000181234	148	0.31	0.16	2.90E-05	0.15	NA
chr12	99139386	99139769	ANKS1B	ENSG00000185046	40	0.98	0.62	3.50E-05	0.36	NA
chr12	13197238	13197781	KIAA1467	ENSG00000084444	194	0.27	0.12	3.60E-05	0.14	NA
chr12	120806251	120807026	MSI1	ENSG00000135097	345	0.49	0.24	3.80E-05	0.25	NA
chr12	132413338	132414801	PUS1	ENSG00000177192	324	0.34	0.19	3.90E-05	0.15	NA
chr12	127210778	127211651	RP11-173C20.1	ENSG00000189238	398	0.34	0.19	4.60E-05	0.16	NA
chr12	81102034	81102716	MYF6	ENSG00000111046	1098	0.8	0.58	4.70E-05	0.22	NA
chr12	133136392	133137480	FBRSL1	ENSG00000112787	307	0.41	0.21	6.20E-05	0.2	NA
chr12	48153329	48153551	RAPGEF3	ENSG00000079337	-579	0.74	0.27	6.50E-05	0.47	NA
chr12	53591254	53591767	ITGB7	ENSG00000139626	-17	0.26	0.44	6.70E-05	-0.18	NA
chr12	44229710	44230164	TMEM117	ENSG00000139173	167	0.26	0.14	7.30E-05	0.12	NA
chr12	130387609	130389139	TMEM132D	ENSG00000151952	-163	0.31	0.19	7.40E-05	0.12	NA
chr12	133463807	133464858	CHFR	ENSG00000072609	-224	0.41	0.2	8.10E-05	0.21	NA
chr12	56472792	56474393	ERBB3	ENSG00000065361	-49	0.33	0.2	8.50E-05	0.13	NA

chr12	95610834	95611997	FGD6	ENSG00000180263	-260	0.28	0.16	8.90E-05	0.12	NA
chr12	56122017	56123186	CD63	ENSG00000135404	-468	0.42	0.22	0.00011	0.2	NA
chr12	127630511	127631199	RP11-575F12.2	ENSG00000256001	-321	0.33	0.21	0.00011	0.12	NA
chr12	6664425	6665336	IFFO1	ENSG00000010295	349	0.29	0.15	0.00012	0.14	NA
chr12	56881401	56882702	GLS2	ENSG00000135423	-149	0.39	0.24	0.00012	0.15	NA
chr12	95043551	95044312	TMCC3	ENSG00000057704	407	0.32	0.19	0.00012	0.14	NA
chr12	46120726	46124104	ARID2	ENSG00000189079	-1033	0.25	0.18	0.00013	0.078	NA
chr12	56320739	56321628	WIBG	ENSG00000170473	-288	0.36	0.16	0.00013	0.21	NA
chr12	49371690	49375550	WNT1	ENSG00000125084	1222	0.29	0.2	0.00014	0.087	NA
chr12	123873794	123874597	SETD8	ENSG00000183955	377	0.38	0.15	0.00014	0.24	NA
chr12	132434352	132435241	EP400	ENSG00000183495	291	0.27	0.15	0.00015	0.12	NA
chr12	50451197	50451943	ACCN2	ENSG00000110881	239	0.4	0.16	0.00017	0.24	NA
chr12	49688873	49691360	PRPH	ENSG00000135406	971	0.22	0.32	2.00E-04	-0.1	NA
chr12	54423427	54423712	HOXC6	ENSG00000197757	1427	0.53	0.26	2.00E-04	0.27	NA
chr12	85673878	85674700	ALX1	ENSG00000180318	404	0.32	0.14	2.00E-04	0.18	NA
chr12	93834935	93836089	UBE2N	ENSG00000177889	-480	0.33	0.19	0.00022	0.14	NA
chr12	53574025	53575150	CSAD	ENSG00000139631	-207	0.35	0.18	0.00023	0.17	NA
chr12	109124224	109125964	CORO1C	ENSG00000110880	-767	0.27	0.14	0.00025	0.13	NA
chr12	120632222	120632784	GCN1L1	ENSG00000089154	10	0.46	0.18	0.00027	0.28	NA
chr12	123444211	123444565	ABCB9	ENSG00000150967	-54	1	0.72	0.00028	0.28	NA
chr12	50898621	50899164	DIP2B	ENSG00000066084	124	0.37	0.19	0.00029	0.18	NA
chr12	129337870	129338653	GLT1D1	ENSG00000151948	289	0.31	0.16	0.00029	0.14	NA
chr12	111806559	111807060	FAM109A	ENSG00000198324	17	0.37	0.17	0.00032	0.19	NA
chr12	48213109	48214188	HDAC7	ENSG00000061273	-80	0.41	0.22	0.00034	0.19	NA
chr12	123319750	123321043	HIP1R	ENSG00000130787	423	0.42	0.24	0.00034	0.18	NA
chr12	58290232	58290466	RP11-620J15.2	ENSG00000245651	-84	0.09	0.41	0.00038	-0.32	NA
chr12	113590806	113591304	CCDC42B	ENSG00000186710	20	0.32	0.13	0.00039	0.19	NA
chr12	50236638	50236975	BCDIN3D	ENSG00000186666	71	0.38	0.16	4.00E-04	0.22	NA
chr12	100594486	100594799	ACTR6	ENSG00000075089	53	0.3	0.12	0.00043	0.18	NA
chr12	31079243	31079878	TSPAN11	ENSG00000110900	198	0.28	0.12	0.00049	0.15	NA

chr12	132145704	132146810	5S_rRNA	ENSG00000212154	649	0.36	0.7	0.00049	-0.33	NA
chr12	54981933	54982591	PPP1R1A	ENSG00000135447	37	0.51	0.22	0.00056	0.29	NA
chr12	95941906	95942979	USP44	ENSG00000136014	-394	0.28	0.18	0.00057	0.1	NA
chr12	13153421	13153749	RP11-377D9.3	ENSG00000255621	200	0.14	0.5	0.00058	-0.36	NA
chr12	64061836	64062774	DPY19L2	ENSG00000177990	10	0.28	0.15	0.00058	0.13	NA
chr12	126675561	126676195	RP4-765H13.1	ENSG00000255778	-46	0.84	0.53	0.00067	0.3	NA
chr12	3475010	3475654	RP11-476M19.2	ENSG00000257048	-1667	0.23	0.11	0.00072	0.12	NA
chr12	49183049	49183282	RP11-579D7.4	ENSG00000257660	-194	0.32	1	0.00079	-0.68	NA
chr12	57914385	57914820	MBD6	ENSG00000166987	109	0.57	0.23	0.00085	0.33	NA
chr12	93322342	93323498	EEA1	ENSG00000102189	118	0.26	0.14	0.00092	0.12	NA
chr12	32259249	32260165	BICD1	ENSG00000151746	-62	0.29	0.15	0.00096	0.14	NA
chr12	106751416	106751965	POLR3B	ENSG0000013503	254	0.32	0.18	0.0011	0.14	NA
chr12	123380333	123380894	VPS37B	ENSG00000139722	61	0.3	0.11	0.0011	0.19	NA
chr12	12419679	12420541	LRP6	ENSG00000070018	-407	0.28	0.15	0.0012	0.13	NA
chr12	16034931	16035836	EPS8	ENSG00000151491	-120	0.33	0.19	0.0012	0.14	NA
chr12	186863	187610	IQSEC3	ENSG00000120645	694	0.31	0.18	0.0013	0.13	NA
chr12	53894450	53895313	TARBP2	ENSG00000139546	176	0.36	0.2	0.0013	0.15	NA
chr12	71833192	71834389	LGR5	ENSG00000139292	240	0.16	0.29	0.0013	-0.13	NA
chr12	96429014	96429509	LTA4H	ENSG00000111144	45	0.33	0.12	0.0013	0.21	NA
chr12	130645327	130648988	RP11-143E21.7	ENSG00000250208	-934	0.29	0.24	0.0013	0.057	NA
chr12	51236633	51236924	TMPRSS12	ENSG00000186452	75	0.91	0.53	0.0014	0.38	NA
chr12	80083531	80085154	PAWR	ENSG00000177425	-532	0.28	0.19	0.0016	0.091	NA
chr12	56401083	56401506	IKZF4	ENSG00000123411	-149	0.35	0.08	0.0017	0.26	NA
chr12	56842846	56843255	TIMELESS	ENSG00000111602	150	0.23	0.13	0.0017	0.1	NA
chr12	108908702	108909475	FICD	ENSG00000198855	126	0.27	0.14	0.0017	0.13	NA
chr12	42876654	42878193	PRICKLE1	ENSG00000139174	-549	0.27	0.16	0.0018	0.11	NA
chr12	49412299	49412756	PRKAG1	ENSG00000181929	-1	0.27	0.5	0.0018	-0.23	NA
chr12	89745168	89748144	DUSP6	ENSG00000139318	-1297	0.31	0.23	0.0018	0.087	NA
chr12	11802752	11802983	ETV6	ENSG00000139083	79	0.37	0.1	0.0019	0.27	NA
chr12	30907359	30908245	CAPRN2	ENSG00000110888	-354	0.3	0.18	0.002	0.12	NA

chr12	49212162	49212642	CACNB3	ENSG00000167535	233	0.33	0.17	0.0021	0.16	NA
chr12	69863994	69864473	FRS2	ENSG00000166225	104	0.39	0.18	0.0021	0.21	NA
chr12	3947922	3948620	AC006207.1	ENSG00000118976	-354	0.95	0.85	0.0022	0.1	NA
chr12	125549672	125550311	AACS	ENSG00000081760	66	0.26	0.12	0.0023	0.14	NA
chr12	89919012	89919904	POC1B	ENSG00000139323	-266	0.26	0.18	0.0024	0.081	NA
chr12	40498962	40500017	SLC2A13	ENSG00000151229	172	0.29	0.18	0.0025	0.1	NA
chr12	106696232	106697199	TCP11L2	ENSG00000166046	134	0.26	0.13	0.0025	0.13	NA
chr12	132312439	132315739	MMP17	ENSG00000198598	1151	0.25	0.18	0.0025	0.068	NA
chr12	132329177	132330089	MMP17	ENSG00000198598	218	0.86	0.96	0.0025	-0.096	NA
chr12	132627866	132629469	DDX51	ENSG00000185163	-483	0.26	0.17	0.0026	0.085	NA
chr12	46776731	46777856	RP11-96H19.1	ENSG00000257261	-169	0.27	0.16	0.0027	0.11	NA
chr12	133414254	133414463	POLE	ENSG00000177084	-971	0.5	0.17	0.0028	0.33	NA
chr12	64237403	64238401	SRGAP1	ENSG00000196935	-171	0.26	0.15	0.0032	0.11	NA
chr12	112546147	112546706	NAA25	ENSG00000111300	121	0.25	0.13	0.0033	0.12	NA
chr12	56709458	56710110	CNPY2	ENSG00000257727	-250	0.31	0.13	0.0034	0.18	NA
chr12	100967293	100967845	GAS2L3	ENSG00000139354	108	0.3	0.11	0.0036	0.18	NA
chr12	50505138	50506235	C12orf62	ENSG00000178449	-76	0.29	0.17	0.0037	0.12	NA
chr12	106640880	106642374	CKAP4	ENSG00000136026	139	0.2	0.12	0.0038	0.078	NA
chr12	118541054	118542135	VSIG10	ENSG00000176834	73	0.36	0.23	0.0039	0.13	NA
chr12	52400467	52401696	GRASP	ENSG00000161835	357	0.28	0.2	0.0041	0.083	NA
chr12	131323203	131323959	STX2	ENSG00000111450	158	0.32	0.18	0.0041	0.14	NA
chr12	3308812	3310270	TSPAN9	ENSG00000011105	-800	0.3	0.22	0.0042	0.088	NA
chr12	10264075	10264438	CLEC1A	ENSG00000150048	-30	0.94	0.75	0.0042	0.19	NA
chr12	2903389	2905189	RP4-816N1.3	ENSG00000256030	-828	0.21	0.15	0.0043	0.062	NA
chr12	121148239	121148853	UNC119B	ENSG00000175970	285	0.2	0.41	0.0043	-0.21	NA
chr12	14922877	14923974	HIST4H4	ENSG00000197837	-321	0.26	0.16	0.0044	0.096	NA
chr12	133484658	133485739	CHFR	ENSG00000072609	535	0.28	0.18	0.0047	0.1	NA
chr12	57480797	57483116	NAB2	ENSG00000166886	-721	0.32	0.22	0.0048	0.1	NA
chr12	58025661	58027056	B4GALNT1	ENSG00000135454	72	0.25	0.18	0.0049	0.076	NA
chr12	123717367	123718388	C12orf65	ENSG00000130921	414	0.34	0.17	0.0049	0.16	NA

chr12	112856457	112857243	RPL6	ENSG00000089009	-208	0.16	0.28	0.0051	-0.13	NA
chr12	54812702	54813191	ITGA5	ENSG00000161638	-35	0.26	0.14	0.0054	0.13	NA
chr12	131783093	131784199	5S_rRNA	ENSG00000212251	650	0.28	1	0.0057	-0.72	NA
chr12	54519768	54520457	RP11-834C11.5	ENSG00000250432	-336	0.38	0.18	0.0058	0.2	NA
chr12	113013099	113013529	RPH3A	ENSG00000089169	245	0.5	0.31	0.0058	0.18	NA
chr12	120906678	120907894	SRSF9	ENSG00000111786	88	0.25	0.37	0.0065	-0.13	NA
chr12	118809324	118811021	TAOK3	ENSG00000135090	522	0.26	0.18	0.0066	0.076	NA
chr12	4918273	4919657	KCNA6	ENSG00000151079	623	0.3	0.21	0.0067	0.089	NA
chr12	10875137	10876180	CSDA	ENSG00000060138	-150	0.16	0.24	0.0068	-0.078	NA
chr12	64797934	64798944	XPOT	ENSG00000184575	309	0.25	0.16	0.0072	0.092	NA
chr12	312591	313331	SLC6A12	ENSG00000111181	-288	0.19	0.32	0.0078	-0.14	NA
chr12	124196646	124197507	ATP6V0A2	ENSG00000185344	211	0.24	0.16	0.008	0.082	NA
chr12	124821019	124821593	NCOR2	ENSG00000196498	-368	0.94	0.99	0.0082	-0.059	NA
chr12	49363664	49364443	WNT10B	ENSG00000169884	382	0.71	0.51	0.0089	0.2	NA
chr12	49931623	49933637	KCNH3	ENSG00000135519	-310	0.26	0.19	0.0089	0.068	NA
chr12	103889148	103889843	C12orf42	ENSG00000179088	208	0.28	0.16	0.009	0.12	NA
chr12	62996159	62997632	RP11-631N16.2	ENSG00000257354	363	0.32	0.2	0.0094	0.13	NA
chr12	117318708	117319521	HRK	ENSG00000135116	-221	0.31	0.14	0.0096	0.17	NA
chr12	65218245	65219143	TBC1D30	ENSG00000111490	342	0.25	0.14	0.0097	0.11	NA
chr12	122240899	122243390	RP11-347I19.3	ENSG00000256392	-835	0.26	0.18	0.0098	0.075	NA
chr12	26985453	26986304	ITPR2	ENSG00000123104	-164	0.33	0.18	0.0099	0.15	NA
chr12	19282641	19283901	PLEKHA5	ENSG00000052126	623	0.3	0.2	0.01	0.092	NA
chr12	56136783	56137784	GDF11	ENSG00000135414	219	0.39	0.18	0.01	0.21	NA
chr12	3982246	3982708	PARP11	ENSG00000111224	39	0.2	0.37	0.011	-0.17	NA
chr12	52345531	52345903	ACVR1B	ENSG00000135503	189	0.37	0.16	0.011	0.21	NA
chr12	64173448	64174238	TMEM5	ENSG00000118600	260	0.35	0.2	0.011	0.15	NA
chr12	104682601	104682993	TXNRD1	ENSG00000198431	124	0.43	0.17	0.011	0.26	NA
chr12	107486612	107487811	RP11-797M17.1	ENSG00000257548	135	0.31	0.2	0.011	0.1	NA
chr12	132673993	132675241	RP13-977J11.2	ENSG00000256576	-377	0.4	0.31	0.011	0.09	NA
chr12	6982319	6982936	SPSB2	ENSG00000111671	-178	0.32	0.16	0.012	0.16	NA

chr12	14955991	14956471	WBP11	ENSG00000084463	179	0.38	0.21	0.012	0.17	NA
chr12	43965757	43965986	RP11-73B8.2	ENSG00000257813	-28	0.64	0.83	0.012	-0.19	NA
chr12	50426552	50426918	RACGAP1	ENSG00000161800	184	0.21	0.4	0.012	-0.18	NA
chr12	29533446	29533916	ERGIC2	ENSG00000087502	402	0.22	0.11	0.013	0.11	NA
chr12	111842938	111844392	SH2B3	ENSG00000111252	-87	0.4	0.29	0.013	0.11	NA
chr12	133706528	133707594	ZNF891	ENSG00000214029	-2	0.2	0.28	0.013	-0.083	NA
chr12	5539895	5540703	NTF3	ENSG00000185652	-979	0.54	0.86	0.014	-0.32	NA
chr12	81110725	81111126	MYF5	ENSG00000111049	234	0.96	0.78	0.014	0.18	NA
chr12	102513668	102514076	NUP37	ENSG00000075188	-5	0.31	0.18	0.014	0.12	NA
chr12	50297580	50297988	FAIM2	ENSG00000135472	-132	0.33	0.2	0.016	0.13	NA
chr12	51818460	51819166	SLC4A8	ENSG00000050438	258	0.34	0.21	0.016	0.13	NA
chr12	54411709	54412131	HOXC5	ENSG00000172789	1026	0.16	0.43	0.016	-0.27	NA
chr12	96336245	96337411	CCDC38	ENSG00000165972	-451	0.31	0.21	0.016	0.11	NA
chr12	108154394	108155137	PRDM4	ENSG00000110851	-60	0.23	0.14	0.017	0.086	NA
chr12	133135293	133135722	FBRSL1	ENSG00000112787	-1122	0.44	0.31	0.018	0.12	NA
chr12	47473177	47474120	FAM113B	ENSG00000179715	262	0.26	0.17	0.019	0.09	NA
chr12	63543636	63544967	AVPR1A	ENSG00000166148	-342	0.35	0.26	0.019	0.094	NA
chr12	111800834	111801244	FAM109A	ENSG00000198324	477	0.9	0.96	0.019	-0.059	NA
chr12	118573730	118574731	VSIG10	ENSG00000176834	-477	0.26	0.18	0.019	0.083	NA
chr12	11801853	11802218	ETV6	ENSG00000139083	-753	0.23	0.14	0.02	0.096	NA
chr12	111471960	111473546	CUX2	ENSG00000111249	925	0.26	0.2	0.02	0.058	NA
chr12	133249979	133250243	POLE	ENSG00000177084	116	0.77	0.63	0.02	0.14	NA
chr12	133294088	133294878	PGAM5	ENSG00000247077	-69	0.87	0.95	0.02	-0.079	NA
chr12	50135029	50136043	TMBIM6	ENSG00000139644	209	0.28	0.16	0.021	0.12	NA
chr12	53661928	53662429	ESPL1	ENSG00000135476	95	0.14	0.26	0.021	-0.12	NA
chr12	125050796	125052051	NCOR2	ENSG00000196498	587	0.28	0.2	0.021	0.081	NA
chr12	12509911	12510428	LOH12CR2	ENSG00000205791	-168	0.3	0.2	0.022	0.1	NA
chr12	52417018	52417703	NR4A1	ENSG00000123358	744	0.32	0.18	0.022	0.14	NA
chr12	53613716	53615103	RARG	ENSG00000172819	-541	0.4	0.26	0.022	0.14	NA
chr12	62584768	62586268	FAM19A2	ENSG00000198673	-301	0.26	0.17	0.022	0.082	NA

chr12	65003793	65004899	RASSF3	ENSG00000153179	53	0.21	0.16	0.022	0.051	NA
chr12	98909052	98910261	TMPO	ENSG00000120802	366	0.26	0.19	0.022	0.079	NA
chr12	117348645	117349207	FBXW8	ENSG00000174989	165	0.33	0.19	0.023	0.14	NA
chr12	31476717	31479466	FAM60A	ENSG00000139146	-995	0.27	0.21	0.025	0.057	NA
chr12	38557328	38557693	5S_rRNA	ENSG00000201708	-193	0.74	0.87	0.026	-0.13	NA
chr12	6676999	6677755	NOP2	ENSG00000111641	-249	0.31	0.17	0.027	0.14	NA
chr12	51476859	51477552	CSRNP2	ENSG00000110925	-312	0.3	0.21	0.027	0.093	NA
chr12	57023296	57024233	BAZ2A	ENSG00000076108	231	0.3	0.2	0.027	0.096	NA
chr12	4758177	4758431	AKAP3	ENSG00000111254	-91	0.25	0.47	0.028	-0.22	NA
chr12	133146517	133148261	FBRSL1	ENSG00000112787	-349	0.95	0.9	0.028	0.052	NA
chr12	56511861	56512409	ZC3H10	ENSG00000135482	192	0.21	0.1	0.029	0.11	NA
chr12	110887861	110888245	ARPC3	ENSG00000111229	37	0.3	0.19	0.029	0.11	NA
chr12	34175230	34175455	ALG10	ENSG00000139133	-61	0.6	1	0.03	-0.4	NA
chr12	131199824	131200157	RIMBP2	ENSG00000060709	836	0.33	0.18	0.03	0.15	NA
chr12	53715133	53715516	AAAS	ENSG00000094914	20	0.27	0.17	0.031	0.091	NA
chr12	110562095	110562700	IFT81	ENSG00000122970	257	0.27	0.19	0.031	0.085	NA
chr12	119772353	119772594	CCDC60	ENSG00000183273	-44	0.79	0.33	0.031	0.46	NA
chr12	8332788	8333193	FAM66C	ENSG00000226711	185	0.32	0.15	0.033	0.17	NA
chr12	59989651	59990507	SLC16A7	ENSG00000118596	231	0.19	0.38	0.033	-0.19	NA
chr12	28123023	28123773	PTHLH	ENSG00000087494	-331	0.29	0.18	0.034	0.11	NA
chr12	76477717	76479131	NAP1L1	ENSG00000187109	-550	0.28	0.21	0.034	0.078	NA
chr12	107167762	107168747	RIC8B	ENSG00000111785	-119	0.26	0.18	0.035	0.079	NA
chr12	120426547	120428066	CCDC64	ENSG00000135127	-342	0.22	0.17	0.036	0.056	NA
chr12	123920582	123921462	RILPL2	ENSG00000150977	242	0.25	0.16	0.037	0.097	NA
chr12	50016973	50017466	PRPF40B	ENSG00000110844	22	0.31	0.17	0.039	0.15	NA
chr12	132636037	132636303	NOC4L	ENSG00000184967	784	0.98	0.8	0.039	0.18	NA
chr12	48577361	48578574	C12orf68	ENSG00000177875	601	0.28	0.2	0.04	0.078	NA
chr12	58003880	58004249	ARHGEF25	ENSG00000240771	101	0.91	0.72	0.04	0.2	NA
chr12	113772633	113772934	SLC24A6	ENSG00000089060	-145	0.58	0.24	0.041	0.35	NA
chr12	117319820	117320053	HRK	ENSG00000135116	-704	0.29	0.15	0.041	0.15	NA

chr12	53893195	53893610	MAP3K12	ENSG00000139625	-162	0.29	0.14	0.042	0.15	NA
chr12	54359658	54359906	HOTAIR	ENSG00000228630	632	0.43	0.25	0.042	0.18	NA
chr12	104850253	104852395	CHST11	ENSG00000171310	578	0.3	0.23	0.042	0.067	NA
chr12	114843022	114843610	TBX5	ENSG00000089225	573	0.25	0.16	0.043	0.094	NA
chr12	110150047	110150262	C12orf34	ENSG00000139438	-1879	0.62	0.28	0.044	0.34	NA
chr12	124017593	124018994	RILPL1	ENSG00000188026	-28	0.29	0.22	0.044	0.068	NA
chr12	68042166	68043876	DYRK2	ENSG00000127334	520	0.26	0.2	0.045	0.053	NA
chr12	131605558	131605767	GPR133	ENSG00000111452	418	0.8	0.93	0.045	-0.13	NA
chr12	20521616	20523122	PDE3A	ENSG00000172572	190	0.21	0.16	0.049	0.057	NA
chr12	12876630	12879002	RP11-180M15.4	ENSG00000256658	-871	0.28	0.23	0.05	0.05	NA
chr12	54473305	54473562	RP11-834C11.7	ENSG00000250654	639	0.98	0.89	0.05	0.091	NA
chr12	43944719	43946285	ADAMTS20	ENSG00000173157	222	0.33	0.23	0.051	0.097	NA
chr12	49208205	49209439	CACNB3	ENSG00000167535	607	0.28	0.19	0.053	0.089	NA
chr12	56360467	56360909	PMEL	ENSG00000185664	-195	0.19	0.39	0.054	-0.2	NA
chr12	57881750	57882035	MARS	ENSG00000166986	85	0.48	0.26	0.054	0.22	NA
chr12	51785279	51785821	GALNT6	ENSG00000139629	-114	0.31	0.22	0.055	0.091	NA
chr12	54378696	54380102	HOXC10	ENSG00000180818	550	0.28	0.2	0.055	0.075	NA
chr12	111834869	111835085	RP3-473L9.4	ENSG00000257595	338	0.37	0.19	0.055	0.18	NA
chr12	48152554	48153146	RAPGEF3	ENSG00000079337	-293	0.23	0.35	0.056	-0.12	NA
chr12	44199630	44200405	TWF1	ENSG00000151239	35	0.23	0.31	0.06	-0.084	NA
chr12	49318486	49319476	FKBP11	ENSG00000134285	-469	0.36	0.25	0.06	0.11	NA
chr12	104234273	104235327	NT5DC3	ENSG00000111696	175	0.24	0.16	0.06	0.082	NA
chr12	50100442	50101587	FMNL3	ENSG00000161791	-11	0.23	0.18	0.061	0.049	NA
chr12	52463348	52464202	C12orf44	ENSG00000123395	20	0.41	0.24	0.061	0.17	NA
chr12	58130870	58132047	AGAP2	ENSG00000135439	161	0.26	0.2	0.061	0.064	NA
chr12	124068935	124069699	TMED2	ENSG00000086598	239	0.27	0.17	0.063	0.099	NA
chr12	133067072	133067735	FBRSL1	ENSG00000112787	246	0.28	0.17	0.063	0.11	NA
chr12	113796217	113796847	PLBD2	ENSG00000151176	161	0.24	0.16	0.065	0.081	NA
chr12	65174230	65175169	TBC1D30	ENSG00000111490	110	0.3	0.21	0.066	0.092	NA
chr12	118454391	118454996	RFC5	ENSG00000111445	187	0.25	0.15	0.067	0.1	NA

chr12	34371627	34372304	RP11-313F23.4	ENSG00000255652	-177	0.54	0.39	0.068	0.15	NA
chr12	130822360	130822696	PIWIL1	ENSG00000125207	96	0.83	0.62	0.068	0.21	NA
chr12	77157518	77158405	ZDHHC17	ENSG00000186908	78	0.17	0.22	0.07	-0.051	NA
chr12	124873241	124874008	NCOR2	ENSG00000196498	-254	0.34	0.25	0.072	0.09	NA
chr12	10765955	10766331	MAGOHB	ENSG00000111196	29	0.29	0.2	0.074	0.091	NA
chr12	52408381	52408675	GRASP	ENSG00000161835	1065	0.64	0.47	0.074	0.18	NA
chr12	27863633	27864081	RP11-1060J15.4	ENSG00000256377	-193	0.29	0.2	0.075	0.088	NA
chr12	48166997	48167578	SLC48A1	ENSG00000211584	289	0.3	0.15	0.075	0.15	NA
chr12	53625629	53625993	RARG	ENSG00000172819	147	0.3	0.16	0.075	0.13	NA
chr12	12869798	12871248	CDKN1B	ENSG00000111276	465	0.22	0.17	0.076	0.055	NA
chr12	105478089	105478517	ALDH1L2	ENSG00000136010	-81	0.18	0.33	0.076	-0.15	NA
chr12	109531107	109531359	ALKBH2	ENSG00000189046	31	0.3	0.14	0.076	0.16	NA
chr12	122710054	122711371	DIABLO	ENSG00000184047	-192	0.27	0.21	0.076	0.059	NA
chr12	101603387	101603933	SLC5A8	ENSG00000256870	525	0.15	0.27	0.077	-0.12	NA
chr12	66563202	66563945	TMBIM4	ENSG00000155957	-282	0.32	0.22	0.078	0.095	NA
chr12	51984474	51985284	SCN8A	ENSG00000196876	169	0.32	0.23	0.079	0.092	NA
chr12	107711603	107714107	BTBD11	ENSG00000151136	665	0.24	0.19	0.079	0.045	NA
chr12	57940563	57940981	DCTN2	ENSG00000175203	131	0.2	0.12	0.081	0.08	NA
chr12	123848617	123849919	RP13-942N8.1	ENSG00000256092	-232	0.22	0.16	0.082	0.063	NA
chr12	77272632	77273216	CSRP2	ENSG00000175183	-170	0.19	0.31	0.083	-0.12	NA
chr12	107349152	107350089	C12orf23	ENSG00000151135	123	0.27	0.17	0.083	0.1	NA
chr12	53472814	53473491	SPRYD3	ENSG00000167778	9	0.28	0.19	0.084	0.092	NA
chr12	111020507	111021192	PPTC7	ENSG00000196850	276	0.31	0.18	0.085	0.13	NA
chr12	74931492	74931879	ATXN7L3B	ENSG00000253719	134	0.24	0.13	0.086	0.11	NA
chr12	4671309	4671704	DYRK4	ENSG0000010219	136	0.29	0.2	0.088	0.091	NA
chr12	113530914	113531476	DTX1	ENSG00000135144	-100	0.87	0.78	0.088	0.088	NA
chr12	52408860	52409121	GRASP	ENSG00000161835	1527	0.7	0.51	0.091	0.18	NA
chr12	96588665	96589145	ELK3	ENSG00000111145	513	0.25	0.39	0.091	-0.15	NA
chr12	2985978	2986639	FOXM1	ENSG00000111206	-201	0.22	0.32	0.092	-0.095	NA
chr12	45609713	45610752	ANO6	ENSG00000177119	462	0.23	0.3	0.092	-0.069	NA

chr12	52643982	52644411	KRT86	ENSG00000170442	1112	0.67	0.54	0.092	0.13	NA
chr12	103311040	103311253	PAH	ENSG00000171759	-114	0.57	0.38	0.094	0.19	NA
chr12	29542218	29542838	RP11-677C1.2	ENSG00000257599	301	0.96	0.9	0.095	0.056	NA
chr12	4383193	4384405	RP11-264F23.4	ENSG00000255920	432	0.26	0.19	0.097	0.069	NA
chr12	49110055	49110881	CCNT1	ENSG00000129315	-10	0.18	0.29	0.097	-0.11	NA
chr12	27166996	27167464	TM7SF3	ENSG00000064115	-86	0.31	0.23	0.098	0.071	NA
chr12	133263462	133264711	POLE	ENSG00000177084	-172	0.26	0.21	0.098	0.052	NA
chr12	58068473	58068774	RP11-571M6.1	ENSG00000242990	175	0.88	0.98	0.099	-0.1	NA
chr12	64845599	64846314	TBK1	ENSG00000183735	296	0.26	0.16	0.099	0.099	NA
chr12	69004220	69005377	RAP1B	ENSG00000127314	179	0.35	0.26	0.099	0.089	NA
chr12	95867584	95868019	METAP2	ENSG00000111142	74	0.23	0.16	0.099	0.071	NA
chr12	27091158	27091857	C12orf11	ENSG00000064102	-270	0.32	0.24	0.1	0.083	NA
chr12	29935995	29937433	TMTC1	ENSG00000133687	17	0.29	0.23	0.1	0.058	NA
chr12	65563195	65564396	LEMD3	ENSG00000174106	444	0.27	0.2	0.1	0.061	NA
chr12	66524464	66524792	LLPH	ENSG00000139233	-146	0.24	0.34	0.1	-0.1	NA
chr12	93963963	93967395	SOCS2	ENSG00000120833	1504	0.25	0.2	0.1	0.041	NA
chr12	106977388	106977713	RFX4	ENSG00000111783	127	0.19	0.26	0.1	-0.068	NA
chr12	108079442	108079893	PWP1	ENSG00000136045	158	0.24	0.13	0.1	0.11	NA
chr12	110437137	110437651	ANKRD13A	ENSG00000076513	159	0.32	0.2	0.1	0.12	NA
chr12	113572977	113573758	RASAL1	ENSG00000111344	-58	0.53	0.29	0.1	0.24	NA
chr12	117798076	117799448	NOS1	ENSG00000089250	672	0.22	0.17	0.1	0.05	NA
chr12	22696780	22697728	KIAA0528	ENSG00000111731	-131	0.16	0.23	0.11	-0.076	NA
chr12	38710392	38710643	ALG10B	ENSG00000175548	-47	0.28	0.18	0.11	0.1	NA
chr12	39836211	39837499	KIF21A	ENSG00000139116	-83	0.24	0.19	0.11	0.051	NA
chr12	54019812	54020283	ATF7	ENSG00000170653	152	0.23	0.14	0.11	0.084	NA
chr12	56583406	56583682	SMARCC2	ENSG00000139613	-193	0.27	1	0.11	-0.73	NA
chr12	57118977	57119374	NACA	ENSG00000196531	-135	0.18	0.27	0.11	-0.093	NA
chr12	57399868	57400226	ZBTB39	ENSG00000166860	183	0.37	0.27	0.11	0.1	NA
chr12	59313559	59314452	LRIG3	ENSG00000139263	-68	0.45	0.21	0.11	0.24	NA
chr12	90101436	90104065	ATP2B1	ENSG00000070961	-142	0.23	0.19	0.11	0.043	NA

chr12	95466650	95467464	NR2C1	ENSG00000120798	-264	0.27	0.2	0.11	0.062	NA
chr12	132905449	132906206	GALNT9	ENSG00000182870	-38	0.29	0.2	0.11	0.091	NA
chr12	7079500	7080129	PHB2	ENSG00000215021	-9	0.22	0.31	0.12	-0.097	NA
chr12	27932789	27933738	KLHDC5	ENSG00000087448	310	0.26	0.19	0.12	0.07	NA
chr12	120875654	120876366	COX6A1	ENSG00000111775	117	0.2	0.28	0.12	-0.084	NA
chr12	120972167	120972447	COQ5	ENSG00000110871	-70	0.38	0.19	0.12	0.19	NA
chr12	73948	74950	ABC7-42389800N19.1	ENSG00000226210	108	0.47	0.21	0.13	0.25	NA
chr12	3862068	3862606	EFCAB4B	ENSG00000130038	-74	0.48	0.4	0.13	0.086	NA
chr12	6809214	6809816	C12orf53	ENSG00000139200	81	0.24	0.12	0.13	0.12	NA
chr12	53845668	53846606	PCBP2	ENSG00000197111	251	0.23	0.17	0.13	0.055	NA
chr12	83080662	83081646	TMTC2	ENSG00000179104	374	0.26	0.2	0.13	0.065	NA
chr12	132324953	132325406	MMP17	ENSG00000198598	-102	0.85	0.93	0.13	-0.081	NA
chr12	1739286	1739833	WNT5B	ENSG00000111186	-419	0.26	0.17	0.14	0.09	NA
chr12	44152506	44152922	PUS7L	ENSG00000129317	-153	0.2	0.37	0.14	-0.17	NA
chr12	48099317	48099905	RPAP3	ENSG00000005175	158	0.3	0.23	0.14	0.071	NA
chr12	49245656	49246173	DDX23	ENSG00000174243	7	0.26	0.19	0.14	0.07	NA
chr12	58129828	58130361	AGAP2	ENSG00000135439	1525	0.24	0.15	0.14	0.091	NA
chr12	70636617	70637749	CNOT2	ENSG00000111596	409	0.18	0.23	0.14	-0.055	NA
chr12	99038272	99039483	IKBIP	ENSG00000166130	-288	0.17	0.21	0.14	-0.046	NA
chr12	108522950	108523852	WSCD2	ENSG00000075035	153	0.26	0.2	0.14	0.059	NA
chr12	125398558	125399899	UBC	ENSG00000150991	-617	0.18	0.24	0.14	-0.06	NA
chr12	7036955	7037924	ATN1	ENSG00000111676	-37	0.22	0.18	0.15	0.048	NA
chr12	8184964	8185616	FOXJ2	ENSG00000065970	-9	0.23	0.18	0.15	0.054	NA
chr12	31226343	31227186	DDX11	ENSG00000013573	-15	0.18	0.29	0.15	-0.12	NA
chr12	49738680	49740841	DNAJC22	ENSG00000178401	-940	0.2	0.23	0.15	-0.035	NA
chr12	51419640	51420347	SLC11A2	ENSG00000110911	-69	0.2	0.15	0.15	0.052	NA
chr12	53441384	53441706	RP11-983P16.4	ENSG00000257337	-711	0.31	0.21	0.15	0.1	NA
chr12	57472274	57472619	TMEM194A	ENSG00000166881	128	0.34	0.19	0.15	0.15	NA
chr12	66217627	66220181	HMGA2	ENSG00000149948	993	0.22	0.18	0.15	0.037	NA
chr12	119418591	119418834	SRRM4	ENSG00000139767	-588	0.47	0.26	0.15	0.21	NA

chr12	122238028	122239351	RP11-347119.3	ENSG00000256392	-106	0.26	0.21	0.15	0.048	NA
chr12	125347784	125348688	SCARB1	ENSG00000073060	93	0.34	0.26	0.15	0.081	NA
chr12	8548855	8549512	RP11-90D4.2	ENSG00000226091	-92	0.26	0.19	0.16	0.063	NA
chr12	27175342	27175843	MED21	ENSG00000152944	113	0.43	0.1	0.16	0.33	NA
chr12	110939456	110940173	RAD9B	ENSG00000151164	354	0.3	0.42	0.16	-0.12	NA
chr12	12502942	12503465	MANSC1	ENSG00000111261	-45	0.16	0.21	0.17	-0.053	NA
chr12	42631224	42632619	YAF2	ENSG00000015153	-607	0.21	0.17	0.17	0.036	NA
chr12	53399872	53400896	EIF4B	ENSG00000063046	442	0.43	0.31	0.17	0.13	NA
chr12	57039047	57039823	ATP5B	ENSG00000110955	-372	0.35	0.27	0.17	0.081	NA
chr12	121018728	121019369	POP5	ENSG00000167272	6	0.39	0.54	0.17	-0.16	NA
chr12	7342074	7342417	PEX5	ENSG00000139197	65	0.25	0.12	0.18	0.13	NA
chr12	15941718	15942740	EPS8	ENSG00000151491	75	0.27	0.22	0.18	0.047	NA
chr12	22486835	22488666	ST8SIA1	ENSG00000111728	-653	0.25	0.29	0.18	-0.046	NA
chr12	45269830	45270835	NELL2	ENSG00000184613	-263	0.26	0.22	0.18	0.042	NA
chr12	48550824	48551518	ASB8	ENSG00000177981	76	0.19	0.3	0.18	-0.11	NA
chr12	53645719	53646071	MFSD5	ENSG00000182544	15	0.44	0.3	0.18	0.14	NA
chr12	108168986	108169570	ASCL4	ENSG00000187855	1116	0.2	0.15	0.18	0.053	NA
chr12	123868267	123869381	SETD8	ENSG00000183955	504	0.32	0.25	0.18	0.072	NA
chr12	6602919	6603306	MRPL51	ENSG00000111639	-106	0.27	0.16	0.19	0.11	NA
chr12	21654396	21654956	RECQL	ENSG00000004700	-191	0.3	0.23	0.19	0.067	NA
chr12	26278540	26279707	RP11-283G6.3	ENSG00000256894	-106	0.28	0.23	0.19	0.049	NA
chr12	50418935	50419400	RACGAP1	ENSG00000161800	16	0.21	0.32	0.19	-0.11	NA
chr12	57521524	57522159	LRP1	ENSG00000123384	-441	0.27	0.21	0.19	0.069	NA
chr12	63328143	63329135	PPM1H	ENSG00000111110	178	0.31	0.24	0.19	0.066	NA
chr12	72233323	72233635	TBC1D15	ENSG00000121749	-8	0.54	0.38	0.19	0.16	NA
chr12	131356094	131357228	RAN	ENSG00000132341	237	0.24	0.18	0.19	0.066	NA
chr12	132379542	132380052	ULK1	ENSG00000177169	601	0.29	0.21	0.19	0.084	NA
chr12	5541210	5542973	NTF3	ENSG00000185652	813	0.26	0.2	0.2	0.055	NA
chr12	42538125	42538902	GXYLT1	ENSG00000151233	1	0.21	0.15	0.2	0.059	NA
chr12	54408426	54408713	HOXC6	ENSG00000197757	-1112	0.27	0.15	0.2	0.12	NA

chr12	75905219	75905518	KRR1	ENSG00000111615	9	0.33	0.18	0.2	0.16	NA
chr12	96587839	96588090	ELK3	ENSG00000111145	-196	0.19	0.12	0.2	0.066	NA
chr12	122150513	122151091	TMEM120B	ENSG00000188735	144	0.27	0.19	0.2	0.081	NA
chr12	6716080	6716790	CHD4	ENSG00000111642	99	0.19	0.25	0.21	-0.062	NA
chr12	50221558	50222609	NCKAP5L	ENSG00000167566	125	0.42	0.33	0.21	0.094	NA
chr12	69139815	69140206	SLC35E3	ENSG00000175782	124	0.31	0.18	0.21	0.13	NA
chr12	69753445	69754088	YEATS4	ENSG00000127337	283	0.32	0.22	0.21	0.11	NA
chr12	96389405	96389675	HAL	ENSG00000084110	166	0.96	1	0.21	-0.043	NA
chr12	112450905	112451856	TMEM116	ENSG00000198270	-465	0.23	0.16	0.21	0.075	NA
chr12	120966788	120967038	COQ5	ENSG00000110871	30	0.18	0.25	0.21	-0.066	NA
chr12	122235106	122235310	AC084018.1	ENSG00000212694	-423	0.53	0.34	0.21	0.19	NA
chr12	124246524	124247254	DNAH10	ENSG00000197653	-153	0.64	0.59	0.21	0.049	NA
chr12	568702	570362	B4GALNT3	ENSG00000139044	2	0.26	0.21	0.22	0.043	NA
chr12	15373986	15374514	RERG	ENSG00000134533	-48	0.39	0.11	0.22	0.27	NA
chr12	42719761	42720119	ZCRB1	ENSG00000139168	-141	0.18	0.12	0.22	0.065	NA
chr12	42984087	42984380	PRICKLE1	ENSG00000139174	-76	0.43	0.17	0.22	0.26	NA
chr12	58013171	58013652	SLC26A10	ENSG00000135502	101	0.89	0.84	0.22	0.05	NA
chr12	77718453	77719440	RP1-34H18.1	ENSG00000231121	525	0.27	0.17	0.22	0.1	NA
chr12	120536640	120536951	RAB35	ENSG00000111737	99	1	0.93	0.22	0.073	NA
chr12	121416485	121416817	HNF1A	ENSG00000135100	153	0.87	0.81	0.22	0.059	NA
chr12	7592406	7593030	RP11-157G21.2	ENSG00000255836	-132	0.29	0.22	0.23	0.071	NA
chr12	41582155	41582975	PDZRN4	ENSG00000165966	315	0.21	0.25	0.23	-0.044	NA
chr12	65672391	65673250	MSRB3	ENSG00000174099	397	0.16	0.21	0.23	-0.048	NA
chr12	112123246	112124059	BRAP	ENSG00000089234	-128	0.19	0.25	0.23	-0.064	NA
chr12	7125534	7126356	LPCAT3	ENSG00000111684	-167	0.27	0.33	0.24	-0.066	NA
chr12	41086522	41087102	CNTN1	ENSG00000018236	458	0.19	0.15	0.24	0.048	NA
chr12	56367636	56368172	RAB5B	ENSG00000111540	207	0.26	0.19	0.24	0.076	NA
chr12	100535916	100536620	UHRF1BP1L	ENSG00000111647	334	0.21	0.17	0.24	0.042	NA
chr12	124155578	124156171	TCTN2	ENSG00000168778	214	0.26	0.19	0.24	0.061	NA
chr12	130823502	130824083	PIWIL1	ENSG00000125207	-215	0.28	0.36	0.24	-0.088	NA

chr12	25055599	25056246	BCAT1	ENSG00000060982	87	0.28	0.34	0.25	-0.057	NA
chr12	49075489	49076301	C12orf41	ENSG00000139620	46	0.19	0.26	0.25	-0.07	NA
chr12	49463441	49463989	RHEBL1	ENSG00000167550	-95	0.19	0.12	0.25	0.066	NA
chr12	58158855	58160000	CYP27B1	ENSG00000111012	41	0.17	0.22	0.25	-0.047	NA
chr12	81330608	81331514	LIN7A	ENSG00000111052	422	0.29	0.2	0.25	0.085	NA
chr12	125578348	125578588	AACS	ENSG00000081760	1442	0.66	0.55	0.25	0.11	NA
chr12	6833058	6833491	COPS7A	ENSG00000111652	94	0.39	0.28	0.26	0.11	NA
chr12	8542555	8543334	RP11-90D4.2	ENSG00000226091	-11	0.19	0.16	0.26	0.032	NA
chr12	9217328	9217715	C12orf33	ENSG00000214851	145	0.29	0.24	0.26	0.054	NA
chr12	50478886	50479329	SMARCD1	ENSG00000066117	124	0.29	0.41	0.26	-0.12	NA
chr12	57145948	57146333	PRIM1	ENSG00000198056	-87	0.37	0.24	0.26	0.12	NA
chr12	58014708	58015697	SLC26A10	ENSG00000135502	372	0.26	0.31	0.26	-0.051	NA
chr12	58166252	58166741	METTL21B	ENSG00000123427	113	0.21	0.29	0.26	-0.079	NA
chr12	133757946	133758188	ZNF268	ENSG00000256825	72	0.85	0.59	0.26	0.26	NA
chr12	861442	863413	WNK1	ENSG00000060237	668	0.25	0.22	0.27	0.029	NA
chr12	1702638	1704232	FBXL14	ENSG00000171823	-104	0.23	0.2	0.27	0.032	NA
chr12	49487963	49488202	DHH	ENSG00000139549	520	0.2	0.14	0.27	0.06	NA
chr12	56522240	56522454	RP11-603J24.5	ENSG00000258317	291	0.21	0.16	0.27	0.048	NA
chr12	112819039	112819250	C12orf51	ENSG00000173064	752	0.13	0.33	0.27	-0.2	NA
chr12	130526915	130527117	RP11-474D1.4	ENSG00000214039	-129	0.16	0.26	0.27	-0.093	NA
chr12	26348260	26349130	SSPN	ENSG00000123096	422	0.23	0.32	0.28	-0.089	NA
chr12	50560726	50561386	LASS5	ENSG00000139624	27	0.22	0.27	0.28	-0.053	NA
chr12	51663404	51664411	SMAGP	ENSG00000170545	87	0.27	0.23	0.28	0.041	NA
chr12	52430519	52431598	NR4A1	ENSG00000123358	97	0.26	0.21	0.28	0.049	NA
chr12	54772687	54773028	ZNF385A	ENSG00000161642	116	0.2	0.34	0.28	-0.14	NA
chr12	56325774	56326223	DGKA	ENSG00000065357	186	0.26	0.18	0.28	0.086	NA
chr12	103218120	103218688	RP11-478G16.1	ENSG00000258169	-227	0.37	1	0.28	-0.63	NA
chr12	54366815	54369103	HOXC11	ENSG00000123388	1049	0.23	0.2	0.29	0.031	NA
chr12	69080580	69081152	RP11-637A17.2	ENSG00000247363	-249	0.16	0.5	0.29	-0.34	NA
chr12	115120774	115122945	TBX3	ENSG00000135111	-620	0.21	0.19	0.29	0.029	NA

chr12	121647705	121648216	P2RX4	ENSG00000135124	92	0.17	0.25	0.29	-0.076	NA
chr12	53448008	53448406	RP11-983P16.4	ENSG00000257337	-39	0.19	0.14	0.3	0.048	NA
chr12	53689227	53689570	PFDN5	ENSG00000123349	117	0.28	0.19	0.3	0.092	NA
chr12	72056768	72057787	THAP2	ENSG00000173451	488	0.22	0.18	0.3	0.041	NA
chr12	98897604	98897849	RP11-181C3.1	ENSG00000245017	-93	0.6	0.35	0.3	0.25	NA
chr12	110718392	110720062	ATP2A2	ENSG00000174437	666	0.26	0.22	0.3	0.043	NA
chr12	110841021	110841548	ANAPC7	ENSG00000196510	185	0.45	0.36	0.3	0.088	NA
chr12	125478162	125478849	BRI3BP	ENSG00000184992	259	0.28	0.23	0.3	0.048	NA
chr12	1058481	1059430	RAD52	ENSG00000002016	-270	0.24	0.2	0.31	0.039	NA
chr12	1799874	1800739	ADIPOR2	ENSG00000006831	113	0.26	0.2	0.31	0.058	NA
chr12	3599966	3603008	PRMT8	ENSG00000111218	1085	0.29	0.26	0.31	0.028	NA
chr12	8849963	8851403	RIMKLB	ENSG00000166532	406	0.25	0.21	0.31	0.039	NA
chr12	38532028	38532615	AC079460.1	ENSG00000239943	873	0.38	0.3	0.31	0.08	NA
chr12	97300802	97301287	NEDD1	ENSG00000139350	43	0.25	0.21	0.31	0.047	NA
chr12	105501333	105501908	KIAA1033	ENSG00000136051	128	0.33	0.55	0.31	-0.21	NA
chr12	109592315	109592633	ACACB	ENSG00000076555	-13	0.28	0.19	0.31	0.09	NA
chr12	118406590	118407364	KSR2	ENSG00000171435	-189	0.25	0.19	0.31	0.054	NA
chr12	120702976	120703541	PXN	ENSG00000089159	237	0.26	0.2	0.31	0.057	NA
chr12	7023261	7024089	ENO2	ENSG00000111674	285	0.22	0.19	0.32	0.032	NA
chr12	14720248	14721093	PLBD1	ENSG00000121316	-8	0.38	0.46	0.32	-0.073	NA
chr12	46383561	46384756	SCAF11	ENSG00000139218	190	0.24	0.2	0.32	0.034	NA
chr12	54346777	54347101	HOXC12	ENSG00000123407	-1679	0.3	0.25	0.32	0.053	NA
chr12	56651692	56652527	ANKRD52	ENSG00000139645	51	0.24	0.19	0.32	0.045	NA
chr12	132834178	132834430	GALNT9	ENSG00000182870	-23	0.98	0.92	0.32	0.064	NA
chr12	48357195	48357507	TMEM106C	ENSG00000134291	-1	0.23	0.31	0.33	-0.088	NA
chr12	51610892	51611724	POU6F1	ENSG00000184271	143	0.23	0.19	0.33	0.036	NA
chr12	57081290	57082445	PTGES3	ENSG00000110958	-86	0.28	0.24	0.33	0.039	NA
chr12	58087531	58088029	OS9	ENSG00000135506	42	0.12	0.18	0.33	-0.052	NA
chr12	109729572	109729826	FOXN4	ENSG00000139445	-1642	0.39	0.29	0.33	0.091	NA
chr12	131488696	131488975	GPR133	ENSG00000111452	1791	0.67	0.76	0.33	-0.084	NA

chr12	6309152	6310392	CD9	ENSG00000010278	221	0.19	0.23	0.34	-0.035	NA
chr12	31742760	31744324	RP11-820K3.5	ENSG00000255867	685	0.24	0.2	0.34	0.04	NA
chr12	1754997	1755243	WNT5B	ENSG00000111186	1157	1	0.98	0.35	0.019	NA
chr12	22093954	22095357	ABCC9	ENSG00000069431	-488	0.27	0.24	0.35	0.03	NA
chr12	52701962	52702560	RP11-845M18.6	ENSG00000257829	-106	0.23	0.31	0.35	-0.082	NA
chr12	56615523	56615767	RNF41	ENSG00000181852	-18	0.3	0.1	0.35	0.2	NA
chr12	58238840	58241046	CTDSP2	ENSG00000175215	-626	0.24	0.22	0.35	0.026	NA
chr12	112035612	112037558	ATXN2	ENSG00000204842	-215	0.26	0.23	0.35	0.028	NA
chr12	6419603	6420024	PLEKHG6	ENSG00000008323	-91	0.23	0.18	0.36	0.052	NA
chr12	40618355	40618913	LRRK2	ENSG00000188906	-179	0.17	0.13	0.36	0.04	NA
chr12	49582096	49582881	TUBA1C	ENSG00000167553	-31	0.23	0.29	0.36	-0.067	NA
chr12	52300801	52301583	ACVRL1	ENSG00000139567	-10	0.2	0.24	0.36	-0.039	NA
chr12	57916322	57916810	MBD6	ENSG00000166987	39	1	0.54	0.36	0.46	NA
chr12	120105502	120106232	PRKAB1	ENSG00000111725	309	0.23	0.28	0.36	-0.052	NA
chr12	122356315	122356853	WDR66	ENSG00000158023	86	0.17	0.24	0.36	-0.069	NA
chr12	122750769	122751228	VPS33A	ENSG00000139719	-135	0.22	0.17	0.36	0.056	NA
chr12	4554405	4554624	FGF6	ENSG00000111241	266	0.94	0.89	0.37	0.049	NA
chr12	9600415	9601259	DDX12	ENSG00000214826	-28	0.22	0.14	0.37	0.083	NA
chr12	30948548	30949757	RP11-77I22.3	ENSG00000235884	537	0.21	0.16	0.37	0.043	NA
chr12	49524072	49525492	RP11-386G11.10	ENSG00000258017	-172	0.28	0.24	0.37	0.045	NA
chr12	54475512	54475816	RP11-834C11.7	ENSG00000250654	-57	1	0.91	0.37	0.086	NA
chr12	64615824	64616386	C12orf66	ENSG00000174206	-62	0.24	0.16	0.37	0.073	NA
chr12	122064176	122065142	ORAI1	ENSG00000182500	204	0.19	0.15	0.37	0.035	NA
chr12	133065843	133066393	FBRSL1	ENSG00000112787	-19	0.29	0.21	0.37	0.077	NA
chr12	6798113	6798922	ZNF384	ENSG00000126746	-59	0.3	0.24	0.38	0.061	NA
chr12	105351573	105352055	SLC41A2	ENSG00000136052	252	0.22	0.18	0.38	0.04	NA
chr12	132380629	132380942	ULK1	ENSG00000177169	1589	0.35	0.28	0.38	0.066	NA
chr12	53886562	53887101	MAP3K12	ENSG00000139625	23	0.23	0.17	0.39	0.06	NA
chr12	56223786	56224312	DNAJC14	ENSG00000135392	293	0.62	0.33	0.39	0.28	NA
chr12	64784010	64784664	C12orf56	ENSG00000185306	-31	0.38	0.33	0.39	0.051	NA

chr12	82752004	82752746	CCDC59	ENSG00000133773	-304	0.23	0.29	0.39	-0.064	NA
chr12	92538710	92540333	BTG1	ENSG00000133639	-512	0.23	0.2	0.39	0.029	NA
chr12	111126611	111127347	HVCN1	ENSG00000122986	-17	0.19	0.16	0.39	0.035	NA
chr12	25101607	25102073	BCAT1	ENSG00000060982	137	0.13	0.18	0.4	-0.049	NA
chr12	49390617	49392441	RP11-386G11.5	ENSG00000257913	-621	0.28	0.24	0.4	0.036	NA
chr12	124810739	124810977	NCOR2	ENSG00000196498	1273	0.49	0.65	0.4	-0.16	NA
chr12	47629034	47629680	FAM113B	ENSG00000179715	150	0.98	0.94	0.41	0.035	NA
chr12	110433797	110434205	GIT2	ENSG00000139436	28	0.26	0.2	0.41	0.063	NA
chr12	6861821	6862405	MLF2	ENSG00000089693	-269	0.18	0.23	0.42	-0.056	NA
chr12	77458947	77459942	E2F7	ENSG00000165891	-114	0.27	0.23	0.42	0.036	NA
chr12	101673790	101674156	UTP20	ENSG00000120800	86	0.14	0.23	0.42	-0.091	NA
chr12	122906404	122907011	CLIP1	ENSG00000130779	409	0.27	0.21	0.42	0.054	NA
chr12	120638588	120639116	RPLP0	ENSG00000089157	-234	0.31	0.21	0.43	0.1	NA
chr12	133429925	133430579	CHFR	ENSG00000072609	-177	0.98	0.95	0.43	0.028	NA
chr12	69979065	69979724	CCT2	ENSG00000166226	280	0.23	0.19	0.44	0.041	NA
chr12	102270754	102271801	DRAM1	ENSG00000136048	148	0.24	0.22	0.44	0.025	NA
chr12	103344398	103344640	PAH	ENSG00000171759	104	0.36	0.21	0.44	0.15	NA
chr12	120314847	120315169	CIT	ENSG00000122966	84	0.29	0.18	0.44	0.1	NA
chr12	6976392	6977393	TPI1	ENSG00000111669	199	0.25	0.22	0.45	0.035	NA
chr12	51441598	51442187	LETMD1	ENSG00000050426	147	0.17	0.21	0.45	-0.045	NA
chr12	51632489	51633162	DAZAP2	ENSG00000183283	317	0.22	0.29	0.45	-0.065	NA
chr12	52652018	52652743	RP11-845M18.1	ENSG00000135477	-43	0.39	0.42	0.45	-0.029	NA
chr12	56693680	56694345	CS	ENSG00000062485	-254	0.23	0.19	0.45	0.042	NA
chr12	94853336	94854307	CCDC41	ENSG00000173588	-367	0.21	0.17	0.45	0.042	NA
chr12	133194868	133195544	P2RX2	ENSG00000187848	-160	0.24	0.28	0.45	-0.036	NA
chr12	52714800	52715051	KRT83	ENSG00000170523	257	0.66	0.61	0.46	0.051	NA
chr12	93861204	93861539	MRPL42	ENSG00000198015	107	0.23	0.33	0.46	-0.097	NA
chr12	94580656	94580874	RP11-74K11.2	ENSG00000258035	-945	0.17	0.28	0.46	-0.11	NA
chr12	121454153	121454357	C12orf43	ENSG00000157895	-23	0.1	0.27	0.46	-0.17	NA
chr12	122326482	122327044	HPD	ENSG00000158104	-246	0.23	0.27	0.46	-0.037	NA

chr12	125002006	125002433	NCOR2	ENSG00000196498	621	0.2	0.29	0.46	-0.093	NA
chr12	7053149	7053927	C12orf57	ENSG00000111678	352	0.19	0.23	0.47	-0.033	NA
chr12	53718632	53719778	AAAS	ENSG00000094914	-557	0.23	0.26	0.47	-0.033	NA
chr12	72665683	72667551	AC087886.1	ENSG00000236333	-846	0.19	0.17	0.47	0.018	NA
chr12	123236994	123237664	DENR	ENSG00000139726	8	0.21	0.25	0.47	-0.035	NA
chr12	12966123	12966349	DDX47	ENSG00000213782	-14	0.27	0.13	0.48	0.14	NA
chr12	54673814	54674988	CBX5	ENSG00000094916	-515	0.36	0.5	0.48	-0.14	NA
chr12	76952707	76953830	OSBPL8	ENSG00000091039	16	0.19	0.23	0.48	-0.043	NA
chr12	117536290	117537421	TESC	ENSG00000088992	-395	0.27	0.24	0.48	0.033	NA
chr12	124086217	124087015	DDX55	ENSG00000111364	-8	0.29	0.24	0.48	0.048	NA
chr12	132334377	132334786	MMP17	ENSG00000198598	201	0.91	0.95	0.48	-0.043	NA
chr12	19592183	19593685	AEBP2	ENSG00000139154	326	0.15	0.17	0.49	-0.022	NA
chr12	33591763	33593050	SYT10	ENSG00000110975	175	0.22	0.2	0.49	0.019	NA
chr12	65152869	65153489	GNS	ENSG00000135677	7	0.19	0.16	0.49	0.032	NA
chr12	111051693	111052150	TCTN1	ENSG00000204852	89	0.17	0.14	0.49	0.03	NA
chr12	121880053	121880718	KDM2B	ENSG00000089094	-1338	0.91	0.94	0.49	-0.021	NA
chr12	6586820	6587112	RP1-102E24.6	ENSG00000256913	86	0.97	1	0.5	-0.031	NA
chr12	52994772	52995312	KRT72	ENSG00000170486	151	0.44	0.39	0.5	0.056	NA
chr12	132568607	132569715	EP400NL	ENSG00000185684	333	0.24	0.2	0.5	0.044	NA
chr12	132689880	132690197	GALNT9	ENSG00000182870	299	0.2	0.24	0.5	-0.033	NA
chr12	21680408	21680982	C12orf39	ENSG00000134548	-175	0.23	0.2	0.51	0.027	NA
chr12	53342805	53343162	KRT18	ENSG00000111057	72	0.42	0.35	0.51	0.067	NA
chr12	70759437	70761052	KCNMB4	ENSG00000135643	188	0.23	0.2	0.51	0.028	NA
chr12	48744318	48745099	ZNF641	ENSG00000167528	-154	0.27	0.19	0.52	0.084	NA
chr12	50188655	50188961	NCKAP5L	ENSG00000167566	1977	0.85	1	0.52	-0.15	NA
chr12	54332805	54333731	AC012531.10	ENSG00000249641	159	0.22	0.2	0.52	0.026	NA
chr12	54348695	54349378	HOXC12	ENSG00000123407	418	0.36	0.31	0.52	0.05	NA
chr12	88535735	88536148	CEP290	ENSG00000198707	-194	0.26	0.21	0.52	0.056	NA
chr12	102224262	102224614	GNPTAB	ENSG00000111670	19	0.27	0.18	0.52	0.089	NA
chr12	102455420	102455983	CCDC53	ENSG00000120860	51	0.2	0.25	0.52	-0.055	NA

chr12	104457766	104459087	GLT8D2	ENSG00000120820	-465	0.28	0.24	0.52	0.044	NA
chr12	110486083	110486574	C12orf76	ENSG00000174456	-1	0.19	0.27	0.52	-0.077	NA
chr12	117175623	117176436	C12orf49	ENSG00000111412	-388	0.32	0.28	0.52	0.039	NA
chr12	121734045	121735169	CAMKK2	ENSG00000110931	-118	0.33	0.29	0.52	0.043	NA
chr12	123459151	123460032	OGFOD2	ENSG00000111325	364	0.37	0.46	0.52	-0.089	NA
chr12	751752	752014	RP11-218M22.1	ENSG00000177406	43	0.2	0.17	0.53	0.034	NA
chr12	13152819	13153084	HTR7P1	ENSG00000183935	139	0.21	1	0.53	-0.79	NA
chr12	48298645	48299537	VDR	ENSG00000111424	-305	0.2	0.23	0.53	-0.027	NA
chr12	56223263	56223598	DNAJC14	ENSG00000135392	-43	0.29	0.22	0.53	0.063	NA
chr12	88973460	88974666	KITLG	ENSG00000049130	175	0.18	0.15	0.53	0.025	NA
chr12	6961005	6961873	CDCA3	ENSG00000111665	-209	0.22	0.25	0.54	-0.033	NA
chr12	12849067	12849270	GPR19	ENSG00000183150	-51	0.23	0.15	0.54	0.076	NA
chr12	13044042	13044667	GPRC5A	ENSG00000013588	-139	0.27	0.24	0.54	0.038	NA
chr12	106975195	106975714	RFX4	ENSG00000111783	-1231	0.31	0.39	0.54	-0.081	NA
chr12	112819466	112820489	C12orf51	ENSG00000173064	-81	0.21	0.17	0.54	0.038	NA
chr12	119419105	119419810	SRRM4	ENSG00000139767	157	0.23	0.18	0.54	0.044	NA
chr12	132392635	132394546	ULK1	ENSG00000177169	426	0.92	0.93	0.54	-0.015	NA
chr12	6772258	6772579	ING4	ENSG00000111653	-151	0.65	0.8	0.55	-0.15	NA
chr12	57943662	57943926	KIF5A	ENSG00000155980	13	0.42	0.3	0.55	0.12	NA
chr12	120241921	120242233	CIT	ENSG00000122966	205	0.17	0.23	0.55	-0.059	NA
chr12	16064080	16064534	DERA	ENSG00000023697	201	0.22	0.18	0.56	0.042	NA
chr12	71003624	71004057	PTPRB	ENSG00000127329	-216	0.19	0.23	0.56	-0.038	NA
chr12	124872135	124872419	NCOR2	ENSG00000196498	1093	0.46	0.37	0.56	0.085	NA
chr12	30848264	30849016	IPO8	ENSG00000133704	163	0.2	0.18	0.57	0.027	NA
chr12	8171336	8171790	RP11-69M1.4	ENSG00000255581	-1107	0.32	0.38	0.58	-0.064	NA
chr12	14134626	14135242	GRIN2B	ENSG00000150086	-1881	0.36	0.31	0.58	0.047	NA
chr12	26275049	26275878	SSPN	ENSG00000123096	478	0.22	0.3	0.58	-0.082	NA
chr12	58329723	58330004	RP11-620J15.3	ENSG00000257698	-21	0.31	0.25	0.58	0.065	NA
chr12	104359406	104360023	C12orf73	ENSG00000204954	-241	0.6	0.75	0.58	-0.15	NA
chr12	561109798	56110298	BLOC1S1	ENSG00000135441	228	0.21	0.26	0.59	-0.059	NA

chr12	110151327	110152758	C12orf34	ENSG00000139438	9	0.24	0.22	0.59	0.019	NA
chr12	121078161	121079483	CABP1	ENSG00000157782	467	0.21	0.19	0.59	0.019	NA
chr12	133186737	133187103	RP13-554M15.6	ENSG00000204583	63	0.45	0.64	0.59	-0.19	NA
chr12	6862672	6862989	MLF2	ENSG00000089693	-109	0.25	0.12	0.6	0.12	NA
chr12	54402682	54403347	HOXC8	ENSG00000037965	182	0.2	0.24	0.6	-0.036	NA
chr12	110905879	110907183	GPN3	ENSG00000111231	-465	0.27	0.25	0.6	0.025	NA
chr12	2861782	2862472	RP11-986G18.1	ENSG00000256902	171	0.21	0.17	0.61	0.031	NA
chr12	10826531	10826786	STYK1	ENSG00000060140	-29	0.16	0.2	0.61	-0.046	NA
chr12	54784900	54785238	ZNF385A	ENSG00000161642	-4	0.23	0.26	0.61	-0.038	NA
chr12	66582695	66583345	IRAK3	ENSG00000090376	45	0.21	0.18	0.61	0.029	NA
chr12	76741909	76742286	BBS10	ENSG00000179941	79	0.3	0.2	0.61	0.1	NA
chr12	123464820	123465972	ARL6IP4	ENSG00000182196	523	0.22	0.23	0.61	-0.017	NA
chr12	4430043	4430747	C12orf5	ENSG00000078237	24	0.16	0.18	0.62	-0.022	NA
chr12	12714633	12715200	DUSP16	ENSG00000111266	401	0.25	0.21	0.62	0.036	NA
chr12	62653865	62654677	FAM19A2	ENSG00000198673	-377	0.26	0.29	0.62	-0.037	NA
chr12	72079789	72080261	TMEM19	ENSG00000139291	158	0.21	0.18	0.62	0.025	NA
chr12	100660748	100661646	DEPDC4	ENSG00000166153	-364	0.35	0.38	0.62	-0.035	NA
chr12	109915131	109915638	KCTD10	ENSG00000110906	-246	0.3	0.26	0.62	0.035	NA
chr12	110337980	110338591	TCHP	ENSG00000139437	216	0.25	0.22	0.62	0.028	NA
chr12	122018170	122018457	KDM2B	ENSG00000089094	51	0.18	0.16	0.62	0.022	NA
chr12	27485683	27486676	ARNTL2	ENSG00000029153	392	0.27	0.25	0.63	0.022	NA
chr12	28343289	28343907	RP11-967K21.1	ENSG00000247934	-299	0.21	0.24	0.63	-0.03	NA
chr12	49453637	49454762	MLL2	ENSG00000167548	-642	0.24	0.26	0.63	-0.019	NA
chr12	52626793	52627577	KRT7	ENSG00000135480	287	0.22	0.19	0.63	0.027	NA
chr12	106532106	106533696	NUAK1	ENSG00000074590	-410	0.21	0.23	0.63	-0.018	NA
chr12	120799372	120799912	MSI1	ENSG00000135097	-331	0.19	0.25	0.63	-0.058	NA
chr12	132514283	132514525	EP400	ENSG00000183495	913	0.97	0.93	0.63	0.033	NA
chr12	46765134	46766633	SLC38A2	ENSG00000134294	-667	0.29	0.31	0.64	-0.02	NA
chr12	56101212	56101600	ITGA7	ENSG00000135424	280	0.39	0.31	0.65	0.076	NA
chr12	57028393	57028747	BAZ2A	ENSG00000076108	1532	0.19	0.22	0.65	-0.035	NA

chr12	105724272	105725052	C12orf75	ENSG00000235162	248	0.27	0.3	0.65	-0.032	NA
chr12	110318011	110318778	GLTP	ENSG00000139433	-264	0.33	0.3	0.65	0.026	NA
chr12	57623420	57623903	SHMT2	ENSG00000182199	-167	0.24	0.33	0.66	-0.096	NA
chr12	6657727	6657973	IFFO1	ENSG00000010295	489	0.87	0.82	0.67	0.051	NA
chr12	22199062	22199589	CMAS	ENSG00000111726	217	0.22	0.17	0.67	0.043	NA
chr12	57984776	57985302	PIP4K2C	ENSG00000166908	82	0.31	0.28	0.67	0.035	NA
chr12	121124111	121125479	MLEC	ENSG00000110917	123	0.23	0.21	0.68	0.022	NA
chr12	15475318	15475901	PTPRO	ENSG00000151490	278	0.18	0.14	0.69	0.039	NA
chr12	56435573	56436406	RP11-603J24.4	ENSG00000257449	-399	0.24	0.27	0.69	-0.028	NA
chr12	7046237	7047257	ATN1	ENSG00000111676	-114	0.31	0.28	0.7	0.03	NA
chr12	11653232	11653775	PRB2	ENSG00000121335	472	0.17	0.19	0.7	-0.024	NA
chr12	56727661	56727996	PAN2	ENSG00000135473	-107	0.22	0.25	0.7	-0.031	NA
chr12	114404002	114404377	RBM19	ENSG00000122965	-175	0.17	0.2	0.7	-0.032	NA
chr12	133286760	133287992	PGAM5	ENSG00000247077	-29	0.21	0.22	0.7	-0.013	NA
chr12	54069625	54070177	ATP5G2	ENSG00000135390	-35	0.33	0.47	0.71	-0.13	NA
chr12	54071053	54071265	ATP5G2	ENSG00000135390	23	0.37	0.51	0.71	-0.13	NA
chr12	103351579	103352695	PAH	ENSG00000171759	7	0.24	0.26	0.71	-0.017	NA
chr12	121837380	121838396	ANAPC5	ENSG00000089053	-189	0.28	0.26	0.71	0.02	NA
chr12	6715500	6715829	CHD4	ENSG00000111642	182	0.35	0.23	0.72	0.12	NA
chr12	104531174	104532539	NFYB	ENSG00000120837	-61	0.25	0.22	0.72	0.025	NA
chr12	109535264	109536431	UNG	ENSG00000076248	468	0.22	0.25	0.72	-0.024	NA
chr12	123351641	123351918	RP11-463O12.3	ENSG00000256152	1897	0.68	0.62	0.72	0.056	NA
chr12	10365369	10365721	GABARAPL1	ENSG00000139112	141	0.2	0.29	0.73	-0.09	NA
chr12	22777988	22778301	ETNK1	ENSG00000139163	135	0.27	0.19	0.73	0.072	NA
chr12	31944806	31945230	H3F3C	ENSG00000188375	157	0.83	0.92	0.73	-0.083	NA
chr12	50349079	50349525	RP11-469H8.8	ENSG00000257378	606	0.66	0.57	0.73	0.091	NA
chr12	58119909	58121551	RP11-571M6.6	ENSG00000255737	676	0.23	0.25	0.73	-0.015	NA
chr12	68725847	68726475	MDM1	ENSG00000111554	-126	0.22	0.19	0.73	0.028	NA
chr12	118499103	118499473	WSB2	ENSG00000176871	-293	0.33	0.29	0.73	0.04	NA
chr12	122667648	122668038	LRRC43	ENSG00000158113	179	0.24	0.21	0.73	0.034	NA

chr12	13154088	13154866	HTR7P1	ENSG00000183935	44	0.22	0.24	0.74	-0.016	NA
chr12	80328326	80329302	PPP1R12A	ENSG00000058272	-319	0.21	0.22	0.74	-0.017	NA
chr12	94533729	94533952	RP11-74K11.1	ENSG00000257360	-13	1	0.98	0.74	0.02	NA
chr12	131200509	131200726	RIMBP2	ENSG00000060709	209	0.23	0.2	0.74	0.038	NA
chr12	25348039	25348399	CASC1	ENSG00000118307	-159	0.29	0.34	0.75	-0.053	NA
chr12	75699310	75699513	RP11-560G2.2	ENSG00000257823	179	0.98	0.96	0.75	0.022	NA
chr12	112563184	112563788	TRAFD1	ENSG00000135148	181	0.22	0.2	0.75	0.023	NA
chr12	33049301	33050098	PKP2	ENSG00000057294	-164	0.23	0.22	0.76	0.014	NA
chr12	48206721	48207126	HDAC7	ENSG00000061273	-89	0.36	0.39	0.76	-0.028	NA
chr12	58165563	58165962	METTL1	ENSG00000037897	97	0.26	0.21	0.76	0.045	NA
chr12	6875481	6876923	PTMS	ENSG00000159335	661	0.24	0.23	0.77	0.012	NA
chr12	56617995	56618374	OBFC2B	ENSG00000139579	75	0.28	0.25	0.77	0.033	NA
chr12	72148477	72149340	RAB21	ENSG00000080371	254	0.26	0.24	0.77	0.023	NA
chr12	105629690	105630099	APPL2	ENSG00000136044	-33	0.26	0.23	0.77	0.03	NA
chr12	53440579	53440840	RP11-983P16.4	ENSG00000257337	34	0.27	0.31	0.78	-0.038	NA
chr12	70132340	70133559	RP11-588G21.2	ENSG00000247131	-607	0.17	0.18	0.78	-0.0096	NA
chr12	75784799	75785241	GLIPR1L2	ENSG00000180481	170	0.21	0.18	0.78	0.035	NA
chr12	93771465	93772289	RP11-486A14.2	ENSG00000257252	-393	0.27	0.25	0.78	0.02	NA
chr12	112279692	112280714	C12orf47	ENSG00000234608	-497	0.3	0.36	0.78	-0.064	NA
chr12	122984995	122985644	ZCCHC8	ENSG00000033030	-252	0.17	0.19	0.78	-0.016	NA
chr12	133148706	133149021	FBRSL1	ENSG00000112787	-250	0.87	0.9	0.78	-0.032	NA
chr12	49485766	49485977	RP11-386G11.8	ENSG00000257346	-120	0.33	0.31	0.79	0.025	NA
chr12	51566680	51567072	TFCP2	ENSG00000135457	-181	0.21	0.23	0.79	-0.026	NA
chr12	54393374	54394648	AC012531.17	ENSG00000250451	-607	0.23	0.21	0.79	0.017	NA
chr12	67462670	67463724	RP11-123O10.4	ENSG00000256248	-255	0.23	0.22	0.79	0.013	NA
chr12	69201622	69202663	MDM2	ENSG00000135679	186	0.42	0.38	0.79	0.031	NA
chr12	98850690	98851002	AC013418.1	ENSG00000227825	77	0.21	0.22	0.79	-0.018	NA
chr12	103350089	103350422	ASCL1	ENSG00000139352	-1209	0.17	0.29	0.79	-0.11	NA
chr12	131977468	131977843	RP11-897M7.1	ENSG00000256209	-159	1	0.8	0.79	0.2	NA
chr12	9102150	9102803	M6PR	ENSG00000003056	-270	0.17	0.19	0.8	-0.015	NA

chr12	123450868	123451207	ABCB9	ENSG00000150967	-88	0.28	0.43	0.8	-0.15	NA
chr12	129307947	129308724	SLC15A4	ENSG00000139370	-268	0.23	0.25	0.8	-0.018	NA
chr12	49176427	49177154	ADCY6	ENSG00000174233	1087	0.87	0.89	0.81	-0.021	NA
chr12	49484920	49485178	RP11-386G11.8	ENSG00000257346	-942	0.96	1	0.81	-0.044	NA
chr12	132195034	132196454	SFSWAP	ENSG00000061936	118	0.23	0.24	0.81	-0.011	NA
chr12	1639033	1640750	WNT5B	ENSG00000111186	834	0.2	0.2	0.82	0.0059	NA
chr12	6643261	6644607	GAPDH	ENSG00000111640	256	0.22	0.22	0.83	-0.0073	NA
chr12	32908374	32908981	YARS2	ENSG00000139131	53	0.2	0.27	0.83	-0.066	NA
chr12	53738546	53738986	SP7	ENSG00000170374	333	0.22	0.21	0.83	0.015	NA
chr12	102091044	102092366	CHPT1	ENSG00000111666	300	0.25	0.24	0.83	0.014	NA
chr12	175666	176400	IQSEC3	ENSG00000120645	102	0.2	0.17	0.84	0.024	NA
chr12	49782965	49783193	RP11-161H23.10	ENSG00000257954	-220	0.81	0.74	0.84	0.071	NA
chr12	69633272	69634095	CPSF6	ENSG00000111605	366	0.21	0.19	0.84	0.023	NA
chr12	54447744	54448091	HOXC4	ENSG00000198353	256	0.2	0.22	0.85	-0.023	NA
chr12	133195922	133196556	P2RX2	ENSG00000187848	254	0.25	0.43	0.85	-0.18	NA
chr12	6937570	6938639	LEPREL2	ENSG00000110811	532	0.2	0.19	0.86	0.0093	NA
chr12	12939713	12940391	APOLD1	ENSG00000178878	1511	0.17	0.17	0.86	0.0064	NA
chr12	56546192	56546411	MYL6B	ENSG00000196465	78	0.14	0.18	0.86	-0.031	NA
chr12	121905463	121905956	KDM2B	ENSG00000089094	-606	0.24	0.25	0.86	-0.015	NA
chr12	107380558	107381076	MTERFD3	ENSG00000120832	51	0.14	0.25	0.87	-0.11	NA
chr12	9800543	9800852	RP11-705C15.4	ENSG00000256442	-92	0.21	0.24	0.88	-0.039	NA
chr12	27396982	27397646	STK38L	ENSG00000211455	206	0.24	0.22	0.88	0.018	NA
chr12	113494389	113495534	DTX1	ENSG00000135144	447	0.22	0.21	0.88	0.009	NA
chr12	56497868	56499047	PA2G4	ENSG00000170515	354	0.25	0.26	0.89	-0.0098	NA
chr12	20094137	20094358	RP11-405A12.1	ENSG00000256849	-208	0.97	0.96	0.9	0.015	NA
chr12	53835295	53835568	PRR13	ENSG00000205352	42	0.42	0.3	0.9	0.12	NA
chr12	121882191	121882416	KDM2B	ENSG00000089094	842	0.78	0.82	0.9	-0.046	NA
chr12	129429603	129429843	RP11-753B7.2	ENSG00000255838	25	1	0.99	0.9	0.011	NA
chr12	131649194	131649608	RP11-638F5.1	ENSG00000204603	-155	0.95	0.97	0.9	-0.019	NA
chr12	132603367	132603646	EP400NL	ENSG00000185684	815	0.91	0.89	0.9	0.023	NA

chr12	6579555	6580429	VAMP1	ENSG00000139190	-212	0.2	0.21	0.91	-0.012	NA
chr12	32552025	32553038	FGD4	ENSG00000139132	68	0.23	0.22	0.91	0.0089	NA
chr12	53693441	53694028	C12orf10	ENSG00000139637	264	0.3	0.28	0.91	0.014	NA
chr12	57635240	57635572	NDUFA4L2	ENSG00000185633	-931	0.21	0.18	0.91	0.029	NA
chr12	109251205	109251586	SSH1	ENSG00000084112	-106	0.25	0.17	0.91	0.08	NA
chr12	31405184	31405545	RP11-627K11.1	ENSG00000243517	167	0.97	0.95	0.92	0.017	NA
chr12	48397889	48398731	COL2A1	ENSG00000139219	-206	0.19	0.17	0.92	0.011	NA
chr12	49350839	49351387	ARF3	ENSG00000134287	-261	0.21	0.22	0.92	-0.012	NA
chr12	58145853	58146360	CDK4	ENSG00000135446	-208	0.21	0.22	0.92	-0.011	NA
chr12	109746826	109748378	FOXN4	ENSG00000139445	-577	0.21	0.2	0.92	0.0093	NA
chr12	8234689	8235020	NECAP1	ENSG00000089818	47	0.17	0.11	0.93	0.055	NA
chr12	14927291	14928023	H2AFJ	ENSG00000246705	304	0.2	0.19	0.93	0.0082	NA
chr12	48499463	48500232	SENP1	ENSG00000079387	-256	0.22	0.2	0.93	0.023	NA
chr12	119212110	119212393	RP11-357K6.1	ENSG00000255618	691	0.14	0.33	0.93	-0.2	NA
chr12	32112161	32112833	C12orf35	ENSG00000174718	193	0.22	0.21	0.94	0.011	NA
chr12	49716630	49717018	TROAP	ENSG00000135451	-195	0.23	0.23	0.94	-0.0079	NA
chr12	49961630	49962219	MCRS1	ENSG00000187778	-291	0.42	0.4	0.94	0.017	NA
chr12	118814014	118814839	SUDS3	ENSG00000111707	241	0.18	0.19	0.94	-0.0095	NA
chr12	133179886	133180351	RP13-554M15.6	ENSG00000204583	1001	0.67	0.68	0.94	-0.012	NA
chr12	75601081	75601752	KCNC2	ENSG00000166006	368	0.28	0.27	0.95	0.0066	NA
chr12	100593253	100593814	RP11-175P13.3	ENSG00000257489	7	0.21	0.23	0.95	-0.022	NA
chr12	120884047	120884703	TRIAP1	ENSG00000170855	-202	0.27	0.29	0.95	-0.017	NA
chr12	123755246	123756408	CDK2AP1	ENSG00000111328	-139	0.18	0.19	0.95	-0.004	NA
chr12	32832130	32832978	DNM1L	ENSG00000087470	420	0.24	0.24	0.96	0.0087	NA
chr12	52444553	524445421	NR4A1	ENSG00000123358	-204	0.24	0.25	0.96	-0.0067	NA
chr12	52760834	52761099	KRT85	ENSG00000135443	299	1	0.94	0.96	0.055	NA
chr12	57869075	57870182	ARHGAP9	ENSG00000123329	-482	0.2	0.19	0.97	0.0079	NA
chr12	110010994	110011599	MVK	ENSG00000110921	236	0.21	0.17	0.97	0.041	NA
chr12	122516193	122517207	MLXIP	ENSG00000175727	72	0.23	0.23	0.97	0.0051	NA
chr12	122687800	122689106	B3GNT4	ENSG00000176383	363	0.21	0.2	0.97	0.0032	NA

chr12	125473414	125473824	DHX37	ENSG00000150990	48	0.21	0.21	0.97	-0.0093	NA
chr12	46661054	46663408	SLC38A1	ENSG00000111371	-747	0.23	0.23	0.98	-0.0025	NA
chr12	94071293	94071655	CRADD	ENSG00000169372	-19	0.22	0.27	0.98	-0.05	NA
chr12	132285972	132286527	5S_rRNA	ENSG00000200516	-270	0.95	0.97	0.98	-0.015	NA
chr12	57631932	57634578	NDUFA4L2	ENSG00000185633	1220	0.25	0.25	0.99	0.002	NA
chr12	105379976	105380445	C12orf45	ENSG00000151131	122	0.2	0.21	0.99	-0.0094	NA
chr12	111180006	111181028	PPP1CC	ENSG00000186298	127	0.24	0.25	0.99	-0.0068	NA
chr12	121975028	121976140	KDM2B	ENSG00000089094	-63	0.17	0.16	0.99	0.0042	NA
chr12	125002880	125003101	NCOR2	ENSG00000196498	-150	0.23	0.26	0.99	-0.029	NA
chr12	498098	498920	KDM5A	ENSG00000073614	-79	0.23	0.23	1	2.00E-04	NA
chr12	2113343	2113881	DCP1B	ENSG00000151065	-19	0.18	0.17	1	0.0093	NA
chr12	2999665	3000638	TULP3	ENSG00000078246	118	0.21	0.21	1	0.0057	NA
chr12	4433733	4433984	C12orf5	ENSG00000078237	49	1	1	1	0	NA
chr12	6602360	6602586	MRPL51	ENSG00000111639	-12	0.17	0.25	1	-0.077	NA
chr12	6857973	6858257	MLF2	ENSG00000089693	1369	0.91	0.93	1	-0.024	NA
chr12	7342541	7342798	PEX5	ENSG00000139197	117	0.35	0.33	1	0.022	NA
chr12	7781003	7781248	AC006927.4	ENSG00000244726	-755	1	1	1	0	NA
chr12	8395051	8396713	RP11-266K4.8	ENSG00000164845	-338	0.32	0.31	1	0.0038	NA
chr12	8757750	8758079	AICDA	ENSG00000111732	1698	1	0.98	1	0.023	NA
chr12	9392459	9392686	RP11-118B22.2	ENSG00000237248	-27	0.8	0.78	1	0.019	NA
chr12	11323771	11324331	RP11-785H5.2	ENSG00000256712	-99	0.25	0.25	1	-0.003	NA
chr12	12764751	12765205	CREBL2	ENSG00000111269	217	0.6	0.6	1	#####	NA
chr12	20704525	20706004	RP11-424C20.2	ENSG00000256663	740	0.98	0.99	1	-0.0026	NA
chr12	21590469	21590785	PYROXD1	ENSG00000121350	78	0.19	0.21	1	-0.02	NA
chr12	34319681	34319984	RP11-313F23.1	ENSG00000250788	57	0.89	0.88	1	0.013	NA
chr12	39300469	39300680	RP11-396F22.1	ENSG00000257718	321	0.18	0.2	1	-0.018	NA
chr12	42680607	42680889	RP11-76E16.2	ENSG00000257674	35	0.94	0.95	1	-0.0088	NA
chr12	47224912	47225664	SLC38A4	ENSG00000139209	903	0.25	0.25	1	-0.0035	NA
chr12	49182421	49182658	ADCY6	ENSG00000174233	281	0.2	0.24	1	-0.035	NA
chr12	49393139	49393361	DDN	ENSG00000181418	-158	0.21	0.2	1	0.01	NA

chr12	49420031	49420292	MLL2	ENSG00000167548	-1754	0.91	1	1	-0.087	NA
chr12	49483601	49484255	RP11-386G11.8	ENSG00000257346	-63	0.21	0.21	1	0.00085	NA
chr12	49504035	49504642	LMBR1L	ENSG00000139636	112	0.3	0.31	1	-0.0039	NA
chr12	50474869	50475445	ACCN2	ENSG00000110881	1324	0.58	0.59	1	-0.012	NA
chr12	50794549	50794920	LARP4	ENSG00000161813	142	0.22	0.23	1	-0.0095	NA
chr12	52294173	52294632	RP11-1100L3.4	ENSG00000258021	53	1	0.98	1	0.016	NA
chr12	53297442	53297824	KRT8	ENSG00000170421	-201	0.37	0.37	1	-0.0009	NA
chr12	53774336	53774603	SP1	ENSG00000185591	46	0.12	0.12	1	0.0049	NA
chr12	56522943	56523285	RP11-603J24.5	ENSG00000258317	289	0.3	0.28	1	0.021	NA
chr12	56753861	56754323	STAT2	ENSG00000170581	-182	0.23	0.24	1	-0.0098	NA
chr12	57609976	57611168	NXPH4	ENSG00000182379	-6	0.21	0.21	1	-0.0009	NA
chr12	57824155	57824395	R3HDM2	ENSG00000179912	298	0.27	0.3	1	-0.026	NA
chr12	58004982	58005351	ARHGEF25	ENSG00000240771	-52	0.39	0.39	1	-0.0051	NA
chr12	62860383	62860855	MON2	ENSG00000061987	22	0.22	0.23	1	-0.0065	NA
chr12	67663041	67664047	CAND1	ENSG00000111530	483	0.22	0.18	1	0.035	NA
chr12	69327021	69327532	CPM	ENSG00000135678	-294	0.28	0.27	1	0.015	NA
chr12	74564752	74565178	RP11-274M17.1	ENSG00000258320	740	0.96	0.95	1	0.012	NA
chr12	75602991	75603344	KCNC2	ENSG00000166006	48	0.26	0.24	1	0.023	NA
chr12	75723829	75724206	CAPS2	ENSG00000180881	-181	0.34	0.33	1	0.0064	NA
chr12	76424634	76426316	PHLDA1	ENSG00000139289	19	0.21	0.21	1	0.0027	NA
chr12	79198064	79198400	RP11-123M21.1	ENSG00000257948	104	0.98	0.98	1	0.0015	NA
chr12	82152320	82152674	PPFIA2	ENSG00000139220	-71	0.35	0.33	1	0.02	NA
chr12	85306282	85306829	SLC6A15	ENSG00000072041	17	0.24	0.24	1	-0.0014	NA
chr12	91347804	91348096	C12orf12	ENSG00000197651	-477	0.99	1	1	-0.013	NA
chr12	96252555	96253029	RP11-536G4.2	ENSG00000258343	-216	1	1	1	0	NA
chr12	96640797	96641167	ELK3	ENSG00000111145	73	0.98	1	1	-0.02	NA
chr12	98987193	98988203	SLC25A3	ENSG00000075415	329	0.21	0.19	1	0.02	NA
chr12	102132753	102133415	SYCP3	ENSG00000139351	107	0.99	0.99	1	0.0034	NA
chr12	104350503	104351069	C12orf73	ENSG00000204954	-270	1	1	1	0	NA
chr12	104659057	104659583	RPL18AP3	ENSG00000213442	233	1	1	1	0	NA

chr12	104680737	104681096	TXNRD1	ENSG00000198431	148	0.3	0.25	1	0.05	NA
chr12	106979429	106981086	RFX4	ENSG00000111783	752	0.24	0.24	1	0.0026	NA
chr12	108954495	108955023	SART3	ENSG00000075856	176	0.18	0.2	1	-0.021	NA
chr12	111471061	111471578	CUX2	ENSG00000111249	-509	0.26	0.29	1	-0.029	NA
chr12	112204498	112204979	ALDH2	ENSG00000111275	47	0.17	0.17	1	-0.0017	NA
chr12	112846955	112847200	RPL6	ENSG00000089009	38	0.23	0.23	1	0.0061	NA
chr12	113592203	113592620	CCDC42B	ENSG00000186710	1376	0.2	0.2	1	-0.0029	NA
chr12	113622761	113623931	DDX54	ENSG00000123064	-101	0.29	0.29	1	0.0012	NA
chr12	113659038	113659657	TPCN1	ENSG00000186815	113	1	0.86	1	0.14	NA
chr12	117484305	117484627	TESC	ENSG00000088992	170	0.94	0.95	1	-0.011	NA
chr12	120651711	120651943	PXN	ENSG00000089159	1982	0.97	0.97	1	0.0054	NA
chr12	120933649	120934713	RP11-18C24.6	ENSG00000248008	-438	0.25	0.25	1	-0.0011	NA
chr12	121163472	121163913	ACADS	ENSG00000122971	154	0.19	0.19	1	0.0071	NA
chr12	121341414	121342436	AC069214.1	ENSG00000157837	249	0.18	0.18	1	0.0031	NA
chr12	123011261	123011765	RSRC2	ENSG00000111011	-30	0.26	0.25	1	0.003	NA
chr12	123754049	123754373	CDK2AP1	ENSG00000111328	-425	0.19	0.2	1	-0.014	NA
chr12	124780105	124780306	FAM101A	ENSG00000178882	136	0.33	0.36	1	-0.024	NA
chr12	125003217	125003482	NCOR2	ENSG00000196498	-509	0.12	0.15	1	-0.02	NA
chr12	125599306	125599625	AACS	ENSG00000081760	498	1	0.97	1	0.026	NA
chr12	130184541	130184852	RP11-174M13.2	ENSG00000256137	-1924	0.97	0.96	1	0.0056	NA
chr12	131389263	131389783	Y_RNA	ENSG00000206850	-1860	1	0.92	1	0.077	NA
chr12	132284454	132284685	5S_rRNA	ENSG00000200516	1410	0.3	0.3	1	-0.0022	NA
chr12	132601226	132601984	EP400NL	ENSG00000185684	-1086	0.93	0.93	1	0.0017	NA
chr12	132633217	132635301	NOC4L	ENSG00000184967	-1127	0.96	0.98	1	-0.016	NA
chr12	132855170	132855382	RP13-895J2.3	ENSG00000256542	1341	0.5	0.5	1	0	NA
chr12	133296223	133296495	PGAM5	ENSG00000247077	1807	1	1	1	0	NA
chr12	133404789	133405985	GOLGA3	ENSG00000090615	-99	0.3	0.3	1	-0.0013	NA
chr12	4647844	4648053	RAD51AP1	ENSG00000111247	-2	0.44	NA	NA	NA	NA
chr12	9436217	9436654	RP11-22B23.1	ENSG00000111788	190	0.26	NA	NA	NA	NA
chr12	14518525	14518975	ATF7IP	ENSG00000171681	140	NA	0.17	NA	NA	NA

chr12	21810488	21810766	LDHB	ENSG00000111716	101	0.36	NA	NA	NA	NA
chr12	29534090	29534308	ERGIC2	ENSG00000087502	-105	0.25	NA	NA	NA	NA
chr12	31881630	31882461	AMN1	ENSG00000151743	-101	0.43	NA	NA	NA	NA
chr12	46385607	46385887	SCAF11	ENSG00000139218	156	NA	0.22	NA	NA	NA
chr12	52309034	52309337	ACVRL1	ENSG00000139567	-47	0.93	NA	NA	NA	NA
chr12	52639195	52639416	KRT7	ENSG00000135480	82	0.33	NA	NA	NA	NA
chr12	52684945	52685222	KRT81	ENSG00000205426	216	0.83	NA	NA	NA	NA
chr12	52695727	52696004	KRT86	ENSG00000170442	216	NA	1	NA	NA	NA
chr12	53491572	53491955	IGFBP6	ENSG00000167779	312	0.21	NA	NA	NA	NA
chr12	54811981	54812202	ITGA5	ENSG00000161638	820	0.33	NA	NA	NA	NA
chr12	56660442	56661131	COQ10A	ENSG00000135469	144	0.17	NA	NA	NA	NA
chr12	57853715	57853973	GLI1	ENSG00000111087	-74	0.4	NA	NA	NA	NA
chr12	58132478	58132734	AGAP2	ENSG00000135439	-577	NA	0.17	NA	NA	NA
chr12	88429105	88429606	C12orf29	ENSG00000133641	132	0.15	NA	NA	NA	NA
chr12	95397382	95397611	NDUFA12	ENSG00000184752	-112	NA	0.19	NA	NA	NA
chr12	100378243	100378582	ANKS1B	ENSG00000185046	20	0.33	NA	NA	NA	NA
chr12	108297426	108297743	RP11-554D14.2	ENSG00000258072	141	NA	0.28	NA	NA	NA
chr12	108956188	108956759	ISCU	ENSG00000136003	115	NA	0.14	NA	NA	NA
chr12	109548899	109549174	RP11-443D10.3	ENSG00000256139	13	0.25	NA	NA	NA	NA
chr12	113376185	113376493	OAS3	ENSG00000111331	90	NA	0.21	NA	NA	NA
chr12	121789970	121790274	ANAPC5	ENSG00000089053	-15	0.27	NA	NA	NA	NA
chr12	123942639	123943001	SNRNP35	ENSG00000184209	154	0.22	NA	NA	NA	NA
chr12	131606751	131606999	GPR133	ENSG00000111452	376	0.95	NA	NA	NA	NA
chr12	132690339	132690571	GALNT9	ENSG00000182870	-108	0.23	NA	NA	NA	NA
chr12	132853943	132854190	RP13-895J2.3	ENSG00000256542	131	0.52	NA	NA	NA	NA
chr13	52769556	52769878	THSD1P1	ENSG00000217576	-1117	0.65	0.18	1.30E-09	0.47	NA
chr13	100620241	100624348	ZIC5	ENSG00000139800	678	0.38	0.22	4.70E-09	0.17	NA
chr13	103450877	103453216	KDELC1	ENSG00000134901	-782	0.39	0.21	9.30E-09	0.18	NA
chr13	44453207	44454295	C13orf31	ENSG00000179630	331	0.43	0.18	1.40E-08	0.25	NA
chr13	28494001	28496099	PDX1	ENSG00000139515	893	0.33	0.16	2.50E-08	0.18	NA

chr13	31735109	31736670	HSPH1	ENSG00000120694	143	0.29	0.12	2.70E-08	0.17	NA
chr13	111566486	111568366	ANKRD10	ENSG00000088448	-462	0.36	0.18	4.10E-08	0.18	NA
chr13	113633843	113634065	MCF2L	ENSG00000126217	299	0.97	0.39	1.60E-07	0.58	NA
chr13	113951096	113951990	LAMP1	ENSG00000185896	-13	0.36	0.14	3.50E-07	0.21	NA
chr13	25254393	25255093	ATP12A	ENSG00000075673	194	0.4	0.16	5.30E-07	0.24	NA
chr13	100258708	100259220	CLYBL	ENSG00000125246	45	0.53	0.13	6.10E-07	0.4	NA
chr13	20436776	20439089	ZMYM5	ENSG00000132950	-284	0.27	0.15	1.10E-06	0.13	NA
chr13	101326329	101327723	TMTC4	ENSG00000125247	2	0.37	0.17	1.40E-06	0.21	NA
chr13	36052553	36053119	NBEA	ENSG00000172915	1950	0.29	0.13	2.20E-06	0.16	NA
chr13	80914013	80915574	SPRY2	ENSG00000136158	-550	0.33	0.13	2.30E-06	0.2	NA
chr13	21634519	21635907	LATS2	ENSG00000150457	473	0.36	0.21	3.10E-06	0.15	NA
chr13	53774264	53776345	PCDH8P1	ENSG00000225510	1188	0.66	0.52	3.10E-06	0.15	NA
chr13	28542221	28543544	CDX2	ENSG00000165556	623	0.32	0.18	4.00E-06	0.14	NA
chr13	28540356	28541279	CDX2	ENSG00000165556	645	0.43	0.22	4.10E-06	0.2	NA
chr13	41767827	41768762	KBTBD7	ENSG00000120696	313	0.74	0.29	5.10E-06	0.45	NA
chr13	53024155	53024938	VPS36	ENSG00000136100	-167	0.4	0.16	9.20E-06	0.24	NA
chr13	32420630	32421274	EEF1DP3	ENSG00000229715	-26	0.31	0.15	9.30E-06	0.16	NA
chr13	33161192	33161835	PDS5B	ENSG00000083642	807	0.34	0.14	1.20E-05	0.21	NA
chr13	20531548	20533630	ZMYM2	ENSG00000121741	-221	0.3	0.17	1.30E-05	0.12	NA
chr13	19918585	19919221	ANKRD26P3	ENSG00000237636	62	0.43	0.2	3.10E-05	0.24	NA
chr13	76209540	76211213	LMO7	ENSG00000136153	430	0.35	0.21	3.50E-05	0.14	NA
chr13	21277233	21278446	IL17D	ENSG00000172458	357	0.26	0.14	3.80E-05	0.12	NA
chr13	95363152	95366051	SOX21	ENSG00000125285	-212	0.25	0.16	4.20E-05	0.092	NA
chr13	21893156	21893605	GRK6P1	ENSG00000215571	149	0.93	0.76	4.90E-05	0.17	NA
chr13	114897358	114898516	RASA3	ENSG00000185989	90	0.31	0.17	5.20E-05	0.14	NA
chr13	36705040	36705707	DCLK1	ENSG00000133083	70	0.42	0.17	5.60E-05	0.25	NA
chr13	28674227	28675170	FLT3	ENSG00000122025	9	0.32	0.16	6.40E-05	0.16	NA
chr13	111935411	111935682	ARHGEF7	ENSG00000102606	371	1	0.45	9.00E-05	0.55	NA
chr13	29292670	29293329	SLC46A3	ENSG00000139508	-21	0.27	0.12	9.60E-05	0.15	NA
chr13	48877459	48878501	RP11-305D15.2	ENSG00000231473	-185	0.32	0.18	9.60E-05	0.14	NA

chr13	44947371	44948443	SERP2	ENSG00000151778	106	0.4	0.21	0.00012	0.19	NA
chr13	79232822	79233417	RNF219	ENSG00000152193	195	0.71	0.21	0.00012	0.49	NA
chr13	23949134	23949940	SACS	ENSG00000151835	145	0.37	0.17	0.00021	0.2	NA
chr13	38923957	38924413	UFM1	ENSG00000120686	199	0.5	0.2	0.00028	0.3	NA
chr13	108519292	108521063	FAM155A	ENSG00000204442	-1094	0.29	0.19	0.00033	0.1	NA
chr13	25743998	25746127	FAM123A	ENSG00000165566	795	0.34	0.21	0.00041	0.12	NA
chr13	20138855	20139323	CASC4P1	ENSG00000238132	-49	0.72	0.47	0.00042	0.25	NA
chr13	20735043	20736157	GJA3	ENSG00000121743	-412	0.34	0.14	0.00043	0.2	NA
chr13	115079664	115080365	ZNF828	ENSG00000198824	26	0.41	0.19	0.00049	0.22	NA
chr13	91999541	92001441	MIR17HG	ENSG00000215417	417	0.28	0.19	0.00054	0.098	NA
chr13	41345062	41345570	MRPS31	ENSG00000102738	-237	0.34	0.15	0.00079	0.19	NA
chr13	44359858	44361696	ENOX1	ENSG00000120658	267	0.28	0.19	0.00083	0.091	NA
chr13	99228319	99229576	STK24	ENSG00000102572	-489	0.35	0.2	0.00089	0.14	NA
chr13	20766208	20767779	GJB2	ENSG00000165474	44	0.34	0.23	0.00091	0.1	NA
chr13	103248813	103249992	TPP2	ENSG00000134900	49	0.3	0.19	0.00094	0.1	NA
chr13	114875198	114875418	RASA3-IT1	ENSG00000232487	-1013	0.87	0.59	0.00095	0.28	NA
chr13	42030913	42032667	C13orf15	ENSG00000102760	95	0.35	0.17	0.0011	0.19	NA
chr13	49794125	49795542	MLNR	ENSG00000102539	359	0.31	0.19	0.0013	0.13	NA
chr13	45991974	45992591	XXyac-YMR12DG2.1	ENSG00000251015	-15	0.27	0.11	0.0015	0.16	NA
chr13	114505868	114506122	FAM70B	ENSG00000184497	-28	0.24	0.55	0.0015	-0.31	NA
chr13	103425298	103426887	C13orf27	ENSG00000151287	-204	0.59	0.45	0.0016	0.14	NA
chr13	96328868	96329946	DNAJC3-AS1	ENSG00000247400	-228	0.32	0.22	0.0022	0.11	NA
chr13	100740956	100741805	PCCA	ENSG00000175198	111	0.36	0.21	0.0022	0.15	NA
chr13	22243259	22245362	FGF9	ENSG00000102678	-1212	0.32	0.2	0.0023	0.12	NA
chr13	96204691	96205496	CLDN10	ENSG00000134873	114	0.39	0.24	0.0023	0.15	NA
chr13	113343853	113345188	ATP11A	ENSG00000068650	-123	0.35	0.21	0.0023	0.14	NA
chr13	113622737	113623660	MCF2L	ENSG00000126217	441	0.31	0.16	0.0024	0.16	NA
chr13	102568425	102569495	FGF14	ENSG00000102466	35	0.25	0.16	0.0025	0.094	NA
chr13	25945993	25946953	ATP8A2	ENSG00000132932	264	0.28	0.19	0.0026	0.094	NA
chr13	113656116	113656379	MCF2L	ENSG00000126217	40	0.38	0.18	0.0026	0.2	NA

chr13	112758598	112760491	RP11-450H6.2	ENSG00000229520	1652	0.29	0.2	0.0027	0.093	NA
chr13	24477426	24478053	C1QTNF9B	ENSG00000205863	-945	0.46	0.3	0.0029	0.17	NA
chr13	111364718	111368530	CARS2	ENSG00000134905	-1791	0.27	0.19	0.003	0.072	NA
chr13	24882098	24882951	C1QTNF9	ENSG00000240654	-1192	0.92	0.82	0.0037	0.11	NA
chr13	41363435	41364319	SLC25A15	ENSG00000102743	329	0.36	0.2	0.004	0.17	NA
chr13	50366060	50367303	KPNA3	ENSG00000102753	376	0.3	0.18	0.004	0.12	NA
chr13	37633395	37633966	FAM48A	ENSG00000102710	-111	0.37	0.16	0.0046	0.21	NA
chr13	113548643	113549127	MCF2L	ENSG00000126217	193	0.33	0.14	0.0051	0.19	NA
chr13	79175610	79177985	POU4F1	ENSG00000152192	898	0.29	0.21	0.0052	0.076	NA
chr13	20806016	20806867	GJB6	ENSG00000121742	-1	0.39	0.23	0.0053	0.16	NA
chr13	114534708	114535359	GAS6	ENSG00000183087	1681	0.96	0.75	0.0053	0.2	NA
chr13	22247803	22249755	FGF9	ENSG00000102678	638	0.25	0.17	0.0059	0.071	NA
chr13	22057995	22058261	RP11-149B7.4	ENSG00000226908	185	1	0.53	0.0064	0.47	NA
chr13	40229743	40230181	COG6	ENSG00000133103	198	0.3	0.16	0.0079	0.14	NA
chr13	99738331	99740225	DOCK9	ENSG00000088387	-631	0.28	0.2	0.0091	0.079	NA
chr13	114461829	114462490	FAM70B	ENSG00000184497	-57	0.24	0.13	0.0094	0.11	NA
chr13	58203586	58204322	PCDH17	ENSG00000118946	-1990	0.48	0.22	0.014	0.26	NA
chr13	22032862	22033730	ZDHHC20	ENSG00000180776	118	0.36	0.25	0.015	0.11	NA
chr13	30423921	30424941	UBL3	ENSG00000122042	390	0.2	0.12	0.015	0.081	NA
chr13	113750486	113751565	MCF2L	ENSG00000126217	1489	0.95	0.9	0.015	0.057	NA
chr13	102068116	102069258	NALCN	ENSG00000102452	19	0.32	0.21	0.017	0.12	NA
chr13	113729302	113729516	MCF2L	ENSG00000126217	628	0.97	0.84	0.018	0.13	NA
chr13	27844658	27845525	RASL11A	ENSG00000122035	-223	0.28	0.16	0.019	0.12	NA
chr13	49106411	49107463	RCBTB2	ENSG00000136161	276	0.29	0.16	0.02	0.12	NA
chr13	42614178	42615650	DGKH	ENSG00000102780	738	0.25	0.18	0.022	0.063	NA
chr13	40176849	40177576	LHFP	ENSG00000183722	96	0.33	0.22	0.023	0.12	NA
chr13	53226382	53226960	SUGT1	ENSG00000165416	-173	0.43	0.15	0.024	0.27	NA
chr13	114454895	114455871	AC187648.1	ENSG00000227208	-1321	0.94	0.99	0.024	-0.055	NA
chr13	115046754	115048034	UPF3A	ENSG00000169062	335	0.28	0.2	0.025	0.087	NA
chr13	21476759	21477384	XPO4	ENSG00000132953	-185	0.44	0.26	0.026	0.18	NA

chr13	33589928	33591428	KL	ENSG00000133116	471	0.29	0.2	0.026	0.087	NA
chr13	42621745	42623038	DGKH	ENSG00000102780	-498	0.26	0.18	0.026	0.087	NA
chr13	45914617	45915656	TPT1	ENSG00000133112	85	0.23	0.17	0.026	0.058	NA
chr13	111213589	111214477	RAB20	ENSG00000139832	47	0.23	0.15	0.027	0.084	NA
chr13	50655281	50656408	DLEU2	ENSG00000231607	264	0.37	0.21	0.028	0.16	NA
chr13	108870502	108871328	LIG4	ENSG00000174405	-199	0.34	0.24	0.029	0.1	NA
chr13	111358080	111358894	CARS2	ENSG00000134905	-343	0.31	0.2	0.029	0.11	NA
chr13	48668845	48669392	MED4	ENSG00000136146	86	0.52	0.31	0.031	0.21	NA
chr13	24463119	24463677	MIPEP	ENSG00000027001	139	0.39	0.22	0.032	0.16	NA
chr13	80055066	80055713	NDFIP2	ENSG00000102471	102	0.3	0.22	0.032	0.073	NA
chr13	46960684	46961670	C13orf18	ENSG00000102445	140	0.19	0.27	0.034	-0.087	NA
chr13	77600570	77601428	FBXL3	ENSG00000005812	221	0.37	0.23	0.034	0.14	NA
chr13	29352787	29353205	RP11-161P17.1	ENSG00000236339	301	0.87	0.98	0.035	-0.11	NA
chr13	99404482	99405103	SLC15A1	ENSG00000088386	116	0.27	0.17	0.036	0.1	NA
chr13	73632860	73634370	KLF5	ENSG00000102554	685	0.29	0.22	0.037	0.071	NA
chr13	28712176	28713453	PAN3	ENSG00000152520	171	0.29	0.18	0.04	0.11	NA
chr13	32885424	32885662	ZAR1L	ENSG00000189167	548	0.99	0.91	0.04	0.077	NA
chr13	36049570	36050159	MAB21L1	ENSG00000180660	968	0.3	0.19	0.046	0.11	NA
chr13	45011151	45011395	FILIP1LP1	ENSG00000225727	-70	0.7	0.25	0.048	0.45	NA
chr13	74708001	74709601	KLF12	ENSG00000118922	-407	0.3	0.22	0.049	0.082	NA
chr13	21099568	21100443	CRYL1	ENSG00000165475	-9	0.26	0.16	0.05	0.11	NA
chr13	26624725	26626265	SHISA2	ENSG00000180730	-297	0.24	0.18	0.05	0.059	NA
chr13	49549822	49551042	FNDC3A	ENSG00000102531	384	0.32	0.23	0.051	0.09	NA
chr13	28194183	28196249	LNX2	ENSG00000139517	-675	0.28	0.22	0.052	0.062	NA
chr13	95953337	95954211	ABCC4	ENSG00000125257	-185	0.29	0.2	0.053	0.093	NA
chr13	31773919	31775034	B3GALTL	ENSG00000187676	403	0.27	0.2	0.054	0.076	NA
chr13	93879245	93880877	GPC6	ENSG00000183098	966	0.24	0.17	0.054	0.069	NA
chr13	27131568	27132677	WASF3	ENSG00000132970	282	0.32	0.24	0.055	0.086	NA
chr13	30880899	30881939	KATNAL1	ENSG00000102781	-426	0.31	0.56	0.06	-0.25	NA
chr13	111267780	111268778	CARKD	ENSG00000213995	398	0.25	0.15	0.066	0.098	NA

chr13	46626454	46627019	ZC3H13	ENSG00000123200	84	0.35	0.25	0.067	0.097	NA
chr13	41634172	41636120	ELF1	ENSG00000120690	-70	0.27	0.22	0.068	0.051	NA
chr13	114538394	114538673	GAS6	ENSG00000183087	484	0.94	0.83	0.07	0.11	NA
chr13	27825351	27826049	RPL21	ENSG00000122026	254	0.27	0.19	0.071	0.077	NA
chr13	28024165	28025278	MTIF3	ENSG00000122033	-543	0.24	0.16	0.072	0.084	NA
chr13	32889533	32889900	BRCA2	ENSG00000139618	105	0.32	0.21	0.076	0.11	NA
chr13	38443682	38444228	TRPC4	ENSG00000133107	-95	0.29	0.41	0.077	-0.12	NA
chr13	99852386	99853552	RP11-87L10.1	ENSG00000228889	-5	0.25	0.2	0.079	0.054	NA
chr13	72439362	72440059	DACH1	ENSG00000165659	1197	0.27	0.19	0.081	0.081	NA
chr13	77566089	77566599	CLN5	ENSG00000102805	125	0.17	0.27	0.085	-0.1	NA
chr13	98794398	98796241	FARP1	ENSG00000152767	-115	0.27	0.22	0.085	0.051	NA
chr13	96296143	96297059	DZIP1	ENSG00000134874	319	0.2	0.15	0.09	0.054	NA
chr13	41496587	41496806	AL157877.1	ENSG00000239827	-786	0.64	1	0.095	-0.36	NA
chr13	48611646	48612268	NUDT15	ENSG00000136159	254	0.26	0.13	0.096	0.13	NA
chr13	81229047	81229445	PWWP2AP1	ENSG00000226683	356	0.73	0.84	0.097	-0.11	NA
chr13	114144455	114145625	DCUN1D2	ENSG00000150401	-231	0.31	0.22	0.097	0.084	NA
chr13	28544524	28544890	CDX2	ENSG00000165556	-1202	0.44	1	0.11	-0.56	NA
chr13	47012102	47012440	PPP1R2P4	ENSG00000241353	-148	0.63	0.46	0.11	0.16	NA
chr13	96742138	96744162	HS6ST3	ENSG00000185352	57	0.24	0.19	0.11	0.051	NA
chr13	112760865	112761113	RP11-450H6.2	ENSG00000229520	207	0.35	0.2	0.11	0.15	NA
chr13	23412207	23412623	IPMKP1	ENSG00000226507	-396	0.6	0.2	0.12	0.4	NA
chr13	23422687	23422896	RFESDP1	ENSG00000231650	-1449	1	0.8	0.12	0.2	NA
chr13	78271801	78272906	SLAIN1	ENSG00000139737	330	0.3	0.22	0.12	0.078	NA
chr13	112984966	112985733	RP11-315H15.1	ENSG00000223626	190	0.31	0.24	0.12	0.068	NA
chr13	113497296	113497661	ATP11A	ENSG00000068650	855	0.79	0.89	0.12	-0.1	NA
chr13	114427774	114429465	GRK1	ENSG00000185974	-840	0.21	0.35	0.12	-0.14	NA
chr13	36871667	36872059	C13orf38	ENSG00000242715	23	0.28	0.14	0.13	0.14	NA
chr13	41495776	41496213	AL157877.1	ENSG00000239827	-139	0.14	0.25	0.13	-0.11	NA
chr13	45694522	45694966	GTF2F2	ENSG00000188342	94	0.32	0.16	0.13	0.16	NA
chr13	60970403	60972045	TDRD3	ENSG00000083544	633	0.21	0.15	0.13	0.06	NA

chr13	29233148	29233513	POMP	ENSG00000132963	89	0.29	0.21	0.14	0.079	NA
chr13	24734771	24735538	SPATA13	ENSG00000182957	293	0.22	0.32	0.15	-0.1	NA
chr13	25086522	25087067	PARP4	ENSG00000102699	154	0.2	0.27	0.16	-0.07	NA
chr13	26042693	26043486	ATP8A2	ENSG00000132932	-24	0.3	0.2	0.16	0.1	NA
chr13	28366549	28368505	GSX1	ENSG00000169840	747	0.27	0.2	0.16	0.066	NA
chr13	37393213	37394092	RFXAP	ENSG00000133111	291	0.26	0.19	0.16	0.075	NA
chr13	113862362	113864517	PCID2	ENSG00000126226	-1072	0.23	0.19	0.16	0.044	NA
chr13	115000148	115000874	CDC16	ENSG00000130177	149	0.29	0.17	0.16	0.12	NA
chr13	39261236	39262299	FREM2	ENSG00000150893	501	0.2	0.16	0.18	0.041	NA
chr13	112707804	112708696	SNORD44	ENSG00000200072	1858	0.33	0.23	0.18	0.1	NA
chr13	20207461	20208252	MPHOSPH8	ENSG00000196199	68	0.6	0.22	0.2	0.38	NA
chr13	22177803	22178452	EFHA1	ENSG00000165487	-277	0.29	0.23	0.2	0.057	NA
chr13	30054342	30054558	MTUS2	ENSG00000132938	256	0.92	0.86	0.2	0.068	NA
chr13	77900504	77901140	MYCBP2	ENSG00000005810	355	0.26	0.17	0.2	0.089	NA
chr13	96705229	96705909	UGGT2	ENSG00000102595	23	0.26	0.2	0.2	0.062	NA
chr13	101240689	101241226	A2LD1	ENSG00000134864	28	0.34	0.26	0.2	0.088	NA
chr13	52025691	52027946	INTS6	ENSG00000102786	-1115	0.27	0.22	0.21	0.047	NA
chr13	21714289	21715115	SAP18	ENSG00000150459	49	0.27	0.21	0.22	0.062	NA
chr13	107219926	107220664	ARGLU1	ENSG00000134884	-324	0.21	0.17	0.24	0.041	NA
chr13	21572797	21573460	U6	ENSG00000251902	478	0.98	0.95	0.26	0.025	NA
chr13	95354189	95355184	RP11-477B16.4	ENSG00000238230	430	0.34	0.26	0.26	0.081	NA
chr13	50018121	50018738	CAB39L	ENSG00000102547	-240	0.39	0.3	0.29	0.099	NA
chr13	25496588	25497299	CENPJ	ENSG00000151849	5	0.3	0.23	0.3	0.064	NA
chr13	25874994	25876200	NUPL1	ENSG00000139496	-65	0.29	0.22	0.3	0.07	NA
chr13	42845853	42846807	AKAP11	ENSG0000023516	41	0.32	0.26	0.3	0.056	NA
chr13	48575080	48575575	SUCLA2	ENSG00000136143	-217	0.29	0.36	0.3	-0.074	NA
chr13	60737660	60738285	DIAPH3	ENSG00000139734	-72	0.24	0.18	0.31	0.052	NA
chr13	67804593	67805459	PCDH9	ENSG00000184226	-558	0.24	0.2	0.31	0.047	NA
chr13	100153365	100154138	TM9SF2	ENSG00000125304	80	0.23	0.19	0.31	0.041	NA
chr13	21140951	21141719	IFT88	ENSG00000032742	127	0.26	0.19	0.32	0.067	NA

chr13	49821925	49822703	CDADC1	ENSG00000102543	267	0.51	0.37	0.32	0.14	NA
chr13	76123438	76124268	COMMD6	ENSG00000188243	-289	0.29	0.2	0.32	0.096	NA
chr13	78492425	78493382	EDNRB	ENSG00000136160	42	0.35	0.25	0.32	0.097	NA
chr13	23489630	23490058	NUS1P2	ENSG00000234685	54	0.13	0.25	0.33	-0.12	NA
chr13	24152899	24154140	TNFRSF19	ENSG00000127863	21	0.19	0.15	0.33	0.033	NA
chr13	19172475	19172841	RP11-484H12.1	ENSG00000230473	-1466	0.91	0.72	0.35	0.19	NA
chr13	19239270	19239918	FEM1AP4	ENSG00000235876	219	0.79	0.84	0.35	-0.058	NA
chr13	31191511	31192189	HMGB1	ENSG00000189403	-116	0.18	0.27	0.35	-0.098	NA
chr13	47126970	47128706	LRCH1	ENSG00000136141	535	0.34	0.28	0.35	0.064	NA
chr13	114462702	114462957	FAM70B	ENSG00000184497	613	0.26	0.44	0.35	-0.18	NA
chr13	33001249	33002078	N4BP2L1	ENSG00000139597	480	0.26	0.2	0.36	0.058	NA
chr13	43566074	43566508	EPSTI1	ENSG00000133106	10	0.39	0.32	0.36	0.07	NA
chr13	46038953	46039681	COG3	ENSG00000136152	257	0.25	0.2	0.36	0.049	NA
chr13	30995685	30995947	RP11-223E19.2	ENSG00000225039	558	0.47	0.36	0.37	0.11	NA
chr13	45149970	45152288	TSC22D1	ENSG00000102804	-737	0.24	0.27	0.38	-0.031	NA
chr13	48806982	48807948	ITM2B	ENSG00000136156	171	0.3	0.23	0.38	0.068	NA
chr13	50159386	50160106	RCBTB1	ENSG00000136144	-32	0.29	0.23	0.38	0.069	NA
chr13	52585314	52586567	ATP7B	ENSG00000123191	-393	0.19	0.15	0.38	0.039	NA
chr13	114537440	114537790	GAS6	ENSG00000183087	-901	0.94	1	0.38	-0.059	NA
chr13	29067788	29069977	FLT1	ENSG00000102755	350	0.22	0.2	0.39	0.022	NA
chr13	53313127	53314045	LECT1	ENSG00000136110	-99	0.33	0.26	0.39	0.066	NA
chr13	52377821	52378573	DHRS12	ENSG00000102796	-338	0.39	0.32	0.4	0.067	NA
chr13	53191405	53191872	HNRNPA1L2	ENSG00000139675	33	0.42	0.28	0.4	0.14	NA
chr13	114018789	114019685	GRTP1	ENSG00000139835	-791	0.41	0.45	0.4	-0.045	NA
chr13	95253814	95254569	GPR180	ENSG00000152749	34	0.37	0.19	0.41	0.19	NA
chr13	113350478	113351511	RP11-144L2.1	ENSG00000237030	-151	0.98	0.94	0.42	0.046	NA
chr13	64385719	64386057	RP11-394A14.1	ENSG00000213232	-147	0.98	0.94	0.43	0.045	NA
chr13	73355703	73356612	DIS3	ENSG00000083520	-165	0.31	0.25	0.43	0.065	NA
chr13	45563288	45564002	NUFIP1	ENSG00000083635	-27	0.25	0.2	0.46	0.051	NA
chr13	113677627	113677836	MCF2L	ENSG00000126217	-1247	0.52	0.38	0.46	0.13	NA

chr13	88323569	88324640	RP11-342C20.3	ENSG00000228824	-590	0.25	0.22	0.47	0.031	NA
chr13	100637112	100637472	ZIC2	ENSG00000043355	249	0.31	0.22	0.47	0.097	NA
chr13	36044844	36045481	NBEA	ENSG00000172915	-485	0.33	0.24	0.48	0.091	NA
chr13	42534880	42535461	KIAA0564	ENSG00000102763	39	0.29	0.2	0.49	0.09	NA
chr13	52768295	52768854	MRPS31P3	ENSG00000243406	-61	0.43	0.32	0.49	0.11	NA
chr13	77554263	77554535	RPL7P44	ENSG00000233873	1652	0.38	0.2	0.49	0.18	NA
chr13	42623339	42623560	DGKH	ENSG00000102780	560	0.3	0.2	0.5	0.11	NA
chr13	41885251	41886196	NAA16	ENSG00000172766	382	0.29	0.24	0.51	0.05	NA
chr13	103498100	103498763	ERCC5	ENSG00000134899	257	0.29	0.23	0.51	0.061	NA
chr13	111805638	111806531	ARHGEF7	ENSG00000102606	90	0.18	0.16	0.51	0.022	NA
chr13	98628059	98629306	IPO5	ENSG00000065150	-37	0.32	0.29	0.52	0.036	NA
chr13	76055077	76056799	TBC1D4	ENSG00000136111	312	0.21	0.19	0.54	0.022	NA
chr13	98085220	98087119	RAP2A	ENSG00000125249	-307	0.29	0.27	0.54	0.029	NA
chr13	110958891	110960590	COL4A1	ENSG00000187498	-262	0.22	0.2	0.54	0.021	NA
chr13	114198318	114198552	TMCO3	ENSG00000150403	-1635	1	0.9	0.54	0.1	NA
chr13	21750287	21751332	SKA3	ENSG00000165480	-197	0.25	0.22	0.55	0.031	NA
chr13	114586257	114586710	RP11-199F6.5	ENSG00000226921	45	1	0.97	0.55	0.028	NA
chr13	37574792	37575223	EXOSC8	ENSG00000120699	90	0.27	0.2	0.56	0.067	NA
chr13	48892635	48893857	RP11-305D15.6	ENSG00000238086	1365	0.86	0.83	0.59	0.027	NA
chr13	114290024	114290262	TFDP1	ENSG00000198176	-1323	0.95	0.98	0.59	-0.034	NA
chr13	25861234	25861794	MTMR6	ENSG00000139505	113	0.23	0.18	0.6	0.049	NA
chr13	39612417	39612930	NHLRC3	ENSG00000188811	230	0.39	0.28	0.6	0.12	NA
chr13	52702773	52703387	AL139082.1	ENSG00000245521	53	0.26	0.22	0.6	0.041	NA
chr13	113540350	113540558	AL356740.1	ENSG00000234603	903	0.36	0.2	0.6	0.16	NA
chr13	107186468	107189024	EFNB2	ENSG00000125266	-284	0.23	0.22	0.62	0.013	NA
chr13	114017866	114018463	GRTP1	ENSG00000139835	249	0.21	0.19	0.62	0.021	NA
chr13	32605320	32605903	FRY	ENSG00000073910	174	0.27	0.23	0.63	0.04	NA
chr13	36919737	36921004	SPG20	ENSG00000133104	-599	0.22	0.2	0.63	0.022	NA
chr13	88326600	88326919	SLITRK5	ENSG00000165300	1261	0.43	0.53	0.64	-0.097	NA
chr13	31377145	31377493	RP11-469L23.2	ENSG00000237879	-24	0.33	0.17	0.65	0.17	NA

chr13	100631752	100635526	ZIC2	ENSG00000043355	-387	0.26	0.26	0.67	0.0087	NA
chr13	44542468	44542893	DGKZP1	ENSG00000179611	120	0.9	0.87	0.69	0.032	NA
chr13	20356147	20357234	PSPC1	ENSG00000121390	367	0.23	0.22	0.71	0.013	NA
chr13	44543782	44544018	DGKZP1	ENSG00000179611	1340	0.95	0.98	0.71	-0.029	NA
chr13	21833761	21834456	RP11-101P17.6	ENSG00000239501	-60	0.97	0.98	0.74	-0.011	NA
chr13	95359641	95359874	AL137061.2	ENSG00000248922	993	0.21	0.19	0.75	0.028	NA
chr13	19751260	19751483	TUBA3C	ENSG00000198033	1780	0.87	0.9	0.78	-0.024	NA
chr13	27998586	27999178	GTF3A	ENSG00000122034	201	0.21	0.2	0.79	0.014	NA
chr13	20135399	20136041	ESRRAP1	ENSG00000215572	-311	0.88	0.89	0.8	-0.012	NA
chr13	39611688	39612116	C13orf23	ENSG00000120685	72	0.29	0.33	0.8	-0.033	NA
chr13	95248288	95248672	TGDS	ENSG00000088451	16	0.23	0.25	0.8	-0.02	NA
chr13	98828563	98829385	RNF113B	ENSG00000139797	545	0.99	1	0.8	-0.0073	NA
chr13	47370763	47371484	ESD	ENSG00000139684	145	0.34	0.37	0.81	-0.031	NA
chr13	37005581	37006453	CCNA1	ENSG00000133101	50	0.19	0.18	0.84	0.0094	NA
chr13	43148277	43149282	TNFSF11	ENSG00000120659	490	0.27	0.25	0.85	0.02	NA
chr13	70681732	70682219	KLHL1	ENSG00000150361	-161	0.25	0.27	0.85	-0.016	NA
chr13	73301230	73302154	MZT1	ENSG00000204899	133	0.23	0.22	0.85	0.013	NA
chr13	43597504	43597856	DNAJC15	ENSG00000120675	341	0.19	0.21	0.87	-0.018	NA
chr13	52979999	52980586	THSD1	ENSG00000136114	-29	0.22	0.24	0.9	-0.021	NA
chr13	113242125	113242656	TUBGCP3	ENSG00000126216	49	0.3	0.31	0.9	-0.0086	NA
chr13	79980004	79980723	RBM26	ENSG00000139746	-13	0.24	0.23	0.91	0.0093	NA
chr13	21347443	21348257	N6AMT2	ENSG00000150456	207	0.25	0.11	0.92	0.14	NA
chr13	34392127	34392493	RFC3	ENSG00000133119	124	0.33	0.26	0.92	0.075	NA
chr13	113745161	113745644	MCF2L	ENSG00000126217	119	0.97	1	0.93	-0.03	NA
chr13	113761566	113765534	F7	ENSG00000057593	-1104	0.35	0.35	0.94	-0.0049	NA
chr13	33160284	33160913	PDS5B	ENSG00000083642	34	0.18	0.16	0.95	0.018	NA
chr13	36788414	36789038	SOHLH2	ENSG00000120669	-1	0.99	0.98	0.97	0.013	NA
chr13	19173704	19174808	RP11-484H12.1	ENSG00000230473	132	0.54	0.54	1	-0.0004	NA
chr13	21872179	21872665	RP11-101P17.7	ENSG00000244054	144	0.32	0.33	1	-0.012	NA
chr13	21894085	21894606	GRK6P1	ENSG00000215571	1050	1	0.98	1	0.019	NA

chr13	23471763	23471969	BASP1P1	ENSG00000230535	278	1	1	1	0	NA
chr13	25670041	25670531	PABPC3	ENSG00000151846	-14	0.41	0.41	1	0.0061	NA
chr13	26795809	26796712	RNF6	ENSG00000127870	-432	0.23	0.23	1	-0.0011	NA
chr13	26827936	26829103	CDK8	ENSG00000132964	243	0.4	0.4	1	-0.0041	NA
chr13	27334226	27335205	GPR12	ENSG00000132975	-288	0.22	0.23	1	-0.0043	NA
chr13	37247949	37248463	C13orf36	ENSG00000180440	157	0.25	0.26	1	-0.011	NA
chr13	41706202	41707120	KBTBD6	ENSG00000165572	221	0.36	0.37	1	-0.0087	NA
chr13	44544202	44544578	DGKZP1	ENSG00000179611	1830	0.98	0.98	1	0.0091	NA
chr13	45965248	45965559	RCN1P2	ENSG00000214455	-1	1	0.97	1	0.033	NA
chr13	50509944	50511198	C13orf1	ENSG00000123178	-95	0.25	0.24	1	0.0069	NA
chr13	50570375	50571643	TRIM13	ENSG00000204977	370	0.26	0.27	1	-0.003	NA
chr13	51483747	51484591	RNASEH2B	ENSG00000136104	355	0.22	0.22	1	0.0029	NA
chr13	51796492	51796888	FAM124A	ENSG00000150510	187	0.14	0.14	1	0.0044	NA
chr13	52158056	52159235	WDFY2	ENSG00000139668	1	0.23	0.23	1	-0.0015	NA
chr13	52733378	52733861	NEK3	ENSG00000136098	-109	0.2	0.21	1	-0.012	NA
chr13	57714971	57715304	PRR20A	ENSG00000204919	85	1	1	1	0	NA
chr13	69558904	69559304	ZDHHC20P4	ENSG00000232380	-86	0.98	1	1	-0.025	NA
chr13	76111673	76112044	COMMD6	ENSG00000188243	-104	0.25	0.23	1	0.019	NA
chr13	77459322	77461099	KCTD12	ENSG00000178695	315	0.22	0.22	1	-0.0024	NA
chr13	90015412	90015775	SP3P	ENSG00000225530	-115	1	0.99	1	0.0084	NA
chr13	100150692	100151020	AL139035.1	ENSG00000233552	-1830	0.24	0.2	1	0.04	NA
chr13	101184396	101184848	A2LD1	ENSG00000134864	1285	0.99	0.99	1	0.0037	NA
chr13	103052361	103052944	FGF14	ENSG00000102466	1472	0.23	0.24	1	-0.0029	NA
chr13	108518334	108518633	FAM155A	ENSG00000204442	600	0.2	0.22	1	-0.021	NA
chr13	112238672	112238893	RP11-65D24.2	ENSG00000204398	-1856	0.93	0.92	1	0.0067	NA
chr13	113410004	113410362	ATP11A-AS1	ENSG00000232684	-1176	0.95	0.98	1	-0.027	NA
chr13	113742736	113743019	MCF2L	ENSG00000126217	767	0.93	1	1	-0.071	NA
chr13	114507535	114507980	FAM70B	ENSG00000184497	1734	1	1	1	0	NA
chr13	20134266	20134485	ESRRAP1	ENSG00000215572	1034	1	NA	NA	NA	NA
chr13	21678416	21678648	IPPKP1	ENSG00000225585	-22	1	NA	NA	NA	NA

chr13	21835389	21835608	ESRRAP2	ENSG00000235438	1327	0.75	NA	NA	NA	NA
chr13	23270580	23270919	FTH1P7	ENSG00000232187	-36	NA	1	NA	NA	NA
chr13	24553676	24554007	RP11-309I15.1	ENSG00000228741	-108	0.22	NA	NA	NA	NA
chr13	24902292	24902696	NUS1P3	ENSG00000234627	145	NA	1	NA	NA	NA
chr13	28365545	28365785	GSX1	ENSG00000169840	-1115	NA	0.2	NA	NA	NA
chr13	37573273	37573612	ALG5	ENSG00000120697	31	0.21	NA	NA	NA	NA
chr13	44715873	44716242	RP11-478K15.2	ENSG00000227258	-625	1	NA	NA	NA	NA
chr13	50265224	50265598	EBPL	ENSG00000123179	149	0.33	NA	NA	NA	NA
chr13	53029194	53030128	CKAP2	ENSG00000136108	166	0.16	NA	NA	NA	NA
chr13	53063034	53063436	RP11-78J21.4	ENSG00000244471	107	1	NA	NA	NA	NA
chr13	80913157	80913461	SPRY2	ENSG00000136158	-337	0.18	NA	NA	NA	NA
chr13	110960924	110961143	COL4A2	ENSG00000134871	1402	NA	0.11	NA	NA	NA
chr13	111290666	111290970	AL139385.1	ENSG00000255831	-737	0.91	NA	NA	NA	NA
chr13	113241711	113241925	TUBGCP3	ENSG00000126216	-158	NA	1	NA	NA	NA
chr13	114145965	114146172	TMCO3	ENSG00000150403	657	NA	0.33	NA	NA	NA
chr14	29234889	29235908	FOXG1	ENSG00000176165	348	0.61	0.32	2.50E-09	0.29	NA
chr14	105932793	105933036	MTA1	ENSG00000182979	1243	0.82	0.41	4.80E-09	0.41	NA
chr14	106938196	106938818	NCRNA00221	ENSG00000187156	62	0.86	0.72	1.40E-08	0.14	NA
chr14	37053134	37053690	NKX2-8	ENSG00000136327	-1600	0.52	0.29	4.80E-08	0.24	NA
chr14	103655241	103655928	AL161669.2	ENSG00000251533	-219	0.34	0.18	9.30E-08	0.16	NA
chr14	51134480	51135304	SAV1	ENSG00000151748	157	0.34	0.15	1.70E-07	0.18	NA
chr14	38678245	38680937	SSTR1	ENSG00000139874	1270	0.44	0.24	4.40E-07	0.2	NA
chr14	50582970	50583504	METTL21D	ENSG00000100483	-256	0.14	0.34	2.00E-06	-0.2	NA
chr14	104094551	104096361	RP11-73M18.2	ENSG00000256500	-69	0.29	0.19	2.30E-06	0.11	NA
chr14	31343355	31344757	COCH	ENSG00000100473	315	0.32	0.14	3.10E-06	0.18	NA
chr14	103522988	103524431	CDC42BPB	ENSG00000198752	90	0.23	0.13	4.60E-06	0.1	NA
chr14	105992499	105996414	TMEM121	ENSG00000184986	1516	0.42	0.33	8.00E-06	0.09	NA
chr14	20106918	20107278	RP11-244H18.3	ENSG00000257357	1635	0.34	0.59	8.60E-06	-0.25	NA
chr14	105936264	105936558	RP11-521B24.5	ENSG00000257270	543	0.95	0.7	9.80E-06	0.25	NA
chr14	38063663	38065665	FOXA1	ENSG00000129514	-425	0.24	0.14	1.10E-05	0.1	NA

chr14	92979726	92981228	RIN3	ENSG00000100599	352	0.66	0.49	1.10E-05	0.17	NA
chr14	24044886	24046760	JPH4	ENSG00000092051	852	0.33	0.23	2.10E-05	0.1	NA
chr14	35591126	35592003	PPP2R3C	ENSG00000092020	-45	0.22	0.58	2.10E-05	-0.36	NA
chr14	103593234	103593923	TNFAIP2	ENSG00000185215	-335	0.16	0.34	3.00E-05	-0.18	NA
chr14	105218946	105220090	SIVA1	ENSG00000184990	48	0.19	0.6	4.00E-05	-0.41	NA
chr14	21538006	21538665	ARHGEF40	ENSG00000165801	-192	0.34	0.17	5.30E-05	0.17	NA
chr14	36990873	36991209	NKX2-1	ENSG00000136352	-687	0.58	0.22	7.20E-05	0.36	NA
chr14	100437381	100438863	EVL	ENSG00000196405	-29	0.32	0.2	0.00012	0.12	NA
chr14	95237622	95238211	GSC	ENSG00000133937	-1417	0.19	0.36	0.00013	-0.18	NA
chr14	58618291	58619220	C14orf37	ENSG00000139971	176	0.29	0.14	0.00015	0.15	NA
chr14	51560116	51562487	TRIM9	ENSG00000100505	746	0.18	0.27	0.00016	-0.094	NA
chr14	104387580	104388036	C14orf2	ENSG00000156411	95	0.13	0.44	0.00016	-0.31	NA
chr14	100069475	100071813	CCDC85C	ENSG00000205476	83	0.23	0.15	0.00017	0.073	NA
chr14	37049333	37051726	NKX2-8	ENSG00000136327	1283	0.24	0.16	0.00025	0.079	NA
chr14	68066584	68067134	PIGH	ENSG00000100564	158	0.33	0.13	0.00032	0.21	NA
chr14	101192851	101193499	DLK1	ENSG00000185559	11	0.43	0.27	0.00038	0.16	NA
chr14	105189927	105190864	ADSSL1	ENSG00000185100	-139	0.35	0.48	0.00038	-0.13	NA
chr14	37126786	37128274	PAX9	ENSG00000198807	757	0.27	0.17	0.00042	0.11	NA
chr14	50234243	50235538	KLHDC2	ENSG00000165516	564	0.25	0.15	0.00042	0.092	NA
chr14	51296727	51298477	NIN	ENSG00000100503	-405	0.31	0.2	0.00047	0.12	NA
chr14	77736733	77737772	NGB	ENSG00000165553	403	0.29	0.15	0.00047	0.14	NA
chr14	37135513	37136348	PAX9	ENSG00000198807	732	0.4	0.23	0.00051	0.17	NA
chr14	89258396	89259587	EML5	ENSG00000165521	105	0.26	0.16	0.00053	0.1	NA
chr14	50100315	50102009	C14orf104	ENSG00000165506	786	0.25	0.17	0.00061	0.084	NA
chr14	94253952	94255733	PRIMA1	ENSG00000175785	-737	0.48	0.38	0.00063	0.1	NA
chr14	37641232	37641879	SLC25A21	ENSG00000183032	310	0.17	0.3	0.00076	-0.13	NA
chr14	106333492	106333920	IGHJ1P	ENSG00000227335	-1818	1	0.62	0.00079	0.38	NA
chr14	23517223	23517741	CDH24	ENSG00000139880	1866	0.89	0.78	9.00E-04	0.11	NA
chr14	36986362	36990576	RP11-896J10.2	ENSG00000253563	-14	0.23	0.17	0.00091	0.055	NA
chr14	65346111	65347346	SPTB	ENSG00000070182	-173	0.27	0.16	0.00093	0.11	NA

chr14	55907197	55907433	TBPL2	ENSG00000182521	19	0.88	0.69	0.0011	0.19	NA
chr14	60193831	60194302	RTN1	ENSG00000139970	365	0.91	0.99	0.0011	-0.088	NA
chr14	100625319	100626461	DEGS2	ENSG00000168350	122	0.19	0.13	0.0014	0.066	NA
chr14	73358789	73360934	DPF3	ENSG00000205683	-810	0.24	0.14	0.0016	0.1	NA
chr14	36002598	36005013	INSM2	ENSG00000168348	557	0.21	0.16	0.0019	0.054	NA
chr14	69658127	69658773	EXD2	ENSG00000081177	222	0.2	0.38	0.0019	-0.18	NA
chr14	24768620	24769364	DHRS1	ENSG00000157379	-326	0.15	0.27	0.0022	-0.12	NA
chr14	58765173	58766386	ARID4A	ENSG00000032219	557	0.25	0.17	0.0023	0.084	NA
chr14	73712288	73712911	U6	ENSG00000252839	989	0.69	0.56	0.0024	0.13	NA
chr14	36277778	36278620	RALGAPA1	ENSG00000174373	-59	0.1	0.46	0.0025	-0.36	NA
chr14	97263559	97264274	VRK1	ENSG00000100749	232	0.17	0.28	0.0025	-0.12	NA
chr14	103057926	103060044	RCOR1	ENSG00000089902	-248	0.2	0.28	0.0029	-0.083	NA
chr14	35873047	35873990	NFKBIA	ENSG00000100906	434	0.23	0.12	0.003	0.11	NA
chr14	62228974	62229268	SNAPC1	ENSG00000023608	28	0.34	1	0.0032	-0.66	NA
chr14	55518131	55518957	MAPK1IP1L	ENSG00000168175	182	0.27	0.16	0.0033	0.11	NA
chr14	24911411	24912119	SDR39U1	ENSG00000100445	-106	0.28	0.52	0.0034	-0.24	NA
chr14	81686385	81687885	GTF2A1	ENSG00000165417	159	0.29	0.18	0.0035	0.11	NA
chr14	77923870	77924596	VIPAR	ENSG00000151445	-329	0.29	0.11	0.0043	0.18	NA
chr14	101033876	101035229	BEGAIN	ENSG00000183092	-145	0.27	0.18	0.0043	0.092	NA
chr14	35098694	35099478	SNX6	ENSG00000129515	229	0.25	0.13	0.0048	0.12	NA
chr14	68086277	68086957	ARG2	ENSG00000081181	38	0.25	0.14	0.005	0.11	NA
chr14	106321750	106322002	IGHM	ENSG00000211899	447	0.85	0.99	0.0067	-0.13	NA
chr14	91883672	91885367	CCDC88C	ENSG00000015133	-829	0.25	0.18	0.0068	0.071	NA
chr14	69444639	69446826	ACTN1	ENSG00000072110	-761	0.28	0.2	0.0079	0.074	NA
chr14	88459118	88459689	GALC	ENSG00000054983	95	0.18	0.36	0.0087	-0.18	NA
chr14	35008526	35009049	EAPP	ENSG00000129518	156	0.33	0.18	0.0088	0.15	NA
chr14	94640366	94641648	PPP4R4	ENSG00000119698	358	0.35	0.24	0.0088	0.11	NA
chr14	105964988	105965304	C14orf80	ENSG00000185347	1183	0.83	0.94	0.0088	-0.11	NA
chr14	102771116	102771718	RAGE	ENSG00000080823	54	0.26	0.13	0.0092	0.13	NA
chr14	56585042	56586234	PELI2	ENSG00000139946	545	0.23	0.15	0.0093	0.073	NA

chr14	69864713	69865073	ERH	ENSG00000100632	128	0.31	0.17	0.0093	0.15	NA
chr14	55737940	55738999	FBXO34	ENSG00000178974	448	0.27	0.17	0.0099	0.1	NA
chr14	93260307	93260924	GOLGA5	ENSG00000066455	-35	0.19	0.12	0.01	0.07	NA
chr14	105647469	105647827	RP11-44N21.4	ENSG00000257622	-117	0.22	0.82	0.01	-0.6	NA
chr14	65878486	65880370	FUT8	ENSG00000033170	-107	0.25	0.17	0.011	0.083	NA
chr14	94547001	94547665	DDX24	ENSG00000089737	196	0.28	0.19	0.011	0.095	NA
chr14	31926260	31926810	RP11-176H8.1	ENSG00000203546	47	0.32	0.19	0.012	0.13	NA
chr14	101293427	101294433	MEG3	ENSG00000214548	182	0.66	0.48	0.012	0.18	NA
chr14	50086955	50088261	RPL36AL	ENSG00000165502	-247	0.14	0.2	0.013	-0.062	NA
chr14	50359340	50360797	ARF6	ENSG00000165527	258	0.18	0.29	0.013	-0.1	NA
chr14	104313161	104314990	PPP1R13B	ENSG00000088808	-148	0.25	0.19	0.013	0.057	NA
chr14	50998577	50999711	MAP4K5	ENSG00000012983	232	0.23	0.16	0.014	0.071	NA
chr14	100149727	100151073	CYP46A1	ENSG00000036530	-254	0.18	0.25	0.014	-0.078	NA
chr14	76044590	76045102	AC007182.1	ENSG00000119686	-94	0.31	0.19	0.015	0.12	NA
chr14	102829156	102829873	CINP	ENSG00000100865	-261	0.18	0.11	0.015	0.062	NA
chr14	81407710	81408133	CEP128	ENSG00000100629	110	0.22	0.64	0.017	-0.42	NA
chr14	93581083	93582797	ITPK1	ENSG00000100605	323	0.18	0.25	0.017	-0.07	NA
chr14	103851217	103852708	MARK3	ENSG00000075413	261	0.23	0.16	0.017	0.074	NA
chr14	36295427	36296030	BRMS1L	ENSG00000100916	204	0.27	0.45	0.018	-0.18	NA
chr14	103995404	103995772	TRMT61A	ENSG00000166166	79	0.21	0.07	0.018	0.14	NA
chr14	64931879	64932542	AKAP5	ENSG00000179841	-7	0.29	0.2	0.019	0.096	NA
chr14	101349372	101349860	MIR127	ENSG00000207608	300	0.99	0.93	0.019	0.059	NA
chr14	48143433	48145589	MDGA2	ENSG00000139915	-719	0.28	0.22	0.021	0.056	NA
chr14	52780687	52781969	PTGER2	ENSG00000125384	215	0.19	0.26	0.021	-0.067	NA
chr14	64194241	64195049	SGPP1	ENSG00000126821	89	0.2	0.15	0.021	0.056	NA
chr14	91975670	91977326	SMEK1	ENSG00000100796	146	0.22	0.3	0.021	-0.08	NA
chr14	105451903	105452561	C14orf79	ENSG00000140104	120	0.26	0.16	0.023	0.095	NA
chr14	66974369	66976235	GPHN	ENSG00000171723	446	0.21	0.17	0.025	0.041	NA
chr14	95623080	95624220	DICER1	ENSG00000100697	-43	0.17	0.13	0.025	0.044	NA
chr14	39639364	39639635	TRAPPC6B	ENSG00000182400	19	0.25	0.1	0.026	0.15	NA

chr14	23425982	23426457	HAUS4	ENSG00000092036	78	0.25	0.17	0.027	0.083	NA
chr14	45722148	45722802	MIS18BP1	ENSG00000129534	-95	0.29	0.15	0.027	0.14	NA
chr14	21492735	21494270	NDRG2	ENSG00000165795	-283	0.17	0.25	0.029	-0.08	NA
chr14	51026872	51027570	ATL1	ENSG00000198513	405	0.38	0.19	0.03	0.19	NA
chr14	77491938	77495276	IRF2BPL	ENSG00000119669	1427	0.18	0.22	0.03	-0.036	NA
chr14	24036399	24037076	AP1G2	ENSG00000213983	-204	0.16	0.28	0.031	-0.12	NA
chr14	55595697	55596692	LGALS3	ENSG00000131981	259	0.31	0.23	0.031	0.08	NA
chr14	45603373	45603906	FKBP3	ENSG00000100442	93	0.19	0.33	0.032	-0.15	NA
chr14	34419508	34420438	EGLN3	ENSG00000129521	59	0.34	0.25	0.034	0.087	NA
chr14	70038108	70040302	C14orf162	ENSG00000255994	-1173	0.93	0.9	0.034	0.026	NA
chr14	75469315	75469882	EIF2B2	ENSG00000119718	-14	0.29	0.18	0.034	0.11	NA
chr14	77227569	77228691	VASH1	ENSG00000071246	-105	0.18	0.27	0.036	-0.091	NA
chr14	105766558	105767996	BRF1	ENSG00000185024	-472	0.19	0.15	0.037	0.043	NA
chr14	54420184	54422958	BMP4	ENSG00000125378	-301	0.25	0.2	0.038	0.052	NA
chr14	64009645	64010525	PPP2R5E	ENSG00000154001	7	0.16	0.23	0.042	-0.065	NA
chr14	106916361	106916611	AB019438.63	ENSG00000228966	494	0.77	0.97	0.043	-0.19	NA
chr14	23815886	23816110	SLC22A17	ENSG00000092096	1432	0.97	0.81	0.048	0.16	NA
chr14	60951976	60952946	C14orf39	ENSG00000179008	353	0.3	0.42	0.049	-0.11	NA
chr14	73392696	73393616	DCAF4	ENSG00000119599	116	0.19	0.3	0.049	-0.1	NA
chr14	24601498	24601700	FITM1	ENSG00000139914	1115	0.77	0.92	0.051	-0.15	NA
chr14	75894308	75895469	JDP2	ENSG00000140044	379	0.21	0.16	0.053	0.053	NA
chr14	104583036	104584574	MIR203	ENSG00000207568	63	0.34	0.29	0.055	0.047	NA
chr14	90526696	90528951	KCNK13	ENSG00000152315	-285	0.19	0.22	0.059	-0.037	NA
chr14	20929157	20929708	TMEM55B	ENSG00000165782	160	0.24	0.17	0.06	0.067	NA
chr14	105181017	105181450	INF2	ENSG00000203485	-829	0.84	0.94	0.062	-0.098	NA
chr14	23755121	23755456	HOMEZ	ENSG00000215271	21	0.45	0.18	0.065	0.28	NA
chr14	85999532	86000478	FLRT2	ENSG00000185070	461	0.2	0.15	0.065	0.057	NA
chr14	105685452	105685733	BRF1	ENSG00000185024	873	0.86	0.96	0.067	-0.1	NA
chr14	21851498	21852550	SUPT16H	ENSG00000092201	401	0.25	0.16	0.068	0.089	NA
chr14	53618865	53620039	DDHD1	ENSG00000100523	364	0.24	0.18	0.069	0.057	NA

chr14	60975732	60978180	SIX6	ENSG00000184302	1087	0.27	0.22	0.069	0.052	NA
chr14	74416857	74417358	COQ6	ENSG00000119723	151	0.27	0.19	0.07	0.08	NA
chr14	92505998	92506811	TRIP11	ENSG00000100815	-1	0.24	0.18	0.071	0.064	NA
chr14	24657555	24658221	IPO4	ENSG00000196497	115	0.22	0.16	0.075	0.061	NA
chr14	70345943	70346527	SMOC1	ENSG00000198732	92	0.1	0.29	0.076	-0.19	NA
chr14	104601959	104605672	KIF26A	ENSG00000066735	-1245	0.25	0.21	0.077	0.035	NA
chr14	24837872	24838324	NFATC4	ENSG00000100968	-421	0.26	0.14	0.078	0.11	NA
chr14	24898779	24899288	KHNYN	ENSG00000100441	-108	0.26	0.11	0.083	0.14	NA
chr14	60386271	60386750	LRRC9	ENSG00000131951	79	0.22	0.15	0.084	0.067	NA
chr14	19720387	19720688	RP11-496I2.5	ENSG00000257573	58	0.6	1	0.085	-0.4	NA
chr14	105070518	105071463	TMEM179	ENSG00000189203	107	0.34	0.25	0.085	0.091	NA
chr14	67878534	67879167	PLEK2	ENSG00000100558	-22	0.25	0.17	0.087	0.079	NA
chr14	100771820	100773673	SLC25A29	ENSG00000197119	32	0.25	0.2	0.088	0.047	NA
chr14	65209843	65210089	PLEKHG3	ENSG00000126822	1652	0.98	0.93	0.089	0.05	NA
chr14	78227054	78227575	C14orf178	ENSG00000197734	141	0.12	0.18	0.093	-0.065	NA
chr14	90863043	90864903	CALM1	ENSG00000198668	646	0.27	0.21	0.094	0.057	NA
chr14	102973317	102976666	ANKRD9	ENSG00000156381	1137	0.52	0.56	0.097	-0.046	NA
chr14	56046634	56047986	C14orf33	ENSG00000186615	-500	0.23	0.3	0.098	-0.064	NA
chr14	92302201	92303078	TC2N	ENSG00000165929	210	0.33	0.25	0.099	0.078	NA
chr14	88851883	88852285	SPATA7	ENSG00000042317	96	0.19	0.12	0.1	0.069	NA
chr14	23057921	23058359	DAD1	ENSG00000129562	-77	0.3	0.18	0.11	0.11	NA
chr14	23563978	23564724	C14orf119	ENSG00000179933	377	0.18	0.12	0.11	0.055	NA
chr14	24563256	24563886	PCK2	ENSG00000100889	203	0.23	0.13	0.11	0.097	NA
chr14	53019038	53020214	TXNDC16	ENSG00000087301	-325	0.3	0.23	0.11	0.063	NA
chr14	55031826	55035030	SAMD4A	ENSG00000020577	-1207	0.24	0.2	0.11	0.038	NA
chr14	89029178	89029938	ZC3H14	ENSG00000100722	305	0.17	0.13	0.11	0.04	NA
chr14	91719576	91720228	GPR68	ENSG00000119714	265	0.19	0.26	0.11	-0.072	NA
chr14	102785930	102786538	ZNF839	ENSG00000022976	138	0.18	0.26	0.11	-0.083	NA
chr14	23526481	23527360	CDH24	ENSG00000139880	-183	0.21	0.16	0.12	0.05	NA
chr14	61447663	61448141	TRMT5	ENSG00000126814	-120	0.19	0.32	0.12	-0.12	NA

chr14	36991594	36992488	NKX2-1	ENSG00000136352	-1687	0.37	0.25	0.13	0.12	NA
chr14	60043242	60043594	C14orf38	ENSG00000151838	131	0.21	0.3	0.13	-0.089	NA
chr14	21537082	21537355	ARHGEF40	ENSG00000165801	-1309	0.18	0.26	0.14	-0.079	NA
chr14	24711371	24712034	TINF2	ENSG00000092330	109	0.15	0.23	0.14	-0.079	NA
chr14	35761400	35761854	PSMA6	ENSG00000100902	64	0.32	0.23	0.14	0.09	NA
chr14	61787880	61789467	PRKCH	ENSG00000027075	238	0.29	0.24	0.14	0.048	NA
chr14	65016516	65016909	C14orf50	ENSG00000165807	92	0.3	0.22	0.14	0.076	NA
chr14	67707753	67708647	MPP5	ENSG00000072415	179	0.31	0.26	0.14	0.06	NA
chr14	73957750	73958889	C14orf169	ENSG00000255242	650	0.17	0.22	0.14	-0.042	NA
chr14	79745153	79746059	NRXN3	ENSG00000021645	-48	0.35	0.22	0.14	0.13	NA
chr14	103799809	103801661	EIF5	ENSG00000100664	242	0.17	0.2	0.14	-0.033	NA
chr14	24610406	24611158	FAM158A	ENSG00000100908	-115	0.37	0.25	0.15	0.12	NA
chr14	50065184	50066027	LRR1	ENSG00000165501	190	0.22	0.27	0.15	-0.057	NA
chr14	75422068	75422507	PGF	ENSG00000119630	4	0.14	0.19	0.15	-0.052	NA
chr14	102430636	102431898	DYNC1H1	ENSG00000197102	402	0.17	0.22	0.15	-0.043	NA
chr14	31494794	31496056	AP4S1	ENSG00000100478	568	0.27	0.22	0.16	0.054	NA
chr14	35451634	35452544	SRP54	ENSG00000100883	-15	0.23	0.35	0.16	-0.12	NA
chr14	50154754	50155239	POLE2	ENSG00000100479	-61	0.29	0.24	0.16	0.057	NA
chr14	73924588	73924980	NUMB	ENSG00000133961	441	0.19	0.32	0.16	-0.14	NA
chr14	85996494	85996958	FLRT2	ENSG00000185070	238	0.17	0.24	0.16	-0.067	NA
chr14	75348485	75349061	DLST	ENSG00000119689	179	0.17	0.24	0.17	-0.065	NA
chr14	94492639	94493297	OTUB2	ENSG00000089723	244	0.18	0.13	0.17	0.053	NA
chr14	105622122	105622573	JAG2	ENSG00000184916	1799	0.76	0.83	0.17	-0.071	NA
chr14	24025006	24025577	THTPA	ENSG00000157306	93	0.22	0.14	0.18	0.078	NA
chr14	54863423	54864254	CDKN3	ENSG00000100526	165	0.24	0.36	0.18	-0.11	NA
chr14	64760859	64761241	ESR2	ENSG00000140009	28	0.21	0.13	0.18	0.08	NA
chr14	77563965	77564697	KIAA1737	ENSG00000198894	-247	0.21	0.16	0.18	0.055	NA
chr14	85997468	85998637	FLRT2	ENSG00000185070	-1492	0.25	0.32	0.18	-0.065	NA
chr14	91282227	91282757	TTC7B	ENSG00000165914	269	0.23	0.18	0.18	0.054	NA
chr14	93650745	93651652	MOAP1	ENSG00000165943	62	0.22	0.17	0.18	0.047	NA

chr14	62161847	62163231	HIF1A	ENSG00000100644	308	0.21	0.17	0.19	0.039	NA
chr14	77648108	77648328	TMEM63C	ENSG00000165548	116	0.22	0.11	0.19	0.1	NA
chr14	93389245	93389899	CHGA	ENSG00000100604	127	0.22	0.18	0.19	0.046	NA
chr14	21566540	21566822	ZNF219	ENSG00000165804	118	0.33	0.15	0.2	0.19	NA
chr14	73704054	73705106	PAPLN	ENSG00000100767	375	0.23	0.19	0.2	0.034	NA
chr14	74111560	74111766	DNAL1	ENSG00000119661	85	0.12	0.2	0.2	-0.084	NA
chr14	23305893	23307013	MMP14	ENSG00000157227	-68	0.26	0.21	0.21	0.041	NA
chr14	36983440	36983738	SFTA3	ENSG00000229415	-599	0.28	0.4	0.21	-0.13	NA
chr14	39900676	39902206	FBXO33	ENSG00000165355	263	0.22	0.19	0.21	0.03	NA
chr14	73602898	73603747	PSEN1	ENSG00000080815	167	0.21	0.17	0.21	0.034	NA
chr14	75743683	75746798	FOS	ENSG00000170345	-241	0.23	0.19	0.21	0.038	NA
chr14	20881569	20881770	TEP1	ENSG00000129566	-90	0.26	0.18	0.22	0.073	NA
chr14	24838768	24838994	NFATC4	ENSG00000100968	362	1	0.91	0.22	0.093	NA
chr14	105952603	105954296	CRIP1	ENSG00000213145	795	0.28	0.24	0.22	0.032	NA
chr14	64319622	64320526	SYNE2	ENSG00000054654	391	0.25	0.22	0.23	0.034	NA
chr14	74892466	74893184	TMEM90A	ENSG00000183379	-20	0.29	0.4	0.23	-0.11	NA
chr14	105355854	105356084	KIAA0284	ENSG00000099814	1588	1	0.91	0.23	0.085	NA
chr14	53257664	53258400	GNPNAT1	ENSG00000100522	287	0.22	0.29	0.24	-0.076	NA
chr14	64854203	64855024	MTHFD1	ENSG00000100714	-136	0.15	0.23	0.24	-0.078	NA
chr14	23790212	23790659	PABPN1	ENSG00000100836	-63	0.22	0.28	0.25	-0.067	NA
chr14	32545276	32547141	ARHGAP5	ENSG00000100852	19	0.21	0.24	0.25	-0.029	NA
chr14	60558340	60559176	C14orf135	ENSG00000126773	129	0.19	0.15	0.25	0.04	NA
chr14	91883361	91883566	CCDC88C	ENSG00000015133	227	0.11	0.67	0.25	-0.56	NA
chr14	102227441	102228854	PPP2R5C	ENSG00000078304	12	0.27	0.23	0.25	0.039	NA
chr14	60336951	60337461	RTN1	ENSG00000139970	264	0.27	0.2	0.26	0.066	NA
chr14	65170876	65172007	PLEKHG3	ENSG00000126822	287	0.23	0.19	0.26	0.035	NA
chr14	77843101	77843746	TMED8	ENSG00000100580	-27	0.17	0.22	0.26	-0.046	NA
chr14	99736040	99737584	BCL11B	ENSG00000127152	753	0.19	0.23	0.26	-0.033	NA
chr14	65381075	65381382	CHURC1	ENSG00000258289	149	0.22	0.17	0.27	0.048	NA
chr14	71373964	71375402	PCNX	ENSG00000100731	561	0.2	0.17	0.27	0.026	NA

chr14	105268485	105268763	ZBTB42	ENSG00000179627	1691	0.91	0.83	0.27	0.077	NA
chr14	105332408	105332651	KIAA0284	ENSG00000099814	241	0.34	1	0.27	-0.66	NA
chr14	105615342	105615624	JAG2	ENSG00000184916	-752	0.96	0.9	0.27	0.058	NA
chr14	106936174	106936522	IGHVIII-44	ENSG00000253588	-1949	0.86	0.76	0.27	0.11	NA
chr14	20136633	20136959	RP11-597A11.3	ENSG00000257846	-192	0.55	0.43	0.28	0.12	NA
chr14	105486611	105487915	CDCA4	ENSG00000170779	162	0.24	0.2	0.28	0.041	NA
chr14	21539711	21540045	NDRG2	ENSG00000165795	-847	0.19	0.35	0.29	-0.15	NA
chr14	50319426	50319632	NEMF	ENSG00000165525	-31	0.16	0.22	0.29	-0.061	NA
chr14	93813483	93814111	COX8C	ENSG00000187581	260	0.95	0.99	0.29	-0.037	NA
chr14	53417108	53418339	FERMT2	ENSG00000073712	-86	0.19	0.23	0.3	-0.039	NA
chr14	78082584	78083250	SPTLC2	ENSG00000100596	193	0.19	0.16	0.3	0.032	NA
chr14	105836031	105836386	PACS2	ENSG00000179364	1786	0.96	0.9	0.3	0.064	NA
chr14	106066400	106067202	AL928742.12	ENSG00000227468	-381	0.9	0.93	0.3	-0.032	NA
chr14	50697800	50698733	SOS2	ENSG00000100485	-239	0.24	0.2	0.31	0.04	NA
chr14	105614375	105614917	JAG2	ENSG00000184916	85	0.91	0.95	0.31	-0.042	NA
chr14	65438412	65439363	RAB15	ENSG00000139998	-275	0.27	0.23	0.32	0.036	NA
chr14	23398410	23398752	PRMT5	ENSG00000100462	-16	0.13	0.19	0.33	-0.059	NA
chr14	47120868	47121159	RPL10L	ENSG00000165496	15	0.96	0.99	0.33	-0.022	NA
chr14	69950459	69951916	PLEKHD1	ENSG00000175985	-284	0.34	0.3	0.33	0.039	NA
chr14	23528360	23528582	CDH24	ENSG00000139880	-1724	1	0.7	0.34	0.3	NA
chr14	68140972	68141882	VTI1B	ENSG00000100568	-88	0.21	0.24	0.34	-0.028	NA
chr14	76452079	76452542	C14orf179	ENSG00000119650	214	0.23	0.17	0.34	0.053	NA
chr14	105940325	105941900	CRIP2	ENSG00000182809	625	0.18	0.21	0.34	-0.027	NA
chr14	35183385	35184196	CFL2	ENSG00000165410	-7	0.22	0.18	0.35	0.046	NA
chr14	38060841	38062119	FOXA1	ENSG00000129514	1981	0.23	0.2	0.35	0.033	NA
chr14	23834435	23835947	EFS	ENSG00000100842	-349	0.2	0.17	0.36	0.03	NA
chr14	37131181	37132785	PAX9	ENSG00000198807	877	0.24	0.28	0.36	-0.037	NA
chr14	103987063	103989796	CKB	ENSG00000166165	741	0.17	0.19	0.36	-0.021	NA
chr14	58764507	58764961	C14orf37	ENSG00000139971	123	0.52	0.65	0.37	-0.13	NA
chr14	58862541	58863209	TOMM20L	ENSG00000196860	241	0.28	0.23	0.37	0.045	NA

chr14	90722855	90723302	PSMC1	ENSG00000100764	184	0.23	0.31	0.37	-0.081	NA
chr14	105261334	105261624	AKT1	ENSG00000142208	601	0.32	0.41	0.37	-0.092	NA
chr14	59950460	59951527	C14orf149	ENSG00000126790	-269	0.21	0.19	0.38	0.021	NA
chr14	23067443	23067773	AL160314.1	ENSG00000228313	247	0.22	0.13	0.39	0.089	NA
chr14	23770512	23771902	PPP1R3E	ENSG00000235194	850	0.21	0.18	0.39	0.03	NA
chr14	58711351	58711897	PSMA3	ENSG00000100567	75	0.21	0.28	0.39	-0.067	NA
chr14	103389016	103390248	AMN	ENSG00000166126	373	0.29	0.32	0.39	-0.029	NA
chr14	52117975	52119488	FRMD6	ENSG00000139926	155	0.18	0.15	0.4	0.026	NA
chr14	57274607	57276840	OTX2	ENSG00000165588	1464	0.21	0.18	0.4	0.027	NA
chr14	23298984	23299313	SLC7A7	ENSG00000155465	-119	0.26	0.18	0.41	0.078	NA
chr14	55493614	55494032	WDHD1	ENSG00000198554	-54	0.22	0.18	0.41	0.041	NA
chr14	73493461	73493970	ZFYVE1	ENSG00000165861	132	0.33	0.28	0.41	0.053	NA
chr14	54955388	54955831	GMFB	ENSG00000197045	132	0.26	0.19	0.42	0.073	NA
chr14	61114102	61116552	SIX1	ENSG00000126778	853	0.22	0.19	0.42	0.026	NA
chr14	64969967	64972180	ZBTB25	ENSG00000089775	-510	0.24	0.22	0.42	0.021	NA
chr14	75593293	75594011	NEK9	ENSG00000119638	-28	0.3	0.26	0.42	0.043	NA
chr14	96000676	96001865	SNHG10	ENSG00000247092	-61	0.22	0.2	0.42	0.029	NA
chr14	23479310	23479532	C14orf93	ENSG00000100802	-90	0.21	0.28	0.43	-0.074	NA
chr14	24605082	24605760	PSME1	ENSG00000092010	54	0.21	0.25	0.43	-0.04	NA
chr14	53173752	53174112	PSMC6	ENSG00000100519	42	0.25	0.21	0.43	0.047	NA
chr14	24785147	24785869	LTB4R	ENSG00000213903	1602	0.29	0.33	0.44	-0.048	NA
chr14	52734207	52735486	PTGDR	ENSG00000168229	415	0.21	0.18	0.44	0.032	NA
chr14	96857611	96858125	AK7	ENSG00000140057	-580	0.17	0.2	0.44	-0.036	NA
chr14	24422770	24423141	AL136419.1	ENSG00000215256	-79	0.57	0.63	0.45	-0.054	NA
chr14	59654630	59656330	DAAM1	ENSG00000100592	81	0.2	0.17	0.45	0.027	NA
chr14	37666686	37667493	MIPOL1	ENSG00000151338	-66	0.33	0.29	0.46	0.04	NA
chr14	96968154	96969371	PAPOLA	ENSG00000090060	42	0.23	0.26	0.46	-0.029	NA
chr14	24701646	24701992	GMPR2	ENSG00000100938	171	0.18	0.23	0.47	-0.058	NA
chr14	64108343	64108952	WDR89	ENSG00000140006	-522	0.17	0.21	0.47	-0.047	NA
chr14	24868163	24868590	NYNRIN	ENSG00000205978	384	0.21	0.24	0.48	-0.036	NA

chr14	31676011	31677446	HECTD1	ENSG00000092148	-39	0.22	0.19	0.48	0.025	NA
chr14	74036127	74036662	ACOT2	ENSG00000119673	622	0.26	0.18	0.48	0.081	NA
chr14	100704362	100707067	YY1	ENSG00000100811	392	0.19	0.2	0.48	-0.017	NA
chr14	104028308	104029671	BAG5	ENSG00000166170	-375	0.18	0.21	0.48	-0.026	NA
chr14	29243403	29243763	C14orf23	ENSG00000186960	1582	0.31	0.36	0.49	-0.055	NA
chr14	58893618	58893953	KIAA0586	ENSG00000100578	-318	0.24	0.19	0.49	0.057	NA
chr14	77605885	77608304	ZDHHC22	ENSG00000177108	1040	0.2	0.18	0.49	0.02	NA
chr14	100842339	100842931	WARS	ENSG00000140105	45	0.32	0.28	0.49	0.04	NA
chr14	21077875	21078094	RNASE11	ENSG00000173464	59	0.2	0.24	0.5	-0.039	NA
chr14	37125219	37125661	PAX9	ENSG00000198807	-1333	0.25	0.29	0.5	-0.043	NA
chr14	45553161	45553421	AL121809.1	ENSG00000249163	-111	0.33	0.1	0.5	0.23	NA
chr14	51410614	51411464	PYGL	ENSG00000100504	135	0.25	0.21	0.5	0.034	NA
chr14	31028133	31028812	G2E3	ENSG00000092140	143	0.31	0.27	0.51	0.033	NA
chr14	35342845	35344526	BAZ1A	ENSG00000198604	453	0.21	0.19	0.51	0.02	NA
chr14	74318412	74318785	PTGR2	ENSG00000140043	-23	0.27	0.22	0.51	0.052	NA
chr14	74959680	74960907	NPC2	ENSG00000119655	-309	0.17	0.19	0.51	-0.024	NA
chr14	31889168	31890024	CTD-2213F21.2	ENSG00000250365	104	0.17	0.19	0.52	-0.02	NA
chr14	60631740	60632254	DHRS7	ENSG00000100612	107	0.19	0.25	0.52	-0.056	NA
chr14	74058400	74059116	ACOT4	ENSG00000177465	348	0.19	0.21	0.52	-0.025	NA
chr14	102552721	102554068	HSP90AA1	ENSG00000080824	118	0.17	0.16	0.52	0.016	NA
chr14	107221092	107221298	IGHV3-74	ENSG00000224650	-1830	0.76	0.84	0.52	-0.079	NA
chr14	21978945	21979699	METTL3	ENSG00000165819	79	0.26	0.23	0.53	0.034	NA
chr14	23821087	23822106	SLC22A17	ENSG00000092096	-117	0.24	0.2	0.53	0.046	NA
chr14	51338712	51339146	ABHD12B	ENSG00000131969	51	0.17	0.19	0.53	-0.026	NA
chr14	54907596	54908237	CNIH	ENSG00000100528	137	0.26	0.24	0.54	0.028	NA
chr14	70655095	70656077	SLC8A3	ENSG00000100678	201	0.21	0.19	0.54	0.024	NA
chr14	73925150	73925435	NUMB	ENSG00000133961	-67	0.12	0.15	0.54	-0.028	NA
chr14	88789600	88790493	KCNK10	ENSG00000100433	-453	0.22	0.2	0.54	0.021	NA
chr14	54976311	54976995	CGRRF1	ENSG00000100532	29	0.2	0.25	0.55	-0.045	NA
chr14	69619828	69620458	DCAF5	ENSG00000139990	-229	0.2	0.17	0.55	0.022	NA

chr14	105864480	105865465	TEX22	ENSG00000226174	56	0.25	0.23	0.55	0.023	NA
chr14	91526233	91527552	RPS6KA5	ENSG00000100784	-414	0.24	0.22	0.56	0.027	NA
chr14	59104299	59105577	DACT1	ENSG00000165617	164	0.2	0.23	0.57	-0.027	NA
chr14	24641053	24642220	REC8	ENSG00000100918	534	0.24	0.21	0.58	0.026	NA
chr14	60715365	60716759	CTD-2184C24.2	ENSG00000254718	-579	0.16	0.17	0.58	-0.017	NA
chr14	23291689	23292278	AL135998.1	ENSG00000215306	-233	0.29	0.34	0.59	-0.054	NA
chr14	75642864	75643376	TMED10	ENSG00000170348	229	0.22	0.18	0.59	0.037	NA
chr14	99946161	99948188	SETD3	ENSG00000183576	-49	0.2	0.22	0.59	-0.017	NA
chr14	76842506	76843846	ESRRB	ENSG00000119715	476	0.21	0.19	0.6	0.02	NA
chr14	93673128	93673917	UBR7	ENSG0000012963	121	0.25	0.23	0.6	0.019	NA
chr14	93798709	93799804	BTBD7	ENSG00000011114	129	0.21	0.19	0.6	0.016	NA
chr14	55368547	55369913	GCH1	ENSG00000131979	250	0.19	0.21	0.61	-0.018	NA
chr14	55878302	55878681	ATG14	ENSG00000126775	85	0.19	0.22	0.61	-0.034	NA
chr14	61188116	61190772	SIX4	ENSG00000100625	1408	0.22	0.21	0.61	0.013	NA
chr14	77786690	77787794	POMT2	ENSG00000009830	-17	0.17	0.19	0.61	-0.016	NA
chr14	102226751	102227050	PPP2R5C	ENSG00000078304	-1235	0.17	1	0.61	-0.83	NA
chr14	67999568	68000440	PLEKHH1	ENSG00000054690	-4	0.19	0.17	0.62	0.021	NA
chr14	74180518	74181264	PNMA1	ENSG00000176903	237	0.18	0.15	0.62	0.029	NA
chr14	90422142	90422593	TDP1	ENSG00000042088	123	0.2	0.18	0.62	0.026	NA
chr14	105956175	105958197	C14orf80	ENSG00000185347	994	0.21	0.23	0.62	-0.013	NA
chr14	24583268	24584243	DCAF11	ENSG00000100897	-234	0.2	0.18	0.63	0.023	NA
chr14	21737406	21738094	HNRNPC	ENSG00000092199	-174	0.23	0.18	0.64	0.043	NA
chr14	23340854	23341492	LRP10	ENSG00000197324	-340	0.21	0.18	0.64	0.026	NA
chr14	93689925	93690265	RP11-85G20.1	ENSG00000240096	390	0.94	0.96	0.64	-0.018	NA
chr14	24835810	24836220	NFATC4	ENSG00000100968	-130	0.17	0.19	0.65	-0.019	NA
chr14	105451360	105451562	C14orf79	ENSG00000140104	-651	0.98	0.89	0.65	0.088	NA
chr14	88792904	88793324	KCNK10	ENSG00000100433	142	0.18	0.16	0.66	0.022	NA
chr14	89017660	89017972	PTPN21	ENSG00000070778	-850	0.25	0.22	0.66	0.033	NA
chr14	105780339	105782027	PACS2	ENSG00000179364	431	0.23	0.22	0.66	0.013	NA
chr14	96342209	96343570	AL133167.1	ENSG00000250366	160	0.2	0.21	0.67	-0.012	NA

chr14	71108008	71109332	AL357153.2	ENSG00000245466	-655	0.23	0.21	0.68	0.013	NA
chr14	76448623	76449389	TGFB3	ENSG00000119699	-914	0.16	0.18	0.68	-0.021	NA
chr14	100111120	100111906	HHIPL1	ENSG00000182218	33	0.15	0.17	0.68	-0.021	NA
chr14	21571835	21572520	ZNF219	ENSG00000165804	704	0.18	0.14	0.69	0.038	NA
chr14	69726250	69728393	GALNTL1	ENSG00000100626	640	0.23	0.24	0.69	-0.013	NA
chr14	92572554	92573103	ATXN3	ENSG00000066427	78	0.2	0.22	0.69	-0.025	NA
chr14	78174054	78174550	ALKBH1	ENSG00000100601	54	0.18	0.21	0.7	-0.028	NA
chr14	105266444	105267838	ZBTB42	ENSG00000179627	208	0.18	0.19	0.7	-0.0092	NA
chr14	105330514	105332186	KIAA0284	ENSG00000099814	-300	0.29	0.28	0.7	0.012	NA
chr14	105820931	105821146	PACS2	ENSG00000179364	-348	1	0.5	0.7	0.5	NA
chr14	24740564	24740942	RABGGTA	ENSG00000100949	-10	0.17	0.19	0.71	-0.022	NA
chr14	104181378	104182952	XRCC3	ENSG00000126215	-371	0.27	0.25	0.71	0.014	NA
chr14	20903395	20903720	KLHL33	ENSG00000185271	244	0.14	0.23	0.72	-0.085	NA
chr14	95785752	95786151	CLMN	ENSG00000165959	294	0.2	0.17	0.72	0.027	NA
chr14	60097208	60097553	RTN1	ENSG00000139970	-53	0.17	0.14	0.73	0.025	NA
chr14	96829340	96830334	ATG2B	ENSG00000066739	370	0.25	0.26	0.73	-0.014	NA
chr14	23388092	23388857	RBM23	ENSG00000100461	-116	0.39	0.6	0.74	-0.21	NA
chr14	23449886	23452174	JUB	ENSG00000129474	517	0.25	0.26	0.74	-0.0097	NA
chr14	73524989	73525752	RBM25	ENSG00000119707	226	0.31	0.34	0.74	-0.032	NA
chr14	105444319	105445225	AHNAK2	ENSG00000185567	-78	0.21	0.19	0.74	0.015	NA
chr14	19685063	19687329	AL589743.2	ENSG00000228294	-194	0.77	0.73	0.75	0.034	NA
chr14	21944914	21945812	TOX4	ENSG00000092203	449	0.32	0.29	0.75	0.029	NA
chr14	65453387	65453998	AL139022.1	ENSG00000257365	254	0.19	0.22	0.75	-0.026	NA
chr14	77964571	77965670	ISM2	ENSG00000100593	-111	0.18	0.19	0.75	-0.01	NA
chr14	39735802	39736902	CTAGE5	ENSG00000150527	24	0.19	0.21	0.76	-0.014	NA
chr14	69618336	69619091	DCAF5	ENSG00000139990	987	0.23	0.25	0.76	-0.016	NA
chr14	24664440	24665507	TM9SF1	ENSG00000100926	-433	0.21	0.2	0.77	0.012	NA
chr14	45431628	45432115	FAM179B	ENSG00000198718	429	0.14	0.16	0.77	-0.027	NA
chr14	76618138	76618452	C14orf118	ENSG00000089916	36	0.21	0.16	0.77	0.048	NA
chr14	24802927	24803159	ADCY4	ENSG00000129467	910	0.14	0.16	0.78	-0.021	NA

chr14	29236835	29237832	FOXG1	ENSG00000176165	1046	0.3	0.32	0.78	-0.015	NA
chr14	50778680	50779544	L2HGDH	ENSG00000087299	-226	0.19	0.21	0.78	-0.02	NA
chr14	105930242	105931512	MTA1	ENSG00000182979	-794	0.94	0.95	0.78	-0.0076	NA
chr14	52534581	52536722	NID2	ENSG00000087303	61	0.27	0.25	0.79	0.017	NA
chr14	19614219	19614893	CTD-2311B13.6	ENSG00000257608	1328	0.7	0.68	0.8	0.023	NA
chr14	19888058	19890323	C14orf17	ENSG00000215394	-196	0.8	0.8	0.8	0.0061	NA
chr14	100259160	100259542	EML1	ENSG00000066629	-372	0.26	0.28	0.8	-0.018	NA
chr14	106188128	106188860	AL901608.1	ENSG00000258319	-220	0.96	0.96	0.8	0.0094	NA
chr14	74253387	74254188	C14orf43	ENSG00000156030	174	0.23	0.22	0.81	0.013	NA
chr14	105559492	105560409	RP11-44N21.1	ENSG00000257556	4	0.21	0.23	0.81	-0.014	NA
chr14	23291078	23291337	AL135998.1	ENSG00000215306	543	0.98	0.96	0.82	0.027	NA
chr14	29254365	29255069	RP11-966I7.2	ENSG00000257056	276	0.2	0.22	0.82	-0.021	NA
chr14	38067446	38069207	FOXA1	ENSG00000129514	919	0.25	0.24	0.82	0.01	NA
chr14	24616322	24617115	PSME2	ENSG00000100911	-288	0.19	0.18	0.83	0.011	NA
chr14	38080239	38080678	CTD-2058B24.1	ENSG00000254868	2	0.35	0.31	0.83	0.043	NA
chr14	74225626	74227209	C14orf43	ENSG00000156030	584	0.19	0.2	0.84	-0.0088	NA
chr14	105218366	105218620	SIVA1	ENSG00000184990	-977	0.86	0.88	0.84	-0.02	NA
chr14	50863088	50863563	CDKL1	ENSG00000100490	274	0.17	0.19	0.85	-0.019	NA
chr14	52456128	52456593	C14orf166	ENSG00000087302	167	0.24	0.25	0.85	-0.011	NA
chr14	53196608	53197450	STYX	ENSG00000198252	146	0.2	0.18	0.85	0.019	NA
chr14	57856944	57858351	NAA30	ENSG00000139977	376	0.19	0.18	0.85	0.0097	NA
chr14	50159667	50160424	KLHDC1	ENSG00000197776	222	0.2	0.17	0.86	0.022	NA
chr14	60973772	60974123	SIX6	ENSG00000184302	-1922	0.26	0.3	0.86	-0.037	NA
chr14	65568454	65570009	MAX	ENSG00000125952	-126	0.27	0.27	0.86	-0.0069	NA
chr14	76905703	76906057	ESRRB	ENSG00000119715	-105	0.97	1	0.86	-0.028	NA
chr14	81999751	82000434	SEL1L	ENSG00000071537	113	0.27	0.24	0.86	0.029	NA
chr14	102605597	102606977	HSP90AA1	ENSG00000080824	-201	0.27	0.26	0.86	0.0081	NA
chr14	58666567	58667198	ACTR10	ENSG00000131966	84	0.29	0.27	0.87	0.021	NA
chr14	75760750	75761214	AF111167.1	ENSG00000119660	34	0.19	0.21	0.87	-0.022	NA
chr14	89290918	89291355	TTC8	ENSG00000165533	158	0.13	0.15	0.87	-0.014	NA

chr14	57046472	57046804	C14orf101	ENSG00000070269	127	0.26	0.32	0.88	-0.055	NA
chr14	74706188	74708192	VSX2	ENSG00000119614	1015	0.21	0.2	0.88	0.0037	NA
chr14	105821482	105821768	PACS2	ENSG00000179364	239	0.79	0.67	0.88	0.12	NA
chr14	24020002	24020251	ZFHX2	ENSG00000136367	641	0.18	0.15	0.89	0.03	NA
chr14	53161838	53162780	ERO1L	ENSG00000197930	114	0.21	0.21	0.89	0.0055	NA
chr14	75517717	75518224	MLH3	ENSG00000119684	265	0.23	0.22	0.89	0.012	NA
chr14	24682402	24682837	AL096870.1	ENSG00000254505	19	0.21	0.5	0.9	-0.29	NA
chr14	71275512	71276571	MAP3K9	ENSG00000006432	-153	0.19	0.18	0.9	0.0066	NA
chr14	74485325	74486356	ENTPD5	ENSG00000187097	186	0.28	0.29	0.9	-0.012	NA
chr14	92587549	92589022	NDUFB1	ENSG00000183648	-132	0.24	0.22	0.9	0.011	NA
chr14	35515262	35515937	FAM177A1	ENSG00000151327	11	0.22	0.21	0.91	0.014	NA
chr14	39572095	39572703	SEC23A	ENSG00000100934	-120	0.27	0.28	0.91	-0.012	NA
chr14	75535825	75536376	FAM164C	ENSG00000119703	117	0.2	0.19	0.91	0.011	NA
chr14	24438908	24439446	DHRS4L2	ENSG00000187630	29	0.08	0.08	0.92	0.0081	NA
chr14	57735106	57735704	EXOC5	ENSG00000070367	150	0.2	0.21	0.92	-0.0096	NA
chr14	27066313	27066578	NOVA1	ENSG00000139910	-157	0.33	0.14	0.94	0.19	NA
chr14	92413581	92414324	FBLN5	ENSG00000140092	94	0.21	0.19	0.94	0.013	NA
chr14	24520989	24521844	LRRRC16B	ENSG00000186648	210	0.23	0.24	0.95	-0.007	NA
chr14	32670417	32671092	U6	ENSG00000201654	-497	0.23	0.22	0.95	0.0057	NA
chr14	25518424	25519612	STXBP6	ENSG00000168952	77	0.17	0.16	0.96	0.0045	NA
chr14	30396210	30397420	PRKD1	ENSG00000184304	33	0.25	0.26	0.96	-0.0039	NA
chr14	67981514	67982380	TMEM229B	ENSG00000198133	74	0.18	0.19	0.96	-0.0053	NA
chr14	75229927	75230531	YLPM1	ENSG00000119596	160	0.23	0.23	0.96	0.0074	NA
chr14	64805109	64805785	ESR2	ENSG00000140009	-179	0.19	0.21	0.97	-0.014	NA
chr14	62583679	62584279	AL390816.1	ENSG00000186369	-218	0.18	0.18	0.98	0.0064	NA
chr14	63512022	63512996	KCNH5	ENSG00000140015	-336	0.23	0.24	0.98	-0.0041	NA
chr14	74769366	74769815	ABCD4	ENSG00000119688	47	0.22	0.21	0.99	0.0076	NA
chr14	95234612	95236569	GSC	ENSG00000133937	909	0.23	0.23	0.99	0.0018	NA
chr14	19422726	19423055	RP11-536C10.11	ENSG00000257731	-192	0.79	0.8	1	-0.0082	NA
chr14	20922740	20924023	OSGEP	ENSG00000092094	-447	0.18	0.17	1	0.0073	NA

chr14	21150918	21151224	RNASE4	ENSG00000181784	-1301	0.2	0.19	1	0.0098	NA
chr14	23235774	23236578	OXA1L	ENSG00000155463	292	0.2	0.2	1	-0.0032	NA
chr14	24020571	24021142	ZFHX2	ENSG00000136367	-89	0.23	0.23	1	-0.0044	NA
chr14	24505567	24505796	DHRS4L1	ENSG00000225766	-29	0.33	0.16	1	0.17	NA
chr14	24550317	24551148	NRL	ENSG00000129535	405	0.19	0.19	1	-0.0002	NA
chr14	24803678	24804353	ADCY4	ENSG00000129467	-62	0.23	0.22	1	0.0063	NA
chr14	32672536	32672915	U6	ENSG00000202337	-250	0.33	0.33	1	-0.0038	NA
chr14	38091469	38092176	CTD-2058B24.1	ENSG00000254868	552	0.15	0.25	1	-0.1	NA
chr14	39583458	39583701	SIP1	ENSG00000092208	90	0.2	0.25	1	-0.05	NA
chr14	39644344	39645022	PNN	ENSG00000100941	258	0.29	0.29	1	-0.0012	NA
chr14	45366387	45367108	C14orf28	ENSG00000179476	240	0.17	0.17	1	-0.0041	NA
chr14	45604969	45605475	FANCM	ENSG00000187790	86	0.27	0.17	1	0.1	NA
chr14	55658232	55658550	DLGAP5	ENSG00000126787	-129	1	1	1	0	NA
chr14	56232945	56233281	RPL13AP3	ENSG00000177350	150	0.98	0.98	1	0.001	NA
chr14	67826139	67827526	ATP6V1D	ENSG00000100554	-241	0.21	0.21	1	0.0033	NA
chr14	69259612	69262900	ZFP36L1	ENSG00000185650	-1472	0.25	0.25	1	-0.0009	NA
chr14	70078317	70079077	KIAA0247	ENSG00000100647	387	0.26	0.27	1	-0.0057	NA
chr14	70233570	70234668	SRSF5	ENSG00000100650	290	0.17	0.17	1	0.003	NA
chr14	74353202	74353831	ZNF410	ENSG00000119725	196	0.22	0.22	1	-0.0032	NA
chr14	75077317	75079596	LTBP2	ENSG00000119681	578	0.24	0.23	1	0.0013	NA
chr14	75179629	75179875	KIAA0317	ENSG00000119682	18	0.16	0.14	1	0.024	NA
chr14	75389712	75390133	RPS6KL1	ENSG00000198208	-777	0.27	0.27	1	-0.0014	NA
chr14	76127255	76127914	C14orf1	ENSG00000133935	-52	0.2	0.2	1	0.0044	NA
chr14	77278573	77279409	ANGEL1	ENSG00000013523	292	0.22	0.22	1	0.0029	NA
chr14	78266347	78266735	ADCK1	ENSG00000063761	115	0.24	0.23	1	0.0025	NA
chr14	92040411	92040876	C14orf184	ENSG00000247097	313	0.15	0.2	1	-0.051	NA
chr14	92788913	92789204	SLC24A4	ENSG00000140090	133	1	1	1	0	NA
chr14	92789494	92790712	SLC24A4	ENSG00000140090	566	0.2	0.2	1	-0.0016	NA
chr14	101292863	101293101	MEG3	ENSG00000214548	497	0.52	0.5	1	0.024	NA
chr14	101348385	101348698	MIR433	ENSG00000207569	321	0.99	0.99	1	0.002	NA

chr14	101531643	101532384	MIR412	ENSG00000199012	229	0.98	0.98	1	-0.0041	NA
chr14	103430534	103430787	CDC42BPB	ENSG00000198752	317	1	1	1	0	NA
chr14	105155520	105156573	INF2	ENSG00000203485	103	0.25	0.24	1	0.001	NA
chr14	105684955	105685159	BRF1	ENSG00000185024	1408	0.87	0.9	1	-0.031	NA
chr14	105915521	105915931	MTA1	ENSG00000182979	149	0.87	0.86	1	0.0029	NA
chr14	105963578	105963808	C14orf80	ENSG00000185347	-270	0.93	0.96	1	-0.024	NA
chr14	106138654	106139261	ELK2AP	ENSG00000213140	694	1	1	1	0	NA
chr14	106743602	106743837	AB019439.68	ENSG00000238275	534	0.88	0.89	1	-0.0058	NA
chr14	106854805	106855153	IGHV3-37	ENSG00000253359	-1953	0.96	1	1	-0.043	NA
chr14	19854718	19855019	RP11-146E13.3	ENSG00000258198	13	NA	0.8	NA	NA	NA
chr14	19960562	19961171	RP11-146E13.6	ENSG00000258363	1349	0.5	NA	NA	NA	NA
chr14	21458389	21458608	METTL17	ENSG00000165792	359	0.24	NA	NA	NA	NA
chr14	24457864	24458100	DHRS4L2	ENSG00000187630	-45	1	NA	NA	NA	NA
chr14	35015567	35015911	RNU1-7	ENSG00000206596	-181	1	NA	NA	NA	NA
chr14	38677154	38677787	SSTR1	ENSG00000139874	266	0.33	NA	NA	NA	NA
chr14	42075858	42076329	LRFN5	ENSG00000165379	-680	0.67	NA	NA	NA	NA
chr14	50052650	50053033	RPS29	ENSG00000213741	253	0.32	NA	NA	NA	NA
chr14	70826255	70826580	COX16	ENSG00000133983	27	0.29	NA	NA	NA	NA
chr14	74004122	74004683	ACOT1	ENSG00000184227	584	NA	0.14	NA	NA	NA
chr14	74551326	74551706	LIN52	ENSG00000205659	-140	NA	0.5	NA	NA	NA
chr14	81421294	81421561	TSHR	ENSG00000165409	-282	0.33	NA	NA	NA	NA
chr14	90420900	90421175	EFCAB11	ENSG00000140025	-9	0.31	NA	NA	NA	NA
chr14	90798164	90798394	C14orf102	ENSG00000119720	0	0.17	NA	NA	NA	NA
chr14	101292043	101292709	MEG3	ENSG00000214548	-79	0.68	NA	NA	NA	NA
chr15	30114110	30115215	TJP1	ENSG00000104067	20	0.39	0.18	1.20E-08	0.21	NA
chr15	29033878	29034710	AC055876.1	ENSG00000256951	-51	0.95	0.4	1.30E-08	0.54	NA
chr15	62359827	62360995	C2CD4A	ENSG00000198535	1235	0.32	0.16	2.60E-08	0.16	NA
chr15	90357402	90358573	ANPEP	ENSG00000166825	107	0.44	0.24	5.00E-08	0.2	NA
chr15	40763162	40764196	CHST14	ENSG00000169105	519	0.3	0.12	1.40E-07	0.18	NA
chr15	63569296	63570100	APH1B	ENSG00000138613	-51	0.41	0.19	2.00E-07	0.21	NA

chr15	67813370	67814181	C15orf61	ENSG00000189227	253	0.52	0.13	2.70E-07	0.39	NA
chr15	76627523	76627838	ISL2	ENSG00000159556	-1385	0.6	0.24	2.80E-07	0.35	NA
chr15	91424576	91424837	FURIN	ENSG00000140564	1756	0.74	0.46	2.80E-07	0.28	NA
chr15	100880957	100882438	ADAMTS17	ENSG00000140470	513	0.27	0.15	3.40E-07	0.12	NA
chr15	84322322	84323771	ADAMTSL3	ENSG00000156218	208	0.39	0.21	4.60E-07	0.18	NA
chr15	82335472	82339937	AC026956.1	ENSG00000222521	1069	0.24	0.35	6.50E-07	-0.11	NA
chr15	27112030	27113479	GABRA5	ENSG00000186297	481	0.29	0.16	9.40E-07	0.13	NA
chr15	74218696	74220373	LOXL1	ENSG00000129038	742	0.45	0.31	1.40E-06	0.14	NA
chr15	45722561	45722939	C15orf48	ENSG00000166920	-13	0.69	0.42	1.50E-06	0.27	NA
chr15	78799546	78800327	AGPHD1	ENSG00000188266	30	0.3	0.14	1.50E-06	0.16	NA
chr15	76030564	76031664	AC019294.4	ENSG00000246877	-150	0.35	0.17	1.70E-06	0.18	NA
chr15	69109708	69114001	ANP32A	ENSG00000140350	-1916	0.26	0.16	1.90E-06	0.095	NA
chr15	76630029	76630970	ISL2	ENSG00000159556	1434	0.38	0.24	2.20E-06	0.14	NA
chr15	78556405	78557542	DNAJA4	ENSG00000140403	545	0.44	0.27	2.30E-06	0.17	NA
chr15	66083839	66084925	DENND4A	ENSG00000174485	249	0.39	0.12	3.40E-06	0.27	NA
chr15	40986871	40987772	RAD51	ENSG00000051180	349	0.32	0.15	3.50E-06	0.18	NA
chr15	58357309	58358776	ALDH1A2	ENSG00000128918	-176	0.28	0.18	4.30E-06	0.1	NA
chr15	48470007	48470628	MYEF2	ENSG00000104177	241	0.32	0.13	7.50E-06	0.18	NA
chr15	63796129	63797638	USP3	ENSG00000140455	89	0.27	0.17	1.90E-05	0.098	NA
chr15	99190446	99194559	IGF1R	ENSG00000140443	302	0.24	0.15	2.20E-05	0.087	NA
chr15	83348839	83349865	AP3B2	ENSG00000103723	-193	0.88	0.75	3.20E-05	0.13	NA
chr15	80189006	80189695	MTHFS	ENSG00000136371	41	0.33	0.14	3.60E-05	0.2	NA
chr15	31617763	31620908	KLF13	ENSG00000169926	277	0.25	0.17	4.80E-05	0.079	NA
chr15	41165847	41166571	RHOV	ENSG00000104140	278	0.34	0.16	5.30E-05	0.18	NA
chr15	63334233	63336063	TPM1	ENSG00000140416	317	0.35	0.21	6.90E-05	0.14	NA
chr15	59225272	59226300	SLTM	ENSG00000137776	-13	0.36	0.17	7.20E-05	0.19	NA
chr15	72668041	72668658	HEXA	ENSG00000213614	-164	0.37	0.17	7.50E-05	0.2	NA
chr15	23931559	23932547	NDN	ENSG00000182636	397	0.41	0.74	7.90E-05	-0.33	NA
chr15	29967209	29967621	AC022613.1	ENSG00000256802	221	0.35	0.13	9.90E-05	0.23	NA
chr15	75493982	75495331	C15orf39	ENSG00000167173	433	0.28	0.16	9.90E-05	0.12	NA

chr15	65116013	65116567	PIF1	ENSG00000140451	1577	0.39	0.15	0.00011	0.24	NA
chr15	77197258	77197895	SCAPER	ENSG00000140386	168	0.33	0.18	0.00011	0.16	NA
chr15	45814335	45815344	SLC30A4	ENSG00000104154	166	0.29	0.13	0.00012	0.16	NA
chr15	69591246	69591754	PAQR5	ENSG00000137819	214	0.3	0.12	0.00013	0.18	NA
chr15	64125514	64126665	HERC1	ENSG00000103657	58	0.31	0.17	0.00016	0.14	NA
chr15	34629575	34630396	SLC12A6	ENSG00000140199	-24	0.28	0.14	0.00019	0.14	NA
chr15	83315116	83317541	CPEB1	ENSG00000214575	400	0.36	0.26	0.00019	0.1	NA
chr15	74658038	74658574	CYP11A1	ENSG00000140459	193	0.33	0.18	2.00E-04	0.15	NA
chr15	79237040	79237571	CTSH	ENSG00000103811	18	0.17	0.41	0.00021	-0.24	NA
chr15	66993543	66996571	SMAD6	ENSG00000137834	387	0.25	0.18	0.00022	0.074	NA
chr15	66648784	66649178	TIPIN	ENSG00000075131	42	0.6	0.17	0.00023	0.43	NA
chr15	75248277	75249922	RPP25	ENSG00000178718	-145	0.29	0.21	0.00029	0.085	NA
chr15	57025347	57026150	ZNF280D	ENSG00000137871	39	0.37	0.2	3.00E-04	0.18	NA
chr15	70877380	70877958	AC087699.1	ENSG00000248804	1276	0.39	0.22	3.00E-04	0.17	NA
chr15	45479509	45480498	SHF	ENSG00000138606	162	0.4	0.21	0.00035	0.19	NA
chr15	34501701	34502499	C15orf29	ENSG00000134152	180	0.26	0.13	0.00047	0.13	NA
chr15	69745049	69745746	RPLP1	ENSG00000137818	274	0.26	0.11	0.00052	0.15	NA
chr15	38856262	38857658	RASGRP1	ENSG00000172575	-124	0.31	0.19	0.00054	0.13	NA
chr15	78632669	78633108	CRABP1	ENSG00000166426	70	0.42	0.2	0.00068	0.22	NA
chr15	91478117	91478983	AC068831.3	ENSG00000224441	-266	0.25	0.13	0.00068	0.11	NA
chr15	60296135	60298520	FOXB1	ENSG00000171956	906	0.26	0.17	0.00069	0.084	NA
chr15	74833241	74833961	ARID3B	ENSG00000179361	83	0.46	0.14	0.00069	0.31	NA
chr15	81616253	81616963	STARD5	ENSG00000172345	-126	0.32	0.18	7.00E-04	0.14	NA
chr15	50474322	50475186	SLC27A2	ENSG00000140284	361	0.39	0.2	0.00082	0.19	NA
chr15	43621830	43622953	LCMT2	ENSG00000168806	382	0.28	0.18	0.00093	0.11	NA
chr15	89903446	89903720	AC133637.1	ENSG00000255571	-1227	1	0.84	0.00095	0.16	NA
chr15	68870633	68871974	CORO2B	ENSG00000103647	-5	0.3	0.19	0.00096	0.11	NA
chr15	43662605	43663666	TUBGCP4	ENSG00000137822	-178	0.29	0.17	0.0011	0.12	NA
chr15	59397270	59397749	CCNB2	ENSG00000157456	232	0.28	0.15	0.0011	0.14	NA
chr15	68723367	68724691	ITGA11	ENSG00000137809	463	0.29	0.18	0.0011	0.11	NA

chr15	40650055	40651102	DISP2	ENSG00000140323	142	0.33	0.16	0.0012	0.17	NA
chr15	45421236	45422394	DUOXA1	ENSG00000140254	242	0.34	0.24	0.0012	0.1	NA
chr15	92936677	92938521	ST8SIA2	ENSG00000140557	541	0.27	0.19	0.0012	0.089	NA
chr15	55488742	55489294	RSL24D1	ENSG00000137876	247	0.37	0.19	0.0013	0.18	NA
chr15	44719186	44720138	CTDSPL2	ENSG00000137770	230	0.18	0.35	0.0014	-0.18	NA
chr15	43802881	43803407	TP53BP1	ENSG00000067369	-218	0.29	0.16	0.0016	0.14	NA
chr15	66544432	66546134	MEGF11	ENSG00000157890	712	0.3	0.2	0.0017	0.096	NA
chr15	41408059	41408856	INO80	ENSG00000128908	-106	0.22	0.52	0.0019	-0.3	NA
chr15	45879274	45879918	PLDN	ENSG00000104164	179	0.26	0.15	0.0019	0.11	NA
chr15	57883998	57884358	GCOM1	ENSG00000137878	72	0.21	0.11	0.0019	0.099	NA
chr15	90545272	90545911	ZNF710	ENSG00000140548	967	0.5	0.14	0.002	0.36	NA
chr15	78857725	78858269	CHRNA5	ENSG00000169684	135	0.26	0.12	0.0021	0.15	NA
chr15	75165373	75165903	SCAMP2	ENSG00000140497	66	0.25	0.14	0.0022	0.11	NA
chr15	48936810	48938577	FBN1	ENSG00000166147	213	0.29	0.2	0.0027	0.094	NA
chr15	52587353	52588172	MYO5C	ENSG00000128833	203	0.26	0.15	0.0031	0.11	NA
chr15	68346303	68347408	PIAS1	ENSG00000033800	283	0.26	0.19	0.0031	0.078	NA
chr15	44486741	44487860	FRMD5	ENSG00000171877	-62	0.25	0.16	0.0034	0.081	NA
chr15	25200035	25201054	SNRPN	ENSG00000128739	470	0.39	0.56	0.0035	-0.16	NA
chr15	73925033	73925925	NPTN	ENSG00000156642	107	0.26	0.14	0.0036	0.12	NA
chr15	65203730	65204392	ANKDD1A	ENSG00000166839	-40	0.39	0.21	0.0044	0.17	NA
chr15	34330569	34331478	AVEN	ENSG00000169857	354	0.24	0.14	0.0046	0.099	NA
chr15	38364995	38365328	AC087473.1	ENSG00000236914	-277	0.25	0.11	0.0046	0.13	NA
chr15	55611085	55611608	PIGB	ENSG00000069943	213	0.17	0.34	0.0046	-0.17	NA
chr15	81071267	81073220	KIAA1199	ENSG00000103888	559	0.26	0.17	0.0046	0.093	NA
chr15	89164376	89164952	AEN	ENSG00000181026	137	0.29	0.15	0.0046	0.13	NA
chr15	62352227	62353092	VPS13C	ENSG00000129003	-12	0.28	0.17	0.0048	0.12	NA
chr15	90744131	90745323	SEMA4B	ENSG00000185033	165	0.18	0.35	0.0049	-0.16	NA
chr15	52471580	52472310	GNB5	ENSG00000069966	217	0.31	0.19	0.0054	0.12	NA
chr15	55879792	55881228	PYGO1	ENSG00000171016	-1	0.59	0.29	0.0056	0.3	NA
chr15	39872527	39873567	THBS1	ENSG00000137801	-80	0.37	0.21	0.0059	0.15	NA

chr15	91260384	91260919	BLM	ENSG00000197299	93	0.43	0.23	0.0059	0.2	NA
chr15	96873408	96877721	NR2F2	ENSG00000185551	1618	0.4	0.33	0.0062	0.066	NA
chr15	76135311	76136946	UBE2Q2	ENSG00000140367	506	0.27	0.18	0.0065	0.085	NA
chr15	27016892	27018943	GABRB3	ENSG00000166206	272	0.22	0.16	0.0066	0.063	NA
chr15	65360024	65360542	RASL12	ENSG00000103710	-23	0.21	0.32	0.0074	-0.11	NA
chr15	22891937	22893998	CYFIP1	ENSG00000068793	304	0.23	0.31	0.009	-0.082	NA
chr15	44955291	44955983	SPG11	ENSG00000104133	208	0.32	0.2	0.0095	0.12	NA
chr15	72611946	72612802	CELF6	ENSG00000140488	-246	0.25	0.16	0.0095	0.084	NA
chr15	91537236	91538218	PRC1	ENSG00000198901	22	0.32	0.21	0.0095	0.1	NA
chr15	63481449	63481975	RAB8B	ENSG00000166128	44	0.41	0.17	0.0097	0.24	NA
chr15	57210226	57212005	TCF12	ENSG00000140262	792	0.25	0.19	0.011	0.058	NA
chr15	76196103	76196950	FBXO22	ENSG00000167196	326	0.3	0.17	0.011	0.13	NA
chr15	89010444	89011232	MRPL46	ENSG00000173867	-188	0.21	0.39	0.011	-0.18	NA
chr15	42867337	42868254	STARD9	ENSG00000159433	-62	0.34	0.2	0.012	0.14	NA
chr15	67357339	67359061	SMAD3	ENSG00000166949	17	0.3	0.22	0.012	0.079	NA
chr15	83620950	83621727	HOMER2	ENSG00000103942	135	0.3	0.16	0.012	0.14	NA
chr15	44119074	44119277	WDR76	ENSG00000092470	14	0.58	0.17	0.013	0.41	NA
chr15	65578613	65579490	PARP16	ENSG00000138617	-221	0.27	0.18	0.014	0.086	NA
chr15	65822685	65823540	PTPLAD1	ENSG00000074696	292	0.32	0.19	0.014	0.13	NA
chr15	68569974	68571058	FEM1B	ENSG00000169018	375	0.31	0.21	0.014	0.1	NA
chr15	43940866	43941702	CATSPER2	ENSG00000166762	-261	0.96	0.9	0.016	0.06	NA
chr15	88799522	88801017	NTRK3	ENSG00000140538	-608	0.3	0.19	0.016	0.11	NA
chr15	79381804	79384209	RASGRF1	ENSG00000058335	128	0.23	0.3	0.017	-0.073	NA
chr15	26874097	26874528	GABRB3	ENSG00000166206	-75	0.97	0.9	0.018	0.07	NA
chr15	75074425	75075146	CSK	ENSG00000103653	360	0.24	0.14	0.018	0.095	NA
chr15	81281878	81282417	MESDC2	ENSG00000117899	-8	0.21	0.32	0.018	-0.1	NA
chr15	57998704	57999385	GRINL1A	ENSG00000255529	217	0.19	0.31	0.019	-0.11	NA
chr15	65669310	65670617	AC105129.1	ENSG00000252907	-202	0.26	0.19	0.019	0.066	NA
chr15	75939504	75940831	SNX33	ENSG00000173548	-80	0.23	0.17	0.02	0.061	NA
chr15	52820333	52821639	MYO5A	ENSG00000197535	261	0.2	0.36	0.021	-0.16	NA

chr15	94774615	94774979	MCTP2	ENSG00000140563	30	0.35	0.17	0.021	0.18	NA
chr15	59949376	59949852	GTF2A2	ENSG00000140307	64	0.27	0.15	0.022	0.12	NA
chr15	101791151	101792714	CHSY1	ENSG00000131873	205	0.22	0.16	0.024	0.055	NA
chr15	77924568	77925988	LINGO1	ENSG00000169783	-569	0.28	0.18	0.025	0.1	NA
chr15	91642908	91643702	SV2B	ENSG00000185518	123	0.2	0.3	0.025	-0.1	NA
chr15	35838126	35838515	ATPBD4	ENSG00000134146	49	0.23	0.44	0.026	-0.21	NA
chr15	44116683	44117036	MFAP1	ENSG00000140259	141	0.27	0.53	0.026	-0.26	NA
chr15	29561494	29562143	NDNL2	ENSG00000185115	215	0.23	0.16	0.029	0.08	NA
chr15	40211961	40213444	GPR176	ENSG00000166073	391	0.2	0.15	0.029	0.049	NA
chr15	65066916	65068352	RBPMS2	ENSG00000166831	136	0.28	0.2	0.029	0.078	NA
chr15	90792559	90792929	TTL13	ENSG00000213471	-18	0.34	0.19	0.029	0.15	NA
chr15	64443587	64444821	SNX22	ENSG00000157734	290	0.31	0.21	0.031	0.1	NA
chr15	74725323	74726487	SEMA7A	ENSG00000138623	96	0.36	0.22	0.031	0.13	NA
chr15	90543410	90543835	ZNF710	ENSG00000140548	-1002	0.29	0.2	0.031	0.089	NA
chr15	78832664	78833295	PSMA4	ENSG00000041357	232	0.36	0.17	0.036	0.19	NA
chr15	59730070	59730738	FAM81A	ENSG00000157470	32	0.17	0.08	0.038	0.093	NA
chr15	70387929	70393206	TLE3	ENSG00000140332	-1506	0.27	0.22	0.038	0.046	NA
chr15	63673888	63674160	CA12	ENSG00000074410	10	0.27	0.15	0.039	0.12	NA
chr15	75018186	75019336	CYP1A1	ENSG00000140465	-810	0.3	0.2	0.039	0.092	NA
chr15	77223771	77224466	RCN2	ENSG00000117906	158	0.42	0.15	0.039	0.27	NA
chr15	73976559	73977323	CD276	ENSG00000103855	217	0.46	0.25	0.04	0.2	NA
chr15	41851723	41851970	TYRO3	ENSG00000092445	614	0.32	0.65	0.041	-0.33	NA
chr15	78423593	78424096	CIB2	ENSG00000136425	33	0.32	0.22	0.041	0.099	NA
chr15	78912246	78913616	CHRNA3	ENSG00000080644	590	0.25	0.18	0.041	0.075	NA
chr15	82824292	82825321	RPS17	ENSG00000184779	166	0.3	0.14	0.042	0.16	NA
chr15	65809685	65810168	DPP8	ENSG00000074603	92	0.22	0.16	0.043	0.06	NA
chr15	51914167	51915396	DMXL2	ENSG00000104093	168	0.33	0.18	0.044	0.15	NA
chr15	92396013	92397682	SLCO3A1	ENSG00000176463	-78	0.27	0.21	0.045	0.061	NA
chr15	69222589	69223380	SPESP1	ENSG00000137808	145	0.49	0.6	0.046	-0.11	NA
chr15	75660388	75661060	MAN2C1	ENSG00000140400	217	0.27	0.17	0.046	0.1	NA

chr15	33009530	33011696	GREM1	ENSG00000166923	438	0.22	0.17	0.047	0.047	NA
chr15	60771068	60771558	NARG2	ENSG00000128915	31	0.33	0.11	0.047	0.22	NA
chr15	28344188	28344489	OCA2	ENSG00000104044	101	0.19	0.43	0.049	-0.24	NA
chr15	42264156	42264861	EHD4	ENSG00000103966	268	0.38	0.2	0.051	0.19	NA
chr15	63340256	63341464	TPM1	ENSG00000140416	261	0.2	0.14	0.051	0.054	NA
chr15	101834943	101835946	SNRPA1	ENSG00000131876	-56	0.43	0.51	0.051	-0.076	NA
chr15	77362740	77363560	TSPAN3	ENSG00000140391	301	0.27	0.18	0.052	0.089	NA
chr15	69452451	69453939	GLCE	ENSG00000138604	222	0.3	0.24	0.054	0.062	NA
chr15	72104191	72104418	NR2E3	ENSG00000031544	1410	0.82	0.95	0.054	-0.13	NA
chr15	90293221	90294733	MESP1	ENSG00000166823	564	0.26	0.17	0.054	0.086	NA
chr15	90776699	90777636	CIB1	ENSG00000185043	112	0.24	0.17	0.054	0.068	NA
chr15	71184276	71184689	LRRC49	ENSG00000137821	-505	0.13	0.26	0.055	-0.13	NA
chr15	42120302	42120622	JMJD7	ENSG00000243789	157	0.25	0.16	0.057	0.089	NA
chr15	49912985	49913482	C15orf33	ENSG00000166262	-115	0.29	0.18	0.059	0.11	NA
chr15	89910521	89912177	MIR9-3	ENSG00000207819	101	0.26	0.2	0.059	0.069	NA
chr15	91427540	91427905	FES	ENSG00000182511	80	0.23	0.32	0.06	-0.091	NA
chr15	90644998	90646164	IDH2	ENSG00000182054	119	0.24	0.16	0.063	0.078	NA
chr15	28982669	28983497	WHAMML2	ENSG00000248334	354	0.32	0.13	0.066	0.19	NA
chr15	35046443	35047480	GJD2	ENSG00000159248	-272	0.36	0.27	0.067	0.093	NA
chr15	52043422	52044447	LYSMD2	ENSG00000140280	-284	0.27	0.2	0.067	0.066	NA
chr15	23207949	23208796	WHAMML1	ENSG00000187667	-405	0.15	0.26	0.068	-0.11	NA
chr15	49338363	49338771	SECISBP2L	ENSG00000138593	63	0.26	0.17	0.069	0.09	NA
chr15	100105368	100107065	MEF2A	ENSG00000068305	83	0.26	0.21	0.07	0.055	NA
chr15	66678895	66679963	MAP2K1	ENSG00000169032	274	0.21	0.16	0.071	0.05	NA
chr15	51200258	51201270	AC021752.1	ENSG00000247586	32	0.22	0.16	0.074	0.058	NA
chr15	102501354	102502429	WASH1	ENSG00000185596	535	0.5	1	0.08	-0.5	NA
chr15	23033933	23034710	NIPA2	ENSG00000140157	87	0.28	0.17	0.082	0.11	NA
chr15	59981234	59981795	BNIP2	ENSG00000140299	-6	0.18	0.12	0.083	0.062	NA
chr15	64679907	64680233	TRIP4	ENSG00000103671	67	0.36	0.21	0.083	0.15	NA
chr15	89786998	89787691	FANCI	ENSG00000140525	164	0.18	0.32	0.083	-0.14	NA

chr15	44084144	44085272	SERF2	ENSG00000140264	180	0.26	0.17	0.088	0.096	NA
chr15	102192165	102193345	TM2D3	ENSG00000184277	-185	0.23	0.18	0.088	0.052	NA
chr15	89877597	89878597	POLG	ENSG00000140521	-19	0.23	0.15	0.089	0.076	NA
chr15	65714742	65715571	IGDCC4	ENSG00000103742	254	0.2	0.13	0.092	0.068	NA
chr15	20711403	20711823	HERC2P3	ENSG00000180229	-199	1	0.5	0.093	0.5	NA
chr15	75917646	75918212	SNUPN	ENSG00000169371	100	0.23	0.15	0.093	0.078	NA
chr15	38544002	38545532	SPRED1	ENSG00000166068	-285	0.27	0.21	0.095	0.061	NA
chr15	55581772	55582571	RAB27A	ENSG00000069974	-170	0.18	0.26	0.095	-0.087	NA
chr15	80215358	80216500	C15orf37	ENSG00000257028	422	0.27	0.19	0.095	0.079	NA
chr15	64752626	64752850	ZNF609	ENSG00000180357	-203	0.32	0.17	0.096	0.15	NA
chr15	74906938	74908538	CLK3	ENSG00000179335	403	0.21	0.17	0.096	0.043	NA
chr15	79724099	79725643	KIAA1024	ENSG00000169330	13	0.24	0.19	0.098	0.052	NA
chr15	79102715	79104628	MORF4L1	ENSG00000185787	842	0.29	0.24	0.099	0.048	NA
chr15	41793562	41795305	ITPKA	ENSG00000137825	796	0.35	0.3	0.1	0.054	NA
chr15	79165102	79166057	MORF4L1	ENSG00000185787	407	0.24	0.19	0.1	0.055	NA
chr15	101141975	101143137	LINS	ENSG00000140471	-111	0.32	0.18	0.1	0.14	NA
chr15	65369126	65370453	KBTBD13	ENSG00000234438	635	0.68	0.62	0.11	0.053	NA
chr15	75229782	75230660	COX5A	ENSG00000178741	288	0.27	0.2	0.11	0.063	NA
chr15	23157794	23158624	AC138649.1	ENSG00000230856	-52	0.4	0.26	0.12	0.14	NA
chr15	25683348	25684415	UBE3A	ENSG00000114062	247	0.2	0.29	0.12	-0.086	NA
chr15	40861411	40862115	RPUSD2	ENSG00000166133	264	0.14	0.21	0.12	-0.07	NA
chr15	43477588	43477816	CCNDBP1	ENSG00000166946	65	0.35	0.18	0.12	0.17	NA
chr15	49254984	49255564	SHC4	ENSG00000185634	367	0.34	0.23	0.12	0.11	NA
chr15	50716321	50716826	USP8	ENSG00000138592	-6	0.34	0.25	0.12	0.091	NA
chr15	59279741	59280720	RNF111	ENSG00000157450	368	0.24	0.16	0.12	0.076	NA
chr15	63413918	63414852	LACTB	ENSG00000103642	386	0.21	0.15	0.12	0.061	NA
chr15	69366321	69366796	NCRNA00277	ENSG00000212766	1292	0.28	0.15	0.12	0.13	NA
chr15	79576059	79576270	ANKRD34C	ENSG00000235711	1018	0.26	0.17	0.12	0.089	NA
chr15	80696076	80697393	ARNT2	ENSG00000172379	42	0.27	0.21	0.12	0.06	NA
chr15	85197232	85197695	WDR73	ENSG00000177082	58	0.41	0.28	0.12	0.13	NA

chr15	99645030	99646444	SYNM	ENSG00000182253	451	0.29	0.18	0.12	0.11	NA
chr15	34393814	34394264	C15orf24	ENSG00000134153	-31	0.31	0.21	0.13	0.1	NA
chr15	38746274	38746785	FAM98B	ENSG00000171262	201	0.3	0.22	0.13	0.082	NA
chr15	41576041	41576536	AC012652.1	ENSG00000247556	85	0.33	0.14	0.13	0.19	NA
chr15	49170144	49170710	SHC4	ENSG00000185634	-176	0.27	0.18	0.13	0.086	NA
chr15	59041081	59042283	ADAM10	ENSG00000137845	-517	0.26	0.21	0.13	0.048	NA
chr15	85360192	85360574	ALPK3	ENSG00000136383	472	0.36	0.28	0.13	0.081	NA
chr15	42565452	42565791	TMEM87A	ENSG00000103978	17	0.29	0.53	0.14	-0.25	NA
chr15	43212416	43213601	TTBK2	ENSG00000128881	-96	0.28	0.18	0.14	0.099	NA
chr15	75870802	75871814	PTPN9	ENSG00000169410	322	0.27	0.21	0.14	0.064	NA
chr15	101389732	101390260	AC015712.1	ENSG00000232386	-40	0.38	0.28	0.14	0.1	NA
chr15	40886396	40886918	CASC5	ENSG00000137812	210	0.21	0.34	0.15	-0.13	NA
chr15	50978343	50979199	TRPM7	ENSG00000092439	241	0.21	0.16	0.15	0.05	NA
chr15	62456015	62457648	C2CD4B	ENSG00000205502	651	0.25	0.21	0.15	0.043	NA
chr15	83775861	83776922	TM6SF1	ENSG00000136404	232	0.24	0.2	0.15	0.043	NA
chr15	84115762	84116921	SH3GL3	ENSG00000140600	361	0.25	0.19	0.15	0.054	NA
chr15	30113705	30113940	TJP1	ENSG00000104067	-71	0.33	0.15	0.16	0.18	NA
chr15	35280393	35280837	ZNF770	ENSG00000198146	-141	0.2	0.14	0.16	0.063	NA
chr15	45315201	45315543	SORD	ENSG00000140263	67	0.44	0.26	0.16	0.18	NA
chr15	48009418	48011044	SEMA6D	ENSG00000137872	647	0.22	0.28	0.16	-0.06	NA
chr15	65689142	65689362	IGDCC4	ENSG00000103742	-565	0.84	0.33	0.16	0.51	NA
chr15	68115485	68122575	SKOR1	ENSG00000188779	1089	0.28	0.25	0.16	0.027	NA
chr15	78730095	78731105	IREB2	ENSG00000136381	69	0.35	0.19	0.16	0.17	NA
chr15	85113435	85114361	UBE2Q2P1	ENSG00000189136	128	0.21	0.15	0.16	0.06	NA
chr15	90818314	90818601	AC091167.2	ENSG00000228998	191	0.97	0.93	0.16	0.042	NA
chr15	83478366	83479273	WHAMM	ENSG00000156232	846	0.25	0.19	0.18	0.057	NA
chr15	41055396	41056787	GCHFR	ENSG00000137880	-127	0.29	0.22	0.19	0.068	NA
chr15	41953823	41954338	MGA	ENSG00000174197	1470	0.25	0.44	0.19	-0.19	NA
chr15	49447339	49447576	COPS2	ENSG00000166200	344	0.09	0.2	0.19	-0.11	NA
chr15	34659475	34659970	LPCAT4	ENSG00000176454	-327	0.22	0.15	0.2	0.08	NA

chr15	52311220	52312180	MAPK6	ENSG00000069956	283	0.23	0.28	0.2	-0.043	NA
chr15	59663863	59665081	MYO1E	ENSG00000157483	599	0.26	0.21	0.2	0.043	NA
chr15	75315855	75316178	PPCDC	ENSG00000138621	120	0.36	0.17	0.2	0.19	NA
chr15	83735240	83736089	BTBD1	ENSG00000064726	442	0.23	0.19	0.2	0.044	NA
chr15	72522131	72524238	PKM2	ENSG00000067225	347	0.24	0.2	0.21	0.031	NA
chr15	72564442	72565165	PARP6	ENSG00000137817	-1175	0.21	0.16	0.21	0.054	NA
chr15	22833282	22833911	TUBGCP5	ENSG00000153575	201	0.23	0.18	0.23	0.051	NA
chr15	52404191	52404978	BCL2L10	ENSG00000137875	388	0.23	0.19	0.23	0.038	NA
chr15	64338152	64338886	DAPK2	ENSG00000035664	2	0.25	0.19	0.23	0.06	NA
chr15	78933187	78933821	CHRNB4	ENSG00000117971	83	0.41	0.32	0.23	0.093	NA
chr15	82554785	82555476	EFTUD1	ENSG00000140598	-26	0.17	0.21	0.23	-0.039	NA
chr15	21967418	21968306	AC068446.2	ENSG00000247765	289	0.5	0.65	0.24	-0.15	NA
chr15	66161549	66162593	RAB11A	ENSG00000103769	275	0.2	0.15	0.24	0.051	NA
chr15	89904822	89906050	AC133637.1	ENSG00000255571	626	0.21	0.16	0.24	0.05	NA
chr15	41135719	41137210	SPINT1	ENSG00000166145	223	0.21	0.17	0.26	0.034	NA
chr15	31195673	31196392	FAN1	ENSG00000198690	-44	0.21	0.15	0.27	0.057	NA
chr15	43425772	43426263	TMEM62	ENSG00000137842	295	0.26	0.18	0.27	0.081	NA
chr15	44038504	44039122	PDIA3	ENSG00000167004	223	0.24	0.17	0.27	0.064	NA
chr15	65321431	65321996	MTFMT	ENSG00000103707	264	0.19	0.12	0.27	0.075	NA
chr15	73343779	73345369	NEO1	ENSG00000067141	-251	0.26	0.23	0.27	0.037	NA
chr15	80987196	80988664	FAM108C1	ENSG00000136379	278	0.24	0.2	0.27	0.04	NA
chr15	37782884	37783121	RP11-25H11.1	ENSG00000243122	110	1	0.94	0.28	0.061	NA
chr15	42840462	42841116	LRRC57	ENSG00000180979	211	0.28	0.19	0.28	0.091	NA
chr15	71054898	71056230	UACA	ENSG00000137831	205	0.22	0.25	0.28	-0.037	NA
chr15	74284252	74284821	STOML1	ENSG00000067221	28	0.39	0.26	0.28	0.13	NA
chr15	98503534	98504649	ARRDC4	ENSG00000140450	163	0.19	0.24	0.28	-0.048	NA
chr15	75287694	75288699	SCAMP5	ENSG00000198794	320	0.23	0.34	0.29	-0.12	NA
chr15	90319583	90320476	MESP2	ENSG00000188095	440	0.37	0.42	0.29	-0.055	NA
chr15	52029230	52030135	LYSMD2	ENSG00000140280	652	0.21	0.16	0.3	0.052	NA
chr15	83419022	83419592	AC105339.1	ENSG00000250988	-17	0.29	0.43	0.3	-0.14	NA

chr15	40675019	40675628	C15orf23	ENSG00000128944	401	0.25	0.2	0.31	0.051	NA
chr15	41624362	41625340	OIP5	ENSG00000104147	-32	0.23	0.16	0.31	0.075	NA
chr15	100346724	100347454	DNM1P46	ENSG00000182397	11	0.62	0.31	0.31	0.31	NA
chr15	52121816	52122452	TMOD3	ENSG00000138594	289	0.23	0.2	0.32	0.036	NA
chr15	52970730	52971886	KIAA1370	ENSG00000047346	-488	0.25	0.21	0.32	0.038	NA
chr15	57668337	57669028	CGNL1	ENSG00000128849	-21	0.27	0.31	0.32	-0.047	NA
chr15	93198374	93199181	FAM174B	ENSG00000185442	254	0.17	0.13	0.32	0.043	NA
chr15	41522828	41523732	EXD1	ENSG00000178997	-391	0.22	0.18	0.33	0.033	NA
chr15	51973533	51973838	SCG3	ENSG00000104112	135	0.56	0.38	0.33	0.19	NA
chr15	40732929	40734697	BAHD1	ENSG00000140320	402	0.29	0.25	0.34	0.031	NA
chr15	45926877	45927758	SQRDL	ENSG00000137767	316	0.23	0.27	0.34	-0.044	NA
chr15	72766260	72767693	ARIH1	ENSG00000166233	309	0.18	0.2	0.34	-0.029	NA
chr15	91497994	91498615	RCCD1	ENSG00000166965	198	0.29	0.24	0.34	0.053	NA
chr15	65476794	65478055	CLPX	ENSG00000166855	236	0.2	0.17	0.35	0.029	NA
chr15	73735322	73735609	C15orf60	ENSG00000183324	-34	0.93	0.98	0.35	-0.045	NA
chr15	49103269	49103696	CEP152	ENSG00000103995	-212	0.22	0.4	0.36	-0.18	NA
chr15	72409862	72411002	MYO9A	ENSG00000066933	-10	0.22	0.18	0.36	0.037	NA
chr15	27215951	27216856	GABRG3	ENSG00000182256	-26	0.17	0.15	0.37	0.027	NA
chr15	41047210	41047687	FAM82A2	ENSG00000137824	-4	0.18	0.23	0.37	-0.05	NA
chr15	56034562	56035712	PRTG	ENSG00000166450	40	0.15	0.18	0.37	-0.033	NA
chr15	83378007	83379068	AP3B2	ENSG00000103723	-6	0.32	0.22	0.37	0.096	NA
chr15	75743081	75748449	SIN3A	ENSG00000169375	-1839	0.27	0.25	0.38	0.022	NA
chr15	89456224	89456830	MFGE8	ENSG00000140545	83	0.25	0.36	0.38	-0.11	NA
chr15	90233530	90234083	PEX11A	ENSG00000166821	207	0.27	0.2	0.38	0.066	NA
chr15	83680007	83680532	C15orf40	ENSG00000169609	32	0.27	0.19	0.39	0.083	NA
chr15	86337418	86338429	KLHL25	ENSG00000183655	177	0.2	0.14	0.39	0.055	NA
chr15	45404769	45405482	DUOXA2	ENSG00000140274	-1394	0.21	0.16	0.41	0.05	NA
chr15	56657477	56657883	TEX9	ENSG00000151575	55	0.34	0.17	0.41	0.17	NA
chr15	72489478	72490119	GRAMD2	ENSG00000175318	338	0.23	0.19	0.41	0.044	NA
chr15	78369517	78369906	TBC1D2B	ENSG00000167202	-72	0.24	0.18	0.41	0.053	NA

chr15	91423329	91423583	FURIN	ENSG00000140564	506	0.68	0.44	0.41	0.24	NA
chr15	40330991	40331563	SRP14	ENSG00000140319	112	0.23	0.19	0.42	0.035	NA
chr15	90727879	90728570	SEMA4B	ENSG00000185033	72	0.36	0.3	0.42	0.053	NA
chr15	34874861	34876425	GOLGA8B	ENSG00000215252	-582	0.21	0.19	0.43	0.022	NA
chr15	40401053	40401298	BMF	ENSG00000104081	-100	0.26	0.4	0.43	-0.14	NA
chr15	43028413	43029346	AC090510.1	ENSG00000246283	-522	0.28	0.24	0.43	0.04	NA
chr15	41708907	41709951	RTF1	ENSG00000137815	127	0.29	0.26	0.44	0.029	NA
chr15	93631428	93633173	RGMA	ENSG00000182175	-548	0.21	0.19	0.44	0.02	NA
chr15	85201196	85201684	NMB	ENSG00000197696	339	0.26	0.2	0.46	0.065	NA
chr15	64387985	64388628	SNX1	ENSG0000028528	129	0.25	0.22	0.47	0.034	NA
chr15	68521418	68522237	CLN6	ENSG00000128973	181	0.23	0.2	0.47	0.027	NA
chr15	72978290	72978758	HIGD2B	ENSG00000175202	-34	0.51	0.41	0.47	0.1	NA
chr15	45694410	45695794	RP11-519G16.1	ENSG00000230288	-582	0.26	0.23	0.48	0.024	NA
chr15	51633724	51634318	GLDN	ENSG00000186417	144	0.31	0.23	0.49	0.082	NA
chr15	55700140	55700806	DYX1C1	ENSG00000256061	-16	0.22	0.26	0.49	-0.038	NA
chr15	40531244	40531589	PAK6	ENSG00000137843	124	0.25	0.2	0.5	0.047	NA
chr15	45406467	45406882	DUOXA2	ENSG00000140274	155	0.28	0.17	0.5	0.1	NA
chr15	50646437	50647742	GABPB1	ENSG00000104064	232	0.22	0.17	0.51	0.049	NA
chr15	75135186	75135905	ULK3	ENSG00000140474	7	0.23	0.2	0.51	0.034	NA
chr15	91445563	91446768	MAN2A2	ENSG00000196547	-1255	0.23	0.21	0.51	0.027	NA
chr15	42119817	42120128	RP11-23P13.4	ENSG00000250379	81	0.29	0.11	0.52	0.17	NA
chr15	44092737	44093140	C15orf63	ENSG00000242028	141	0.26	0.19	0.52	0.062	NA
chr15	71407656	71408498	CT62	ENSG00000225362	-238	0.25	0.21	0.52	0.036	NA
chr15	76351684	76352129	NRG4	ENSG00000169752	163	0.14	0.24	0.53	-0.099	NA
chr15	79574830	79575211	ANKRD34C	ENSG00000235711	-126	0.19	0.24	0.53	-0.043	NA
chr15	90118971	90119363	C15orf42	ENSG00000140534	454	0.23	0.16	0.53	0.069	NA
chr15	89438176	89438850	HAPLN3	ENSG00000140511	344	0.31	0.28	0.54	0.034	NA
chr15	102264097	102264750	TARSL2	ENSG00000185418	190	0.22	0.18	0.54	0.042	NA
chr15	65425292	65426233	PDCD7	ENSG00000090470	403	0.2	0.18	0.55	0.022	NA
chr15	85144078	85144611	ZSCAN2	ENSG00000176371	127	0.2	0.22	0.55	-0.025	NA

chr15	85174489	85174787	SCAND2	ENSG00000176700	-44	0.2	0.33	0.55	-0.13	NA
chr15	101817246	101817915	AC023024.1	ENSG00000131871	-91	0.25	0.22	0.55	0.037	NA
chr15	52263568	52264225	LEO1	ENSG00000166477	83	0.29	0.33	0.56	-0.047	NA
chr15	65688039	65688539	IGDCC4	ENSG00000103742	398	0.73	1	0.56	-0.27	NA
chr15	74988166	74988669	EDC3	ENSG00000179151	-33	0.18	0.24	0.56	-0.057	NA
chr15	56285260	56286295	NEDD4	ENSG00000069869	-31	0.35	0.29	0.57	0.06	NA
chr15	85923604	85924680	AKAP13	ENSG00000170776	271	0.18	0.21	0.58	-0.029	NA
chr15	37392601	37392829	MEIS2	ENSG00000134138	-11	0.43	0.37	0.59	0.055	NA
chr15	23085441	23086898	NIPA1	ENSG00000170113	132	0.24	0.22	0.6	0.02	NA
chr15	35261686	35262124	AQR	ENSG00000021776	51	0.27	0.16	0.6	0.11	NA
chr15	64385875	64386322	FAM96A	ENSG00000166797	109	0.23	0.18	0.6	0.056	NA
chr15	89876390	89876956	POLG	ENSG00000140521	-198	0.91	0.93	0.6	-0.019	NA
chr15	74044561	74045885	C15orf59	ENSG00000205363	-1407	0.21	0.22	0.61	-0.017	NA
chr15	90198100	90198833	KIF7	ENSG00000166813	216	0.28	0.25	0.61	0.026	NA
chr15	78236688	78237084	AC104758.1	ENSG00000214646	-1795	0.19	0.23	0.62	-0.039	NA
chr15	24920613	24921252	C15orf2	ENSG00000185823	391	0.93	0.91	0.63	0.017	NA
chr15	60690708	60690930	ANXA2	ENSG00000182718	-634	0.23	0.16	0.63	0.076	NA
chr15	89346043	89347203	ACAN	ENSG00000157766	-51	0.23	0.19	0.63	0.032	NA
chr15	91072689	91073976	CRTC3	ENSG00000140577	175	0.24	0.22	0.63	0.018	NA
chr15	85258839	85259825	SEC11A	ENSG00000140612	10	0.25	0.21	0.64	0.036	NA
chr15	89147660	89149198	AC013489.2	ENSG00000249487	-595	0.21	0.19	0.64	0.023	NA
chr15	48623185	48624651	DUT	ENSG00000128951	297	0.18	0.19	0.65	-0.015	NA
chr15	79603220	79604093	TMED3	ENSG00000166557	252	0.23	0.21	0.65	0.02	NA
chr15	100890242	100890494	AC015723.1	ENSG00000189419	70	0.25	0.22	0.65	0.03	NA
chr15	41217789	41223180	DLL4	ENSG00000128917	-1063	0.33	0.31	0.66	0.012	NA
chr15	73075586	73076663	ADPGK	ENSG00000159322	-63	0.25	0.27	0.66	-0.02	NA
chr15	75198639	75199494	C15orf17	ENSG00000178761	112	0.23	0.21	0.66	0.019	NA
chr15	30918312	30918565	ARHGAP11B	ENSG00000187951	-441	0.21	0.15	0.67	0.062	NA
chr15	40226210	40226631	EIF2AK4	ENSG00000128829	73	0.33	0.29	0.67	0.039	NA
chr15	33486847	33487290	AC090098.1	ENSG00000186031	-171	0.31	0.24	0.68	0.068	NA

chr15	41694493	41694756	NDUFAF1	ENSG00000137806	34	0.16	0.13	0.68	0.027	NA
chr15	65903211	65903670	C15orf44	ENSG00000138614	29	0.19	0.23	0.68	-0.037	NA
chr15	83951980	83953930	BNC1	ENSG00000169594	-746	0.24	0.25	0.68	-0.014	NA
chr15	65281928	65282375	SPG21	ENSG00000090487	100	0.21	0.19	0.69	0.023	NA
chr15	42500160	42500561	VPS39	ENSG00000166887	-9	0.24	0.22	0.71	0.023	NA
chr15	59063287	59064086	FAM63B	ENSG00000128923	293	0.24	0.26	0.71	-0.014	NA
chr15	74467613	74467892	ISLR	ENSG00000129009	910	0.98	1	0.71	-0.022	NA
chr15	77711625	77712910	HMG20A	ENSG00000140382	-726	0.19	0.18	0.71	0.014	NA
chr15	64647914	64648523	CSNK1G1	ENSG00000169118	168	0.27	0.36	0.72	-0.093	NA
chr15	37110361	37110778	AC019016.1	ENSG00000223518	138	0.99	0.98	0.73	0.012	NA
chr15	85176628	85177414	RP11-245C17.1	ENSG00000254779	-84	0.16	0.17	0.73	-0.012	NA
chr15	41099243	41099878	ZFYVE19	ENSG00000166140	286	0.19	0.23	0.74	-0.047	NA
chr15	90455562	90456263	C15orf38	ENSG00000242498	7	0.19	0.17	0.74	0.015	NA
chr15	90808574	90809251	NGRN	ENSG00000182768	21	0.3	0.27	0.74	0.032	NA
chr15	75182262	75182622	MPI	ENSG00000178802	79	0.28	0.25	0.75	0.027	NA
chr15	90437025	90437602	AP3S2	ENSG00000157823	-104	0.23	0.25	0.75	-0.017	NA
chr15	90895472	90895990	ZNF774	ENSG00000196391	254	0.19	0.23	0.75	-0.039	NA
chr15	61520423	61521716	RORA	ENSG00000069667	263	0.27	0.25	0.76	0.021	NA
chr15	67546789	67547410	AAGAB	ENSG00000103591	-25	0.19	0.23	0.76	-0.034	NA
chr15	74753413	74753979	UBL7	ENSG00000138629	-177	0.28	0.32	0.77	-0.037	NA
chr15	71145995	71146820	LARP6	ENSG00000166173	59	0.25	0.23	0.78	0.02	NA
chr15	91473314	91473592	UNC45A	ENSG00000140553	43	0.3	0.27	0.78	0.028	NA
chr15	32322164	32323060	CHRNA7	ENSG00000175344	-79	0.25	0.26	0.79	-0.014	NA
chr15	60689749	60690430	ANXA2	ENSG00000182718	96	0.19	0.21	0.79	-0.02	NA
chr15	41952535	41953222	MGA	ENSG00000174197	268	0.23	0.24	0.8	-0.014	NA
chr15	45003460	45004345	B2M	ENSG00000166710	227	0.23	0.26	0.81	-0.032	NA
chr15	83875648	83877079	AC024270.1	ENSG00000166503	-42	0.22	0.21	0.81	0.0099	NA
chr15	85777124	85778138	AKAP13	ENSG00000170776	-186	0.24	0.2	0.82	0.034	NA
chr15	100272901	100273891	LYSMD4	ENSG00000183060	148	0.2	0.22	0.82	-0.02	NA
chr15	81426499	81426702	C15orf26	ENSG00000156206	-44	0.18	0.23	0.83	-0.057	NA

chr15	91414311	91415427	AC068831.1	ENSG00000214432	1721	0.19	0.18	0.83	0.009	NA
chr15	26107503	26108818	ATP10A	ENSG00000206190	195	0.21	0.21	0.84	-0.008	NA
chr15	44580804	44581543	CASC4	ENSG00000166734	244	0.22	0.23	0.84	-0.016	NA
chr15	37390175	37390380	MEIS2	ENSG00000134138	226	0.18	0.17	0.85	0.011	NA
chr15	42782959	42783377	ZFP106	ENSG00000103994	168	0.36	0.33	0.85	0.033	NA
chr15	68113241	68113520	SKOR1	ENSG00000188779	1338	0.29	0.33	0.85	-0.04	NA
chr15	51057603	51058123	AC012100.1	ENSG00000138600	47	0.18	0.17	0.86	0.013	NA
chr15	63449418	63449874	RPS27L	ENSG00000185088	-166	0.27	0.25	0.86	0.016	NA
chr15	78441495	78442261	IDH3A	ENSG00000166411	215	0.24	0.22	0.86	0.015	NA
chr15	37393666	37394248	MEIS2	ENSG00000134138	-453	0.22	0.19	0.88	0.035	NA
chr15	65133371	65134329	AC069368.3	ENSG00000249240	-232	0.25	0.27	0.88	-0.02	NA
chr15	45669970	45671029	GATM	ENSG00000171766	480	0.22	0.21	0.9	0.0063	NA
chr15	66585767	66586494	DIS3L	ENSG00000166938	219	0.3	0.32	0.9	-0.017	NA
chr15	67834786	67835510	MAP2K5	ENSG00000137764	127	0.2	0.21	0.9	-0.012	NA
chr15	91565454	91565920	VPS33B	ENSG00000184056	56	0.23	0.24	0.9	-0.017	NA
chr15	75628250	75628677	COMMD4	ENSG00000140365	48	0.34	0.36	0.91	-0.025	NA
chr15	33602816	33604003	RYR3	ENSG00000198838	232	0.19	0.2	0.92	-0.0069	NA
chr15	78894267	78894501	CHRNA3	ENSG00000080644	191	1	0.98	0.93	0.017	NA
chr15	75639595	75640743	NEIL1	ENSG00000140398	838	0.2	0.19	0.94	0.0078	NA
chr15	76352316	76352533	C15orf27	ENSG00000169758	125	0.28	0.32	0.94	-0.044	NA
chr15	101593447	101593882	LRRK1	ENSG00000154237	122	0.94	0.93	0.94	0.016	NA
chr15	29862035	29863649	FAM189A1	ENSG00000104059	85	0.26	0.26	0.95	-0.0051	NA
chr15	31283404	31284414	MTMR10	ENSG00000166912	-102	0.22	0.22	0.95	0.0052	NA
chr15	61519621	61520031	RORA	ENSG00000069667	1506	0.26	0.27	0.95	-0.013	NA
chr15	40453005	40453685	BUB1B	ENSG00000156970	118	0.28	0.25	0.96	0.027	NA
chr15	76603563	76604026	ETFA	ENSG00000140374	-49	0.22	0.23	0.96	-0.0096	NA
chr15	76628998	76629207	ISL2	ENSG00000159556	37	0.19	0.18	0.96	0.017	NA
chr15	93615622	93617185	RGMA	ENSG00000182175	506	0.3	0.3	0.97	-0.0048	NA
chr15	44828637	44829949	AC009996.1	ENSG00000179523	-172	0.24	0.24	0.98	0.0057	NA
chr15	41244885	41246004	CHAC1	ENSG00000128965	97	0.28	0.28	0.99	0.005	NA

chr15	75251467	75251773	RPP25	ENSG00000178718	-1815	0.33	0.3	0.99	0.034	NA
chr15	36871459	36871897	C15orf41	ENSG00000186073	-134	0.33	0.17	1	0.17	NA
chr15	40074645	40075188	FSIP1	ENSG00000150667	123	0.2	0.2	1	0.0016	NA
chr15	40697781	40698368	IVD	ENSG00000128928	78	0.22	0.2	1	0.022	NA
chr15	41186255	41187169	VPS18	ENSG00000104142	85	0.21	0.21	1	-0.0018	NA
chr15	43785243	43785490	TP53BP1	ENSG00000067369	-82	0.23	0.24	1	-0.016	NA
chr15	45490945	45491252	SHF	ENSG00000138606	1971	0.23	0.21	1	0.018	NA
chr15	52860752	52861410	ARPP19	ENSG00000128989	132	0.23	0.24	1	-0.0076	NA
chr15	56535651	56536129	RFX7	ENSG00000181827	-407	0.19	0.19	1	0.0045	NA
chr15	60883298	60885350	RORA	ENSG00000069667	383	0.25	0.24	1	0.0016	NA
chr15	66789933	66790248	SNAPC5	ENSG00000174446	12	0.23	0.22	1	0.01	NA
chr15	69706516	69707352	KIF23	ENSG00000137807	246	0.3	0.3	1	#####	NA
chr15	73659860	73662015	HCN4	ENSG00000138622	668	0.24	0.24	1	2.30E-05	NA
chr15	74392341	74392803	AC010931.1	ENSG00000214702	-1814	0.2	0.28	1	-0.082	NA
chr15	78633322	78634089	CRABP1	ENSG00000166426	887	0.58	0.59	1	-0.01	NA
chr15	83654590	83655245	AC022558.1	ENSG00000245763	-297	0.33	0.31	1	0.019	NA
chr15	85523512	85525865	PDE8A	ENSG00000073417	1017	0.23	0.23	1	0.0015	NA
chr15	86312153	86313047	MIR1276	ENSG00000221634	1209	0.99	0.99	1	0.0044	NA
chr15	89631546	89632209	ABHD2	ENSG00000140526	472	0.22	0.22	1	-0.0025	NA
chr15	90931162	90932019	IQGAP1	ENSG00000140575	140	0.22	0.23	1	-0.0022	NA
chr15	91475626	91475926	HDDC3	ENSG00000184508	0	0.2	0.2	1	0.0016	NA
chr15	93447556	93447823	CHD2	ENSG00000173575	-14	0.27	0.33	1	-0.064	NA
chr15	99791328	99792042	TTC23	ENSG00000103852	-263	0.18	0.18	1	-0.0011	NA
chr15	101458286	101460223	LRRK1	ENSG00000154237	-166	0.25	0.24	1	0.0063	NA
chr15	28834219	28834690	HERC2P9	ENSG00000206149	-184	1	NA	NA	NA	NA
chr15	30762927	30763795	AC019322.2	ENSG00000215302	-96	0.13	NA	NA	NA	NA
chr15	41836145	41836612	RPAP1	ENSG00000103932	86	0.5	NA	NA	NA	NA
chr15	42066488	42067230	MAPKBP1	ENSG00000137802	227	1	NA	NA	NA	NA
chr15	42566198	42566404	GANC	ENSG00000214013	-139	0.5	NA	NA	NA	NA
chr15	55790301	55790754	DYX1C1	ENSG00000256061	12	0.22	NA	NA	NA	NA

chr15	56757179	56757383	MNS1	ENSG00000138587	54	0.13	NA	NA	NA	NA
chr15	68132640	68133071	RNU6-1	ENSG00000206625	-472	1	NA	NA	NA	NA
chr15	95869955	95870322	AC104260.1	ENSG00000248441	191	NA	1	NA	NA	NA
chr16	31053479	31053800	AC135050.2	ENSG00000249093	1265	0.78	0.31	1.50E-09	0.47	NA
chr16	86588435	86589513	MTHFSD	ENSG00000103248	-133	0.45	0.2	3.20E-09	0.25	NA
chr16	423871	424423	TMEM8A	ENSG00000129925	704	0.93	0.62	3.60E-09	0.31	NA
chr16	57126044	57127110	CPNE2	ENSG00000140848	71	0.92	0.32	7.90E-09	0.6	NA
chr16	2284626	2285598	DNASE1L2	ENSG00000167968	-705	0.84	0.6	1.40E-08	0.24	NA
chr16	3550108	3550346	CLUAP1	ENSG00000103351	-736	0.95	0.42	2.40E-08	0.53	NA
chr16	32857241	32858277	IGHV2OR16-5	ENSG00000214618	-1199	0.81	0.63	3.10E-08	0.18	NA
chr16	837376	839341	CHTF18	ENSG00000127586	312	0.34	0.21	6.20E-08	0.13	NA
chr16	4321639	4324073	TFAP4	ENSG00000090447	145	0.29	0.16	9.00E-08	0.13	NA
chr16	88869780	88870592	CDT1	ENSG00000167513	0	0.37	0.15	9.20E-08	0.22	NA
chr16	19125136	19126607	ITPRIPL2	ENSG00000205730	617	0.39	0.23	1.10E-07	0.16	NA
chr16	75033041	75034207	ZNRF1	ENSG00000186187	374	0.35	0.15	1.20E-07	0.21	NA
chr16	318617	318901	ARHGDIG	ENSG00000242173	33	0.61	0.26	1.60E-07	0.34	NA
chr16	1128223	1130394	SSTR5	ENSG00000162009	527	0.38	0.56	2.00E-07	-0.18	NA
chr16	89160018	89160706	ACSF3	ENSG00000176715	145	0.54	0.18	2.30E-07	0.35	NA
chr16	29086220	29086434	AC009093.1	ENSG00000103472	-13	0.75	0.34	3.20E-07	0.42	NA
chr16	57317967	57318964	PLLP	ENSG00000102934	134	0.3	0.15	4.90E-07	0.15	NA
chr16	67427284	67428950	TPPP3	ENSG00000159713	-723	0.92	0.75	5.10E-07	0.17	NA
chr16	431189	432810	TMEM8A	ENSG00000129925	-21	0.39	0.2	5.40E-07	0.19	NA
chr16	70472588	70473649	ST3GAL2	ENSG00000157350	-127	0.33	0.14	6.20E-07	0.19	NA
chr16	67195600	67195827	FBXL8	ENSG00000135722	121	0.93	0.3	7.60E-07	0.62	NA
chr16	21531112	21532123	CTD-2547E10.2	ENSG00000180747	-286	0.22	0.11	8.00E-07	0.11	NA
chr16	2801913	2803409	SRRM2	ENSG00000167978	331	0.36	0.2	1.10E-06	0.17	NA
chr16	22018987	22020057	C16orf52	ENSG00000185716	66	0.42	0.25	1.10E-06	0.17	NA
chr16	66461071	66462213	BEAN1	ENSG00000166546	826	0.47	0.19	1.10E-06	0.27	NA
chr16	2389706	2392164	ABCA3	ENSG00000167972	-341	0.36	0.26	1.20E-06	0.1	NA
chr16	15068516	15069461	PDXDC1	ENSG00000179889	389	0.42	0.17	1.20E-06	0.25	NA

chr16	22448200	22449028	RP11-368J21.1	ENSG00000237296	285	0.4	0.16	1.20E-06	0.23	NA
chr16	2149842	2150523	PKD1	ENSG00000008710	505	0.94	0.37	1.30E-06	0.56	NA
chr16	30022651	30023007	DOC2A	ENSG00000149927	-428	0.5	0.18	1.30E-06	0.32	NA
chr16	29984664	29985459	TAOK2	ENSG00000149930	-161	0.38	0.14	1.50E-06	0.24	NA
chr16	576725	577927	SOLH	ENSG00000103326	-530	0.29	0.15	1.80E-06	0.14	NA
chr16	23846941	23848102	PRKCB	ENSG00000166501	199	0.34	0.19	2.20E-06	0.15	NA
chr16	68480864	68482822	SMPD3	ENSG00000103056	748	0.46	0.21	3.40E-06	0.26	NA
chr16	23193716	23194773	SCNN1G	ENSG00000166828	208	0.29	0.15	3.70E-06	0.14	NA
chr16	68269010	68272143	ESRP2	ENSG00000103067	-603	0.51	0.36	3.80E-06	0.15	NA
chr16	82044886	82045306	SDR42E1	ENSG00000184860	-26	0.75	0.35	3.80E-06	0.4	NA
chr16	84220196	84220779	TAF1C	ENSG00000103168	108	0.3	0.12	5.60E-06	0.18	NA
chr16	1979595	1980292	AL031723.2	ENSG00000220489	-1135	0.32	0.15	6.80E-06	0.17	NA
chr16	1478221	1478812	C16orf91	ENSG00000174109	829	0.89	0.59	7.40E-06	0.3	NA
chr16	30006578	30007874	INO80E	ENSG00000169592	195	0.37	0.15	1.10E-05	0.22	NA
chr16	56642129	56642595	MT2A	ENSG00000125148	251	0.52	0.28	1.20E-05	0.24	NA
chr16	86599355	86602649	MTHFSD	ENSG00000103248	-994	0.32	0.22	1.40E-05	0.1	NA
chr16	638545	640705	RAB40C	ENSG00000197562	268	0.24	0.16	1.50E-05	0.088	NA
chr16	56701863	56702208	MT1G	ENSG00000125144	-58	0.39	0.18	1.50E-05	0.22	NA
chr16	2835063	2835958	PRSS33	ENSG00000103355	1198	0.31	0.13	1.70E-05	0.17	NA
chr16	790626	791332	NARFL	ENSG00000103245	-45	0.4	0.15	1.80E-05	0.25	NA
chr16	85644947	85649027	KIAA0182	ENSG00000131149	1964	0.31	0.21	1.80E-05	0.1	NA
chr16	85171019	85171323	AC026469.1	ENSG00000248782	415	0.72	0.26	2.00E-05	0.47	NA
chr16	698826	700244	AL022341.3	ENSG00000228201	-335	0.33	0.22	2.10E-05	0.11	NA
chr16	73081590	73082565	ZFH3	ENSG00000140836	197	0.35	0.18	2.60E-05	0.16	NA
chr16	29911347	29912042	ASPHD1	ENSG00000174939	-6	0.36	0.14	3.10E-05	0.22	NA
chr16	28833904	28835873	ATXN2L	ENSG00000168488	568	0.29	0.19	3.50E-05	0.099	NA
chr16	29675845	29676120	QPRT	ENSG00000103485	1382	0.74	0.32	3.50E-05	0.41	NA
chr16	56623068	56623914	MT3	ENSG00000087250	307	0.38	0.13	4.70E-05	0.25	NA
chr16	68118564	68119986	NFATC3	ENSG00000072736	621	0.29	0.15	4.70E-05	0.15	NA
chr16	15149204	15150107	NTAN1	ENSG00000157045	266	0.3	0.15	4.90E-05	0.15	NA

chr16	28985881	28986661	SPNS1	ENSG00000169682	175	0.36	0.19	4.90E-05	0.17	NA
chr16	67595868	67597554	CTCF	ENSG00000102974	401	0.27	0.15	5.80E-05	0.12	NA
chr16	27560979	27561560	GTF3C1	ENSG00000077235	-18	0.31	0.14	6.10E-05	0.17	NA
chr16	58535040	58535596	NDRG4	ENSG00000103034	1271	0.52	0.19	6.80E-05	0.33	NA
chr16	88518729	88522514	ZFPM1	ENSG00000179588	896	0.33	0.21	7.20E-05	0.12	NA
chr16	3063679	3063981	CLDN9	ENSG00000213937	1373	0.35	0.94	7.30E-05	-0.6	NA
chr16	18937030	18938126	SMG1	ENSG00000157106	148	0.3	0.15	7.60E-05	0.14	NA
chr16	67280023	67283152	FHOD1	ENSG00000135723	-26	0.27	0.17	8.50E-05	0.1	NA
chr16	2153239	2153872	PKD1	ENSG00000008710	-23	1	0.6	8.80E-05	0.4	NA
chr16	87902454	87903460	SLC7A5	ENSG00000103257	168	0.48	0.28	9.60E-05	0.2	NA
chr16	68678686	68680149	CDH3	ENSG00000062038	678	0.3	0.17	0.00011	0.14	NA
chr16	52579636	52580845	TOX3	ENSG00000103460	566	0.34	0.2	0.00012	0.14	NA
chr16	14013751	14014295	ERCC4	ENSG00000175595	9	0.37	0.12	0.00013	0.25	NA
chr16	30933637	30935774	FBXL19	ENSG00000099364	313	0.32	0.19	0.00013	0.13	NA
chr16	31213566	31214287	PYCARD	ENSG00000103490	85	0.33	0.17	0.00013	0.16	NA
chr16	66583236	66584135	TK2	ENSG00000166548	16	0.4	0.23	0.00013	0.16	NA
chr16	15743759	15744423	NDE1	ENSG00000072864	7	0.31	0.16	0.00014	0.14	NA
chr16	284478	285395	ITFG3	ENSG00000167930	391	0.32	0.16	0.00018	0.17	NA
chr16	1411892	1412368	GNPTG	ENSG00000090581	1506	0.74	0.92	0.00018	-0.18	NA
chr16	4818667	4819033	ZNF500	ENSG00000103199	-1633	0.59	0.31	0.00018	0.28	NA
chr16	68771034	68772344	CDH1	ENSG00000039068	561	0.33	0.22	2.00E-04	0.11	NA
chr16	50099720	50100534	HEATR3	ENSG00000155393	230	0.24	0.13	0.00022	0.11	NA
chr16	53737617	53738235	RPGRIP1L	ENSG00000103494	-155	0.52	0.2	0.00022	0.33	NA
chr16	56665945	56666641	MT1M	ENSG00000205364	-241	0.36	0.19	0.00023	0.17	NA
chr16	84178000	84179223	HSDL1	ENSG00000103160	184	0.3	0.15	0.00023	0.15	NA
chr16	89626644	89627869	RPL13	ENSG00000167526	200	0.27	0.17	0.00023	0.1	NA
chr16	89767253	89768882	SPATA2L	ENSG00000158792	36	0.25	0.14	0.00023	0.11	NA
chr16	70284892	70285956	EXOSC6	ENSG00000223496	409	0.28	0.15	0.00026	0.13	NA
chr16	11348541	11350803	SOCS1	ENSG00000185338	364	0.28	0.19	0.00035	0.092	NA
chr16	50581475	50582735	NKD1	ENSG00000140807	-136	0.31	0.15	0.00036	0.15	NA

chr16	30537528	30538893	ZNF768	ENSG00000169957	-293	0.3	0.18	4.00E-04	0.12	NA
chr16	2848426	2849145	PRSS41	ENSG00000215148	299	0.85	0.72	0.00041	0.13	NA
chr16	81812710	81813707	PLCG2	ENSG00000197943	301	0.27	0.13	0.00041	0.14	NA
chr16	75298976	75300186	BCAR1	ENSG00000050820	-468	0.28	0.17	0.00042	0.12	NA
chr16	4524138	4524712	NMRAL1	ENSG00000153406	107	0.29	0.16	0.00043	0.12	NA
chr16	3450716	3451667	ZNF434	ENSG00000140987	-227	0.3	0.16	0.00048	0.14	NA
chr16	67514398	67515345	ATP6V0D1	ENSG00000159720	149	0.34	0.19	0.00048	0.15	NA
chr16	67678592	67679196	RLTPR	ENSG00000159753	-136	0.22	0.4	0.00055	-0.18	NA
chr16	2892579	2892810	PRSS30P	ENSG00000172460	-55	0.31	0.52	0.00063	-0.21	NA
chr16	1524520	1525534	CLCN7	ENSG00000103249	51	0.25	0.15	0.00064	0.098	NA
chr16	65154656	65157664	CDH11	ENSG00000140937	-233	0.33	0.23	0.00064	0.11	NA
chr16	67562575	67563390	FAM65A	ENSG00000039523	262	0.32	0.17	0.00064	0.15	NA
chr16	2129159	2129669	TSC2	ENSG00000103197	1174	0.79	0.93	0.00068	-0.14	NA
chr16	70507026	70507246	FUK	ENSG00000157353	-1392	0.41	0.14	0.00069	0.27	NA
chr16	1202414	1204624	CACNA1H	ENSG00000196557	278	0.26	0.36	0.00071	-0.1	NA
chr16	1831721	1833568	SPSB3	ENSG00000162032	-63	0.27	0.18	0.00072	0.088	NA
chr16	87425137	87426677	MAP1LC3B	ENSG00000140941	501	0.26	0.17	0.00081	0.095	NA
chr16	1020219	1021303	LMF1	ENSG00000103227	199	0.38	0.26	0.00084	0.12	NA
chr16	10479686	10480254	ATF7IP2	ENSG00000166669	58	0.38	0.21	0.00085	0.16	NA
chr16	89894307	89895145	SPIRE2	ENSG00000204991	-181	0.26	0.13	0.00098	0.13	NA
chr16	2059326	2060032	ZNF598	ENSG00000167962	84	0.39	0.16	0.001	0.23	NA
chr16	28565145	28565753	CCDC101	ENSG00000176476	202	0.29	0.14	0.001	0.15	NA
chr16	81348350	81349526	GAN	ENSG00000127688	363	0.48	0.22	0.001	0.27	NA
chr16	3284639	3285511	ZNF200	ENSG00000010539	100	0.28	0.14	0.0011	0.14	NA
chr16	67840275	67841106	RANBP10	ENSG00000141084	-230	0.38	0.19	0.0012	0.19	NA
chr16	711065	711414	WDR90	ENSG00000161996	174	0.71	0.3	0.0013	0.41	NA
chr16	3095600	3097033	MMP25	ENSG00000008516	-366	0.3	0.18	0.0014	0.12	NA
chr16	68572891	68573740	ZFP90	ENSG00000184939	-346	0.34	0.18	0.0014	0.17	NA
chr16	1358729	1360232	UBE2I	ENSG00000103275	316	0.33	0.22	0.0015	0.11	NA
chr16	71841923	71843101	AP1G1	ENSG00000166747	221	0.31	0.17	0.0015	0.14	NA

chr16	755037	756696	FBXL16	ENSG00000127585	-58	0.32	0.21	0.0016	0.11	NA
chr16	30772530	30774003	C16orf93	ENSG00000196118	-197	0.24	0.15	0.0016	0.081	NA
chr16	79632619	79635537	MAF	ENSG00000178573	533	0.31	0.22	0.0017	0.083	NA
chr16	83932382	83933411	MLYCD	ENSG00000103150	166	0.27	0.15	0.0017	0.12	NA
chr16	2478686	2479968	CCNF	ENSG00000162063	-93	0.32	0.21	0.0018	0.11	NA
chr16	21512854	21513971	CTD-2547E10.2	ENSG00000180747	-205	0.25	0.1	0.0018	0.14	NA
chr16	84733163	84734028	USP10	ENSG00000103194	40	0.31	0.17	0.0022	0.14	NA
chr16	6068914	6070401	RBFOX1	ENSG00000078328	562	0.27	0.17	0.0024	0.093	NA
chr16	15187935	15188329	RRN3	ENSG00000085721	-26	0.29	0.1	0.0024	0.2	NA
chr16	58549027	58550016	SETD6	ENSG00000103037	138	0.42	0.19	0.0024	0.24	NA
chr16	2255168	2255828	MLST8	ENSG00000167965	260	0.32	0.17	0.0025	0.15	NA
chr16	68013967	68014545	DPEP3	ENSG00000141096	457	0.82	0.68	0.0025	0.14	NA
chr16	31469982	31471302	ARMC5	ENSG00000140691	374	0.22	0.34	0.0026	-0.12	NA
chr16	58059380	58061477	MMP15	ENSG00000102996	958	0.26	0.17	0.0026	0.088	NA
chr16	84001805	84002011	NECAB2	ENSG00000103154	-323	0.5	0.11	0.0027	0.39	NA
chr16	420489	420736	MRPL28	ENSG00000086504	-110	0.31	0.09	0.0029	0.22	NA
chr16	48418902	48419901	SIAH1	ENSG00000196470	-40	0.27	0.15	0.0035	0.12	NA
chr16	69599437	69600736	MIR1538	ENSG00000223109	-315	0.28	0.17	0.0035	0.11	NA
chr16	1967799	1968970	HS3ST6	ENSG00000162040	-153	0.31	0.2	0.0036	0.11	NA
chr16	30134220	30134488	MAPK3	ENSG00000102882	-65	0.15	0.3	0.0041	-0.15	NA
chr16	75466850	75467527	CFDP1	ENSG00000153774	195	0.29	0.13	0.0043	0.16	NA
chr16	56225255	56226351	GNAO1	ENSG00000087258	501	0.27	0.17	0.0044	0.1	NA
chr16	46655002	46655374	SHCBP1	ENSG00000171241	350	0.32	0.18	0.0045	0.14	NA
chr16	330060	330994	ARHGDI8	ENSG00000242173	77	0.3	0.14	0.0046	0.15	NA
chr16	24550618	24551723	RBBP6	ENSG00000122257	262	0.31	0.2	0.005	0.11	NA
chr16	12994574	12997690	SHISA9	ENSG00000237515	677	0.25	0.19	0.0051	0.065	NA
chr16	58662975	58664048	CNOT1	ENSG00000125107	237	0.3	0.18	0.0052	0.12	NA
chr16	1029878	1035327	AC009041.2	ENSG00000223796	-1330	0.45	0.4	0.0053	0.05	NA
chr16	46917849	46918957	GPT2	ENSG00000166123	113	0.28	0.16	0.0053	0.12	NA
chr16	85783862	85785131	C16orf74	ENSG00000154102	193	0.39	0.25	0.0053	0.14	NA

chr16	23313239	23313946	SCNN1B	ENSG00000168447	1	0.32	0.19	0.0054	0.13	NA
chr16	75656905	75657360	ADAT1	ENSG00000065457	47	0.4	0.26	0.0054	0.15	NA
chr16	77224168	77225143	MON1B	ENSG00000103111	-164	0.33	0.23	0.0055	0.11	NA
chr16	67193546	67194039	TRADD	ENSG00000102871	-3	0.35	0.18	0.0058	0.17	NA
chr16	11038164	11038763	CLEC16A	ENSG00000038532	118	0.22	0.13	0.0065	0.089	NA
chr16	89939432	89940812	TCF25	ENSG00000141002	152	0.32	0.22	0.0065	0.099	NA
chr16	4986167	4987533	PPL	ENSG00000118898	286	0.26	0.16	0.0067	0.092	NA
chr16	57496476	57497038	POLR2C	ENSG00000102978	458	0.28	0.13	0.0067	0.15	NA
chr16	58497033	58498595	NDRG4	ENSG00000103034	208	0.25	0.17	0.0067	0.085	NA
chr16	69760293	69760506	NQO1	ENSG00000181019	50	0.31	0.14	0.0069	0.16	NA
chr16	29823163	29823906	AC009133.1	ENSG00000238045	-175	0.26	0.15	0.007	0.1	NA
chr16	2033492	2034800	GFER	ENSG00000127554	-4	0.27	0.18	0.0071	0.086	NA
chr16	88772237	88773195	RNF166	ENSG00000158717	84	0.3	0.2	0.0072	0.1	NA
chr16	10673880	10674735	EMP2	ENSG00000213853	182	0.28	0.19	0.0079	0.093	NA
chr16	18812387	18813399	ARL6IP1	ENSG00000170540	-201	0.28	0.14	0.008	0.13	NA
chr16	68001916	68002462	SLC12A4	ENSG00000124067	336	0.38	0.2	0.0081	0.18	NA
chr16	2826761	2827795	TCEB2	ENSG00000103363	-150	0.25	0.16	0.0083	0.088	NA
chr16	30621000	30621826	ZNF689	ENSG00000156853	282	0.19	0.11	0.0086	0.072	NA
chr16	71323115	71323514	FTSJD1	ENSG00000180917	195	0.35	0.21	0.0087	0.14	NA
chr16	75284680	75285821	BCAR1	ENSG00000050820	257	0.32	0.21	0.0089	0.11	NA
chr16	6533019	6533983	RBFOX1	ENSG00000078328	321	0.41	0.21	0.0093	0.21	NA
chr16	55357521	55359040	IRX6	ENSG00000159387	-191	0.26	0.17	0.0099	0.082	NA
chr16	2198455	2199129	RAB26	ENSG00000167964	167	0.3	0.16	0.01	0.13	NA
chr16	4896606	4898243	GLYR1	ENSG00000140632	-142	0.23	0.17	0.011	0.063	NA
chr16	19729194	19729896	C16orf88	ENSG00000103550	-53	0.29	0.17	0.011	0.13	NA
chr16	86612188	86613821	FOXL1	ENSG00000176678	889	0.35	0.27	0.011	0.079	NA
chr16	1363813	1364496	UBE2I	ENSG00000103275	158	0.89	0.66	0.012	0.23	NA
chr16	19079070	19079388	COQ7	ENSG00000167186	-10	0.25	0.13	0.012	0.12	NA
chr16	3766977	3767935	TRAP1	ENSG00000126602	58	0.28	0.16	0.013	0.13	NA
chr16	66729825	66731262	CMTM4	ENSG00000183723	67	0.31	0.23	0.013	0.082	NA

chr16	82660651	82661813	CDH13	ENSG00000140945	569	0.32	0.19	0.013	0.13	NA
chr16	87799123	87799747	KLHDC4	ENSG00000104731	163	0.28	0.17	0.013	0.11	NA
chr16	701828	702037	WDR90	ENSG00000161996	-190	0.85	0.94	0.014	-0.088	NA
chr16	1583809	1584641	TMEM204	ENSG00000131634	-6	0.84	0.91	0.014	-0.074	NA
chr16	3550773	3551274	CLUAP1	ENSG00000103351	60	0.27	0.17	0.014	0.099	NA
chr16	30709274	30710364	SRCAP	ENSG00000080603	289	0.31	0.51	0.014	-0.2	NA
chr16	77468309	77469074	ADAMTS18	ENSG00000140873	240	0.22	0.12	0.014	0.1	NA
chr16	57480995	57481666	COQ9	ENSG00000088682	-72	0.44	0.28	0.015	0.16	NA
chr16	57569848	57570844	CCDC102A	ENSG00000135736	165	0.33	0.22	0.015	0.11	NA
chr16	84538884	84539115	KIAA1609	ENSG00000140950	-703	0.49	0.3	0.015	0.19	NA
chr16	1537699	1537927	PTX4	ENSG00000251692	655	0.76	0.88	0.016	-0.12	NA
chr16	28073817	28075296	GSG1L	ENSG00000169181	274	0.26	0.34	0.016	-0.084	NA
chr16	29801696	29802545	KIF22	ENSG00000079616	79	0.23	0.14	0.016	0.088	NA
chr16	451474	452132	DECR2	ENSG00000242612	-23	0.3	0.17	0.017	0.13	NA
chr16	56484865	56485774	NUDT21	ENSG00000167005	-73	0.24	0.14	0.017	0.1	NA
chr16	57219486	57220583	FAM192A	ENSG00000172775	-58	0.3	0.18	0.017	0.11	NA
chr16	66968029	66968924	FAM96B	ENSG00000166595	-156	0.28	0.18	0.017	0.1	NA
chr16	77822375	77823134	VAT1L	ENSG00000171724	271	0.33	0.19	0.017	0.14	NA
chr16	74330533	74331314	PSMD7	ENSG00000103035	250	0.29	0.14	0.019	0.14	NA
chr16	81069532	81070163	ATMIN	ENSG00000166454	389	0.29	0.16	0.019	0.13	NA
chr16	609772	611178	C16orf11	ENSG00000161992	53	0.22	0.15	0.02	0.074	NA
chr16	4400955	4401572	PAM16	ENSG00000217930	110	0.28	0.17	0.022	0.11	NA
chr16	71928861	71929953	KIAA0174	ENSG00000182149	255	0.26	0.17	0.022	0.095	NA
chr16	30669107	30671155	FBR3	ENSG00000156860	-158	0.29	0.22	0.023	0.073	NA
chr16	691597	692700	AL022341.1	ENSG00000197727	-460	0.28	0.19	0.023	0.087	NA
chr16	31159576	31160009	PRSS36	ENSG00000178226	1595	0.22	0.33	0.023	-0.11	NA
chr16	69139628	69141900	HAS3	ENSG00000103044	604	0.26	0.19	0.023	0.069	NA
chr16	71756949	71758166	PHLPP2	ENSG00000040199	158	0.22	0.15	0.023	0.071	NA
chr16	619805	620195	PIGQ	ENSG00000007541	53	0.25	0.15	0.024	0.1	NA
chr16	11035496	11036696	DEXI	ENSG00000182108	-108	0.25	0.17	0.025	0.079	NA

chr16	28375790	28376407	RP11-57A19.3	ENSG00000198156	-1269	0.2	0.67	0.025	-0.47	NA
chr16	87416583	87418238	FBXO31	ENSG00000103264	-16	0.36	0.25	0.025	0.12	NA
chr16	72042347	72042888	DHODH	ENSG00000102967	-26	0.24	0.15	0.028	0.09	NA
chr16	2569559	2571071	AMDHD2	ENSG00000162066	-48	0.34	0.26	0.029	0.082	NA
chr16	23765969	23766869	AC130454.2	ENSG00000166869	471	0.32	0.23	0.029	0.092	NA
chr16	2165378	2165620	PKD1	ENSG00000008710	-1374	0.88	0.55	0.03	0.33	NA
chr16	24740666	24741802	TNRC6A	ENSG00000090905	218	0.27	0.18	0.03	0.091	NA
chr16	21610692	21611694	AC005632.1	ENSG00000245927	-487	0.3	0.22	0.031	0.086	NA
chr16	103424	104190	POLR3K	ENSG00000161980	-179	0.3	0.2	0.032	0.11	NA
chr16	68027074	68027396	DPEP2	ENSG00000167261	-120	0.52	0.26	0.032	0.26	NA
chr16	74700305	74701005	RFWD3	ENSG00000168411	124	0.21	0.36	0.032	-0.15	NA
chr16	76668835	76669152	AC108125.1	ENSG00000250514	98	0.97	0.87	0.032	0.1	NA
chr16	89988830	89989746	TUBB3	ENSG00000198211	-399	0.26	0.16	0.032	0.092	NA
chr16	717931	719064	RHOT2	ENSG00000140983	411	0.25	0.17	0.033	0.07	NA
chr16	29262896	29263126	RUNDC2C	ENSG00000198106	182	0.14	1	0.034	-0.86	NA
chr16	85722209	85722941	GINS2	ENSG00000131153	30	0.38	0.24	0.035	0.14	NA
chr16	18487934	18488547	RP11-1212A22.1	ENSG00000205746	156	0.91	0.65	0.036	0.27	NA
chr16	764748	765994	METR1	ENSG00000103260	209	0.24	0.17	0.037	0.077	NA
chr16	11836073	11837092	TXNDC11	ENSG00000153066	66	0.21	0.15	0.04	0.055	NA
chr16	24267040	24267527	CACNG3	ENSG00000006116	409	0.26	0.13	0.04	0.13	NA
chr16	52581293	52581610	TOX3	ENSG00000103460	263	0.39	0.22	0.042	0.16	NA
chr16	89723192	89724636	CHMP1A	ENSG00000131165	99	0.25	0.18	0.042	0.073	NA
chr16	740007	740578	WDR24	ENSG00000127580	108	0.28	0.18	0.043	0.098	NA
chr16	25078047	25078532	AC133552.1	ENSG00000245776	31	0.34	0.2	0.043	0.14	NA
chr16	67183208	67184968	B3GNT9	ENSG00000237172	300	0.47	0.41	0.043	0.06	NA
chr16	57278758	57279377	ARL2BP	ENSG00000102931	57	0.35	0.26	0.044	0.098	NA
chr16	843069	843391	CHTF18	ENSG00000127586	706	0.98	0.9	0.045	0.08	NA
chr16	2765619	2765855	PRSS27	ENSG00000172382	-171	0.64	0.9	0.046	-0.26	NA
chr16	86541430	86545228	AC009108.1	ENSG00000246979	-888	0.27	0.22	0.047	0.047	NA
chr16	2301157	2301969	ECI1	ENSG00000167969	52	0.3	0.2	0.049	0.093	NA

chr16	226173	227254	HBA1	ENSG00000206172	34	1	0.17	0.051	0.83	NA
chr16	85832420	85833842	COX4NB	ENSG00000131148	15	0.23	0.17	0.052	0.057	NA
chr16	66864407	66864991	NAE1	ENSG00000159593	180	0.24	0.38	0.053	-0.14	NA
chr16	30582736	30583833	AC002310.7	ENSG00000239791	-287	0.28	0.15	0.056	0.13	NA
chr16	47006827	47008029	DNAJA2	ENSG00000069345	197	0.28	0.19	0.057	0.09	NA
chr16	21831482	21831944	RRN3P2	ENSG00000248124	-8	0.33	1	0.058	-0.67	NA
chr16	57023190	57023768	NLRC5	ENSG00000140853	82	0.34	0.22	0.059	0.12	NA
chr16	2771081	2771365	PRSS27	ENSG00000172382	-1007	0.75	0.22	0.061	0.53	NA
chr16	5147250	5148840	FAM86A	ENSG00000118894	-256	0.19	0.29	0.061	-0.098	NA
chr16	89555775	89557753	ANKRD11	ENSG00000167522	-38	0.28	0.21	0.061	0.064	NA
chr16	90038530	90039583	CENPBD1	ENSG00000177946	-114	0.24	0.16	0.062	0.079	NA
chr16	11762563	11763246	SNN	ENSG00000184602	634	0.2	0.28	0.063	-0.08	NA
chr16	69220880	69222107	SNTB2	ENSG00000168807	461	0.25	0.17	0.063	0.084	NA
chr16	75563113	75564112	CHST5	ENSG00000135702	1926	0.99	0.96	0.063	0.033	NA
chr16	832827	833042	MSLNL	ENSG00000162006	-8	0.33	0.53	0.064	-0.2	NA
chr16	20817500	20818514	AC004381.6	ENSG00000005189	240	0.35	0.24	0.064	0.11	NA
chr16	75497828	75498780	TMEM170A	ENSG00000166822	280	0.32	0.19	0.066	0.13	NA
chr16	88788033	88789440	FAM38A	ENSG00000103335	-1584	0.9	0.95	0.066	-0.045	NA
chr16	8768256	8768619	ABAT	ENSG00000183044	15	0.23	0.15	0.067	0.079	NA
chr16	5083244	5084032	NAGPA	ENSG00000103174	297	0.22	0.14	0.07	0.074	NA
chr16	8891322	8891928	TMEM186	ENSG00000184857	-120	0.16	0.23	0.07	-0.074	NA
chr16	49314037	49316543	CBLN1	ENSG00000102924	183	0.23	0.19	0.07	0.042	NA
chr16	2770137	2770500	PRSS27	ENSG00000172382	-102	0.94	0.79	0.071	0.14	NA
chr16	30087236	30087842	PPP4C	ENSG00000149923	228	0.36	0.24	0.071	0.13	NA
chr16	4587836	4588890	C16orf5	ENSG00000089486	453	0.28	0.21	0.072	0.065	NA
chr16	50775625	50776629	CYLD	ENSG00000083799	166	0.36	0.25	0.072	0.12	NA
chr16	67204208	67204637	NOL3	ENSG00000140939	17	0.26	0.4	0.072	-0.14	NA
chr16	68676450	68676843	CDH3	ENSG00000062038	-1505	0.3	0.21	0.072	0.096	NA
chr16	89882392	89883458	FANCA	ENSG00000187741	138	0.3	0.22	0.072	0.084	NA
chr16	2069718	2070865	NPW	ENSG00000183971	770	0.25	0.17	0.073	0.088	NA

chr16	29816247	29817272	MAZ	ENSG00000103495	-668	0.15	0.28	0.075	-0.13	NA
chr16	46864453	46865561	C16orf87	ENSG00000155330	67	0.23	0.14	0.075	0.083	NA
chr16	278838	279495	LUC7L	ENSG00000007392	-177	0.27	0.17	0.078	0.098	NA
chr16	850227	850806	GNG13	ENSG00000127588	208	0.3	0.21	0.078	0.094	NA
chr16	53536501	53537685	AKTIP	ENSG00000166971	70	0.25	0.19	0.079	0.063	NA
chr16	89641053	89643415	CPNE7	ENSG00000178773	59	0.32	0.28	0.079	0.045	NA
chr16	30381077	30381952	TBC1D10B	ENSG00000169221	71	0.22	0.13	0.081	0.086	NA
chr16	75182243	75182846	ZFP1	ENSG00000184517	123	0.15	0.27	0.082	-0.13	NA
chr16	85061182	85061802	KIAA0513	ENSG00000135709	117	0.3	0.22	0.083	0.084	NA
chr16	633867	634143	PIGQ	ENSG00000007541	1515	0.44	0.56	0.085	-0.12	NA
chr16	81478214	81479350	AC092135.1	ENSG00000153815	7	0.23	0.16	0.086	0.075	NA
chr16	460245	460778	DECR2	ENSG00000242612	399	0.92	0.96	0.088	-0.041	NA
chr16	31225956	31228264	PYDC1	ENSG00000169900	1304	0.25	0.17	0.09	0.077	NA
chr16	55513220	55513526	MMP2	ENSG00000087245	490	0.31	0.13	0.096	0.18	NA
chr16	4321258	4321505	TFAP4	ENSG00000090447	1620	0.3	0.13	0.097	0.17	NA
chr16	1992668	1993646	SEPX1	ENSG00000198736	-33	0.27	0.2	0.098	0.067	NA
chr16	89167116	89167482	ACSF3	ENSG00000176715	221	0.87	0.94	0.098	-0.073	NA
chr16	30107511	30107875	YPEL3	ENSG00000090238	-172	0.25	0.15	0.099	0.1	NA
chr16	81129361	81130218	GCSH	ENSG00000140905	219	0.38	0.21	0.099	0.17	NA
chr16	1706695	1706941	CRAMP1L	ENSG00000007545	905	0.9	0.74	0.1	0.16	NA
chr16	27214772	27215678	JMJD5	ENSG00000155666	418	0.24	0.18	0.1	0.056	NA
chr16	67208067	67208678	NOL3	ENSG00000140939	502	0.28	0.19	0.1	0.083	NA
chr16	67312896	67313731	PLEKHG4	ENSG00000196155	263	0.26	0.19	0.1	0.078	NA
chr16	69363597	69364835	COG8	ENSG00000213380	282	0.22	0.16	0.1	0.055	NA
chr16	75681264	75682579	KARS	ENSG00000065427	-358	0.24	0.19	0.1	0.049	NA
chr16	88706211	88706492	IL17C	ENSG00000124391	1350	0.4	0.57	0.1	-0.17	NA
chr16	1463762	1464716	UNKL	ENSG00000059145	453	0.18	0.24	0.11	-0.065	NA
chr16	27279886	27280243	NSMCE1	ENSG00000169189	32	0.22	0.11	0.11	0.1	NA
chr16	28857204	28858139	TUFM	ENSG00000178952	58	0.21	0.3	0.11	-0.089	NA
chr16	31483276	31483646	TGFB11	ENSG00000140682	67	0.32	0.18	0.11	0.14	NA

chr16	56965734	56966476	HERPUD1	ENSG00000051108	357	0.22	0.14	0.11	0.082	NA
chr16	68344306	68345246	SLC7A6OS	ENSG00000103061	72	0.33	0.24	0.11	0.095	NA
chr16	84681760	84682732	KLHL36	ENSG00000135686	139	0.25	0.17	0.11	0.078	NA
chr16	1727939	1728858	HN1L	ENSG00000206053	141	0.3	0.19	0.12	0.11	NA
chr16	11680008	11681275	LITAF	ENSG00000189067	-412	0.26	0.21	0.12	0.058	NA
chr16	30418557	30419272	ZNF771	ENSG00000179965	179	0.17	0.23	0.12	-0.056	NA
chr16	31724651	31725071	ZNF720	ENSG00000197302	234	0.22	0.15	0.12	0.075	NA
chr16	67188613	67189652	TRADD	ENSG00000102871	1020	0.39	0.33	0.12	0.068	NA
chr16	69458264	69458626	CYB5B	ENSG00000103018	17	0.26	0.16	0.12	0.1	NA
chr16	85644089	85644323	KIAA0182	ENSG00000131149	-817	0.5	0.15	0.12	0.35	NA
chr16	88752520	88753278	SNAI3	ENSG00000185669	-17	0.28	0.15	0.12	0.13	NA
chr16	88922671	88923976	GALNS	ENSG00000141012	-38	0.35	0.23	0.12	0.12	NA
chr16	2273219	2274081	E4F1	ENSG00000167967	83	0.23	0.17	0.13	0.06	NA
chr16	3013016	3013228	KREMEN2	ENSG00000131650	-1038	0.19	0.4	0.13	-0.21	NA
chr16	4743043	4744231	NUDT16L1	ENSG00000168101	-58	0.3	0.24	0.13	0.057	NA
chr16	30102816	30103695	TBX6	ENSG00000149922	-50	0.19	0.14	0.13	0.046	NA
chr16	46722564	46724107	VPS35	ENSG00000069329	-245	0.32	0.23	0.13	0.091	NA
chr16	70488358	70488814	FUK	ENSG00000157353	88	0.24	0.16	0.13	0.072	NA
chr16	30406290	30407290	ZNF48	ENSG00000180035	357	0.26	0.2	0.14	0.06	NA
chr16	67752849	67753446	GFOD2	ENSG00000141098	177	0.35	0.23	0.14	0.11	NA
chr16	88877712	88878936	APRT	ENSG00000198931	18	0.37	0.26	0.14	0.11	NA
chr16	30661983	30663253	PRR14	ENSG00000156858	395	0.25	0.3	0.15	-0.056	NA
chr16	34256748	34257750	AC135776.1	ENSG00000179755	742	0.79	0.73	0.15	0.055	NA
chr16	47176787	47178446	NETO2	ENSG00000171208	292	0.21	0.18	0.15	0.034	NA
chr16	1827104	1827405	SPSB3	ENSG00000162032	988	0.67	0.77	0.16	-0.11	NA
chr16	2961641	2962532	FLYWCH1	ENSG00000059122	106	0.29	0.2	0.16	0.089	NA
chr16	11369939	11370221	PRM2	ENSG00000122304	257	0.91	0.97	0.16	-0.066	NA
chr16	20084707	20085305	GPR139	ENSG00000180269	83	0.38	0.26	0.16	0.13	NA
chr16	20752646	20753280	THUMPD1	ENSG00000066654	236	0.31	0.21	0.16	0.097	NA
chr16	31438891	31439682	COX6A2	ENSG00000156885	445	0.2	0.3	0.16	-0.11	NA

chr16	57768817	57769100	KATNB1	ENSG00000140854	-684	0.33	0.18	0.16	0.14	NA
chr16	58767447	58768328	GOT2	ENSG00000125166	297	0.31	0.24	0.16	0.07	NA
chr16	66835271	66835790	CCDC79	ENSG00000177461	-7	0.99	0.92	0.16	0.064	NA
chr16	66958733	66959655	RRAD	ENSG00000166592	245	0.2	0.27	0.16	-0.063	NA
chr16	67700009	67701354	C16orf48	ENSG00000124074	-14	0.24	0.2	0.16	0.041	NA
chr16	89786837	89789089	ZNF276	ENSG00000158805	570	0.23	0.2	0.16	0.032	NA
chr16	21289419	21289819	CRYM	ENSG00000103316	22	0.3	0.21	0.17	0.088	NA
chr16	28223083	28223638	XPO6	ENSG00000169180	-170	0.35	0.24	0.17	0.11	NA
chr16	30064200	30064678	ALDOA	ENSG00000149925	-5	0.17	0.27	0.17	-0.091	NA
chr16	33964362	33966423	5_8S_rRNA	ENSG00000200434	-34	0.53	0.51	0.17	0.017	NA
chr16	56677120	56677598	MT1DP	ENSG00000205361	-240	0.41	0.31	0.17	0.099	NA
chr16	58426183	58426865	GINS3	ENSG00000181938	226	0.21	0.15	0.17	0.057	NA
chr16	80574741	80575090	DYNLRB2	ENSG00000168589	61	0.22	0.37	0.17	-0.15	NA
chr16	2653221	2653847	AC141586.5	ENSG00000215154	183	0.17	0.28	0.18	-0.11	NA
chr16	30535841	30536536	ZNF768	ENSG00000169957	1729	0.98	0.93	0.18	0.049	NA
chr16	30968425	30969815	SETD1A	ENSG00000099381	505	0.2	0.17	0.18	0.035	NA
chr16	4465874	4466889	CORO7	ENSG00000103426	-483	0.2	0.24	0.19	-0.043	NA
chr16	10972782	10973305	CIITA	ENSG00000179583	1855	0.25	0.19	0.19	0.056	NA
chr16	28502813	28503491	CLN3	ENSG00000188603	30	0.24	0.31	0.19	-0.066	NA
chr16	33961237	33962487	AC136932.1	ENSG00000207986	210	0.61	0.58	0.19	0.027	NA
chr16	67926918	67927696	PSKH1	ENSG00000159792	132	0.14	0.21	0.19	-0.061	NA
chr16	214343	216720	HBM	ENSG00000206177	1050	0.4	0.3	0.2	0.11	NA
chr16	20911566	20912616	DCUN1D3	ENSG00000188215	-385	0.25	0.19	0.2	0.064	NA
chr16	50583175	50583465	NKD1	ENSG00000140807	1079	0.46	0.24	0.2	0.23	NA
chr16	53088716	53089279	CHD9	ENSG00000177200	52	0.27	0.37	0.2	-0.098	NA
chr16	70380639	70380999	DDX19A	ENSG00000168872	87	0.19	0.12	0.2	0.068	NA
chr16	70557089	70557486	COG4	ENSG00000103051	-184	0.15	0.4	0.2	-0.25	NA
chr16	87738617	87738851	AC010536.1	ENSG00000205047	556	0.5	0.13	0.2	0.37	NA
chr16	1921897	1922426	C16orf73	ENSG00000162039	-65	0.25	0.16	0.21	0.09	NA
chr16	30441095	30441675	DCTPP1	ENSG00000179958	11	0.22	0.15	0.21	0.074	NA

chr16	1493499	1493773	CCDC154	ENSG00000197599	854	0.5	0.71	0.22	-0.21	NA
chr16	11761859	11762127	SNN	ENSG00000184602	-277	0.29	0.49	0.22	-0.2	NA
chr16	14723602	14724048	PARN	ENSG00000140694	250	0.27	0.19	0.22	0.074	NA
chr16	28634440	28635031	SULT1A1	ENSG00000196502	139	0.17	0.21	0.22	-0.039	NA
chr16	4674706	4675453	MGRN1	ENSG00000102858	253	0.21	0.24	0.23	-0.039	NA
chr16	56553529	56554075	BBS2	ENSG00000125124	206	0.31	0.21	0.23	0.096	NA
chr16	682634	687106	C16orf13	ENSG00000249124	853	0.7	0.66	0.24	0.032	NA
chr16	2021739	2022590	TBL3	ENSG00000183751	126	0.29	0.24	0.24	0.051	NA
chr16	23463990	23464629	COG7	ENSG00000168434	192	0.24	0.18	0.24	0.063	NA
chr16	30545524	30546513	ZNF747	ENSG00000169955	155	0.28	0.23	0.24	0.05	NA
chr16	73091514	73092395	ZFH3	ENSG00000140836	580	0.43	0.25	0.24	0.18	NA
chr16	89225687	89226195	NCRNA00304	ENSG00000180422	313	0.56	1	0.24	-0.44	NA
chr16	1705866	1706244	CRAMP1L	ENSG00000007545	142	0.9	0.94	0.25	-0.041	NA
chr16	14395604	14397075	MIR193B	ENSG00000207639	-1485	0.21	0.27	0.25	-0.054	NA
chr16	23568398	23569488	UBFD1	ENSG00000103353	260	0.2	0.28	0.25	-0.076	NA
chr16	28936053	28937036	RABEP2	ENSG00000177548	-27	0.26	0.22	0.25	0.045	NA
chr16	29605964	29606945	AC009086.1	ENSG00000205534	-59	0.19	0.12	0.25	0.071	NA
chr16	72127129	72127341	TXNL4B	ENSG00000140830	315	0.41	0.25	0.25	0.16	NA
chr16	9058063	9058265	USP7	ENSG00000187555	-823	0.33	0.47	0.26	-0.15	NA
chr16	29937038	29937761	KCTD13	ENSG00000174943	150	0.22	0.28	0.26	-0.066	NA
chr16	30759403	30760320	PHKG2	ENSG00000156873	270	0.23	0.18	0.26	0.042	NA
chr16	595847	596197	SOLH	ENSG00000103326	-817	0.89	0.94	0.27	-0.053	NA
chr16	2509816	2510482	C16orf59	ENSG00000162062	62	0.2	0.15	0.27	0.045	NA
chr16	67564058	67564332	FAM65A	ENSG00000039523	565	0.31	0.14	0.27	0.17	NA
chr16	81110485	81111243	C16orf46	ENSG00000166455	-60	0.29	0.22	0.27	0.067	NA
chr16	89650417	89650697	CPNE7	ENSG00000178773	-672	0.89	0.95	0.27	-0.056	NA
chr16	4852117	4853176	ROGDI	ENSG00000067836	305	0.32	0.27	0.28	0.053	NA
chr16	16451347	16451960	RP11-958N24.2	ENSG00000227827	1572	0.89	0.78	0.28	0.11	NA
chr16	30959765	30960865	ORAI3	ENSG00000175938	-72	0.27	0.23	0.28	0.041	NA
chr16	67143282	67143827	C16orf70	ENSG00000125149	-361	0.39	0.22	0.28	0.17	NA

chr16	88781806	88782517	FAM38A	ENSG00000103335	459	0.88	0.92	0.28	-0.037	NA
chr16	2097465	2098365	TSC2	ENSG00000103197	449	0.28	0.21	0.29	0.065	NA
chr16	3086283	3086968	CCDC64B	ENSG00000162069	-1083	0.29	0.23	0.29	0.06	NA
chr16	28874665	28875558	SH2B1	ENSG00000178188	231	0.26	0.19	0.29	0.069	NA
chr16	1535925	1536576	AL031705.2	ENSG00000167957	330	0.83	0.87	0.3	-0.042	NA
chr16	1876113	1877633	HAGH	ENSG00000063854	-38	0.19	0.16	0.3	0.03	NA
chr16	2867245	2868002	PRSS21	ENSG00000007038	395	0.68	0.79	0.3	-0.11	NA
chr16	3070095	3071305	TNFRSF12A	ENSG00000006327	387	0.23	0.19	0.3	0.041	NA
chr16	4366358	4366982	GLIS2	ENSG00000126603	1908	0.25	0.19	0.3	0.054	NA
chr16	29873918	29874516	CDIPT	ENSG00000103502	131	0.19	0.24	0.3	-0.049	NA
chr16	30389035	30390631	ZNF48	ENSG00000180035	406	0.34	0.3	0.3	0.044	NA
chr16	66785040	66785875	DYNC1LI2	ENSG00000135720	40	0.26	0.2	0.3	0.059	NA
chr16	84149912	84151110	MBTPS1	ENSG00000140943	37	0.21	0.18	0.3	0.031	NA
chr16	427415	427832	TMEM8A	ENSG00000129925	-1148	0.84	0.79	0.31	0.053	NA
chr16	1820311	1823954	NME3	ENSG00000103024	-422	0.25	0.23	0.31	0.027	NA
chr16	4783862	4785010	ANKS3	ENSG00000168096	-273	0.27	0.23	0.32	0.041	NA
chr16	9057644	9057886	USP7	ENSG00000187555	-424	0.29	0.21	0.32	0.081	NA
chr16	29826662	29828302	C16orf53	ENSG00000185928	197	0.21	0.17	0.32	0.042	NA
chr16	67693451	67695560	ACD	ENSG00000102977	141	0.23	0.2	0.32	0.029	NA
chr16	1401334	1402348	C16orf42	ENSG00000007520	71	0.24	0.19	0.33	0.047	NA
chr16	3313946	3314789	ZNF263	ENSG00000006194	567	0.24	0.2	0.33	0.041	NA
chr16	9184146	9186689	C16orf72	ENSG00000182831	-58	0.24	0.21	0.33	0.029	NA
chr16	30456730	30457071	SEPHS2	ENSG00000179918	148	0.18	0.14	0.33	0.038	NA
chr16	31072988	31073606	AC135050.1	ENSG00000232748	484	0.98	0.97	0.33	0.016	NA
chr16	31190820	31192225	FUS	ENSG00000089280	77	0.39	0.29	0.33	0.096	NA
chr16	68877358	68877817	TMCO7	ENSG00000103047	78	0.33	0.1	0.33	0.23	NA
chr16	84002269	84002860	NECAB2	ENSG00000103154	333	0.32	0.26	0.33	0.059	NA
chr16	89237944	89238331	CDH15	ENSG00000129910	-38	0.22	0.13	0.33	0.095	NA
chr16	419860	420256	MRPL28	ENSG00000086504	167	0.36	0.17	0.34	0.18	NA
chr16	2009496	2009919	NDUFB10	ENSG00000140990	188	0.23	0.18	0.34	0.053	NA

chr16	23521573	23521899	GGA2	ENSG00000103365	79	0.25	0.37	0.34	-0.12	NA
chr16	67571252	67572728	FAM65A	ENSG00000039523	556	0.26	0.22	0.34	0.036	NA
chr16	75018396	75019245	WDR59	ENSG00000103091	-96	0.26	0.17	0.34	0.097	NA
chr16	87636506	87637284	JPH3	ENSG00000154118	384	0.22	0.26	0.34	-0.044	NA
chr16	48643589	48643860	N4BP1	ENSG00000102921	396	0.22	0.28	0.35	-0.062	NA
chr16	56703387	56703648	MT1H	ENSG00000205358	-209	0.58	0.45	0.35	0.13	NA
chr16	18995156	18995577	TMC7	ENSG00000170537	92	0.24	0.15	0.36	0.092	NA
chr16	19421816	19422498	TMC5	ENSG00000103534	296	0.17	0.21	0.36	-0.041	NA
chr16	23607250	23607846	NDUFAB1	ENSG00000004779	76	0.19	0.16	0.36	0.038	NA
chr16	74734152	74734572	MLKL	ENSG00000168404	427	0.33	0.17	0.36	0.16	NA
chr16	188614	188904	NPRL3	ENSG00000103148	-94	0.16	0.29	0.37	-0.13	NA
chr16	50058867	50059423	TMEM188	ENSG00000205423	-7	0.25	0.19	0.37	0.059	NA
chr16	77756416	77756681	NUDT7	ENSG00000140876	68	0.18	0.24	0.37	-0.06	NA
chr16	3192181	3192669	AC108134.2	ENSG00000228146	-1819	0.97	0.94	0.38	0.032	NA
chr16	18801251	18801866	RPS15A	ENSG00000134419	98	0.28	0.23	0.38	0.045	NA
chr16	22217299	22218090	EEF2K	ENSG00000103319	78	0.21	0.17	0.38	0.037	NA
chr16	31711839	31712343	KIAA0664L3	ENSG00000131797	180	0.22	0.18	0.38	0.038	NA
chr16	58162754	58163682	C16orf80	ENSG00000070761	107	0.33	0.41	0.38	-0.081	NA
chr16	110995	113162	RHBDF1	ENSG00000007384	126	0.88	0.9	0.39	-0.018	NA
chr16	2155867	2156884	PKD1	ENSG00000008710	1382	0.52	0.37	0.39	0.15	NA
chr16	3546366	3546769	LA16c-306E5.1	ENSG00000240311	366	0.98	0.95	0.39	0.029	NA
chr16	19179002	19180217	SYT17	ENSG00000103528	38	0.23	0.2	0.39	0.031	NA
chr16	22385077	22386485	CDR2	ENSG00000140743	157	0.18	0.21	0.39	-0.03	NA
chr16	30366206	30366761	CD2BP2	ENSG00000169217	199	0.31	0.25	0.39	0.061	NA
chr16	74401546	74402639	AC009053.1	ENSG00000214331	46	0.18	0.21	0.39	-0.027	NA
chr16	85932121	85932942	IRF8	ENSG00000140968	122	0.21	0.25	0.39	-0.039	NA
chr16	15950839	15951266	MYH11	ENSG00000133392	-165	0.22	0.29	0.4	-0.075	NA
chr16	69345137	69345905	VPS4A	ENSG00000132612	234	0.27	0.22	0.4	0.052	NA
chr16	88871850	88872056	CDT1	ENSG00000167513	1767	0.5	0.7	0.4	-0.2	NA
chr16	2040034	2040628	SYNGR3	ENSG00000127561	331	0.21	0.3	0.41	-0.095	NA

chr16	2581726	2582648	CEMP1	ENSG00000205923	-767	0.28	0.35	0.41	-0.067	NA
chr16	2907574	2907836	PRSS22	ENSG00000005001	466	0.21	0.4	0.41	-0.19	NA
chr16	3661120	3661775	SLX4	ENSG00000188827	139	0.25	0.3	0.41	-0.054	NA
chr16	3929483	3929769	CREBBP	ENSG00000005339	495	0.62	0.41	0.41	0.21	NA
chr16	31885042	31885600	ZNF267	ENSG00000185947	242	0.14	0.18	0.41	-0.038	NA
chr16	89283762	89284616	ZNF778	ENSG00000170100	78	0.25	0.21	0.41	0.04	NA
chr16	2932267	2933765	FLYWCH2	ENSG00000162076	-171	0.2	0.18	0.42	0.027	NA
chr16	66878172	66879072	CA7	ENSG00000168748	340	0.2	0.18	0.42	0.026	NA
chr16	67875717	67876740	THAP11	ENSG00000168286	15	0.27	0.23	0.42	0.034	NA
chr16	75589560	75590359	TMEM231	ENSG00000205084	177	0.46	0.4	0.42	0.058	NA
chr16	1420170	1420442	UNKL	ENSG00000059145	-299	0.9	0.86	0.43	0.048	NA
chr16	2205207	2205902	TRAF7	ENSG00000131653	-212	0.36	0.31	0.43	0.057	NA
chr16	10837584	10838196	NUBP1	ENSG00000103274	212	0.31	0.39	0.43	-0.086	NA
chr16	25026067	25026538	ARHGAP17	ENSG00000140750	373	0.24	0.2	0.43	0.04	NA
chr16	28303973	28304770	SBK1	ENSG00000188322	531	0.33	0.27	0.43	0.062	NA
chr16	78133174	78134066	WVOX	ENSG00000186153	69	0.24	0.18	0.43	0.053	NA
chr16	84853348	84853714	CRISPLD2	ENSG00000103196	-6	0.24	0.19	0.43	0.05	NA
chr16	88716989	88717606	CYBA	ENSG00000051523	160	0.46	0.52	0.43	-0.064	NA
chr16	89573954	89575368	SPG7	ENSG00000197912	-150	0.21	0.18	0.43	0.029	NA
chr16	4526295	4526927	HMOX2	ENSG00000103415	270	0.19	0.15	0.44	0.036	NA
chr16	8962189	8963190	CARHSP1	ENSG00000153048	-431	0.18	0.15	0.44	0.032	NA
chr16	11439186	11439767	C16orf75	ENSG00000175643	188	0.19	0.24	0.44	-0.048	NA
chr16	30596487	30596900	ZNF785	ENSG00000197162	352	0.21	0.16	0.44	0.052	NA
chr16	69166352	69166908	CIRH1A	ENSG00000141076	212	0.37	0.24	0.44	0.13	NA
chr16	89006334	89008600	AC092384.1	ENSG00000205018	918	0.23	0.21	0.44	0.025	NA
chr16	122017	122873	RHBDF1	ENSG00000007384	121	0.23	0.18	0.45	0.05	NA
chr16	1470502	1471164	C16orf91	ENSG00000174109	-88	0.24	0.18	0.45	0.052	NA
chr16	31519381	31519940	C16orf58	ENSG00000140688	45	0.26	0.22	0.45	0.038	NA
chr16	74808313	74808986	FA2H	ENSG00000103089	80	0.26	0.21	0.45	0.047	NA
chr16	90085109	90086419	DBNDD1	ENSG00000003249	117	0.32	0.28	0.45	0.037	NA

chr16	3029752	3030954	PKMYT1	ENSG00000127564	64	0.2	0.24	0.46	-0.034	NA
chr16	30428870	30429799	SNORA42	ENSG00000199787	1746	0.22	0.2	0.46	0.028	NA
chr16	31075084	31075756	ZNF668	ENSG00000167394	870	0.98	0.94	0.46	0.034	NA
chr16	48278058	48278655	LONP2	ENSG00000102910	149	0.3	0.25	0.46	0.053	NA
chr16	712234	712440	WDR90	ENSG00000161996	62	0.91	0.97	0.47	-0.063	NA
chr16	1676042	1676297	LA16c-395F10.1	ENSG00000226890	-8	0.94	0.98	0.47	-0.045	NA
chr16	2245866	2247100	CASKIN1	ENSG00000167971	-18	0.25	0.23	0.47	0.025	NA
chr16	3067521	3068358	CLDN6	ENSG00000184697	249	0.4	0.36	0.47	0.046	NA
chr16	29818681	29819554	MAZ	ENSG00000103495	422	0.23	0.19	0.47	0.044	NA
chr16	62069121	62070634	CDH8	ENSG00000150394	862	0.24	0.19	0.47	0.041	NA
chr16	71917738	71918542	ZNF821	ENSG00000102984	-90	0.38	0.33	0.47	0.048	NA
chr16	18582324	18582652	AC136618.1	ENSG00000256340	-22	1	0.12	0.48	0.88	NA
chr16	47494697	47495207	ITFG1	ENSG00000129636	183	0.31	0.24	0.48	0.067	NA
chr16	334444	334764	PDIA2	ENSG00000185615	-271	0.9	0.96	0.49	-0.053	NA
chr16	22824616	22826459	HS3ST2	ENSG00000122254	39	0.25	0.24	0.49	0.018	NA
chr16	25122810	25123442	LCMT1	ENSG00000205629	79	0.28	0.32	0.5	-0.048	NA
chr16	3332472	3333847	ZNF263	ENSG00000006194	-289	0.22	0.25	0.51	-0.031	NA
chr16	3724344	3724849	AC006111.1	ENSG00000178430	-815	0.75	0.94	0.51	-0.19	NA
chr16	4475429	4476330	DNAJA3	ENSG00000103423	73	0.15	0.18	0.51	-0.029	NA
chr16	12070257	12070870	RP11-166B2.1	ENSG00000234719	-72	0.3	0.26	0.51	0.041	NA
chr16	58058712	58058928	MMP15	ENSG00000102996	-650	0.3	0.24	0.51	0.062	NA
chr16	70099274	70100227	RP11-106J23.2	ENSG00000255185	-71	0.22	0.17	0.51	0.044	NA
chr16	81040134	81041325	CENPN	ENSG00000166451	572	0.36	0.29	0.51	0.068	NA
chr16	88850204	88850537	FAM38A	ENSG00000103335	1002	0.29	0.37	0.51	-0.087	NA
chr16	90066317	90066643	AFG3L1P	ENSG00000223959	1466	0.92	0.95	0.51	-0.028	NA
chr16	15489526	15490075	MPV17L	ENSG00000156968	189	0.22	0.2	0.52	0.023	NA
chr16	67969290	67970418	PSMB10	ENSG00000205220	1136	0.28	0.25	0.52	0.029	NA
chr16	30032784	30033131	C16orf92	ENSG00000167194	-1698	0.42	0.33	0.53	0.089	NA
chr16	56458735	56459748	AMFR	ENSG00000159461	207	0.23	0.2	0.54	0.037	NA
chr16	27324885	27325695	IL4R	ENSG00000077238	43	0.27	0.23	0.56	0.036	NA

chr16	30991828	30992129	SETD1A	ENSG00000099381	604	0.89	0.94	0.56	-0.045	NA
chr16	55866647	55866998	CES1	ENSG00000198848	152	0.95	0.91	0.56	0.034	NA
chr16	69419316	69420086	TERF2	ENSG00000132604	158	0.3	0.25	0.56	0.044	NA
chr16	84401957	84402497	ATP2C2	ENSG00000064270	94	0.22	0.19	0.56	0.031	NA
chr16	85044730	85045436	ZDHHC7	ENSG00000153786	58	0.18	0.16	0.56	0.026	NA
chr16	841347	841551	CHTF18	ENSG00000127586	-1075	1	0.93	0.57	0.072	NA
chr16	2563430	2564903	ATP6V0C	ENSG00000185883	295	0.29	0.27	0.57	0.026	NA
chr16	4303444	4304225	AC009171.1	ENSG00000245388	-44	0.22	0.2	0.57	0.022	NA
chr16	67449936	67450472	ZDHHC1	ENSG00000159714	173	0.25	0.22	0.57	0.034	NA
chr16	83841412	83841988	HSBP1	ENSG00000230989	107	0.26	0.23	0.57	0.03	NA
chr16	68298012	68298979	SLC7A6	ENSG00000103064	72	0.17	0.15	0.58	0.015	NA
chr16	88636176	88637333	C16orf85	ENSG00000205036	-206	0.19	0.16	0.58	0.034	NA
chr16	4816764	4817353	ZNF500	ENSG00000103199	108	0.26	0.22	0.59	0.034	NA
chr16	66969499	66969878	CES2	ENSG00000172831	1325	0.25	0.31	0.59	-0.056	NA
chr16	2018519	2018791	RNF151	ENSG00000179580	1380	0.91	0.88	0.6	0.034	NA
chr16	66600024	66600619	CMTM1	ENSG00000089505	27	0.93	0.91	0.6	0.021	NA
chr16	70147666	70148759	PDPR	ENSG00000090857	-63	0.22	0.26	0.6	-0.032	NA
chr16	84650960	84651565	COTL1	ENSG00000103187	421	0.22	0.19	0.6	0.026	NA
chr16	87984401	87985733	BANP	ENSG00000172530	29	0.36	0.32	0.6	0.042	NA
chr16	88850744	88852274	FAM38A	ENSG00000103335	-137	0.26	0.23	0.6	0.024	NA
chr16	89167763	89167991	ACSF3	ENSG00000176715	799	0.91	0.95	0.6	-0.044	NA
chr16	67193005	67193219	TRADD	ENSG00000102871	677	0.22	0.4	0.61	-0.18	NA
chr16	71495773	71496260	ZNF23	ENSG00000167377	101	0.2	0.25	0.61	-0.055	NA
chr16	1543098	1544426	TELO2	ENSG00000100726	398	0.26	0.23	0.62	0.029	NA
chr16	2125659	2125995	TSC2	ENSG00000103197	-321	0.91	0.95	0.62	-0.045	NA
chr16	23724270	23724775	ERN2	ENSG00000134398	25	0.33	0.3	0.62	0.033	NA
chr16	33777505	33779139	AC133561.2	ENSG00000205452	-578	1	0.9	0.63	0.1	NA
chr16	90143683	90144081	PRDM7	ENSG00000126856	-1544	0.39	0.3	0.63	0.085	NA
chr16	22308591	22309365	POLR3E	ENSG00000058600	248	0.26	0.29	0.64	-0.033	NA
chr16	89985913	89986356	AC092143.2	ENSG00000256390	861	0.86	0.9	0.65	-0.039	NA

chr16	74640468	74641197	GLG1	ENSG00000090863	210	0.27	0.25	0.66	0.021	NA
chr16	90015551	90016120	DEF8	ENSG00000140995	652	0.41	0.35	0.66	0.06	NA
chr16	4364966	4365716	GLIS2	ENSG00000126603	579	0.29	0.22	0.67	0.069	NA
chr16	53468284	53469209	RBL2	ENSG00000103479	385	0.26	0.3	0.67	-0.036	NA
chr16	1660054	1665095	IFT140	ENSG00000187535	-1880	0.25	0.24	0.68	0.0079	NA
chr16	2263912	2265428	PGP	ENSG00000184207	152	0.19	0.2	0.68	-0.012	NA
chr16	31128799	31129200	MYST1	ENSG00000103510	16	0.37	0.28	0.68	0.091	NA
chr16	84328519	84328720	WFDC1	ENSG00000103175	367	0.42	0.58	0.68	-0.17	NA
chr16	90014250	90014613	DEF8	ENSG00000140995	-720	0.4	0.2	0.68	0.2	NA
chr16	67217716	67219219	KIAA0895L	ENSG00000196123	-584	0.31	0.28	0.69	0.031	NA
chr16	71264360	71264659	HYDIN	ENSG00000157423	49	0.17	0.11	0.69	0.064	NA
chr16	841900	842539	CHTF18	ENSG00000127586	-305	0.94	0.93	0.7	0.013	NA
chr16	2185139	2186406	PKD1	ENSG00000008710	127	0.21	0.17	0.7	0.043	NA
chr16	69373061	69373882	NIP7	ENSG00000132603	128	0.31	0.28	0.7	0.026	NA
chr16	3184276	3185312	ZNF213	ENSG00000085644	-263	0.19	0.21	0.71	-0.019	NA
chr16	9056372	9056844	USP7	ENSG00000187555	733	0.31	0.28	0.71	0.025	NA
chr16	11945065	11945517	RSL1D1	ENSG00000171490	110	0.45	0.49	0.71	-0.046	NA
chr16	25268786	25269728	ZKSCAN2	ENSG00000155592	-402	0.22	0.2	0.72	0.02	NA
chr16	2114025	2114244	TSC2	ENSG00000103197	-1280	0.95	0.88	0.73	0.068	NA
chr16	3220438	3221356	AJ003147.1	ENSG00000243941	134	0.2	0.21	0.73	-0.014	NA
chr16	15224916	15225536	AC139256.2	ENSG00000250251	130	0.92	0.83	0.73	0.083	NA
chr16	57835955	57836989	KIFC3	ENSG00000140859	-37	0.22	0.2	0.73	0.021	NA
chr16	70719114	70720441	MTSS1L	ENSG00000132613	-83	0.28	0.31	0.73	-0.029	NA
chr16	84224731	84225085	ADAD2	ENSG00000140955	164	0.89	1	0.73	-0.11	NA
chr16	426038	426290	TMEM8A	ENSG00000129925	311	0.97	0.91	0.74	0.06	NA
chr16	474922	476815	RAB11FIP3	ENSG00000090565	249	0.21	0.22	0.74	-0.011	NA
chr16	32264531	32265444	AC133485.1	ENSG00000205456	344	0.8	1	0.75	-0.2	NA
chr16	55542920	55543274	LPCAT2	ENSG00000087253	187	0.29	0.25	0.76	0.046	NA
chr16	89752878	89753684	CDK10	ENSG00000185324	205	0.23	0.22	0.76	0.019	NA
chr16	1115827	1116468	AC009041.1	ENSG00000181791	202	0.52	0.55	0.77	-0.028	NA

chr16	69788469	69788984	NOB1	ENSG00000141101	103	0.27	0.22	0.77	0.05	NA
chr16	31084343	31086048	ZNF668	ENSG00000167394	-621	0.21	0.19	0.78	0.011	NA
chr16	89119306	89119664	AC135782.1	ENSG00000256982	-112	0.32	0.26	0.78	0.059	NA
chr16	19566486	19567388	C16orf62	ENSG00000103544	375	0.5	0.15	0.79	0.35	NA
chr16	19535074	19535635	AC012621.2	ENSG00000103540	146	0.3	0.27	0.8	0.031	NA
chr16	30346052	30346865	RP11-347C12.2	ENSG00000183604	-83	0.25	0.23	0.8	0.017	NA
chr16	71879763	71880296	ATXN1L	ENSG00000224470	130	0.39	0.42	0.8	-0.034	NA
chr16	58231265	58231610	CSNK2A2	ENSG00000070770	345	0.26	0.31	0.81	-0.049	NA
chr16	67034470	67035340	CES4A	ENSG00000172824	428	0.2	0.18	0.81	0.021	NA
chr16	76268977	76269193	RP11-150D5.1	ENSG00000244485	436	0.93	0.96	0.81	-0.025	NA
chr16	86320175	86321055	AC040170.1	ENSG00000248463	582	0.15	0.17	0.81	-0.023	NA
chr16	127448	128631	MPG	ENSG00000103152	-23	0.21	0.2	0.82	0.0085	NA
chr16	67260744	67261155	LRRC29	ENSG00000125122	-169	0.25	0.22	0.82	0.033	NA
chr16	67464388	67465462	HSD11B2	ENSG00000176387	-116	0.25	0.24	0.82	0.012	NA
chr16	67062613	67064012	CBFB	ENSG00000067955	262	0.22	0.23	0.83	-0.0081	NA
chr16	2317445	2319000	RNPS1	ENSG00000205937	-425	0.25	0.26	0.84	-0.0094	NA
chr16	30194747	30195357	CORO1A	ENSG00000102879	160	0.18	0.16	0.84	0.012	NA
chr16	31105451	31106321	VKORC1	ENSG00000167397	-16	0.21	0.2	0.84	0.012	NA
chr16	56715992	56716425	MT1X	ENSG00000187193	-128	0.17	0.15	0.84	0.018	NA
chr16	75600006	75600860	GABARAPL2	ENSG00000034713	184	0.27	0.29	0.84	-0.02	NA
chr16	712735	713047	WDR90	ENSG00000161996	-249	0.99	0.97	0.86	0.026	NA
chr16	14726516	14727366	BFAR	ENSG00000103429	269	0.28	0.3	0.86	-0.015	NA
chr16	30959242	30959533	ORAI3	ENSG00000175938	-1000	0.22	0.3	0.86	-0.078	NA
chr16	31044353	31045495	STX4	ENSG00000103496	508	0.21	0.21	0.86	-0.0074	NA
chr16	71659829	71660747	MARVELD3	ENSG00000140832	199	0.23	0.24	0.86	-0.012	NA
chr16	88134540	88134849	AC134312.1	ENSG00000205037	-129	0.22	0.19	0.86	0.029	NA
chr16	30569181	30570049	ZNF764	ENSG00000169951	-31	0.21	0.22	0.87	-0.011	NA
chr16	30797744	30798777	ZNF629	ENSG00000102870	263	0.28	0.26	0.87	0.015	NA
chr16	67918679	67918909	NRN1L	ENSG00000188038	13	0.21	0.22	0.87	-0.016	NA
chr16	66638254	66639561	CMTM3	ENSG00000140931	694	0.25	0.24	0.88	0.0069	NA

chr16	3073686	3074443	THOC6	ENSG00000131652	32	0.36	0.28	0.89	0.077	NA
chr16	1122629	1123009	SSTR5	ENSG00000162009	63	0.21	0.24	0.9	-0.032	NA
chr16	1487017	1487260	CCDC154	ENSG00000197599	766	0.94	0.95	0.9	-0.018	NA
chr16	88793071	88793877	FAM38A	ENSG00000103335	-722	0.94	0.89	0.9	0.043	NA
chr16	447160	447649	NME4	ENSG00000103202	205	0.18	0.19	0.91	-0.015	NA
chr16	56224731	56224980	AC007495.1	ENSG00000246379	151	0.24	0.22	0.91	0.02	NA
chr16	66914167	66914782	PDP2	ENSG00000172840	38	0.2	0.22	0.91	-0.017	NA
chr16	70834689	70835298	VAC14	ENSG00000103043	78	0.26	0.24	0.91	0.017	NA
chr16	3507545	3508606	NAT15	ENSG00000122390	83	0.24	0.25	0.92	-0.014	NA
chr16	15247870	15249155	AC139256.2	ENSG00000250251	-91	0.25	0.27	0.92	-0.024	NA
chr16	21312168	21313333	NCRNA00169	ENSG00000189149	580	0.27	0.29	0.92	-0.022	NA
chr16	67867658	67867898	CENPT	ENSG00000102901	10	0.17	0.15	0.92	0.024	NA
chr16	87350634	87351570	AC010531.1	ENSG00000131152	-80	0.27	0.3	0.92	-0.023	NA
chr16	4363935	4364151	GLIS2	ENSG00000126603	-719	0.29	0.29	0.93	-0.0084	NA
chr16	89990069	89990507	TUBB3	ENSG00000198211	601	0.22	0.27	0.93	-0.05	NA
chr16	3013651	3015131	KREMEN2	ENSG00000131650	231	0.25	0.23	0.95	0.015	NA
chr16	2014164	2015451	RPS2	ENSG00000140988	-450	0.27	0.28	0.95	-0.0057	NA
chr16	68056582	68057353	DUS2L	ENSG00000167264	-216	0.19	0.2	0.96	-0.011	NA
chr16	82203648	82204231	MPHOSPH6	ENSG00000135698	-108	0.22	0.18	0.96	0.046	NA
chr16	332514	332760	PDIA2	ENSG00000185615	-515	0.9	0.85	0.97	0.05	NA
chr16	16043218	16043927	ABCC1	ENSG00000103222	138	0.24	0.25	0.97	-0.0084	NA
chr16	2077042	2077470	SLC9A3R2	ENSG00000065054	368	0.19	0.18	0.98	0.011	NA
chr16	11890324	11891521	ZC3H7A	ENSG00000122299	177	0.23	0.22	0.98	0.0053	NA
chr16	15528350	15529086	C16orf45	ENSG00000166780	393	0.21	0.22	0.98	-0.011	NA
chr16	25702955	25704631	HS3ST4	ENSG00000182601	446	0.21	0.2	0.98	0.0033	NA
chr16	90160332	90161075	AC133919.1	ENSG00000239076	1124	0.92	0.91	0.98	0.015	NA
chr16	2105014	2105390	TSC2	ENSG00000103197	-960	0.81	0.79	0.99	0.02	NA
chr16	2112868	2113171	TSC2	ENSG00000103197	180	0.85	0.81	0.99	0.042	NA
chr16	3493098	3493569	ZNF597	ENSG00000167981	204	0.63	0.61	0.99	0.015	NA
chr16	335829	336034	PDIA2	ENSG00000185615	251	0.96	1	1	-0.037	NA

chr16	450834	451140	DECR2	ENSG00000242612	-839	0.54	0.53	1	0.0066	NA
chr16	629463	629903	PIGQ	ENSG00000007541	592	1	1	1	0	NA
chr16	1382916	1384735	BAIAP3	ENSG00000007516	179	0.23	0.23	1	#####	NA
chr16	1449295	1449545	UNKL	ENSG00000059145	89	0.95	0.95	1	-0.0048	NA
chr16	1480844	1481045	C16orf91	ENSG00000174109	-1599	0.28	0.29	1	-0.013	NA
chr16	1495039	1495366	CCDC154	ENSG00000197599	-645	1	0.97	1	0.032	NA
chr16	1514412	1514859	CLCN7	ENSG00000103249	704	0.94	0.94	1	-0.0018	NA
chr16	2286600	2288073	DNASE1L2	ENSG00000167968	610	0.59	0.59	1	-0.0028	NA
chr16	2732272	2732940	KCTD5	ENSG00000167977	108	0.19	0.19	1	0.0032	NA
chr16	3355020	3356012	ZNF75A	ENSG00000162086	30	0.2	0.19	1	0.0053	NA
chr16	4166655	4167012	ADCY9	ENSG00000162104	-647	0.19	0.21	1	-0.021	NA
chr16	4421642	4422240	VASN	ENSG00000168140	92	0.25	0.26	1	-0.0032	NA
chr16	5121749	5122192	ALG1	ENSG00000033011	150	0.22	0.2	1	0.022	NA
chr16	8715416	8715724	METTL22	ENSG00000067365	25	0.17	0.5	1	-0.33	NA
chr16	14918471	14918799	ABCC6P2	ENSG00000255277	-109	0.75	1	1	-0.25	NA
chr16	15012708	15013276	RP11-958N24.1	ENSG00000183458	177	1	1	1	0	NA
chr16	15227122	15228137	AC139256.2	ENSG00000250251	73	0.87	1	1	-0.13	NA
chr16	19127121	19127324	ITPRIPL2	ENSG00000205730	1968	0.9	0.9	1	-0.0051	NA
chr16	19532981	19533516	GDE1	ENSG00000006007	202	0.28	0.29	1	-0.012	NA
chr16	21169810	21170278	TMEM159	ENSG00000011638	132	0.43	0.41	1	0.018	NA
chr16	23159966	23160966	USP31	ENSG00000103404	125	0.18	0.18	1	-0.0016	NA
chr16	23652387	23652918	PALB2	ENSG00000083093	26	0.29	0.29	1	-0.0004	NA
chr16	23689891	23690671	PLK1	ENSG00000166851	138	0.22	0.22	1	0.0012	NA
chr16	28761529	28762146	CTB-134H23.1	ENSG00000196993	-1271	0.19	0.22	1	-0.031	NA
chr16	28890954	28891868	ATP2A1	ENSG00000196296	37	0.15	0.15	1	0.0072	NA
chr16	28961913	28962791	NFATC2IP	ENSG00000176953	37	0.24	0.23	1	0.0038	NA
chr16	29465353	29467143	RP11-231C14.3	ENSG00000254634	-813	0.54	0.5	1	0.038	NA
chr16	29912896	29913203	ASPHD1	ENSG00000174939	791	0.25	0.24	1	0.0054	NA
chr16	29973023	29973570	TMEM219	ENSG00000149932	-55	0.16	0.16	1	-0.0005	NA
chr16	30042307	30042612	FAM57B	ENSG00000149926	-265	0.25	0.15	1	0.096	NA

chr16	30076310	30077872	ALDOA	ENSG00000149925	57	0.29	0.28	1	0.0065	NA
chr16	30204695	30206485	SLX1A	ENSG00000132207	373	1	1	1	0	NA
chr16	31117101	31117435	BCKDK	ENSG00000103507	-160	0.5	0.35	1	0.15	NA
chr16	32896188	32897822	SLC6A10P	ENSG00000214617	-542	0.9	0.91	1	-0.0043	NA
chr16	49316997	49317263	CBLN1	ENSG00000102924	-1388	0.26	0.27	1	-0.0062	NA
chr16	55794661	55794939	CES1P1	ENSG00000228695	340	0.38	0.4	1	-0.017	NA
chr16	56671937	56672530	MT1A	ENSG00000205362	-345	0.23	0.22	1	0.0062	NA
chr16	56691689	56692034	MT1F	ENSG00000198417	6	0.24	0.24	1	-0.0028	NA
chr16	56763993	56764482	NUP93	ENSG00000102900	200	0.36	0.33	1	0.024	NA
chr16	57769596	57769973	KATNB1	ENSG00000140854	142	0.33	0.37	1	-0.037	NA
chr16	58033947	58035548	C16orf57	ENSG00000103005	-558	0.26	0.26	1	0.0031	NA
chr16	58283703	58284084	CCDC113	ENSG00000103021	53	0.31	0.25	1	0.055	NA
chr16	58718309	58718703	SLC38A7	ENSG00000103042	168	0.25	0.21	1	0.041	NA
chr16	66440502	66440958	AC132186.1	ENSG00000246898	-1697	0.2	0.15	1	0.047	NA
chr16	67880678	67881516	NUTF2	ENSG00000102898	462	0.23	0.23	1	-0.0011	NA
chr16	67906809	67907311	EDC4	ENSG00000038358	85	0.2	0.2	1	0.0029	NA
chr16	68003407	68003759	SLC12A4	ENSG00000124067	-986	0.84	0.82	1	0.019	NA
chr16	68278870	68279628	PLA2G15	ENSG00000103066	42	0.22	0.21	1	0.0059	NA
chr16	71392415	71392749	CALB2	ENSG00000172137	-34	0.21	0.19	1	0.021	NA
chr16	88052061	88052392	BANP	ENSG00000172530	1430	1	1	1	0	NA
chr16	88105640	88105908	BANP	ENSG00000172530	1095	0.95	0.98	1	-0.028	NA
chr16	88729108	88730410	MVD	ENSG00000167508	-241	0.25	0.25	1	0.0013	NA
chr16	89118801	89119152	AC135782.1	ENSG00000256982	397	0.21	0.23	1	-0.023	NA
chr16	89661799	89662043	CPNE7	ENSG00000178773	-63	1	0.97	1	0.032	NA
chr16	90001271	90002256	AC092143.1	ENSG00000239174	-341	0.93	0.93	1	-0.0008	NA
chr16	203753	204866	HBM	ENSG00000206177	418	NA	0.16	NA	NA	NA
chr16	222369	223447	HBA2	ENSG00000188536	62	0.5	NA	NA	NA	NA
chr16	561007	561212	RAB11FIP3	ENSG00000090565	546	1	NA	NA	NA	NA
chr16	2284116	2284346	DNASE1L2	ENSG00000167968	-1586	0.8	NA	NA	NA	NA
chr16	2588034	2588556	PDPK1	ENSG00000140992	261	0.62	NA	NA	NA	NA

chr16	2614920	2615173	PDPK1	ENSG00000140992	-546	NA	1	NA	NA	NA
chr16	3085222	3085469	CCDC64B	ENSG00000162069	197	0.39	NA	NA	NA	NA
chr16	15004806	15006100	MIR3180-3	ENSG00000258354	-251	NA	0.15	NA	NA	NA
chr16	15015131	15015384	RP11-958N24.1	ENSG00000183458	1064	1	NA	NA	NA	NA
chr16	15019654	15020646	RP11-958N24.1	ENSG00000183458	-83	NA	1	NA	NA	NA
chr16	15223723	15224262	AC139256.2	ENSG00000250251	1364	0.5	NA	NA	NA	NA
chr16	16424958	16425595	AC138969.4	ENSG00000183889	-458	0.95	NA	NA	NA	NA
chr16	18444453	18444659	RP11-1212A22.1	ENSG00000205746	1777	1	NA	NA	NA	NA
chr16	18444748	18445066	RP11-1212A22.1	ENSG00000205746	1426	1	NA	NA	NA	NA
chr16	18470834	18471471	RP11-1212A22.4	ENSG00000233024	-456	1	NA	NA	NA	NA
chr16	18573029	18573610	NOMO2	ENSG00000185164	77	NA	0.22	NA	NA	NA
chr16	30216738	30217851	RP11-347C12.3	ENSG00000258130	71	NA	1	NA	NA	NA
chr16	30905549	30905783	BCL7C	ENSG00000099385	-43	NA	0.33	NA	NA	NA
chr16	32199219	32199676	AC133485.1	ENSG00000230267	-13	1	NA	NA	NA	NA
chr16	54316903	54317149	IRX3	ENSG00000177508	1863	1	NA	NA	NA	NA
chr16	66460503	66460850	BEAN1	ENSG00000166546	-140	NA	0.29	NA	NA	NA
chr16	66586268	66586719	CKLF	ENSG00000217555	27	NA	1	NA	NA	NA
chr16	67144023	67144335	C16orf70	ENSG00000125149	264	NA	0.2	NA	NA	NA
chr16	70323127	70323489	AARS	ENSG00000090861	104	0.33	NA	NA	NA	NA
chr16	81477777	81477999	AC092135.1	ENSG00000153815	-887	NA	0.33	NA	NA	NA
chr16	85317749	85318003	NCRNA00311	ENSG00000179219	1312	0.29	NA	NA	NA	NA
chr16	89352528	89352825	ANKRD11	ENSG00000167522	-870	0.83	NA	NA	NA	NA
chr16	89588816	89589058	AC092123.1	ENSG00000245196	-312	1	NA	NA	NA	NA
chr16	89713911	89714850	CHMP1A	ENSG00000131165	-1092	1	NA	NA	NA	NA
chr16	89977562	89977851	RP11-566K11.1	ENSG00000255773	-821	1	NA	NA	NA	NA
chr17	28088027	28088607	SSH2	ENSG00000141298	-22	0.65	0.27	3.00E-09	0.38	NA
chr17	11900442	11900984	ZNF18	ENSG00000154957	-24	0.33	0.1	6.40E-09	0.22	NA
chr17	46669434	46669811	RP11-357H14.7	ENSG00000233101	1003	0.52	0.19	9.50E-09	0.32	NA
chr17	4692249	4693977	GLTPD2	ENSG00000182327	806	0.37	0.2	1.30E-08	0.17	NA
chr17	28562387	28563186	SLC6A4	ENSG00000108576	-117	0.4	0.16	4.00E-08	0.24	NA

chr17	72889349	72890060	FADS6	ENSG00000172782	1	0.15	0.47	5.90E-08	-0.32	NA
chr17	46607804	46608390	HOXB1	ENSG00000120094	262	0.6	0.26	1.40E-07	0.34	NA
chr17	38210767	38210975	MED24	ENSG00000008838	-210	0.27	1	1.50E-07	-0.73	NA
chr17	61523000	61524470	CYB561	ENSG00000008283	-190	0.29	0.15	1.60E-07	0.13	NA
chr17	46710812	46711419	HOXB7	ENSG00000120087	-181	0.41	0.17	1.80E-07	0.25	NA
chr17	41363727	41364273	TMEM106A	ENSG00000184988	106	0.38	0.71	2.70E-07	-0.32	NA
chr17	71306975	71308682	CDC42EP4	ENSG00000179604	304	0.3	0.15	4.80E-07	0.15	NA
chr17	40274523	40275360	HSPB9	ENSG00000197723	185	0.88	0.71	5.70E-07	0.17	NA
chr17	79006584	79006835	AC127496.3	ENSG00000226137	-1394	0.66	0.16	8.50E-07	0.51	NA
chr17	8702342	8702824	MFSD6L	ENSG00000185156	84	0.37	0.19	8.60E-07	0.18	NA
chr17	4802265	4805402	C17orf107	ENSG00000205710	1120	0.54	0.43	1.10E-06	0.11	NA
chr17	4710014	4710960	PLD2	ENSG00000129219	96	0.27	0.12	2.00E-06	0.14	NA
chr17	80208196	80208439	AC132872.1	ENSG00000184551	1374	0.83	0.55	4.20E-06	0.28	NA
chr17	46048069	46048823	CDK5RAP3	ENSG00000108465	17	0.17	0.73	5.50E-06	-0.56	NA
chr17	73083866	73084495	SLC16A5	ENSG00000170190	125	0.45	0.29	6.30E-06	0.16	NA
chr17	77020023	77020868	C1QTNF1	ENSG00000173918	194	0.29	0.15	7.40E-06	0.15	NA
chr17	71160922	71162350	SSTR2	ENSG00000180616	476	0.23	0.12	7.50E-06	0.11	NA
chr17	62657409	62658858	SMURF2	ENSG00000108854	253	0.29	0.16	8.90E-06	0.13	NA
chr17	26988721	26989391	SDF2	ENSG00000132581	-122	0.28	0.56	1.20E-05	-0.29	NA
chr17	1619204	1620062	C17orf91	ENSG00000186594	-129	0.27	0.13	1.50E-05	0.14	NA
chr17	74864170	74866657	MGAT5B	ENSG00000167889	875	0.29	0.2	1.60E-05	0.087	NA
chr17	36728633	36729284	SRCIN1	ENSG0000017373	109	0.3	0.14	1.70E-05	0.16	NA
chr17	27619491	27620393	NUFIP2	ENSG00000108256	1224	0.42	0.22	2.10E-05	0.2	NA
chr17	79848512	79849981	THOC4	ENSG00000183684	-365	0.17	0.32	2.40E-05	-0.15	NA
chr17	934417	935088	ABR	ENSG00000159842	310	0.22	0.41	2.70E-05	-0.19	NA
chr17	12692737	12693690	ARHGAP44	ENSG00000006740	384	0.28	0.15	3.00E-05	0.13	NA
chr17	79503586	79504181	FSCN2	ENSG00000186765	711	0.2	0.38	3.40E-05	-0.18	NA
chr17	7164285	7166245	CLDN7	ENSG00000181885	999	0.29	0.2	3.50E-05	0.086	NA
chr17	27717135	27718037	TAOK1	ENSG00000160551	-357	0.22	0.45	3.80E-05	-0.23	NA
chr17	14204168	14207702	HS3ST3B1	ENSG00000125430	1535	0.25	0.18	4.50E-05	0.068	NA

chr17	33446426	33447063	RAD51L3	ENSG00000185379	-9	0.18	0.41	4.80E-05	-0.23	NA
chr17	60757172	60758288	MRC2	ENSG00000011028	-1089	0.75	0.56	5.20E-05	0.19	NA
chr17	1390456	1390786	MYO1C	ENSG00000197879	-1151	0.69	0.32	9.00E-05	0.38	NA
chr17	80054171	80054392	FASN	ENSG00000169710	1825	0.97	0.49	9.30E-05	0.48	NA
chr17	7756572	7757652	TMEM88	ENSG00000167874	-1272	0.91	0.8	0.00011	0.12	NA
chr17	72356096	72356327	BTBD17	ENSG00000204347	1747	1	0.84	0.00012	0.16	NA
chr17	1173535	1174733	BHLHA9	ENSG00000205899	281	0.52	0.39	0.00013	0.13	NA
chr17	35968980	35969757	SYNRG	ENSG00000006114	61	0.13	0.25	0.00014	-0.12	NA
chr17	75368688	75370506	9-Sep	ENSG00000184640	325	0.23	0.15	0.00017	0.082	NA
chr17	34900150	34901450	AC126327.1	ENSG00000245538	-122	0.12	0.23	0.00018	-0.11	NA
chr17	48712050	48712705	ABCC3	ENSG00000108846	239	0.29	0.15	0.00022	0.14	NA
chr17	40118605	40119301	CNP	ENSG00000173786	194	0.28	0.15	0.00023	0.12	NA
chr17	18217821	18219056	TOP3A	ENSG00000177302	-408	0.33	0.21	0.00027	0.12	NA
chr17	46685244	46685449	HOXB7	ENSG00000120087	342	0.53	0.3	0.00027	0.23	NA
chr17	16118275	16119510	NCOR1	ENSG00000141027	-177	0.29	0.17	3.00E-04	0.12	NA
chr17	46675044	46675589	HOXB6	ENSG00000108511	-820	0.17	0.32	3.00E-04	-0.15	NA
chr17	3791944	3792153	CAMKK1	ENSG00000004660	1990	0.88	0.36	0.00033	0.51	NA
chr17	18266422	18267007	SHMT1	ENSG00000176974	7	0.26	0.14	0.00034	0.12	NA
chr17	26645290	26645614	TMEM97	ENSG00000109084	-709	0.29	0.11	0.00034	0.18	NA
chr17	38443815	38444152	CDC6	ENSG00000094804	98	0.3	0.12	0.00038	0.17	NA
chr17	46629553	46629816	HOXB3	ENSG00000120093	1600	0.55	0.26	4.00E-04	0.29	NA
chr17	47091037	47091567	RP11-501C14.6	ENSG00000251461	-215	0.2	0.42	0.00041	-0.22	NA
chr17	79920529	79920756	NOTUM	ENSG00000185269	-926	0.44	0.81	0.00041	-0.37	NA
chr17	34135878	34137007	TAF15	ENSG00000172660	-46	0.25	0.14	0.00042	0.11	NA
chr17	6925400	6927527	BCL6B	ENSG00000161940	94	0.52	0.4	0.00043	0.12	NA
chr17	4542715	4544934	ALOX15	ENSG00000161905	1134	0.38	0.21	0.00046	0.17	NA
chr17	30185764	30186580	C17orf79	ENSG00000172301	-79	0.29	0.16	5.00E-04	0.14	NA
chr17	46507344	46507778	SKAP1	ENSG00000141293	33	0.28	0.12	5.00E-04	0.16	NA
chr17	80200604	80200876	AC132872.3	ENSG00000245410	197	0.77	0.52	0.00051	0.24	NA
chr17	7307206	7308626	PLSCR3	ENSG00000187838	-500	0.27	0.15	0.00057	0.12	NA

chr17	45771107	45772993	TBKBP1	ENSG00000198933	-580	0.3	0.19	0.00061	0.11	NA
chr17	25620999	25621730	WSB1	ENSG00000109046	258	0.18	0.37	0.00065	-0.19	NA
chr17	79899019	79899491	AC137723.5	ENSG00000235296	-490	0.6	0.88	0.00068	-0.27	NA
chr17	9479007	9479225	STX8	ENSG00000170310	159	0.13	0.32	0.00072	-0.19	NA
chr17	6945389	6947521	SLC16A11	ENSG00000174326	787	0.21	0.29	0.00081	-0.084	NA
chr17	72968167	72969164	C17orf28	ENSG00000167861	146	0.25	0.17	0.00089	0.083	NA
chr17	80709052	80710843	TBCD	ENSG00000141556	7	0.17	0.26	0.00095	-0.086	NA
chr17	20223749	20225068	CCDC144C	ENSG00000154898	-69	0.75	0.58	0.001	0.17	NA
chr17	42733486	42734626	C17orf104	ENSG00000180336	294	0.39	0.26	0.0012	0.12	NA
chr17	38497527	38498963	RARA	ENSG00000131759	605	0.24	0.32	0.0013	-0.085	NA
chr17	40936445	40936668	WNK4	ENSG00000126562	-789	0.22	1	0.0013	-0.78	NA
chr17	60704542	60705943	MRC2	ENSG00000011028	480	0.29	0.21	0.0013	0.084	NA
chr17	80416004	80417259	NARF	ENSG00000141562	571	0.25	0.17	0.0014	0.084	NA
chr17	34122024	34122801	MMP28	ENSG00000129270	228	0.22	0.13	0.0016	0.089	NA
chr17	47754870	47755772	SPOP	ENSG00000121067	44	0.34	0.22	0.0016	0.12	NA
chr17	38935799	38936093	KRT27	ENSG00000171446	-1674	0.6	0.44	0.0019	0.16	NA
chr17	40831682	40832452	CCR10	ENSG00000184451	1794	0.7	0.42	0.0019	0.28	NA
chr17	20945386	20945633	USP22	ENSG00000124422	77	0.46	0.19	0.002	0.27	NA
chr17	30813177	30815239	CDK5R1	ENSG00000176749	571	0.23	0.16	0.002	0.074	NA
chr17	17875167	17875933	TOM1L2	ENSG00000175662	161	0.31	0.2	0.0022	0.11	NA
chr17	26554244	26555018	AC061975.3	ENSG00000250301	299	0.37	0.25	0.0023	0.11	NA
chr17	37793265	37793722	STARD3	ENSG00000131748	175	0.23	0.4	0.0023	-0.17	NA
chr17	56564854	56565891	HSF5	ENSG00000176160	327	0.93	0.86	0.0024	0.067	NA
chr17	65989221	65989646	C17orf58	ENSG00000186665	235	0.26	0.14	0.0024	0.12	NA
chr17	18163685	18164672	SMCR7	ENSG00000177427	309	0.22	0.13	0.0027	0.092	NA
chr17	40714087	40715282	COASY	ENSG00000068120	592	0.33	0.23	0.0027	0.1	NA
chr17	59488115	59490485	C17orf82	ENSG00000187013	188	0.33	0.27	0.0028	0.069	NA
chr17	25783099	25784358	KSR1	ENSG00000141068	58	0.27	0.18	0.0029	0.085	NA
chr17	7108304	7108654	DLG4	ENSG00000132535	-30	0.24	0.47	0.0032	-0.23	NA
chr17	1587787	1588400	PRPF8	ENSG00000174231	48	0.28	0.15	0.0033	0.12	NA

chr17	73583838	73586337	MYO15B	ENSG00000188126	948	0.27	0.21	0.0034	0.058	NA
chr17	73520956	73522540	LLGL2	ENSG00000073350	-35	0.25	0.18	0.0036	0.077	NA
chr17	60885408	60885857	10-Mar	ENSG00000173838	19	0.4	0.18	0.0038	0.22	NA
chr17	42143654	42144096	LSM12	ENSG00000161654	228	0.21	0.12	0.004	0.086	NA
chr17	77752051	77752772	CBX2	ENSG00000173894	434	0.21	0.36	0.0041	-0.15	NA
chr17	56736754	56736962	U1	ENSG00000202077	-192	0.51	0.18	0.0042	0.33	NA
chr17	75524589	75525152	AC021683.1	ENSG00000250179	663	0.26	0.63	0.0042	-0.37	NA
chr17	3599052	3599551	P2RX5	ENSG00000083454	26	0.24	0.14	0.0043	0.11	NA
chr17	40761059	40761761	TUBG1	ENSG00000131462	52	0.18	0.32	0.0043	-0.15	NA
chr17	6898820	6900427	ALOX12	ENSG00000108839	239	0.56	0.48	0.0052	0.085	NA
chr17	19140307	19141648	EPN2	ENSG00000072134	287	0.28	0.55	0.0053	-0.27	NA
chr17	40440188	40441014	STAT5A	ENSG00000126561	94	0.48	0.35	0.0053	0.13	NA
chr17	36829692	36831500	C17orf96	ENSG00000179294	591	0.24	0.18	0.0057	0.065	NA
chr17	27919874	27921105	ANKRD13B	ENSG00000198720	3	0.19	0.28	0.0057	-0.093	NA
chr17	72208474	72208902	CTD-2514K5.2	ENSG00000246731	759	0.48	0.69	0.0057	-0.22	NA
chr17	17183886	17184699	COPS3	ENSG00000141030	-280	0.16	0.27	0.0058	-0.11	NA
chr17	19247785	19248069	MIR1180	ENSG00000221540	-40	0.89	0.73	0.006	0.15	NA
chr17	27139185	27139671	C17orf63	ENSG00000173065	25	0.31	0.15	0.0061	0.16	NA
chr17	40539837	40540775	STAT3	ENSG00000168610	99	0.34	0.19	0.0063	0.15	NA
chr17	7760281	7761680	LSMD1	ENSG00000183011	-199	0.22	0.11	0.0065	0.1	NA
chr17	14200579	14200996	AC005224.1	ENSG00000245153	130	0.32	0.62	0.0065	-0.3	NA
chr17	47653211	47654369	NXPH3	ENSG00000182575	570	0.26	0.18	0.0067	0.082	NA
chr17	79935137	79936051	ASPSCR1	ENSG00000169696	168	0.25	0.17	0.0067	0.076	NA
chr17	48048953	48050616	DLX4	ENSG00000108813	456	0.31	0.22	0.007	0.093	NA
chr17	1082376	1083833	ABR	ENSG00000159842	27	0.26	0.19	0.0071	0.073	NA
chr17	66453349	66454137	WIPI1	ENSG00000070540	-123	0.18	0.3	0.0077	-0.12	NA
chr17	13972630	13973085	COX10-AS1	ENSG00000223385	-82	0.12	0.25	0.0079	-0.12	NA
chr17	37380953	37382363	STAC2	ENSG00000141750	382	0.26	0.2	0.008	0.066	NA
chr17	36955256	36956380	PIP4K2B	ENSG00000141720	340	0.25	0.18	0.0081	0.068	NA
chr17	5025798	5027064	ZNF232	ENSG00000167840	-34	0.2	0.29	0.0085	-0.089	NA

chr17	40912816	40913553	RAMP2	ENSG00000131477	-28	0.33	0.19	0.0088	0.13	NA
chr17	50235175	50236466	CA10	ENSG00000154975	-397	0.3	0.18	0.0094	0.11	NA
chr17	20746783	20747635	AC126365.7	ENSG00000227287	583	0.38	0.23	0.0096	0.15	NA
chr17	72209669	72210290	TTYH2	ENSG00000141540	326	0.43	0.62	0.0096	-0.19	NA
chr17	43224933	43227616	HEXIM1	ENSG00000186834	1590	0.21	0.12	0.01	0.082	NA
chr17	48132994	48134084	RP11-1094H24.4	ENSG00000246640	-436	0.19	0.13	0.01	0.068	NA
chr17	18150279	18151172	FLII	ENSG00000177731	25	0.9	0.76	0.011	0.14	NA
chr17	30593198	30594033	RHBDL3	ENSG00000141314	419	0.26	0.16	0.011	0.1	NA
chr17	42287692	42288392	UBTF	ENSG00000108312	328	0.17	0.37	0.012	-0.2	NA
chr17	46620367	46621373	HOXB2	ENSG00000173917	401	0.26	0.18	0.012	0.08	NA
chr17	66507790	66508956	PRKAR1A	ENSG00000108946	263	0.13	0.22	0.012	-0.088	NA
chr17	76777510	76778390	CYTH1	ENSG00000108669	404	0.23	0.16	0.012	0.074	NA
chr17	1732834	1733612	SMYD4	ENSG00000186532	-79	0.24	0.15	0.013	0.091	NA
chr17	72868922	72869703	FDXR	ENSG00000161513	-213	0.21	0.32	0.013	-0.11	NA
chr17	60555507	60557168	TLK2	ENSG00000146872	-49	0.25	0.38	0.014	-0.13	NA
chr17	79139501	79140028	AATK	ENSG00000181409	53	0.24	0.15	0.014	0.09	NA
chr17	40729444	40729965	PSMC3IP	ENSG00000131470	43	0.3	0.18	0.015	0.12	NA
chr17	80408294	80408879	C17orf62	ENSG00000178927	28	0.22	0.31	0.015	-0.09	NA
chr17	8868469	8869372	PIK3R5	ENSG00000141506	104	0.38	0.29	0.016	0.095	NA
chr17	12920956	12921566	ELAC2	ENSG00000006744	77	0.25	0.14	0.016	0.11	NA
chr17	39683908	39684599	KRT19	ENSG00000171345	298	0.3	0.17	0.016	0.13	NA
chr17	76127521	76128406	TMC6	ENSG00000141524	525	0.26	0.37	0.016	-0.12	NA
chr17	80541912	80542119	snoU13	ENSG00000238403	1634	0.8	0.93	0.016	-0.13	NA
chr17	45726673	45728222	KPNB1	ENSG00000108424	605	0.25	0.32	0.017	-0.073	NA
chr17	55038057	55038530	COIL	ENSG00000121058	118	0.16	0.42	0.017	-0.26	NA
chr17	73178062	73179242	SUMO2	ENSG00000188612	446	0.18	0.33	0.017	-0.15	NA
chr17	80605301	80606324	WDR45L	ENSG00000141580	353	0.2	0.31	0.017	-0.11	NA
chr17	7311672	7312063	NLGN2	ENSG00000169992	365	0.95	0.86	0.018	0.087	NA
chr17	33700989	33701657	SLFN11	ENSG00000172716	-681	0.18	0.32	0.018	-0.14	NA
chr17	46969695	46970125	ATP5G1	ENSG00000159199	-217	0.17	0.44	0.018	-0.28	NA

chr17	48045788	48047207	DLX4	ENSG00000108813	163	0.23	0.17	0.018	0.067	NA
chr17	28927092	28928454	AC005562.2	ENSG00000248121	-110	0.21	0.15	0.019	0.056	NA
chr17	78193980	78194954	SGSH	ENSG00000181523	-330	0.26	0.16	0.019	0.096	NA
chr17	4688628	4689563	VMO1	ENSG00000182853	634	0.25	0.46	0.02	-0.2	NA
chr17	35849290	35850483	DUSP14	ENSG00000161326	-51	0.22	0.15	0.02	0.066	NA
chr17	48636103	48639279	RP11-94C24.10	ENSG00000250107	-920	0.22	0.18	0.02	0.04	NA
chr17	66255192	66255556	ARSG	ENSG00000141337	51	0.72	0.34	0.02	0.38	NA
chr17	80186135	80189990	SLC16A3	ENSG00000141526	1769	0.33	0.28	0.02	0.055	NA
chr17	17398248	17400346	RASD1	ENSG00000108551	410	0.17	0.22	0.021	-0.044	NA
chr17	42091712	42091948	TMEM101	ENSG00000091947	515	0.45	0.12	0.021	0.33	NA
chr17	62206971	62208050	ERN1	ENSG00000178607	-8	0.27	0.2	0.021	0.071	NA
chr17	79603627	79603886	NPLOC4	ENSG00000182446	349	0.28	0.59	0.021	-0.31	NA
chr17	40086751	40087098	AC091172.1	ENSG00000204815	26	0.26	0.5	0.022	-0.24	NA
chr17	55333068	55334245	MSI2	ENSG00000153944	444	0.18	0.12	0.022	0.061	NA
chr17	56031843	56033160	CUEDC1	ENSG00000180891	183	0.21	0.3	0.022	-0.086	NA
chr17	2206517	2207248	SMG6	ENSG00000070366	-69	0.19	0.27	0.023	-0.083	NA
chr17	55162173	55163908	AKAP1	ENSG00000121057	489	0.28	0.22	0.023	0.059	NA
chr17	62492882	62493323	POLG2	ENSG00000256525	82	0.12	0.22	0.023	-0.098	NA
chr17	74261127	74262282	FAM100B	ENSG00000185262	421	0.21	0.15	0.024	0.052	NA
chr17	7486285	7487431	MPDU1	ENSG00000129255	-116	0.69	0.58	0.025	0.11	NA
chr17	61627221	61628290	DCAF7	ENSG00000136485	-67	0.43	0.22	0.025	0.2	NA
chr17	26971782	26972481	KIAA0100	ENSG00000007202	18	0.26	0.15	0.026	0.11	NA
chr17	73266340	73268052	MIF4GD	ENSG00000125457	58	0.24	0.17	0.026	0.061	NA
chr17	19436788	19437692	SLC47A1	ENSG00000142494	99	0.36	0.25	0.027	0.1	NA
chr17	20945912	20947069	USP22	ENSG00000124422	-138	0.26	0.17	0.027	0.085	NA
chr17	38136650	38137490	PSMD3	ENSG00000108344	20	0.23	0.17	0.027	0.066	NA
chr17	48070698	48072654	DLX3	ENSG00000064195	-609	0.25	0.18	0.027	0.061	NA
chr17	26684165	26684875	POLDIP2	ENSG00000004142	-47	0.29	0.21	0.029	0.085	NA
chr17	27332268	27333188	SEZ6	ENSG00000063015	315	0.16	0.11	0.029	0.055	NA
chr17	45973465	45974254	SP2	ENSG00000167182	343	0.15	0.24	0.029	-0.089	NA

chr17	7199710	7200009	YBX2	ENSG00000006047	-1983	0.36	0.15	0.03	0.2	NA
chr17	17206527	17207306	NT5M	ENSG00000205309	267	0.22	0.16	0.032	0.065	NA
chr17	45330928	45331766	C17orf57	ENSG00000178852	139	0.23	0.16	0.032	0.071	NA
chr17	12568667	12569335	MYOCD	ENSG00000141052	-206	0.17	0.26	0.033	-0.084	NA
chr17	47572345	47575316	NGFR	ENSG00000064300	1175	0.23	0.18	0.033	0.046	NA
chr17	57298305	57298645	GDPD1	ENSG00000153982	647	0.17	0.33	0.033	-0.16	NA
chr17	79008929	79009762	BAIAP2	ENSG00000175866	398	0.14	0.22	0.033	-0.076	NA
chr17	16945384	16946317	MPRIP	ENSG00000133030	-224	0.24	0.16	0.034	0.085	NA
chr17	43567613	43568371	PLEKHM1	ENSG00000225190	102	0.33	0.1	0.034	0.23	NA
chr17	63051893	63053355	GNA13	ENSG00000120063	296	0.18	0.23	0.034	-0.05	NA
chr17	6459129	6459829	PITPNM3	ENSG00000091622	398	0.26	0.17	0.036	0.088	NA
chr17	37607393	37607718	MED1	ENSG00000125686	-34	0.57	0.27	0.036	0.3	NA
chr17	79495005	79496291	FSCN2	ENSG00000186765	226	0.46	0.37	0.037	0.084	NA
chr17	7141121	7143071	PHF23	ENSG00000040633	153	0.26	0.21	0.039	0.05	NA
chr17	46702280	46704166	HOXB9	ENSG00000170689	497	0.22	0.27	0.039	-0.053	NA
chr17	72772244	72772692	NAT9	ENSG00000109065	2	0.3	0.16	0.039	0.14	NA
chr17	79917286	79920022	NOTUM	ENSG00000185269	-968	0.23	0.19	0.039	0.036	NA
chr17	5094839	5095456	ZNF594	ENSG00000180626	31	0.13	0.18	0.04	-0.053	NA
chr17	73760694	73761269	GALK1	ENSG00000108479	280	0.27	0.19	0.04	0.08	NA
chr17	45000214	45000698	GOSR2	ENSG00000108433	-30	0.26	0.11	0.041	0.15	NA
chr17	80477098	80478553	FOXK2	ENSG00000141568	236	0.23	0.18	0.042	0.049	NA
chr17	7197431	7198417	YBX2	ENSG00000006047	-48	0.2	0.27	0.042	-0.07	NA
chr17	17715696	17716219	SREBF1	ENSG00000072310	1126	0.38	0.48	0.042	-0.1	NA
chr17	63557692	63557931	AXIN2	ENSG00000168646	-46	0.25	0.15	0.043	0.093	NA
chr17	46908301	46908844	CALCOCO2	ENSG00000136436	222	0.43	1	0.044	-0.57	NA
chr17	76250252	76250828	THA1P	ENSG00000237627	-43	0.14	0.27	0.044	-0.12	NA
chr17	79650194	79651447	ARL16	ENSG00000214087	134	0.25	0.19	0.044	0.062	NA
chr17	49197522	49198474	SPAG9	ENSG00000008294	97	0.2	0.14	0.045	0.059	NA
chr17	36609705	36610320	AC124789.1	ENSG00000228576	-1369	0.24	0.16	0.046	0.081	NA
chr17	38599270	38599524	IGFBP4	ENSG00000141753	-305	0.14	0.44	0.046	-0.31	NA

chr17	78388437	78389722	ENDOV	ENSG00000173818	114	0.21	0.16	0.046	0.042	NA
chr17	58227241	58227720	CA4	ENSG00000167434	178	0.25	0.18	0.047	0.07	NA
chr17	72744428	72745952	SLC9A3R1	ENSG00000109062	427	0.24	0.19	0.048	0.055	NA
chr17	4268625	4270155	UBE2G1	ENSG00000132388	579	0.25	0.2	0.049	0.049	NA
chr17	79868687	79869811	PCYT2	ENSG00000185813	-198	0.18	0.25	0.05	-0.067	NA
chr17	46114573	46115059	MIR152	ENSG00000207947	-203	0.35	0.25	0.051	0.097	NA
chr17	79761267	79762807	GCGR	ENSG00000215644	27	0.16	0.21	0.051	-0.044	NA
chr17	4458183	4458984	MYBBP1A	ENSG00000132382	96	0.22	0.14	0.052	0.081	NA
chr17	39967407	39968604	LEPREL4	ENSG00000141696	-84	0.16	0.23	0.052	-0.07	NA
chr17	29298046	29298606	RNF135	ENSG00000181481	248	0.51	0.35	0.053	0.16	NA
chr17	47113256	47113490	U6	ENSG00000252636	-341	0.51	0.66	0.053	-0.15	NA
chr17	58677223	58678217	PPM1D	ENSG00000170836	166	0.14	0.2	0.053	-0.062	NA
chr17	80674547	80675236	FN3KRP	ENSG00000141560	309	0.16	0.25	0.053	-0.085	NA
chr17	53045603	53046368	COX11	ENSG00000166260	79	0.27	0.14	0.054	0.13	NA
chr17	7210224	7211740	EIF5A	ENSG00000132507	664	0.25	0.19	0.055	0.067	NA
chr17	19880676	19881633	AKAP10	ENSG00000108599	-162	0.22	0.16	0.055	0.063	NA
chr17	40835731	40836267	CNTNAP1	ENSG00000108797	1367	0.29	1	0.056	-0.71	NA
chr17	259754	260306	C17orf97	ENSG00000187624	-88	0.26	0.19	0.057	0.069	NA
chr17	16592835	16594147	CCDC144A	ENSG00000170160	640	0.93	0.87	0.059	0.063	NA
chr17	40020980	40021924	KLHL11	ENSG00000178502	224	0.24	0.17	0.059	0.074	NA
chr17	19265403	19266444	B9D1	ENSG00000108641	-68	0.22	0.16	0.06	0.065	NA
chr17	56356374	56357013	MPO	ENSG00000005381	1603	0.27	0.35	0.06	-0.08	NA
chr17	42401501	42402427	SLC25A39	ENSG00000013306	246	0.17	0.23	0.061	-0.063	NA
chr17	17739511	17740525	SREBF1	ENSG00000072310	113	0.19	0.25	0.062	-0.054	NA
chr17	38518965	38520264	GJD3	ENSG00000183153	453	0.28	0.22	0.062	0.058	NA
chr17	48503056	48503887	ACSF2	ENSG00000167107	-48	0.21	0.15	0.063	0.063	NA
chr17	41173821	41174436	VAT1	ENSG00000108828	252	0.23	0.17	0.065	0.063	NA
chr17	8533004	8534933	MYH10	ENSG00000133026	67	0.17	0.21	0.066	-0.045	NA
chr17	17584480	17586361	RAI1	ENSG00000108557	633	0.22	0.18	0.066	0.036	NA
chr17	27949429	27950277	CORO6	ENSG00000167549	7	0.26	0.2	0.066	0.065	NA

chr17	37783314	37783919	PPP1R1B	ENSG00000131771	61	0.24	0.16	0.067	0.076	NA
chr17	17991080	17991581	DRG2	ENSG00000108591	91	0.28	0.2	0.068	0.088	NA
chr17	27918161	27918398	ANKRD13B	ENSG00000198720	1478	0.22	0.13	0.069	0.098	NA
chr17	10600425	10601199	SCO1	ENSG00000133028	35	0.22	0.16	0.069	0.063	NA
chr17	33468896	33469418	NLE1	ENSG00000073536	146	0.26	0.17	0.069	0.091	NA
chr17	27046856	27047273	RPL23A	ENSG00000198242	-33	0.12	0.2	0.07	-0.088	NA
chr17	8295899	8296320	RNF222	ENSG00000189051	698	0.51	0.89	0.071	-0.38	NA
chr17	41177336	41177593	RND2	ENSG00000108830	206	0.15	0.32	0.071	-0.17	NA
chr17	46723731	46724383	RP11-357H14.20	ENSG00000233283	328	0.37	0.21	0.071	0.16	NA
chr17	7254622	7255808	KCTD11	ENSG00000213859	7	0.22	0.18	0.072	0.042	NA
chr17	15902500	15903688	TTC19	ENSG00000011295	312	0.21	0.16	0.074	0.045	NA
chr17	7982631	7983560	AC129492.6	ENSG00000214999	295	0.21	0.28	0.076	-0.073	NA
chr17	68164913	68165720	KCNJ2	ENSG00000123700	-360	0.25	0.18	0.076	0.068	NA
chr17	4634567	4635230	MED11	ENSG00000161920	175	0.19	0.33	0.077	-0.14	NA
chr17	31203451	31204185	AC084809.2	ENSG00000226377	41	0.14	0.2	0.077	-0.058	NA
chr17	72983621	72984591	CDR2L	ENSG00000109089	379	0.16	0.21	0.077	-0.047	NA
chr17	80055179	80057276	FASN	ENSG00000169710	-121	0.2	0.16	0.077	0.037	NA
chr17	8286376	8287336	RPL26	ENSG00000161970	-288	0.29	0.2	0.078	0.09	NA
chr17	47438906	47439938	ZNF652	ENSG00000198740	-67	0.28	0.22	0.078	0.064	NA
chr17	48206663	48207601	SAMD14	ENSG00000167100	-14	0.21	0.16	0.078	0.055	NA
chr17	43298725	43299640	AC008105.1	ENSG00000246393	-50	0.2	0.16	0.08	0.046	NA
chr17	27503598	27504014	MYO18A	ENSG00000196535	-36	0.25	0.17	0.081	0.076	NA
chr17	4842858	4843636	RNF167	ENSG00000108523	-176	0.26	0.2	0.082	0.062	NA
chr17	73717023	73717847	ITGB4	ENSG00000132470	-81	0.24	0.32	0.082	-0.075	NA
chr17	19281000	19282541	MAPK7	ENSG00000166484	736	0.24	0.19	0.083	0.059	NA
chr17	7591494	7591839	WRAP53	ENSG00000141499	27	0.25	0.45	0.084	-0.2	NA
chr17	28705363	28706818	CPD	ENSG00000108582	148	0.18	0.14	0.084	0.038	NA
chr17	73452534	73452898	KIAA0195	ENSG00000177728	52	0.32	0.19	0.084	0.13	NA
chr17	57642720	57643294	DHX40	ENSG00000108406	121	0.25	0.37	0.088	-0.11	NA
chr17	6939137	6940090	SLC16A13	ENSG00000174327	136	0.25	0.14	0.089	0.12	NA

chr17	6554832	6555585	MED31	ENSG00000108590	-254	0.27	0.19	0.091	0.075	NA
chr17	43971410	43975040	MAPT	ENSG00000186868	1477	0.21	0.14	0.091	0.074	NA
chr17	79268367	79269467	SLC38A10	ENSG00000157637	-203	0.24	0.18	0.091	0.053	NA
chr17	27052941	27054084	TLCD1	ENSG00000160606	-286	0.17	0.26	0.092	-0.081	NA
chr17	62501479	62503566	CEP95	ENSG00000257066	267	0.23	0.2	0.092	0.038	NA
chr17	1388686	1389730	MYO1C	ENSG00000197879	-157	0.27	0.23	0.093	0.044	NA
chr17	41561040	41561370	DHX8	ENSG00000067596	-126	0.44	0.21	0.095	0.22	NA
chr17	5371848	5372318	DHX33	ENSG00000005100	98	0.23	0.18	0.096	0.054	NA
chr17	29994	31868	DOC2B	ENSG00000187939	339	0.23	0.2	0.098	0.035	NA
chr17	4736432	4737100	MINK1	ENSG00000141503	131	0.18	0.13	0.098	0.054	NA
chr17	7492314	7492945	SOX15	ENSG00000129194	761	0.16	0.23	0.1	-0.072	NA
chr17	8924167	8926920	NTN1	ENSG00000065320	684	0.22	0.19	0.1	0.031	NA
chr17	73780846	73781308	UNK	ENSG00000132478	396	0.16	0.24	0.1	-0.087	NA
chr17	81009245	81009999	B3GNTL1	ENSG00000175711	64	0.16	0.22	0.1	-0.06	NA
chr17	8152514	8152833	PFAS	ENSG00000178921	69	0.18	0.11	0.11	0.071	NA
chr17	14202632	14203258	HS3ST3B1	ENSG00000125430	-1455	0.22	0.3	0.11	-0.075	NA
chr17	18684525	18685009	FAM18B1	ENSG00000171928	140	0.1	0.46	0.11	-0.36	NA
chr17	34890466	34891480	MYO19	ENSG00000141140	-250	0.16	0.21	0.11	-0.052	NA
chr17	38256635	38257082	NR1D1	ENSG00000126368	120	0.27	0.17	0.11	0.095	NA
chr17	46687527	46688730	HOXB7	ENSG00000120087	251	0.25	0.2	0.11	0.044	NA
chr17	58228061	58228361	CA4	ENSG00000167434	909	0.43	0.86	0.11	-0.42	NA
chr17	79212416	79213771	C17orf56	ENSG00000167302	-238	0.17	0.22	0.11	-0.05	NA
chr17	80332182	80333671	UTS2R	ENSG00000181408	773	0.33	0.38	0.11	-0.051	NA
chr17	4890282	4890991	AC004771.1	ENSG00000203562	334	0.21	0.16	0.12	0.051	NA
chr17	16472074	16472800	ZNF287	ENSG00000141040	46	0.16	0.24	0.12	-0.075	NA
chr17	16556713	16557203	ZNF624	ENSG00000197566	183	0.23	0.17	0.12	0.063	NA
chr17	27224005	27224873	FLOT2	ENSG00000132589	188	0.29	0.22	0.12	0.067	NA
chr17	29421595	29422067	NF1	ENSG00000196712	-114	0.25	0.37	0.12	-0.12	NA
chr17	33814234	33814947	SLFN12L	ENSG00000205045	263	0.27	0.4	0.12	-0.13	NA
chr17	34957833	34958790	MRM1	ENSG00000129282	310	0.27	0.22	0.12	0.05	NA

chr17	46658948	46660003	RP11-357H14.16	ENSG00000257178	146	0.22	0.31	0.12	-0.096	NA
chr17	46670522	46671458	HOXB5	ENSG00000120075	333	0.16	0.29	0.12	-0.13	NA
chr17	48194634	48195085	SAMD14	ENSG00000167100	304	0.58	0.5	0.12	0.07	NA
chr17	48585385	48586167	RP11-94C24.6	ENSG00000249451	-87	0.17	0.24	0.12	-0.067	NA
chr17	62223224	62224124	SNORD104	ENSG00000199753	231	0.27	0.19	0.12	0.08	NA
chr17	80085040	80085333	CCDC57	ENSG00000176155	1246	0.93	0.85	0.12	0.086	NA
chr17	4900357	4901798	INCA1	ENSG00000196388	-172	0.25	0.21	0.13	0.042	NA
chr17	7464666	7465823	SENP3	ENSG00000161956	-28	0.19	0.26	0.13	-0.062	NA
chr17	18761273	18761853	PRPSAP2	ENSG00000141127	143	0.18	0.13	0.13	0.058	NA
chr17	26645860	26646605	TMEM97	ENSG00000109084	71	0.1	0.32	0.13	-0.22	NA
chr17	26925742	26926512	AC005726.11	ENSG00000227543	319	0.25	0.32	0.13	-0.072	NA
chr17	32366900	32367406	TLK2P1	ENSG00000226049	-262	0.87	0.75	0.13	0.12	NA
chr17	46619087	46619314	RP11-357H14.12	ENSG00000230148	-817	0.32	0.5	0.13	-0.18	NA
chr17	48942949	48944943	TOB1	ENSG00000141232	-240	0.22	0.18	0.13	0.048	NA
chr17	15466359	15466843	FAM18B2	ENSG00000175106	161	0.22	0.12	0.14	0.097	NA
chr17	1627745	1629897	WDR81	ENSG00000167716	987	0.4	0.46	0.14	-0.053	NA
chr17	4166705	4167353	ANKFY1	ENSG00000185722	245	0.26	0.21	0.14	0.059	NA
chr17	4850942	4853907	ENO3	ENSG00000108515	1037	0.22	0.25	0.14	-0.031	NA
chr17	7284223	7284687	TNK1	ENSG00000174292	90	0.3	0.21	0.14	0.089	NA
chr17	16255618	16257148	CENPV	ENSG00000166582	387	0.19	0.24	0.14	-0.048	NA
chr17	16394833	16395843	C17orf76	ENSG00000181350	-6	0.19	0.23	0.14	-0.04	NA
chr17	33416129	33416578	RFFL	ENSG00000092871	-39	0.15	0.2	0.14	-0.054	NA
chr17	38219084	38219880	THRA	ENSG00000126351	330	0.24	0.18	0.14	0.053	NA
chr17	38472958	38473201	RARA	ENSG00000131759	-1394	0.26	0.38	0.14	-0.12	NA
chr17	48172460	48172994	PDK2	ENSG00000005882	88	0.27	0.19	0.14	0.081	NA
chr17	72732848	72733545	RAB37	ENSG00000172794	237	0.17	0.24	0.14	-0.062	NA
chr17	635203	636499	FAM57A	ENSG00000167695	4	0.23	0.18	0.15	0.045	NA
chr17	42440522	42441281	FAM171A2	ENSG00000161682	342	0.18	0.14	0.15	0.043	NA
chr17	47865974	47866724	MYST2	ENSG00000136504	306	0.23	0.17	0.15	0.054	NA
chr17	56769865	56770295	RAD51C	ENSG00000108384	146	0.2	0.28	0.15	-0.074	NA

chr17	74135922	74137802	AC018665.1	ENSG00000247180	225	0.29	0.24	0.15	0.047	NA
chr17	79678936	79679805	SLC25A10	ENSG00000183048	33	0.28	0.22	0.15	0.055	NA
chr17	80250226	80251057	AC132872.2	ENSG00000244773	49	0.32	0.43	0.15	-0.11	NA
chr17	5322507	5323716	RPAIN	ENSG00000129197	150	0.25	0.2	0.16	0.051	NA
chr17	17726855	17727282	SREBF1	ENSG00000072310	-160	0.17	0.25	0.16	-0.074	NA
chr17	40120233	40120471	CNP	ENSG00000173786	1393	1	0.88	0.16	0.12	NA
chr17	45055317	45056838	RPRML	ENSG00000179673	537	0.22	0.26	0.16	-0.043	NA
chr17	46184836	46185174	SNX11	ENSG0000002919	94	0.25	0.35	0.16	-0.096	NA
chr17	61514752	61515386	CYB561	ENSG00000008283	603	0.87	0.76	0.16	0.11	NA
chr17	73257180	73258101	GGA3	ENSG00000125447	34	0.18	0.27	0.16	-0.094	NA
chr17	74580974	74582396	ST6GALNAC2	ENSG00000070731	460	0.21	0.18	0.16	0.035	NA
chr17	79987983	79990315	RAC3	ENSG00000169750	-383	0.25	0.22	0.16	0.035	NA
chr17	2652454	2653372	MIR1253	ENSG00000221200	-1437	0.38	0.29	0.17	0.095	NA
chr17	7348274	7348830	CHRNA1	ENSG00000170175	172	0.38	0.26	0.17	0.12	NA
chr17	7554139	7555338	ATP1B2	ENSG00000129244	484	0.17	0.25	0.17	-0.083	NA
chr17	15602778	15603315	ZNF286A	ENSG00000187607	155	0.24	0.15	0.17	0.09	NA
chr17	27038084	27038919	PROCA1	ENSG00000167525	-397	0.18	0.24	0.17	-0.058	NA
chr17	32484007	32484280	ACCN1	ENSG00000108684	-592	0.31	0.2	0.17	0.11	NA
chr17	37557366	37558982	FBXL20	ENSG00000108306	-276	0.26	0.2	0.17	0.064	NA
chr17	45266251	45266974	CDC27	ENSG00000004897	-310	0.25	0.19	0.17	0.057	NA
chr17	46654053	46654369	HOXB3	ENSG00000120093	-1299	0.23	0.31	0.17	-0.078	NA
chr17	48041282	48043064	U6	ENSG00000199492	1367	0.28	0.32	0.17	-0.039	NA
chr17	56609025	56609583	4-Sep	ENSG00000108387	107	0.34	0.24	0.17	0.1	NA
chr17	73873528	73874923	TRIM47	ENSG00000132481	431	0.2	0.25	0.17	-0.051	NA
chr17	263083	263412	AC108004.3	ENSG00000241525	567	0.92	0.99	0.18	-0.069	NA
chr17	1011844	1012968	ABR	ENSG00000159842	-82	0.17	0.21	0.18	-0.04	NA
chr17	4045792	4047367	ZZEF1	ENSG00000074755	-265	0.29	0.2	0.18	0.09	NA
chr17	4401959	4403323	SPNS2	ENSG00000183018	512	0.28	0.23	0.18	0.046	NA
chr17	5019637	5019879	USP6	ENSG00000129204	25	0.41	0.58	0.18	-0.17	NA
chr17	7342829	7344028	FGF11	ENSG00000161958	739	0.25	0.31	0.18	-0.063	NA

chr17	37823693	37824989	PNMT	ENSG00000141744	107	0.31	0.26	0.18	0.047	NA
chr17	72667195	72667710	RAB37	ENSG00000172794	196	0.25	0.17	0.18	0.081	NA
chr17	899842	900763	TIMM22	ENSG00000177370	-55	0.21	0.25	0.19	-0.045	NA
chr17	17685016	17687240	RAI1	ENSG00000108557	682	0.21	0.26	0.19	-0.041	NA
chr17	31254874	31255392	TMEM98	ENSG00000006042	205	0.38	0.28	0.19	0.11	NA
chr17	37353205	37353877	CACNB1	ENSG00000067191	360	0.23	0.15	0.19	0.074	NA
chr17	40985007	40985922	PSME3	ENSG00000131467	41	0.21	0.16	0.19	0.051	NA
chr17	43238260	43239233	HEXIM2	ENSG00000168517	475	0.18	0.31	0.19	-0.13	NA
chr17	72199932	72200428	RPL38	ENSG00000172809	336	0.36	0.22	0.19	0.14	NA
chr17	74303478	74304428	QRICH2	ENSG00000129646	-307	0.98	0.96	0.19	0.017	NA
chr17	74722031	74723420	JMJD6	ENSG00000070495	-67	0.18	0.15	0.19	0.03	NA
chr17	79884679	79887084	MAFG	ENSG00000197063	-293	0.22	0.18	0.19	0.037	NA
chr17	80655335	80657183	RAB40B	ENSG00000141542	339	0.2	0.18	0.19	0.027	NA
chr17	3795519	3796868	CAMKK1	ENSG00000004660	144	0.24	0.2	0.2	0.041	NA
chr17	6543354	6544563	TXNDC17	ENSG00000129235	-120	0.23	0.18	0.2	0.046	NA
chr17	42276906	42278143	ATXN7L3	ENSG00000087152	-71	0.26	0.32	0.2	-0.063	NA
chr17	74235758	74237211	RNF157	ENSG00000141576	-94	0.23	0.18	0.2	0.045	NA
chr17	77922721	77922973	TBC1D16	ENSG00000167291	1790	0.98	0.92	0.2	0.057	NA
chr17	79614850	79615559	NPLOC4	ENSG00000182446	1172	0.17	0.22	0.2	-0.049	NA
chr17	5185519	5185873	RABEP1	ENSG00000029725	138	0.11	0.18	0.21	-0.072	NA
chr17	22016769	22017189	AC131055.14	ENSG00000243564	1920	0.71	0.82	0.21	-0.11	NA
chr17	30333963	30334815	LRRRC37B	ENSG00000185158	-648	0.26	0.16	0.21	0.1	NA
chr17	37356486	37356945	RPL19	ENSG00000108298	179	0.26	0.19	0.21	0.063	NA
chr17	38024145	38024637	ZPBP2	ENSG00000186075	-78	0.28	0.34	0.21	-0.053	NA
chr17	43339124	43339832	C17orf46	ENSG00000184361	-17	0.24	0.16	0.21	0.08	NA
chr17	61919659	61920656	SMARCD2	ENSG00000108604	-228	0.32	0.26	0.21	0.057	NA
chr17	1933138	1933852	DPH1	ENSG00000108963	64	0.19	0.14	0.22	0.052	NA
chr17	27276219	27278877	PHF12	ENSG00000109118	374	0.21	0.24	0.22	-0.033	NA
chr17	34948053	34948902	DHRS11	ENSG00000108272	148	0.24	0.2	0.22	0.039	NA
chr17	46125046	46126233	NFE2L1	ENSG00000082641	-47	0.23	0.17	0.22	0.058	NA

chr17	73851260	73852222	WBP2	ENSG00000132471	-351	0.24	0.18	0.22	0.059	NA
chr17	76228110	76228380	TMEM235	ENSG00000204278	123	0.28	0.21	0.22	0.069	NA
chr17	6915824	6916201	RNASEK	ENSG00000219200	61	0.26	0.16	0.23	0.11	NA
chr17	8023960	8024239	ALOXE3	ENSG00000179148	-1865	0.29	0.19	0.23	0.1	NA
chr17	33776553	33776888	SLFN13	ENSG00000154760	-864	0.19	0.14	0.23	0.052	NA
chr17	59940825	59941067	BRIP1	ENSG00000136492	-191	0.23	0.17	0.23	0.066	NA
chr17	75136325	75137730	SEC14L1	ENSG00000129657	22	0.22	0.19	0.23	0.029	NA
chr17	78233888	78235283	RNF213	ENSG00000173821	-80	0.24	0.19	0.23	0.047	NA
chr17	10632789	10633490	TMEM220	ENSG00000187824	507	0.21	0.5	0.24	-0.29	NA
chr17	18906909	18908243	FAM83G	ENSG00000188522	-195	0.39	0.35	0.24	0.036	NA
chr17	40332597	40333471	KCNH4	ENSG00000089558	262	0.41	0.29	0.24	0.12	NA
chr17	5342128	5342631	C1QBP	ENSG00000108561	92	0.19	0.14	0.25	0.054	NA
chr17	7382266	7382710	ZBTB4	ENSG00000174282	456	0.33	0.21	0.25	0.11	NA
chr17	7818938	7819763	AC025335.1	ENSG00000179859	239	0.2	0.25	0.25	-0.046	NA
chr17	14201726	14202052	AC005224.1	ENSG00000245153	-972	0.35	0.49	0.25	-0.14	NA
chr17	17067576	17067940	MPRIP	ENSG00000133030	-216	0.92	0.96	0.25	-0.042	NA
chr17	46178149	46178943	CBX1	ENSG00000108468	14	0.26	0.2	0.25	0.062	NA
chr17	7475916	7477330	EIF4A1	ENSG00000161960	599	0.24	0.21	0.26	0.033	NA
chr17	9066152	9066388	NTN1	ENSG00000065320	18	0.99	0.96	0.26	0.03	NA
chr17	35715796	35716627	ACACA	ENSG00000132142	-152	0.3	0.22	0.26	0.072	NA
chr17	42785900	42786278	DBF4B	ENSG00000161692	113	0.12	0.17	0.26	-0.055	NA
chr17	47209811	47210740	B4GALNT2	ENSG00000167080	453	0.17	0.13	0.26	0.044	NA
chr17	48474516	48475047	LRRC59	ENSG00000108829	133	0.22	0.14	0.26	0.076	NA
chr17	58156010	58156427	HEATR6	ENSG00000068097	64	0.15	0.2	0.26	-0.049	NA
chr17	65373224	65375131	PITPNC1	ENSG00000154217	253	0.18	0.2	0.26	-0.026	NA
chr17	1944947	1945621	OVCA2	ENSG00000214014	7	0.16	0.19	0.27	-0.039	NA
chr17	2239630	2241547	TSR1	ENSG00000167721	90	0.17	0.2	0.27	-0.025	NA
chr17	45400874	45401440	C17orf57	ENSG00000178852	263	0.26	0.38	0.27	-0.13	NA
chr17	46810609	46810945	CTD-2377D24.4	ENSG00000242407	324	0.33	0.12	0.27	0.21	NA
chr17	57183628	57184441	AC099850.1	ENSG00000224738	75	0.17	0.2	0.27	-0.035	NA

chr17	65040729	65041029	CACNG1	ENSG00000108878	173	0.91	1	0.27	-0.087	NA
chr17	72426783	72428977	GPRC5C	ENSG00000170412	828	0.21	0.19	0.27	0.025	NA
chr17	79875425	79876124	SIRT7	ENSG00000187531	266	0.32	0.26	0.27	0.062	NA
chr17	3571224	3572618	TAX1BP3	ENSG00000213977	55	0.18	0.21	0.28	-0.032	NA
chr17	61850684	61852062	CCDC47	ENSG00000108588	-443	0.22	0.24	0.28	-0.026	NA
chr17	73008562	73009170	ICT1	ENSG00000167862	86	0.16	0.21	0.28	-0.042	NA
chr17	77901065	77901333	AC100791.3	ENSG00000248706	-675	0.9	0.82	0.28	0.085	NA
chr17	79846204	79846486	THOC4	ENSG00000183684	518	0.88	0.93	0.28	-0.048	NA
chr17	1302606	1303889	YWHAE	ENSG00000108953	182	0.25	0.22	0.29	0.029	NA
chr17	2614320	2615630	KIAA0664	ENSG00000132361	-48	0.23	0.18	0.29	0.05	NA
chr17	7218175	7218960	GPS2	ENSG00000132522	-125	0.23	0.19	0.29	0.036	NA
chr17	11501631	11502328	DNAH9	ENSG00000007174	231	0.31	0.22	0.29	0.091	NA
chr17	19770306	19771508	ULK2	ENSG00000083290	323	0.2	0.23	0.29	-0.035	NA
chr17	48613878	48614466	EPN3	ENSG00000049283	384	0.94	0.98	0.29	-0.037	NA
chr17	73774789	73776044	H3F3B	ENSG00000132475	444	0.24	0.2	0.29	0.036	NA
chr17	73936881	73937417	FBF1	ENSG00000188878	-43	0.13	0.17	0.29	-0.036	NA
chr17	78074902	78075761	GAA	ENSG00000171298	-24	0.21	0.18	0.29	0.031	NA
chr17	15165796	15166506	PMP22	ENSG00000109099	-350	0.4	0.24	0.3	0.16	NA
chr17	26898105	26898781	PIGS	ENSG00000087111	71	0.23	0.28	0.3	-0.048	NA
chr17	28443746	28444011	CCDC55	ENSG00000126653	79	0.13	0.27	0.3	-0.14	NA
chr17	34842308	34842930	ZNHIT3	ENSG00000108278	140	0.17	0.23	0.3	-0.063	NA
chr17	45908784	45909067	MRPL10	ENSG00000159111	-42	0.14	0.18	0.3	-0.041	NA
chr17	4613400	4614423	ARRB2	ENSG00000141480	127	0.24	0.21	0.31	0.034	NA
chr17	36412765	36413545	RP11-1407O15.2	ENSG00000174093	-22	0.2	0.09	0.31	0.11	NA
chr17	36858278	36861697	MLLT6	ENSG00000108292	-1808	0.27	0.25	0.31	0.022	NA
chr17	42219153	42219616	C17orf53	ENSG00000125319	110	0.23	0.18	0.31	0.051	NA
chr17	46631800	46632212	HOXB3	ENSG00000120093	-722	0.24	0.18	0.31	0.055	NA
chr17	2496493	2498023	PAFAH1B1	ENSG00000007168	335	0.24	0.21	0.32	0.027	NA
chr17	40976159	40976421	BECN1	ENSG00000126581	11	0.19	0.14	0.32	0.052	NA
chr17	17108771	17109701	PLD6	ENSG00000179598	396	0.23	0.27	0.33	-0.049	NA

chr17	47072820	47076042	IGF2BP1	ENSG00000159217	-343	0.23	0.21	0.33	0.021	NA
chr17	53828422	53828738	PCTP	ENSG00000141179	-181	0.26	0.32	0.33	-0.067	NA
chr17	72855621	72858012	GRIN2C	ENSG00000161509	-818	0.22	0.25	0.33	-0.027	NA
chr17	8092418	8093706	C17orf59	ENSG00000196544	502	0.21	0.19	0.34	0.024	NA
chr17	30469332	30469942	RHOT1	ENSG00000126858	164	0.2	0.16	0.34	0.037	NA
chr17	42263945	42264804	C17orf65	ENSG00000168597	-292	0.25	0.33	0.34	-0.085	NA
chr17	46690390	46691055	HOXB8	ENSG00000120068	119	0.14	0.19	0.34	-0.052	NA
chr17	61699007	61700728	MAP3K3	ENSG00000198909	66	0.15	0.18	0.34	-0.027	NA
chr17	73127196	73127995	NT5C	ENSG00000125458	282	0.21	0.25	0.34	-0.042	NA
chr17	8059556	8060237	PER1	ENSG00000179094	-218	0.29	0.35	0.35	-0.063	NA
chr17	8151126	8151520	CTC1	ENSG00000178971	90	0.17	0.25	0.35	-0.077	NA
chr17	36003250	36003528	DDX52	ENSG00000141141	85	0.28	0.22	0.35	0.062	NA
chr17	55927212	55928098	MRPS23	ENSG00000181610	-256	0.18	0.24	0.35	-0.054	NA
chr17	3749138	3749778	C17orf85	ENSG00000074356	82	0.21	0.18	0.36	0.031	NA
chr17	15244705	15245126	TEKT3	ENSG00000125409	-16	0.2	0.28	0.36	-0.079	NA
chr17	45773451	45773695	TBKBP1	ENSG00000198933	943	0.92	0.83	0.36	0.085	NA
chr17	46800533	46800746	HOXB13-AS1	ENSG00000229637	109	0.76	0.5	0.36	0.26	NA
chr17	61926232	61926943	AC015651.1	ENSG00000240280	-65	0.18	0.14	0.36	0.043	NA
chr17	3626924	3627839	GSG2	ENSG00000177602	170	0.21	0.25	0.37	-0.035	NA
chr17	9808067	9808339	RCVRN	ENSG00000109047	481	0.94	1	0.37	-0.056	NA
chr17	38255274	38255896	NR1D1	ENSG00000126368	1393	0.2	0.16	0.37	0.039	NA
chr17	74732345	74734222	MIR636	ENSG00000207556	-653	0.24	0.22	0.37	0.019	NA
chr17	79669571	79670811	SLC25A10	ENSG00000183048	-213	0.22	0.19	0.37	0.028	NA
chr17	1613226	1614110	TLCD2	ENSG00000185561	-17	0.25	0.22	0.38	0.034	NA
chr17	2302892	2305402	MNT	ENSG00000070444	207	0.18	0.2	0.38	-0.018	NA
chr17	20492358	20492695	MEIS3P2	ENSG00000188013	155	0.26	0.2	0.38	0.058	NA
chr17	21187552	21188443	MAP2K3	ENSG00000034152	13	0.19	0.22	0.38	-0.03	NA
chr17	36762334	36763118	SRCIN1	ENSG00000017373	-543	0.23	0.18	0.38	0.044	NA
chr17	41855634	41856346	DUSP3	ENSG00000108861	315	0.25	0.2	0.38	0.047	NA
chr17	73974971	73975731	ACOX1	ENSG00000161533	-142	0.24	0.2	0.38	0.041	NA

chr17	8339002	8339960	NDEL1	ENSG00000166579	302	0.18	0.21	0.39	-0.023	NA
chr17	38501396	38501839	RARA	ENSG00000131759	124	0.2	0.11	0.39	0.085	NA
chr17	46985588	46986537	UBE2Z	ENSG00000159202	331	0.17	0.15	0.39	0.022	NA
chr17	56832961	56833986	PPM1E	ENSG00000175175	241	0.23	0.2	0.39	0.022	NA
chr17	64298047	64299617	PRKCA	ENSG00000154229	-112	0.27	0.24	0.39	0.026	NA
chr17	76836060	76837438	USP36	ENSG00000055483	-140	0.18	0.15	0.39	0.03	NA
chr17	40074291	40075380	ACLY	ENSG00000131473	401	0.23	0.26	0.4	-0.035	NA
chr17	42092143	42092432	TMEM101	ENSG00000091947	58	0.24	0.33	0.4	-0.091	NA
chr17	79894668	79895533	PYCR1	ENSG00000183010	-132	0.23	0.2	0.4	0.038	NA
chr17	28618370	28619273	BLMH	ENSG00000108578	46	0.2	0.16	0.41	0.04	NA
chr17	38803944	38804703	SMARCE1	ENSG00000073584	-258	0.19	0.23	0.41	-0.037	NA
chr17	79859808	79860963	NPB	ENSG00000183979	313	0.22	0.18	0.41	0.032	NA
chr17	7339808	7340896	TMEM102	ENSG00000181284	1579	0.23	0.25	0.42	-0.026	NA
chr17	17140117	17141080	FLCN	ENSG00000154803	-145	0.18	0.23	0.42	-0.051	NA
chr17	28256826	28257408	EFCAB5	ENSG00000176927	243	0.18	0.36	0.42	-0.18	NA
chr17	36102033	36104766	HNF1B	ENSG00000108753	1610	0.23	0.25	0.42	-0.018	NA
chr17	40688033	40688745	NAGLU	ENSG00000108784	121	0.22	0.18	0.42	0.033	NA
chr17	41910030	41910818	MPP3	ENSG00000161647	90	0.24	0.19	0.42	0.059	NA
chr17	61904726	61905184	PSMC5	ENSG00000087191	145	0.11	0.12	0.42	-0.02	NA
chr17	76309952	76310551	AC061992.2	ENSG00000238167	-1559	0.2	0.16	0.42	0.038	NA
chr17	79826700	79827675	ARHGDIA	ENSG00000141522	1603	0.52	0.56	0.42	-0.037	NA
chr17	26368586	26369133	NLK	ENSG00000087095	-323	0.23	0.28	0.43	-0.052	NA
chr17	30770960	30772137	PSMD11	ENSG00000108671	46	0.24	0.2	0.43	0.038	NA
chr17	36886108	36886525	CISD3	ENSG00000230055	-194	0.2	0.39	0.43	-0.19	NA
chr17	40119811	40120047	CNP	ENSG00000173786	970	0.94	0.71	0.43	0.22	NA
chr17	5973315	5974449	WSCD1	ENSG00000179314	-52	0.27	0.24	0.44	0.034	NA
chr17	26219938	26220475	C17orf108	ENSG00000232859	179	0.23	0.26	0.44	-0.033	NA
chr17	27942532	27945388	CORO6	ENSG00000167549	1175	0.23	0.25	0.44	-0.019	NA
chr17	30228604	30228962	UTP6	ENSG00000108651	-52	0.2	0.14	0.44	0.059	NA
chr17	79478235	79482426	ACTG1	ENSG00000184009	-503	0.23	0.21	0.44	0.014	NA

chr17	79828636	79830135	ARHGDI A	ENSG00000141522	-595	0.23	0.2	0.44	0.026	NA
chr17	685150	685988	GLOD4	ENSG00000167699	-62	0.21	0.24	0.45	-0.031	NA
chr17	4487398	4488482	SMTNL2	ENSG00000188176	106	0.17	0.19	0.45	-0.022	NA
chr17	8024758	8026862	HES7	ENSG00000179111	1600	0.21	0.19	0.45	0.016	NA
chr17	10101034	10102440	GAS7	ENSG00000007237	131	0.2	0.22	0.45	-0.019	NA
chr17	19912539	19913409	SPECC1	ENSG00000128487	360	0.24	0.21	0.45	0.023	NA
chr17	36584420	36585453	ARHGAP23	ENSG00000225485	216	0.26	0.22	0.45	0.037	NA
chr17	40573740	40575526	PTRF	ENSG00000177469	482	0.23	0.2	0.45	0.027	NA
chr17	40935964	40936180	WNK4	ENSG00000126562	445	0.24	0.31	0.45	-0.062	NA
chr17	42836548	42836932	ADAM11	ENSG00000073670	172	0.26	0.35	0.45	-0.087	NA
chr17	47091973	47092211	IGF2BP1	ENSG00000159217	813	0.82	1	0.45	-0.18	NA
chr17	60142247	60143516	MED13	ENSG00000108510	-238	0.21	0.19	0.45	0.023	NA
chr17	70587771	70589080	AC007639.1	ENSG00000227036	516	0.19	0.22	0.45	-0.029	NA
chr17	75447477	75447821	9-Sep	ENSG00000184640	1036	0.24	0.33	0.45	-0.094	NA
chr17	33700487	33700760	SLFN11	ENSG00000172716	3	0.16	0.22	0.46	-0.067	NA
chr17	41622604	41624165	ETV4	ENSG00000175832	-303	0.2	0.18	0.46	0.019	NA
chr17	42906810	42908061	GJC1	ENSG00000182963	172	0.22	0.24	0.46	-0.027	NA
chr17	58041846	58042463	RNFT1	ENSG00000189050	-74	0.18	0.21	0.46	-0.038	NA
chr17	58754625	58755480	BCAS3	ENSG00000141376	-120	0.34	0.28	0.46	0.053	NA
chr17	72918995	72921019	USH1G	ENSG00000182040	-656	0.28	0.25	0.46	0.027	NA
chr17	36903871	36906328	PCGF2	ENSG00000056661	-541	0.23	0.21	0.47	0.018	NA
chr17	48276877	48279008	COL1A1	ENSG00000108821	-390	0.27	0.24	0.47	0.024	NA
chr17	5389390	5390283	DERL2	ENSG00000072849	-299	0.22	0.18	0.48	0.044	NA
chr17	8028781	8029012	HES7	ENSG00000179111	-1486	0.16	0.29	0.48	-0.12	NA
chr17	8191864	8192495	RANGRF	ENSG00000108961	210	0.23	0.2	0.48	0.029	NA
chr17	33775294	33775794	SLFN13	ENSG00000154760	-156	0.3	0.39	0.48	-0.088	NA
chr17	43024658	43025344	KIF18B	ENSG00000186185	81	0.25	0.22	0.48	0.035	NA
chr17	48423773	48424111	XYLT2	ENSG00000015532	445	0.17	0.21	0.48	-0.043	NA
chr17	26662071	26663048	IFT20	ENSG00000109083	-83	0.21	0.19	0.49	0.026	NA
chr17	29151481	29151901	CRLF3	ENSG00000176390	-2	0.17	0.11	0.49	0.061	NA

chr17	35766664	35767335	ACACA	ENSG00000132142	-128	0.2	0.23	0.49	-0.03	NA
chr17	41150292	41150649	RPL27	ENSG00000131469	24	0.28	0.33	0.49	-0.054	NA
chr17	46691520	46692097	HOXB8	ENSG00000120068	670	0.23	0.31	0.49	-0.083	NA
chr17	46805553	46806148	HOXB13	ENSG00000159184	690	0.21	0.18	0.49	0.032	NA
chr17	58603022	58603710	APPBP2	ENSG00000062725	214	0.15	0.13	0.49	0.024	NA
chr17	66097528	66098631	AC005332.1	ENSG00000237854	371	0.24	0.22	0.49	0.026	NA
chr17	73149830	73150885	HN1	ENSG00000189159	-436	0.18	0.16	0.49	0.019	NA
chr17	37617531	37618045	CDK12	ENSG00000167258	49	0.28	0.36	0.5	-0.074	NA
chr17	617755	618559	VPS53	ENSG00000141252	-208	0.21	0.19	0.5	0.021	NA
chr17	37009471	37010118	RPL23	ENSG00000125691	-117	0.18	0.23	0.5	-0.05	NA
chr17	56296488	56296842	MKS1	ENSG00000011143	-72	0.15	0.18	0.5	-0.029	NA
chr17	32905965	32908951	C17orf102	ENSG00000197322	-1070	0.22	0.21	0.51	0.014	NA
chr17	21454388	21454938	C17orf51	ENSG00000212719	-128	0.36	0.3	0.52	0.056	NA
chr17	36105334	36105583	HNF1B	ENSG00000108753	-221	0.44	0.63	0.52	-0.19	NA
chr17	42295861	42299719	UBTF	ENSG00000108312	-1920	0.23	0.24	0.52	-0.013	NA
chr17	43506828	43510380	ARHGAP27	ENSG00000159314	-959	0.39	0.45	0.52	-0.056	NA
chr17	57784754	57785108	PTRH2	ENSG00000141378	-141	0.23	0.28	0.52	-0.055	NA
chr17	74070404	74073530	GALR2	ENSG00000182687	1092	0.23	0.22	0.52	0.015	NA
chr17	79804259	79804488	P4HB	ENSG00000185624	10	0.96	0.92	0.52	0.033	NA
chr17	26698359	26699557	SARM1	ENSG00000004139	-29	0.24	0.27	0.53	-0.021	NA
chr17	29035201	29037521	SUZ12P	ENSG00000247185	-296	0.21	0.24	0.53	-0.023	NA
chr17	37761691	37763551	NEUROD2	ENSG00000171532	1575	0.2	0.22	0.53	-0.021	NA
chr17	42835776	42836242	ADAM11	ENSG00000073670	-559	0.24	0.33	0.53	-0.097	NA
chr17	44928287	44929690	WNT9B	ENSG00000158955	36	0.21	0.19	0.53	0.015	NA
chr17	56234321	56234827	AC005962.1	ENSG00000229590	-235	0.22	0.36	0.53	-0.14	NA
chr17	61678154	61678678	TACO1	ENSG00000136463	185	0.19	0.22	0.53	-0.03	NA
chr17	66596072	66597578	FAM20A	ENSG00000108950	270	0.24	0.23	0.53	0.015	NA
chr17	8022050	8022306	ALOXE3	ENSG00000179148	56	0.17	0.26	0.54	-0.091	NA
chr17	40306909	40307263	RAB5C	ENSG00000108774	-104	0.22	0.29	0.54	-0.065	NA
chr17	48784561	48785331	ANKRD40	ENSG00000154945	70	0.17	0.19	0.54	-0.024	NA

chr17	79283863	79284131	C17orf55	ENSG00000185168	-949	0.95	0.93	0.54	0.025	NA
chr17	79790530	79791553	FAM195B	ENSG00000225663	126	0.15	0.17	0.54	-0.017	NA
chr17	79818230	79819299	P4HB	ENSG00000185624	-376	0.34	0.29	0.54	0.044	NA
chr17	1419442	1420434	INPP5K	ENSG00000132376	-50	0.2	0.18	0.55	0.021	NA
chr17	21116850	21118031	AC087294.2	ENSG00000235530	-231	0.17	0.18	0.55	-0.018	NA
chr17	39942175	39943176	JUP	ENSG00000173801	-353	0.21	0.19	0.55	0.023	NA
chr17	6679205	6679710	FBXO39	ENSG00000177294	-94	0.25	0.22	0.56	0.035	NA
chr17	26879239	26879787	UNC119	ENSG00000109103	65	0.17	0.19	0.56	-0.021	NA
chr17	35305758	35306757	AATF	ENSG00000108270	82	0.23	0.21	0.56	0.022	NA
chr17	66286541	66288532	SLC16A6	ENSG00000108932	-131	0.2	0.21	0.56	-0.018	NA
chr17	72931729	72932601	OTOP3	ENSG00000182938	268	0.18	0.2	0.56	-0.022	NA
chr17	1927051	1929408	RTN4RL1	ENSG00000185924	-51	0.19	0.18	0.57	0.012	NA
chr17	16520938	16521317	AC005822.1	ENSG00000235554	68	0.96	0.98	0.57	-0.019	NA
chr17	36981373	36981750	CWC25	ENSG00000108296	7	0.15	0.19	0.57	-0.036	NA
chr17	41476220	41476715	ARL4D	ENSG00000175906	114	0.16	0.2	0.57	-0.042	NA
chr17	41977922	41978130	MPP2	ENSG00000108852	-60	0.24	0.3	0.57	-0.057	NA
chr17	42276291	42276738	ATXN7L3	ENSG00000087152	939	0.27	0.5	0.57	-0.23	NA
chr17	7145479	7146709	GABARAP	ENSG00000170296	-322	0.21	0.23	0.58	-0.023	NA
chr17	18585239	18585829	FOXO3B	ENSG00000213688	-17	0.13	0.11	0.58	0.029	NA
chr17	77751378	77751673	CBX2	ENSG00000173894	-452	0.23	0.26	0.58	-0.035	NA
chr17	78518750	78519083	RPTOR	ENSG00000141564	291	0.49	0.4	0.58	0.083	NA
chr17	1551730	1553249	RILP	ENSG00000167705	863	0.19	0.21	0.59	-0.015	NA
chr17	29248847	29249926	ADAP2	ENSG00000184060	688	0.23	0.2	0.59	0.023	NA
chr17	38599669	38600306	IGFBP4	ENSG00000141753	285	0.22	0.2	0.59	0.028	NA
chr17	73201326	73202122	NUP85	ENSG00000125450	127	0.25	0.22	0.59	0.027	NA
chr17	74496992	74497632	RHBDF2	ENSG00000129667	196	0.25	0.29	0.59	-0.035	NA
chr17	7117596	7118085	DLG4	ENSG00000132535	-609	0.18	0.15	0.6	0.029	NA
chr17	16283927	16284768	UBB	ENSG00000170315	234	0.25	0.33	0.6	-0.086	NA
chr17	17697710	17698063	RAI1	ENSG00000108557	1623	0.93	0.87	0.6	0.061	NA
chr17	38083226	38084052	ORMDL3	ENSG00000172057	215	0.25	0.22	0.6	0.023	NA

chr17	40896658	40897234	EZH1	ENSG00000108799	125	0.19	0.24	0.6	-0.046	NA
chr17	42200521	42201543	HDAC5	ENSG00000108840	-18	0.16	0.19	0.6	-0.034	NA
chr17	73042577	73043316	ATP5H	ENSG00000167863	128	0.26	0.2	0.6	0.055	NA
chr17	76374443	76375201	PGS1	ENSG00000087157	87	0.2	0.22	0.6	-0.026	NA
chr17	27279335	27279669	PHF12	ENSG00000109118	-713	0.26	0.19	0.61	0.07	NA
chr17	42402787	42403266	SLC25A39	ENSG00000013306	-788	0.2	0.22	0.61	-0.028	NA
chr17	3375006	3375237	SPATA22	ENSG00000141255	-80	1	0.94	0.62	0.055	NA
chr17	27506889	27507607	MYO18A	ENSG00000196535	134	0.18	0.16	0.62	0.023	NA
chr17	43318429	43319243	AC138150.4	ENSG00000233175	-272	0.24	0.22	0.62	0.027	NA
chr17	47652789	47653078	NXPH3	ENSG00000182575	-287	0.3	0.21	0.62	0.086	NA
chr17	74099738	74100055	EXOC7	ENSG00000182473	-123	0.22	0.26	0.62	-0.043	NA
chr17	7184024	7185687	SLC2A4	ENSG00000181856	-198	0.2	0.19	0.63	0.016	NA
chr17	15163930	15164810	PMP22	ENSG00000109099	1431	0.19	0.23	0.63	-0.038	NA
chr17	28804336	28804693	GOSR1	ENSG00000108587	88	0.26	0.21	0.63	0.047	NA
chr17	42976710	42977118	EFTUD2	ENSG00000108883	-85	0.12	0.25	0.63	-0.13	NA
chr17	53498243	53499546	MMD	ENSG00000108960	447	0.2	0.21	0.63	-0.015	NA
chr17	5019050	5019551	USP6	ENSG00000129204	-433	0.34	0.31	0.64	0.025	NA
chr17	58468980	58469903	USP32	ENSG00000170832	-105	0.18	0.2	0.64	-0.019	NA
chr17	64831193	64831574	CACNG5	ENSG00000075429	148	0.14	0.16	0.64	-0.021	NA
chr17	79633256	79634230	C17orf90	ENSG00000204237	-125	0.2	0.21	0.64	-0.013	NA
chr17	15686218	15686474	IL6STP1	ENSG00000227018	-256	0.14	0.1	0.65	0.037	NA
chr17	41984148	41985012	MPP2	ENSG00000108852	21	0.22	0.25	0.65	-0.024	NA
chr17	48226223	48228625	PPP1R9B	ENSG00000108819	453	0.2	0.19	0.65	0.013	NA
chr17	56160754	56161494	DYNLL2	ENSG00000121083	344	0.18	0.16	0.65	0.023	NA
chr17	881733	883381	NXN	ENSG00000167693	453	0.19	0.21	0.66	-0.017	NA
chr17	3539318	3540484	SHPK	ENSG00000197417	-285	0.19	0.21	0.66	-0.015	NA
chr17	7517690	7518748	FXR2	ENSG00000129245	-4	0.24	0.21	0.66	0.027	NA
chr17	7608376	7608956	EFNB3	ENSG00000108947	146	0.25	0.22	0.66	0.026	NA
chr17	19483305	19483687	AC025627.7	ENSG00000228983	-24	0.18	0.2	0.66	-0.026	NA
chr17	27229475	27230178	DHRS13	ENSG00000167536	157	0.18	0.16	0.66	0.019	NA

chr17	40610746	40611032	ATP6V0A1	ENSG00000033627	27	0.24	0.19	0.66	0.046	NA
chr17	61553834	61555063	ACE	ENSG00000159640	26	0.18	0.17	0.66	0.013	NA
chr17	73285180	73285854	SLC25A19	ENSG00000125454	-3	0.16	0.14	0.66	0.018	NA
chr17	13503829	13505559	HS3ST3A1	ENSG00000153976	550	0.2	0.19	0.67	0.0099	NA
chr17	36452840	36453141	MRPL45	ENSG00000174100	0	0.43	0.35	0.67	0.08	NA
chr17	15847757	15849513	ADORA2B	ENSG00000170425	404	0.24	0.25	0.68	-0.013	NA
chr17	33905502	33905726	PEX12	ENSG00000108733	-40	0.23	0.19	0.68	0.038	NA
chr17	40834791	40835098	CNTNAP1	ENSG00000108797	312	0.29	0.36	0.68	-0.071	NA
chr17	56595080	56595619	MTMR4	ENSG00000108389	-98	0.21	0.14	0.68	0.068	NA
chr17	78009076	78011084	TBC1D16	ENSG00000167291	-433	0.2	0.21	0.68	-0.012	NA
chr17	29718230	29719291	RAB11FIP4	ENSG00000131242	118	0.17	0.16	0.69	0.013	NA
chr17	40427951	40429036	STAT5B	ENSG00000173757	-69	0.19	0.18	0.69	0.015	NA
chr17	56064830	56066051	VEZF1	ENSG00000136451	175	0.26	0.28	0.69	-0.026	NA
chr17	56083750	56085373	SRSF1	ENSG00000136450	146	0.21	0.24	0.69	-0.033	NA
chr17	73662999	73663628	RECQL5	ENSG00000108469	-52	0.27	0.25	0.69	0.024	NA
chr17	26732812	26733396	SLC46A1	ENSG00000076351	124	0.15	0.18	0.7	-0.029	NA
chr17	27915718	27916957	GIT1	ENSG00000108262	230	0.23	0.24	0.7	-0.016	NA
chr17	33288174	33288913	CCT6B	ENSG00000132141	-126	0.23	0.29	0.7	-0.058	NA
chr17	37025737	37027104	LASP1	ENSG00000002834	164	0.25	0.27	0.7	-0.021	NA
chr17	37307498	37307775	PLXDC1	ENSG00000161381	232	0.14	0.16	0.7	-0.025	NA
chr17	40932329	40933299	WNK4	ENSG00000126562	165	0.23	0.22	0.7	0.014	NA
chr17	74706465	74707067	MXRA7	ENSG00000182534	290	0.21	0.19	0.7	0.024	NA
chr17	78449507	78452783	NPTX1	ENSG00000171246	-741	0.22	0.21	0.7	0.0084	NA
chr17	79518816	79519844	C17orf70	ENSG00000185504	72	0.24	0.23	0.7	0.013	NA
chr17	74448388	74449424	UBE2O	ENSG00000175931	382	0.27	0.25	0.71	0.016	NA
chr17	4981357	4981979	ZFP3	ENSG00000180787	-86	0.17	0.19	0.71	-0.016	NA
chr17	42580377	42581046	GPATCH8	ENSG00000186566	58	0.17	0.19	0.71	-0.021	NA
chr17	71188407	71189458	COG1	ENSG00000166685	161	0.18	0.17	0.71	0.012	NA
chr17	71228060	71229074	C17orf80	ENSG00000141219	195	0.21	0.23	0.71	-0.022	NA
chr17	73892496	73893448	TRIM65	ENSG00000141569	-333	0.19	0.2	0.71	-0.013	NA

chr17	1358888	1359814	CRK	ENSG00000167193	166	0.19	0.21	0.72	-0.013	NA
chr17	74378848	74382513	PRPSAP1	ENSG00000161542	-115	0.24	0.24	0.72	-0.0077	NA
chr17	1395119	1395372	MYO1C	ENSG00000197879	-273	0.24	0.3	0.73	-0.055	NA
chr17	8079490	8080125	TMEM107	ENSG00000179029	-203	0.18	0.16	0.73	0.017	NA
chr17	8198440	8199170	SLC25A35	ENSG00000125434	-144	0.21	0.23	0.73	-0.018	NA
chr17	38347533	38347765	RAPGEFL1	ENSG00000108352	-73	0.14	0.19	0.73	-0.046	NA
chr17	43138229	43138857	DCAKD	ENSG00000172992	-70	0.24	0.26	0.73	-0.018	NA
chr17	54910496	54912470	C17orf67	ENSG00000214226	-226	0.21	0.22	0.73	-0.0099	NA
chr17	67322709	67323837	ABCA5	ENSG00000154265	50	0.16	0.24	0.73	-0.074	NA
chr17	78965416	78966484	CHMP6	ENSG00000176108	309	0.26	0.24	0.73	0.014	NA
chr17	4642038	4643410	CXCL16	ENSG00000161921	499	0.24	0.22	0.74	0.012	NA
chr17	21279506	21281574	KCNJ12	ENSG00000184185	841	0.25	0.24	0.74	0.014	NA
chr17	40171931	40172281	NKIRAS2	ENSG00000168256	19	0.26	0.21	0.74	0.056	NA
chr17	43044369	43046424	C1QL1	ENSG00000131094	248	0.22	0.21	0.74	0.0094	NA
chr17	49230686	49231247	NME1	ENSG00000239672	69	0.23	0.25	0.74	-0.017	NA
chr17	65989896	65990097	C17orf58	ENSG00000186665	-231	0.54	0.43	0.74	0.11	NA
chr17	80251357	80251673	AC132872.2	ENSG00000244773	-825	0.67	0.25	0.74	0.42	NA
chr17	8126224	8126486	NCRNA00324	ENSG00000178977	1006	0.22	0.25	0.75	-0.028	NA
chr17	21030056	21030814	DHRS7B	ENSG00000109016	177	0.2	0.18	0.75	0.015	NA
chr17	43209347	43210746	PLCD3	ENSG00000161714	-181	0.24	0.23	0.75	0.01	NA
chr17	48422989	48423564	XYLT2	ENSG00000015532	-177	0.18	0.17	0.75	0.013	NA
chr17	61776890	61778733	LIMD2	ENSG00000136490	-292	0.15	0.15	0.75	-0.0062	NA
chr17	62339803	62340799	TEX2	ENSG00000136478	352	0.22	0.2	0.75	0.018	NA
chr17	79196345	79197419	AZI1	ENSG00000141577	-131	0.14	0.15	0.75	-0.011	NA
chr17	7788261	7789091	CHD3	ENSG00000170004	552	0.24	0.26	0.76	-0.021	NA
chr17	40705176	40706983	HSD17B1	ENSG00000108786	1138	0.56	0.54	0.76	0.014	NA
chr17	62971515	62972293	AMZ2P1	ENSG00000214174	-218	0.26	0.28	0.76	-0.025	NA
chr17	63555902	63557362	AXIN2	ENSG00000168646	1133	0.25	0.24	0.76	0.011	NA
chr17	77005746	77006106	CANT1	ENSG00000171302	-66	0.17	0.15	0.76	0.023	NA
chr17	15689697	15690227	MEIS3P1	ENSG00000179277	30	0.17	0.2	0.77	-0.032	NA

chr17	30263761	30264515	SUZ12	ENSG00000178691	82	0.19	0.22	0.77	-0.033	NA
chr17	45928211	45928710	SP6	ENSG00000189120	99	0.15	0.16	0.77	-0.014	NA
chr17	79880449	79880872	MAFG	ENSG00000197063	748	0.91	0.93	0.77	-0.017	NA
chr17	80291020	80292394	SECTM1	ENSG00000141574	214	0.35	0.33	0.77	0.013	NA
chr17	655026	656707	GEMIN4	ENSG00000179409	-452	0.22	0.23	0.78	-0.0095	NA
chr17	57408787	57410145	YPEL2	ENSG00000175155	413	0.19	0.18	0.78	0.0076	NA
chr17	48624415	48624723	SPATA20	ENSG00000006282	119	0.21	0.19	0.78	0.022	NA
chr17	27169526	27169894	C17orf63	ENSG00000173065	131	0.32	0.27	0.79	0.045	NA
chr17	39889956	39891489	HAP1	ENSG00000173805	174	0.18	0.17	0.79	0.0094	NA
chr17	40335946	40336609	HCRT	ENSG00000161610	1193	0.18	0.16	0.79	0.015	NA
chr17	41176670	41176966	RND2	ENSG00000108830	-440	0.23	0.19	0.79	0.046	NA
chr17	57231855	57232655	SKA2	ENSG00000182628	545	0.31	0.33	0.79	-0.017	NA
chr17	9548389	9549616	USP43	ENSG00000154914	52	0.22	0.21	0.8	0.012	NA
chr17	38020381	38020645	IKZF3	ENSG00000161405	-72	0.2	0.17	0.8	0.025	NA
chr17	42385810	42386393	RUNDC3A	ENSG00000108309	158	0.35	0.31	0.8	0.04	NA
chr17	46894293	46894809	TTLL6	ENSG00000170703	-136	0.21	0.24	0.8	-0.027	NA
chr17	52977866	52978307	TOM1L1	ENSG00000141198	34	0.23	0.21	0.8	0.021	NA
chr17	54670780	54672347	NOG	ENSG00000183691	503	0.19	0.18	0.8	0.0096	NA
chr17	80231019	80231820	CSNK1D	ENSG00000141551	-112	0.17	0.18	0.8	-0.01	NA
chr17	17380175	17380416	MED9	ENSG00000141026	-5	0.13	0.16	0.81	-0.034	NA
chr17	38277760	38279504	MSL1	ENSG00000188895	-158	0.19	0.19	0.81	0.0065	NA
chr17	39992021	39992627	NT5C3L	ENSG00000141698	125	0.2	0.19	0.81	0.013	NA
chr17	44270337	44271499	AC217773.1	ENSG00000214401	-21	0.22	0.11	0.81	0.11	NA
chr17	48556004	48556509	RSAD1	ENSG00000136444	95	0.19	0.21	0.81	-0.022	NA
chr17	3867059	3868095	ATP2A3	ENSG00000074370	159	0.23	0.22	0.82	0.0076	NA
chr17	33307352	33308246	LIG3	ENSG00000005156	257	0.23	0.22	0.82	0.013	NA
chr17	4870189	4871710	SPAG7	ENSG00000091640	183	0.21	0.22	0.83	-0.0099	NA
chr17	17494598	17495505	PEMT	ENSG00000133027	-87	0.16	0.17	0.83	-0.01	NA
chr17	42462135	42463579	ITGA2B	ENSG00000005961	-169	0.47	0.5	0.83	-0.03	NA
chr17	78977613	78978447	AC127496.2	ENSG00000222167	-22	0.24	0.25	0.83	-0.02	NA

chr17	1394439	1394813	MYO1C	ENSG00000197879	346	0.18	0.17	0.84	0.015	NA
chr17	6917569	6918539	AC040977.1	ENSG00000258315	240	0.23	0.22	0.84	0.0098	NA
chr17	36507657	36508939	SOCS7	ENSG00000174111	293	0.2	0.19	0.84	0.0088	NA
chr17	73511016	73513176	CASKIN2	ENSG00000177303	-469	0.23	0.24	0.84	-0.0076	NA
chr17	76210129	76210627	BIRC5	ENSG00000089685	101	0.16	0.14	0.84	0.028	NA
chr17	76920684	76921961	TIMP2	ENSG00000035862	147	0.22	0.21	0.84	0.0091	NA
chr17	4606984	4607722	AC091153.1	ENSG00000141456	66	0.2	0.21	0.85	-0.0085	NA
chr17	5014705	5015356	ZNF232	ENSG00000167840	141	0.28	0.26	0.85	0.02	NA
chr17	6347465	6348111	FAM64A	ENSG00000129195	27	0.25	0.26	0.85	-0.01	NA
chr17	8065909	8066494	VAMP2	ENSG00000220205	49	0.23	0.21	0.85	0.016	NA
chr17	32909007	32909293	TMEM132E	ENSG00000181291	1208	0.21	0.17	0.85	0.048	NA
chr17	34257646	34257848	RDM1	ENSG00000187456	-3	0.25	0.15	0.85	0.096	NA
chr17	40718686	40719633	MLX	ENSG00000108788	81	0.19	0.19	0.85	0.0082	NA
chr17	57287355	57287792	C17orf71	ENSG00000167447	202	0.28	0.25	0.85	0.022	NA
chr17	65362343	65362837	PSMD12	ENSG00000197170	131	0.18	0.16	0.85	0.019	NA
chr17	11923951	11924871	MAP2K4	ENSG00000065559	276	0.25	0.27	0.86	-0.021	NA
chr17	17286964	17287372	AC073621.1	ENSG00000215030	158	0.98	0.97	0.86	0.0081	NA
chr17	41477270	41477482	ARL4D	ENSG00000175906	1023	0.64	0.62	0.86	0.019	NA
chr17	57696654	57697280	CLTC	ENSG00000141367	-252	0.24	0.26	0.86	-0.02	NA
chr17	57970011	57971021	TUBD1	ENSG00000108423	-297	0.21	0.19	0.86	0.021	NA
chr17	66243583	66244403	AMZ2	ENSG00000196704	-152	0.18	0.19	0.86	-0.0075	NA
chr17	49337102	49338583	MBTD1	ENSG00000011258	-540	0.28	0.29	0.87	-0.011	NA
chr17	65713768	65714268	NOL11	ENSG00000130935	-43	0.21	0.2	0.87	0.013	NA
chr17	72321948	72322461	KIF19	ENSG00000196169	-145	0.21	0.19	0.87	0.021	NA
chr17	37886455	37887010	C17orf37	ENSG00000141741	-78	0.3	0.32	0.88	-0.018	NA
chr17	40827975	40828659	PLEKHH3	ENSG00000068137	-209	0.24	0.26	0.88	-0.018	NA
chr17	7452150	7452645	TNFSF12	ENSG00000239697	189	0.18	0.19	0.89	-0.011	NA
chr17	37774076	37774591	AC087491.2	ENSG00000214546	-1533	0.24	0.23	0.89	0.0096	NA
chr17	62832769	62833528	AC103810.1	ENSG00000214176	95	0.13	0.16	0.89	-0.037	NA
chr17	73900526	73901353	MRPL38	ENSG00000204316	-20	0.24	0.23	0.89	0.01	NA

chr17	1465159	1466312	PITPNA	ENSG00000174238	375	0.2	0.2	0.9	-0.005	NA
chr17	7296504	7298466	PLSCR3	ENSG00000187838	347	0.51	0.5	0.9	0.0061	NA
chr17	30669000	30669287	C17orf75	ENSG00000108666	46	0.19	0.21	0.9	-0.021	NA
chr17	30677001	30677460	MIR632	ENSG00000207928	102	0.36	0.44	0.9	-0.086	NA
chr17	79980199	79981548	STRA13	ENSG00000169689	-79	0.22	0.23	0.9	-0.0075	NA
chr17	18575709	18576477	AC026271.4	ENSG00000240445	146	0.97	0.96	0.91	0.0087	NA
chr17	41856470	41856687	DUSP3	ENSG00000108861	-210	0.13	0.15	0.91	-0.019	NA
chr17	46673532	46674181	RP11-357H14.7	ENSG00000233101	55	0.24	0.23	0.91	0.013	NA
chr17	80401644	80401858	C17orf62	ENSG00000178927	1311	0.92	0.83	0.91	0.083	NA
chr17	47840834	47841377	FAM117A	ENSG00000121104	388	0.35	0.33	0.92	0.021	NA
chr17	7253298	7253764	KCTD11	ENSG00000213859	-1677	0.21	0.23	0.92	-0.014	NA
chr17	20059028	20060060	SPECC1	ENSG00000128487	226	0.19	0.18	0.92	0.0064	NA
chr17	31618345	31620465	ACCN1	ENSG00000108684	-946	0.22	0.22	0.92	-0.0038	NA
chr17	33569141	33570527	AC022916.1	ENSG00000247843	-488	0.28	0.27	0.92	0.0065	NA
chr17	45918094	45918774	SCRN2	ENSG00000141295	265	0.18	0.17	0.92	0.0098	NA
chr17	48238772	48239073	RP11-893F2.13	ENSG00000253730	-285	0.12	0.14	0.92	-0.016	NA
chr17	74349151	74350656	PRPSAP1	ENSG00000161542	-370	0.22	0.22	0.92	0.0083	NA
chr17	7835171	7835569	TRAPPC1	ENSG00000170043	-104	0.2	0.21	0.93	-0.007	NA
chr17	46655215	46655604	MIR10A	ENSG00000207777	1900	0.18	0.2	0.93	-0.016	NA
chr17	71639028	71641670	SDK2	ENSG00000069188	-122	0.24	0.25	0.93	-0.0051	NA
chr17	74553220	74553912	AC090699.1	ENSG00000163597	-286	0.6	0.62	0.93	-0.013	NA
chr17	81036330	81039407	METRNL	ENSG00000176845	301	0.23	0.22	0.93	0.003	NA
chr17	27070538	27071570	TRAF4	ENSG00000076604	18	0.19	0.19	0.94	0.0052	NA
chr17	64961007	64962321	CACNG4	ENSG00000075461	651	0.25	0.26	0.94	-0.0046	NA
chr17	7589290	7589503	WRAP53	ENSG00000141499	7	0.45	0.43	0.95	0.016	NA
chr17	27044168	27045049	RAB34	ENSG00000109113	117	0.22	0.22	0.95	0.0035	NA
chr17	38474197	38474980	RARA	ENSG00000131759	115	0.26	0.25	0.96	0.007	NA
chr17	47022062	47022344	SNF8	ENSG00000159210	-133	0.11	0.14	0.96	-0.035	NA
chr17	73105229	73106667	ARMC7	ENSG00000125449	-134	0.29	0.27	0.96	0.012	NA
chr17	6616422	6617471	SLC13A5	ENSG00000141485	-261	0.29	0.28	0.97	0.0067	NA

chr17	29158878	29159423	ATAD5	ENSG00000176208	162	0.23	0.24	0.97	-0.0062	NA
chr17	53342198	53343061	HLF	ENSG00000108924	308	0.2	0.19	0.97	0.0087	NA
chr17	60004889	60005416	INTS2	ENSG00000108506	225	0.26	0.25	0.97	0.009	NA
chr17	80008514	80010567	RFNG	ENSG00000169733	110	0.2	0.2	0.97	-0.0024	NA
chr17	80693067	80693729	FN3K	ENSG00000167363	-54	0.24	0.26	0.97	-0.011	NA
chr17	18086258	18088360	ALKBH5	ENSG00000091542	917	0.23	0.23	0.98	0.002	NA
chr17	7232330	7233151	NEURL4	ENSG00000215041	-109	0.21	0.21	0.98	0.0037	NA
chr17	8054550	8055835	PER1	ENSG00000179094	561	0.21	0.21	0.98	-0.0044	NA
chr17	18128577	18128821	LLGL1	ENSG00000131899	-202	0.14	0.15	0.98	-0.011	NA
chr17	26732175	26732391	SLC46A1	ENSG00000076351	945	0.36	0.5	0.98	-0.14	NA
chr17	29233259	29233538	C17orf42	ENSG00000172171	-112	0.3	0.29	0.98	0.0074	NA
chr17	48074050	48074614	RP11-1094H24.3	ENSG00000248172	79	0.27	0.28	0.98	-0.015	NA
chr17	49243620	49244647	NME1-NME2	ENSG00000243678	494	0.2	0.19	0.98	0.0019	NA
chr17	73401217	73401988	GRB2	ENSG00000177885	-35	0.23	0.23	0.98	0.0037	NA
chr17	39844833	39845950	EIF1	ENSG00000173812	254	0.21	0.21	1	-0.0021	NA
chr17	981508	981748	ABR	ENSG00000159842	613	0.89	0.95	1	-0.063	NA
chr17	1531110	1533229	SLC43A2	ENSG00000167703	-39	0.18	0.18	1	-0.001	NA
chr17	7123038	7123718	DLG4	ENSG00000132535	-321	0.22	0.23	1	-0.005	NA
chr17	7154424	7156126	CTDNBP1	ENSG00000175826	5	0.26	0.27	1	-0.008	NA
chr17	7387280	7388326	ZBTB4	ENSG00000174282	-286	0.25	0.25	1	0.0016	NA
chr17	7530705	7531251	SAT2	ENSG00000141504	209	0.23	0.22	1	0.0024	NA
chr17	8113632	8113966	AURKB	ENSG00000178999	100	0.16	0.17	1	-0.0042	NA
chr17	8649003	8649513	CCDC42	ENSG00000161973	-1104	0.23	0.23	1	0.0036	NA
chr17	15607552	15608399	AC005324.4	ENSG00000233966	239	0.99	0.99	1	0.0022	NA
chr17	16342504	16342897	NCRNA00188	ENSG00000175061	65	0.14	0.13	1	0.0094	NA
chr17	17061857	17062186	MPRIIP	ENSG00000133030	210	0.96	0.94	1	0.014	NA
chr17	17910139	17910468	LRRC48	ENSG00000171962	109	0.88	0.87	1	0.0058	NA
chr17	17942198	17943495	ATPAF2	ENSG00000171953	-457	0.17	0.17	1	-0.0026	NA
chr17	18161711	18162316	FLII	ENSG00000177731	-2	0.18	0.17	1	0.0026	NA
chr17	18476039	18476323	AC107983.4	ENSG00000227077	136	1	1	1	0	NA

chr17	19551344	19552483	ALDH3A2	ENSG00000072210	454	0.21	0.21	1	0.00073	NA
chr17	20687569	20687913	SCDP1	ENSG00000226549	-217	0.41	0.41	1	-0.0044	NA
chr17	27406753	27408059	MYO18A	ENSG00000196535	-612	0.95	0.95	1	-0.0021	NA
chr17	27621169	27621455	NUFIP2	ENSG00000108256	-146	0.21	0.23	1	-0.016	NA
chr17	27899511	27900067	TP53I13	ENSG00000167543	449	0.2	0.21	1	-0.0023	NA
chr17	28903507	28903832	LRRRC37BP1	ENSG00000214719	143	0.95	1	1	-0.045	NA
chr17	33894866	33895142	RP11-1094M14.1	ENSG00000242660	1468	0.14	0.13	1	0.0062	NA
chr17	34058549	34058778	RASL10B	ENSG00000141150	-16	0.42	0.5	1	-0.079	NA
chr17	36908107	36908510	PSMB3	ENSG00000108294	-695	0.24	0.26	1	-0.022	NA
chr17	36908662	36909577	PSMB3	ENSG00000108294	116	0.14	0.14	1	0.0014	NA
chr17	37321482	37322099	ARL5C	ENSG00000141748	624	0.28	0.28	1	-0.0003	NA
chr17	37844112	37844481	PGAP3	ENSG00000161395	14	0.17	0.16	1	0.0036	NA
chr17	38375440	38375836	WIPF2	ENSG00000171475	64	0.24	0.24	1	0.0037	NA
chr17	38573716	38574243	TOP2A	ENSG00000131747	190	0.18	0.18	1	-0.0014	NA
chr17	40168999	40169694	NKIRAS2	ENSG00000168256	308	0.21	0.2	1	0.0035	NA
chr17	40811232	40811597	TUBG2	ENSG00000037042	148	0.18	0.18	1	-0.0006	NA
chr17	40937258	40937480	WNK4	ENSG00000126562	24	0.21	0.21	1	0.00078	NA
chr17	40950474	40950902	CCDC56	ENSG00000183978	16	0.25	0.24	1	0.0034	NA
chr17	41132462	41133367	AARSD1	ENSG00000108825	-407	0.17	0.17	1	0.0016	NA
chr17	41322972	41323363	NBR1	ENSG00000188554	-52	0.19	0.25	1	-0.064	NA
chr17	41446166	41446547	AC087650.2	ENSG00000243582	-906	0.18	0.19	1	-0.0094	NA
chr17	42147925	42148501	G6PC3	ENSG00000141349	115	0.23	0.23	1	-0.0031	NA
chr17	43128789	43129038	DCAKD	ENSG00000172992	65	0.12	0.11	1	0.011	NA
chr17	43697922	43698336	AC126544.1	ENSG00000204650	153	0.2	0.18	1	0.023	NA
chr17	45177258	45177755	AC068152.2	ENSG00000246634	121	0.24	0.21	1	0.025	NA
chr17	45569833	45570134	MRPL45P2	ENSG00000228782	-134	0.22	0.33	1	-0.11	NA
chr17	45810589	45811388	TBX21	ENSG00000073861	378	0.25	0.25	1	-0.0023	NA
chr17	47307740	47308276	PHOSPHO1	ENSG00000173868	-118	0.16	0.16	1	-0.0021	NA
chr17	48350422	48350832	TMEM92	ENSG00000167105	-1161	0.16	0.16	1	0.0022	NA
chr17	48450456	48450665	MRPL27	ENSG00000108826	-24	0.18	0.19	1	-0.013	NA

chr17	48619111	48619794	SPATA20	ENSG00000006282	-967	0.24	0.24	1	-0.0006	NA
chr17	48796750	48797317	LUC7L3	ENSG00000108848	128	0.19	0.18	1	0.013	NA
chr17	49021856	49022279	RP11-700H6.1	ENSG00000247011	7	0.85	0.88	1	-0.022	NA
chr17	54990832	54991771	TRIM25	ENSG00000121060	87	0.16	0.16	1	0.0015	NA
chr17	55055296	55055555	SCPEP1	ENSG00000121064	-43	0.21	0.18	1	0.031	NA
chr17	56429455	56429906	SUPT4H1	ENSG00000213246	-117	0.29	0.5	1	-0.21	NA
chr17	60501111	60501756	METTL2A	ENSG00000087995	187	0.17	0.17	1	-0.0044	NA
chr17	61818684	61819397	STRADA	ENSG00000125695	290	0.19	0.18	1	0.0026	NA
chr17	63133330	63133592	RGS9	ENSG00000108370	5	0.17	0.19	1	-0.024	NA
chr17	64187712	64188586	CEP112	ENSG00000154240	-334	0.22	0.22	1	-0.0049	NA
chr17	65240725	65242498	HELZ	ENSG00000198265	-312	0.18	0.18	1	-0.0013	NA
chr17	65821126	65821381	BPTF	ENSG00000171634	-384	0.18	0.18	1	-0.0056	NA
chr17	66031784	66032292	KPNA2	ENSG00000182481	190	0.26	0.26	1	0.0016	NA
chr17	71431621	71431878	SDK2	ENSG00000069188	-66	0.97	0.96	1	0.0074	NA
chr17	72270301	72270512	DNAI2	ENSG00000171595	20	0.35	0.34	1	0.0085	NA
chr17	74068174	74068756	SRP68	ENSG00000167881	113	0.25	0.25	1	#####	NA
chr17	75084622	75085085	C17orf86	ENSG00000234912	98	0.19	0.22	1	-0.03	NA
chr17	75277317	75278172	9-Sep	ENSG00000184640	252	0.26	0.26	1	-0.002	NA
chr17	76037074	76037323	TNRC6C	ENSG00000078687	70	0.12	0.12	1	-0.0067	NA
chr17	76164395	76165272	SYNGR2	ENSG00000108639	162	0.19	0.2	1	-0.0018	NA
chr17	76183077	76183449	TK1	ENSG00000167900	-152	0.27	0.27	1	-0.0003	NA
chr17	76395406	76395617	SNORA30	ENSG00000200063	-505	0.95	1	1	-0.049	NA
chr17	76421441	76421766	DNAH17	ENSG00000187775	1198	0.9	0.9	1	0.0082	NA
chr17	77924080	77924423	TBC1D16	ENSG00000167291	386	0.95	0.92	1	0.024	NA
chr17	78120322	78121543	EIF4A3	ENSG00000141543	50	0.34	0.34	1	0.00067	NA
chr17	79994780	79995664	DCXR	ENSG00000169738	351	0.19	0.19	1	-0.001	NA
chr17	80170322	80171302	CCDC57	ENSG00000176155	-123	0.23	0.23	1	-0.001	NA
chr17	80206689	80206927	AC132872.1	ENSG00000184551	-135	0.93	0.92	1	0.009	NA
chr17	80373276	80373490	Y_RNA	ENSG00000201239	-1719	1	0.97	1	0.026	NA
chr17	80376412	80376761	C17orf101	ENSG00000181396	-73	0.2	0.21	1	-0.013	NA

chr17	80541548	80541754	snoU13	ENSG00000238403	1270	0.94	1	1	-0.059	NA
chr17	2415061	2415362	METTL16	ENSG00000127804	-82	0.75	NA	NA	NA	NA
chr17	2607735	2608005	KIAA0664	ENSG00000132361	-26	0.88	NA	NA	NA	NA
chr17	4699383	4699638	PSMB6	ENSG00000142507	71	1	NA	NA	NA	NA
chr17	6460071	6460302	PITPNM3	ENSG00000091622	-309	0.66	NA	NA	NA	NA
chr17	7137358	7138133	DVL2	ENSG00000004975	123	0.19	NA	NA	NA	NA
chr17	8279753	8280109	KRBA2	ENSG00000184619	98	0.32	NA	NA	NA	NA
chr17	171109893	17110296	PLD6	ENSG00000179598	-448	0.17	NA	NA	NA	NA
chr17	18966946	18967196	SNORD3B-2	ENSG00000201750	378	NA	0.25	NA	NA	NA
chr17	19014144	19014604	SNORD3D	ENSG00000199663	1575	0.08	NA	NA	NA	NA
chr17	27055187	27056056	NEK8	ENSG00000160602	-201	0.47	NA	NA	NA	NA
chr17	36719544	36719938	SRCIN1	ENSG00000017373	-81	0.75	NA	NA	NA	NA
chr17	36997448	36997661	C17orf98	ENSG00000214556	110	1	NA	NA	NA	NA
chr17	37307962	37308166	PLXDC1	ENSG00000161381	-162	0.17	NA	NA	NA	NA
chr17	37764092	37764304	NEUROD2	ENSG00000171532	-2	0.17	NA	NA	NA	NA
chr17	41278134	41278460	NBR2	ENSG00000198496	636	1	NA	NA	NA	NA
chr17	44895800	44897025	WNT3	ENSG00000108379	-330	NA	1	NA	NA	NA
chr17	45608280	45608981	NPEPPS	ENSG00000141279	200	NA	0.25	NA	NA	NA
chr17	46695325	46695553	AC103702.1	ENSG00000248304	979	0.27	NA	NA	NA	NA
chr17	51834650	51834900	AC090079.1	ENSG00000233380	456	1	NA	NA	NA	NA
chr17	74554140	74554361	AC090699.1	ENSG00000163597	390	1	NA	NA	NA	NA
chr17	77812016	77812276	CBX4	ENSG00000141582	-466	1	NA	NA	NA	NA
chr17	79259282	79259537	SLC38A10	ENSG00000157637	105	0.78	NA	NA	NA	NA
chr17	79981682	79981963	LRRC45	ENSG00000169683	542	0.37	NA	NA	NA	NA
chr18	11750953	11752756	GNAL	ENSG00000141404	383	0.37	0.24	3.80E-07	0.13	NA
chr18	8784147	8784583	KIAA0802	ENSG00000168502	-178	0.98	0.73	8.80E-07	0.24	NA
chr18	28621489	28623117	DSC3	ENSG00000134762	478	0.16	0.31	9.40E-07	-0.15	NA
chr18	71958141	71959770	CYB5A	ENSG00000166347	215	0.46	0.23	9.60E-07	0.23	NA
chr18	19744936	19752363	AC091588.1	ENSG00000245382	280	0.27	0.2	3.30E-06	0.065	NA
chr18	48494276	48494627	ELAC1	ENSG00000141642	65	1	0.34	6.70E-06	0.66	NA

chr18	72923054	72924182	TSHZ1	ENSG00000179981	866	0.23	0.13	7.40E-06	0.099	NA
chr18	74533809	74535905	ZNF236	ENSG00000130856	-1259	0.33	0.23	9.40E-06	0.11	NA
chr18	52495604	52496007	RAB27B	ENSG00000041353	97	0.52	0.21	1.70E-05	0.3	NA
chr18	77748045	77748905	TXNL4A	ENSG00000141759	43	0.24	0.1	1.80E-05	0.14	NA
chr18	55862653	55862873	NEDD4L	ENSG00000049759	126	0.69	0.25	3.20E-05	0.44	NA
chr18	77623265	77624280	KCNG2	ENSG00000178342	104	0.76	0.63	0.00012	0.13	NA
chr18	77439094	77440398	AC068473.1	ENSG00000178412	-1	0.21	0.13	0.00014	0.076	NA
chr18	46065533	46067826	CTIF	ENSG00000134030	1252	0.24	0.16	0.00015	0.083	NA
chr18	59000683	59001692	CDH20	ENSG00000101542	199	0.26	0.14	0.00035	0.13	NA
chr18	6413959	6414873	L3MBTL4	ENSG00000154655	494	0.44	0.3	4.00E-04	0.14	NA
chr18	29671757	29673314	RNF138	ENSG00000134758	707	0.22	0.15	0.00055	0.066	NA
chr18	28681320	28682455	DSC2	ENSG00000134755	-457	0.22	0.38	0.00064	-0.16	NA
chr18	32820785	32821203	ZNF397	ENSG00000186812	0	0.18	0.38	0.00074	-0.2	NA
chr18	811649	812709	YES1	ENSG00000176105	148	0.31	0.2	0.00098	0.11	NA
chr18	32556654	32557883	MAPRE2	ENSG00000166974	376	0.16	0.26	0.0012	-0.1	NA
chr18	499315	500722	COLEC12	ENSG00000158270	711	0.22	0.35	0.0013	-0.13	NA
chr18	44336183	44337110	ST8SIA5	ENSG00000101638	126	0.2	0.13	0.0013	0.073	NA
chr18	30349690	30352302	AC012123.1	ENSG00000228835	1238	0.35	0.26	0.002	0.092	NA
chr18	25755414	25758175	CDH2	ENSG00000170558	616	0.23	0.17	0.0023	0.064	NA
chr18	55019707	55021605	ST8SIA3	ENSG00000177511	935	0.32	0.21	0.0023	0.1	NA
chr18	3012547	3013173	LPIN2	ENSG00000101577	453	0.21	0.38	0.0025	-0.17	NA
chr18	13217073	13219044	C18orf1	ENSG00000168675	-728	0.25	0.18	0.0034	0.072	NA
chr18	712232	713086	ENOSF1	ENSG00000132199	-115	0.38	0.26	0.0039	0.12	NA
chr18	21242366	21242805	ANKRD29	ENSG00000154065	264	0.67	0.78	0.0041	-0.11	NA
chr18	32870175	32870512	ZSCAN30	ENSG00000186814	-147	0.33	0.15	0.0054	0.19	NA
chr18	70533965	70536871	NETO1	ENSG00000166342	-234	0.22	0.17	0.006	0.05	NA
chr18	47087879	47088528	LIPG	ENSG00000101670	-224	0.31	0.2	0.0071	0.11	NA
chr18	9334778	9335359	TWSG1	ENSG00000128791	303	0.25	0.13	0.0074	0.12	NA
chr18	5628324	5630785	EPB41L3	ENSG00000082397	-564	0.2	0.14	0.0082	0.056	NA
chr18	44676470	44677057	HDHD2	ENSG00000167220	108	0.27	0.16	0.0087	0.11	NA

chr18	2846565	2848175	EMILIN2	ENSG00000132205	342	0.16	0.23	0.011	-0.064	NA
chr18	18690940	18692059	ROCK1	ENSG00000067900	313	0.22	0.15	0.011	0.063	NA
chr18	56939624	56941540	RAX	ENSG00000134438	35	0.28	0.21	0.012	0.064	NA
chr18	3448006	3452360	TGIF1	ENSG00000177426	1686	0.22	0.18	0.015	0.045	NA
chr18	11689061	11690108	GNAL	ENSG00000141404	400	0.32	0.22	0.015	0.1	NA
chr18	12254147	12255089	CIDEA	ENSG00000176194	300	0.49	0.36	0.015	0.13	NA
chr18	77793336	77793925	RBFA	ENSG00000101546	-716	0.15	0.3	0.016	-0.15	NA
chr18	12376538	12377306	AFG3L2	ENSG00000141385	329	0.18	0.12	0.017	0.059	NA
chr18	76737005	76741244	SALL3	ENSG00000151514	-1151	0.22	0.26	0.017	-0.04	NA
chr18	49868377	49868759	DCC	ENSG00000187323	1410	0.22	1	0.018	-0.78	NA
chr18	72916107	72917233	ZADH2	ENSG00000180011	528	0.25	0.18	0.018	0.074	NA
chr18	29077552	29078526	DSG2	ENSG00000046604	12	0.3	0.21	0.022	0.09	NA
chr18	31020510	31020847	C18orf34	ENSG00000166960	-21	0.18	0.09	0.022	0.095	NA
chr18	74091237	74091900	ZNF516	ENSG00000101493	673	0.91	0.97	0.022	-0.063	NA
chr18	48085838	48087589	MAPK4	ENSG00000141639	229	0.24	0.19	0.023	0.052	NA
chr18	74514040	74514292	U6	ENSG00000252097	-1436	0.15	0.27	0.026	-0.13	NA
chr18	11980483	11982142	IMPA2	ENSG00000141401	-115	0.21	0.16	0.027	0.051	NA
chr18	12883285	12884578	PTPN2	ENSG00000175354	267	0.22	0.16	0.03	0.059	NA
chr18	9474804	9475978	RALBP1	ENSG00000017797	384	0.19	0.26	0.031	-0.068	NA
chr18	32073444	32074292	DTNA	ENSG00000134769	587	0.29	0.19	0.033	0.093	NA
chr18	12431189	12431659	AP001029.2	ENSG00000256786	-157	0.89	0.96	0.036	-0.072	NA
chr18	42258983	42260795	SETBP1	ENSG00000152217	-249	0.19	0.26	0.039	-0.07	NA
chr18	61637425	61637941	SERPINB8	ENSG00000166401	200	0.32	0.21	0.039	0.11	NA
chr18	14378491	14378758	TERF1P2	ENSG00000187589	12	0.33	0.14	0.04	0.18	NA
chr18	45662314	45663520	ZBTB7C	ENSG00000184828	751	0.19	0.27	0.04	-0.082	NA
chr18	48722530	48723760	MEX3C	ENSG00000176624	545	0.23	0.18	0.041	0.054	NA
chr18	56530395	56531288	ZNF532	ENSG00000074657	1009	0.26	0.2	0.043	0.065	NA
chr18	71982752	71983744	AC008021.1	ENSG00000206043	138	0.97	1	0.05	-0.033	NA
chr18	77710769	77712454	PQLC1	ENSG00000122490	-794	0.22	0.17	0.06	0.045	NA
chr18	11908222	11909082	MPPE1	ENSG00000154889	-358	0.28	0.2	0.062	0.081	NA

chr18	15330548	15331174	AP005901.1	ENSG00000215512	-580	0.97	0.9	0.065	0.073	NA
chr18	32923915	32924585	ZNF24	ENSG00000172466	141	0.22	0.29	0.065	-0.074	NA
chr18	20513119	20513857	RBBP8	ENSG00000101773	198	0.25	0.18	0.067	0.069	NA
chr18	47339411	47340956	ACAA2	ENSG00000167315	90	0.19	0.28	0.07	-0.085	NA
chr18	9707752	9709311	RAB31	ENSG00000168461	303	0.3	0.24	0.071	0.06	NA
chr18	12991061	12991696	CEP192	ENSG00000101639	17	0.18	0.12	0.073	0.064	NA
chr18	45456484	45458024	SMAD2	ENSG00000175387	-324	0.23	0.19	0.073	0.041	NA
chr18	47792742	47793036	CCDC11	ENSG00000172361	-24	0.17	0.1	0.083	0.072	NA
chr18	67067509	67069168	DOK6	ENSG00000206052	54	0.28	0.22	0.089	0.066	NA
chr18	24764951	24765507	CHST9	ENSG00000154080	60	0.18	0.26	0.091	-0.074	NA
chr18	53257018	53257309	TCF4	ENSG00000196628	-118	0.47	0.27	0.094	0.2	NA
chr18	14132000	14132482	ZNF519	ENSG00000175322	248	0.22	0.41	0.097	-0.19	NA
chr18	10454082	10454296	APCDD1	ENSG00000154856	-436	0.3	0.47	0.11	-0.17	NA
chr18	43753303	43755104	C18orf25	ENSG00000152242	215	0.21	0.25	0.11	-0.047	NA
chr18	55710828	55712532	NEDD4L	ENSG00000049759	61	0.23	0.19	0.12	0.039	NA
chr18	66381934	66382575	TMX3	ENSG00000166479	40	0.18	0.12	0.13	0.059	NA
chr18	72162935	72164039	CNDP2	ENSG00000133313	44	0.24	0.2	0.13	0.045	NA
chr18	74961556	74963822	GALR1	ENSG00000166573	184	0.23	0.27	0.13	-0.043	NA
chr18	47087075	47087446	LIPG	ENSG00000101670	-1167	0.15	0.21	0.14	-0.067	NA
chr18	47813434	47814546	CXXC1	ENSG00000154832	684	0.23	0.16	0.14	0.066	NA
chr18	55288640	55289482	NARS	ENSG00000134440	-44	0.21	0.16	0.14	0.057	NA
chr18	21033071	21033657	RIOK3	ENSG00000101782	577	0.13	0.22	0.15	-0.087	NA
chr18	21977275	21978110	OSBPL1A	ENSG00000141447	60	0.21	0.16	0.15	0.047	NA
chr18	72264517	72265964	AC116904.1	ENSG00000206029	-169	0.24	0.19	0.15	0.042	NA
chr18	267710	268382	THOC1	ENSG00000079134	13	0.2	0.27	0.16	-0.067	NA
chr18	29264703	29265504	B4GALT6	ENSG00000118276	-417	0.17	0.13	0.16	0.032	NA
chr18	33077545	33078063	INO80C	ENSG00000153391	117	0.5	1	0.17	-0.5	NA
chr18	48405135	48405983	ME2	ENSG00000082212	140	0.18	0.22	0.17	-0.046	NA
chr18	56806608	56807425	SEC11C	ENSG00000166562	-71	0.18	0.23	0.17	-0.055	NA
chr18	22006310	22007007	IMPACT	ENSG00000154059	78	0.22	0.27	0.18	-0.054	NA

chr18	45934453	45937265	ZBTB7C	ENSG00000184828	-196	0.19	0.21	0.18	-0.022	NA
chr18	8704721	8707557	KIAA0802	ENSG00000168502	-374	0.18	0.2	0.19	-0.024	NA
chr18	60986621	60988286	BCL2	ENSG00000171791	-92	0.2	0.24	0.19	-0.036	NA
chr18	57566866	57567723	PMAIP1	ENSG00000141682	114	0.24	0.19	0.2	0.051	NA
chr18	63417775	63418640	CDH7	ENSG00000081138	318	0.27	0.22	0.2	0.058	NA
chr18	29522401	29523577	TRAPPC8	ENSG00000153339	74	0.17	0.14	0.21	0.038	NA
chr18	7566557	7568830	PTPRM	ENSG00000173482	-124	0.2	0.18	0.22	0.025	NA
chr18	14747516	14748231	ANKRD30B	ENSG00000180777	-366	0.18	0.25	0.22	-0.071	NA
chr18	21083161	21084153	C18orf8	ENSG00000141452	195	0.19	0.22	0.22	-0.034	NA
chr18	77170427	77171445	NFATC1	ENSG00000131196	848	0.97	0.99	0.22	-0.026	NA
chr18	3261708	3262671	MYL12B	ENSG00000118680	282	0.19	0.24	0.23	-0.046	NA
chr18	11851209	11852122	CHMP1B	ENSG00000255112	226	0.15	0.2	0.23	-0.043	NA
chr18	74202750	74203076	ZNF516	ENSG00000101493	-178	0.18	0.23	0.23	-0.049	NA
chr18	3879202	3880087	DLGAP1	ENSG00000170579	432	0.98	0.96	0.24	0.022	NA
chr18	2654918	2656817	SMCHD1	ENSG00000101596	-19	0.19	0.16	0.25	0.032	NA
chr18	46474931	46479364	SMAD7	ENSG00000101665	-1444	0.22	0.2	0.27	0.021	NA
chr18	47807857	47809365	MBD1	ENSG00000141644	-741	0.29	0.34	0.27	-0.043	NA
chr18	21594013	21595464	TTC39C	ENSG00000168234	354	0.21	0.18	0.28	0.026	NA
chr18	44337510	44338100	ST8SIA5	ENSG00000101638	-673	0.18	0.23	0.29	-0.047	NA
chr18	51883947	51884994	C18orf54	ENSG00000166845	-485	0.27	0.22	0.29	0.049	NA
chr18	14178943	14179710	ANKRD20A5	ENSG00000186481	230	0.33	0.45	0.31	-0.11	NA
chr18	47719866	47721742	MYO5B	ENSG00000167306	647	0.25	0.22	0.31	0.03	NA
chr18	31804480	31804875	NOL4	ENSG00000101746	-1162	0.17	0.23	0.32	-0.052	NA
chr18	44561025	44561822	TCEB3B	ENSG00000206181	565	0.95	0.97	0.32	-0.027	NA
chr18	51750712	51751191	MBD2	ENSG00000134046	207	0.21	0.18	0.32	0.038	NA
chr18	78004028	78005438	PARD6G	ENSG00000178184	696	0.21	0.19	0.32	0.019	NA
chr18	657401	658745	TYMS	ENSG00000176890	469	0.2	0.16	0.33	0.038	NA
chr18	9333896	9334244	TWSG1	ENSG00000128791	-695	0.29	0.19	0.33	0.097	NA
chr18	44772992	44775577	SKOR2	ENSG00000215474	1270	0.29	0.27	0.33	0.02	NA
chr18	55102427	55102708	ONECUT2	ENSG00000119547	-350	0.16	0.12	0.33	0.041	NA

chr18	67955692	67957062	SOCS6	ENSG00000170677	209	0.25	0.22	0.33	0.03	NA
chr18	77724352	77724836	HSBP1L1	ENSG00000226742	12	0.2	0.14	0.33	0.054	NA
chr18	21166158	21167066	NPC1	ENSG00000141458	-166	0.21	0.18	0.34	0.032	NA
chr18	33647065	33647665	RPRD1A	ENSG00000141425	154	0.45	0.25	0.36	0.2	NA
chr18	56338211	56339277	MALT1	ENSG00000172175	126	0.18	0.22	0.38	-0.038	NA
chr18	3247293	3248257	MYL12A	ENSG00000101608	247	0.2	0.17	0.39	0.032	NA
chr18	30050115	30051345	FAM59A	ENSG00000141441	-335	0.18	0.15	0.39	0.028	NA
chr18	59853977	59855252	PIGN	ENSG00000197563	-325	0.27	0.31	0.4	-0.038	NA
chr18	61089262	61090357	VPS4B	ENSG00000119541	-116	0.2	0.23	0.41	-0.03	NA
chr18	21269269	21270349	LAMA3	ENSG00000053747	247	0.21	0.24	0.42	-0.031	NA
chr18	23806283	23807093	TAF4B	ENSG00000141384	279	0.17	0.2	0.42	-0.026	NA
chr18	44526866	44527137	KATNAL2	ENSG00000167216	214	0.19	0.27	0.42	-0.079	NA
chr18	60189509	60192109	ZCCHC2	ENSG00000141664	151	0.19	0.2	0.42	-0.017	NA
chr18	77794360	77794761	RBFA	ENSG00000101546	202	0.2	0.25	0.43	-0.05	NA
chr18	72919914	72921785	ZADH2	ENSG00000180011	454	0.25	0.23	0.44	0.022	NA
chr18	48911	49655	RP11-683L23.1	ENSG00000173213	274	0.96	1	0.45	-0.042	NA
chr18	19284165	19285052	ABHD3	ENSG00000158201	158	0.21	0.25	0.45	-0.045	NA
chr18	158278	159311	USP14	ENSG00000101557	311	0.15	0.13	0.46	0.027	NA
chr18	12307554	12309043	TUBB6	ENSG00000176014	228	0.2	0.22	0.46	-0.021	NA
chr18	47901254	47901662	SKA1	ENSG00000154839	93	0.13	0.21	0.46	-0.079	NA
chr18	9913464	9915164	VAPA	ENSG00000101558	315	0.16	0.18	0.48	-0.024	NA
chr18	10525841	10526433	NAPG	ENSG00000134265	264	0.22	0.18	0.48	0.033	NA
chr18	33160891	33162264	GALNT1	ENSG00000141429	574	0.23	0.25	0.48	-0.026	NA
chr18	51795711	51796332	POLI	ENSG00000101751	132	0.32	0.25	0.49	0.072	NA
chr18	43913345	43914477	RNF165	ENSG00000141622	-276	0.21	0.25	0.5	-0.04	NA
chr18	12947924	12948654	SEH1L	ENSG00000085415	306	0.19	0.16	0.51	0.024	NA
chr18	43651796	43652455	PSTPIP2	ENSG00000152229	98	0.22	0.24	0.52	-0.027	NA
chr18	7116852	7118241	LAMA1	ENSG00000101680	267	0.22	0.2	0.53	0.02	NA
chr18	12076434	12076799	AP002414.1	ENSG00000256616	37	0.41	0.48	0.53	-0.067	NA
chr18	60382304	60384371	PHLPP1	ENSG00000081913	665	0.2	0.19	0.53	0.011	NA

chr18	31802358	31803792	NOL4	ENSG00000101746	371	0.19	0.21	0.54	-0.023	NA
chr18	77905297	77905566	AC139100.1	ENSG00000226924	-376	0.24	0.5	0.56	-0.26	NA
chr18	33876727	33878487	FHOD3	ENSG00000134775	-95	0.19	0.18	0.57	0.015	NA
chr18	11148307	11149936	FAM38B	ENSG00000154864	-360	0.17	0.18	0.58	-0.012	NA
chr18	12657044	12658727	SPIRE1	ENSG00000134278	27	0.2	0.19	0.58	0.011	NA
chr18	55253544	55254093	FECH	ENSG00000066926	68	0.19	0.16	0.58	0.032	NA
chr18	46986504	46987194	DYM	ENSG00000141627	230	0.22	0.2	0.6	0.026	NA
chr18	33708919	33710236	SLC39A6	ENSG00000141424	-270	0.18	0.2	0.62	-0.019	NA
chr18	5196243	5197389	C18orf42	ENSG00000231824	439	0.21	0.24	0.64	-0.023	NA
chr18	23713728	23713953	PSMA8	ENSG00000154611	24	0.69	0.73	0.64	-0.033	NA
chr18	29598566	29599460	RNF125	ENSG00000101695	678	0.14	0.22	0.64	-0.082	NA
chr18	70208974	70211790	CBLN2	ENSG00000141668	1392	0.21	0.22	0.64	-0.016	NA
chr18	77171704	77172118	NFATC1	ENSG00000131196	1823	0.85	1	0.64	-0.15	NA
chr18	47013321	47013901	C18orf32	ENSG00000177576	-10	0.16	0.18	0.65	-0.015	NA
chr18	35144907	35147628	CELF4	ENSG00000101489	-267	0.23	0.22	0.66	0.015	NA
chr18	74206239	74208638	ZNF516	ENSG00000101493	-292	0.23	0.21	0.66	0.016	NA
chr18	5542847	5543054	EPB41L3	ENSG00000082397	1061	0.5	1	0.67	-0.5	NA
chr18	24443200	24443458	CHST9-AS1	ENSG00000236721	-1943	0.11	0.18	0.67	-0.07	NA
chr18	48724198	48724425	MEX3C	ENSG00000176624	-621	0.17	0.15	0.68	0.024	NA
chr18	12702184	12703242	PSMG2	ENSG00000128789	288	0.24	0.23	0.69	0.014	NA
chr18	5543437	5544241	EPB41L3	ENSG00000082397	172	0.19	0.22	0.7	-0.029	NA
chr18	21017671	21018011	C18orf45	ENSG00000134490	-24	0.33	0.24	0.72	0.098	NA
chr18	47018434	47018948	RPL17	ENSG00000215472	158	0.24	0.21	0.72	0.022	NA
chr18	48556291	48557333	SMAD4	ENSG00000141646	229	0.19	0.21	0.73	-0.018	NA
chr18	56887091	56887665	GRP	ENSG00000134443	-22	0.18	0.2	0.74	-0.019	NA
chr18	5295323	5297099	ZFP161	ENSG00000198081	-172	0.2	0.19	0.75	0.01	NA
chr18	6729693	6730037	ARHGAP28	ENSG00000088756	44	0.22	0.19	0.75	0.032	NA
chr18	61033978	61035056	KDSR	ENSG00000119537	-80	0.2	0.21	0.75	-0.011	NA
chr18	32956764	32957406	ZNF396	ENSG00000186496	216	0.19	0.17	0.76	0.02	NA
chr18	9102416	9102973	NDUFV2	ENSG00000178127	66	0.25	0.23	0.77	0.023	NA

chr18	10454453	10455268	APCDD1	ENSG00000154856	235	0.21	0.24	0.77	-0.026	NA
chr18	18821383	18823349	GREB1L	ENSG00000141449	163	0.2	0.19	0.77	0.008	NA
chr18	65183237	65184014	AC114689.1	ENSG00000246923	-158	0.32	0.4	0.77	-0.078	NA
chr18	59992069	59993556	TNFRSF11A	ENSG00000141655	292	0.25	0.24	0.78	0.011	NA
chr18	71814555	71815716	FBXO15	ENSG00000141665	-69	0.2	0.17	0.78	0.028	NA
chr18	55469056	55471263	ATP8B1	ENSG00000081923	168	0.29	0.28	0.79	0.011	NA
chr18	53447074	53447842	AC022031.1	ENSG00000246990	1494	0.16	0.18	0.81	-0.014	NA
chr18	54318456	54318785	TXNL1	ENSG00000091164	-115	0.18	0.16	0.82	0.028	NA
chr18	43677956	43678352	ATP5A1	ENSG00000152234	-141	0.26	0.24	0.83	0.022	NA
chr18	19180049	19181026	ESCO1	ENSG00000141446	308	0.2	0.2	0.85	0.0087	NA
chr18	43547176	43547702	EPG5	ENSG00000152223	-199	0.2	0.22	0.85	-0.023	NA
chr18	19320589	19321939	MIB1	ENSG00000101752	-17	0.23	0.22	0.86	0.0073	NA
chr18	57363714	57365001	CCBE1	ENSG00000183287	217	0.19	0.2	0.87	-0.0051	NA
chr18	72123606	72124717	FAM69C	ENSG00000187773	342	0.21	0.22	0.87	-0.0077	NA
chr18	12432890	12433245	AP001029.2	ENSG00000256786	1486	0.99	0.98	0.88	0.0092	NA
chr18	34408558	34409289	C18orf10	ENSG00000134779	17	0.19	0.19	0.88	0.0082	NA
chr18	57026065	57026769	LMAN1	ENSG00000074695	86	0.17	0.17	0.88	0.0065	NA
chr18	33552151	33552952	C18orf21	ENSG00000141428	-197	0.19	0.2	0.89	-0.008	NA
chr18	54305419	54306087	TXNL1	ENSG00000091164	167	0.16	0.16	0.9	0.0088	NA
chr18	32621215	32621689	MAPRE2	ENSG00000166974	118	0.21	0.22	0.92	-0.014	NA
chr18	43684113	43684847	ATP5A1	ENSG00000152234	-287	0.25	0.26	0.96	-0.018	NA
chr18	44702571	44702840	IER3IP1	ENSG00000134049	40	0.19	0.18	0.96	0.012	NA
chr18	20714968	20717071	CABLES1	ENSG00000134508	292	0.2	0.2	0.98	0.0015	NA
chr18	44496910	44497832	PIAS2	ENSG00000078043	95	0.22	0.22	0.99	-0.0031	NA
chr18	67872521	67873358	RTTN	ENSG00000176225	23	0.21	0.21	0.99	-0.007	NA
chr18	74203538	74205017	ZNF516	ENSG00000101493	-1542	0.18	0.19	0.99	-0.0041	NA
chr18	3729123	3729406	DLGAP1	ENSG00000170579	114	0.99	0.98	1	0.0065	NA
chr18	5294737	5294941	ZFP161	ENSG00000198081	1200	0.29	0.27	1	0.013	NA
chr18	9136088	9137594	ANKRD12	ENSG00000101745	83	0.21	0.21	1	-0.0015	NA
chr18	12093607	12093842	ANKRD62	ENSG00000181626	-335	0.98	0.97	1	0.0037	NA

chr18	12325040	12326049	AP005264.1	ENSG00000221088	-193	0.98	0.98	1	0.0024	NA
chr18	12407715	12408242	SLMO1	ENSG00000141391	83	0.24	0.23	1	0.0061	NA
chr18	13725979	13727370	C18orf19	ENSG00000177150	-115	0.21	0.21	1	0.0019	NA
chr18	13824001	13824215	AP001525.1	ENSG00000211528	-123	0.12	0.13	1	-0.0057	NA
chr18	13826186	13826523	MC5R	ENSG00000176136	811	0.99	0.98	1	0.0091	NA
chr18	19192143	19192594	SNRPD1	ENSG00000167088	108	0.2	0.2	1	0.00088	NA
chr18	21718862	21719550	CABYR	ENSG00000154040	264	0.19	0.18	1	0.013	NA
chr18	21851399	21852169	OSBPL1A	ENSG00000141447	412	0.16	0.17	1	-0.003	NA
chr18	22930018	22930904	ZNF521	ENSG00000198795	1753	0.19	0.21	1	-0.02	NA
chr18	23669971	23671275	SS18	ENSG00000141380	-62	0.26	0.26	1	-0.0003	NA
chr18	44140362	44140575	LOXHD1	ENSG00000167210	-1193	0.99	1	1	-0.01	NA
chr18	59560494	59562016	RNF152	ENSG00000176641	-263	0.22	0.22	1	0.0021	NA
chr18	60985503	60985741	BCL2	ENSG00000171791	991	0.27	0.26	1	0.013	NA
chr18	68097806	68098096	RP11-644A7.1	ENSG00000214255	484	1	1	1	0	NA
chr18	76828638	76829796	ATP9B	ENSG00000166377	-177	0.19	0.19	1	-0.0019	NA
chr18	2571286	2571580	METTL4	ENSG00000101574	75	0.58	NA	NA	NA	NA
chr18	44236839	44237056	LOXHD1	ENSG00000167210	-10	1	NA	NA	NA	NA
chr18	44548964	44550756	TCEB3CL	ENSG00000234298	674	1	NA	NA	NA	NA
chr18	44554879	44556671	TCEB3C	ENSG00000183791	674	1	NA	NA	NA	NA
chr18	74325809	74326082	AC034110.2	ENSG00000247645	-1224	0.75	NA	NA	NA	NA
chr19	1510493	1510725	ADAMTSL5	ENSG00000185761	342	0.15	0.68	1.30E-09	-0.54	NA
chr19	46916587	46916862	CCDC8	ENSG00000169515	102	0.93	0.3	2.30E-09	0.63	NA
chr19	50192499	50192802	C19orf76	ENSG00000224420	-445	0.79	0.27	2.70E-09	0.52	NA
chr19	51069359	51069600	LRRC4B	ENSG00000131409	1823	0.65	0.17	3.60E-09	0.48	NA
chr19	15344091	15344419	EPHX3	ENSG00000105131	-397	0.77	0.38	1.20E-08	0.39	NA
chr19	55895262	55898164	AC020922.1	ENSG00000233493	-1086	0.38	0.23	1.40E-08	0.16	NA
chr19	12917186	12917676	RNASEH2A	ENSG00000104889	3	0.1	0.46	1.70E-08	-0.35	NA
chr19	10196696	10197857	C19orf66	ENSG00000130813	470	0.39	0.14	3.30E-08	0.25	NA
chr19	7983603	7983919	SNAPC2	ENSG00000104976	-1433	0.56	0.25	3.90E-08	0.32	NA
chr19	48675065	48675352	C19orf68	ENSG00000185453	1259	0.85	0.59	4.00E-08	0.26	NA

chr19	57018743	57019506	ZNF471	ENSG00000196263	-88	0.15	0.47	5.30E-08	-0.32	NA
chr19	50353790	50355483	PTOV1	ENSG00000104960	498	0.25	0.13	6.00E-08	0.12	NA
chr19	7745490	7747714	TRAPPC5	ENSG00000181029	841	0.62	0.39	9.80E-08	0.23	NA
chr19	18118741	18119553	ARRDC2	ENSG00000105643	170	0.27	0.15	1.20E-07	0.12	NA
chr19	1980824	1981088	CSNK1G2	ENSG00000133275	1965	0.96	0.43	1.50E-07	0.53	NA
chr19	39881332	39882164	PAF1	ENSG00000006712	-69	0.17	0.45	1.80E-07	-0.28	NA
chr19	10443688	10446022	RAVER1	ENSG00000161847	-541	0.3	0.16	2.10E-07	0.14	NA
chr19	18313348	18313577	RAB3A	ENSG00000105649	1360	0.6	0.31	4.50E-07	0.29	NA
chr19	1439951	1440423	RPS15	ENSG00000115268	1824	0.9	0.7	5.70E-07	0.2	NA
chr19	40871617	40871824	PLD3	ENSG00000105223	-82	0.88	0.1	7.10E-07	0.78	NA
chr19	811904	813824	MIR3187	ENSG00000129951	1885	0.98	0.93	8.80E-07	0.05	NA
chr19	7953280	7953708	LRRC8E	ENSG00000171017	104	0.42	0.21	1.00E-06	0.21	NA
chr19	14529731	14530505	DDX39A	ENSG00000123136	-212	0.27	0.11	1.10E-06	0.16	NA
chr19	17982670	17983821	SLC5A5	ENSG00000105641	463	0.38	0.6	1.20E-06	-0.22	NA
chr19	56156312	56156543	ZNF581	ENSG00000171425	1441	0.83	0.52	1.30E-06	0.31	NA
chr19	1863841	1864942	KLF16	ENSG00000129911	-827	0.32	0.18	1.40E-06	0.13	NA
chr19	39694476	39694994	SYCN	ENSG00000179751	171	0.61	0.33	4.10E-06	0.28	NA
chr19	58728277	58728729	CTD-3138B18.1	ENSG00000213013	957	0.68	0.51	4.20E-06	0.17	NA
chr19	407011	409511	C2CD4C	ENSG00000183186	909	0.36	0.5	5.10E-06	-0.13	NA
chr19	45596086	45596871	LRRC68	ENSG00000104866	260	0.13	0.29	6.10E-06	-0.16	NA
chr19	4402483	4403091	CHAF1A	ENSG00000167670	128	0.41	0.13	6.40E-06	0.28	NA
chr19	57741955	57742457	AURKC	ENSG00000105146	-171	0.93	0.69	6.60E-06	0.24	NA
chr19	4044917	4045154	AC016586.1	ENSG00000205147	-1881	0.43	0.89	7.10E-06	-0.46	NA
chr19	38746638	38747379	PPP1R14A	ENSG00000167641	164	0.45	0.28	7.40E-06	0.17	NA
chr19	38865263	38865733	PSMD8	ENSG00000099341	322	0.15	0.34	7.90E-06	-0.19	NA
chr19	41106058	41106415	LTBP4	ENSG00000090006	-1041	0.26	0.53	8.20E-06	-0.27	NA
chr19	41256317	41257234	C19orf54	ENSG00000188493	-378	0.27	0.14	1.10E-05	0.13	NA
chr19	58816527	58817018	ERVK3-1	ENSG00000142396	57	0.48	0.2	1.10E-05	0.29	NA
chr19	40729087	40729430	CNTD2	ENSG00000105219	1586	0.45	0.65	1.30E-05	-0.2	NA
chr19	47922251	47922777	MEIS3	ENSG00000105419	271	0.39	0.14	1.70E-05	0.25	NA

chr19	36246328	36247982	HSPB6	ENSG00000004776	770	0.74	0.62	1.80E-05	0.12	NA
chr19	2095395	2095727	MOBK2A	ENSG00000172081	708	0.52	0.27	2.10E-05	0.25	NA
chr19	3611794	3613658	C19orf29OS	ENSG00000226800	1160	0.94	0.87	2.20E-05	0.076	NA
chr19	10981486	10983266	CARM1	ENSG00000142453	123	0.26	0.15	2.40E-05	0.11	NA
chr19	35323531	35323952	AC008555.3	ENSG00000222766	1587	0.88	0.68	2.50E-05	0.19	NA
chr19	41630485	41630794	CYP2F1	ENSG00000197446	16	0.83	0.98	2.70E-05	-0.15	NA
chr19	1490134	1491806	PCSK4	ENSG00000115257	-629	0.28	0.17	3.00E-05	0.11	NA
chr19	2307566	2308092	LINGO3	ENSG00000220008	327	0.49	0.27	3.90E-05	0.22	NA
chr19	12767749	12767980	MAN2B1	ENSG00000104774	185	0.88	0.66	4.00E-05	0.22	NA
chr19	19639552	19639788	YJEFN3	ENSG00000250067	0	0.39	0.12	4.00E-05	0.27	NA
chr19	48965002	48965792	KCNJ14	ENSG00000182324	891	0.96	0.77	4.10E-05	0.19	NA
chr19	58570393	58571779	ZNF135	ENSG00000176293	479	0.46	0.34	5.20E-05	0.13	NA
chr19	4639218	4639750	TNFAIP8L1	ENSG00000185361	-43	0.3	0.12	5.60E-05	0.19	NA
chr19	16770636	16772632	C19orf42	ENSG00000214046	-711	0.3	0.17	7.10E-05	0.13	NA
chr19	1241619	1242569	ATP5D	ENSG00000099624	345	0.3	0.19	7.70E-05	0.11	NA
chr19	5822284	5822532	NRTN	ENSG00000171119	-1410	0.18	0.49	8.40E-05	-0.32	NA
chr19	18266882	18266889	PIK3R2	ENSG00000105647	353	0.93	0.68	8.80E-05	0.24	NA
chr19	3358495	3361248	NFIC	ENSG00000141905	255	0.24	0.16	0.00012	0.079	NA
chr19	10397603	10398703	ICAM4	ENSG00000105371	503	0.33	0.22	0.00013	0.11	NA
chr19	12865419	12865825	BEST2	ENSG00000039987	-1051	0.8	0.38	0.00013	0.42	NA
chr19	13875044	13875951	MRI1	ENSG00000037757	160	0.29	0.12	0.00014	0.16	NA
chr19	49140156	49141131	DBP	ENSG00000105516	-4	0.34	0.08	0.00014	0.26	NA
chr19	38876070	38876332	GGN	ENSG00000179168	1700	0.96	0.65	0.00015	0.31	NA
chr19	55673460	55673663	C19orf51	ENSG00000167646	-126	0.65	0.15	0.00015	0.5	NA
chr19	16178396	16178609	TPM4	ENSG00000167460	154	0.84	0.49	0.00016	0.35	NA
chr19	3586742	3587104	AC116968.1	ENSG00000256059	1354	0.94	0.39	0.00019	0.55	NA
chr19	9879152	9879736	ZNF846	ENSG00000196605	-34	0.29	0.14	0.00019	0.15	NA
chr19	10529627	10532004	PDE4A	ENSG00000065989	-518	0.27	0.18	0.00021	0.088	NA
chr19	11493484	11494363	EPOR	ENSG00000187266	1095	0.37	0.18	0.00022	0.2	NA
chr19	47910107	47910563	MEIS3	ENSG00000105419	814	0.96	0.74	0.00022	0.21	NA

chr19	42724190	42724665	ZNF526	ENSG00000167625	-21	0.13	1	0.00023	-0.87	NA
chr19	4669927	4670528	C19orf10	ENSG00000074842	188	0.3	0.17	0.00024	0.14	NA
chr19	13905810	13906649	ZSWIM4	ENSG00000132003	-45	0.42	0.22	0.00024	0.2	NA
chr19	13029794	13030355	SYCE2	ENSG00000161860	2	0.61	0.3	0.00025	0.31	NA
chr19	14196244	14196706	C19orf67	ENSG00000188032	99	0.84	0.67	0.00025	0.18	NA
chr19	57630339	57630633	USP29	ENSG00000131864	-925	0.79	0.62	0.00026	0.17	NA
chr19	17931951	17932370	INSL3	ENSG00000248099	160	0.5	0.74	0.00028	-0.24	NA
chr19	49561094	49561620	CGB7	ENSG00000196337	760	0.34	0.7	0.00028	-0.36	NA
chr19	10230162	10230682	EIF3G	ENSG00000130811	177	0.29	0.13	3.00E-04	0.15	NA
chr19	40950025	40950777	SERTAD3	ENSG00000167565	-119	0.36	0.17	3.00E-04	0.19	NA
chr19	42746314	42747318	GSK3A	ENSG00000105723	-71	0.32	0.18	0.00031	0.14	NA
chr19	1523705	1524565	PLK5P	ENSG00000185988	-3	0.28	0.17	0.00035	0.11	NA
chr19	19029924	19030653	COPE	ENSG00000105669	-91	0.26	0.52	0.00035	-0.26	NA
chr19	10399844	10405375	ICAM5	ENSG00000105376	1954	0.3	0.24	0.00039	0.064	NA
chr19	5339640	5341061	PTPRS	ENSG00000105426	464	0.27	0.16	0.00041	0.11	NA
chr19	56089679	56090859	ZNF579	ENSG00000218891	1942	0.93	0.85	0.00046	0.081	NA
chr19	15442261	15443077	BRD4	ENSG00000141867	687	0.28	0.16	0.00047	0.12	NA
chr19	50249492	50249894	TSKS	ENSG00000126467	773	0.56	0.36	0.00048	0.21	NA
chr19	32895975	32897233	AC007773.1	ENSG00000249530	-159	0.25	0.16	0.00049	0.092	NA
chr19	58193268	58193638	ZNF551	ENSG00000204519	96	0.11	0.34	0.00049	-0.23	NA
chr19	10679134	10680036	CDKN2D	ENSG00000129355	46	0.38	0.24	0.00051	0.14	NA
chr19	58897721	58898878	RPS5	ENSG00000083845	-337	0.34	0.18	0.00053	0.16	NA
chr19	3585357	3585947	GIPC3	ENSG00000179855	101	0.34	0.2	0.00061	0.14	NA
chr19	13988204	13988559	NANOS3	ENSG00000187556	318	0.62	0.88	0.00062	-0.25	NA
chr19	54040812	54041857	ZNF331	ENSG00000130844	395	0.43	0.73	0.00066	-0.3	NA
chr19	6767945	6768160	SH2D3A	ENSG00000125731	-529	0.59	0.29	0.00069	0.3	NA
chr19	39897241	39898942	ZFP36	ENSG00000128016	604	0.4	0.28	0.00073	0.12	NA
chr19	1354420	1355350	MUM1	ENSG00000160953	-119	0.22	0.34	0.00074	-0.12	NA
chr19	3006273	3006721	TLE2	ENSG00000065717	61	0.97	0.81	0.00087	0.16	NA
chr19	36523391	36523887	CLIP3	ENSG00000105270	-81	0.33	0.12	0.00087	0.21	NA

chr19	29218001	29218733	AC005394.1	ENSG00000250689	220	0.27	0.17	0.00091	0.11	NA
chr19	8578661	8579219	ZNF414	ENSG00000133250	108	0.29	0.16	0.00093	0.13	NA
chr19	1070985	1071812	HMHA1	ENSG00000180448	178	0.41	0.27	0.00095	0.14	NA
chr19	1265854	1269943	CIRBP	ENSG00000099622	-1369	0.27	0.22	0.00095	0.056	NA
chr19	2900329	2901203	ZNF57	ENSG00000171970	-130	0.27	0.16	0.00095	0.11	NA
chr19	639565	640370	FGF22	ENSG00000070388	41	0.19	0.3	0.0011	-0.11	NA
chr19	55769269	55770875	PPP6R1	ENSG00000105063	-34	0.24	0.16	0.0011	0.082	NA
chr19	911689	911996	C19orf22	ENSG00000198858	1383	0.9	0.73	0.0012	0.17	NA
chr19	12758273	12758754	MAN2B1	ENSG00000104774	-115	0.55	0.29	0.0012	0.26	NA
chr19	54982388	54982897	CDC42EP5	ENSG00000167617	1676	0.33	0.18	0.0012	0.15	NA
chr19	5338788	5339130	PTPRS	ENSG00000105426	1855	0.44	0.2	0.0013	0.24	NA
chr19	54960191	54960948	AC008746.11	ENSG00000226696	-377	0.23	0.13	0.0013	0.097	NA
chr19	8554998	8555251	PRAM1	ENSG00000133246	1783	0.83	0.66	0.0014	0.17	NA
chr19	19648134	19649390	CILP2	ENSG00000160161	-312	0.35	0.22	0.0014	0.13	NA
chr19	49223054	49223312	MAMSTR	ENSG00000176909	-205	0.95	0.76	0.0014	0.19	NA
chr19	50934904	50935677	MYBPC2	ENSG00000086967	-870	0.41	0.22	0.0014	0.19	NA
chr19	54382664	54382951	PRKCG	ENSG00000126583	363	0.32	0.16	0.0014	0.15	NA
chr19	36248979	36249307	C19orf55	ENSG00000167595	99	0.36	0.12	0.0015	0.25	NA
chr19	1063544	1064265	ABCA7	ENSG00000064687	-147	0.91	0.76	0.0017	0.15	NA
chr19	18343496	18344196	PDE4C	ENSG00000105650	635	0.33	0.2	0.0017	0.13	NA
chr19	12551471	12551877	ZNF443	ENSG00000180855	89	0.52	0.19	0.0019	0.33	NA
chr19	18451292	18451791	PGPEP1	ENSG00000130517	133	0.17	0.31	0.0019	-0.14	NA
chr19	46288988	46289934	DMWD	ENSG00000185800	-544	0.88	0.79	0.0019	0.088	NA
chr19	54693034	54695497	MBOAT7	ENSG00000125505	-1119	0.25	0.17	0.0019	0.08	NA
chr19	18390360	18392734	JUND	ENSG00000130522	885	0.17	0.25	0.0021	-0.087	NA
chr19	52511228	52511582	ZNF615	ENSG00000197619	53	0.09	0.5	0.0021	-0.41	NA
chr19	50093657	50095507	PRR12	ENSG00000126464	-330	0.25	0.4	0.0022	-0.14	NA
chr19	10764244	10765807	ILF3	ENSG00000129351	88	0.31	0.19	0.0025	0.12	NA
chr19	52598480	52599238	ZNF841	ENSG00000197608	159	0.3	0.14	0.0025	0.16	NA
chr19	7598413	7601008	PNPLA6	ENSG00000032444	672	0.22	0.16	0.0026	0.06	NA

chr19	19006031	19007546	GDF1	ENSG00000130283	165	0.26	0.15	0.0026	0.11	NA
chr19	34895152	34895812	PDCD2L	ENSG00000126249	179	0.14	0.35	0.0026	-0.2	NA
chr19	58609338	58609988	ZSCAN18	ENSG00000121413	67	0.16	0.25	0.0027	-0.09	NA
chr19	1591998	1593095	MBD3	ENSG00000071655	106	0.25	0.17	0.0033	0.079	NA
chr19	47776370	47778740	AC008532.1	ENSG00000257704	-155	0.26	0.17	0.0035	0.095	NA
chr19	7938332	7939779	AC010336.1	ENSG00000183248	271	0.3	0.19	0.004	0.11	NA
chr19	54618652	54619167	TFPT	ENSG00000105619	-244	0.37	0.11	0.004	0.26	NA
chr19	12902107	12904954	JUNB	ENSG00000171223	1220	0.23	0.18	0.0041	0.053	NA
chr19	13885180	13885793	C19orf53	ENSG00000104979	229	0.34	0.19	0.0041	0.16	NA
chr19	17420717	17420939	DDA1	ENSG00000130311	491	0.25	0.1	0.0042	0.14	NA
chr19	33165266	33168099	ANKRD27	ENSG00000105186	-580	0.27	0.2	0.0043	0.064	NA
chr19	1287416	1287885	EFNA2	ENSG00000099617	1482	0.7	0.49	0.0044	0.22	NA
chr19	42599507	42600522	POU2F2	ENSG00000028277	-457	0.86	0.72	0.0045	0.14	NA
chr19	5455481	5456262	ZNRF4	ENSG00000105428	445	0.95	0.89	0.0047	0.068	NA
chr19	40006098	40006626	AC011500.1	ENSG00000186838	609	0.31	0.17	0.0047	0.14	NA
chr19	16222112	16223152	RAB8A	ENSG00000167461	142	0.26	0.14	0.0048	0.12	NA
chr19	33555246	33556431	RHPN2	ENSG00000131941	-44	0.3	0.19	0.0049	0.11	NA
chr19	55672023	55673212	C19orf51	ENSG00000167646	-590	0.38	0.24	0.005	0.14	NA
chr19	12758975	12759210	MAN2B1	ENSG00000104774	-605	0.6	0.32	0.0051	0.28	NA
chr19	16186789	16188275	TPM4	ENSG00000167460	397	0.25	0.16	0.0051	0.09	NA
chr19	796506	798936	PTBP1	ENSG00000011304	329	0.24	0.15	0.0052	0.086	NA
chr19	33462715	33463308	CEP89	ENSG00000121289	-142	0.16	0.28	0.0052	-0.12	NA
chr19	53289642	53290212	ZNF600	ENSG00000189190	107	0.33	0.2	0.0053	0.14	NA
chr19	57351283	57351995	ZIM2	ENSG00000198300	455	0.66	0.49	0.0053	0.18	NA
chr19	44576116	44576564	ZNF284	ENSG00000186026	43	0.37	0.18	0.0058	0.19	NA
chr19	56154041	56154405	ZNF580	ENSG00000213015	760	0.28	0.17	0.0058	0.11	NA
chr19	16682657	16683792	SLC35E1	ENSG00000127526	-237	0.21	0.15	0.0059	0.062	NA
chr19	1438287	1438869	RPS15	ENSG00000115268	215	0.26	0.14	0.0064	0.11	NA
chr19	21265164	21265433	ZNF714	ENSG00000160352	287	0.18	0.42	0.0065	-0.25	NA
chr19	41220886	41221205	ADCK4	ENSG00000123815	-67	0.37	0.15	0.0065	0.23	NA

chr19	13215244	13215543	LYL1	ENSG00000104903	-1712	0.55	0.37	0.0069	0.18	NA
chr19	19371675	19372393	HAPLN4	ENSG00000187664	1562	0.58	0.39	0.0071	0.2	NA
chr19	40022952	40023667	EID2B	ENSG00000176401	185	0.28	0.17	0.0072	0.11	NA
chr19	375830	376094	THEG	ENSG00000105549	8	0.73	0.91	0.0073	-0.18	NA
chr19	9731734	9731994	ZNF561	ENSG00000171469	0	0.31	0.17	0.0073	0.14	NA
chr19	42348675	42348920	LYPD4	ENSG00000183103	-61	0.63	0.77	0.0076	-0.14	NA
chr19	55857600	55858055	SUV420H2	ENSG00000133247	386	0.84	0.66	0.0076	0.18	NA
chr19	49559222	49560497	CGB7	ENSG00000196337	-862	0.27	0.17	0.0077	0.11	NA
chr19	37063892	37064749	AC092295.7	ENSG00000233527	348	0.23	0.39	0.0078	-0.16	NA
chr19	7794793	7796410	CLEC4G	ENSG00000182566	1456	0.42	0.3	0.008	0.12	NA
chr19	5903482	5905216	NDUFA11	ENSG00000174886	-570	0.24	0.33	0.0081	-0.094	NA
chr19	12885756	12886519	HOOK2	ENSG00000095066	297	0.37	0.18	0.0081	0.19	NA
chr19	38826303	38826573	CATSPERG	ENSG00000099338	23	0.34	0.11	0.0081	0.23	NA
chr19	42363678	42364765	RPS19	ENSG00000105372	233	0.26	0.18	0.0081	0.083	NA
chr19	18898228	18898449	COMP	ENSG00000105664	-494	0.29	0.45	0.0082	-0.16	NA
chr19	38713166	38713458	DPF1	ENSG00000011332	501	0.93	0.77	0.0084	0.16	NA
chr19	45970799	45972668	FOSB	ENSG00000125740	480	0.25	0.18	0.0087	0.073	NA
chr19	57049675	57050646	ZFP28	ENSG00000196867	-157	0.24	0.17	0.0087	0.078	NA
chr19	35633847	35634629	FXYD7	ENSG00000221946	84	0.38	0.18	0.0088	0.2	NA
chr19	41903114	41903361	EXOSC5	ENSG00000077348	19	0.17	0.37	0.0091	-0.2	NA
chr19	49457926	49458493	BAX	ENSG00000087088	137	0.3	0.2	0.0091	0.1	NA
chr19	10513990	10515616	MIR1181	ENSG00000221566	-589	0.34	0.23	0.0093	0.12	NA
chr19	10627980	10628417	S1PR5	ENSG00000180739	-72	0.38	0.24	0.0093	0.14	NA
chr19	39217530	39217857	ACTN4	ENSG00000130402	-803	0.65	1	0.0095	-0.35	NA
chr19	2235681	2237102	PLEKHJ1	ENSG00000104886	-72	0.15	0.22	0.0099	-0.073	NA
chr19	10735999	10736396	SLC44A2	ENSG00000129353	26	0.37	0.16	0.01	0.21	NA
chr19	18043480	18044143	CCDC124	ENSG00000007080	-13	0.16	0.31	0.01	-0.15	NA
chr19	58094739	58095764	ZIK1	ENSG00000171649	-257	0.14	0.25	0.01	-0.1	NA
chr19	39421063	39421615	MRPS12	ENSG00000128626	-9	0.32	0.53	0.011	-0.21	NA
chr19	49116245	49116641	FAM83E	ENSG00000105523	251	0.26	0.1	0.011	0.16	NA

chr19	54641071	54642325	CNOT3	ENSG00000088038	254	0.34	0.19	0.011	0.15	NA
chr19	55850495	55851493	SUV420H2	ENSG00000133247	-227	0.17	0.33	0.011	-0.17	NA
chr19	35224920	35225316	ZNF181	ENSG00000197841	57	0.28	0.16	0.012	0.12	NA
chr19	35842430	35843187	FFAR1	ENSG00000126266	363	0.89	0.95	0.012	-0.062	NA
chr19	41354451	41354685	CYP2A6	ENSG00000255974	1784	0.33	0.15	0.012	0.18	NA
chr19	56111498	56112063	ZNF524	ENSG00000171443	50	0.23	0.13	0.013	0.1	NA
chr19	6425485	6425843	KHSRP	ENSG00000088247	-842	0.27	0.55	0.014	-0.28	NA
chr19	11590295	11593643	ELAVL3	ENSG00000196361	-166	0.26	0.2	0.014	0.06	NA
chr19	46996327	46998437	AC011484.1	ENSG00000204850	-383	0.72	0.66	0.014	0.062	NA
chr19	57791462	57792223	ZNF460	ENSG00000197714	-11	0.15	0.29	0.014	-0.14	NA
chr19	917034	920787	KISS1R	ENSG00000116014	1568	0.27	0.21	0.015	0.059	NA
chr19	12844998	12845664	C19orf43	ENSG00000123144	198	0.32	0.15	0.015	0.17	NA
chr19	6590340	6591072	CD70	ENSG00000125726	419	0.36	0.23	0.015	0.12	NA
chr19	17958490	17958808	JAK3	ENSG00000105639	151	0.3	0.71	0.015	-0.41	NA
chr19	36604359	36606906	TBCB	ENSG00000105254	-256	0.4	0.32	0.015	0.085	NA
chr19	42720826	42722132	DEDD2	ENSG00000160570	334	0.28	0.2	0.015	0.078	NA
chr19	54605985	54606590	OSCAR	ENSG00000170909	-287	0.27	1	0.015	-0.73	NA
chr19	58427621	58428054	ZNF417	ENSG00000173480	108	0.33	0.16	0.015	0.17	NA
chr19	8563441	8564225	PRAM1	ENSG00000133246	723	0.75	0.86	0.016	-0.11	NA
chr19	42386865	42387485	ARHGEF1	ENSG00000076928	-92	0.25	0.15	0.016	0.094	NA
chr19	12624273	12624477	ZNF709	ENSG00000242852	272	0.54	0.82	0.017	-0.27	NA
chr19	15217951	15218617	SYDE1	ENSG00000105137	70	0.32	0.23	0.017	0.091	NA
chr19	34919127	34919960	UBA2	ENSG00000126261	279	0.3	0.2	0.017	0.1	NA
chr19	57078365	57079301	AC005498.1	ENSG00000245443	-59	0.27	0.16	0.017	0.1	NA
chr19	58694501	58695107	ZNF274	ENSG00000171606	408	0.25	0.16	0.017	0.088	NA
chr19	47290585	47291983	SLC1A5	ENSG00000105281	558	0.28	0.2	0.018	0.074	NA
chr19	1815700	1816784	MIR1909	ENSG00000223244	-5	0.9	0.83	0.019	0.071	NA
chr19	17445072	17445807	ANO8	ENSG00000074855	199	0.25	0.16	0.019	0.087	NA
chr19	57751888	57752286	ZNF805	ENSG00000204524	114	0.16	0.31	0.019	-0.15	NA
chr19	7852932	7854557	CLEC4GP1	ENSG00000248217	1374	0.27	0.17	0.02	0.096	NA

chr19	44008014	44008893	PHLDB3	ENSG00000176531	634	0.21	0.13	0.02	0.078	NA
chr19	54057414	54058254	ZNF331	ENSG00000130844	50	0.55	0.44	0.02	0.12	NA
chr19	54385315	54385604	PRKCG	ENSG00000126583	6	0.5	0.23	0.02	0.27	NA
chr19	54668158	54668566	TMC4	ENSG00000167608	88	0.6	0.17	0.02	0.43	NA
chr19	1000198	1000994	GRIN3B	ENSG00000116032	178	0.24	0.15	0.021	0.085	NA
chr19	3626498	3627274	C19orf29	ENSG00000105298	-126	0.17	0.11	0.022	0.058	NA
chr19	10340776	10342254	S1PR2	ENSG00000175898	433	0.25	0.17	0.022	0.08	NA
chr19	39687597	39687964	NCCRP1	ENSG00000188505	176	0.29	0.45	0.022	-0.16	NA
chr19	56631771	56633076	ZNF787	ENSG00000142409	226	0.22	0.17	0.022	0.053	NA
chr19	50191330	50191559	PRMT1	ENSG00000126457	334	0.88	0.71	0.024	0.16	NA
chr19	56879417	56879995	ZNF542	ENSG00000240225	238	0.26	0.16	0.024	0.1	NA
chr19	49521087	49522241	LHB	ENSG00000104826	-1317	0.28	0.2	0.025	0.078	NA
chr19	38210107	38210692	ZNF607	ENSG00000198182	292	0.28	0.18	0.026	0.1	NA
chr19	40971476	40973393	BLVRB	ENSG00000090013	-709	0.19	0.13	0.026	0.065	NA
chr19	17416304	17417253	MRPL34	ENSG00000130312	301	0.29	0.18	0.028	0.1	NA
chr19	19843482	19843943	ZNF14	ENSG00000105708	209	0.26	0.15	0.028	0.12	NA
chr19	49991240	49991518	RPL13A	ENSG00000142541	506	0.22	0.5	0.028	-0.28	NA
chr19	54684476	54684876	MBOAT7	ENSG00000125505	-169	0.79	0.66	0.028	0.14	NA
chr19	58070553	58071273	AC003682.1	ENSG00000251369	294	0.28	0.18	0.028	0.094	NA
chr19	35738790	35740550	LSR	ENSG00000105699	111	0.29	0.22	0.029	0.07	NA
chr19	10828657	10829340	DNM2	ENSG00000079805	269	0.22	0.34	0.03	-0.12	NA
chr19	36210687	36210926	AD000671.1	ENSG00000105663	-998	0.79	0.92	0.03	-0.13	NA
chr19	2474610	2476828	GADD45B	ENSG00000099860	-404	0.22	0.16	0.031	0.052	NA
chr19	2819630	2820295	ZNF554	ENSG00000172006	90	0.28	0.15	0.032	0.13	NA
chr19	4101029	4101515	MAP2K2	ENSG00000126934	-595	0.9	0.97	0.032	-0.074	NA
chr19	45260352	45261809	BCL3	ENSG00000069399	234	0.3	0.23	0.032	0.061	NA
chr19	12511608	12512144	ZNF799	ENSG00000196466	-82	0.22	0.12	0.033	0.1	NA
chr19	50666147	50666514	IZUMO2	ENSG00000161652	107	0.45	0.34	0.033	0.11	NA
chr19	41816025	41816350	CCDC97	ENSG00000142039	93	0.26	0.46	0.034	-0.21	NA
chr19	39989397	39990140	DLL3	ENSG00000090932	211	0.25	0.17	0.035	0.086	NA

chr19	18335072	18337375	PDE4C	ENSG00000105650	-920	0.25	0.2	0.036	0.048	NA
chr19	36134153	36135781	ETV2	ENSG00000105672	1910	0.28	0.21	0.036	0.067	NA
chr19	44716461	44716908	ZNF227	ENSG00000131115	-7	0.21	0.44	0.036	-0.24	NA
chr19	51869400	51871587	ETFB	ENSG00000105379	-821	0.27	0.19	0.036	0.086	NA
chr19	56915356	56915856	ZNF583	ENSG00000198440	223	0.27	0.16	0.036	0.11	NA
chr19	36485937	36486852	SDHAF1	ENSG00000205138	304	0.19	0.14	0.037	0.051	NA
chr19	57182887	57183375	ZNF835	ENSG00000127903	-8	0.3	0.2	0.037	0.096	NA
chr19	709129	709990	PALM	ENSG00000099864	606	0.28	0.18	0.038	0.1	NA
chr19	8397958	8400461	KANK3	ENSG00000186994	-247	0.21	0.17	0.038	0.041	NA
chr19	45647957	45648823	LRRC68	ENSG00000104866	0	0.9	0.96	0.038	-0.06	NA
chr19	45655293	45657246	NKPD1	ENSG00000179846	759	0.25	0.2	0.038	0.048	NA
chr19	58144339	58144999	ZNF211	ENSG00000121417	133	0.27	0.17	0.038	0.098	NA
chr19	2269115	2271364	OAZ1	ENSG00000104904	719	0.24	0.2	0.039	0.044	NA
chr19	47522904	47525190	NPAS1	ENSG00000130751	-96	0.25	0.2	0.039	0.056	NA
chr19	1094797	1095649	POLR2E	ENSG00000099817	168	0.23	0.14	0.04	0.096	NA
chr19	290594	292249	PPAP2C	ENSG00000141934	-252	0.22	0.28	0.041	-0.055	NA
chr19	1068438	1068764	HMHA1	ENSG00000180448	999	0.87	0.7	0.041	0.17	NA
chr19	11485286	11485769	C19orf39	ENSG00000173928	144	0.24	0.39	0.041	-0.15	NA
chr19	50713630	50714073	MYH14	ENSG00000105357	235	0.9	0.95	0.041	-0.057	NA
chr19	51221447	51222704	SHANK1	ENSG00000161681	632	0.24	0.18	0.041	0.061	NA
chr19	7694095	7694597	XAB2	ENSG00000076924	93	0.2	0.31	0.043	-0.11	NA
chr19	12476049	12476372	ZNF442	ENSG00000198342	237	0.32	0.14	0.043	0.18	NA
chr19	14116532	14118017	RFX1	ENSG00000132005	-140	0.26	0.2	0.043	0.061	NA
chr19	2807224	2808386	THOP1	ENSG00000172009	-1721	0.9	0.96	0.044	-0.062	NA
chr19	33071875	33072808	PDCD5	ENSG00000105185	245	0.25	0.17	0.044	0.084	NA
chr19	36360264	36360835	APLP1	ENSG00000105290	1148	0.31	0.17	0.044	0.14	NA
chr19	662284	663337	RNF126	ENSG00000070423	374	0.25	0.18	0.045	0.065	NA
chr19	1173240	1174343	SBNO2	ENSG00000064932	491	0.25	0.19	0.045	0.056	NA
chr19	5567518	5567939	PLAC2	ENSG00000223573	317	0.62	0.31	0.045	0.31	NA
chr19	58919548	58920529	ZNF584	ENSG00000171574	-25	0.21	0.16	0.046	0.047	NA

chr19	7587271	7587825	MCOLN1	ENSG00000090674	52	0.38	0.26	0.047	0.11	NA
chr19	36119899	36120274	RBM42	ENSG00000126254	106	0.18	0.27	0.047	-0.085	NA
chr19	46417528	46417745	NANOS2	ENSG00000188425	400	0.9	0.81	0.047	0.09	NA
chr19	46850185	46850678	PPP5C	ENSG00000011485	180	0.17	0.31	0.047	-0.14	NA
chr19	56904636	56905355	ZNF582	ENSG00000018869	-106	0.27	0.19	0.047	0.086	NA
chr19	49946345	49947222	SLC17A7	ENSG00000104888	-1166	0.25	0.12	0.048	0.13	NA
chr19	50145078	50145764	SCAF1	ENSG00000126461	39	0.27	0.2	0.048	0.076	NA
chr19	51611423	51612176	CTU1	ENSG00000142544	-152	0.18	0.27	0.048	-0.083	NA
chr19	1103722	1105758	GPX4	ENSG00000167468	804	0.25	0.21	0.049	0.045	NA
chr19	7991892	7992179	CTXN1	ENSG00000178531	-984	0.77	0.63	0.049	0.14	NA
chr19	18527651	18531118	SSBP4	ENSG00000130511	-837	0.19	0.16	0.049	0.037	NA
chr19	4182259	4182803	SIRT6	ENSG00000077463	8	0.27	0.2	0.05	0.068	NA
chr19	40561820	40562150	ZNF780B	ENSG00000128000	127	0.24	0.36	0.051	-0.11	NA
chr19	46009778	46011060	VASP	ENSG00000125753	-269	0.28	0.19	0.051	0.089	NA
chr19	55591905	55593980	EPS8L1	ENSG00000131037	1182	0.24	0.3	0.051	-0.064	NA
chr19	2739851	2740393	SLC39A3	ENSG00000141873	-107	0.29	0.17	0.052	0.11	NA
chr19	10676267	10677064	KRI1	ENSG00000129347	-18	0.19	0.13	0.052	0.065	NA
chr19	1205368	1207422	STK11	ENSG00000118046	597	0.28	0.21	0.054	0.063	NA
chr19	15342626	15343181	EPHX3	ENSG00000105131	328	0.61	0.37	0.054	0.24	NA
chr19	30433004	30433865	C19orf2	ENSG00000105176	276	0.42	0.24	0.054	0.19	NA
chr19	42579935	42580588	ZNF574	ENSG00000105732	-29	0.29	0.18	0.054	0.11	NA
chr19	58789914	58790972	AC020915.1	ENSG00000246051	-269	0.3	0.22	0.055	0.079	NA
chr19	1847689	1847893	REXO1	ENSG00000079313	661	0.26	0.16	0.056	0.1	NA
chr19	8428965	8429492	ANGPTL4	ENSG00000167772	217	0.3	1	0.056	-0.7	NA
chr19	15947230	15947926	AC004510.2	ENSG00000248453	287	0.26	0.39	0.056	-0.13	NA
chr19	34286184	34289135	KCTD15	ENSG00000153885	-92	0.24	0.2	0.056	0.04	NA
chr19	48017717	48018782	NAPA	ENSG00000105402	248	0.25	0.18	0.056	0.068	NA
chr19	19650683	19651274	CILP2	ENSG00000160161	1904	0.6	0.72	0.057	-0.12	NA
chr19	44098925	44099483	IRGQ	ENSG00000167378	1083	0.22	0.15	0.057	0.066	NA
chr19	15235912	15236631	ILVBL	ENSG00000105135	-98	0.32	0.22	0.058	0.091	NA

chr19	16296300	16296742	FAM32A	ENSG00000105058	286	0.3	0.18	0.058	0.13	NA
chr19	35417701	35418217	ZNF30	ENSG00000168661	152	0.31	0.2	0.058	0.11	NA
chr19	10526982	10527755	PDE4A	ENSG00000065989	-81	0.24	0.14	0.059	0.1	NA
chr19	11877720	11878280	ZNF441	ENSG00000197044	185	0.19	0.12	0.059	0.071	NA
chr19	39804621	39805954	LRFN1	ENSG00000128011	689	0.97	0.94	0.059	0.027	NA
chr19	45542202	45542711	CLASRP	ENSG00000104859	158	0.14	0.24	0.059	-0.099	NA
chr19	37328896	37329518	ZNF790	ENSG00000197863	-278	0.37	0.22	0.06	0.15	NA
chr19	48824529	48825493	CCDC114	ENSG00000105479	119	0.27	0.21	0.06	0.06	NA
chr19	39339923	39343257	HNRNPL	ENSG00000104824	-1014	0.25	0.2	0.061	0.05	NA
chr19	46366202	46366605	SYMPK	ENSG00000125755	2	0.17	0.29	0.061	-0.12	NA
chr19	1555539	1556866	AC027307.1	ENSG00000222720	-402	0.97	0.95	0.062	0.022	NA
chr19	3572545	3574626	HMG20B	ENSG00000064961	810	0.42	0.36	0.062	0.054	NA
chr19	3762655	3763109	MRPL54	ENSG00000183617	217	0.23	0.37	0.062	-0.14	NA
chr19	46105259	46105467	GPR4	ENSG00000177464	103	0.24	0.15	0.062	0.097	NA
chr19	51142284	51142986	SYT3	ENSG00000213023	-1333	0.23	0.15	0.063	0.086	NA
chr19	4279042	4279809	SHD	ENSG00000105251	827	0.24	0.14	0.064	0.093	NA
chr19	9545783	9546302	ZNF266	ENSG00000174652	192	0.32	0.23	0.064	0.088	NA
chr19	49956279	49956837	ALDH16A1	ENSG00000161618	85	0.33	0.62	0.064	-0.3	NA
chr19	14800835	14801167	ZNF333	ENSG00000160961	120	0.15	0.25	0.068	-0.097	NA
chr19	8008049	8008964	TIMM44	ENSG00000104980	202	0.19	0.26	0.069	-0.076	NA
chr19	47633911	47634364	SAE1	ENSG00000142230	57	0.28	0.18	0.069	0.096	NA
chr19	50979429	50980208	C19orf63	ENSG00000161671	82	0.18	0.11	0.069	0.071	NA
chr19	48867188	48867607	TMEM143	ENSG00000161558	-202	0.2	0.32	0.07	-0.12	NA
chr19	50370379	50370993	PNKP	ENSG00000039650	132	0.25	0.17	0.07	0.082	NA
chr19	48246632	48247114	GLTSCR2	ENSG00000105373	-1920	0.26	0.14	0.071	0.13	NA
chr19	12595124	12595883	ZNF709	ENSG00000242852	140	0.28	0.17	0.072	0.1	NA
chr19	18653766	18654531	FKBP8	ENSG00000105701	-366	0.25	0.39	0.072	-0.14	NA
chr19	19322675	19322916	NCAN	ENSG00000130287	13	0.36	0.09	0.072	0.27	NA
chr19	58873264	58874535	ZNF497	ENSG00000174586	180	0.23	0.17	0.072	0.065	NA
chr19	12831793	12832225	TNPO2	ENSG00000105576	274	0.2	0.32	0.073	-0.11	NA

chr19	15489856	15491258	AKAP8	ENSG00000105127	35	0.25	0.2	0.073	0.055	NA
chr19	18497063	18497269	GDF15	ENSG00000130513	198	0.74	0.54	0.073	0.2	NA
chr19	3801392	3801819	MATK	ENSG00000007264	205	0.32	0.19	0.074	0.13	NA
chr19	52873084	52873572	ZNF880	ENSG00000221923	158	0.27	0.1	0.075	0.18	NA
chr19	51294876	51295098	ACPT	ENSG00000142513	1315	0.61	0.75	0.076	-0.13	NA
chr19	55628488	55629105	PPP1R12C	ENSG00000125503	131	0.19	0.25	0.076	-0.067	NA
chr19	58325855	58326330	ZNF552	ENSG00000178935	189	0.18	0.3	0.076	-0.12	NA
chr19	12848278	12848586	ASNA1	ENSG00000198356	126	0.28	0.17	0.077	0.11	NA
chr19	53868810	53869485	ZNF525	ENSG00000203326	201	0.36	0.25	0.077	0.11	NA
chr19	12707696	12708114	ZNF490	ENSG00000188033	220	0.85	0.73	0.081	0.12	NA
chr19	38879342	38879559	GGN	ENSG00000179168	-782	0.42	0.88	0.081	-0.45	NA
chr19	49127388	49127720	SPHK2	ENSG00000063176	-664	0.4	0.18	0.081	0.22	NA
chr19	39522264	39523227	FBXO27	ENSG00000161243	420	0.29	0.21	0.083	0.077	NA
chr19	36164077	36164286	AC002115.7	ENSG00000226510	12	0.35	0.17	0.084	0.18	NA
chr19	36630420	36631142	CAPNS1	ENSG00000126247	-137	0.3	0.2	0.084	0.096	NA
chr19	54485303	54486322	MIR935	ENSG00000215998	251	0.24	0.2	0.085	0.045	NA
chr19	45582337	45582936	GEMIN7	ENSG00000142252	106	0.28	0.19	0.087	0.092	NA
chr19	8407674	8408338	KANK3	ENSG00000186994	140	0.43	0.31	0.089	0.13	NA
chr19	36235807	36236548	U2AF1L4	ENSG00000161265	129	0.27	0.2	0.089	0.074	NA
chr19	46526046	46526334	PGLYRP1	ENSG00000008438	366	0.4	0.54	0.089	-0.14	NA
chr19	50016531	50016851	FCGRT	ENSG00000104870	66	0.23	0.41	0.089	-0.18	NA
chr19	17666192	17666978	GLT25D1	ENSG00000130309	125	0.19	0.26	0.09	-0.064	NA
chr19	51014318	51014873	JOSD2	ENSG00000161677	-250	0.24	0.17	0.09	0.064	NA
chr19	52900955	52901158	AC010332.1	ENSG00000246015	-71	0.31	0.48	0.092	-0.17	NA
chr19	13915618	13915840	ZSWIM4	ENSG00000132003	-146	0.89	0.33	0.093	0.56	NA
chr19	14228461	14229264	PRKACA	ENSG00000072062	-303	0.35	0.23	0.093	0.12	NA
chr19	21769189	21769786	AC092364.2	ENSG00000249576	-109	0.18	0.26	0.093	-0.074	NA
chr19	41107297	41107580	LTBP4	ENSG00000090006	161	0.21	0.13	0.093	0.085	NA
chr19	8214335	8214699	FBN3	ENSG00000142449	-1867	0.27	0.5	0.094	-0.23	NA
chr19	54369387	54369809	MYADM	ENSG00000179820	121	0.28	0.45	0.094	-0.18	NA

chr19	10491019	10491720	TYK2	ENSG00000105397	-183	0.41	0.29	0.095	0.12	NA
chr19	45873339	45874033	ERCC2	ENSG00000104884	100	0.57	0.31	0.095	0.26	NA
chr19	52390841	52391368	ZNF577	ENSG00000161551	38	0.75	0.36	0.095	0.39	NA
chr19	33571758	33572194	GPATCH1	ENSG00000076650	190	0.23	0.15	0.097	0.077	NA
chr19	9434784	9435144	ZNF559	ENSG00000188321	91	0.19	0.3	0.099	-0.11	NA
chr19	41082615	41083355	SHKBP1	ENSG00000160410	228	0.17	0.28	0.099	-0.11	NA
chr19	57862441	57863236	ZNF304	ENSG00000131845	193	0.19	0.25	0.099	-0.057	NA
chr19	1039764	1040254	ABCA7	ENSG00000064687	-93	0.27	0.2	0.1	0.072	NA
chr19	1478603	1479621	C19orf25	ENSG00000119559	86	0.25	0.2	0.1	0.053	NA
chr19	5690127	5692213	RPL36	ENSG00000130255	898	0.26	0.21	0.1	0.052	NA
chr19	6459235	6460651	SLC25A23	ENSG00000125648	-197	0.25	0.17	0.1	0.072	NA
chr19	17356979	17357500	NR2F6	ENSG00000160113	-1088	0.21	0.13	0.1	0.077	NA
chr19	17597344	17598000	SLC27A1	ENSG00000130304	53	0.95	0.88	0.1	0.071	NA
chr19	19383703	19384283	TM6SF2	ENSG00000213996	81	0.16	0.23	0.1	-0.068	NA
chr19	19430966	19432194	SUGP1	ENSG00000105705	-262	0.33	0.24	0.1	0.09	NA
chr19	53970802	53971473	ZNF813	ENSG00000198346	148	0.17	0.27	0.1	-0.1	NA
chr19	55493906	55494119	NLRP2	ENSG00000022556	-842	0.78	0.62	0.1	0.15	NA
chr19	506526	507133	C19orf20	ENSG00000141933	-668	0.2	0.11	0.11	0.082	NA
chr19	3761480	3761826	APBA3	ENSG00000011132	20	0.26	0.18	0.11	0.087	NA
chr19	12661804	12662302	ZNF564	ENSG00000249709	193	0.38	0.25	0.11	0.13	NA
chr19	15121590	15122143	CCDC105	ENSG00000160994	327	0.33	0.11	0.11	0.22	NA
chr19	17186043	17187233	HAUS8	ENSG00000131351	-295	0.2	0.27	0.11	-0.067	NA
chr19	17448735	17449043	GTPBP3	ENSG00000130299	495	0.15	0.22	0.11	-0.066	NA
chr19	35395938	35396476	AC008555.4	ENSG00000256946	-12	0.2	0.14	0.11	0.066	NA
chr19	45737482	45738145	EXOC3L2	ENSG00000130201	-344	0.22	0.17	0.11	0.052	NA
chr19	47219434	47220817	PRKD2	ENSG00000105287	259	0.29	0.22	0.11	0.068	NA
chr19	49199964	49200184	FUT2	ENSG00000176920	784	0.25	0.36	0.11	-0.11	NA
chr19	49575129	49576076	KCNA7	ENSG00000104848	596	0.19	0.15	0.11	0.042	NA
chr19	54412710	54413087	CACNG7	ENSG00000105605	309	0.26	0.2	0.11	0.061	NA
chr19	59084201	59085059	AC016629.2	ENSG00000213753	-240	0.27	0.21	0.11	0.063	NA

chr19	1450056	1450387	APC2	ENSG00000115266	73	0.22	0.12	0.12	0.1	NA
chr19	3481782	3482048	C19orf77	ENSG00000095932	-1375	0.44	0.52	0.12	-0.083	NA
chr19	6737239	6737780	GPR108	ENSG00000125734	-238	0.21	0.14	0.12	0.067	NA
chr19	7565704	7566313	C19orf45	ENSG00000198723	-151	0.14	0.2	0.12	-0.061	NA
chr19	12444032	12444548	ZNF563	ENSG00000188868	212	0.28	0.16	0.12	0.13	NA
chr19	12911931	12912918	PRDX2	ENSG00000167815	177	0.24	0.18	0.12	0.059	NA
chr19	17326114	17326551	USE1	ENSG00000053501	177	0.26	0.18	0.12	0.084	NA
chr19	18209911	18210268	MAST3	ENSG00000099308	1486	0.25	0.16	0.12	0.089	NA
chr19	36359232	36359775	APLP1	ENSG00000105290	102	0.17	0.24	0.12	-0.071	NA
chr19	37157632	37158119	ZNF461	ENSG00000197808	-136	0.22	0.32	0.12	-0.099	NA
chr19	38307878	38308526	ZNF573	ENSG00000189144	-262	0.19	0.29	0.12	-0.099	NA
chr19	39390033	39390895	SIRT2	ENSG00000068903	-306	0.28	0.21	0.12	0.074	NA
chr19	41698743	41699325	CYP2S1	ENSG00000167600	-81	0.22	0.15	0.12	0.071	NA
chr19	45393833	45394992	TOMM40	ENSG00000130204	-65	0.25	0.34	0.12	-0.091	NA
chr19	49925626	49926012	PTH2	ENSG00000142538	879	0.26	0.13	0.12	0.13	NA
chr19	50312011	50312821	FUZ	ENSG00000010361	-334	0.26	0.16	0.12	0.1	NA
chr19	55918699	55919816	UBE2S	ENSG00000108106	68	0.17	0.22	0.12	-0.046	NA
chr19	727956	728177	PALM	ENSG00000099864	280	0.8	0.72	0.13	0.087	NA
chr19	4968557	4969417	KDM4B	ENSG00000127663	-137	0.19	0.25	0.13	-0.056	NA
chr19	6108821	6109073	RFX2	ENSG00000087903	1628	0.19	0.5	0.13	-0.31	NA
chr19	7459779	7460376	ARHGEF18	ENSG00000104880	78	0.21	0.13	0.13	0.071	NA
chr19	11071116	11072340	SMARCA4	ENSG00000127616	130	0.27	0.22	0.13	0.054	NA
chr19	18111566	18112481	ARRDC2	ENSG00000105643	79	0.27	0.2	0.13	0.073	NA
chr19	22469367	22469687	ZNF729	ENSG00000196350	275	0.44	0.24	0.13	0.19	NA
chr19	34855910	34856915	GPI	ENSG00000105220	380	0.21	0.15	0.13	0.056	NA
chr19	35758201	35759670	USF2	ENSG00000105698	-961	0.22	0.27	0.13	-0.05	NA
chr19	37095680	37096589	ZNF382	ENSG00000161298	415	0.21	0.16	0.13	0.048	NA
chr19	37340918	37341262	ZNF790	ENSG00000197863	125	0.3	0.2	0.13	0.095	NA
chr19	40323907	40325005	DYRK1B	ENSG00000105204	385	0.28	0.21	0.13	0.077	NA
chr19	40336877	40337211	FBL	ENSG00000105202	10	0.2	0.13	0.13	0.067	NA

chr19	49253688	49254221	FUT1	ENSG00000174951	584	0.86	0.92	0.13	-0.063	NA
chr19	49588358	49589080	SNRNP70	ENSG00000104852	254	0.28	0.22	0.13	0.059	NA
chr19	50528176	50529486	VRK3	ENSG00000105053	-205	0.19	0.3	0.13	-0.11	NA
chr19	54411376	54411968	CACNG7	ENSG00000105605	-917	0.28	0.18	0.13	0.099	NA
chr19	58125530	58125902	ZNF134	ENSG00000213762	97	0.18	0.13	0.13	0.059	NA
chr19	2782894	2783619	SGTA	ENSG00000104969	98	0.21	0.3	0.14	-0.094	NA
chr19	10426381	10426723	FDX1L	ENSG00000167807	-81	0.15	0.23	0.14	-0.077	NA
chr19	11616031	11616847	ZNF653	ENSG00000161914	299	0.22	0.15	0.14	0.077	NA
chr19	13260562	13264924	STX10	ENSG00000104915	-1756	0.22	0.26	0.14	-0.035	NA
chr19	14542768	14543102	PKN1	ENSG00000123143	-1234	0.46	0.26	0.14	0.2	NA
chr19	17622317	17623316	PGLS	ENSG00000130313	384	0.21	0.26	0.14	-0.046	NA
chr19	19302854	19303148	MEF2BNB-MEF2B	ENSG00000064489	-92	0.33	0.21	0.14	0.11	NA
chr19	23941240	23941538	ZNF681	ENSG00000196172	250	0.23	0.37	0.14	-0.14	NA
chr19	36024182	36024803	GAPDHS	ENSG00000105679	178	0.59	0.49	0.14	0.1	NA
chr19	41857247	41857586	TMEM91	ENSG00000142046	600	0.09	0.23	0.14	-0.14	NA
chr19	44529393	44529778	ZNF222	ENSG00000159885	91	0.21	0.36	0.14	-0.15	NA
chr19	44598374	44598854	ZNF224	ENSG00000186019	111	0.25	0.15	0.14	0.098	NA
chr19	45908140	45908466	PPP1R13L	ENSG00000104881	9	0.35	0.24	0.14	0.1	NA
chr19	49122277	49122923	RPL18	ENSG00000063177	-216	0.19	0.26	0.14	-0.067	NA
chr19	49242018	49242962	RASIP1	ENSG00000105538	1480	0.22	0.17	0.14	0.053	NA
chr19	531114	532896	CDC34	ENSG00000099804	272	0.22	0.18	0.15	0.044	NA
chr19	2944682	2945507	ZNF77	ENSG00000175691	-125	0.27	0.22	0.15	0.051	NA
chr19	4007161	4008167	PIAS4	ENSG00000105229	-84	0.21	0.18	0.15	0.039	NA
chr19	5831595	5832297	FUT6	ENSG00000156413	632	0.52	0.74	0.15	-0.22	NA
chr19	34745218	34746204	KIAA0355	ENSG00000166398	255	0.37	0.29	0.15	0.082	NA
chr19	37263381	37264083	AC020928.1	ENSG00000244997	-323	0.32	0.23	0.15	0.093	NA
chr19	38397003	38398165	WDR87	ENSG00000171804	-331	0.26	0.21	0.15	0.049	NA
chr19	41103966	41104322	LTBP4	ENSG00000090006	1003	0.23	0.09	0.15	0.14	NA
chr19	44258613	44259343	C19orf61	ENSG00000105771	164	0.25	0.19	0.15	0.068	NA
chr19	45347846	45348229	PVRL2	ENSG00000130202	-1356	0.41	0.23	0.15	0.17	NA

chr19	46234041	46234378	FBXO46	ENSG00000177051	-58	0.37	0.28	0.15	0.098	NA
chr19	4246828	4247222	CCDC94	ENSG00000105248	-62	0.67	0.32	0.16	0.35	NA
chr19	14246899	14248520	ASF1B	ENSG00000105011	-323	0.27	0.33	0.16	-0.067	NA
chr19	18682374	18683034	UBA52	ENSG00000221983	90	0.17	0.22	0.16	-0.053	NA
chr19	19639902	19640142	YJEFN3	ENSG00000250067	280	0.25	0.15	0.16	0.1	NA
chr19	22034394	22034943	ZNF43	ENSG00000198521	162	0.22	0.3	0.16	-0.073	NA
chr19	41283880	41284276	RAB4B	ENSG00000167578	-93	0.21	0.33	0.16	-0.13	NA
chr19	44439200	44439612	ZNF45	ENSG00000124459	5	0.21	0.14	0.16	0.072	NA
chr19	58513455	58514498	ZNF606	ENSG00000166704	138	0.2	0.24	0.16	-0.043	NA
chr19	982689	983080	WDR18	ENSG00000065268	-1444	0.27	0.15	0.17	0.12	NA
chr19	4400117	4400782	SH3GL1	ENSG00000141985	47	0.15	0.2	0.17	-0.054	NA
chr19	6110066	6110878	RFX2	ENSG00000087903	103	0.21	0.16	0.17	0.056	NA
chr19	7580824	7581415	ZNF358	ENSG00000198816	115	0.31	0.21	0.17	0.1	NA
chr19	7985664	7985975	SNAPC2	ENSG00000104976	625	0.21	0.08	0.17	0.14	NA
chr19	10613046	10614280	KEAP1	ENSG00000079999	-182	0.18	0.23	0.17	-0.045	NA
chr19	11456744	11457251	TMEM205	ENSG00000105518	-16	0.22	0.32	0.17	-0.1	NA
chr19	17858371	17858891	FCHO1	ENSG00000130475	104	0.23	0.14	0.17	0.083	NA
chr19	30206040	30206497	C19orf12	ENSG00000131943	-140	0.27	0.2	0.17	0.069	NA
chr19	36103554	36103804	HAUS5	ENSG00000249115	33	0.18	0.12	0.17	0.06	NA
chr19	37997790	37998125	ZNF793	ENSG00000188227	116	0.25	0.12	0.17	0.13	NA
chr19	44100133	44100840	IRGQ	ENSG00000167378	-199	0.33	0.19	0.17	0.14	NA
chr19	44324436	44325009	LYPD5	ENSG00000159871	86	0.2	0.57	0.17	-0.37	NA
chr19	48866487	48866707	TMEM143	ENSG00000161558	598	0.5	0.19	0.17	0.31	NA
chr19	49468372	49469376	FTL	ENSG00000087086	308	0.19	0.26	0.17	-0.068	NA
chr19	50222807	50223379	CTB-33G10.1	ENSG00000243829	245	0.95	0.87	0.17	0.071	NA
chr19	51165249	51165775	SHANK1	ENSG00000161681	920	0.81	0.76	0.17	0.053	NA
chr19	58258088	58258619	ZNF776	ENSG00000152443	189	0.27	0.2	0.17	0.068	NA
chr19	12753237	12753583	CTD-2192J16.15	ENSG00000178464	1323	0.97	0.92	0.18	0.044	NA
chr19	15090016	15090873	SLC1A6	ENSG00000105143	25	0.21	0.3	0.18	-0.085	NA
chr19	16308557	16309313	AP1M1	ENSG00000072958	270	0.27	0.2	0.18	0.067	NA

chr19	17530650	17531535	FAM125A	ENSG00000141971	236	0.16	0.12	0.18	0.041	NA
chr19	36036002	36036607	AD000090.2	ENSG00000236144	101	0.23	0.18	0.18	0.056	NA
chr19	41102845	41103281	LTBP4	ENSG00000090006	-78	0.33	0.16	0.18	0.17	NA
chr19	54466357	54466725	CACNG8	ENSG00000142408	247	0.32	0.45	0.18	-0.13	NA
chr19	57352050	57352284	ZIM2	ENSG00000198300	-73	0.57	0.46	0.18	0.11	NA
chr19	58986853	58988049	ZNF446	ENSG00000083838	-344	0.29	0.24	0.18	0.049	NA
chr19	1908118	1908509	SCAMP4	ENSG00000227500	50	0.93	0.85	0.19	0.078	NA
chr19	2702532	2702987	GNG7	ENSG00000176533	-13	0.27	0.19	0.19	0.076	NA
chr19	58891834	58892641	ZNF837	ENSG00000152475	152	0.25	0.21	0.19	0.047	NA
chr19	6463991	6464780	CRB3	ENSG00000130545	125	0.32	0.26	0.2	0.066	NA
chr19	37861691	37862233	ZNF527	ENSG00000189164	-97	0.3	0.2	0.2	0.099	NA
chr19	39903036	39904490	PLEKHG2	ENSG00000090924	538	0.19	0.23	0.2	-0.042	NA
chr19	45251975	45252330	BCL3	ENSG00000069399	348	0.23	0.15	0.2	0.084	NA
chr19	53193139	53193945	ZNF83	ENSG00000167766	199	0.14	0.22	0.2	-0.08	NA
chr19	58446336	58446800	ZNF418	ENSG00000196724	172	0.25	0.16	0.2	0.091	NA
chr19	639150	639400	FGF22	ENSG00000070388	-651	0.26	0.13	0.21	0.12	NA
chr19	814444	815238	MIR3187	ENSG00000129951	-92	0.9	0.95	0.21	-0.05	NA
chr19	2477134	2477377	GADD45B	ENSG00000099860	1132	0.26	0.15	0.21	0.11	NA
chr19	5680433	5681417	C19orf70	ENSG00000174917	-14	0.27	0.21	0.21	0.06	NA
chr19	6530826	6531552	TNFSF9	ENSG00000125657	179	0.33	0.22	0.21	0.11	NA
chr19	7660572	7661594	KIAA1543	ENSG00000076826	295	0.25	0.2	0.21	0.045	NA
chr19	13226897	13227660	TRMT1	ENSG00000104907	185	0.23	0.32	0.21	-0.084	NA
chr19	36207084	36209691	AD000671.1	ENSG00000105663	-534	0.2	0.18	0.21	0.025	NA
chr19	42509859	42510094	GRIK5	ENSG00000105737	986	0.99	0.95	0.21	0.036	NA
chr19	46318490	46319266	RSPH6A	ENSG00000104941	-273	0.2	0.25	0.21	-0.044	NA
chr19	53696029	53696650	ZNF665	ENSG00000197497	280	0.17	0.31	0.21	-0.14	NA
chr19	56196666	56197119	AC010525.2	ENSG00000211571	754	0.91	0.95	0.21	-0.04	NA
chr19	913135	913715	C19orf22	ENSG00000198858	-200	0.25	0.2	0.22	0.051	NA
chr19	1064897	1065191	ABCA7	ENSG00000064687	386	0.18	0.26	0.22	-0.085	NA
chr19	1236946	1238311	C19orf26	ENSG00000099625	362	0.23	0.19	0.22	0.033	NA

chr19	3178741	3179986	S1PR4	ENSG00000125910	627	0.76	0.82	0.22	-0.061	NA
chr19	8674332	8674764	ADAMTS10	ENSG00000142303	-1365	0.19	0.26	0.22	-0.067	NA
chr19	13056458	13057125	RAD23A	ENSG00000179262	137	0.18	0.22	0.22	-0.04	NA
chr19	18271738	18272232	PIK3R2	ENSG00000105647	308	0.34	0.19	0.22	0.14	NA
chr19	18303623	18304425	MPV17L2	ENSG00000254858	-4	0.23	0.17	0.22	0.054	NA
chr19	18942432	18943127	UPF1	ENSG00000005007	35	0.2	0.24	0.22	-0.043	NA
chr19	21688622	21688839	ZNF429	ENSG00000197013	293	0.26	0.12	0.22	0.13	NA
chr19	39322264	39322574	ECH1	ENSG00000104823	78	0.2	0.3	0.22	-0.1	NA
chr19	41882507	41882773	TMEM91	ENSG00000142046	2	0.22	0.16	0.22	0.059	NA
chr19	45458213	45459083	CLPTM1	ENSG00000104853	381	0.22	0.17	0.22	0.056	NA
chr19	45843870	45844418	KLC3	ENSG00000104892	146	0.23	0.16	0.22	0.067	NA
chr19	49622023	49623635	C19orf73	ENSG00000221916	-432	0.25	0.22	0.22	0.032	NA
chr19	53073308	53074039	ZNF701	ENSG00000167562	147	0.21	0.32	0.22	-0.1	NA
chr19	1383437	1384251	NDUFS7	ENSG00000115286	318	0.22	0.26	0.23	-0.038	NA
chr19	4909262	4910256	UHRF1	ENSG00000034063	249	0.27	0.22	0.23	0.044	NA
chr19	9473589	9474001	ZNF177	ENSG00000188629	99	0.25	0.19	0.23	0.066	NA
chr19	17413733	17414486	ABHD8	ENSG00000127220	126	0.27	0.2	0.23	0.07	NA
chr19	37568952	37569549	ZNF420	ENSG00000197050	-87	0.24	0.19	0.23	0.054	NA
chr19	49315545	49315765	BCAT2	ENSG00000105552	-1335	0.18	0.27	0.23	-0.094	NA
chr19	49617455	49618569	LIN7B	ENSG00000104863	431	0.23	0.19	0.23	0.045	NA
chr19	690638	690927	AC112708.1	ENSG00000213726	401	0.88	0.96	0.24	-0.078	NA
chr19	11998804	11999131	ZNF69	ENSG00000198429	297	0.36	0.24	0.24	0.12	NA
chr19	39109432	39109862	EIF3K	ENSG00000178982	-75	0.24	0.35	0.24	-0.11	NA
chr19	40596540	40596863	ZNF780A	ENSG00000197782	94	0.25	0.18	0.24	0.07	NA
chr19	47615253	47617101	ZC3H4	ENSG00000130749	832	0.21	0.24	0.24	-0.038	NA
chr19	49016737	49017207	LMTK3	ENSG00000142235	-526	0.26	0.17	0.24	0.095	NA
chr19	51815157	51815458	IGLON5	ENSG00000142549	205	0.32	0.2	0.24	0.12	NA
chr19	1812465	1812733	ATP8B3	ENSG00000130270	-324	0.25	0.18	0.25	0.077	NA
chr19	1862962	1863257	KLF16	ENSG00000129911	387	0.21	0.17	0.25	0.045	NA
chr19	5977440	5978816	RANBP3	ENSG00000031823	23	0.22	0.25	0.25	-0.038	NA

chr19	38085148	38085811	ZNF571	ENSG00000180479	183	0.75	0.34	0.25	0.41	NA
chr19	49944408	49944656	SLC17A7	ENSG00000104888	276	0.3	0.22	0.25	0.086	NA
chr19	7584325	7585281	ZNF358	ENSG00000198816	715	0.97	0.95	0.26	0.023	NA
chr19	39138062	39138570	ACTN4	ENSG00000130402	6	0.28	0.2	0.26	0.086	NA
chr19	39616277	39616819	PAK4	ENSG00000130669	128	0.24	0.19	0.26	0.046	NA
chr19	39926224	39926863	RPS16	ENSG00000105193	33	0.17	0.24	0.26	-0.071	NA
chr19	44507079	44507300	ZNF230	ENSG00000159882	112	0.22	0.15	0.26	0.07	NA
chr19	45999761	46000210	RTN2	ENSG00000125744	326	0.19	0.15	0.26	0.039	NA
chr19	46295855	46296347	DMWD	ENSG00000185800	-75	0.16	0.23	0.26	-0.068	NA
chr19	49436695	49437055	DHDH	ENSG00000104808	-64	0.11	1	0.26	-0.89	NA
chr19	51321267	51321781	AC010325.1	ENSG00000180279	587	0.3	0.22	0.26	0.081	NA
chr19	54974175	54976819	LENG9	ENSG00000182909	-603	0.24	0.22	0.26	0.026	NA
chr19	55865824	55866324	COX6B2	ENSG00000160471	108	0.23	0.14	0.26	0.082	NA
chr19	3984962	3985722	EEF2	ENSG00000167658	119	0.16	0.33	0.27	-0.17	NA
chr19	17558917	17559679	TMEM221	ENSG00000188051	78	0.21	0.28	0.27	-0.067	NA
chr19	33792061	33794944	AC008738.2	ENSG00000230259	-72	0.25	0.23	0.27	0.023	NA
chr19	36822395	36822690	AC092296.1	ENSG00000232677	60	0.3	0.17	0.27	0.14	NA
chr19	49842654	49843628	AC011450.1	ENSG00000197813	418	0.46	0.39	0.27	0.07	NA
chr19	57999025	57999613	ZNF419	ENSG00000105136	240	0.21	0.27	0.27	-0.062	NA
chr19	13106817	13107688	NFIX	ENSG00000008441	668	0.18	0.22	0.28	-0.039	NA
chr19	852855	853495	ELANE	ENSG00000197561	884	0.27	0.32	0.28	-0.048	NA
chr19	35760457	35760865	USF2	ENSG00000105698	656	0.16	0.28	0.28	-0.12	NA
chr19	38924239	38924519	RYR1	ENSG00000196218	39	0.47	0.28	0.28	0.19	NA
chr19	40030126	40030410	EID2	ENSG00000176396	570	0.27	0.41	0.28	-0.13	NA
chr19	43967247	43968625	LYPD3	ENSG00000124466	1809	0.22	0.18	0.28	0.036	NA
chr19	50432354	50433138	NUP62	ENSG00000213024	40	0.16	0.23	0.28	-0.071	NA
chr19	50706482	50707196	MYH14	ENSG00000105357	-46	0.25	0.19	0.28	0.052	NA
chr19	50836390	50837447	KCNC3	ENSG00000131398	-146	0.21	0.17	0.28	0.045	NA
chr19	52531323	52531724	ZNF614	ENSG00000142556	79	0.19	0.12	0.28	0.071	NA
chr19	52800399	52800871	ZNF480	ENSG00000198464	210	0.35	0.23	0.28	0.12	NA

chr19	56186108	56186884	EPN1	ENSG00000063245	-65	0.19	0.16	0.28	0.034	NA
chr19	58951214	58952250	ZNF132	ENSG00000131849	-143	0.21	0.16	0.28	0.049	NA
chr19	59030657	59031426	ZBTB45	ENSG00000119574	-120	0.19	0.23	0.28	-0.04	NA
chr19	1905106	1905835	SCAMP4	ENSG00000227500	99	0.23	0.27	0.29	-0.04	NA
chr19	3556962	3558293	C19orf28	ENSG00000161091	-56	0.25	0.21	0.29	0.041	NA
chr19	3982824	3983190	SNORD37	ENSG00000206775	-437	0.79	0.63	0.29	0.16	NA
chr19	8386082	8386972	NDUFA7	ENSG00000167774	-247	0.2	0.16	0.29	0.038	NA
chr19	35632356	35632572	LG14	ENSG00000153902	891	0.21	0.11	0.29	0.11	NA
chr19	49061545	49061769	hsa-mir-220c	ENSG00000216151	1954	0.35	0.26	0.29	0.09	NA
chr19	4064086	4067980	ZBTB7A	ENSG00000178951	783	0.19	0.21	0.3	-0.019	NA
chr19	7293340	7294450	INSR	ENSG00000171105	116	0.21	0.25	0.3	-0.036	NA
chr19	10420107	10420442	ZGLP1	ENSG00000220201	185	0.94	0.88	0.3	0.061	NA
chr19	11038956	11040285	YIPF2	ENSG00000130733	-263	0.22	0.19	0.3	0.026	NA
chr19	14168142	14168512	PALM3	ENSG00000187867	1644	0.15	0.21	0.3	-0.056	NA
chr19	34972054	34973645	WTIP	ENSG00000142279	975	0.22	0.19	0.3	0.025	NA
chr19	35168145	35168979	AC020910.2	ENSG00000256383	-76	0.19	0.23	0.3	-0.044	NA
chr19	50708601	50708855	MYH14	ENSG00000105357	1843	0.23	0.17	0.3	0.064	NA
chr19	56615088	56615955	Y_RNA	ENSG00000223060	-1264	0.98	0.92	0.3	0.056	NA
chr19	2217742	2218096	DOT1L	ENSG00000104885	1754	0.99	0.94	0.31	0.047	NA
chr19	3785511	3786653	MATK	ENSG00000007264	333	0.19	0.22	0.31	-0.036	NA
chr19	11750529	11751006	ZNF833P	ENSG00000197332	176	0.39	0.27	0.31	0.12	NA
chr19	16652513	16653740	CHERP	ENSG00000085872	-106	0.23	0.19	0.31	0.034	NA
chr19	18313908	18315129	RAB3A	ENSG00000105649	304	0.25	0.19	0.31	0.061	NA
chr19	19738572	19739821	LPAR2	ENSG00000064547	-157	0.2	0.24	0.31	-0.035	NA
chr19	49314097	49314434	BCAT2	ENSG00000105552	19	0.23	0.33	0.31	-0.098	NA
chr19	53360824	53361067	ZNF468	ENSG00000204604	-43	0.43	0.24	0.31	0.19	NA
chr19	3028592	3029299	TLE2	ENSG00000065717	-141	0.26	0.22	0.32	0.042	NA
chr19	13049038	13049809	CALR	ENSG00000179218	9	0.22	0.27	0.32	-0.052	NA
chr19	13984606	13984918	MIR181C	ENSG00000207613	-751	0.93	0.88	0.32	0.047	NA
chr19	45281133	45281355	CBLC	ENSG00000142273	118	0.28	0.21	0.32	0.067	NA

chr19	50168835	50169342	BCL2L12	ENSG00000126453	7	0.31	0.4	0.32	-0.089	NA
chr19	1604918	1605681	UQCR11	ENSG00000127540	184	0.22	0.19	0.33	0.033	NA
chr19	1940303	1941940	CSNK1G2	ENSG00000133275	-40	0.23	0.2	0.33	0.034	NA
chr19	7985065	7985390	SNAPC2	ENSG00000104976	33	0.2	0.28	0.33	-0.083	NA
chr19	14628406	14629689	DNAJB1	ENSG00000132002	154	0.22	0.19	0.33	0.027	NA
chr19	46974557	46975073	PNMAL1	ENSG00000182013	-47	0.2	0.24	0.33	-0.04	NA
chr19	7989497	7991199	CTXN1	ENSG00000178531	703	0.41	0.44	0.34	-0.031	NA
chr19	8509635	8510765	HNRNPM	ENSG00000099783	549	0.2	0.23	0.34	-0.028	NA
chr19	19249182	19249443	TMEM161A	ENSG00000064545	-45	0.25	0.18	0.34	0.066	NA
chr19	30302856	30303681	CCNE1	ENSG00000105173	367	0.24	0.2	0.34	0.041	NA
chr19	36239672	36239884	LIN37	ENSG00000188223	266	0.35	0.28	0.34	0.074	NA
chr19	36427173	36427722	LRFN3	ENSG00000126243	-575	0.23	0.18	0.34	0.05	NA
chr19	38754846	38755699	SPINT2	ENSG00000167642	174	0.21	0.16	0.34	0.042	NA
chr19	50100036	50101218	PRR12	ENSG00000126464	1848	0.95	0.93	0.34	0.019	NA
chr19	50321414	50321762	MED25	ENSG00000104973	52	0.33	0.18	0.34	0.15	NA
chr19	52452316	52452543	AC011460.1	ENSG00000246125	14	0.31	0.25	0.34	0.056	NA
chr19	53445344	53445933	ZNF321P	ENSG00000221874	209	0.34	0.26	0.34	0.08	NA
chr19	1028319	1028641	CNN2	ENSG00000064666	1854	0.25	0.2	0.35	0.053	NA
chr19	12250694	12251217	ZNF20	ENSG00000132010	161	0.3	0.17	0.35	0.13	NA
chr19	22193330	22193583	ZNF208	ENSG00000160321	289	0.32	0.22	0.35	0.098	NA
chr19	41196279	41197107	NUMBL	ENSG00000105245	-137	0.18	0.22	0.35	-0.04	NA
chr19	48896890	48897199	GRIN2D	ENSG00000105464	-1088	0.33	0.12	0.35	0.21	NA
chr19	50881418	50881664	NR1H2	ENSG00000131408	1796	0.69	0.63	0.35	0.061	NA
chr19	7294882	7295108	INSR	ENSG00000171105	-984	0.15	0.2	0.36	-0.051	NA
chr19	8807813	8808794	ACTL9	ENSG00000181786	869	0.71	0.77	0.36	-0.065	NA
chr19	10120750	10121231	COL5A3	ENSG00000080573	157	0.41	0.3	0.36	0.12	NA
chr19	18721523	18721869	TMEM59L	ENSG00000105696	-1986	0.44	0.52	0.36	-0.081	NA
chr19	50030981	50031300	RCN3	ENSG00000142552	265	0.52	0.7	0.36	-0.18	NA
chr19	51307439	51308380	C19orf48	ENSG00000167747	63	0.22	0.26	0.36	-0.043	NA
chr19	55972697	55973442	ISOC2	ENSG00000063241	-20	0.23	0.19	0.36	0.042	NA

chr19	795360	795561	PTBP1	ENSG00000011304	-1932	0.26	0.32	0.37	-0.058	NA
chr19	17905579	17906317	B3GNT3	ENSG000000179913	29	0.24	0.28	0.37	-0.044	NA
chr19	46214961	46216180	FBXO46	ENSG000000177051	-146	0.92	0.9	0.37	0.023	NA
chr19	55791274	55791818	HSPBP1	ENSG000000133265	-67	0.19	0.14	0.37	0.054	NA
chr19	55987544	55988171	ZNF628	ENSG000000197483	158	0.25	0.2	0.37	0.045	NA
chr19	7977471	7977717	MAP2K7	ENSG00000076984	1610	0.88	0.8	0.38	0.075	NA
chr19	12371052	12371335	CTD-2666L21.3	ENSG000000213293	252	1	0.88	0.38	0.12	NA
chr19	14682657	14682994	NDUFB7	ENSG00000099795	61	0.19	0.25	0.38	-0.059	NA
chr19	20149855	20150175	ZNF682	ENSG000000197124	-1	0.21	0.27	0.39	-0.057	NA
chr19	41317792	41318151	CYP2T2P	ENSG000000233622	-676	0.85	0.75	0.39	0.096	NA
chr19	48111351	48113685	GLTSCR1	ENSG00000063169	1065	0.27	0.24	0.39	0.029	NA
chr19	1512961	1514034	ADAMTSL5	ENSG000000185761	-309	0.35	0.31	0.4	0.045	NA
chr19	3699950	3700616	PIP5K1C	ENSG000000186111	105	0.16	0.2	0.4	-0.047	NA
chr19	5790551	5791291	DUS3L	ENSG000000141994	328	0.14	0.23	0.4	-0.086	NA
chr19	6361442	6362002	CLPP	ENSG000000125656	259	0.23	0.19	0.4	0.034	NA
chr19	9648934	9649410	ZNF426	ENSG000000130818	131	0.25	0.31	0.4	-0.06	NA
chr19	19729127	19729814	PBX4	ENSG000000105717	-8	0.12	0.18	0.4	-0.058	NA
chr19	36266234	36266622	ARHGAP33	ENSG00000004777	11	0.19	0.15	0.4	0.042	NA
chr19	42927285	42928598	AC011497.1	ENSG000000213904	-480	0.2	0.23	0.4	-0.033	NA
chr19	44952416	44952809	ZNF229	ENSG000000167383	53	0.19	0.15	0.4	0.039	NA
chr19	45926661	45927191	ERCC1	ENSG00000012061	-106	0.2	0.16	0.4	0.037	NA
chr19	53465730	53466323	ZNF321P	ENSG000000221874	50	0.2	0.16	0.4	0.039	NA
chr19	58331004	58331434	ZNF587	ENSG000000198466	125	0.23	0.29	0.4	-0.065	NA
chr19	2723168	2723390	DIRAS1	ENSG000000176490	-1889	0.33	0.23	0.41	0.099	NA
chr19	3868586	3869217	ZFR2	ENSG000000105278	125	0.18	0.26	0.41	-0.084	NA
chr19	4472119	4473123	AC011498.1	ENSG000000167674	366	0.22	0.17	0.41	0.049	NA
chr19	11200919	11201686	LDLR	ENSG000000130164	1163	0.19	0.16	0.41	0.029	NA
chr19	12944528	12945299	RTBDN	ENSG000000132026	1317	0.16	0.19	0.41	-0.035	NA
chr19	13135317	13136169	NFIX	ENSG00000008441	349	0.35	0.3	0.41	0.044	NA
chr19	30097065	30097279	POP4	ENSG000000105171	2	0.19	0.24	0.41	-0.047	NA

chr19	33717512	33717930	SLC7A10	ENSG00000130876	-965	0.22	0.26	0.41	-0.045	NA
chr19	34662931	34664060	LSM14A	ENSG00000105216	143	0.24	0.21	0.41	0.03	NA
chr19	59066151	59066662	CHMP2A	ENSG00000130724	80	0.22	0.18	0.41	0.035	NA
chr19	632697	633678	POLRMT	ENSG00000099821	381	0.27	0.22	0.42	0.046	NA
chr19	11372679	11373126	DOCK6	ENSG00000130158	255	0.2	0.27	0.42	-0.062	NA
chr19	41858527	41860100	TGFB1	ENSG00000105329	518	0.23	0.21	0.42	0.024	NA
chr19	44031127	44031504	ETHE1	ENSG00000105755	81	0.18	0.24	0.42	-0.056	NA
chr19	6392876	6393882	GTF2F1	ENSG00000125651	-163	0.32	0.28	0.43	0.043	NA
chr19	9785480	9785806	ZNF562	ENSG00000171466	113	0.17	0.26	0.43	-0.088	NA
chr19	21949903	21950217	ZNF100	ENSG00000197020	270	0.5	0.14	0.43	0.36	NA
chr19	33716312	33716751	SLC7A10	ENSG00000130876	225	0.16	0.2	0.43	-0.04	NA
chr19	40732075	40732665	CNTD2	ENSG00000105219	194	0.3	0.34	0.43	-0.034	NA
chr19	58038572	58039208	ZNF549	ENSG00000121406	197	0.15	0.2	0.43	-0.045	NA
chr19	2720630	2721783	DIRAS1	ENSG00000176490	184	0.27	0.3	0.44	-0.034	NA
chr19	10654228	10655042	ATG4D	ENSG00000130734	42	0.23	0.2	0.44	0.03	NA
chr19	11669789	11670244	ELOF1	ENSG00000130165	35	0.19	0.14	0.44	0.043	NA
chr19	12792295	12792803	DHPS	ENSG00000095059	128	0.21	0.26	0.44	-0.043	NA
chr19	33864176	33865010	CEBPG	ENSG00000153879	-16	0.15	0.18	0.44	-0.033	NA
chr19	35633409	35633697	LGI4	ENSG00000153902	-198	0.22	0.43	0.44	-0.21	NA
chr19	37825101	37825756	HKR1	ENSG00000181666	-123	0.19	0.26	0.44	-0.068	NA
chr19	42681304	42681513	POU2F2	ENSG00000028277	-1231	0.15	0.36	0.44	-0.2	NA
chr19	51843075	51843926	VSIG10L	ENSG00000186806	1878	0.18	0.16	0.44	0.022	NA
chr19	52839444	52839937	ZNF610	ENSG00000167554	192	0.27	0.23	0.44	0.038	NA
chr19	55795470	55795820	BRSK1	ENSG00000160469	111	0.36	0.29	0.44	0.076	NA
chr19	2840864	2842213	ZNF555	ENSG00000186300	105	0.18	0.2	0.45	-0.018	NA
chr19	12175460	12176057	ZNF844	ENSG00000223547	244	0.18	0.15	0.45	0.039	NA
chr19	17970454	17971123	RPL18A	ENSG00000105640	58	0.22	0.26	0.45	-0.046	NA
chr19	37178104	37178589	AC074138.3	ENSG00000225975	-34	0.3	0.26	0.45	0.041	NA
chr19	38714548	38715065	DPF1	ENSG00000011332	-205	0.17	0.14	0.45	0.03	NA
chr19	45909062	45910124	CD3EAP	ENSG00000117877	126	0.19	0.23	0.45	-0.037	NA

chr19	47248749	47249948	FKRP	ENSG00000181027	45	0.22	0.2	0.45	0.028	NA
chr19	58838198	58838639	ZSCAN22	ENSG00000182318	33	0.15	0.19	0.45	-0.043	NA
chr19	2810141	2810762	THOP1	ENSG00000172009	925	0.92	0.9	0.46	0.027	NA
chr19	11529213	11529588	RGL3	ENSG00000205517	590	0.33	0.4	0.46	-0.071	NA
chr19	40476511	40476928	PSMC4	ENSG00000013275	-354	0.26	0.38	0.46	-0.12	NA
chr19	47733884	47734806	BBC3	ENSG00000105327	106	0.25	0.22	0.46	0.031	NA
chr19	50167690	50168198	IRF3	ENSG00000126456	151	0.15	0.2	0.46	-0.049	NA
chr19	50193020	50194798	C19orf76	ENSG00000224420	814	0.25	0.27	0.46	-0.02	NA
chr19	56108954	56109238	FIZ1	ENSG00000179943	1797	0.95	0.98	0.46	-0.035	NA
chr19	36389545	36389967	NFKBID	ENSG00000167604	1796	0.24	0.15	0.47	0.083	NA
chr19	38719089	38720627	DPF1	ENSG00000011332	436	0.24	0.21	0.47	0.026	NA
chr19	40931261	40932113	SERTAD1	ENSG00000197019	245	0.36	0.32	0.47	0.037	NA
chr19	48673329	48673956	LIG1	ENSG00000105486	-106	0.19	0.26	0.47	-0.068	NA
chr19	55865016	55865434	COX6B2	ENSG00000160471	957	0.17	0.22	0.47	-0.048	NA
chr19	6739883	6740158	TRIP10	ENSG00000125733	247	0.25	0.17	0.48	0.083	NA
chr19	10542662	10543120	PDE4A	ENSG00000065989	-220	0.35	0.31	0.48	0.047	NA
chr19	13873429	13873885	MRI1	ENSG00000037757	-1680	0.95	0.92	0.48	0.03	NA
chr19	33211781	33212080	TDRD12	ENSG00000173809	1251	1	0.95	0.48	0.049	NA
chr19	51568154	51568412	KLK13	ENSG00000167759	41	0.32	0.37	0.48	-0.05	NA
chr19	52692820	52693832	PPP2R1A	ENSG00000105568	52	0.22	0.27	0.48	-0.058	NA
chr19	10380287	10381965	ICAM1	ENSG00000090339	-391	0.25	0.23	0.49	0.02	NA
chr19	17487895	17488125	PLVAP	ENSG00000130300	138	0.5	0.8	0.49	-0.3	NA
chr19	34175344	34175768	CHST8	ENSG00000124302	122	0.12	0.17	0.49	-0.053	NA
chr19	36500169	36500530	C19orf46	ENSG00000181392	-654	0.15	0.11	0.49	0.04	NA
chr19	45004129	45004846	ZNF180	ENSG00000167384	85	0.2	0.15	0.49	0.048	NA
chr19	52643037	52643274	ZNF616	ENSG00000204611	36	0.43	0.17	0.49	0.26	NA
chr19	53898268	53898919	ZNF765	ENSG00000196417	196	0.25	0.13	0.49	0.12	NA
chr19	1026311	1026908	CNN2	ENSG00000064666	-17	0.24	0.21	0.5	0.026	NA
chr19	1401092	1401784	GAMT	ENSG00000130005	105	0.21	0.17	0.5	0.039	NA
chr19	2977241	2977471	TLE6	ENSG00000104953	-88	0.24	0.29	0.5	-0.053	NA

chr19	5622248	5623712	SAFB2	ENSG00000130254	-199	0.2	0.18	0.5	0.018	NA
chr19	13616752	13617267	CACNA1A	ENSG00000141837	29	0.2	0.18	0.5	0.027	NA
chr19	36909281	36909854	ZFP82	ENSG00000181007	-9	0.24	0.28	0.5	-0.033	NA
chr19	40949148	40949548	SERTAD3	ENSG00000167565	-833	0.23	0.32	0.5	-0.095	NA
chr19	46367371	46367808	FOXA3	ENSG00000170608	71	0.22	0.18	0.5	0.045	NA
chr19	55951800	55952103	SHISA7	ENSG00000187902	1753	0.35	0.3	0.5	0.046	NA
chr19	58458686	58459219	ZNF256	ENSG00000152454	125	0.31	0.21	0.5	0.095	NA
chr19	496158	496481	MADCAM1	ENSG00000099866	-135	0.36	0.45	0.51	-0.088	NA
chr19	11307495	11308276	KANK2	ENSG00000197256	358	0.28	0.26	0.51	0.027	NA
chr19	38826819	38827349	CATSPERG	ENSG00000099338	301	0.22	0.19	0.51	0.029	NA
chr19	42497819	42498560	ATP1A3	ENSG00000105409	33	1	0.21	0.51	0.79	NA
chr19	45594397	45595007	LRRC68	ENSG00000104866	-348	0.19	0.12	0.51	0.064	NA
chr19	1789459	1789880	ATP8B3	ENSG00000130270	1147	0.15	0.19	0.52	-0.043	NA
chr19	11466008	11466317	AC024575.1	ENSG00000105520	100	0.19	0.16	0.52	0.036	NA
chr19	12266998	12267686	AC022415.5	ENSG00000257591	187	0.25	0.2	0.52	0.051	NA
chr19	32836353	32836840	ZNF507	ENSG00000168813	82	0.28	0.24	0.52	0.038	NA
chr19	45257703	45257918	BCL3	ENSG00000069399	-596	1	0.44	0.52	0.56	NA
chr19	47353614	47354150	AP2S1	ENSG00000042753	321	0.25	0.15	0.52	0.097	NA
chr19	49660880	49661157	TRPM4	ENSG00000130529	-34	0.31	0.21	0.52	0.096	NA
chr19	53662189	53662500	ZNF347	ENSG00000197937	-31	0.31	0.26	0.52	0.05	NA
chr19	56151516	56152792	ZNF580	ENSG00000213015	-238	0.28	0.24	0.52	0.036	NA
chr19	1407109	1408843	DAZAP1	ENSG00000071626	392	0.2	0.18	0.53	0.018	NA
chr19	4343266	4344027	MPND	ENSG00000008382	122	0.27	0.23	0.53	0.038	NA
chr19	13067585	13068152	GADD45GIP1	ENSG00000179271	182	0.13	0.17	0.53	-0.036	NA
chr19	13213450	13213821	LYL1	ENSG00000104903	46	0.24	0.21	0.53	0.034	NA
chr19	14181430	14181758	AC022098.2	ENSG00000228887	384	0.97	0.95	0.53	0.024	NA
chr19	44455311	44455732	ZNF221	ENSG00000159905	141	0.26	0.35	0.53	-0.098	NA
chr19	44617490	44617831	ZNF225	ENSG00000256294	112	0.19	0.24	0.53	-0.049	NA
chr19	47103786	47104864	AC011551.1	ENSG00000230510	132	0.19	0.22	0.53	-0.03	NA
chr19	53661430	53661848	ZNF347	ENSG00000197937	674	0.36	0.24	0.53	0.12	NA

chr19	55953371	55954641	SHISA7	ENSG00000187902	-302	0.17	0.15	0.53	0.021	NA
chr19	3770566	3770942	RAX2	ENSG00000173976	1465	0.39	0.33	0.54	0.057	NA
chr19	23299727	23300167	ZNF730	ENSG00000183850	170	0.25	0.16	0.54	0.092	NA
chr19	36390613	36391589	NFKBID	ENSG00000167604	451	0.19	0.25	0.54	-0.053	NA
chr19	41035100	41035440	SPTBN4	ENSG00000160460	-1125	1	0.14	0.54	0.86	NA
chr19	47217161	47217555	AC008635.1	ENSG00000244388	746	0.18	0.14	0.54	0.045	NA
chr19	48281585	48282351	SEPW1	ENSG00000178980	126	0.25	0.29	0.54	-0.045	NA
chr19	49990435	49990965	RPL13A	ENSG00000142541	-111	0.2	0.24	0.54	-0.035	NA
chr19	56988313	56989741	ZNF667	ENSG00000198046	-291	0.24	0.22	0.54	0.023	NA
chr19	12777330	12777638	MAN2B1	ENSG00000104774	13	0.3	0.36	0.55	-0.065	NA
chr19	13002417	13002656	GCDH	ENSG00000105607	556	0.29	0.1	0.55	0.19	NA
chr19	42817412	42818038	TMEM145	ENSG00000167619	248	0.21	0.25	0.55	-0.042	NA
chr19	54024645	54024923	ZNF331	ENSG00000130844	-309	0.25	0.14	0.55	0.11	NA
chr19	54927902	54928225	TTYH1	ENSG00000167614	1049	0.4	1	0.55	-0.6	NA
chr19	56159257	56159937	CCDC106	ENSG00000173581	643	0.2	0.17	0.55	0.034	NA
chr19	56728588	56729375	CTD-2086L14.1	ENSG00000242411	167	0.31	0.28	0.55	0.03	NA
chr19	708530	708742	PALM	ENSG00000099864	-317	0.32	0.24	0.56	0.08	NA
chr19	2216346	2216741	DOT1L	ENSG00000104885	378	0.93	0.9	0.56	0.027	NA
chr19	2430281	2430598	LMNB2	ENSG00000176619	50	0.66	1	0.56	-0.34	NA
chr19	48775008	48775341	ZNF114	ENSG00000178150	520	0.28	0.24	0.56	0.041	NA
chr19	51227661	51228883	CLEC11A	ENSG00000105472	1628	0.2	0.18	0.56	0.019	NA
chr19	57702696	57703425	ZNF264	ENSG00000083844	192	0.2	0.15	0.56	0.044	NA
chr19	2096043	2097491	MOBK2A	ENSG00000172081	-498	0.27	0.25	0.57	0.021	NA
chr19	9945505	9946389	PIN1	ENSG00000127445	-52	0.22	0.2	0.57	0.023	NA
chr19	10362771	10363384	MRPL4	ENSG00000105364	437	0.29	0.33	0.57	-0.039	NA
chr19	18263187	18264641	PIK3R2	ENSG00000105647	-14	0.25	0.27	0.57	-0.028	NA
chr19	19495952	19497038	GATAD2A	ENSG00000167491	-144	0.2	0.22	0.57	-0.021	NA
chr19	36736021	36736884	ZNF565	ENSG00000196357	707	0.21	0.19	0.57	0.025	NA
chr19	42811013	42811219	PRR19	ENSG00000188368	-1810	0.92	0.94	0.57	-0.024	NA
chr19	45349328	45350044	PVRL2	ENSG00000130202	293	0.25	0.22	0.57	0.028	NA

chr19	49340488	49340774	HSD17B14	ENSG00000087076	-697	0.27	0.23	0.57	0.04	NA
chr19	53030824	53031359	ZNF808	ENSG00000198482	186	0.25	0.2	0.57	0.043	NA
chr19	54371854	54372990	AC008753.6	ENSG00000228323	-61	0.25	0.23	0.57	0.02	NA
chr19	13858446	13858904	CCDC130	ENSG00000104957	-45	0.21	0.18	0.58	0.029	NA
chr19	36231186	36232219	IGFLR1	ENSG00000126246	1649	0.17	0.14	0.58	0.029	NA
chr19	47759648	47761016	CCDC9	ENSG00000105321	601	0.2	0.18	0.58	0.023	NA
chr19	6279483	6280231	MLLT1	ENSG00000130382	102	0.2	0.17	0.59	0.026	NA
chr19	8478005	8478226	2-Mar	ENSG00000099785	-72	0.12	0.23	0.59	-0.11	NA
chr19	44172916	44173252	PLAUR	ENSG00000011422	1418	0.27	0.22	0.59	0.048	NA
chr19	54663103	54663909	LENG1	ENSG00000105617	114	0.22	0.19	0.59	0.032	NA
chr19	58238585	58239028	ZNF671	ENSG00000083814	184	0.17	0.14	0.59	0.034	NA
chr19	59055376	59056482	TRIM28	ENSG00000130726	93	0.21	0.17	0.59	0.046	NA
chr19	48894463	48894927	KDELRL1	ENSG00000105438	115	0.24	0.19	0.6	0.047	NA
chr19	1884768	1885608	FAM108A1	ENSG00000129968	330	0.25	0.22	0.61	0.031	NA
chr19	10216812	10217340	PPAN-P2RY11	ENSG00000243207	177	0.17	0.15	0.61	0.021	NA
chr19	12203028	12203503	AC022415.1	ENSG00000188474	187	0.18	0.23	0.61	-0.054	NA
chr19	12900676	12901254	JUNB	ENSG00000171223	-1345	0.18	0.22	0.61	-0.036	NA
chr19	12996086	12997039	KLF1	ENSG00000105610	1455	0.22	0.23	0.61	-0.016	NA
chr19	17566532	17566778	AC010319.1	ENSG00000222805	-1411	0.17	0.33	0.61	-0.17	NA
chr19	3505820	3506770	FZR1	ENSG00000105325	0	0.21	0.17	0.62	0.033	NA
chr19	12098571	12098950	CTD-2006C1.2	ENSG00000219665	266	0.25	0.3	0.62	-0.051	NA
chr19	42806136	42806871	PRR19	ENSG00000188368	219	0.26	0.23	0.62	0.03	NA
chr19	46270699	46275167	SIX5	ENSG00000177045	-436	0.31	0.33	0.62	-0.011	NA
chr19	49403222	49403618	NUCB1	ENSG00000104805	113	0.34	0.25	0.62	0.091	NA
chr19	50143223	50143975	RRAS	ENSG00000126458	-199	0.3	0.26	0.62	0.038	NA
chr19	3500416	3500840	DOHH	ENSG00000129932	-7	0.26	0.23	0.63	0.037	NA
chr19	10713015	10713555	SLC44A2	ENSG00000129353	164	0.31	0.35	0.63	-0.04	NA
chr19	10946516	10947416	TMED1	ENSG00000099203	17	0.21	0.26	0.63	-0.043	NA
chr19	12991690	12992508	DNASE2	ENSG00000105612	164	0.19	0.17	0.63	0.024	NA
chr19	15542912	15543894	WIZ	ENSG00000011451	93	0.19	0.17	0.63	0.02	NA

chr19	49375484	49375928	PPP1R15A	ENSG00000087074	57	0.22	0.2	0.63	0.029	NA
chr19	2785211	2785839	THOP1	ENSG00000172009	19	0.18	0.21	0.64	-0.032	NA
chr19	8274241	8275045	LASS4	ENSG00000090661	415	0.17	0.19	0.64	-0.018	NA
chr19	14182735	14184744	AC022098.1	ENSG00000141854	391	0.24	0.22	0.64	0.011	NA
chr19	17797530	17797748	UNC13A	ENSG00000130477	1369	1	0.28	0.64	0.72	NA
chr19	37406931	37407463	ZNF829	ENSG00000185869	-4	0.23	0.32	0.64	-0.081	NA
chr19	47987329	47987622	KPTN	ENSG00000118162	-56	0.23	0.12	0.64	0.11	NA
chr19	48972225	48973157	CYTH2	ENSG00000105443	402	0.24	0.22	0.64	0.021	NA
chr19	50269632	50270505	AP2A1	ENSG00000196961	-112	0.22	0.19	0.64	0.024	NA
chr19	52956656	52957245	ZNF578	ENSG00000241600	121	0.3	0.25	0.64	0.045	NA
chr19	11450016	11450414	RAB3D	ENSG00000105514	129	0.26	0.19	0.65	0.068	NA
chr19	11708277	11708683	ZNF627	ENSG00000198551	245	0.19	0.16	0.65	0.033	NA
chr19	37018919	37019811	ZNF260	ENSG00000254004	-198	0.22	0.29	0.65	-0.07	NA
chr19	44037297	44038286	ZNF575	ENSG00000176472	451	0.27	0.23	0.65	0.038	NA
chr19	57106575	57106896	ZNF71	ENSG00000197951	71	0.18	0.16	0.65	0.019	NA
chr19	3970847	3971478	DAPK3	ENSG00000167657	-124	0.23	0.21	0.66	0.027	NA
chr19	4723723	4723981	DPP9	ENSG00000142002	3	0.22	0.19	0.66	0.036	NA
chr19	9938325	9938815	UBL5	ENSG00000198258	2	0.19	0.17	0.66	0.015	NA
chr19	16582113	16583299	EPS15L1	ENSG00000127527	53	0.19	0.2	0.66	-0.018	NA
chr19	18284521	18285023	IFI30	ENSG00000216490	193	0.22	0.33	0.66	-0.11	NA
chr19	36705433	36706262	ZNF146	ENSG00000167635	343	0.22	0.16	0.66	0.057	NA
chr19	36869564	36870279	ZFP14	ENSG00000142065	157	0.15	0.2	0.66	-0.047	NA
chr19	46236428	46236957	AC074212.3	ENSG00000237452	183	0.97	0.96	0.66	0.016	NA
chr19	1862256	1862600	KLF16	ENSG00000129911	1068	0.21	0.18	0.67	0.027	NA
chr19	2428349	2428731	TIMM13	ENSG00000099800	-665	0.19	0.33	0.67	-0.14	NA
chr19	14316090	14318456	LPHN1	ENSG00000072071	-301	0.33	0.36	0.67	-0.022	NA
chr19	36612342	36612932	TBCB	ENSG00000105254	-160	0.91	0.89	0.67	0.02	NA
chr19	53237861	53238499	ZNF611	ENSG00000213020	117	0.28	0.31	0.67	-0.028	NA
chr19	1811954	1812337	ATP8B3	ENSG00000130270	54	0.13	0.11	0.68	0.015	NA
chr19	10463626	10464378	TYK2	ENSG00000105397	-189	0.76	0.74	0.68	0.022	NA

chr19	19516021	19517383	GATAD2A	ENSG00000167491	97	0.24	0.22	0.68	0.018	NA
chr19	36545001	36546065	THAP8	ENSG00000161277	-367	0.24	0.22	0.68	0.016	NA
chr19	38345808	38346160	AC016582.2	ENSG00000225868	-148	0.3	0.35	0.68	-0.051	NA
chr19	42462945	42463695	RABAC1	ENSG00000105404	208	0.28	0.25	0.68	0.032	NA
chr19	55667532	55668465	TNNI3	ENSG00000129991	1102	0.32	0.36	0.68	-0.04	NA
chr19	572278	573134	BSG	ENSG00000172270	169	0.19	0.18	0.69	0.017	NA
chr19	984165	984866	WDR18	ENSG00000065268	187	0.16	0.22	0.69	-0.062	NA
chr19	1020511	1021395	C19orf6	ENSG00000182087	188	0.19	0.2	0.69	-0.013	NA
chr19	7069396	7069921	ZNF557	ENSG00000130544	187	0.19	0.24	0.69	-0.055	NA
chr19	8454831	8455845	RAB11B	ENSG00000185236	133	0.24	0.22	0.69	0.029	NA
chr19	12035899	12036433	ZNF700	ENSG00000196757	266	0.18	0.17	0.69	0.014	NA
chr19	38893480	38894383	FAM98C	ENSG00000130244	156	0.18	0.17	0.69	0.018	NA
chr19	48306462	48306705	TPRX1	ENSG00000178928	232	1	0.77	0.69	0.23	NA
chr19	507457	508079	C19orf20	ENSG00000141933	271	0.2	0.18	0.7	0.021	NA
chr19	3224743	3225007	CELF5	ENSG00000161082	173	0.26	0.28	0.7	-0.027	NA
chr19	47551387	47552137	TMEM160	ENSG00000130748	120	0.19	0.21	0.7	-0.023	NA
chr19	49138699	49139085	DBP	ENSG00000105516	1747	0.17	0.14	0.7	0.03	NA
chr19	56000722	56001026	SSC5D	ENSG00000179954	940	0.49	0.53	0.7	-0.043	NA
chr19	13044191	13044665	FARSA	ENSG00000179115	100	0.18	0.14	0.71	0.035	NA
chr19	18794191	18794819	CRTC1	ENSG00000105662	80	0.21	0.19	0.71	0.025	NA
chr19	40502749	40503294	ZNF546	ENSG00000187187	78	0.24	0.27	0.71	-0.025	NA
chr19	58089801	58090524	ZNF416	ENSG00000083817	81	0.2	0.18	0.71	0.02	NA
chr19	1848058	1848776	REXO1	ENSG00000079313	35	0.17	0.16	0.72	0.017	NA
chr19	4123521	4124346	MAP2K2	ENSG00000126934	181	0.28	0.26	0.72	0.022	NA
chr19	18062912	18063314	KCNN1	ENSG00000105642	19	0.17	0.15	0.72	0.017	NA
chr19	40854180	40854733	C19orf47	ENSG00000160392	-163	0.19	0.17	0.72	0.025	NA
chr19	45504865	45505299	RELB	ENSG00000104856	363	0.24	0.22	0.72	0.023	NA
chr19	56652191	56652684	ZNF444	ENSG00000167685	-119	0.27	0.22	0.72	0.043	NA
chr19	58111229	58111770	ZNF530	ENSG00000183647	246	0.19	0.17	0.72	0.02	NA
chr19	59086697	59087299	AC016629.2	ENSG00000213753	186	0.18	0.2	0.72	-0.018	NA

chr19	1046249	1047701	ABCA7	ENSG00000064687	1444	0.9	0.91	0.73	-0.0098	NA
chr19	2050630	2051566	MKNK2	ENSG00000099875	-246	0.21	0.22	0.73	-0.015	NA
chr19	6710625	6710828	C3	ENSG00000125730	242	0.22	0.29	0.73	-0.066	NA
chr19	10304966	10305864	DNMT1	ENSG00000130816	340	0.17	0.16	0.73	0.015	NA
chr19	11545948	11546544	CCDC151	ENSG00000198003	-266	0.15	0.19	0.73	-0.04	NA
chr19	12721532	12722116	ZNF490	ENSG00000188033	-207	0.21	0.23	0.73	-0.021	NA
chr19	18668474	18668937	C19orf50	ENSG00000105700	133	0.27	0.34	0.73	-0.063	NA
chr19	33622910	33623231	WDR88	ENSG00000166359	72	0.93	0.91	0.73	0.017	NA
chr19	42757495	42759475	ERF	ENSG00000105722	302	0.21	0.22	0.73	-0.01	NA
chr19	10697786	10698099	AP1M2	ENSG00000129354	50	0.55	0.47	0.74	0.086	NA
chr19	11909402	11909841	ZNF491	ENSG00000177599	218	0.31	0.29	0.74	0.021	NA
chr19	38270279	38270617	ZNF573	ENSG00000189144	70	0.35	0.42	0.74	-0.063	NA
chr19	38810376	38810949	KCNK6	ENSG00000099337	180	0.23	0.2	0.74	0.028	NA
chr19	45681323	45683156	TRAPPC6A	ENSG00000007255	-754	0.24	0.23	0.74	0.013	NA
chr19	46404537	46406545	MYPOP	ENSG00000176182	321	0.25	0.27	0.74	-0.019	NA
chr19	55880577	55880922	IL11	ENSG00000095752	1065	0.22	0.19	0.74	0.028	NA
chr19	14543873	14544704	PKN1	ENSG00000123143	119	0.2	0.19	0.75	0.012	NA
chr19	17581190	17581675	SLC27A1	ENSG00000130304	132	0.16	0.2	0.75	-0.034	NA
chr19	18896515	18896860	COMP	ENSG00000105664	1157	0.31	0.35	0.75	-0.038	NA
chr19	46087866	46088345	OPA3	ENSG00000125741	-5	0.19	0.24	0.75	-0.048	NA
chr19	2163632	2165603	DOT1L	ENSG00000104885	469	0.24	0.23	0.76	0.011	NA
chr19	2328364	2329089	LSM7	ENSG00000130332	-112	0.19	0.21	0.76	-0.013	NA
chr19	37463991	37464606	ZNF568	ENSG00000198453	181	0.24	0.22	0.76	0.029	NA
chr19	50083757	50083986	NOSIP	ENSG00000142546	-68	0.2	0.17	0.76	0.027	NA
chr19	50879606	50880094	NR1H2	ENSG00000131408	165	0.25	0.27	0.76	-0.025	NA
chr19	55677520	55678216	C19orf51	ENSG00000167646	52	0.23	0.26	0.76	-0.028	NA
chr19	58739943	58740554	ZNF544	ENSG00000198131	178	0.26	0.24	0.76	0.019	NA
chr19	1753216	1755606	ONECUT3	ENSG00000205922	749	0.21	0.2	0.77	0.008	NA
chr19	3606371	3607270	TBXA2R	ENSG00000006638	11	0.21	0.19	0.77	0.018	NA
chr19	30015781	30021367	AC011474.1	ENSG00000245448	-1913	0.26	0.25	0.77	0.0055	NA

chr19	53836795	53837495	ZNF845	ENSG00000213799	143	0.18	0.21	0.77	-0.023	NA
chr19	58962740	58963343	ZNF324B	ENSG00000249471	70	0.32	0.35	0.77	-0.028	NA
chr19	860517	862123	CFD	ENSG00000197766	1655	0.3	0.31	0.78	-0.0082	NA
chr19	4831433	4831892	TICAM1	ENSG00000127666	75	0.19	0.21	0.78	-0.021	NA
chr19	20011910	20012238	ZNF93	ENSG00000184635	319	0.18	0.11	0.78	0.064	NA
chr19	40723104	40724389	TTC9B	ENSG00000174521	560	0.24	0.22	0.78	0.014	NA
chr19	49999252	49999839	RPS11	ENSG00000142534	-89	0.21	0.18	0.78	0.026	NA
chr19	52674327	52674855	ZNF836	ENSG00000196267	305	0.16	0.18	0.78	-0.024	NA
chr19	53635625	53636230	ZNF415	ENSG00000170954	218	0.24	0.22	0.78	0.02	NA
chr19	12163326	12163560	AC022415.4	ENSG00000257446	311	0.3	0.25	0.79	0.046	NA
chr19	18433642	18434178	LSM4	ENSG00000130520	91	0.15	0.14	0.79	0.0094	NA
chr19	18899037	18902284	COMP	ENSG00000105664	1014	0.24	0.25	0.79	-0.006	NA
chr19	47214063	47214304	MIR320E	ENSG00000211513	-1576	0.89	0.87	0.79	0.026	NA
chr19	1248183	1251179	MIDN	ENSG00000167470	1129	0.23	0.22	0.8	0.0064	NA
chr19	1615202	1615812	U6	ENSG00000252933	1087	0.94	0.88	0.8	0.055	NA
chr19	2150990	2151963	AP3D1	ENSG00000065000	63	0.21	0.22	0.8	-0.011	NA
chr19	3061188	3061952	AES	ENSG00000104964	801	0.19	0.21	0.8	-0.013	NA
chr19	11689417	11689768	ACP5	ENSG00000102575	209	0.32	0.34	0.8	-0.018	NA
chr19	34112279	34114353	CHST8	ENSG00000124302	455	0.2	0.2	0.8	0.0062	NA
chr19	39440404	39441011	FBXO17	ENSG00000104835	-212	0.24	0.26	0.8	-0.022	NA
chr19	42829555	42830597	MEGF8	ENSG00000105429	315	0.19	0.18	0.8	0.011	NA
chr19	49496448	49496773	GYS1	ENSG00000104812	-70	0.24	0.2	0.8	0.042	NA
chr19	710822	711066	PALM	ENSG00000099864	1991	0.24	0.2	0.81	0.036	NA
chr19	13228886	13229576	NACC1	ENSG00000160877	122	0.22	0.24	0.81	-0.018	NA
chr19	16738315	16739679	MED26	ENSG00000105085	-243	0.24	0.25	0.81	-0.01	NA
chr19	35491151	35492020	GRAMD1A	ENSG00000089351	358	0.19	0.18	0.81	0.01	NA
chr19	44123485	44124244	ZNF428	ENSG00000131116	-107	0.18	0.16	0.81	0.02	NA
chr19	42700686	42700975	POU2F2	ENSG00000028277	-93	0.95	1	0.82	-0.053	NA
chr19	47139337	47139547	GNG8	ENSG00000167414	-1503	0.46	0.43	0.82	0.024	NA
chr19	56154791	56155117	ZNF581	ENSG00000171425	-32	0.18	0.2	0.82	-0.025	NA

chr19	925120	926816	ARID3A	ENSG00000116017	-69	0.29	0.28	0.83	0.0083	NA
chr19	2432847	2435203	LMNB2	ENSG00000176619	-128	0.93	0.92	0.83	0.0062	NA
chr19	7968325	7969421	AC010336.2	ENSG00000214248	-446	0.2	0.18	0.83	0.016	NA
chr19	11849359	11849796	ZNF823	ENSG00000197933	183	0.2	0.22	0.83	-0.021	NA
chr19	14062785	14063430	DCAF15	ENSG00000132017	-212	0.24	0.22	0.83	0.021	NA
chr19	35645597	35646047	FXVD5	ENSG00000089327	189	0.22	0.26	0.83	-0.035	NA
chr19	40696811	40698193	MAP3K10	ENSG00000130758	-149	0.21	0.21	0.83	0.0088	NA
chr19	44079582	44079905	XRCC1	ENSG00000073050	-35	0.16	0.15	0.83	0.017	NA
chr19	46001830	46002686	PPM1N	ENSG00000213889	393	0.22	0.21	0.83	0.017	NA
chr19	47126782	47127478	PTGIR	ENSG00000160013	1224	0.97	0.96	0.83	0.01	NA
chr19	50831454	50832070	KCNC3	ENSG00000131398	741	0.2	0.18	0.83	0.027	NA
chr19	7504923	7505186	ARHGEF18	ENSG00000104880	480	0.99	1	0.84	-0.014	NA
chr19	12779795	12781094	WDR83	ENSG00000123154	77	0.23	0.22	0.84	0.0094	NA
chr19	14016665	14017435	C19orf57	ENSG00000132016	-141	0.22	0.24	0.84	-0.018	NA
chr19	23945713	23946128	RP11-255H23.2	ENSG00000233836	174	0.23	0.28	0.84	-0.045	NA
chr19	46800053	46800603	HIF3A	ENSG00000124440	25	0.3	0.22	0.84	0.074	NA
chr19	48949034	48949442	GRWD1	ENSG00000105447	208	0.31	0.29	0.84	0.019	NA
chr19	57831599	57832250	ZNF543	ENSG00000178229	59	0.19	0.17	0.84	0.022	NA
chr19	3185740	3186492	NCLN	ENSG00000125912	241	0.18	0.19	0.85	-0.012	NA
chr19	3933473	3933816	ITGB1BP3	ENSG00000077009	106	0.2	0.22	0.85	-0.025	NA
chr19	6502090	6502411	TUBB4	ENSG00000104833	54	0.2	0.19	0.85	0.014	NA
chr19	9608804	9609343	ZNF560	ENSG00000198028	206	0.17	0.19	0.85	-0.022	NA
chr19	10823618	10823878	DNM2	ENSG00000079805	-395	0.94	0.96	0.85	-0.023	NA
chr19	11959577	11960064	ZNF439	ENSG00000171291	-58	0.28	0.31	0.85	-0.025	NA
chr19	28284528	28285129	AC006504.2	ENSG00000247687	20	0.19	0.22	0.85	-0.027	NA
chr19	45540657	45541055	CLASRP	ENSG00000104859	-1442	0.93	0.91	0.85	0.016	NA
chr19	45579321	45580018	ZNF296	ENSG00000170684	19	0.16	0.14	0.85	0.012	NA
chr19	1555010	1555213	AC027307.1	ENSG00000222720	-1493	0.88	1	0.86	-0.12	NA
chr19	35263648	35264275	ZNF599	ENSG00000153896	135	0.2	0.19	0.86	0.012	NA
chr19	49014611	49014940	LMTK3	ENSG00000142235	1671	0.23	0.2	0.86	0.035	NA

chr19	52642613	52642841	ZNF616	ENSG00000204611	464	0.19	0.22	0.86	-0.024	NA
chr19	55690182	55691623	SYT5	ENSG00000129990	-144	0.23	0.22	0.86	0.01	NA
chr19	640789	641005	FGF22	ENSG00000070388	-281	0.89	0.93	0.87	-0.035	NA
chr19	1390693	1391304	AC005329.6	ENSG00000176936	-1348	0.96	0.95	0.87	0.0082	NA
chr19	22817274	22817546	ZNF492	ENSG00000229676	284	0.43	0.25	0.87	0.18	NA
chr19	37288342	37288723	AC020928.2	ENSG00000247207	112	0.14	0.17	0.87	-0.027	NA
chr19	37957726	37958390	ZNF569	ENSG00000196437	281	0.16	0.18	0.87	-0.012	NA
chr19	49865341	49865690	TEAD2	ENSG00000074219	183	0.14	0.16	0.87	-0.013	NA
chr19	4791194	4793217	FEM1A	ENSG00000141965	477	0.47	0.46	0.88	0.0066	NA
chr19	19314137	19314416	NR2C2AP	ENSG00000184162	-121	0.25	0.2	0.88	0.047	NA
chr19	37959852	37960615	ZNF570	ENSG00000171827	251	0.35	0.33	0.88	0.022	NA
chr19	42637277	42637684	CTC-378H22.1	ENSG00000254887	773	0.26	0.23	0.88	0.031	NA
chr19	45312059	45312397	BCAM	ENSG00000187244	-110	0.15	0.17	0.88	-0.016	NA
chr19	56825767	56826786	ZSCAN5A	ENSG00000131848	18	0.16	0.15	0.88	0.01	NA
chr19	344164	344458	MIER2	ENSG00000105556	480	0.22	0.21	0.89	0.013	NA
chr19	1566554	1568834	MEX3D	ENSG00000181588	182	0.21	0.22	0.89	-0.0048	NA
chr19	4304542	4305122	FSD1	ENSG00000105255	241	0.23	0.25	0.89	-0.019	NA
chr19	19174262	19174995	SLC25A42	ENSG00000181035	-175	0.22	0.24	0.89	-0.017	NA
chr19	49954763	49955185	PIH1D1	ENSG00000104872	141	0.27	0.26	0.89	0.02	NA
chr19	4198017	4198654	ANKRD24	ENSG00000089847	198	0.24	0.23	0.9	0.0093	NA
chr19	4535069	4535339	PLIN5	ENSG00000214456	4	0.26	0.25	0.9	0.013	NA
chr19	12076029	12076366	ZNF763	ENSG00000197054	300	0.2	0.25	0.9	-0.046	NA
chr19	12273794	12274291	ZNF136	ENSG00000196646	163	0.26	0.28	0.9	-0.021	NA
chr19	12949131	12949733	MAST1	ENSG00000105613	173	0.19	0.2	0.9	-0.016	NA
chr19	45147074	45147721	PVR	ENSG00000073008	299	0.2	0.21	0.9	-0.0091	NA
chr19	48216486	48216837	EHD2	ENSG00000024422	60	0.2	0.24	0.9	-0.038	NA
chr19	50097744	50098453	PRR12	ENSG00000126464	-681	0.88	0.87	0.9	0.011	NA
chr19	54496202	54496612	CACNG6	ENSG00000130433	275	0.73	0.69	0.9	0.036	NA
chr19	58978209	58978958	ZNF324	ENSG00000083812	124	0.17	0.17	0.9	0.0074	NA
chr19	6373427	6373631	ALKBH7	ENSG00000125652	1085	0.33	0.14	0.91	0.19	NA

chr19	16635980	16636825	CHERP	ENSG00000085872	683	0.97	0.96	0.91	0.0094	NA
chr19	30156038	30156795	PLEKHF1	ENSG00000166289	89	0.2	0.19	0.91	0.018	NA
chr19	34012271	34012936	PEPD	ENSG00000124299	196	0.21	0.2	0.91	0.0079	NA
chr19	44405817	44406053	AC006213.1	ENSG00000247377	22	0.27	0.3	0.91	-0.028	NA
chr19	54023868	54024560	ZNF331	ENSG00000130844	-21	0.34	0.31	0.91	0.034	NA
chr19	54704584	54705204	RPS9	ENSG00000170889	284	0.2	0.21	0.91	-0.012	NA
chr19	588250	588622	HCN2	ENSG00000099822	-1457	0.16	0.17	0.92	-0.014	NA
chr19	1274469	1276358	C19orf24	ENSG00000228300	-25	0.29	0.29	0.92	0.0038	NA
chr19	7701661	7702336	STXBP2	ENSG00000076944	7	0.22	0.23	0.92	-0.012	NA
chr19	19143924	19144827	SUGP2	ENSG00000064607	-76	0.2	0.21	0.92	-0.0086	NA
chr19	19779475	19780146	ZNF101	ENSG00000181896	205	0.27	0.29	0.92	-0.015	NA
chr19	22018594	22018827	ZNF43	ENSG00000198521	267	0.18	0.19	0.92	-0.016	NA
chr19	38145826	38147219	ZFP30	ENSG00000120784	-233	0.33	0.35	0.92	-0.021	NA
chr19	38182793	38183327	ZNF781	ENSG00000196381	156	0.2	0.18	0.92	0.02	NA
chr19	39971346	39971718	TIMM50	ENSG00000105197	14	0.2	0.23	0.92	-0.03	NA
chr19	33685146	33686085	LRP3	ENSG00000130881	449	0.19	0.19	0.93	0.0057	NA
chr19	12405197	12405571	ZNF44	ENSG00000197857	225	0.33	0.28	0.93	0.058	NA
chr19	37742738	37743029	AC012309.5	ENSG00000226686	55	0.23	0.15	0.93	0.073	NA
chr19	4457493	4458040	UBXN6	ENSG00000167671	25	0.21	0.21	0.94	0.0072	NA
chr19	12146030	12146649	ZNF433	ENSG00000197647	145	0.34	0.31	0.94	0.03	NA
chr19	17830104	17830646	MAP1S	ENSG00000130479	84	0.2	0.19	0.94	0.0084	NA
chr19	19754284	19754507	GMIP	ENSG00000089639	19	0.27	0.3	0.94	-0.03	NA
chr19	19773991	19774767	ATP13A1	ENSG00000105726	-338	0.21	0.21	0.94	0.0048	NA
chr19	45849852	45850054	KLC3	ENSG00000104892	1295	0.19	0.17	0.94	0.02	NA
chr19	35521162	35522051	SCN1B	ENSG00000105711	14	0.19	0.18	0.95	0.0045	NA
chr19	40790737	40791607	AKT2	ENSG00000105221	-314	0.22	0.21	0.95	0.011	NA
chr19	56135773	56136007	ZNF784	ENSG00000179922	51	0.19	0.21	0.95	-0.014	NA
chr19	58399945	58400276	ZNF814	ENSG00000204514	332	0.19	0.21	0.95	-0.015	NA
chr19	821345	822669	MIR3187	ENSG00000129951	-317	0.23	0.23	0.96	0.0047	NA
chr19	1066866	1067673	HMHA1	ENSG00000180448	95	0.19	0.2	0.96	-0.0051	NA

chr19	10046824	10047067	OLFM2	ENSG00000105088	125	0.22	0.23	0.96	-0.017	NA
chr19	17336906	17337868	OCEL1	ENSG00000099330	332	0.23	0.22	0.96	0.0074	NA
chr19	17798679	17799329	UNC13A	ENSG00000130477	4	0.26	0.27	0.96	-0.0092	NA
chr19	17952196	17953474	JAK3	ENSG00000105639	499	0.17	0.17	0.96	0.007	NA
chr19	18632298	18633453	ELL	ENSG00000105656	62	0.21	0.19	0.96	0.012	NA
chr19	49183498	49184167	AC008888.7	ENSG00000232871	494	0.97	0.96	0.96	0.0055	NA
chr19	51522004	51522803	KLK10	ENSG00000129451	551	0.26	0.25	0.96	0.0085	NA
chr19	843468	844085	PRTN3	ENSG00000196415	435	0.19	0.21	0.97	-0.015	NA
chr19	7553699	7554033	PEX11G	ENSG00000104883	39	0.16	0.16	0.97	-0.006	NA
chr19	7735081	7735456	RETN	ENSG00000104918	1055	0.23	0.22	0.97	0.0085	NA
chr19	11639614	11639897	ECSIT	ENSG00000130159	232	0.21	0.25	0.97	-0.035	NA
chr19	18277954	18278164	PIK3R2	ENSG00000105647	1093	0.81	0.85	0.97	-0.037	NA
chr19	39660153	39660362	PAK4	ENSG00000130669	1006	0.95	0.94	0.97	0.01	NA
chr19	50379396	50381565	AKT1S1	ENSG00000204673	-974	0.18	0.18	0.97	-0.0041	NA
chr19	58629309	58630241	ZSCAN18	ENSG00000121413	18	0.25	0.24	0.97	0.012	NA
chr19	15310519	15312027	NOTCH3	ENSG00000074181	519	0.24	0.23	0.98	0.0058	NA
chr19	29703570	29704331	UQCRFS1	ENSG00000169021	186	0.17	0.17	0.98	0.006	NA
chr19	51161923	51162514	AC008743.7	ENSG00000235034	465	0.22	0.23	0.98	-0.0083	NA
chr19	58361139	58361560	ZNF587	ENSG00000198466	121	0.18	0.16	0.98	0.016	NA
chr19	675671	675881	FSTL3	ENSG00000070404	-613	0.25	0.18	0.99	0.07	NA
chr19	4102299	4103041	MAP2K2	ENSG00000126934	-168	0.88	0.87	0.99	0.01	NA
chr19	9929166	9930494	FBXL12	ENSG00000127452	-99	0.18	0.18	0.99	0.0029	NA
chr19	10047262	10047478	OLFM2	ENSG00000105088	-300	0.18	0.15	0.99	0.028	NA
chr19	18331046	18331395	PDE4C	ENSG00000105650	751	0.87	0.89	0.99	-0.024	NA
chr19	33182609	33183562	NUDT19	ENSG00000213965	218	0.16	0.16	0.99	0.0036	NA
chr19	39935931	39936638	SUPT5H	ENSG00000196235	98	0.29	0.28	0.99	0.01	NA
chr19	55574138	55574734	RDH13	ENSG00000160439	149	0.19	0.19	1	-0.0007	NA
chr19	58982329	58983512	ZNF324	ENSG00000083812	635	0.93	0.93	1	-0.0032	NA
chr19	453728	453971	5S_rRNA	ENSG00000252539	715	0.91	0.88	1	0.033	NA
chr19	891531	892150	MED16	ENSG00000175221	1360	0.53	0.6	1	-0.07	NA

chr19	893002	893270	MED16	ENSG00000175221	64	0.2	0.12	1	0.075	NA
chr19	924788	925001	ARID3A	ENSG00000116017	-1143	0.31	0.31	1	0.0092	NA
chr19	1307428	1307684	AC005330.1	ENSG00000240846	164	0.97	0.98	1	-0.008	NA
chr19	1526462	1526681	PLK5P	ENSG00000185988	1613	0.67	1	1	-0.33	NA
chr19	1621666	1621901	TCF3	ENSG00000071564	442	1	1	1	0	NA
chr19	1955331	1955572	C19orf34	ENSG00000180846	-903	0.5	1	1	-0.5	NA
chr19	1978370	1979984	CSNK1G2	ENSG00000133275	186	0.95	0.96	1	-0.0015	NA
chr19	2213860	2214142	DOT1L	ENSG00000104885	96	1	1	1	0	NA
chr19	2455863	2457078	LMNB2	ENSG00000176619	524	0.19	0.19	1	-0.0017	NA
chr19	3047224	3047444	TLE2	ENSG00000065717	-1548	0.22	0.14	1	0.076	NA
chr19	3094671	3095055	GNA11	ENSG00000088256	455	0.23	0.21	1	0.017	NA
chr19	3366743	3367457	NFIC	ENSG00000141905	465	0.27	0.28	1	-0.014	NA
chr19	3721464	3721788	TJP3	ENSG00000105289	-109	0.22	0.23	1	-0.012	NA
chr19	3880718	3881278	ATCAY	ENSG00000167654	315	0.27	0.29	1	-0.012	NA
chr19	3960981	3961241	MIR637	ENSG00000207733	399	0.92	0.93	1	-0.01	NA
chr19	3970536	3970746	DAPK3	ENSG00000167657	397	0.25	0.29	1	-0.036	NA
chr19	5719624	5720796	LONP1	ENSG00000196365	-53	0.19	0.19	1	-0.0008	NA
chr19	5785399	5785819	PRR22	ENSG00000212123	-833	0.96	1	1	-0.036	NA
chr19	5789198	5789735	DUS3L	ENSG00000141994	1783	0.92	0.91	1	0.0057	NA
chr19	5824103	5824334	NRTN	ENSG00000171119	400	0.65	0.65	1	-0.0035	NA
chr19	5915007	5915301	CAPS	ENSG00000105519	961	0.83	0.87	1	-0.033	NA
chr19	6424430	6425169	KHSRP	ENSG00000088247	-5	0.19	0.19	1	-0.0025	NA
chr19	6740669	6741203	TRIP10	ENSG00000125733	242	0.28	0.27	1	0.011	NA
chr19	6746023	6746292	TRIP10	ENSG00000125733	1517	0.98	0.98	1	0.0016	NA
chr19	7912629	7912895	EVI5L	ENSG00000142459	1376	1	1	1	0	NA
chr19	8555436	8555650	PRAM1	ENSG00000133246	1364	0.9	0.91	1	-0.0054	NA
chr19	9204246	9204490	OR1M1	ENSG00000170929	447	0.6	0.58	1	0.017	NA
chr19	9694921	9695433	ZNF121	ENSG00000197961	25	0.2	0.2	1	0.0082	NA
chr19	10220612	10221147	PPAN	ENSG00000130810	241	0.96	0.96	1	-0.005	NA
chr19	10668267	10668582	KRI1	ENSG00000129347	473	0.97	0.96	1	0.0039	NA

chr19	10812017	10812455	QTRT1	ENSG00000213339	124	0.34	0.33	1	0.01	NA
chr19	11143975	11144249	SMARCA4	ENSG00000127616	0	0.95	0.95	1	0.0033	NA
chr19	11303697	11304609	KANK2	ENSG00000197256	1113	0.92	0.92	1	-0.0031	NA
chr19	11529722	11529966	RGL3	ENSG00000205517	146	0.2	0.14	1	0.057	NA
chr19	11531278	11531590	RGL3	ENSG00000205517	-1416	0.37	0.33	1	0.043	NA
chr19	11925086	11925546	ZNF440	ENSG00000171295	217	0.27	0.28	1	-0.0074	NA
chr19	12305552	12306304	CTD-2666L21.1	ENSG00000234773	98	0.18	0.18	1	-0.0034	NA
chr19	12807005	12807561	FBXW9	ENSG00000132004	149	0.22	0.23	1	-0.0047	NA
chr19	12833104	12833574	TNPO2	ENSG00000105576	-234	0.29	0.29	1	-0.0042	NA
chr19	12868396	12868840	BEST2	ENSG00000039987	1945	0.29	0.27	1	0.017	NA
chr19	14142398	14142977	IL27RA	ENSG00000104998	425	0.15	0.15	1	-0.0015	NA
chr19	14606709	14607385	GIPC1	ENSG00000123159	-130	0.17	0.17	1	0.001	NA
chr19	14639879	14641040	DNAJB1	ENSG00000132002	-410	0.27	0.25	1	0.018	NA
chr19	15529290	15529902	AKAP8L	ENSG00000011243	237	0.2	0.2	1	-0.0061	NA
chr19	16606740	16607444	CALR3	ENSG00000141979	-89	0.18	0.18	1	0.0052	NA
chr19	17212479	17213332	MYO9B	ENSG00000099331	439	0.99	0.98	1	0.01	NA
chr19	17355181	17356471	NR2F6	ENSG00000160113	203	0.22	0.22	1	-0.0022	NA
chr19	17392383	17393775	ANKLE1	ENSG00000160117	625	0.21	0.21	1	-0.0008	NA
chr19	17443965	17444633	ANO8	ENSG00000074855	1339	1	1	1	0	NA
chr19	17448182	17448470	GTPBP3	ENSG00000130299	-30	0.29	0.29	1	-0.0081	NA
chr19	17580197	17580598	SLC27A1	ENSG00000130304	819	0.22	0.22	1	-0.0048	NA
chr19	18120613	18120840	ARRDC2	ENSG00000105643	1749	0.99	0.98	1	0.0043	NA
chr19	18279514	18280178	PIK3R2	ENSG00000105647	538	0.95	0.95	1	-0.0036	NA
chr19	18699422	18700554	C19orf60	ENSG00000006015	493	0.23	0.23	1	-0.0023	NA
chr19	18716229	18718743	CRLF1	ENSG00000006016	174	0.19	0.19	1	0.0013	NA
chr19	18722358	18724001	TMEM59L	ENSG00000105696	-503	0.18	0.18	1	-0.0043	NA
chr19	19051019	19051939	HOMER3	ENSG00000051128	-366	0.19	0.19	1	0.0017	NA
chr19	19280998	19281560	MEF2B	ENSG00000213999	-225	0.2	0.23	1	-0.031	NA
chr19	33210453	33211039	TDRD12	ENSG00000173809	67	0.97	0.97	1	-0.0023	NA
chr19	35454467	35455247	ZNF792	ENSG00000180884	96	0.21	0.22	1	-0.0099	NA

chr19	36347044	36348101	KIRREL2	ENSG00000126259	-238	0.28	0.28	1	-0.0013	NA
chr19	36980190	36980733	ZNF566	ENSG00000186017	-124	0.21	0.22	1	-0.006	NA
chr19	37808538	37809033	HKR1	ENSG00000181666	-28	0.22	0.25	1	-0.033	NA
chr19	38806485	38806747	YIF1B	ENSG00000167645	-10	0.21	0.2	1	0.0035	NA
chr19	39574700	39575137	AC011443.1	ENSG00000183760	-27	0.19	0.18	1	0.012	NA
chr19	39833383	39833673	SAMD4B	ENSG00000179134	420	0.24	0.26	1	-0.026	NA
chr19	40005648	40005869	AC011500.1	ENSG00000186838	5	0.2	0.2	1	0.0026	NA
chr19	40030611	40030985	EID2	ENSG00000176396	40	0.17	0.16	1	0.0042	NA
chr19	40895468	40895793	HIPK4	ENSG00000160396	454	0.92	1	1	-0.077	NA
chr19	41222598	41223162	ADCK4	ENSG00000123815	-90	0.19	0.19	1	-0.0002	NA
chr19	41595895	41596140	CYP2A13	ENSG00000197838	1649	0.2	0.2	1	#####	NA
chr19	41770013	41771113	HNRNPUL1	ENSG00000105323	443	0.19	0.19	1	-0.0024	NA
chr19	41945690	41945904	ATP5SL	ENSG00000105341	46	0.17	0.14	1	0.029	NA
chr19	42388144	42388723	ARHGEF1	ENSG00000076928	-13	0.22	0.23	1	-0.0022	NA
chr19	43912167	43912635	AC018758.1	ENSG00000244667	458	0.94	0.94	1	0.0037	NA
chr19	43918854	43919127	TEX101	ENSG00000131126	-45	0.95	0.94	1	0.0043	NA
chr19	44645494	44646069	ZNF226	ENSG00000167380	71	0.3	0.25	1	0.049	NA
chr19	45754630	45755261	MARK4	ENSG00000007047	103	0.31	0.3	1	0.0091	NA
chr19	45826801	45827164	CKM	ENSG00000104879	-749	0.48	0.45	1	0.027	NA
chr19	45997873	45998256	RTN2	ENSG00000125744	-1590	0.97	0.97	1	0.0055	NA
chr19	46580385	46580971	AC007785.1	ENSG00000203347	209	0.33	0.25	1	0.083	NA
chr19	47137780	47138070	GNG8	ENSG00000167414	14	0.2	0.2	1	-0.0047	NA
chr19	47163886	47164783	DACT3	ENSG00000197380	61	0.19	0.19	1	0.00082	NA
chr19	47852300	47852978	DHX34	ENSG00000134815	101	0.28	0.28	1	-0.0026	NA
chr19	48248729	48249110	GLTSCR2	ENSG00000105373	126	0.22	0.33	1	-0.11	NA
chr19	49255778	49256495	FUT1	ENSG00000174951	-1598	0.24	0.24	1	-0.0005	NA
chr19	49631105	49631494	PPFIA3	ENSG00000177380	-285	0.22	0.2	1	0.017	NA
chr19	49828412	49828668	SLC6A16	ENSG00000063127	-98	0.91	0.9	1	0.0043	NA
chr19	49866752	49867209	DKKL1	ENSG00000104901	-62	0.13	0.12	1	0.012	NA
chr19	49891269	49891604	CCDC155	ENSG00000161609	-39	0.69	0.67	1	0.021	NA

chr19	50180010	50180907	PRMT1	ENSG00000126457	128	0.21	0.21	1	0.0019	NA
chr19	50554012	50554492	CTD-2126E3.1	ENSG00000204666	406	0.25	0.16	1	0.09	NA
chr19	50887181	50887933	POLD1	ENSG00000062822	-36	0.25	0.24	1	0.01	NA
chr19	51220054	51220298	SHANK1	ENSG00000161681	19	0.74	0.8	1	-0.061	NA
chr19	52097252	52098000	AC018755.11	ENSG00000167765	7	0.23	0.23	1	0.006	NA
chr19	52551831	52552214	ZNF432	ENSG00000256087	84	0.25	0.13	1	0.12	NA
chr19	52772706	52773257	ZNF766	ENSG00000196214	157	0.27	0.26	1	0.006	NA
chr19	53039077	53039920	ZNF808	ENSG00000198482	260	0.19	0.18	1	0.0054	NA
chr19	53141175	53141813	ZNF83	ENSG00000167766	144	0.42	0.33	1	0.089	NA
chr19	53606059	53606784	ZNF160	ENSG00000170949	235	0.18	0.18	1	#####	NA
chr19	53935554	53935823	ZNF761	ENSG00000160336	442	0.24	0.23	1	0.012	NA
chr19	54271740	54271959	HMG1P32	ENSG00000237589	-42	0.94	0.96	1	-0.012	NA
chr19	54377172	54377441	AC008440.5	ENSG00000232220	1997	0.93	0.93	1	-0.0063	NA
chr19	54494608	54494816	CACNG6	ENSG00000130433	-830	0.24	0.24	1	-0.0005	NA
chr19	55790848	55791105	HSPBP1	ENSG00000133265	503	0.21	0.22	1	-0.013	NA
chr19	55814067	55814278	BRSK1	ENSG00000160469	570	1	0.88	1	0.12	NA
chr19	55864130	55864379	COX6B2	ENSG00000160471	1928	1	0.78	1	0.22	NA
chr19	55873636	55873993	FAM71E2	ENSG00000180043	806	0.91	0.92	1	-0.013	NA
chr19	55889005	55889476	TMEM190	ENSG00000160472	1036	0.3	0.3	1	-0.0007	NA
chr19	57874763	57875110	TRAPPC2P1	ENSG00000256060	57	0.22	0.22	1	0.0027	NA
chr19	58011124	58011743	ZNF773	ENSG00000152439	124	0.22	0.22	1	-0.0006	NA
chr19	58220189	58220517	AC003006.1	ENSG00000249233	183	0.17	0.18	1	-0.0054	NA
chr19	58280926	58281486	ZNF586	ENSG00000083828	209	0.2	0.18	1	0.015	NA
chr19	58545115	58545897	ZSCAN1	ENSG00000152467	106	0.25	0.17	1	0.083	NA
chr19	58666023	58666833	ZNF329	ENSG00000181894	49	0.19	0.18	1	0.0047	NA
chr19	59070085	59071100	UBE2M	ENSG00000130725	-249	0.3	0.32	1	-0.024	NA
chr19	345260	345590	MIER2	ENSG00000105556	-634	0.1	NA	NA	NA	NA
chr19	497799	498135	MADCAM1	ENSG00000099866	1467	0.19	NA	NA	NA	NA
chr19	1240154	1240546	ATP5D	ENSG00000099624	-1399	0.36	NA	NA	NA	NA
chr19	1525206	1525854	PLK5P	ENSG00000185988	572	0.36	NA	NA	NA	NA

chr19	1861711	1861914	KLF16	ENSG00000129911	1684	1	NA	NA	NA	NA
chr19	1920892	1921200	SCAMP4	ENSG00000227500	-1086	0.75	NA	NA	NA	NA
chr19	4101771	4101973	MAP2K2	ENSG00000126934	630	1	NA	NA	NA	NA
chr19	6372722	6373218	ALKBH7	ENSG00000125652	526	0.16	NA	NA	NA	NA
chr19	10464666	10464927	TYK2	ENSG00000105397	-42	1	NA	NA	NA	NA
chr19	11266230	11266726	SPC24	ENSG00000161888	5	0.5	NA	NA	NA	NA
chr19	12750871	12751156	ZNF490	ENSG00000188033	-101	0.11	NA	NA	NA	NA
chr19	18117908	18118305	ARRDC2	ENSG00000105643	-871	0.33	NA	NA	NA	NA
chr19	19303350	19303622	MEF2BNB	ENSG00000254901	-89	0.5	NA	NA	NA	NA
chr19	21646328	21646536	AC010615.2	ENSG00000249756	254	0.5	NA	NA	NA	NA
chr19	30302295	30302510	CCNE1	ENSG00000105173	-499	NA	0.11	NA	NA	NA
chr19	37341731	37342000	ZNF345	ENSG00000251247	85	0.5	NA	NA	NA	NA
chr19	37708883	37709181	ZNF585B	ENSG00000245680	23	0.31	NA	NA	NA	NA
chr19	40730385	40730712	CNTD2	ENSG00000105219	296	0.97	NA	NA	NA	NA
chr19	41304467	41305050	EGLN2	ENSG00000171570	-290	0.58	NA	NA	NA	NA
chr19	41531804	41532051	CYP2A7P1	ENSG00000213908	1688	0.5	NA	NA	NA	NA
chr19	44808897	44809229	ZNF235	ENSG00000159917	115	0.4	NA	NA	NA	NA
chr19	44860657	44860928	ZNF285	ENSG00000062370	64	0.33	NA	NA	NA	NA
chr19	49223833	49224276	MAMSTR	ENSG00000176909	-1076	0.33	NA	NA	NA	NA
chr19	49842018	49842323	AC011450.1	ENSG00000197813	1389	0.25	NA	NA	NA	NA
chr19	50096609	50096912	PRR12	ENSG00000126464	1848	0.18	NA	NA	NA	NA
chr19	50316211	50316469	FUZ	ENSG00000010361	73	0.6	NA	NA	NA	NA
chr19	51411634	51412004	KLK4	ENSG00000167749	765	0.5	NA	NA	NA	NA
chr19	52901306	52901527	ZNF528	ENSG00000167555	263	NA	0.37	NA	NA	NA
chr19	53360201	53360460	ZNF468	ENSG00000204604	572	0.13	NA	NA	NA	NA
chr19	53496732	53497028	ZNF702P	ENSG00000242779	-103	0.21	NA	NA	NA	NA
chr19	53794411	53794732	BIRC8	ENSG00000163098	304	0.8	NA	NA	NA	NA
chr19	55494229	55494535	NLRP2	ENSG00000022556	-472	0.78	NA	NA	NA	NA
chr19	55591433	55591644	EPS8L1	ENSG00000131037	-222	0.22	NA	NA	NA	NA
chr19	56047403	56047668	SBK2	ENSG00000187550	126	0.67	NA	NA	NA	NA

chr19	57349997	57350470	ZIM2	ENSG00000198300	1861	0.46	NA	NA	NA	NA
chr2	101924364	101925357	RNF149	ENSG00000163162	298	0.32	0.11	1.10E-09	0.21	NA
chr2	177052957	177054350	AC009336.23	ENSG00000224189	-656	0.34	0.19	1.50E-09	0.16	NA
chr2	220299483	220300243	SPEG	ENSG00000072195	295	0.43	0.23	1.80E-09	0.2	NA
chr2	85645343	85645879	CAPG	ENSG00000042493	-56	0.61	0.22	1.90E-09	0.38	NA
chr2	37571676	37572397	QPCT	ENSG00000115828	319	0.44	0.23	2.90E-09	0.21	NA
chr2	242755693	242756363	NEU4	ENSG00000204099	814	0.73	0.93	5.90E-09	-0.2	NA
chr2	232348216	232348866	NCL	ENSG00000115053	-189	0.87	0.67	7.90E-09	0.21	NA
chr2	27664939	27665151	KRTCAP3	ENSG00000157992	-188	0.93	0.56	2.00E-08	0.38	NA
chr2	45235511	45237792	SIX2	ENSG00000170577	-108	0.38	0.24	2.00E-08	0.14	NA
chr2	241459632	241460047	ANKMY1	ENSG00000144504	105	0.6	0.25	2.20E-08	0.35	NA
chr2	203776859	203777522	ALS2CR8	ENSG00000138380	253	0.71	0.1	2.50E-08	0.61	NA
chr2	97426800	97427208	CNNM4	ENSG00000158158	365	0.32	0.13	3.50E-08	0.19	NA
chr2	233215680	233217556	ECEL1P3	ENSG00000230122	-599	0.35	0.21	7.60E-08	0.14	NA
chr2	130763483	130763764	AC018865.7	ENSG00000231147	-150	0.41	0.12	1.00E-07	0.29	NA
chr2	239147592	239149900	HES6	ENSG00000144485	-434	0.28	0.17	1.10E-07	0.11	NA
chr2	183730808	183731357	FRZB	ENSG00000162998	808	0.66	0.35	1.40E-07	0.3	NA
chr2	170681219	170681587	METTL5	ENSG00000138382	-79	0.7	0.16	1.60E-07	0.54	NA
chr2	218898490	218898835	RUFY4	ENSG00000188282	-1021	0.82	0.39	1.90E-07	0.42	NA
chr2	241496576	241497600	ANKMY1	ENSG00000144504	-265	0.4	0.21	2.10E-07	0.19	NA
chr2	170624684	170625480	AC009967.6	ENSG00000231550	227	0.92	0.71	3.30E-07	0.2	NA
chr2	177016416	177016632	HOXD4	ENSG00000170166	-500	0.59	0.2	3.70E-07	0.39	NA
chr2	29337983	29338909	CLIP4	ENSG00000115295	154	0.25	0.11	3.90E-07	0.14	NA
chr2	1746833	1748971	PXDN	ENSG00000130508	312	0.32	0.19	4.30E-07	0.12	NA
chr2	220361462	220363254	SPEG	ENSG00000072195	-55	0.24	0.36	4.30E-07	-0.11	NA
chr2	208631558	208634934	FZD5	ENSG00000163251	1041	0.4	0.25	5.80E-07	0.14	NA
chr2	54785026	54785969	SPTBN1	ENSG00000115306	-34	0.43	0.2	6.00E-07	0.23	NA
chr2	241758141	241760783	KIF1A	ENSG00000130294	-1067	0.28	0.18	6.80E-07	0.1	NA
chr2	233791783	233793922	NGEF	ENSG00000066248	12	0.43	0.29	7.00E-07	0.14	NA
chr2	193058995	193060812	TMEFF2	ENSG00000144339	-653	0.34	0.19	9.80E-07	0.15	NA

chr2	196933310	196933665	DNAH7	ENSG00000118997	49	0.38	0.12	9.90E-07	0.26	NA
chr2	208988834	208989269	CRYGD	ENSG00000118231	174	0.78	0.23	9.90E-07	0.55	NA
chr2	91634538	91636111	AC018696.1	ENSG00000226615	-607	0.17	0.09	1.00E-06	0.072	NA
chr2	220312698	220314094	SPEG	ENSG00000072195	-1996	0.9	0.8	1.10E-06	0.11	NA
chr2	201390685	201391217	SGOL2	ENSG00000163535	71	0.17	0.55	1.50E-06	-0.37	NA
chr2	37458398	37459199	CEBPZ	ENSG00000115816	-286	0.19	0.37	1.80E-06	-0.18	NA
chr2	175193398	175193764	AC018470.4	ENSG00000231453	81	0.9	0.42	2.00E-06	0.48	NA
chr2	232650898	232651431	PDE6D	ENSG00000156973	-182	0.35	0.16	4.10E-06	0.19	NA
chr2	68694047	68695097	FBXO48	ENSG00000204923	-182	0.46	0.22	4.30E-06	0.24	NA
chr2	233251361	233253414	AC068134.1	ENSG00000244280	-633	0.3	0.2	4.40E-06	0.11	NA
chr2	58468113	58468632	FANCL	ENSG00000115392	65	0.18	1	4.80E-06	-0.82	NA
chr2	198380423	198381301	MOBKL3	ENSG00000115540	306	0.33	0.15	5.10E-06	0.18	NA
chr2	191184323	191184767	HIBCH	ENSG00000198130	71	0.41	0.84	5.50E-06	-0.43	NA
chr2	219723702	219725010	WNT6	ENSG00000115596	-188	0.31	0.15	5.90E-06	0.16	NA
chr2	105275588	105275940	AC013402.5	ENSG00000230690	-31	0.63	0.23	6.10E-06	0.41	NA
chr2	7005163	7006340	CMPK2	ENSG00000134326	76	0.25	0.14	7.10E-06	0.11	NA
chr2	100937779	100939059	LONRF2	ENSG00000170500	776	0.24	0.13	9.80E-06	0.11	NA
chr2	56150340	56151180	EFEMP1	ENSG00000115380	-404	0.54	0.29	1.00E-05	0.25	NA
chr2	127413696	127414171	GYPC	ENSG00000136732	224	0.37	0.19	1.00E-05	0.18	NA
chr2	129075197	129077639	HS6ST1	ENSG00000136720	-448	0.41	0.27	1.50E-05	0.15	NA
chr2	242844583	242844944	AC131097.4	ENSG00000216921	-61	0.17	0.44	1.80E-05	-0.27	NA
chr2	238395061	238396241	MLPH	ENSG00000115648	-160	0.38	0.21	2.50E-05	0.17	NA
chr2	176973427	176973718	HOXD10	ENSG00000128710	54	0.41	0.13	3.20E-05	0.28	NA
chr2	111489977	111490884	ACOXL	ENSG00000153093	280	0.29	0.15	3.60E-05	0.13	NA
chr2	71115927	71116412	AC007040.5	ENSG00000237751	1168	0.44	0.25	3.70E-05	0.19	NA
chr2	55844267	55845065	SMEK2	ENSG00000138041	57	0.16	0.73	4.50E-05	-0.56	NA
chr2	96011132	96013197	KCNIP3	ENSG00000115041	-312	0.26	0.17	4.50E-05	0.092	NA
chr2	236401799	236403946	AGAP1	ENSG00000157985	139	0.29	0.18	4.60E-05	0.11	NA
chr2	133110316	133111319	FAM201B	ENSG00000230992	522	0.21	0.09	4.80E-05	0.12	NA
chr2	36582397	36584260	CRIM1	ENSG00000150938	259	0.31	0.19	5.00E-05	0.11	NA

chr2	73429283	73430647	NOTO	ENSG00000214513	535	0.31	0.2	5.30E-05	0.11	NA
chr2	172952809	172953160	DLX1	ENSG00000144355	889	0.53	0.23	6.20E-05	0.3	NA
chr2	132110849	132111169	AC073869.2	ENSG00000224425	-197	1	0.12	6.50E-05	0.88	NA
chr2	101434979	101437453	NPAS2	ENSG00000170485	-398	0.27	0.18	6.70E-05	0.093	NA
chr2	74667593	74669403	RTKN	ENSG00000114993	-788	0.39	0.25	7.20E-05	0.14	NA
chr2	69869986	69871716	AAK1	ENSG00000115977	-65	0.27	0.16	8.00E-05	0.11	NA
chr2	45877178	45879685	PRKCE	ENSG00000171132	-53	0.28	0.2	8.40E-05	0.088	NA
chr2	160760604	160761452	LY75	ENSG00000054219	132	0.4	0.24	8.90E-05	0.16	NA
chr2	170590189	170590899	KLHL23	ENSG00000213160	188	0.22	0.44	9.30E-05	-0.22	NA
chr2	110370906	110373301	10-Sep	ENSG00000186522	-1022	0.27	0.2	1.00E-04	0.077	NA
chr2	74691959	74692657	MOGS	ENSG00000115275	181	0.23	0.12	0.00011	0.11	NA
chr2	136499145	136500144	UBXN4	ENSG00000144224	455	0.36	0.17	0.00011	0.19	NA
chr2	11924983	11925253	LPIN1	ENSG00000134324	1123	0.26	0.12	0.00012	0.14	NA
chr2	208976900	208977396	AC093698.3	ENSG00000229150	84	0.93	0.66	0.00012	0.27	NA
chr2	239048071	239048454	KLHL30	ENSG00000168427	899	0.97	0.83	0.00013	0.14	NA
chr2	166649909	166650966	GALNT3	ENSG00000115339	-48	0.35	0.21	0.00014	0.15	NA
chr2	18765745	18766180	NT5C1B	ENSG00000185013	-785	0.96	0.85	0.00016	0.11	NA
chr2	102758806	102759577	IL1R1	ENSG00000115594	-55	0.38	0.17	0.00016	0.21	NA
chr2	231902026	231903122	C2orf72	ENSG00000204128	369	0.24	0.12	0.00017	0.12	NA
chr2	71017028	71017976	FIGLA	ENSG00000183733	273	0.33	0.2	0.00019	0.13	NA
chr2	10587827	10589155	ODC1	ENSG00000115758	-585	0.3	0.19	0.00021	0.12	NA
chr2	238768073	238768831	RAMP1	ENSG00000132329	265	0.29	0.15	0.00022	0.14	NA
chr2	72376055	72377175	CYP26B1	ENSG00000003137	-1448	0.35	0.19	0.00023	0.16	NA
chr2	219156977	219157380	TMBIM1	ENSG00000135926	48	0.61	0.32	0.00023	0.29	NA
chr2	177029413	177029941	HOXD3	ENSG00000128652	872	0.6	0.34	3.00E-04	0.26	NA
chr2	198174658	198175535	ANKRD44	ENSG00000065413	408	0.29	0.15	3.00E-04	0.14	NA
chr2	105488368	105489991	AC018730.3	ENSG00000229743	-269	0.26	0.16	0.00031	0.093	NA
chr2	219848919	219850541	FEV	ENSG00000163497	-533	0.26	0.36	0.00033	-0.1	NA
chr2	177027617	177028014	HOXD3	ENSG00000128652	-990	0.6	0.3	0.00038	0.3	NA
chr2	233350278	233352974	ECEL1	ENSG00000171551	-263	0.25	0.18	0.00039	0.068	NA

chr2	27484873	27488189	SLC30A3	ENSG00000115194	-1503	0.22	0.16	0.00041	0.061	NA
chr2	10829724	10830241	NOL10	ENSG00000115761	111	0.34	0.16	0.00046	0.18	NA
chr2	172864613	172865064	SLC25A12	ENSG00000115840	-139	0.24	0.54	0.00047	-0.3	NA
chr2	114736853	114737689	AC010982.1	ENSG00000234199	125	0.76	0.58	0.00048	0.18	NA
chr2	54013801	54014498	ASB3	ENSG00000115239	-163	0.24	0.12	0.00054	0.12	NA
chr2	24232680	24233260	MFSD2B	ENSG00000205639	19	0.17	0.35	0.00055	-0.18	NA
chr2	202645387	202646155	ALS2	ENSG00000003393	-137	0.39	0.19	0.00055	0.19	NA
chr2	105468851	105473488	AC018730.1	ENSG00000233639	-1528	0.3	0.2	0.00056	0.095	NA
chr2	216300267	216300997	FN1	ENSG00000115414	158	0.34	0.16	0.00056	0.18	NA
chr2	131594139	131595302	ARHGEF4	ENSG00000136002	231	0.22	0.14	0.00057	0.084	NA
chr2	239196923	239197900	PER2	ENSG00000132326	-204	0.28	0.16	6.00E-04	0.12	NA
chr2	27529083	27531465	UCN	ENSG00000163794	1039	0.21	0.29	0.00063	-0.082	NA
chr2	124782252	124783255	AC079154.1	ENSG00000228400	-3	0.33	0.15	0.00063	0.18	NA
chr2	37423578	37424361	AC007390.5	ENSG00000218739	338	0.31	0.18	0.00068	0.13	NA
chr2	232826077	232826836	DIS3L2	ENSG00000144535	163	0.23	0.13	0.00069	0.098	NA
chr2	171672310	171675447	GAD1	ENSG00000128683	1254	0.27	0.2	7.00E-04	0.072	NA
chr2	99346882	99348177	MGAT4A	ENSG00000071073	27	0.26	0.16	0.00072	0.098	NA
chr2	19555789	19558403	OSR1	ENSG00000143867	-423	0.48	0.37	0.00077	0.12	NA
chr2	27308546	27309770	KHK	ENSG00000138030	-457	0.23	0.15	0.00077	0.078	NA
chr2	172778733	172779299	HAT1	ENSG00000128708	58	0.31	0.16	0.00077	0.16	NA
chr2	131129718	131130511	PTPN18	ENSG00000072135	-67	0.29	0.17	0.00078	0.12	NA
chr2	111875206	111880965	BCL2L11	ENSG00000153094	1130	0.29	0.24	8.00E-04	0.057	NA
chr2	87015974	87018182	CD8A	ENSG00000153563	870	0.29	0.21	0.00081	0.079	NA
chr2	229045957	229046553	SPHKAP	ENSG00000153820	87	0.17	0.42	0.00082	-0.25	NA
chr2	73052637	73053227	EXOC6B	ENSG00000144036	202	0.26	0.13	0.00084	0.14	NA
chr2	172378822	172380189	CYBRD1	ENSG00000071967	647	0.25	0.14	0.00084	0.11	NA
chr2	191208306	191209000	INPP1	ENSG00000151689	280	0.25	0.15	0.00088	0.11	NA
chr2	60983193	60983870	PAPOLG	ENSG00000115421	166	0.29	0.16	0.00089	0.13	NA
chr2	175546862	175547880	WIPF1	ENSG00000115935	204	0.22	0.15	0.00091	0.077	NA
chr2	85197445	85199321	KCMF1	ENSG00000176407	167	0.27	0.18	0.0011	0.091	NA

chr2	234776882	234777098	MSL3P1	ENSG00000224287	100	0.36	0.13	0.0011	0.23	NA
chr2	131673686	131674150	ARHGEF4	ENSG00000136002	-306	0.91	0.79	0.0012	0.11	NA
chr2	209271337	209271987	PTH2R	ENSG00000144407	106	0.28	0.17	0.0012	0.1	NA
chr2	11605743	11606385	E2F6	ENSG00000169016	-59	0.34	0.19	0.0013	0.15	NA
chr2	46523789	46527140	EPAS1	ENSG00000116016	923	0.24	0.18	0.0014	0.063	NA
chr2	86422068	86422858	IMMT	ENSG00000132305	-338	0.24	0.13	0.0014	0.11	NA
chr2	235860117	235861716	SH3BP4	ENSG00000130147	299	0.27	0.17	0.0014	0.097	NA
chr2	172290364	172291201	METTL8	ENSG00000123600	-282	0.22	0.13	0.0015	0.094	NA
chr2	50574045	50574817	NRXN1	ENSG00000179915	-40	0.22	0.13	0.0016	0.092	NA
chr2	97303912	97304387	KIAA1310	ENSG00000114982	-103	0.2	0.1	0.0016	0.1	NA
chr2	241535684	241535953	CAPN10	ENSG00000142330	1167	0.47	0.22	0.0016	0.25	NA
chr2	24149256	24150354	ATAD2B	ENSG00000119778	126	0.27	0.19	0.0017	0.085	NA
chr2	73495920	73496910	FBXO41	ENSG00000163013	1628	0.27	0.17	0.0017	0.1	NA
chr2	102867093	102867827	AC007248.6	ENSG00000205716	-745	0.14	0.33	0.0017	-0.19	NA
chr2	200775746	200776548	AC073043.1	ENSG00000232732	-342	0.16	0.33	0.0017	-0.17	NA
chr2	10182635	10184702	KLF11	ENSG00000172059	692	0.28	0.18	0.0018	0.1	NA
chr2	208546082	208546562	AC096772.4	ENSG00000213082	8	0.49	0.25	0.0018	0.24	NA
chr2	219263098	219265556	CTDSP1	ENSG00000144579	901	0.27	0.19	0.0018	0.081	NA
chr2	241525622	241526835	CAPN10	ENSG00000142330	95	0.22	0.35	0.0018	-0.13	NA
chr2	31456740	31457653	EHD3	ENSG00000013016	316	0.22	0.13	0.0019	0.093	NA
chr2	219824151	219825864	CDK5R2	ENSG00000171450	630	0.24	0.16	0.0019	0.083	NA
chr2	182756428	182757519	SSFA2	ENSG00000138434	413	0.14	0.24	0.002	-0.098	NA
chr2	48541252	48542587	FOXN2	ENSG00000170802	143	0.14	0.21	0.0021	-0.073	NA
chr2	192542573	192543329	OBFC2A	ENSG00000173559	157	0.27	0.16	0.0021	0.11	NA
chr2	25475706	25475928	DNMT3A	ENSG00000119772	-637	0.19	1	0.0022	-0.81	NA
chr2	31806545	31806782	SRD5A2	ENSG00000049319	-527	0.52	0.74	0.0022	-0.22	NA
chr2	37311072	37311893	HEATR5B	ENSG00000008869	3	0.21	0.11	0.0023	0.099	NA
chr2	131113090	131114277	PTPN18	ENSG00000072135	103	0.26	0.19	0.0023	0.078	NA
chr2	205409939	205410910	PARD3B	ENSG00000116117	-92	0.3	0.19	0.0024	0.11	NA
chr2	187350497	187351609	ZC3H15	ENSG00000065548	170	0.32	0.18	0.0025	0.14	NA

chr2	219081653	219082032	ARPC2	ENSG00000163466	25	0.19	0.52	0.0025	-0.33	NA
chr2	137522460	137523696	THSD7B	ENSG00000144229	-37	0.32	0.21	0.0026	0.11	NA
chr2	191745286	191746599	GLS	ENSG00000115419	389	0.15	0.24	0.0029	-0.088	NA
chr2	54682899	54684374	SPTBN1	ENSG00000115306	214	0.23	0.17	0.003	0.06	NA
chr2	97527489	97527704	SEMA4C	ENSG00000168758	588	0.72	0.55	0.0032	0.18	NA
chr2	178417295	178417961	TTC30B	ENSG00000196659	-128	0.3	0.15	0.0033	0.15	NA
chr2	172947843	172948200	DLX1	ENSG00000144355	-1447	0.17	0.34	0.0035	-0.17	NA
chr2	26256301	26257567	RAB10	ENSG00000084733	-42	0.16	0.27	0.0037	-0.11	NA
chr2	106014878	106015884	FHL2	ENSG00000115641	126	0.27	0.2	0.0037	0.078	NA
chr2	176969217	176969895	HOXD11	ENSG00000128713	612	0.16	0.29	0.0037	-0.13	NA
chr2	241395248	241395802	MIR149	ENSG00000207611	107	0.53	0.34	0.004	0.19	NA
chr2	177502240	177502910	AC017048.3	ENSG00000163364	-285	0.23	0.12	0.0043	0.11	NA
chr2	96781406	96782971	ADRA2B	ENSG00000222040	-204	0.27	0.39	0.0045	-0.11	NA
chr2	11051858	11053476	KCNF1	ENSG00000162975	604	0.43	0.32	0.0047	0.11	NA
chr2	242295397	242296201	FARP2	ENSG00000006607	141	0.25	0.15	0.005	0.1	NA
chr2	239140096	239140659	AC016757.3	ENSG00000186235	-211	0.37	0.16	0.0051	0.2	NA
chr2	27356980	27357656	PREB	ENSG00000138073	162	0.21	0.36	0.0052	-0.15	NA
chr2	88469691	88470386	THNSL2	ENSG00000144115	203	0.3	0.18	0.0055	0.12	NA
chr2	3391402	3392500	TTC15	ENSG00000171853	53	0.97	0.93	0.0056	0.042	NA
chr2	233925091	233925318	INPP5D	ENSG00000168918	15	0.79	0.6	0.0059	0.18	NA
chr2	27651265	27652129	NRBP1	ENSG00000115216	239	0.21	0.13	0.006	0.076	NA
chr2	128421719	128422182	LIMS2	ENSG00000072163	43	0.43	0.23	0.0061	0.2	NA
chr2	100105543	100107158	REV1	ENSG00000135945	85	0.25	0.16	0.0063	0.09	NA
chr2	224701962	224702790	AP1S3	ENSG00000152056	-175	0.24	0.4	0.0067	-0.16	NA
chr2	153573743	153575553	PRPF40A	ENSG00000196504	-761	0.2	0.14	0.0069	0.06	NA
chr2	107082328	107084936	RGPD3	ENSG00000153165	-1083	0.94	0.98	0.0072	-0.04	NA
chr2	237994004	237994876	AC105760.2	ENSG00000227252	20	0.27	0.46	0.0073	-0.19	NA
chr2	25142472	25143689	ADCY3	ENSG00000138031	-372	0.18	0.25	0.0076	-0.072	NA
chr2	152145869	152146319	NMI	ENSG00000123609	283	0.22	0.34	0.0077	-0.13	NA
chr2	239755096	239758310	TWIST2	ENSG00000233608	30	0.34	0.28	0.0079	0.055	NA

chr2	112812827	112813614	TMEM87B	ENSG00000153214	-77	0.32	0.19	0.008	0.13	NA
chr2	219536410	219536813	RNF25	ENSG00000163481	79	0.37	0.72	0.008	-0.35	NA
chr2	172016538	172017028	TLK1	ENSG00000198586	222	0.3	0.13	0.0082	0.17	NA
chr2	242498013	242499274	BOK	ENSG00000176720	507	0.18	0.25	0.0088	-0.071	NA
chr2	9346383	9347944	ASAP2	ENSG00000151693	269	0.15	0.21	0.0097	-0.063	NA
chr2	17721537	17722021	VSNL1	ENSG00000163032	-141	0.25	0.13	0.01	0.12	NA
chr2	70994447	70995385	ADD2	ENSG00000075340	-315	0.22	0.14	0.01	0.078	NA
chr2	24163185	24163878	UBXN2A	ENSG00000173960	242	0.3	0.18	0.011	0.12	NA
chr2	37551350	37552546	PRKD3	ENSG00000115825	-435	0.29	0.2	0.011	0.088	NA
chr2	38603569	38604510	ATL2	ENSG00000119787	-303	0.23	0.15	0.011	0.08	NA
chr2	71114733	71115474	AC007040.5	ENSG00000237751	102	0.33	0.21	0.011	0.12	NA
chr2	85132338	85133083	TMSB10	ENSG00000034510	-39	0.32	0.17	0.011	0.14	NA
chr2	232260100	232261134	B3GNT7	ENSG00000156966	363	0.44	0.32	0.011	0.11	NA
chr2	232378948	232379666	C2orf52	ENSG00000181798	-257	0.13	0.57	0.011	-0.44	NA
chr2	10952402	10953384	PDIA6	ENSG00000143870	-13	0.28	0.2	0.012	0.08	NA
chr2	27631884	27632822	PPM1G	ENSG00000115241	-64	0.21	0.13	0.012	0.08	NA
chr2	27805754	27806078	ZNF512	ENSG00000243943	19	0.13	0.23	0.012	-0.1	NA
chr2	43019665	43020509	HAAO	ENSG00000162882	-416	0.43	0.32	0.012	0.11	NA
chr2	74781494	74782685	DOK1	ENSG00000115325	231	0.36	0.25	0.012	0.11	NA
chr2	97523356	97524186	ANKRD23	ENSG00000163126	-100	0.28	0.17	0.012	0.11	NA
chr2	9770189	9771562	YWHAQ	ENSG00000134308	-478	0.17	0.25	0.013	-0.081	NA
chr2	47142466	47143261	MCFD2	ENSG00000180398	56	0.19	0.29	0.013	-0.096	NA
chr2	55646621	55647329	CCDC88A	ENSG00000115355	-226	0.28	0.16	0.014	0.13	NA
chr2	62422191	62424458	B3GNT2	ENSG00000170340	76	0.43	0.37	0.014	0.062	NA
chr2	132795199	132796196	AC093787.1	ENSG00000226886	-131	0.7	0.51	0.014	0.18	NA
chr2	178483233	178483783	TTC30A	ENSG00000197557	-61	0.2	0.1	0.014	0.11	NA
chr2	200715388	200716067	AC073043.2	ENSG00000226124	-131	0.26	0.47	0.014	-0.21	NA
chr2	27886259	27887410	SLC4A1AP	ENSG00000163798	496	0.31	0.23	0.015	0.086	NA
chr2	68870351	68871055	PROKR1	ENSG00000169618	-18	0.28	0.2	0.015	0.084	NA
chr2	203735925	203736883	ICA1L	ENSG00000163596	-435	0.22	0.31	0.015	-0.088	NA

chr2	228189836	228190501	MFF	ENSG00000168958	301	0.28	0.18	0.015	0.1	NA
chr2	43327936	43328337	AC093609.1	ENSG00000230587	1693	0.21	0.33	0.016	-0.12	NA
chr2	99552185	99553831	C2orf55	ENSG00000196872	-371	0.26	0.21	0.016	0.054	NA
chr2	113299403	113300284	POLR1B	ENSG00000125630	351	0.3	0.2	0.016	0.1	NA
chr2	119602616	119604486	EN1	ENSG00000163064	-1623	0.33	0.26	0.016	0.069	NA
chr2	220143879	220144633	DNAJB2	ENSG00000135924	267	0.26	0.15	0.016	0.11	NA
chr2	223183013	223185468	AC010980.2	ENSG00000237732	-1153	0.25	0.19	0.016	0.061	NA
chr2	223288922	223290013	SGPP2	ENSG00000163082	231	0.39	0.3	0.016	0.091	NA
chr2	231577309	231578504	CAB39	ENSG00000135932	346	0.3	0.2	0.016	0.11	NA
chr2	54950394	54952488	EML6	ENSG00000214595	805	0.25	0.2	0.017	0.057	NA
chr2	142887724	142888553	LRP1B	ENSG00000168702	436	0.33	0.18	0.017	0.15	NA
chr2	175190866	175192123	AC018470.4	ENSG00000231453	739	0.37	0.18	0.017	0.19	NA
chr2	180128618	180129663	SESTD1	ENSG00000187231	-210	0.2	0.14	0.017	0.058	NA
chr2	242843760	242844198	AC131097.4	ENSG00000216921	723	0.81	0.93	0.017	-0.12	NA
chr2	29117366	29118025	WDR43	ENSG00000163811	186	0.15	0.23	0.018	-0.074	NA
chr2	65283030	65284169	CEP68	ENSG00000011523	99	0.14	0.22	0.018	-0.079	NA
chr2	72371121	72375004	CYP26B1	ENSG00000003137	-1518	0.24	0.19	0.018	0.052	NA
chr2	242575706	242577492	ATG4B	ENSG00000168397	-29	0.17	0.22	0.019	-0.053	NA
chr2	222436034	222438941	EPHA4	ENSG00000116106	-484	0.26	0.2	0.02	0.055	NA
chr2	162101439	162101650	AC009299.3	ENSG00000227403	278	0.96	0.87	0.021	0.084	NA
chr2	11483959	11485553	ROCK2	ENSG00000134318	-489	0.17	0.22	0.022	-0.051	NA
chr2	176032385	176033275	MIR933	ENSG00000215973	-393	0.42	0.21	0.022	0.21	NA
chr2	96930859	96932291	TMEM127	ENSG00000135956	157	0.24	0.18	0.023	0.057	NA
chr2	176993479	176995557	HOXD8	ENSG00000175879	96	0.25	0.18	0.023	0.067	NA
chr2	60776596	60778157	BCL11A	ENSG00000119866	673	0.22	0.15	0.024	0.072	NA
chr2	152117883	152118479	RBM43	ENSG00000184898	111	0.38	0.18	0.024	0.21	NA
chr2	190526058	190526419	ASNSD1	ENSG00000138381	92	0.27	0.5	0.024	-0.23	NA
chr2	232645313	232646505	PDE6D	ENSG00000156973	64	0.21	0.13	0.024	0.076	NA
chr2	236578080	236580153	AGAP1	ENSG00000157985	868	0.24	0.19	0.024	0.053	NA
chr2	243030300	243031562	AC093642.5	ENSG00000220804	147	0.26	0.18	0.025	0.076	NA

chr2	62080892	62081363	FAM161A	ENSG00000170264	36	0.17	0.32	0.026	-0.15	NA
chr2	71453588	71454318	PAIP2B	ENSG00000124374	260	0.18	0.43	0.026	-0.24	NA
chr2	97202313	97203787	ARID5A	ENSG00000196843	570	0.23	0.16	0.026	0.071	NA
chr2	101033606	101034296	CHST10	ENSG00000115526	-302	0.26	0.14	0.026	0.12	NA
chr2	114341301	114342298	WASH2P	ENSG00000146556	135	0.26	0.14	0.026	0.12	NA
chr2	127976389	127977667	CYP27C1	ENSG00000186684	626	0.24	0.18	0.026	0.068	NA
chr2	242088415	242090330	PASK	ENSG00000115687	-522	0.23	0.18	0.026	0.055	NA
chr2	102003277	102004187	CREG2	ENSG00000175874	-130	0.29	0.2	0.027	0.085	NA
chr2	109065509	109065954	GCC2	ENSG00000135968	84	0.22	0.14	0.027	0.083	NA
chr2	109150330	109151301	AC012487.2	ENSG00000214184	-177	0.31	0.23	0.027	0.084	NA
chr2	176949511	176949795	EVX2	ENSG00000174279	-1012	0.29	1	0.027	-0.71	NA
chr2	71126720	71129209	VAX2	ENSG00000116035	244	0.22	0.17	0.028	0.051	NA
chr2	74645467	74645750	HMGA1P8	ENSG00000233155	-39	0.83	0.96	0.028	-0.12	NA
chr2	170683860	170684629	UBR3	ENSG00000144357	276	0.24	0.15	0.028	0.088	NA
chr2	110872945	110873587	MALL	ENSG00000144063	132	0.16	0.23	0.029	-0.072	NA
chr2	80531367	80531719	LRRTM1	ENSG00000162951	-144	0.27	0.15	0.03	0.12	NA
chr2	120124241	120125287	C2orf76	ENSG00000186132	-506	0.22	0.29	0.03	-0.072	NA
chr2	187454399	187455349	ITGAV	ENSG00000138448	84	0.3	0.18	0.03	0.12	NA
chr2	64751141	64752083	AFTPH	ENSG00000119844	147	0.15	0.22	0.031	-0.067	NA
chr2	192109828	192110940	MYO1B	ENSG00000128641	473	0.28	0.18	0.031	0.096	NA
chr2	207139336	207140031	ZDBF2	ENSG00000204186	296	0.27	0.16	0.031	0.11	NA
chr2	119914126	119916663	C1QL2	ENSG00000144119	1071	0.26	0.21	0.032	0.051	NA
chr2	136874086	136875780	CXCR4	ENSG00000121966	374	0.32	0.45	0.032	-0.13	NA
chr2	149895022	149895808	LYPD6B	ENSG00000150556	183	0.28	0.17	0.032	0.1	NA
chr2	65657768	65659986	SPRED2	ENSG00000198369	434	0.23	0.18	0.033	0.054	NA
chr2	175351364	175352154	GPR155	ENSG00000163328	-31	0.27	0.16	0.034	0.11	NA
chr2	219827659	219828205	AC097468.7	ENSG00000235024	-1307	0.44	0.27	0.034	0.17	NA
chr2	39347251	39348361	SOS1	ENSG00000115904	-215	0.17	0.22	0.035	-0.053	NA
chr2	183580693	183581202	DNAJC10	ENSG00000077232	-52	0.26	0.12	0.035	0.14	NA
chr2	27346380	27346766	ABHD1	ENSG00000143994	-109	0.17	0.08	0.038	0.09	NA

chr2	97173851	97174485	NEURL3	ENSG00000163121	-322	0.22	0.34	0.038	-0.12	NA
chr2	241905704	241905911	AC104809.3	ENSG00000226321	-1042	0.92	0.78	0.038	0.14	NA
chr2	105946164	105946773	TGFBRAP1	ENSG00000135966	23	0.18	0.34	0.039	-0.16	NA
chr2	239067512	239068028	FAM132B	ENSG00000178752	147	0.24	0.18	0.039	0.063	NA
chr2	61108125	61109016	AC010733.4	ENSG00000228414	-121	0.21	0.15	0.04	0.057	NA
chr2	134023947	134024467	AC010890.1	ENSG00000226953	440	0.2	0.1	0.04	0.097	NA
chr2	61404048	61405361	AHSA2	ENSG00000173209	151	0.29	0.23	0.041	0.06	NA
chr2	216176549	216177132	ATIC	ENSG00000138363	161	0.25	0.14	0.041	0.11	NA
chr2	219924819	219926130	IHH	ENSG00000163501	-285	0.24	0.18	0.041	0.058	NA
chr2	179058611	179060144	OSBPL6	ENSG00000079156	169	0.17	0.21	0.045	-0.048	NA
chr2	182521221	182521927	CERKL	ENSG00000188452	159	0.18	0.25	0.045	-0.068	NA
chr2	74641733	74643350	C2orf81	ENSG00000159239	1169	0.43	0.37	0.046	0.067	NA
chr2	165477562	165478342	GRB14	ENSG00000115290	-50	0.27	0.17	0.046	0.099	NA
chr2	153031933	153032895	STAM2	ENSG00000115145	-171	0.24	0.19	0.047	0.058	NA
chr2	38977535	38978684	SRSF7	ENSG00000115875	171	0.24	0.36	0.048	-0.12	NA
chr2	95872891	95873548	AC092835.2	ENSG00000233757	-64	0.22	0.3	0.048	-0.08	NA
chr2	223520516	223520893	FARSB	ENSG00000116120	66	0.36	0.21	0.048	0.15	NA
chr2	3605489	3606332	RNASEH1	ENSG00000171865	-31	0.2	0.28	0.05	-0.076	NA
chr2	198569911	198570948	MARS2	ENSG00000247626	342	0.41	0.3	0.05	0.11	NA
chr2	240964645	240965271	NDUFA10	ENSG00000130414	-235	0.22	0.15	0.05	0.073	NA
chr2	118943823	118944199	AC093901.1	ENSG00000226856	-62	0.27	0.18	0.051	0.092	NA
chr2	135475698	135476993	TMEM163	ENSG00000152128	225	0.21	0.16	0.051	0.049	NA
chr2	5831187	5831413	AC108025.2	ENSG00000230090	-50	0.21	0.13	0.052	0.079	NA
chr2	112895792	112897841	FBLN7	ENSG00000144152	854	0.4	0.12	0.052	0.28	NA
chr2	177001221	177001783	HOXD3	ENSG00000128652	162	0.24	0.16	0.052	0.077	NA
chr2	75147005	75147336	AC104135.3	ENSG00000204792	1895	0.39	0.28	0.053	0.12	NA
chr2	113914681	113915396	PSD4	ENSG00000125637	136	0.22	0.14	0.053	0.072	NA
chr2	128848663	128849210	UGGT1	ENSG00000136731	162	0.27	0.17	0.053	0.11	NA
chr2	230578062	230579981	DNER	ENSG00000187957	253	0.25	0.19	0.053	0.053	NA
chr2	68479061	68480040	PPP3R1	ENSG00000221823	113	0.26	0.2	0.054	0.058	NA

chr2	89064493	89065513	ANKRD36BP2	ENSG00000230006	-321	0.2	0.26	0.054	-0.063	NA
chr2	211035478	211036637	C2orf67	ENSG00000144445	-6	0.26	0.16	0.054	0.099	NA
chr2	74734322	74735273	PCGF1	ENSG00000115289	-276	0.22	0.15	0.057	0.076	NA
chr2	113403001	113404079	AC079922.3	ENSG00000237753	-273	0.2	0.27	0.057	-0.065	NA
chr2	26785881	26786101	C2orf70	ENSG00000173557	88	0.25	0.45	0.058	-0.2	NA
chr2	200333687	200334172	AC017096.1	ENSG00000225953	320	0.22	0.33	0.058	-0.11	NA
chr2	31360321	31361821	GALNT14	ENSG00000158089	-184	0.27	0.21	0.059	0.06	NA
chr2	101869023	101869876	C2orf29	ENSG00000158435	185	0.27	0.19	0.059	0.08	NA
chr2	27274165	27274953	AGBL5	ENSG00000084693	45	0.23	0.16	0.06	0.073	NA
chr2	86564242	86565068	REEP1	ENSG00000068615	-63	0.15	0.21	0.06	-0.068	NA
chr2	178257227	178257892	AGPS	ENSG00000018510	187	0.23	0.16	0.06	0.071	NA
chr2	225906653	225907464	DOCK10	ENSG00000135905	43	0.23	0.17	0.061	0.055	NA
chr2	65454553	65455444	ACTR2	ENSG00000138071	111	0.21	0.16	0.062	0.056	NA
chr2	128145117	128145897	MAP3K2	ENSG00000169967	1	0.2	0.16	0.062	0.046	NA
chr2	120980332	120981451	TMEM185B	ENSG00000226479	-339	0.21	0.15	0.063	0.065	NA
chr2	131850472	131851362	FAM168B	ENSG00000152102	75	0.2	0.14	0.063	0.062	NA
chr2	162164675	162165248	PSMD14	ENSG00000115233	-11	0.16	0.24	0.063	-0.081	NA
chr2	74153853	74154281	DGUOK	ENSG00000114956	114	0.4	0.21	0.064	0.19	NA
chr2	86332659	86333650	POLR1A	ENSG00000068654	-158	0.31	1	0.064	-0.69	NA
chr2	239228874	239229436	TRAF3IP1	ENSG00000204104	73	0.22	0.37	0.065	-0.15	NA
chr2	62115445	62115990	CCT4	ENSG00000115484	-124	0.18	0.29	0.066	-0.1	NA
chr2	197504191	197504558	CCDC150	ENSG00000144395	96	0.26	0.15	0.066	0.11	NA
chr2	24713710	24715168	NCOA1	ENSG00000084676	-344	0.24	0.19	0.067	0.047	NA
chr2	102313549	102314478	MAP4K4	ENSG00000071054	-193	0.27	0.21	0.067	0.06	NA
chr2	173292099	173293183	ITGA6	ENSG00000091409	495	0.21	0.27	0.067	-0.058	NA
chr2	190648566	190649484	PMS1	ENSG00000064933	214	0.3	0.22	0.067	0.08	NA
chr2	37193131	37194287	STRN	ENSG00000115808	-103	0.19	0.15	0.068	0.044	NA
chr2	97651764	97652441	FAM178B	ENSG00000168754	199	0.96	0.99	0.069	-0.031	NA
chr2	132218392	132218725	RHOQP2	ENSG00000232742	25	0.11	0.2	0.069	-0.085	NA
chr2	25895902	25896856	DTNB	ENSG00000138101	-96	0.21	0.15	0.07	0.056	NA

chr2	98280063	98280871	ACTR1B	ENSG00000115073	-88	0.24	0.19	0.07	0.054	NA
chr2	202507139	202508270	ALS2CR4	ENSG00000155755	-328	0.28	0.18	0.07	0.11	NA
chr2	219432767	219434061	USP37	ENSG00000135913	-400	0.19	0.15	0.07	0.044	NA
chr2	85822404	85822983	RNF181	ENSG00000168894	-155	0.19	0.29	0.071	-0.1	NA
chr2	198363689	198365405	HSPD1	ENSG00000144381	-6	0.25	0.33	0.071	-0.085	NA
chr2	241401561	241401986	GPC1	ENSG00000063660	-1041	0.89	0.95	0.071	-0.066	NA
chr2	95522598	95524188	ANKRD20A8P	ENSG00000229089	-475	0.32	0.27	0.072	0.056	NA
chr2	240029674	240029964	HDAC4	ENSG00000068024	-70	0.87	0.97	0.072	-0.1	NA
chr2	240321777	240323919	HDAC4	ENSG00000068024	-205	0.22	0.18	0.072	0.037	NA
chr2	234652246	234652720	DNAJB3	ENSG00000227802	79	0.86	1	0.074	-0.14	NA
chr2	31805293	31806403	SRD5A2	ENSG00000049319	121	0.27	0.36	0.075	-0.087	NA
chr2	75937657	75938139	C2orf3	ENSG00000005436	-166	0.25	0.54	0.075	-0.29	NA
chr2	74881359	74882019	SEMA4F	ENSG00000135622	310	0.17	0.13	0.076	0.048	NA
chr2	62732758	62733497	TMEM17	ENSG00000186889	349	0.23	0.33	0.077	-0.1	NA
chr2	208030852	208031477	KLF7	ENSG00000118263	-254	0.26	0.16	0.077	0.096	NA
chr2	214016357	214017105	IKZF2	ENSG00000030419	-404	0.28	0.18	0.077	0.099	NA
chr2	233245999	233246448	AC068134.8	ENSG00000224516	161	0.52	0.34	0.077	0.18	NA
chr2	242004823	242005102	AC005237.4	ENSG00000225521	-1429	0.61	0.86	0.077	-0.24	NA
chr2	287353	290099	FAM150B	ENSG00000189292	-1039	0.24	0.2	0.079	0.041	NA
chr2	20550013	20551063	PUM2	ENSG00000055917	-476	0.17	0.22	0.081	-0.059	NA
chr2	10219802	10221016	CYS1	ENSG00000205795	129	0.18	0.22	0.082	-0.042	NA
chr2	216973805	216974264	XRCC5	ENSG00000079246	14	0.26	0.18	0.082	0.076	NA
chr2	219923669	219923911	IHH	ENSG00000163501	1399	0.28	0.12	0.082	0.16	NA
chr2	25474757	25475598	DNMT3A	ENSG00000119772	-225	0.3	0.4	0.083	-0.11	NA
chr2	217236025	217237129	4-Mar	ENSG00000144583	173	0.22	0.15	0.083	0.069	NA
chr2	71192094	71192495	AC007040.1	ENSG00000241159	-407	0.14	0.2	0.084	-0.054	NA
chr2	172949242	172950126	DLX1	ENSG00000144355	216	0.21	0.31	0.084	-0.1	NA
chr2	210867172	210867705	RPE	ENSG00000197713	149	0.23	0.13	0.084	0.1	NA
chr2	64681011	64682237	AC008074.1	ENSG00000119862	521	0.32	0.25	0.085	0.075	NA
chr2	45838292	45838582	SRBD1	ENSG00000068784	-17	0.2	0.31	0.087	-0.11	NA

chr2	241512464	241512671	RNPEPL1	ENSG00000142327	-720	0.88	0.96	0.087	-0.082	NA
chr2	176957054	176958279	HOXD13	ENSG00000128714	47	0.22	0.17	0.088	0.055	NA
chr2	239335160	239336263	ASB1	ENSG00000065802	328	0.25	0.19	0.088	0.061	NA
chr2	3622654	3623704	RPS7	ENSG00000171863	384	0.2	0.27	0.089	-0.074	NA
chr2	98262362	98262924	COX5B	ENSG00000135940	140	0.22	0.3	0.089	-0.078	NA
chr2	130986131	130987183	AC018804.7	ENSG00000213225	-292	0.64	0.69	0.09	-0.05	NA
chr2	218621279	218621498	DIRC3	ENSG00000231672	-72	0.22	0.41	0.09	-0.18	NA
chr2	230785912	230787665	TRIP12	ENSG00000153827	-714	0.23	0.19	0.092	0.037	NA
chr2	10442308	10444509	HPCAL1	ENSG00000115756	393	0.24	0.2	0.094	0.039	NA
chr2	103353138	103353414	MFSD9	ENSG00000135953	22	0.36	0.21	0.094	0.15	NA
chr2	114299035	114300177	AL078621.5	ENSG00000225398	92	0.23	0.18	0.094	0.045	NA
chr2	242754323	242754629	NEU4	ENSG00000204099	-738	0.9	0.8	0.094	0.092	NA
chr2	25015879	25016627	PTRHD1	ENSG00000184924	-331	0.25	0.18	0.095	0.068	NA
chr2	114513712	114514621	SLC35F5	ENSG00000115084	-2	0.18	0.27	0.095	-0.086	NA
chr2	118593639	118594234	AC009404.2	ENSG00000236255	10	0.2	0.28	0.095	-0.083	NA
chr2	122042066	122043093	TFCP2L1	ENSG00000115112	204	0.25	0.33	0.096	-0.084	NA
chr2	238707008	238708021	RBM44	ENSG00000177483	482	0.77	0.83	0.096	-0.058	NA
chr2	122494108	122494494	MKI67IP	ENSG00000155438	147	0.25	0.14	0.098	0.11	NA
chr2	46925898	46926969	SOCS5	ENSG00000171150	342	0.19	0.15	0.099	0.046	NA
chr2	131186145	131186496	AC140481.1	ENSG00000178162	-571	0.57	0.2	0.099	0.37	NA
chr2	233562005	233562547	GIGYF2	ENSG00000204120	267	0.23	0.15	0.099	0.077	NA
chr2	26396102	26397204	FAM59B	ENSG00000157833	693	0.22	0.28	0.1	-0.052	NA
chr2	66662042	66662338	MEIS1	ENSG00000143995	-111	0.16	0.31	0.1	-0.15	NA
chr2	74618753	74619291	DCTN1	ENSG00000204843	-115	0.33	0.21	0.1	0.12	NA
chr2	97778469	97779540	ANKRD36	ENSG00000135976	-229	0.55	0.23	0.1	0.31	NA
chr2	99952488	99954400	TXNDC9	ENSG00000115514	-671	0.25	0.2	0.1	0.045	NA
chr2	102972118	102972596	IL18R1	ENSG00000115604	-32	0.27	0.19	0.1	0.081	NA
chr2	132057741	132058096	AC131180.3	ENSG00000236516	99	0.95	0.62	0.1	0.32	NA
chr2	154334449	154335458	RPRM	ENSG00000177519	369	0.18	0.24	0.1	-0.054	NA
chr2	217497811	217498847	IGFBP2	ENSG00000115457	211	0.23	0.18	0.1	0.044	NA

chr2	224903221	224904735	SERPINE2	ENSG00000135919	-457	0.23	0.18	0.1	0.044	NA
chr2	23749086	23749291	AC011239.1	ENSG00000224361	-1974	1	0.78	0.11	0.22	NA
chr2	24307026	24307678	TP53I3	ENSG00000115129	-171	0.24	0.18	0.11	0.062	NA
chr2	71680558	71681276	DYSF	ENSG00000135636	65	0.24	0.33	0.11	-0.085	NA
chr2	85838739	85839285	C2orf68	ENSG00000168887	-148	0.25	0.17	0.11	0.085	NA
chr2	86667815	86669447	KDM3A	ENSG00000115548	707	0.22	0.18	0.11	0.049	NA
chr2	106959115	106959526	AC114755.3	ENSG00000227513	-1702	0.53	0.64	0.11	-0.12	NA
chr2	113521918	113522574	CKAP2L	ENSG00000169607	-52	0.26	0.19	0.11	0.068	NA
chr2	144694666	144695180	AC016910.1	ENSG00000232377	283	0.2	0.14	0.11	0.055	NA
chr2	190539026	190539533	ANKAR	ENSG00000151687	-54	0.23	0.32	0.11	-0.096	NA
chr2	201981062	201981689	CFLAR	ENSG00000003402	245	0.27	0.2	0.11	0.063	NA
chr2	216877899	216878352	MREG	ENSG00000118242	119	0.24	0.13	0.11	0.11	NA
chr2	219857682	219858917	CRYBA2	ENSG00000163499	-399	0.28	0.22	0.11	0.063	NA
chr2	3381344	3381912	TSSC1	ENSG00000032389	-76	0.23	0.14	0.12	0.097	NA
chr2	11886249	11887207	LPIN1	ENSG00000134324	14	0.25	0.18	0.12	0.065	NA
chr2	21022564	21022934	C2orf43	ENSG00000118961	81	0.16	0.24	0.12	-0.085	NA
chr2	25391072	25391875	POMC	ENSG00000115138	-33	0.15	0.22	0.12	-0.072	NA
chr2	28789559	28789933	PLB1	ENSG00000163803	436	0.2	0.32	0.12	-0.12	NA
chr2	33824310	33824857	FAM98A	ENSG00000119812	-239	0.14	0.2	0.12	-0.055	NA
chr2	69968749	69969592	ANXA4	ENSG00000196975	64	0.23	0.29	0.12	-0.06	NA
chr2	110962400	110962631	NPHP1	ENSG00000144061	23	0.71	0.4	0.12	0.31	NA
chr2	122287620	122288332	CLASP1	ENSG00000074054	345	0.21	0.15	0.12	0.063	NA
chr2	173940414	173941271	AC013461.1	ENSG00000091436	400	0.24	0.18	0.12	0.051	NA
chr2	176982107	176982402	HOXD10	ENSG00000128710	947	0.62	0.12	0.12	0.5	NA
chr2	219744986	219745780	WNT10A	ENSG00000135925	298	0.3	0.19	0.12	0.1	NA
chr2	228736230	228736544	WDR69	ENSG00000123977	64	0.25	0.17	0.12	0.077	NA
chr2	14772377	14775809	FAM84A	ENSG00000162981	1283	0.22	0.19	0.13	0.035	NA
chr2	73297630	73299155	SFXN5	ENSG00000144040	-696	0.18	0.22	0.13	-0.041	NA
chr2	96190971	96191377	AC009237.8	ENSG00000213283	81	0.98	0.94	0.13	0.044	NA
chr2	130737205	130737718	RAB6C	ENSG00000222014	226	0.29	0.19	0.13	0.095	NA

chr2	136633363	136634229	MCM6	ENSG00000076003	200	0.21	0.16	0.13	0.044	NA
chr2	153191492	153192974	FMNL2	ENSG00000157827	482	0.26	0.32	0.13	-0.06	NA
chr2	157189057	157191437	NR4A2	ENSG00000153234	-1023	0.29	0.23	0.13	0.061	NA
chr2	168572549	168572834	CTAGE14P	ENSG00000214211	-116	0.98	0.94	0.13	0.044	NA
chr2	169102950	169104454	STK39	ENSG00000198648	949	0.21	0.17	0.13	0.041	NA
chr2	197664212	197664572	GTF3C3	ENSG00000119041	-153	0.32	0.16	0.13	0.15	NA
chr2	203499508	203500697	FAM117B	ENSG00000138439	201	0.23	0.16	0.13	0.069	NA
chr2	223725558	223726423	ACSL3	ENSG00000123983	338	0.28	0.21	0.13	0.07	NA
chr2	242041543	242042026	MTERFD2	ENSG00000122085	-177	0.23	0.17	0.13	0.059	NA
chr2	52798403	52800057	AC139712.2	ENSG00000204993	1444	0.97	0.95	0.14	0.022	NA
chr2	55276555	55278044	RTN4	ENSG00000115310	-523	0.24	0.19	0.14	0.05	NA
chr2	55496073	55496565	MTIF2	ENSG00000085760	-145	0.25	0.16	0.14	0.092	NA
chr2	109402907	109403566	CCDC138	ENSG00000163006	23	0.19	0.14	0.14	0.05	NA
chr2	120189022	120189765	TMEM37	ENSG00000171227	-52	0.2	0.25	0.14	-0.051	NA
chr2	133013777	133015740	MIR663B	ENSG00000221288	-105	0.45	0.43	0.14	0.022	NA
chr2	169746719	169747005	SPC25	ENSG00000152253	93	0.14	0.4	0.14	-0.26	NA
chr2	171670110	171670549	GAD1	ENSG00000128683	606	0.49	0.33	0.14	0.16	NA
chr2	220117937	220119334	TUBA4B	ENSG00000243910	670	0.28	0.22	0.14	0.057	NA
chr2	220173021	220173271	PTPRN	ENSG00000054356	-84	0.2	1	0.14	-0.8	NA
chr2	24300060	24300294	AC008073.1	ENSG00000219626	379	0.27	0.12	0.15	0.14	NA
chr2	87302522	87304571	AC125232.1	ENSG00000231259	-10	0.23	0.17	0.15	0.054	NA
chr2	127863642	127865288	BIN1	ENSG00000136717	112	0.21	0.18	0.15	0.038	NA
chr2	148778222	148778530	ORC4	ENSG00000115947	-84	0.28	1	0.15	-0.72	NA
chr2	149632682	149633882	KIF5C	ENSG00000168280	463	0.3	0.25	0.15	0.056	NA
chr2	191272484	191273671	MFSD6	ENSG00000151690	-4	0.21	0.17	0.15	0.042	NA
chr2	203638927	203639157	AC098831.4	ENSG00000240761	41	0.99	0.92	0.15	0.066	NA
chr2	1842846	1843137	MYT1L	ENSG00000186487	1560	0.93	1	0.16	-0.069	NA
chr2	8818292	8818503	AC011747.7	ENSG00000235092	67	0.31	0.8	0.16	-0.49	NA
chr2	26467102	26467946	HADHA	ENSG00000084754	-49	0.22	0.17	0.16	0.052	NA
chr2	64836206	64836765	AC007365.1	ENSG00000233694	1990	0.23	0.18	0.16	0.057	NA

chr2	85843208	85843677	USP39	ENSG00000168883	227	0.25	0.17	0.16	0.081	NA
chr2	87140786	87141107	RGPD1	ENSG00000187627	11	0.94	0.98	0.16	-0.04	NA
chr2	88751335	88752865	FOXI3	ENSG00000214336	-47	0.3	0.23	0.16	0.072	NA
chr2	131513363	131514183	AC140481.8	ENSG00000229797	-365	0.16	0.21	0.16	-0.056	NA
chr2	176949993	176950336	EVX2	ENSG00000174279	-1523	0.23	0.14	0.16	0.083	NA
chr2	200820053	200820716	TYW5	ENSG00000162971	-161	0.25	0.32	0.16	-0.069	NA
chr2	219523901	219524577	BCS1L	ENSG00000074582	140	0.22	0.17	0.16	0.05	NA
chr2	220024750	220025510	NHEJ1	ENSG00000187736	147	0.2	0.14	0.16	0.055	NA
chr2	242799488	242799696	PDCD1	ENSG00000188389	1425	0.94	1	0.16	-0.062	NA
chr2	10260279	10260931	RRM2	ENSG00000171848	-1850	0.22	0.16	0.17	0.058	NA
chr2	15701139	15701517	NBAS	ENSG00000151779	126	0.2	0.32	0.17	-0.12	NA
chr2	103235376	103236554	SLC9A2	ENSG00000115616	-201	0.21	0.16	0.17	0.047	NA
chr2	105953744	105954249	C2orf49	ENSG00000135974	180	0.23	0.34	0.17	-0.11	NA
chr2	111435318	111435884	BUB1	ENSG00000169679	4	0.4	0.3	0.17	0.098	NA
chr2	183902402	183903625	NCKAP1	ENSG00000061676	187	0.26	0.21	0.17	0.046	NA
chr2	191878608	191879253	STAT1	ENSG00000115415	-249	0.39	0.24	0.17	0.15	NA
chr2	201171200	201172492	SPATS2L	ENSG00000196141	599	0.17	0.2	0.17	-0.033	NA
chr2	202315853	202317008	TRAK2	ENSG00000115993	-254	0.2	0.16	0.17	0.041	NA
chr2	213402180	213403867	ERBB4	ENSG00000178568	230	0.27	0.22	0.17	0.043	NA
chr2	233470646	233471077	EFHD1	ENSG00000115468	94	0.23	0.17	0.17	0.053	NA
chr2	9143127	9144630	MBOAT2	ENSG00000143797	-91	0.22	0.19	0.18	0.031	NA
chr2	27592845	27594099	EIF2B4	ENSG00000115211	-592	0.27	0.22	0.18	0.051	NA
chr2	70313200	70315490	AC136007.2	ENSG00000179818	-1115	0.27	0.23	0.18	0.043	NA
chr2	128283578	128284524	IWS1	ENSG00000163166	-35	0.3	0.22	0.18	0.083	NA
chr2	231729631	231730821	ITM2C	ENSG00000135916	563	0.21	0.26	0.18	-0.048	NA
chr2	27579296	27580135	GTF3C2	ENSG00000115207	-356	0.19	0.24	0.19	-0.055	NA
chr2	48009808	48011443	MSH6	ENSG00000116062	404	0.24	0.19	0.19	0.043	NA
chr2	65092220	65092640	AC007880.1	ENSG00000234572	-1670	0.25	0.19	0.19	0.068	NA
chr2	84686005	84686751	SUCLG1	ENSG00000163541	-18	0.18	0.26	0.19	-0.08	NA
chr2	109744585	109746833	SH3RF3	ENSG00000172985	-95	0.27	0.24	0.19	0.031	NA

chr2	119981079	119981818	STEAP3	ENSG00000115107	64	0.4	0.33	0.19	0.061	NA
chr2	240112234	240112435	HDAC4	ENSG00000068024	418	1	0.94	0.19	0.06	NA
chr2	39893121	39893496	TMEM178	ENSG00000152154	193	0.21	0.15	0.2	0.056	NA
chr2	85829266	85830237	TMEM150A	ENSG00000168890	-212	0.24	0.31	0.2	-0.067	NA
chr2	95787089	95787951	MRPS5	ENSG00000144029	24	0.23	0.15	0.2	0.078	NA
chr2	176989337	176989587	HOXD9	ENSG00000128709	1880	0.54	1	0.2	-0.46	NA
chr2	189156416	189157719	GULP1	ENSG00000144366	633	0.17	0.13	0.2	0.037	NA
chr2	207023910	207024981	NDUFS1	ENSG00000023228	-527	0.22	0.18	0.2	0.045	NA
chr2	220222902	220223854	AC053503.2	ENSG000000232789	327	0.28	0.21	0.2	0.074	NA
chr2	239072191	239073109	FAM132B	ENSG00000178752	367	0.21	0.26	0.2	-0.053	NA
chr2	241562469	241562910	GPR35	ENSG00000178623	-1973	0.39	0.22	0.2	0.17	NA
chr2	32502965	32503471	YIPF4	ENSG00000119820	239	0.21	0.16	0.21	0.05	NA
chr2	66661118	66661657	AC092669.5	ENSG000000226819	-785	0.28	0.16	0.21	0.12	NA
chr2	74709164	74710110	CCDC142	ENSG00000135637	32	0.2	0.16	0.21	0.045	NA
chr2	85788411	85788739	GGCX	ENSG00000115486	21	0.15	0.11	0.21	0.041	NA
chr2	101179318	101180081	PDCL3	ENSG00000115539	-21	0.24	0.32	0.21	-0.079	NA
chr2	114647669	114648312	ACTR3	ENSG00000115091	320	0.25	0.16	0.21	0.081	NA
chr2	128568321	128569064	WDR33	ENSG00000136709	-165	0.29	0.18	0.21	0.11	NA
chr2	203239865	203242418	BMPR2	ENSG000000204217	-518	0.2	0.24	0.21	-0.036	NA
chr2	25563309	25563661	DNMT3A	ENSG00000119772	1269	0.21	0.5	0.22	-0.29	NA
chr2	65356735	65357614	RAB1A	ENSG00000138069	46	0.21	0.16	0.22	0.046	NA
chr2	97001429	97001898	NCAPH	ENSG00000121152	138	0.19	0.13	0.22	0.059	NA
chr2	130970933	130971242	RHOQP3	ENSG000000230756	-24	0.37	0.21	0.22	0.15	NA
chr2	149401671	149403498	EPC2	ENSG00000135999	575	0.25	0.29	0.22	-0.042	NA
chr2	224821928	224822575	MRPL44	ENSG00000135900	130	0.28	0.23	0.22	0.053	NA
chr2	242664207	242665154	AC114730.11	ENSG000000235351	428	0.97	0.95	0.22	0.028	NA
chr2	28113060	28113764	RBKS	ENSG00000171174	-195	0.12	0.17	0.23	-0.047	NA
chr2	74648512	74649419	C2orf81	ENSG00000159239	-247	0.27	0.19	0.23	0.083	NA
chr2	88990969	88991587	RPIA	ENSG00000153574	116	0.19	0.24	0.23	-0.043	NA
chr2	96873851	96874824	STARD7	ENSG00000084090	-418	0.22	0.16	0.23	0.059	NA

chr2	122406398	122407824	CLASP1	ENSG00000074054	-59	0.29	0.24	0.23	0.048	NA
chr2	176986424	176988291	HOXD9	ENSG00000128709	269	0.31	0.27	0.23	0.043	NA
chr2	219575448	219576080	TTLL4	ENSG00000135912	196	0.3	0.19	0.23	0.11	NA
chr2	241858187	241858535	AC104809.3	ENSG00000226321	159	0.94	0.98	0.23	-0.036	NA
chr2	676651	677678	TMEM18	ENSG00000151353	-502	0.23	0.28	0.24	-0.049	NA
chr2	86789974	86790642	VPS24	ENSG00000115561	-19	0.2	0.26	0.24	-0.057	NA
chr2	112655491	112655727	MERTK	ENSG00000153208	-447	0.36	0.17	0.24	0.18	NA
chr2	158484858	158485695	ACVR1C	ENSG00000123612	-37	0.24	0.18	0.24	0.06	NA
chr2	163200575	163201025	GCA	ENSG00000115271	202	0.16	0.21	0.24	-0.047	NA
chr2	206949712	206950613	AC007383.3	ENSG00000227946	-84	0.28	0.22	0.24	0.054	NA
chr2	208576001	208577106	CCNYL1	ENSG00000163249	289	0.22	0.18	0.24	0.036	NA
chr2	220093972	220094697	ATG9A	ENSG00000198925	-287	0.26	0.2	0.24	0.057	NA
chr2	242640843	242642456	ING5	ENSG00000168395	199	0.23	0.19	0.24	0.036	NA
chr2	263400	265238	SH3YL1	ENSG00000035115	-336	0.26	0.3	0.25	-0.048	NA
chr2	5832041	5834208	SOX11	ENSG00000176887	325	0.22	0.2	0.25	0.026	NA
chr2	105760109	105761018	AC104655.3	ENSG00000226508	-8	0.3	0.25	0.25	0.058	NA
chr2	106361032	106362218	NCK2	ENSG00000071051	271	0.18	0.21	0.25	-0.027	NA
chr2	118572112	118572627	DDX18	ENSG00000088205	143	0.2	0.15	0.25	0.054	NA
chr2	118845668	118846170	INSIG2	ENSG00000125629	-109	0.22	0.28	0.25	-0.058	NA
chr2	177024501	177025692	HOXD3	ENSG00000128652	-523	0.26	0.34	0.25	-0.082	NA
chr2	201675989	201677306	BZW1	ENSG00000082153	378	0.24	0.2	0.25	0.042	NA
chr2	9983263	9983901	TAF1B	ENSG00000115750	99	0.25	0.19	0.26	0.059	NA
chr2	47796923	47799166	KCNK12	ENSG00000184261	-590	0.19	0.17	0.26	0.021	NA
chr2	81694322	81694681	AC012075.2	ENSG00000235519	-431	0.95	0.98	0.26	-0.034	NA
chr2	96987027	96987888	AC021188.4	ENSG00000230747	12	0.21	0.29	0.26	-0.079	NA
chr2	118770859	118771868	CCDC93	ENSG00000125633	346	0.21	0.17	0.26	0.04	NA
chr2	130938840	130940428	SMPD4	ENSG00000136699	-519	0.18	0.21	0.26	-0.033	NA
chr2	240061326	240061602	HDAC4	ENSG00000068024	1205	0.99	0.96	0.26	0.028	NA
chr2	5836068	5837643	AC010729.1	ENSG00000242540	503	0.21	0.18	0.27	0.03	NA
chr2	10090907	10092456	GRHL1	ENSG00000134317	-111	0.18	0.21	0.27	-0.026	NA

chr2	64880319	64881868	SERTAD2	ENSG00000179833	-46	0.19	0.16	0.27	0.031	NA
chr2	74756223	74757930	HTRA2	ENSG00000115317	572	0.22	0.19	0.27	0.029	NA
chr2	84743463	84743685	DNAH6	ENSG00000115423	-5	0.13	0.5	0.27	-0.37	NA
chr2	92027831	92028422	AC127391.2	ENSG00000214330	-501	0.33	0.4	0.27	-0.07	NA
chr2	128642787	128644407	AMMECR1L	ENSG00000144233	-101	0.23	0.18	0.27	0.046	NA
chr2	128784499	128786247	SAP130	ENSG00000136715	-506	0.2	0.17	0.27	0.025	NA
chr2	177042751	177043444	AC009336.23	ENSG00000224189	-327	0.23	0.31	0.27	-0.084	NA
chr2	216946324	216946734	PECR	ENSG00000115425	-61	0.19	0.28	0.27	-0.094	NA
chr2	242787133	242787414	AC114730.2	ENSG00000235151	741	0.43	0.59	0.27	-0.16	NA
chr2	64370888	64371811	PELI1	ENSG00000197329	147	0.27	0.23	0.28	0.042	NA
chr2	71503547	71504233	ZNF638	ENSG00000075292	199	0.18	0.12	0.28	0.06	NA
chr2	175869574	175870289	CHN1	ENSG00000128656	16	0.22	0.17	0.28	0.047	NA
chr2	232394763	232395337	NMUR1	ENSG00000171596	156	0.22	0.16	0.28	0.055	NA
chr2	3452346	3452582	TTC15	ENSG00000171853	-503	1	0.95	0.29	0.048	NA
chr2	120301702	120302455	AC069154.2	ENSG00000163075	70	0.21	0.25	0.29	-0.043	NA
chr2	157198068	157199346	NR4A2	ENSG00000153234	153	0.21	0.24	0.29	-0.032	NA
chr2	169312417	169313622	LASS6	ENSG00000172292	260	0.21	0.26	0.29	-0.049	NA
chr2	191044979	191045829	C2orf88	ENSG00000187699	196	0.25	0.21	0.29	0.045	NA
chr2	26100513	26101653	ASXL2	ENSG00000143970	252	0.22	0.19	0.3	0.027	NA
chr2	28974212	28975388	PPP1CB	ENSG00000213639	294	0.2	0.23	0.3	-0.029	NA
chr2	45181890	45183111	AC012354.6	ENSG00000225156	697	0.23	0.5	0.3	-0.27	NA
chr2	47630067	47630791	MSH2	ENSG00000095002	321	0.25	0.19	0.3	0.057	NA
chr2	69614119	69614616	GFPT1	ENSG00000198380	13	0.18	0.14	0.3	0.044	NA
chr2	71205563	71206529	ANKRD53	ENSG00000144031	464	0.21	0.28	0.3	-0.072	NA
chr2	121104712	121104935	INHBB	ENSG00000163083	1104	0.17	0.26	0.3	-0.084	NA
chr2	201374435	201374968	SGOL2	ENSG00000163535	-30	0.22	0.17	0.3	0.043	NA
chr2	223167205	223167560	CCDC140	ENSG00000163081	-315	0.39	0.47	0.3	-0.08	NA
chr2	230135708	230136004	PID1	ENSG00000153823	99	0.18	0.23	0.3	-0.051	NA
chr2	61765406	61766091	XPO1	ENSG00000082898	-330	0.19	0.24	0.31	-0.053	NA
chr2	96192055	96193072	AC009237.8	ENSG00000213283	1470	0.22	0.28	0.31	-0.053	NA

chr2	98206120	98207224	ANKRD36B	ENSG00000196912	-488	0.31	0.16	0.31	0.15	NA
chr2	161263871	161264460	RBMS1	ENSG00000153250	235	0.35	0.22	0.31	0.13	NA
chr2	171678546	171680358	GAD1	ENSG00000128683	855	0.25	0.32	0.31	-0.062	NA
chr2	172964762	172967857	DLX2	ENSG00000115844	1319	0.26	0.24	0.31	0.024	NA
chr2	220159438	220159977	MIR153-1	ENSG00000207647	-785	0.29	0.22	0.31	0.068	NA
chr2	232262854	232263544	B3GNT7	ENSG00000156966	1312	0.93	0.96	0.31	-0.026	NA
chr2	232791575	232792016	NPPC	ENSG00000163273	-682	1	0.39	0.31	0.61	NA
chr2	71295160	71296002	NAGK	ENSG00000124357	173	0.18	0.25	0.32	-0.07	NA
chr2	97426335	97426554	CNNM4	ENSG00000158158	-195	0.17	0.3	0.32	-0.13	NA
chr2	152684475	152685131	ARL5A	ENSG00000162980	152	0.3	0.19	0.32	0.11	NA
chr2	154727906	154728271	GALNT13	ENSG00000144278	-338	0.25	0.2	0.32	0.054	NA
chr2	8821990	8822739	AC011747.7	ENSG00000235092	-371	0.23	0.3	0.33	-0.068	NA
chr2	96971125	96971556	SNRNP200	ENSG00000144028	-108	0.24	0.17	0.33	0.074	NA
chr2	101618247	101618658	RPL31	ENSG00000071082	-239	0.32	0.43	0.33	-0.11	NA
chr2	113341684	113342453	CHCHD5	ENSG00000125611	251	0.42	0.31	0.33	0.12	NA
chr2	203102615	203103328	SUMO1	ENSG00000116030	214	0.22	0.32	0.33	-0.1	NA
chr2	220462307	220462944	STK11IP	ENSG00000144589	43	0.24	0.18	0.33	0.055	NA
chr2	233415005	233415811	TIGD1	ENSG00000221944	-182	0.28	0.23	0.33	0.057	NA
chr2	20251040	20251864	LAPTM4A	ENSG00000068697	337	0.19	0.14	0.34	0.043	NA
chr2	102090370	102091130	RFX8	ENSG00000196460	-13	0.2	0.17	0.34	0.033	NA
chr2	128458844	128459937	SFT2D3	ENSG00000173349	793	0.24	0.19	0.34	0.043	NA
chr2	152266271	152267286	RIF1	ENSG00000080345	381	0.26	0.22	0.34	0.034	NA
chr2	183731819	183732093	FRZB	ENSG00000162998	-66	0.25	0.2	0.34	0.055	NA
chr2	197457392	197458522	HECW2	ENSG00000138411	321	0.22	0.18	0.34	0.04	NA
chr2	206546603	206547566	NRP2	ENSG00000118257	370	0.24	0.21	0.34	0.03	NA
chr2	208890181	208890394	PLEKHM3	ENSG00000178385	-65	0.16	0.23	0.34	-0.068	NA
chr2	64245934	64246893	VPS54	ENSG00000143952	-207	0.2	0.23	0.35	-0.032	NA
chr2	101767042	101768259	TBC1D8	ENSG00000204634	65	0.29	0.34	0.35	-0.054	NA
chr2	165697470	165698893	COBLL1	ENSG00000082438	-450	0.24	0.28	0.35	-0.039	NA
chr2	220492105	220492748	SLC4A3	ENSG00000114923	310	0.26	0.2	0.35	0.059	NA

chr2	27341567	27341923	CGREF1	ENSG00000138028	28	0.35	0.25	0.36	0.11	NA
chr2	68384184	68385241	WDR92	ENSG00000243667	-107	0.23	0.19	0.36	0.044	NA
chr2	136742687	136743595	AC093391.2	ENSG00000231890	395	0.23	0.19	0.36	0.045	NA
chr2	160654229	160654631	CD302	ENSG00000241399	323	0.27	0.22	0.36	0.054	NA
chr2	214148957	214149426	SPAG16	ENSG00000144451	78	0.17	0.23	0.36	-0.058	NA
chr2	220041129	220043410	CNPPD1	ENSG00000115649	-649	0.22	0.19	0.36	0.028	NA
chr2	40678477	40678717	SLC8A1	ENSG00000183023	551	0.17	0.5	0.37	-0.33	NA
chr2	79739696	79740243	CTNNA2	ENSG00000066032	-157	0.14	0.67	0.37	-0.52	NA
chr2	85765695	85766983	MAT2A	ENSG00000168906	51	0.22	0.2	0.37	0.028	NA
chr2	208489428	208491030	METTL21A	ENSG00000144401	-522	0.25	0.22	0.37	0.033	NA
chr2	210674028	210674249	SNAI1P1	ENSG00000237194	610	0.92	0.98	0.37	-0.06	NA
chr2	215673995	215675052	BARD1	ENSG00000138376	-139	0.27	0.24	0.37	0.034	NA
chr2	220434859	220436179	OBSL1	ENSG00000124006	-58	0.26	0.22	0.37	0.033	NA
chr2	64978121	64978924	SERTAD2	ENSG00000179833	-1073	0.21	0.26	0.38	-0.044	NA
chr2	73114219	73114920	SPR	ENSG00000116096	80	0.21	0.18	0.38	0.035	NA
chr2	180871627	180871874	CWC22	ENSG00000163510	30	0.25	0.2	0.38	0.05	NA
chr2	191399089	191399742	TMEM194B	ENSG00000189362	-11	0.16	0.19	0.38	-0.026	NA
chr2	217277037	217277557	SMARCAL1	ENSG00000138375	160	0.19	0.11	0.38	0.081	NA
chr2	233765849	233766119	NGEF	ENSG00000066248	166	0.76	0.87	0.38	-0.11	NA
chr2	38829103	38830804	HNRPLL	ENSG00000143889	-185	0.19	0.17	0.39	0.021	NA
chr2	85811340	85811855	VAMP5	ENSG00000168899	66	0.23	0.17	0.39	0.064	NA
chr2	98962873	98964187	AC092675.4	ENSG00000227987	72	0.28	0.25	0.39	0.027	NA
chr2	223917576	223918037	KCNE4	ENSG00000152049	888	0.93	0.83	0.39	0.094	NA
chr2	233283397	233285959	ECEL1P2	ENSG00000204121	-152	0.18	0.16	0.39	0.023	NA
chr2	242254299	242256026	2-Sep	ENSG00000168385	647	0.24	0.2	0.39	0.046	NA
chr2	73339292	73340733	RAB11FIP5	ENSG00000135631	134	0.15	0.18	0.4	-0.03	NA
chr2	75185567	75186177	POLE4	ENSG00000115350	253	0.21	0.16	0.4	0.052	NA
chr2	95831157	95831833	ZNF514	ENSG00000144026	-337	0.3	0.24	0.4	0.06	NA
chr2	136288970	136289715	R3HDM1	ENSG00000048991	317	0.19	0.23	0.4	-0.042	NA
chr2	162930233	162930879	DPP4	ENSG00000197635	-44	0.26	0.3	0.4	-0.048	NA

chr2	239988450	239988710	HDAC4	ENSG00000068024	97	0.91	1	0.4	-0.086	NA
chr2	1846426	1846908	MYT1L	ENSG00000186487	-9	0.95	1	0.41	-0.053	NA
chr2	44222741	44223732	LRPPRC	ENSG00000138095	-121	0.21	0.24	0.41	-0.028	NA
chr2	47402809	47404105	CALM2	ENSG00000143933	135	0.16	0.18	0.41	-0.024	NA
chr2	55920780	55921143	PNPT1	ENSG00000138035	-3	0.15	0.22	0.41	-0.07	NA
chr2	74229477	74229996	TET3	ENSG00000187605	-104	0.27	0.23	0.41	0.04	NA
chr2	80529677	80530846	LRRTM1	ENSG00000162951	1138	0.25	0.28	0.41	-0.03	NA
chr2	85980499	85982198	ATOH8	ENSG00000168874	331	0.27	0.24	0.41	0.02	NA
chr2	159313652	159314813	PKP4	ENSG00000144283	265	0.2	0.16	0.41	0.041	NA
chr2	220196431	220196768	RESP18	ENSG00000182698	-699	0.6	0.33	0.41	0.26	NA
chr2	241992490	241992713	SNED1	ENSG00000162804	1907	0.93	0.88	0.41	0.048	NA
chr2	23913308	23913569	KLHL29	ENSG00000119771	1783	0.95	0.97	0.42	-0.025	NA
chr2	26915603	26916551	KCNK3	ENSG00000171303	458	0.21	0.17	0.43	0.04	NA
chr2	32234653	32236248	MEMO1	ENSG00000162959	-6	0.2	0.23	0.43	-0.023	NA
chr2	70475427	70476151	TIA1	ENSG00000116001	-203	0.27	0.33	0.43	-0.057	NA
chr2	73518364	73520986	EGR4	ENSG00000135625	1154	0.2	0.18	0.43	0.02	NA
chr2	96068303	96068840	FAHD2A	ENSG00000115042	102	0.21	0.16	0.43	0.051	NA
chr2	139537692	139538650	NXPH2	ENSG00000144227	-253	0.23	0.27	0.43	-0.041	NA
chr2	176992950	176993186	HOXD8	ENSG00000175879	-1354	0.73	0.63	0.43	0.095	NA
chr2	242447017	242448558	STK25	ENSG00000115694	-40	0.28	0.25	0.43	0.028	NA
chr2	25264682	25265727	EFR3B	ENSG00000084710	205	0.21	0.25	0.44	-0.031	NA
chr2	42396301	42396933	EML4	ENSG00000143924	127	0.24	0.19	0.44	0.058	NA
chr2	44588954	44589358	PREPL	ENSG00000138078	-155	0.17	0.2	0.44	-0.039	NA
chr2	56410865	56412539	CCDC85A	ENSG00000055813	444	0.18	0.21	0.44	-0.027	NA
chr2	60687822	60688992	BCL11A	ENSG00000119866	-817	0.98	0.97	0.44	0.011	NA
chr2	223168653	223169008	CCDC140	ENSG00000163081	1133	0.55	0.49	0.44	0.064	NA
chr2	232120775	232121067	AC018738.2	ENSG00000237039	111	1	0.95	0.44	0.051	NA
chr2	232571137	232575833	PTMA	ENSG00000187514	1880	0.21	0.2	0.44	0.011	NA
chr2	234762496	234763579	HJURP	ENSG00000123485	83	0.2	0.23	0.44	-0.029	NA
chr2	239111681	239112519	ILKAP	ENSG00000132323	179	0.23	0.2	0.44	0.033	NA

chr2	242874772	242874988	AC131097.3	ENSG00000233806	-1107	0.93	0.98	0.44	-0.048	NA
chr2	18059493	18060920	KCNS3	ENSG00000170745	272	0.17	0.19	0.45	-0.024	NA
chr2	26568408	26569366	GPR113	ENSG00000173567	-217	0.21	0.24	0.45	-0.026	NA
chr2	27070302	27072922	DPYSL5	ENSG00000157851	997	0.25	0.23	0.45	0.016	NA
chr2	86850042	86851178	RNF103-VPS24	ENSG00000249884	-459	0.2	0.18	0.45	0.026	NA
chr2	88316233	88316859	U2	ENSG00000222724	-480	0.21	0.16	0.45	0.05	NA
chr2	148601280	148602859	ACVR2A	ENSG00000121989	-17	0.26	0.34	0.45	-0.074	NA
chr2	234475061	234475626	USP40	ENSG00000085982	13	0.2	0.1	0.45	0.1	NA
chr2	8723855	8724093	AC011747.4	ENSG00000236008	-52	0.62	0.57	0.46	0.054	NA
chr2	25599676	25599895	AC012074.2	ENSG00000235072	-1071	0.25	0.18	0.46	0.069	NA
chr2	91777180	91777968	AC116050.1	ENSG00000233991	38	0.24	0.23	0.46	0.014	NA
chr2	159824854	159826401	TANC1	ENSG00000115183	481	0.25	0.23	0.46	0.023	NA
chr2	168149033	168150797	AC074363.1	ENSG00000228222	234	0.18	0.2	0.46	-0.025	NA
chr2	170655289	170655757	SSB	ENSG00000138385	201	0.14	0.21	0.46	-0.064	NA
chr2	220252008	220252638	DNPEP	ENSG00000123992	-255	0.21	0.17	0.46	0.034	NA
chr2	3383350	3383976	TTC15	ENSG00000171853	217	0.2	0.16	0.47	0.043	NA
chr2	3504282	3504628	ADI1	ENSG00000182551	132	0.94	0.97	0.47	-0.036	NA
chr2	69664291	69664816	NFU1	ENSG00000169599	-26	0.2	0.17	0.47	0.029	NA
chr2	74725039	74727038	LBX2	ENSG00000179528	456	0.2	0.22	0.47	-0.017	NA
chr2	306675	307167	AC079779.5	ENSG00000235779	236	1	0.83	0.48	0.17	NA
chr2	26395416	26395620	FAM59B	ENSG00000157833	-442	0.24	0.16	0.48	0.077	NA
chr2	29033351	29034011	SPDYA	ENSG00000163806	-4	0.23	0.2	0.48	0.037	NA
chr2	73460085	73461867	PRADC1	ENSG00000135617	-620	0.23	0.19	0.48	0.038	NA
chr2	73511157	73512086	FBXO41	ENSG00000163013	-62	0.23	0.2	0.48	0.033	NA
chr2	95537196	95537810	TEKT4	ENSG00000163060	250	0.26	0.31	0.48	-0.055	NA
chr2	162273294	162273725	TBR1	ENSG00000136535	667	0.17	0.2	0.48	-0.034	NA
chr2	178128273	178129847	NFE2L2	ENSG00000116044	-765	0.2	0.22	0.48	-0.018	NA
chr2	223161531	223161919	CCDC140	ENSG00000163081	-1141	0.64	0.43	0.48	0.22	NA
chr2	228582485	228582821	SLC19A3	ENSG00000135917	62	0.2	0.12	0.48	0.084	NA
chr2	26401695	26402099	FAM59B	ENSG00000157833	-1688	0.15	0.19	0.49	-0.04	NA

chr2	105654249	105654771	MRPS9	ENSG00000135972	69	0.25	0.35	0.49	-0.094	NA
chr2	115918737	115920765	AC066593.1	ENSG00000235026	-983	0.21	0.19	0.49	0.023	NA
chr2	173420200	173421443	PDK1	ENSG00000152256	468	0.24	0.21	0.49	0.036	NA
chr2	219187653	219188251	PNKD	ENSG00000127838	56	0.25	0.32	0.49	-0.067	NA
chr2	241529962	241530345	CAPN10	ENSG00000142330	-274	0.91	0.86	0.49	0.049	NA
chr2	946881	947286	SNTG2	ENSG00000172554	458	0.19	0.12	0.5	0.078	NA
chr2	46769471	46769676	ATP6V1E2	ENSG00000250565	123	0.22	0.07	0.5	0.15	NA
chr2	63849884	63850164	AC016734.2	ENSG00000228305	-59	0.99	0.96	0.5	0.021	NA
chr2	71558723	71559525	ZNF638	ENSG00000075292	235	0.19	0.16	0.5	0.031	NA
chr2	73612655	73613661	ALMS1	ENSG00000116127	272	0.24	0.2	0.5	0.036	NA
chr2	75426592	75428030	TACR1	ENSG00000115353	-485	0.26	0.22	0.5	0.041	NA
chr2	91936876	91937290	AC027612.1	ENSG00000232531	-71	0.37	0.35	0.5	0.026	NA
chr2	106809942	106811175	UXS1	ENSG00000115652	197	0.21	0.19	0.5	0.024	NA
chr2	170220772	170221114	LRP2	ENSG00000081479	-1748	0.24	0.32	0.5	-0.081	NA
chr2	200524001	200524204	AC093590.2	ENSG00000213938	-172	0.27	0.14	0.5	0.13	NA
chr2	220416863	220417869	OBSL1	ENSG00000124006	-255	0.2	0.22	0.5	-0.023	NA
chr2	945686	946774	AC116614.1	ENSG00000235688	-270	0.2	0.17	0.51	0.027	NA
chr2	25470765	25470979	DNMT3A	ENSG00000119772	-104	0.9	0.94	0.51	-0.041	NA
chr2	26624603	26625057	CCDC164	ENSG00000157856	46	0.22	0.19	0.51	0.031	NA
chr2	27434432	27435720	SLC5A6	ENSG00000138074	-456	0.22	0.19	0.51	0.024	NA
chr2	220309637	220309893	SPEG	ENSG00000072195	-2	0.79	0.62	0.51	0.16	NA
chr2	3286324	3286530	TSSC1	ENSG00000032389	170	0.22	0.16	0.52	0.061	NA
chr2	44394983	44396629	PPM1B	ENSG00000138032	698	0.18	0.2	0.52	-0.018	NA
chr2	60781019	60782284	BCL11A	ENSG00000119866	-949	0.24	0.2	0.52	0.035	NA
chr2	67624372	67624844	ETAA1	ENSG00000143971	157	0.16	0.19	0.52	-0.026	NA
chr2	74055941	74056320	STAMBP	ENSG00000124356	44	0.35	0.2	0.52	0.15	NA
chr2	132249335	132250975	MZT2A	ENSG00000173272	-611	0.29	0.33	0.52	-0.033	NA
chr2	204192655	204193740	ABI2	ENSG00000138443	255	0.18	0.21	0.52	-0.027	NA
chr2	210288413	210288798	MAP2	ENSG00000078018	-177	0.18	0.24	0.52	-0.06	NA
chr2	38152131	38152885	FAM82A1	ENSG00000115841	46	0.17	0.19	0.53	-0.015	NA

chr2	112917110	112917475	FBLN7	ENSG00000144152	-33	0.97	1	0.53	-0.026	NA
chr2	132182327	132183101	GNAQP1	ENSG00000214077	-274	0.2	0.16	0.53	0.036	NA
chr2	150176813	150177219	FAM8A3P	ENSG00000224337	-91	0.64	0.61	0.53	0.029	NA
chr2	27193273	27193864	MAPRE3	ENSG00000084764	88	0.15	0.19	0.54	-0.039	NA
chr2	30669988	30670720	LCLAT1	ENSG00000172954	262	0.21	0.18	0.54	0.025	NA
chr2	37383901	37384402	EIF2AK2	ENSG00000055332	24	0.21	0.24	0.54	-0.031	NA
chr2	43864322	43864956	PLEKHH2	ENSG00000152527	227	0.23	0.26	0.54	-0.026	NA
chr2	46843650	46844332	PIGF	ENSG00000151665	178	0.16	0.19	0.54	-0.027	NA
chr2	87088816	87089037	CD8B	ENSG00000172116	79	0.5	0.23	0.54	0.27	NA
chr2	96657486	96658496	AC073995.2	ENSG00000174501	-450	0.24	0.14	0.54	0.1	NA
chr2	107502353	107504216	ST6GAL2	ENSG00000144057	-815	0.19	0.17	0.54	0.02	NA
chr2	145089453	145090397	GTDC1	ENSG00000121964	158	0.22	0.2	0.54	0.021	NA
chr2	178077185	178078215	HNRNPA3	ENSG00000170144	409	0.25	0.27	0.54	-0.025	NA
chr2	191884943	191885417	STAT1	ENSG00000115415	-134	0.2	0.16	0.54	0.043	NA
chr2	203879249	203879891	WDR12	ENSG00000138442	-49	0.22	0.17	0.54	0.045	NA
chr2	70520468	70520999	SNRPG	ENSG00000143977	-163	0.27	0.24	0.55	0.027	NA
chr2	71693164	71694127	DYSF	ENSG00000135636	-187	0.24	0.21	0.55	0.025	NA
chr2	98703354	98703889	VWA3B	ENSG00000168658	42	0.23	0.19	0.55	0.039	NA
chr2	130691702	130692102	AC079776.2	ENSG00000214100	-12	0.3	0.23	0.55	0.073	NA
chr2	172543901	172544690	DYNC1I2	ENSG00000077380	376	0.21	0.27	0.55	-0.061	NA
chr2	190445459	190445983	SLC40A1	ENSG00000138449	-254	0.23	0.2	0.55	0.029	NA
chr2	200335497	200336413	SATB2	ENSG00000119042	34	0.29	0.27	0.55	0.024	NA
chr2	219748276	219748805	WNT10A	ENSG00000135925	-32	0.24	0.21	0.55	0.029	NA
chr2	32581746	32583265	BIRC6	ENSG00000115760	409	0.29	0.27	0.56	0.017	NA
chr2	33952422	33952684	MYADML	ENSG00000239649	78	0.98	0.93	0.56	0.049	NA
chr2	74681969	74682201	INO80B	ENSG00000115274	-65	0.26	0.17	0.56	0.098	NA
chr2	91873047	91874525	AC027612.2	ENSG00000184303	123	0.51	0.54	0.56	-0.032	NA
chr2	102803672	102804556	IL1RL2	ENSG00000115598	340	0.41	0.35	0.56	0.057	NA
chr2	121492857	121495234	GLI2	ENSG00000074047	846	0.22	0.23	0.56	-0.014	NA
chr2	128051347	128051857	ERCC3	ENSG00000163161	68	0.16	0.21	0.56	-0.048	NA

chr2	211341181	211341536	LANCL1	ENSG00000115365	71	0.17	0.14	0.56	0.032	NA
chr2	241937716	241938468	SNED1	ENSG00000162804	-163	0.24	0.18	0.56	0.066	NA
chr2	70780049	70781577	TGFA	ENSG00000163235	-191	0.22	0.24	0.57	-0.024	NA
chr2	74425444	74426423	MTHFD2	ENSG00000065911	244	0.19	0.17	0.57	0.026	NA
chr2	166809970	166810826	TTC21B	ENSG00000123607	-143	0.17	0.2	0.57	-0.033	NA
chr2	219757458	219758001	WNT10A	ENSG00000135925	-214	0.2	0.18	0.57	0.025	NA
chr2	242625961	242626720	DTYMK	ENSG00000168393	-213	0.19	0.21	0.57	-0.021	NA
chr2	1266419	1266661	SNTG2	ENSG00000172554	-76	0.96	1	0.58	-0.04	NA
chr2	10559716	10560294	HPCAL1	ENSG00000115756	-142	0.97	0.99	0.58	-0.014	NA
chr2	65662914	65663879	AC074391.1	ENSG00000204929	-468	0.19	0.18	0.58	0.018	NA
chr2	74211214	74212314	AC073046.25	ENSG00000235499	-495	0.25	0.22	0.58	0.031	NA
chr2	97481356	97483276	CNNM3	ENSG00000168763	334	0.17	0.16	0.58	0.013	NA
chr2	170218314	170219203	LRP2	ENSG00000081479	286	0.27	0.24	0.58	0.023	NA
chr2	178937595	178937907	PDE11A	ENSG00000128655	-269	0.27	0.33	0.58	-0.067	NA
chr2	228336752	228337875	AGFG1	ENSG00000173744	445	0.23	0.21	0.58	0.017	NA
chr2	25194140	25195214	AC013267.2	ENSG00000224165	418	0.25	0.23	0.59	0.021	NA
chr2	27603350	27604064	ZNF513	ENSG00000163795	-115	0.18	0.22	0.59	-0.037	NA
chr2	95401380	95401636	AC073464.4	ENSG00000227265	81	0.37	0.28	0.59	0.084	NA
chr2	209130748	209131065	IDH1	ENSG00000138413	-108	0.25	0.2	0.59	0.05	NA
chr2	133173532	133174369	GPR39	ENSG00000183840	-197	0.26	0.24	0.6	0.024	NA
chr2	20646428	20647988	RHOB	ENSG00000143878	373	0.2	0.18	0.61	0.014	NA
chr2	110551798	110552705	RGPD5	ENSG00000015568	400	0.51	0.4	0.61	0.11	NA
chr2	162275161	162275596	TBR1	ENSG00000136535	-343	0.18	0.14	0.61	0.042	NA
chr2	175112926	175113743	OLA1	ENSG00000138430	-246	0.26	0.22	0.61	0.04	NA
chr2	181844791	181845514	AC104076.3	ENSG00000236153	-335	0.17	0.15	0.61	0.028	NA
chr2	12856625	12859019	TRIB2	ENSG00000071575	807	0.25	0.23	0.62	0.016	NA
chr2	24298969	24299512	AC008073.5	ENSG00000115128	3	0.23	0.2	0.62	0.029	NA
chr2	27994470	27994944	MRPL33	ENSG00000243147	123	0.19	0.16	0.62	0.024	NA
chr2	37898142	37899830	CDC42EP3	ENSG00000163171	348	0.21	0.22	0.62	-0.016	NA
chr2	75787717	75788312	FAM176A	ENSG00000115363	25	0.28	0.25	0.62	0.038	NA

chr2	128180294	128181381	PROC	ENSG00000115718	-27	0.3	0.27	0.62	0.022	NA
chr2	220432788	220433041	INHA	ENSG00000123999	-970	0.94	0.91	0.62	0.027	NA
chr2	238969080	238969919	SCLY	ENSG00000132330	-31	0.22	0.21	0.62	0.017	NA
chr2	17720155	17720417	VSNL1	ENSG00000163032	-107	0.2	0.18	0.63	0.023	NA
chr2	20189588	20190229	WDR35	ENSG00000118965	-99	0.3	0.35	0.63	-0.042	NA
chr2	107103833	107104053	AC108868.4	ENSG00000254126	60	0.15	0.2	0.63	-0.041	NA
chr2	114195165	114195563	CBWD2	ENSG00000136682	96	0.21	0.08	0.63	0.13	NA
chr2	162270888	162271413	TBR1	ENSG00000136535	-1455	0.25	0.21	0.63	0.038	NA
chr2	170335881	170336456	BBS5	ENSG00000163093	178	0.27	0.31	0.63	-0.041	NA
chr2	174219533	174220368	CDCA7	ENSG00000144354	402	0.14	0.11	0.63	0.028	NA
chr2	225449256	225450488	CUL3	ENSG00000036257	193	0.26	0.24	0.63	0.023	NA
chr2	241507463	241507669	RNPEPL1	ENSG00000142327	-538	0.16	0.19	0.63	-0.036	NA
chr2	30453566	30455655	LBH	ENSG00000213626	213	0.22	0.2	0.64	0.017	NA
chr2	54482924	54483434	TSPYL6	ENSG00000178021	230	0.97	0.99	0.64	-0.021	NA
chr2	113012108	113012784	ZC3H8	ENSG00000144161	154	0.21	0.25	0.64	-0.039	NA
chr2	119606038	119606313	EN1	ENSG00000163064	-921	0.19	0.23	0.64	-0.048	NA
chr2	198669079	198670154	PLCL1	ENSG00000115896	190	0.19	0.18	0.64	0.016	NA
chr2	11809606	11810433	NTSR2	ENSG00000169006	271	0.35	0.33	0.65	0.021	NA
chr2	32264802	32265019	DPY30	ENSG00000162961	-87	0.17	0.14	0.65	0.033	NA
chr2	171676552	171676980	GAD1	ENSG00000128683	-1462	0.27	0.32	0.65	-0.052	NA
chr2	187713846	187714069	ZSWIM2	ENSG00000163012	-60	0.15	0.13	0.65	0.024	NA
chr2	232789995	232791286	NPPC	ENSG00000163273	398	0.22	0.24	0.65	-0.017	NA
chr2	235404502	235406541	ARL4C	ENSG00000188042	-277	0.29	0.28	0.65	0.015	NA
chr2	25565091	25565604	DNMT3A	ENSG00000119772	11	0.17	0.19	0.66	-0.026	NA
chr2	27255600	27256121	TMEM214	ENSG00000119777	82	0.24	0.2	0.66	0.034	NA
chr2	71221520	71222299	AC007040.6	ENSG00000228384	269	0.17	0.16	0.66	0.016	NA
chr2	162016883	162017331	TANK	ENSG00000136560	190	0.2	0.24	0.66	-0.039	NA
chr2	219646432	219647181	CYP27A1	ENSG00000135929	334	0.19	0.16	0.66	0.03	NA
chr2	23607729	23610124	KLHL29	ENSG00000119771	838	0.19	0.2	0.67	-0.011	NA
chr2	27601341	27601676	ZNF513	ENSG00000163795	352	0.7	0.74	0.67	-0.04	NA

chr2	47167858	47168978	TTC7A	ENSG00000068724	105	0.2	0.18	0.67	0.018	NA
chr2	71357187	71357952	MCEE	ENSG00000124370	-225	0.2	0.17	0.67	0.03	NA
chr2	73441313	73441817	SMYD5	ENSG00000135632	215	0.18	0.16	0.67	0.019	NA
chr2	204103464	204104172	CYP20A1	ENSG00000119004	155	0.22	0.19	0.67	0.023	NA
chr2	27008760	27009465	CENPA	ENSG00000115163	247	0.16	0.18	0.68	-0.02	NA
chr2	64067892	64068906	UGP2	ENSG00000169764	325	0.23	0.25	0.68	-0.02	NA
chr2	179344852	179345483	PLEKHA3	ENSG00000116095	-28	0.21	0.23	0.68	-0.022	NA
chr2	197791390	197791599	PGAP1	ENSG00000197121	-40	0.22	0.27	0.68	-0.054	NA
chr2	224808923	224810219	WDFY1	ENSG00000085449	481	0.21	0.2	0.68	0.012	NA
chr2	242211289	242212308	HDLBP	ENSG00000115677	-412	0.19	0.17	0.68	0.016	NA
chr2	74405352	74406164	MOBKL1B	ENSG00000114978	-317	0.26	0.28	0.69	-0.021	NA
chr2	179315214	179316573	PRKRA	ENSG00000180228	-437	0.23	0.25	0.69	-0.015	NA
chr2	241391876	241393598	GPC1	ENSG00000063660	509	0.21	0.19	0.69	0.012	NA
chr2	24345990	24346793	PFN4	ENSG00000176732	-202	0.14	0.15	0.7	-0.011	NA
chr2	97534100	97536270	SEMA4C	ENSG00000168758	-860	0.24	0.23	0.7	0.013	NA
chr2	177134138	177134531	MTX2	ENSG00000128654	187	0.26	0.21	0.7	0.044	NA
chr2	209119881	209120309	AC016697.3	ENSG00000231908	124	0.24	0.21	0.7	0.032	NA
chr2	220173870	220174283	PTPRN	ENSG00000054356	-181	0.16	0.12	0.7	0.04	NA
chr2	228028679	228029733	COL4A4	ENSG00000081052	-377	0.2	0.19	0.7	0.012	NA
chr2	26785114	26785687	C2orf70	ENSG00000173557	-50	0.23	0.21	0.71	0.026	NA
chr2	27294139	27294915	OST4	ENSG00000228474	-10	0.18	0.21	0.71	-0.029	NA
chr2	145273456	145275378	ZEB2	ENSG00000169554	-89	0.22	0.23	0.71	-0.012	NA
chr2	176956504	176956707	HOXD13	ENSG00000128714	-1014	0.26	0.23	0.71	0.03	NA
chr2	179278327	179278669	AC009948.5	ENSG00000223960	-168	0.22	0.24	0.71	-0.023	NA
chr2	184125343	184125583	LIN28AP1	ENSG00000213120	93	0.99	0.98	0.71	0.011	NA
chr2	230932468	230933550	SLC16A14	ENSG00000163053	-4	0.2	0.22	0.71	-0.012	NA
chr2	20865289	20867589	GDF7	ENSG00000143869	15	0.23	0.24	0.72	-0.011	NA
chr2	48667559	48668355	KLRAQ1	ENSG00000162869	220	0.2	0.26	0.72	-0.059	NA
chr2	97166208	97166660	NEURL3	ENSG00000163121	227	0.84	0.78	0.72	0.054	NA
chr2	130795340	130795714	AC018865.8	ENSG00000180178	-741	0.85	1	0.72	-0.15	NA

chr2	217559039	217559484	AC007563.5	ENSG00000236886	74	0.14	0.13	0.72	0.016	NA
chr2	112641337	112641906	ANAPC1	ENSG00000153107	137	0.19	0.21	0.73	-0.022	NA
chr2	176971706	176972305	HOXD11	ENSG00000128713	-9	0.22	0.2	0.73	0.022	NA
chr2	196521555	196522950	SLC39A10	ENSG00000196950	617	0.2	0.21	0.73	-0.01	NA
chr2	38301276	38304518	CYP1B1-AS1	ENSG00000232973	106	0.25	0.26	0.74	-0.0077	NA
chr2	66660452	66660794	MEIS1	ENSG00000143995	39	0.44	0.29	0.74	0.16	NA
chr2	74374838	74375257	BOLA3	ENSG00000163170	-15	0.24	0.19	0.74	0.051	NA
chr2	122512987	122513526	TSN	ENSG00000211460	147	0.24	0.28	0.74	-0.041	NA
chr2	180725717	180726465	ZNF385B	ENSG00000144331	141	0.23	0.25	0.74	-0.02	NA
chr2	186603392	186603910	AC007966.1	ENSG00000226747	-203	0.53	0.49	0.74	0.041	NA
chr2	211089413	211090176	ACADL	ENSG00000115361	-221	0.26	0.28	0.74	-0.015	NA
chr2	55509233	55509720	AC012358.1	ENSG00000162997	16	0.28	0.2	0.75	0.078	NA
chr2	86115590	86116327	ST3GAL5	ENSG00000115525	42	0.21	0.19	0.75	0.019	NA
chr2	99061174	99061848	INPP4A	ENSG00000040933	194	0.17	0.19	0.75	-0.018	NA
chr2	131862756	131863444	PLEKHB2	ENSG00000115762	225	0.25	0.28	0.75	-0.03	NA
chr2	176866693	176867188	KIAA1715	ENSG00000144320	51	0.3	0.14	0.75	0.16	NA
chr2	182547873	182549177	AC013733.3	ENSG00000234595	685	0.32	0.34	0.75	-0.016	NA
chr2	218843460	218843742	TNS1	ENSG00000079308	56	0.32	0.39	0.75	-0.076	NA
chr2	220407698	220409048	CHPF	ENSG00000123989	-554	0.21	0.22	0.75	-0.012	NA
chr2	241499582	241500785	DUSP28	ENSG00000188542	464	0.21	0.23	0.75	-0.014	NA
chr2	16079801	16083032	MYCN	ENSG00000134323	730	0.22	0.23	0.76	-0.0083	NA
chr2	120281661	120282211	SCTR	ENSG00000080293	134	0.22	0.23	0.76	-0.014	NA
chr2	223162946	223163912	PAX3	ENSG00000135903	36	0.22	0.23	0.76	-0.013	NA
chr2	36584500	36584982	CRIM1	ENSG00000150938	1127	0.24	0.12	0.77	0.12	NA
chr2	39663897	39664667	MAP4K3	ENSG00000011566	-76	0.25	0.24	0.77	0.016	NA
chr2	119605200	119605620	EN1	ENSG00000163064	-156	0.26	0.32	0.77	-0.055	NA
chr2	131792237	131793189	ARHGEF4	ENSG00000136002	212	0.25	0.23	0.77	0.014	NA
chr2	170440796	170441341	PPIG	ENSG00000138398	218	0.2	0.24	0.77	-0.042	NA
chr2	208393955	208395024	CREB1	ENSG00000118260	28	0.22	0.21	0.77	0.014	NA
chr2	20423088	20425767	SDC1	ENSG00000115884	-1278	0.21	0.21	0.78	0.006	NA

chr2	54557630	54558039	C2orf73	ENSG00000177994	-205	0.15	0.13	0.78	0.014	NA
chr2	120005514	120005756	STEAP3	ENSG00000115107	-6	0.92	0.85	0.78	0.065	NA
chr2	145281736	145282269	ZEB2	ENSG00000169554	145	0.5	0.3	0.78	0.2	NA
chr2	171671598	171671804	GAD1	ENSG00000128683	-923	0.27	0.29	0.78	-0.023	NA
chr2	232328445	232330149	NCL	ENSG00000115053	-406	0.26	0.25	0.78	0.01	NA
chr2	238535561	238536840	LRRFIP1	ENSG00000124831	-19	0.21	0.2	0.78	0.011	NA
chr2	121009918	121011228	RALB	ENSG00000144118	239	0.26	0.28	0.79	-0.018	NA
chr2	151341742	151343191	RND3	ENSG00000115963	-570	0.19	0.22	0.79	-0.025	NA
chr2	182321761	182323029	ITGA4	ENSG00000115232	466	0.29	0.27	0.79	0.014	NA
chr2	219232375	219232892	AC021016.6	ENSG00000225062	-75	0.25	0.26	0.79	-0.014	NA
chr2	234160100	234160735	ATG16L1	ENSG00000085978	200	0.25	0.28	0.79	-0.023	NA
chr2	3461654	3461863	TTC15	ENSG00000171853	-326	0.96	0.92	0.8	0.041	NA
chr2	70056599	70057583	GMCL1	ENSG00000087338	317	0.2	0.18	0.8	0.015	NA
chr2	73964318	73964677	TPRKB	ENSG00000144034	-35	0.21	0.23	0.8	-0.023	NA
chr2	128615479	128616004	POLR2D	ENSG00000144231	-218	0.18	0.2	0.8	-0.023	NA
chr2	133175160	133175444	GPR39	ENSG00000183840	1155	0.94	1	0.8	-0.063	NA
chr2	170550783	170551371	C2orf77	ENSG00000154479	-217	0.15	0.16	0.8	-0.015	NA
chr2	9695522	9696606	ADAM17	ENSG00000151694	-161	0.21	0.2	0.81	0.011	NA
chr2	10262173	10263481	RRM2	ENSG00000171848	372	0.18	0.17	0.81	0.0082	NA
chr2	70141359	70142939	MXD1	ENSG00000059728	-54	0.21	0.2	0.81	0.0098	NA
chr2	232063173	232063616	ARMC9	ENSG00000135931	134	0.26	0.22	0.81	0.042	NA
chr2	234112923	234113321	INPP5D	ENSG00000168918	-166	0.96	0.94	0.81	0.013	NA
chr2	3522270	3523617	AC142528.1	ENSG00000235078	-103	0.2	0.21	0.82	-0.0089	NA
chr2	26987030	26987500	C2orf18	ENSG00000213699	113	0.22	0.24	0.82	-0.021	NA
chr2	32288366	32289466	SPAST	ENSG00000021574	236	0.26	0.25	0.82	0.0094	NA
chr2	48757211	48757785	STON1	ENSG00000243244	188	0.26	0.24	0.82	0.025	NA
chr2	52856694	52857124	FTH1P6	ENSG00000233083	28	0.99	0.98	0.82	0.0076	NA
chr2	74347273	74347777	RP11-287D1.1	ENSG00000257800	-282	0.18	0.19	0.82	-0.01	NA
chr2	95824802	95825721	ZNF514	ENSG00000144026	-179	0.21	0.23	0.82	-0.023	NA
chr2	99771109	99771637	TSGA10	ENSG00000135951	-49	0.3	0.32	0.82	-0.02	NA

chr2	99797348	99797623	MITD1	ENSG00000158411	-95	0.25	0.28	0.82	-0.037	NA
chr2	160142607	160143567	WDSUB1	ENSG00000196151	-24	0.21	0.19	0.82	0.019	NA
chr2	111140611	111142283	AC108938.2	ENSG00000226065	758	0.8	0.67	0.83	0.13	NA
chr2	134877407	134879168	MGAT5	ENSG00000152127	733	0.23	0.24	0.83	-0.013	NA
chr2	45510	46559	FAM110C	ENSG00000184731	351	0.21	0.2	0.84	0.0069	NA
chr2	24398413	24398669	C2orf84	ENSG00000186453	187	0.89	0.92	0.84	-0.021	NA
chr2	61292868	61293585	KIAA1841	ENSG00000162929	220	0.19	0.17	0.84	0.014	NA
chr2	74729399	74731166	RP11-523H20.2	ENSG00000257702	560	0.44	0.43	0.84	0.0084	NA
chr2	87034658	87034889	CD8A	ENSG00000153563	746	0.23	0.12	0.84	0.1	NA
chr2	171785474	171786399	GORASP2	ENSG00000115806	229	0.3	0.29	0.84	0.015	NA
chr2	187558794	187559012	FAM171B	ENSG00000144369	114	0.2	0.16	0.84	0.041	NA
chr2	198299244	198299972	SF3B1	ENSG00000115524	132	0.15	0.25	0.84	-0.098	NA
chr2	201936024	201936376	NDUFB3	ENSG00000119013	44	0.18	0.5	0.84	-0.32	NA
chr2	8977373	8977789	KIDINS220	ENSG00000134313	145	0.23	0.22	0.85	0.0099	NA
chr2	46770149	46770370	RHOQ	ENSG00000119729	-29	0.25	0.29	0.85	-0.039	NA
chr2	60779445	60779745	BCL11A	ENSG00000119866	943	0.21	0.25	0.85	-0.04	NA
chr2	131099469	131100863	CCDC115	ENSG00000136710	-458	0.21	0.22	0.85	-0.013	NA
chr2	171627225	171628062	AC007405.4	ENSG00000234350	-367	0.21	0.19	0.85	0.011	NA
chr2	176045969	176046504	ATP5G3	ENSG00000154518	155	0.23	0.25	0.85	-0.019	NA
chr2	227700313	227701115	RHBDD1	ENSG00000144468	62	0.2	0.21	0.85	-0.01	NA
chr2	241374410	241376320	GPC1	ENSG00000063660	277	0.21	0.2	0.85	0.007	NA
chr2	128408957	128409355	LIMS2	ENSG00000072163	-1043	0.88	1	0.86	-0.12	NA
chr2	233740668	233741879	C2orf82	ENSG00000182600	42	0.2	0.19	0.86	0.0095	NA
chr2	86946401	86948451	RMND5A	ENSG00000153561	130	0.26	0.25	0.87	0.015	NA
chr2	88354840	88355574	KRCC1	ENSG00000172086	41	0.25	0.24	0.87	0.012	NA
chr2	112656186	112656918	MERTK	ENSG00000153208	361	0.21	0.2	0.87	0.011	NA
chr2	120770397	120771151	EPB41L5	ENSG00000115109	193	0.2	0.22	0.87	-0.014	NA
chr2	172750718	172751020	SLC25A12	ENSG00000115840	-136	0.24	0.29	0.87	-0.045	NA
chr2	197035589	197036383	STK17B	ENSG00000081320	-262	0.16	0.17	0.87	-0.01	NA
chr2	220109984	220110488	GLB1L	ENSG00000163521	-108	0.21	0.19	0.87	0.012	NA

chr2	233386614	233389161	PRSS56	ENSG00000237412	-683	0.26	0.25	0.87	0.005	NA
chr2	69240083	69241004	ANTXR1	ENSG00000169604	233	0.25	0.28	0.88	-0.027	NA
chr2	96810443	96811454	DUSP2	ENSG00000158050	231	0.21	0.22	0.88	-0.014	NA
chr2	113239249	113240584	TTL	ENSG00000114999	185	0.18	0.17	0.88	0.0058	NA
chr2	172951289	172952159	DLX1	ENSG00000144355	-371	0.25	0.24	0.88	0.01	NA
chr2	174828330	174830617	SP3	ENSG00000172845	-526	0.23	0.23	0.88	0.0048	NA
chr2	220306855	220307096	SPEG	ENSG00000072195	202	0.24	0.22	0.88	0.014	NA
chr2	241075403	241075916	MYEOV2	ENSG00000172428	-66	0.16	0.16	0.88	-0.0067	NA
chr2	7057530	7058433	RNF144A	ENSG00000151692	395	0.21	0.2	0.89	0.016	NA
chr2	27272846	27273400	AC013472.6	ENSG00000231636	9	0.11	0.11	0.89	0.0046	NA
chr2	29092728	29093439	TRMT61B	ENSG00000171103	78	0.4	0.33	0.89	0.07	NA
chr2	70417746	70418310	C2orf42	ENSG00000115998	-197	0.18	0.19	0.89	-0.016	NA
chr2	74006849	74007274	DUSP11	ENSG00000144048	-56	0.17	0.14	0.89	0.025	NA
chr2	106681982	106682403	C2orf40	ENSG00000119147	80	0.27	0.29	0.89	-0.013	NA
chr2	130955619	130956274	TUBA3E	ENSG00000152086	88	0.97	0.97	0.89	0.0085	NA
chr2	164592917	164593511	FIGN	ENSG00000182263	-692	0.24	0.22	0.89	0.017	NA
chr2	204399490	204400179	RAPH1	ENSG00000173166	151	0.22	0.2	0.89	0.013	NA
chr2	26204554	26205649	KIF3C	ENSG00000084731	252	0.17	0.17	0.9	-0.0075	NA
chr2	30142831	30144624	ALK	ENSG00000171094	-202	0.18	0.18	0.9	0.0055	NA
chr2	54197776	54198490	PSME4	ENSG00000068878	-218	0.23	0.23	0.9	0.0079	NA
chr2	128433010	128433490	LIMS2	ENSG00000072163	129	0.23	0.21	0.9	0.012	NA
chr2	242156851	242157835	ANO7	ENSG00000146205	313	0.2	0.2	0.9	-0.0067	NA
chr2	242794853	242795083	PDCD1	ENSG00000188389	70	0.92	0.93	0.9	-0.016	NA
chr2	8816314	8817264	AC011747.7	ENSG00000235092	-893	0.23	0.22	0.91	0.01	NA
chr2	19547482	19548292	AC092594.1	ENSG00000236204	-1378	0.55	0.33	0.91	0.22	NA
chr2	28612964	28616748	FOSL2	ENSG00000075426	-459	0.21	0.21	0.91	0.0038	NA
chr2	105483753	105484426	AC018730.4	ENSG00000239587	-135	0.38	0.36	0.91	0.016	NA
chr2	121101800	121104534	INHBB	ENSG00000163083	-552	0.22	0.23	0.91	-0.0031	NA
chr2	131450173	131450516	AC140481.7	ENSG00000240253	-511	1	0.95	0.91	0.053	NA
chr2	178977078	178977828	RBM45	ENSG00000155636	302	0.28	0.27	0.91	0.014	NA

chr2	201450526	201451027	AOX1	ENSG00000138356	185	0.2	0.2	0.91	0.0074	NA
chr2	95690857	95692431	MAL	ENSG00000172005	222	0.3	0.29	0.92	0.008	NA
chr2	130750104	130750424	AC018865.5	ENSG00000217289	-198	0.54	0.46	0.92	0.074	NA
chr2	238875131	238876327	UBE2F	ENSG00000184182	260	0.24	0.25	0.92	-0.011	NA
chr2	242606078	242606560	ATG4B	ENSG00000168397	308	0.85	0.87	0.92	-0.015	NA
chr2	197437	198535	AC079779.7	ENSG00000227061	417	0.98	0.97	0.93	0.01	NA
chr2	43822928	43823370	THADA	ENSG00000115970	-36	0.19	0.19	0.93	0.0084	NA
chr2	70188511	70188726	ASPRV1	ENSG00000244617	779	1	0.98	0.93	0.02	NA
chr2	139259033	139259912	AC097721.2	ENSG00000228043	-228	0.2	0.19	0.93	0.0068	NA
chr2	160568776	160569679	AC009961.3	ENSG00000226266	-286	0.27	0.25	0.93	0.013	NA
chr2	210673292	210673546	SNAI1P1	ENSG00000237194	-109	0.98	1	0.93	-0.02	NA
chr2	220283200	220283750	DES	ENSG00000175084	376	0.33	0.32	0.93	0.0094	NA
chr2	242673653	242675106	D2HGDH	ENSG00000180902	385	0.27	0.28	0.93	-0.0072	NA
chr2	20850712	20851173	HS1BP3	ENSG00000118960	-104	0.18	0.19	0.94	-0.01	NA
chr2	24272582	24273313	FKBP1B	ENSG00000119782	363	0.2	0.2	0.94	0.0087	NA
chr2	70352204	70352531	AC016700.5	ENSG00000231327	82	0.26	0.33	0.94	-0.076	NA
chr2	72370296	72370682	CYP26B1	ENSG00000003137	-276	0.19	0.24	0.94	-0.048	NA
chr2	74776016	74776897	DOK1	ENSG00000115325	303	0.2	0.19	0.94	0.0054	NA
chr2	85359956	85362593	TCF7L1	ENSG00000152284	741	0.24	0.24	0.94	0.0043	NA
chr2	173600281	173600970	RAPGEF4	ENSG00000091428	100	0.27	0.27	0.94	-0.0074	NA
chr2	237071794	237078762	GBX2	ENSG00000168505	694	0.29	0.29	0.94	-0.0019	NA
chr2	239344401	239344627	ASB1	ENSG00000065802	704	1	0.97	0.94	0.025	NA
chr2	242785911	242786616	AC114730.2	ENSG00000235151	-269	0.3	0.29	0.94	0.0082	NA
chr2	17934555	17935902	SMC6	ENSG00000163029	-188	0.2	0.2	0.95	0.003	NA
chr2	39102805	39103214	DHX57	ENSG00000163214	12	0.15	0.15	0.95	-0.0079	NA
chr2	70528608	70529337	FAM136A	ENSG00000035141	154	0.24	0.23	0.96	0.0066	NA
chr2	74684565	74685789	WBP1	ENSG00000239779	-279	0.19	0.2	0.96	-0.0063	NA
chr2	85107731	85108430	C2orf89	ENSG00000186854	126	0.2	0.19	0.96	0.009	NA
chr2	85554134	85555414	TGOLN2	ENSG00000152291	334	0.24	0.18	0.96	0.054	NA
chr2	131485149	131485460	GPR148	ENSG00000173302	-1339	0.47	0.42	0.96	0.049	NA

chr2	160918674	160919177	PLA2R1	ENSG00000153246	196	0.18	0.21	0.96	-0.027	NA
chr2	198317967	198318631	COQ10B	ENSG00000115520	152	0.23	0.22	0.96	0.0063	NA
chr2	220082991	220084012	ABCB6	ENSG00000115657	-425	0.18	0.17	0.96	0.0042	NA
chr2	241975533	241976318	SNED1	ENSG00000162804	-712	0.29	0.32	0.96	-0.036	NA
chr2	8818928	8819586	AC011747.7	ENSG00000235092	-316	0.25	0.24	0.97	0.01	NA
chr2	68546339	68547111	CNRIP1	ENSG00000119865	-193	0.17	0.18	0.97	-0.0051	NA
chr2	97405448	97405880	LMAN2L	ENSG00000114988	114	0.38	0.35	0.97	0.023	NA
chr2	98611733	98612944	TMEM131	ENSG00000075568	-331	0.28	0.27	0.98	0.0068	NA
chr2	110969852	110970222	NCRNA00116	ENSG00000175701	363	0.14	0.11	0.98	0.032	NA
chr2	9563126	9564282	ITGB1BP1	ENSG00000119185	-488	0.24	0.24	0.99	-0.0031	NA
chr2	15731792	15732494	DDX1	ENSG00000079785	138	0.24	0.27	0.99	-0.028	NA
chr2	20212067	20212783	MATN3	ENSG00000132031	1	0.27	0.27	0.99	0.0041	NA
chr2	45161427	45163058	AC012354.4	ENSG00000238204	336	0.23	0.23	0.99	0.0026	NA
chr2	120436530	120437010	TMEM177	ENSG00000144120	27	0.27	0.25	0.99	0.02	NA
chr2	241508424	241508627	ANKMY1	ENSG00000144504	69	0.18	0.2	0.99	-0.02	NA
chr2	308627	309040	AC079779.5	ENSG00000235779	546	1	1	1	0	NA
chr2	558069	558469	AC093326.3	ENSG00000233633	65	1	1	1	0	NA
chr2	732036	733096	AC116609.1	ENSG00000227713	-1342	1	1	1	0	NA
chr2	1516172	1516373	TPO	ENSG00000115705	-933	0.83	1	1	-0.17	NA
chr2	3287874	3288228	TSSC1	ENSG00000032389	-1454	1	0.97	1	0.031	NA
chr2	6635949	6636160	AC021021.2	ENSG00000226488	-81	0.98	0.96	1	0.013	NA
chr2	9614194	9615235	IAH1	ENSG00000134330	55	0.2	0.2	1	-0.0046	NA
chr2	10861206	10862382	ATP6V1C2	ENSG00000143882	19	0.17	0.17	1	0.0015	NA
chr2	11053661	11053952	KCNF1	ENSG00000162975	1743	0.94	0.94	1	-0.0017	NA
chr2	11295559	11296006	PQLC3	ENSG00000162976	179	0.19	0.18	1	0.0091	NA
chr2	11750766	11751072	GREB1	ENSG00000196208	-1466	0.97	1	1	-0.031	NA
chr2	18741356	18741964	RDH14	ENSG00000240857	285	0.17	0.17	1	0.0028	NA
chr2	20101004	20102067	TTC32	ENSG00000183891	-133	0.25	0.24	1	0.0033	NA
chr2	23865573	23865776	KLHL29	ENSG00000119771	412	0.98	0.98	1	-0.0053	NA
chr2	24582620	24583611	ITSN2	ENSG00000198399	226	0.13	0.13	1	0.0013	NA

chr2	27440128	27440786	CAD	ENSG00000084774	199	0.14	0.14	1	-0.0027	NA
chr2	27616205	27616440	FTH1P3	ENSG00000213453	-88	1	1	1	0	NA
chr2	27717681	27718337	FNDC4	ENSG00000115226	20	0.19	0.2	1	-0.0017	NA
chr2	30369311	30370921	YPEL5	ENSG00000119801	309	0.22	0.22	1	#####	NA
chr2	33171448	33173164	LTBP1	ENSG00000049323	267	0.25	0.25	1	-0.0033	NA
chr2	36824792	36825305	FEZ2	ENSG00000171055	237	0.21	0.21	1	0.0019	NA
chr2	40006090	40006463	THUMPD2	ENSG00000138050	13	1	1	1	0	NA
chr2	42588072	42588875	COX7A2L	ENSG00000115944	-184	0.19	0.18	1	0.01	NA
chr2	42795847	42796230	MTA3	ENSG00000057935	160	0.22	0.21	1	0.013	NA
chr2	43054714	43055298	AC098824.6	ENSG00000232202	-249	0.24	0.25	1	-0.0081	NA
chr2	47917888	47918414	AC079250.1	ENSG00000230979	234	1	0.99	1	0.011	NA
chr2	54342634	54343088	ACYP2	ENSG00000170634	220	0.16	0.17	1	-0.015	NA
chr2	55746675	55746999	CCDC104	ENSG00000163001	97	0.21	0.2	1	0.0053	NA
chr2	58478734	58478938	EIF3FP3	ENSG00000233426	-185	0.96	0.96	1	-0.007	NA
chr2	60778557	60779068	BCL11A	ENSG00000119866	-763	0.17	0.17	1	0.00047	NA
chr2	60782535	60782779	BCL11A	ENSG00000119866	-1955	0.5	0.44	1	0.056	NA
chr2	62932595	62933353	EHBP1	ENSG00000115504	187	0.2	0.18	1	0.015	NA
chr2	63272127	63272409	EHBP1	ENSG00000115504	294	0.99	1	1	-0.011	NA
chr2	63815200	63816110	WDPCP	ENSG00000143951	-255	0.19	0.18	1	0.0029	NA
chr2	70351315	70351550	AC016700.5	ENSG00000231327	1017	0.3	0.27	1	0.038	NA
chr2	70933288	70933563	ADD2	ENSG00000075340	115	0.94	0.94	1	0.0064	NA
chr2	74699240	74699909	MRPL53	ENSG00000204822	100	0.38	0.37	1	0.0081	NA
chr2	74981752	74981972	AC007387.2	ENSG00000224646	84	1	1	1	0	NA
chr2	75060879	75062664	HK2	ENSG00000159399	663	0.22	0.22	1	0.002	NA
chr2	75873981	75874420	MRPL19	ENSG00000115364	95	0.21	0.21	1	0.0028	NA
chr2	85131950	85132234	TMSB10	ENSG00000034510	-657	0.64	0.75	1	-0.11	NA
chr2	85581618	85581963	RETSAT	ENSG00000042445	-167	0.12	0.13	1	-0.0058	NA
chr2	88926237	88927295	EIF2AK3	ENSG00000172071	130	0.22	0.22	1	-0.0022	NA
chr2	96990857	96991283	ITPRIPL1	ENSG00000198885	1	0.22	0.14	1	0.072	NA
chr2	98350984	98351257	ZAP70	ENSG00000115085	251	1	1	1	0	NA

chr2	98351659	98352017	ZAP70	ENSG00000115085	145	1	1	1	0	NA
chr2	99224681	99225322	C2orf64	ENSG00000183513	-46	0.2	0.19	1	0.0016	NA
chr2	99757355	99758220	TSGA10	ENSG00000135951	-175	0.21	0.21	1	0.0039	NA
chr2	100720385	100720741	AFF3	ENSG00000144218	429	0.25	0.4	1	-0.15	NA
chr2	108160701	108160912	AC096669.3	ENSG00000224568	1601	1	1	1	0	NA
chr2	108443279	108446501	AC096655.2	ENSG00000230651	-1605	0.97	0.97	1	-0.0014	NA
chr2	109335768	109336670	RANBP2	ENSG00000153201	282	0.19	0.19	1	-0.0007	NA
chr2	110744375	110746047	AC013268.5	ENSG00000204588	571	1	1	1	0	NA
chr2	113032793	113033496	ZC3H6	ENSG00000188177	-27	0.27	0.26	1	0.0097	NA
chr2	113808517	113808756	IL1F8	ENSG00000136696	1808	1	1	1	0	NA
chr2	113956343	113957042	PSD4	ENSG00000125637	557	0.21	0.21	1	0.005	NA
chr2	113993204	113994075	AC016683.6	ENSG00000189223	-175	0.98	0.99	1	-0.0065	NA
chr2	114384589	114385133	RPL23AP7	ENSG00000240356	-244	0.17	0.13	1	0.032	NA
chr2	119606569	119606826	EN1	ENSG00000163064	-1443	0.25	0.26	1	-0.0055	NA
chr2	120517066	120518010	PTPN4	ENSG00000088179	331	0.17	0.18	1	-0.0067	NA
chr2	128432194	128432743	LIMS2	ENSG00000072163	208	0.35	0.33	1	0.016	NA
chr2	130794460	130794815	AC018865.9	ENSG00000231240	106	0.88	1	1	-0.12	NA
chr2	130878522	130878800	POTEF	ENSG00000196604	-479	0.97	0.97	1	0.0031	NA
chr2	131010510	131010764	AC068137.2	ENSG00000236595	1496	0.39	0.4	1	-0.0054	NA
chr2	132121263	132121762	AC073869.1	ENSG00000233087	-219	0.26	0.24	1	0.014	NA
chr2	132152149	132152440	AC131180.5	ENSG00000226831	821	0.49	0.5	1	-0.0055	NA
chr2	132202265	132203257	AC073869.20	ENSG00000217950	-294	0.97	0.97	1	-0.0032	NA
chr2	132233606	132234085	TUBA3D	ENSG00000075886	179	0.98	0.99	1	-0.0063	NA
chr2	133011612	133011908	5_8S_rRNA	ENSG00000202174	-882	0.7	0.68	1	0.025	NA
chr2	135675772	135677088	CCNT2	ENSG00000082258	625	0.24	0.23	1	0.011	NA
chr2	147344801	147345379	PABPC1P2	ENSG00000198526	78	0.98	0.99	1	-0.0025	NA
chr2	150186463	150187492	LYPD6	ENSG00000187123	478	0.22	0.22	1	0.0026	NA
chr2	154728944	154729328	GALNT13	ENSG00000144278	670	0.22	0.24	1	-0.017	NA
chr2	157292102	157292646	GPD2	ENSG00000115159	83	0.19	0.19	1	0.0047	NA
chr2	158453799	158454111	ACV1C	ENSG00000123612	117	0.33	0.34	1	-0.0076	NA

chr2	159313172	159313416	CCDC148	ENSG00000153237	-80	0.21	0.17	1	0.04	NA
chr2	160472088	160472736	BAZ2B	ENSG00000123636	-341	0.18	0.19	1	-0.0046	NA
chr2	161349223	161350371	RBMS1	ENSG00000153250	-317	0.25	0.25	1	0.00028	NA
chr2	185463208	185463589	ZNF804A	ENSG00000170396	305	0.28	0.28	1	0.0063	NA
chr2	191512946	191514439	NAB1	ENSG00000138386	71	0.2	0.2	1	0.0016	NA
chr2	192746684	192746996	DNAJB1P1	ENSG00000213946	91	1	1	1	0	NA
chr2	201728892	201729577	CLK1	ENSG00000013441	-259	0.18	0.17	1	0.006	NA
chr2	201828015	201828514	AC005037.3	ENSG00000183308	242	0.17	0.16	1	0.0064	NA
chr2	201983198	201983709	CFLAR	ENSG00000003402	239	0.17	0.17	1	-0.0033	NA
chr2	202483584	202483957	ALS2CR11	ENSG00000155754	107	0.81	0.81	1	0.00079	NA
chr2	206549599	206551316	NRP2	ENSG00000118257	-60	0.19	0.2	1	-0.0046	NA
chr2	207308266	207308907	ADAM23	ENSG00000114948	47	0.17	0.17	1	-0.0032	NA
chr2	207506774	207507422	AC010731.4	ENSG00000235118	-44	0.3	0.28	1	0.02	NA
chr2	209224972	209225308	PTH2R	ENSG00000144407	702	0.97	0.97	1	0.002	NA
chr2	210010093	210010367	AC013409.2	ENSG00000232799	265	0.96	0.96	1	0.0082	NA
chr2	210636344	210636935	UNC80	ENSG00000144406	-78	0.26	0.26	1	0.0026	NA
chr2	219134787	219135393	AAMP	ENSG00000127837	-279	0.27	0.28	1	-0.0064	NA
chr2	220071305	220071759	ZFAND2B	ENSG00000158552	26	0.18	0.18	1	0.00085	NA
chr2	220420729	220420994	OBSL1	ENSG00000124006	888	1	1	1	0	NA
chr2	223536122	223536565	MOGAT1	ENSG00000124003	-162	0.21	0.21	1	-0.0001	NA
chr2	233272404	233272700	ALPPL2	ENSG00000163286	999	0.98	1	1	-0.019	NA
chr2	234663595	234664071	AC114812.5	ENSG00000178836	82	0.92	0.94	1	-0.016	NA
chr2	235951452	235951814	SH3BP4	ENSG00000130147	772	0.99	0.98	1	0.012	NA
chr2	237416090	237416382	IQCA1	ENSG00000132321	-144	0.44	0.47	1	-0.035	NA
chr2	239009072	239009361	ESPNL	ENSG00000144488	155	0.84	0.83	1	0.0013	NA
chr2	239037357	239037583	ESPNL	ENSG00000144488	-119	0.98	1	1	-0.02	NA
chr2	240111314	240111577	HDAC4	ENSG00000068024	1307	0.98	0.99	1	-0.0069	NA
chr2	241505922	241506133	RNPEPL1	ENSG00000142327	806	0.14	0.17	1	-0.024	NA
chr2	242139773	242139985	ANO7	ENSG00000146205	1367	0.99	0.98	1	0.014	NA
chr2	242149674	242149906	ANO7	ENSG00000146205	-1773	0.95	1	1	-0.051	NA

chr2	242572311	242572702	THAP4	ENSG00000176946	273	0.88	0.88	1	0.0023	NA
chr2	242742598	242743758	AC114730.5	ENSG00000215023	-1856	0.17	0.17	1	-0.0015	NA
chr2	308099	308395	AC079779.5	ENSG00000235779	-1090	NA	1	NA	NA	NA
chr2	18059038	18059245	KCNS3	ENSG00000170745	27	1	NA	NA	NA	NA
chr2	27712554	27712842	IFT172	ENSG00000138002	-130	0.13	NA	NA	NA	NA
chr2	32390677	32390948	SLC30A6	ENSG00000152683	-121	0.42	NA	NA	NA	NA
chr2	32853007	32853270	TTC27	ENSG00000018699	39	0.22	NA	NA	NA	NA
chr2	46707608	46707899	AC018682.6	ENSG00000187600	1028	NA	1	NA	NA	NA
chr2	53994891	53995169	CHAC2	ENSG00000143942	101	0.18	NA	NA	NA	NA
chr2	70485231	70485679	PCYOX1	ENSG00000116005	186	1	NA	NA	NA	NA
chr2	87036600	87037001	CD8A	ENSG00000153563	-1281	0.97	NA	NA	NA	NA
chr2	97530558	97530801	SEMA4C	ENSG00000168758	-1614	0.38	NA	NA	NA	NA
chr2	97760184	97760756	FAHD2B	ENSG00000144199	86	0.12	NA	NA	NA	NA
chr2	105858587	105859084	GPR45	ENSG00000135973	635	1	NA	NA	NA	NA
chr2	111333956	111334845	RGPD6	ENSG00000183054	0	NA	1	NA	NA	NA
chr2	111367813	111368169	AC123886.2	ENSG00000231536	-502	0.27	NA	NA	NA	NA
chr2	111436107	111436429	BUB1	ENSG00000169679	-577	NA	0.27	NA	NA	NA
chr2	112811809	112812134	TMEM87B	ENSG00000153214	-829	0.33	NA	NA	NA	NA
chr2	130902120	130902704	CCDC74B	ENSG00000152076	155	0.27	NA	NA	NA	NA
chr2	131185233	131185588	AC010984.3	ENSG00000230646	106	0.5	NA	NA	NA	NA
chr2	131328276	131329020	AC140481.2	ENSG00000183292	246	NA	1	NA	NA	NA
chr2	131451057	131451412	AC140481.7	ENSG00000240253	-74	0.36	NA	NA	NA	NA
chr2	132056862	132057199	AC131180.3	ENSG00000236516	987	1	NA	NA	NA	NA
chr2	132152766	132153044	AC131180.5	ENSG00000226831	210	NA	1	NA	NA	NA
chr2	132285408	132285992	CCDC74A	ENSG00000163040	271	0.16	NA	NA	NA	NA
chr2	136876711	136877051	CXCR4	ENSG00000121966	-1146	0.57	NA	NA	NA	NA
chr2	154729613	154729918	GALNT13	ENSG00000144278	1299	0.21	NA	NA	NA	NA
chr2	161126364	161126825	ITGB6	ENSG00000115221	1166	NA	0.13	NA	NA	NA
chr2	167232388	167232711	SCN9A	ENSG00000169432	-52	0.4	NA	NA	NA	NA
chr2	172373817	172374199	AC007969.5	ENSG00000233762	218	1	NA	NA	NA	NA

chr2	179343255	179343500	FKBP7	ENSG00000079150	-100	0.5	NA	NA	NA	NA
chr2	190306157	190306433	WDR75	ENSG00000115368	136	0.15	NA	NA	NA	NA
chr2	203130313	203130760	NOP58	ENSG00000055044	97	0.12	NA	NA	NA	NA
chr2	217363524	217363826	RPL37A	ENSG00000197756	127	0.39	NA	NA	NA	NA
chr2	219906107	219906328	CCDC108	ENSG00000181378	9	0.5	NA	NA	NA	NA
chr2	233244323	233244651	ALPP	ENSG00000163283	1053	NA	1	NA	NA	NA
chr2	241989164	241989461	SNED1	ENSG00000162804	-1382	0.75	NA	NA	NA	NA
chr20	4803013	4804146	RASSF2	ENSG00000101265	523	0.43	0.22	4.30E-09	0.21	NA
chr20	3766343	3767636	CENPB	ENSG00000125817	348	0.3	0.15	1.60E-08	0.16	NA
chr20	31170740	31173640	C20orf112	ENSG00000197183	440	0.34	0.2	2.40E-08	0.15	NA
chr20	2082284	2084070	STK35	ENSG00000125834	649	0.35	0.19	3.30E-08	0.17	NA
chr20	41817475	41819212	PTPRT	ENSG00000196090	30	0.31	0.14	1.00E-07	0.17	NA
chr20	62406463	62407179	ZBTB46	ENSG00000130584	494	0.65	0.11	1.30E-07	0.54	NA
chr20	30135076	30135292	HM13	ENSG00000101294	-1	0.66	0.38	2.70E-07	0.28	NA
chr20	3153637	3155011	RP5-1187M17.10	ENSG00000088899	-132	0.39	0.19	3.10E-07	0.19	NA
chr20	45338071	45338663	SLC2A10	ENSG00000197496	241	0.51	0.21	3.80E-07	0.3	NA
chr20	61568678	61569916	DIDO1	ENSG00000101191	-23	0.36	0.18	3.80E-07	0.18	NA
chr20	3052097	3053103	OXT	ENSG00000101405	334	0.52	0.34	4.30E-07	0.18	NA
chr20	58662457	58662960	RP5-1043L13.1	ENSG00000228340	-187	0.16	0.35	5.90E-07	-0.19	NA
chr20	43932912	43933400	MATN4	ENSG00000124159	1075	0.97	0.59	9.40E-07	0.38	NA
chr20	33871956	33872739	EIF6	ENSG00000242372	-21	0.31	0.14	2.10E-06	0.16	NA
chr20	22557517	22559240	NCRNA00261	ENSG00000225074	902	0.39	0.21	2.20E-06	0.18	NA
chr20	57429024	57431239	GNAS	ENSG00000087460	907	0.61	0.51	2.50E-06	0.1	NA
chr20	62288941	62290058	AL353715.1	ENSG00000258366	336	0.32	0.18	3.30E-06	0.15	NA
chr20	35374110	35374654	NDRG3	ENSG00000101079	74	0.33	0.1	3.80E-06	0.24	NA
chr20	5107202	5108086	PCNA	ENSG00000132646	-372	0.29	0.16	5.90E-06	0.13	NA
chr20	62338659	62340274	ZGPAT	ENSG00000197114	672	0.31	0.19	6.60E-06	0.12	NA
chr20	61583891	61584222	SLC17A9	ENSG00000101194	4	0.21	0.78	8.90E-06	-0.57	NA
chr20	39316550	39319987	MAFB	ENSG00000204103	-770	0.25	0.17	1.10E-05	0.075	NA
chr20	36793549	36793867	TGM2	ENSG00000198959	-47	0.46	0.23	1.80E-05	0.23	NA

chr20	50383675	50384904	ATP9A	ENSG00000054793	578	0.46	0.21	2.20E-05	0.25	NA
chr20	60882593	60882900	RP11-157P1.4	ENSG00000226332	-1294	0.65	0.39	2.40E-05	0.26	NA
chr20	2731063	2731395	EBF4	ENSG00000088881	-1108	0.53	0.12	2.80E-05	0.41	NA
chr20	3653190	3654773	ADAM33	ENSG00000149451	413	0.52	0.39	3.40E-05	0.13	NA
chr20	33680055	33680334	TRPC4AP	ENSG00000100991	416	0.15	0.6	3.60E-05	-0.45	NA
chr20	55840216	55841794	BMP7	ENSG00000101144	-171	0.36	0.22	3.80E-05	0.14	NA
chr20	35724039	35724644	RBL1	ENSG00000080839	51	0.5	0.24	4.10E-05	0.27	NA
chr20	13200670	13202616	ISM1	ENSG00000101230	-775	0.21	0.13	4.90E-05	0.081	NA
chr20	18547890	18548298	RP11-379J5.2	ENSG00000232388	30	0.36	0.15	4.90E-05	0.2	NA
chr20	4228532	4230496	ADRA1D	ENSG00000171873	207	0.33	0.21	5.90E-05	0.12	NA
chr20	62079615	62079912	RP11-358D14.2	ENSG00000226390	359	0.86	0.33	6.70E-05	0.53	NA
chr20	2672904	2674698	EBF4	ENSG00000088881	321	0.28	0.18	7.20E-05	0.094	NA
chr20	9048958	9050018	PLCB4	ENSG00000101333	78	0.32	0.17	7.40E-05	0.14	NA
chr20	21376358	21378245	RP11-227D2.3	ENSG00000225280	-1155	0.27	0.16	8.50E-05	0.11	NA
chr20	62321053	62321259	AL353715.1	ENSG00000258366	-43	0.93	0.69	9.90E-05	0.24	NA
chr20	60969767	60970111	CABLES2	ENSG00000149679	1448	0.9	0.56	0.00013	0.34	NA
chr20	361489	362805	TRIB3	ENSG00000101255	257	0.26	0.16	0.00019	0.1	NA
chr20	6748052	6749546	BMP2	ENSG00000125845	488	0.21	0.13	0.00025	0.075	NA
chr20	277831	279155	AL034548.2	ENSG00000247315	279	0.24	0.15	0.00031	0.097	NA
chr20	36661834	36662495	TTI1	ENSG00000101407	-301	0.4	0.13	5.00E-04	0.27	NA
chr20	35089448	35089998	DLGAP4	ENSG00000080845	-18	0.39	0.17	0.00062	0.21	NA
chr20	47443734	47445181	PREX1	ENSG00000124126	-37	0.21	0.14	0.00065	0.073	NA
chr20	3063005	3064146	AVP	ENSG00000101200	1795	0.24	0.34	0.00071	-0.1	NA
chr20	18039532	18039928	OVOL2	ENSG00000125850	-36	0.24	0.09	0.00074	0.15	NA
chr20	62600653	62601676	ZNF512B	ENSG00000196700	54	0.28	0.17	0.00078	0.12	NA
chr20	57463652	57467739	GNAS	ENSG00000087460	1861	0.41	0.35	8.00E-04	0.062	NA
chr20	55964916	55965271	RBM38	ENSG00000132819	-1370	0.98	0.81	0.00085	0.17	NA
chr20	62178442	62179183	SRMS	ENSG00000125508	45	0.44	0.59	0.00095	-0.15	NA
chr20	39945594	39946053	ZHX3	ENSG00000174306	501	0.3	0.14	0.00096	0.16	NA
chr20	30618793	30619138	RP1-310O13.7	ENSG00000226239	413	0.52	0.24	0.001	0.28	NA

chr20	30432900	30433242	FOXS1	ENSG00000179772	349	0.85	0.67	0.0012	0.18	NA
chr20	32077657	32078469	CBFA2T2	ENSG00000078699	182	0.23	0.13	0.0012	0.1	NA
chr20	3995573	3996405	RNF24	ENSG00000101236	47	0.26	0.14	0.0013	0.12	NA
chr20	10015610	10015914	ANKRD5	ENSG00000132623	73	0.24	0.1	0.0015	0.14	NA
chr20	29611520	29612357	FRG1B	ENSG00000149531	81	0.32	0.43	0.0016	-0.1	NA
chr20	5099993	5100866	PCNA	ENSG00000132646	243	0.24	0.43	0.0018	-0.19	NA
chr20	5891878	5892417	CHGB	ENSG00000089199	71	0.32	0.17	0.0019	0.15	NA
chr20	61049361	61051897	GATA5	ENSG00000130700	-52	0.25	0.19	0.0019	0.058	NA
chr20	44717760	44718813	NCOA5	ENSG00000124160	305	0.3	0.21	0.002	0.098	NA
chr20	30225572	30225852	COX4I2	ENSG00000131055	21	0.96	0.62	0.0022	0.34	NA
chr20	60941619	60942684	LAMA5	ENSG00000130702	175	0.3	0.18	0.0022	0.12	NA
chr20	1246693	1247485	SNPH	ENSG00000101298	129	0.4	0.18	0.0023	0.22	NA
chr20	18036864	18038633	OVOL2	ENSG00000125850	773	0.25	0.15	0.0026	0.096	NA
chr20	62551622	62551914	MIR941-1	ENSG00000215946	392	0.97	0.75	0.0026	0.22	NA
chr20	61903907	61904701	NKAIN4	ENSG00000101198	-258	0.27	0.18	0.0027	0.093	NA
chr20	43438737	43439546	RIMS4	ENSG00000101098	-229	0.28	0.16	0.0029	0.12	NA
chr20	2820509	2821911	FAM113A	ENSG00000132635	107	0.41	0.27	0.0031	0.14	NA
chr20	50721310	50721912	ZFP64	ENSG00000020256	-222	0.25	0.14	0.0033	0.11	NA
chr20	21080929	21082824	NCRNA00237	ENSG00000225127	324	0.28	0.18	0.0034	0.099	NA
chr20	5591490	5591875	GPCPD1	ENSG00000125772	-112	0.38	0.23	0.0036	0.15	NA
chr20	25388232	25388642	GINS1	ENSG00000101003	74	0.3	0.09	0.0036	0.21	NA
chr20	43280061	43280727	ADA	ENSG00000196839	-92	0.33	0.2	0.0037	0.14	NA
chr20	30437283	30437732	DUSP15	ENSG00000149599	-146	0.24	0.48	0.0041	-0.24	NA
chr20	35169189	35169540	MYL9	ENSG00000101335	-523	0.96	0.8	0.0041	0.16	NA
chr20	1293681	1294328	SDCBP2	ENSG00000125775	313	0.52	0.35	0.0045	0.17	NA
chr20	62257589	62259476	GMEB2	ENSG00000101216	-138	0.29	0.21	0.0047	0.08	NA
chr20	1927718	1928118	RP4-684O24.5	ENSG00000233896	26	0.52	0.15	0.0052	0.37	NA
chr20	55200279	55206789	TFAP2C	ENSG00000087510	-824	0.3	0.24	0.0053	0.054	NA
chr20	61151586	61151903	MIR1-1	ENSG00000199017	234	0.91	0.43	0.0054	0.48	NA
chr20	54578603	54580678	CBLN4	ENSG00000054803	888	0.23	0.17	0.0055	0.063	NA

chr20	62886688	62887463	PCMTD2	ENSG00000203880	27	0.26	0.13	0.0057	0.13	NA
chr20	9819271	9819861	PAK7	ENSG00000101349	-87	0.31	0.2	0.0063	0.11	NA
chr20	23338410	23339078	RP3-322G13.5	ENSG00000232645	-252	0.28	0.17	0.0066	0.1	NA
chr20	18447429	18448341	C20orf12	ENSG00000089091	-240	0.25	0.15	0.0067	0.1	NA
chr20	55904668	55904976	SPO11	ENSG00000054796	7	0.97	0.7	0.0068	0.27	NA
chr20	58152280	58152847	PHACTR3	ENSG00000087495	-1	0.34	0.21	0.008	0.13	NA
chr20	62283516	62284835	STMN3	ENSG00000197457	-56	0.24	0.17	0.0081	0.074	NA
chr20	2632678	2633690	NOP56	ENSG00000101361	393	0.23	0.15	0.0082	0.087	NA
chr20	327376	328977	NRSN2	ENSG00000125841	649	0.3	0.19	0.0084	0.11	NA
chr20	31407531	31408124	MAPRE1	ENSG00000101367	128	0.27	0.13	0.0094	0.14	NA
chr20	62496243	62497196	TPD52L2	ENSG00000101150	123	0.27	0.17	0.01	0.099	NA
chr20	1206679	1207119	RAD21L1	ENSG00000244588	199	0.24	0.11	0.012	0.14	NA
chr20	17511478	17512209	BFSP1	ENSG00000125864	171	0.36	0.23	0.012	0.12	NA
chr20	30605744	30605970	C20orf160	ENSG00000101331	-1164	0.78	0.33	0.012	0.44	NA
chr20	43150299	43150779	SERINC3	ENSG00000132824	112	0.3	0.2	0.013	0.1	NA
chr20	55926212	55926585	RAE1	ENSG00000101146	119	0.33	0.16	0.013	0.17	NA
chr20	42219516	42219988	IFT52	ENSG00000101052	181	0.34	0.16	0.014	0.18	NA
chr20	46413742	46415507	SULF2	ENSG00000196562	-391	0.23	0.3	0.015	-0.072	NA
chr20	59826977	59828978	CDH4	ENSG00000179242	418	0.22	0.17	0.016	0.054	NA
chr20	633541	634330	SRXN1	ENSG00000172070	79	0.22	0.15	0.018	0.07	NA
chr20	32399262	32399550	CHMP4B	ENSG00000101421	296	0.3	0.19	0.018	0.12	NA
chr20	45317691	45318458	TP53RK	ENSG00000172315	5	0.21	0.31	0.018	-0.096	NA
chr20	49547068	49547516	ADNP	ENSG00000101126	235	0.23	0.13	0.018	0.098	NA
chr20	18485170	18485580	RPS19P1	ENSG00000214612	98	0.44	0.63	0.019	-0.2	NA
chr20	33680438	33681029	TRPC4AP	ENSG00000100991	-123	0.4	0.22	0.019	0.19	NA
chr20	30457907	30458712	DUSP15	ENSG00000149599	-305	0.24	0.35	0.02	-0.11	NA
chr20	32950984	32951969	ITCH	ENSG00000078747	435	0.24	0.17	0.02	0.065	NA
chr20	34359673	34360250	PHF20	ENSG00000025293	65	0.22	0.14	0.02	0.079	NA
chr20	61884644	61886387	NKAIN4	ENSG00000101198	-726	0.25	0.19	0.02	0.063	NA
chr20	3800761	3801546	C20orf29	ENSG00000125843	-25	0.29	0.17	0.021	0.12	NA

chr20	35579337	35580451	SAMHD1	ENSG00000101347	217	0.17	0.26	0.024	-0.084	NA
chr20	48769945	48770709	TMEM189-UBE2V1	ENSG00000124208	-153	0.22	0.15	0.024	0.073	NA
chr20	4129482	4130412	SMOX	ENSG00000088826	365	0.24	0.18	0.026	0.061	NA
chr20	22567453	22567880	FOXA2	ENSG00000125798	-1573	0.36	0.18	0.026	0.18	NA
chr20	39765229	39766832	PLCG1	ENSG00000124181	430	0.21	0.15	0.026	0.067	NA
chr20	60961570	60962753	RPS21	ENSG00000171858	56	0.25	0.16	0.027	0.092	NA
chr20	39657061	39658412	TOP1	ENSG00000198900	278	0.25	0.19	0.028	0.061	NA
chr20	30539523	30539959	PDRG1	ENSG00000088356	154	0.26	0.17	0.029	0.093	NA
chr20	61150437	61150646	C20orf166	ENSG00000174407	-227	0.94	0.81	0.029	0.13	NA
chr20	36012595	36013439	SRC	ENSG00000197122	291	0.22	0.14	0.03	0.087	NA
chr20	982652	983252	RSPO4	ENSG00000101282	-48	0.27	0.18	0.031	0.092	NA
chr20	13619285	13619770	TASP1	ENSG00000089123	23	0.37	0.2	0.031	0.17	NA
chr20	61435828	61437150	OGFR	ENSG00000060491	302	0.28	0.21	0.031	0.073	NA
chr20	6032675	6033517	LRRN4	ENSG00000125872	1599	0.29	0.22	0.032	0.072	NA
chr20	21086139	21087175	NCRNA00237	ENSG00000225127	318	0.26	0.16	0.032	0.095	NA
chr20	33734567	33735280	EDEM2	ENSG00000088298	218	0.19	0.29	0.032	-0.11	NA
chr20	34893891	34895214	DLGAP4	ENSG00000080845	294	0.21	0.15	0.032	0.065	NA
chr20	36031537	36031810	SRC	ENSG00000197122	957	0.89	0.97	0.032	-0.079	NA
chr20	62688551	62688878	TCEA2	ENSG00000171703	68	0.85	0.57	0.032	0.28	NA
chr20	48429172	48429645	SLC9A8	ENSG00000197818	158	0.19	0.34	0.033	-0.15	NA
chr20	62203871	62204579	RP4-697K14.7	ENSG00000130589	-417	0.85	0.92	0.033	-0.07	NA
chr20	33412857	33413602	NCOA6	ENSG00000198646	204	0.25	0.17	0.034	0.076	NA
chr20	34188719	34190267	FER1L4	ENSG00000088340	-797	0.41	0.32	0.035	0.097	NA
chr20	49574816	49576287	DPM1	ENSG00000000419	-493	0.38	0.29	0.035	0.088	NA
chr20	30945647	30947033	ASXL1	ENSG00000171456	193	0.3	0.21	0.037	0.089	NA
chr20	60794179	60796121	HRH3	ENSG00000101180	161	0.33	0.26	0.039	0.079	NA
chr20	34680003	34681001	EPB41L1	ENSG00000088367	-100	0.15	0.22	0.041	-0.065	NA
chr20	35401825	35402457	DSN1	ENSG00000149636	-18	0.17	0.12	0.041	0.055	NA
chr20	43940306	43941111	RBPJL	ENSG00000124232	-1967	0.68	0.53	0.041	0.15	NA
chr20	58179808	58180787	PHACTR3	ENSG00000087495	694	0.33	0.22	0.042	0.11	NA

chr20	590222	591222	TCF15	ENSG00000125878	320	0.23	0.16	0.043	0.069	NA
chr20	49411401	49412142	BCAS4	ENSG00000124243	340	0.37	0.25	0.043	0.12	NA
chr20	3026277	3027468	MRPS26	ENSG00000125901	281	0.19	0.14	0.044	0.054	NA
chr20	61806254	61810867	MIR124-3	ENSG00000207598	-1292	0.25	0.21	0.046	0.039	NA
chr20	20344400	20350605	INSM1	ENSG00000173404	-1263	0.5	0.46	0.048	0.039	NA
chr20	62185073	62185572	C20orf195	ENSG00000125531	-174	0.29	0.54	0.048	-0.25	NA
chr20	57415135	57417153	GNAS	ENSG00000087460	745	0.42	0.48	0.052	-0.054	NA
chr20	62200085	62200320	RP4-697K14.12	ENSG00000241624	-244	0.8	0.92	0.052	-0.12	NA
chr20	35807409	35808043	RPN2	ENSG00000118705	277	0.3	0.21	0.053	0.086	NA
chr20	62151045	62152847	PPDPF	ENSG00000125534	-131	0.27	0.21	0.054	0.055	NA
chr20	25061761	25062928	VSX1	ENSG00000100987	423	0.37	0.44	0.055	-0.067	NA
chr20	31330957	31331410	COMMD7	ENSG00000149600	620	0.23	0.14	0.055	0.085	NA
chr20	60717598	60719667	PSMA7	ENSG00000101182	-980	0.24	0.2	0.056	0.044	NA
chr20	1446936	1447729	NSFL1C	ENSG00000088833	135	0.17	0.29	0.057	-0.12	NA
chr20	18117962	18118989	AL050321.1	ENSG00000232838	-24	0.22	0.16	0.058	0.058	NA
chr20	61447685	61448891	COL9A3	ENSG00000092758	-126	0.29	0.24	0.058	0.054	NA
chr20	44044652	44045147	PIGT	ENSG00000124155	192	0.19	0.28	0.059	-0.084	NA
chr20	36531143	36532133	VSTM2L	ENSG00000132821	139	0.29	0.38	0.06	-0.093	NA
chr20	44642094	44642406	MMP9	ENSG00000100985	1696	0.3	0.51	0.063	-0.22	NA
chr20	45142000	45142337	ZNF334	ENSG00000198185	25	0.47	0.24	0.063	0.24	NA
chr20	62200652	62200953	RP4-697K14.12	ENSG00000241624	-844	0.24	0.39	0.064	-0.15	NA
chr20	33814545	33815131	MMP24	ENSG00000125966	296	0.28	0.18	0.065	0.1	NA
chr20	39316039	39316322	MAFB	ENSG00000204103	1318	0.24	0.37	0.065	-0.13	NA
chr20	17550330	17551317	DSTN	ENSG00000125868	315	0.28	0.2	0.067	0.079	NA
chr20	34042854	34043585	CEP250	ENSG00000126001	234	0.26	0.17	0.067	0.084	NA
chr20	61456339	61456565	COL9A3	ENSG00000092758	678	0.14	1	0.067	-0.86	NA
chr20	43538616	43539060	PABPC1L	ENSG00000101104	135	0.29	0.2	0.068	0.098	NA
chr20	56283891	56285395	PMEPA1	ENSG00000124225	173	0.29	0.23	0.069	0.061	NA
chr20	17549628	17550051	BFSP1	ENSG00000125864	26	0.29	0.15	0.071	0.14	NA
chr20	35201323	35203490	RP5-977B1.7	ENSG00000232907	-1019	0.32	0.27	0.072	0.049	NA

chr20	61877854	61878071	NKAIN4	ENSG00000101198	541	0.78	0.87	0.072	-0.094	NA
chr20	2187532	2188576	RP11-128M1.1	ENSG00000226644	191	0.17	0.23	0.073	-0.062	NA
chr20	32254811	32255989	NECAB3	ENSG00000125967	-935	0.2	0.15	0.073	0.049	NA
chr20	33104112	33104543	DYNLRB1	ENSG00000125971	113	0.3	0.17	0.074	0.12	NA
chr20	53091733	53092993	DOK5	ENSG00000101134	227	0.31	0.21	0.074	0.092	NA
chr20	44640288	44641210	MMP9	ENSG00000100985	195	0.5	0.42	0.075	0.083	NA
chr20	32699257	32700281	EIF2S2	ENSG00000125977	369	0.29	0.22	0.076	0.076	NA
chr20	24972665	24973700	C20orf3	ENSG00000101474	96	0.21	0.16	0.082	0.056	NA
chr20	45034723	45035418	ELMO2	ENSG00000062598	128	0.22	0.15	0.083	0.072	NA
chr20	5930962	5931623	TRMT6	ENSG00000089195	-241	0.32	0.18	0.086	0.14	NA
chr20	61870781	61871178	BIRC7	ENSG00000101197	1425	0.65	0.8	0.088	-0.15	NA
chr20	37063525	37064106	RP4-564F22.2	ENSG00000196756	101	0.21	0.14	0.089	0.062	NA
chr20	44651066	44651369	RP11-465L10.10	ENSG00000204044	-505	0.38	0.21	0.092	0.18	NA
chr20	62612300	62612787	PRPF6	ENSG00000101161	55	0.18	0.26	0.092	-0.078	NA
chr20	33146135	33147318	MAP1LC3A	ENSG00000101460	204	0.26	0.21	0.096	0.045	NA
chr20	37352130	37357372	SLC32A1	ENSG00000101438	1646	0.25	0.22	0.096	0.034	NA
chr20	62669304	62670730	NCRNA00176	ENSG00000196421	532	0.2	0.25	0.097	-0.044	NA
chr20	62586919	62588218	UCKL1	ENSG00000198276	126	0.25	0.19	0.098	0.057	NA
chr20	37274691	37275134	ARHGAP40	ENSG00000124143	-794	0.21	0.5	0.099	-0.29	NA
chr20	47894197	47895199	ZNFX1	ENSG00000124201	-120	0.25	0.19	0.1	0.062	NA
chr20	58507755	58509517	SYCP2	ENSG00000196074	-220	0.62	0.57	0.1	0.056	NA
chr20	2732746	2733630	EBF4	ENSG00000088881	424	0.23	0.17	0.11	0.06	NA
chr20	23028403	23032218	THBD	ENSG00000178726	26	0.23	0.26	0.11	-0.031	NA
chr20	61636171	61639055	BHLHE23	ENSG00000125533	774	0.23	0.26	0.11	-0.036	NA
chr20	62737382	62738071	NPBWR2	ENSG00000125522	798	0.9	1	0.11	-0.1	NA
chr20	10414276	10414993	MKKS	ENSG00000125863	236	0.23	0.39	0.12	-0.16	NA
chr20	17209418	17209622	PCSK2	ENSG00000125851	744	0.31	0.12	0.12	0.19	NA
chr20	19997704	19998559	NAA20	ENSG00000173418	371	0.26	0.19	0.12	0.071	NA
chr20	30192006	30192273	ID1	ENSG00000125968	-947	0.12	0.2	0.12	-0.086	NA
chr20	40246345	40247841	CHD6	ENSG00000124177	-79	0.28	0.22	0.12	0.055	NA

chr20	43729515	43729791	KCNS1	ENSG00000124134	97	0.29	0.4	0.12	-0.11	NA
chr20	44462383	44463169	TNNC2	ENSG00000101470	-392	0.27	0.21	0.12	0.062	NA
chr20	3211390	3211622	SLC4A11	ENSG00000088836	-300	0.82	1	0.13	-0.18	NA
chr20	25990391	25990741	RP4-760C5.3	ENSG00000231081	601	0.21	0.35	0.13	-0.15	NA
chr20	30639908	30640786	HCK	ENSG00000101336	356	0.17	0.23	0.13	-0.062	NA
chr20	42839134	42839883	C20orf111	ENSG00000132823	-77	0.2	0.14	0.13	0.063	NA
chr20	47804353	47805160	STAU1	ENSG00000124214	148	0.23	0.17	0.13	0.057	NA
chr20	10200088	10200384	RP5-839B4.7	ENSG00000227906	-82	0.27	0.17	0.14	0.11	NA
chr20	24449844	24452037	TMEM90B	ENSG00000101463	1105	0.22	0.17	0.14	0.051	NA
chr20	34541602	34543012	SCAND1	ENSG00000171222	241	0.25	0.21	0.14	0.038	NA
chr20	49126617	49127435	PTPN1	ENSG00000196396	135	0.31	0.25	0.14	0.064	NA
chr20	2644561	2644901	IDH3B	ENSG00000101365	103	0.21	0.31	0.15	-0.1	NA
chr20	33464156	33464645	ACSS2	ENSG00000131069	162	0.23	0.31	0.15	-0.082	NA
chr20	35491001	35492805	KIAA0889	ENSG00000149639	186	0.29	0.24	0.15	0.051	NA
chr20	62610126	62611163	SAMD10	ENSG00000130590	351	0.23	0.17	0.15	0.054	NA
chr20	3190011	3190562	ITPA	ENSG00000125877	230	0.24	0.18	0.16	0.06	NA
chr20	46579791	46580167	RP11-347D21.1	ENSG00000234967	436	1	0.96	0.16	0.039	NA
chr20	57428308	57428516	GNAS	ENSG00000087460	94	0.85	0.92	0.16	-0.077	NA
chr20	61640480	61641168	AL121673.1	ENSG00000203905	89	0.24	0.3	0.16	-0.064	NA
chr20	21686199	21687689	PAX1	ENSG00000125813	647	0.2	0.25	0.17	-0.048	NA
chr20	23969149	23969433	GGTLC1	ENSG00000149435	125	0.89	0.98	0.17	-0.085	NA
chr20	35974177	35974913	SRC	ENSG00000197122	7	0.3	0.22	0.17	0.081	NA
chr20	47662732	47663449	CSE1L	ENSG00000124207	252	0.17	0.25	0.17	-0.09	NA
chr20	49626063	49626843	RP5-955M13.3	ENSG00000248832	-1876	0.94	0.91	0.17	0.031	NA
chr20	57599202	57599408	AL109840.1	ENSG00000221482	-260	0.96	1	0.17	-0.035	NA
chr20	5296266	5297798	PROKR2	ENSG00000101292	346	0.22	0.19	0.18	0.036	NA
chr20	17948755	17949921	SNX5	ENSG00000089006	-237	0.2	0.27	0.18	-0.065	NA
chr20	31989144	31989418	CDK5RAP1	ENSG00000101391	-23	0.13	0.19	0.18	-0.054	NA
chr20	35233829	35234782	C20orf24	ENSG00000101084	168	0.19	0.15	0.18	0.039	NA
chr20	44034458	44035954	TP53TG5	ENSG00000124251	-572	0.22	0.18	0.18	0.039	NA

chr20	48184193	48184833	PTGIS	ENSG00000124212	140	0.3	0.23	0.18	0.078	NA
chr20	62168432	62168684	PTK6	ENSG00000101213	137	0.82	0.97	0.18	-0.14	NA
chr20	25037707	25039211	ACSS1	ENSG00000154930	359	0.19	0.24	0.19	-0.047	NA
chr20	62127243	62127735	EEF1A2	ENSG00000101210	1698	0.3	0.37	0.19	-0.068	NA
chr20	30795282	30795841	PLAGL2	ENSG00000126003	33	0.25	0.15	0.2	0.097	NA
chr20	47013682	47013970	RP1-66N13.1	ENSG00000236874	-188	0.9	0.82	0.2	0.077	NA
chr20	61287997	61288480	SLCO4A1	ENSG00000101187	431	0.9	1	0.2	-0.1	NA
chr20	1373259	1373917	FKBP1A	ENSG00000088832	18	0.35	0.21	0.21	0.14	NA
chr20	3184874	3185385	DDRKG1	ENSG00000198171	174	0.28	0.21	0.21	0.077	NA
chr20	44657463	44659243	SLC12A5	ENSG00000124140	518	0.27	0.32	0.21	-0.048	NA
chr20	55043375	55043766	C20orf43	ENSG00000022277	-77	0.43	0.27	0.21	0.17	NA
chr20	61273277	61274917	SLCO4A1	ENSG00000101187	300	0.19	0.22	0.21	-0.033	NA
chr20	62205585	62205887	RP4-697K14.7	ENSG00000130589	-144	0.23	0.41	0.21	-0.18	NA
chr20	62714763	62715761	C20orf201	ENSG00000171695	450	0.31	0.25	0.21	0.059	NA
chr20	21689758	21690048	PAX1	ENSG00000125813	995	0.33	0.17	0.22	0.17	NA
chr20	30311065	30311872	BCL2L1	ENSG00000171552	235	0.23	0.19	0.22	0.041	NA
chr20	32319505	32320554	RP4-553F4.2	ENSG00000229188	-395	0.24	0.19	0.22	0.046	NA
chr20	37230523	37230742	ARHGAP40	ENSG00000124143	55	0.43	0.25	0.22	0.18	NA
chr20	814120	814755	FAM110A	ENSG00000125898	79	0.37	0.28	0.23	0.086	NA
chr20	43991615	43992376	SYS1	ENSG00000204070	327	0.22	0.15	0.23	0.065	NA
chr20	34329490	34330563	RBM39	ENSG00000131051	-506	0.23	0.17	0.24	0.055	NA
chr20	271055	271437	C20orf96	ENSG00000196476	-176	0.22	0.13	0.25	0.089	NA
chr20	3451291	3452231	ATRN	ENSG00000088812	74	0.17	0.14	0.25	0.03	NA
chr20	32378837	32379191	RP4-553F4.6	ENSG00000230753	1819	1	0.96	0.25	0.044	NA
chr20	21283636	21284446	XRN2	ENSG00000088930	99	0.24	0.19	0.26	0.043	NA
chr20	48806598	48809022	CEBPB	ENSG00000172216	434	0.21	0.18	0.26	0.023	NA
chr20	60982405	60982780	CABLES2	ENSG00000149679	-251	0.25	0.2	0.26	0.055	NA
chr20	18268544	18269405	ZNF133	ENSG00000125846	-147	0.35	0.22	0.27	0.13	NA
chr20	42875764	42876184	GDAP1L1	ENSG00000124194	87	0.22	0.16	0.27	0.058	NA
chr20	61951346	61951549	COL20A1	ENSG00000101203	-4	0.96	0.93	0.27	0.038	NA

chr20	62525796	62526638	DNAJC5	ENSG00000101152	-301	0.2	0.25	0.27	-0.052	NA
chr20	33543082	33543846	GSS	ENSG00000100983	156	0.29	0.23	0.28	0.06	NA
chr20	34286821	34287701	NFS1	ENSG00000244005	-150	0.18	0.15	0.28	0.032	NA
chr20	61917499	61917768	ARFGAP1	ENSG00000101199	491	0.97	0.91	0.28	0.061	NA
chr20	10152768	10153193	RP11-416N4.4	ENSG00000230506	-1188	0.44	0.26	0.29	0.18	NA
chr20	43104406	43104654	TTPAL	ENSG00000124120	4	0.22	0.15	0.29	0.071	NA
chr20	25603815	25605187	RP4-694B14.5	ENSG00000213742	-180	0.23	0.27	0.3	-0.039	NA
chr20	43588720	43589230	TOMM34	ENSG00000025772	152	0.25	0.2	0.3	0.043	NA
chr20	61557027	61558214	DIDO1	ENSG00000101191	201	0.21	0.18	0.3	0.027	NA
chr20	32031042	32031964	SNTA1	ENSG00000101400	195	0.17	0.2	0.31	-0.036	NA
chr20	44639135	44639988	MMP9	ENSG00000100985	-993	0.31	0.35	0.31	-0.048	NA
chr20	52209590	52211360	ZNF217	ENSG00000171940	-97	0.31	0.26	0.31	0.048	NA
chr20	62693942	62695282	TCEA2	ENSG00000171703	115	0.18	0.16	0.31	0.029	NA
chr20	23401108	23402294	NAPB	ENSG00000125814	350	0.24	0.19	0.32	0.05	NA
chr20	33879904	33880215	FAM83C	ENSG00000125998	145	0.78	0.68	0.32	0.1	NA
chr20	49548194	49548525	ADNP	ENSG00000101126	-609	0.43	0.1	0.32	0.33	NA
chr20	60885967	60886180	LAMA5	ENSG00000130702	-605	0.16	0.27	0.32	-0.11	NA
chr20	48552705	48553534	RNF114	ENSG00000124226	174	0.22	0.16	0.33	0.057	NA
chr20	61927194	61927482	COL20A1	ENSG00000101203	946	0.59	0.53	0.33	0.06	NA
chr20	62710769	62711745	RGS19	ENSG00000171700	-479	0.21	0.17	0.33	0.042	NA
chr20	23336868	23337201	RP3-322G13.5	ENSG00000232645	1458	0.6	0.68	0.34	-0.078	NA
chr20	61455418	61455747	COL9A3	ENSG00000092758	-192	0.82	0.93	0.34	-0.11	NA
chr20	43374349	43374890	KCNK15	ENSG00000124249	198	0.2	0.23	0.35	-0.034	NA
chr20	57414595	57414896	GNAS	ENSG00000087460	-28	0.44	0.51	0.36	-0.069	NA
chr20	62439107	62439833	RP4-583P15.11	ENSG00000231208	41	1	0.97	0.36	0.026	NA
chr20	30192854	30194025	ID1	ENSG00000125968	353	0.21	0.17	0.37	0.038	NA
chr20	60696561	60698342	LSM14B	ENSG00000149657	-66	0.22	0.19	0.37	0.027	NA
chr20	9495253	9495597	C20orf103	ENSG00000125869	154	0.18	0.13	0.38	0.045	NA
chr20	44642605	44643111	AL162458.1	ENSG00000203346	-1253	0.2	0.27	0.38	-0.067	NA
chr20	4152866	4153398	SMOX	ENSG00000088826	775	0.18	0.24	0.39	-0.058	NA

chr20	50178960	50179675	NFATC2	ENSG00000101096	-149	0.26	0.32	0.39	-0.064	NA
chr20	23015716	23016879	SSTR4	ENSG00000132671	240	0.49	0.45	0.4	0.038	NA
chr20	43514595	43514885	YWHAB	ENSG00000166913	347	0.21	0.14	0.4	0.072	NA
chr20	44518897	44520361	NEURL2	ENSG00000124257	-514	0.22	0.2	0.4	0.021	NA
chr20	61467585	61468124	COL9A3	ENSG00000092758	83	0.9	0.86	0.4	0.035	NA
chr20	30606492	30607174	C20orf160	ENSG00000101331	-188	0.2	0.17	0.41	0.033	NA
chr20	37075227	37075854	SNHG11	ENSG00000174365	243	0.2	0.25	0.41	-0.049	NA
chr20	54967036	54968001	AURKA	ENSG00000087586	-331	0.17	0.2	0.41	-0.033	NA
chr20	62681074	62681332	TCEA2	ENSG00000171703	14	0.3	0.36	0.41	-0.067	NA
chr20	33264666	33265193	PIGU	ENSG00000101464	-40	0.27	0.13	0.42	0.14	NA
chr20	47538163	47538672	ARFGEF2	ENSG00000124198	142	0.29	0.22	0.42	0.074	NA
chr20	16553836	16554260	KIF16B	ENSG00000089177	30	0.18	0.15	0.43	0.037	NA
chr20	37376621	37377430	ACTR5	ENSG00000101442	-60	0.2	0.16	0.43	0.038	NA
chr20	57607045	57607782	ATP5E	ENSG00000124172	-66	0.16	0.18	0.43	-0.024	NA
chr20	60639272	60639835	TAF4	ENSG00000130699	1290	0.31	0.25	0.43	0.058	NA
chr20	62461266	62462037	ZBTB46	ENSG00000130584	916	0.18	0.24	0.43	-0.062	NA
chr20	33865767	33866091	MT1P3	ENSG00000126005	-99	0.29	0.23	0.44	0.067	NA
chr20	62571738	62572556	MIR1914	ENSG00000223010	750	0.96	0.94	0.44	0.018	NA
chr20	16710507	16711115	SNRPB2	ENSG00000125870	205	0.21	0.14	0.45	0.067	NA
chr20	51589707	51590020	TSHZ2	ENSG00000182463	917	0.44	0.32	0.45	0.12	NA
chr20	60757609	60758378	GTPBP5	ENSG00000101181	-92	0.24	0.21	0.45	0.031	NA
chr20	32251123	32251832	NECAB3	ENSG00000125967	48	0.17	0.15	0.46	0.027	NA
chr20	42939450	42940043	FITM2	ENSG00000197296	63	0.16	0.2	0.46	-0.038	NA
chr20	43160339	43160817	PKIG	ENSG00000168734	152	0.26	0.3	0.46	-0.048	NA
chr20	18488084	18488804	SEC23B	ENSG00000101310	307	0.19	0.15	0.47	0.034	NA
chr20	61339858	61341220	NTSR1	ENSG00000101188	350	0.26	0.23	0.47	0.035	NA
chr20	8112884	8113592	PLCB1	ENSG00000182621	-34	0.18	0.23	0.48	-0.042	NA
chr20	32580799	32582502	RP5-1125A11.1	ENSG00000228265	-720	0.22	0.25	0.48	-0.035	NA
chr20	48329645	48330682	B4GALT5	ENSG00000158470	252	0.23	0.21	0.48	0.022	NA
chr20	56963998	56964804	VAPB	ENSG00000124164	223	0.17	0.21	0.48	-0.03	NA

chr20	30865547	30865791	KIF3B	ENSG00000101350	202	0.08	0.16	0.5	-0.082	NA
chr20	44935932	44937310	CDH22	ENSG00000149654	516	0.18	0.2	0.5	-0.026	NA
chr20	3869453	3870570	PANK2	ENSG00000125779	525	0.15	0.16	0.51	-0.018	NA
chr20	5986399	5987297	AL035461.1	ENSG00000247862	-381	0.22	0.2	0.51	0.025	NA
chr20	7999789	8000499	TMX4	ENSG00000125827	149	0.24	0.19	0.51	0.045	NA
chr20	10652573	10655611	JAG1	ENSG00000101384	516	0.28	0.26	0.51	0.017	NA
chr20	44420497	44420868	WFDC3	ENSG00000124116	-175	0.24	0.18	0.51	0.061	NA
chr20	44539729	44540099	PLTP	ENSG00000100979	-338	0.31	0.21	0.51	0.1	NA
chr20	57875317	57876126	EDN3	ENSG00000124205	239	0.25	0.2	0.51	0.046	NA
chr20	62317505	62317775	RTEL1	ENSG0000026036	-84	0.89	0.93	0.51	-0.045	NA
chr20	3209045	3209388	SLC4A11	ENSG00000088836	1206	0.92	0.95	0.52	-0.026	NA
chr20	9496471	9496893	RP5-1119D9.4	ENSG00000225988	-1037	0.27	0.22	0.52	0.048	NA
chr20	45523250	45524020	EYA2	ENSG00000064655	372	0.22	0.18	0.52	0.039	NA
chr20	3776618	3777374	CDC25B	ENSG00000101224	58	0.25	0.22	0.53	0.031	NA
chr20	3827225	3828031	MAVS	ENSG00000088888	141	0.28	0.26	0.53	0.028	NA
chr20	21083501	21083847	NCRNA00237	ENSG00000225127	-1474	0.24	0.18	0.53	0.059	NA
chr20	21683744	21684420	AL035562.1	ENSG00000223871	141	0.29	0.39	0.53	-0.1	NA
chr20	43976533	43977242	SDC4	ENSG00000124145	177	0.17	0.2	0.54	-0.031	NA
chr20	48531603	48532316	SPATA2	ENSG00000158480	86	0.17	0.15	0.54	0.019	NA
chr20	57427691	57427995	GNAS	ENSG00000087460	-475	0.43	0.53	0.54	-0.097	NA
chr20	25228300	25229402	PYGB	ENSG00000100994	146	0.24	0.22	0.55	0.02	NA
chr20	61427668	61428098	C20orf20	ENSG00000101189	78	0.22	0.26	0.55	-0.045	NA
chr20	5093360	5094145	C20orf30	ENSG00000089063	-353	0.29	0.25	0.56	0.047	NA
chr20	17661521	17663456	RRBP1	ENSG00000125844	217	0.24	0.23	0.56	0.018	NA
chr20	61492119	61493626	TCFL5	ENSG00000101190	243	0.24	0.23	0.56	0.019	NA
chr20	1874933	1875718	SIRPA	ENSG00000198053	171	0.3	0.25	0.58	0.05	NA
chr20	32261944	32262410	NECAB3	ENSG00000125967	-5	0.21	0.25	0.58	-0.037	NA
chr20	34129537	34130038	ERGIC3	ENSG00000125991	17	0.18	0.25	0.58	-0.068	NA
chr20	56099970	56100250	CTCFL	ENSG00000124092	53	0.97	0.94	0.58	0.025	NA
chr20	3748053	3749407	C20orf27	ENSG00000101220	-365	0.25	0.26	0.59	-0.016	NA

chr20	6103436	6103970	FERMT1	ENSG00000101311	-26	0.17	0.2	0.59	-0.029	NA
chr20	19192459	19193902	SLC24A3	ENSG00000185052	-110	0.19	0.17	0.59	0.017	NA
chr20	25176027	25176620	ENTPD6	ENSG00000197586	-6	0.16	0.18	0.59	-0.02	NA
chr20	25565437	25566547	NINL	ENSG00000101004	161	0.22	0.2	0.59	0.019	NA
chr20	44440946	44441655	UBE2C	ENSG00000175063	85	0.22	0.26	0.59	-0.036	NA
chr20	655880	656604	SRXN1	ENSG00000172070	202	0.21	0.24	0.6	-0.03	NA
chr20	50807798	50808825	ZFP64	ENSG00000020256	-75	0.21	0.19	0.6	0.019	NA
chr20	60926764	60927157	LAMA5	ENSG00000130702	85	0.91	0.87	0.6	0.042	NA
chr20	62366249	62366535	LIME1	ENSG00000203896	-423	0.93	0.91	0.6	0.022	NA
chr20	61148081	61148990	C20orf200	ENSG00000174403	183	0.42	0.36	0.61	0.064	NA
chr20	2451075	2451572	SNRPB	ENSG00000125835	55	0.17	0.15	0.62	0.029	NA
chr20	33865333	33865563	MT1P3	ENSG00000126005	382	0.5	0.1	0.62	0.4	NA
chr20	60640721	60641805	TAF4	ENSG00000130699	-420	0.2	0.21	0.62	-0.015	NA
chr20	62374061	62374353	SLC2A4RG	ENSG00000125520	326	0.85	0.81	0.62	0.047	NA
chr20	40627224	40628025	RP5-1121H13.1	ENSG00000223651	413	0.94	0.95	0.63	-0.015	NA
chr20	4666827	4667874	PRNP	ENSG00000171867	468	0.17	0.19	0.64	-0.023	NA
chr20	57617430	57618222	SLMO2	ENSG00000101166	-39	0.22	0.24	0.64	-0.021	NA
chr20	304826	308323	RP5-1103G7.4	ENSG00000225377	-696	0.18	0.19	0.65	-0.0089	NA
chr20	44098280	44099536	WFDC2	ENSG00000101443	562	0.32	0.29	0.65	0.026	NA
chr20	49639071	49640212	KCNG1	ENSG0000026559	-24	0.26	0.27	0.66	-0.014	NA
chr20	60775742	60776152	GTPBP5	ENSG00000101181	-879	0.96	0.98	0.66	-0.016	NA
chr20	3713159	3713515	HSPA12B	ENSG00000132622	23	0.27	0.25	0.67	0.022	NA
chr20	37554754	37555835	FAM83D	ENSG00000101447	339	0.23	0.21	0.67	0.021	NA
chr20	50158904	50159509	NFATC2	ENSG00000101096	52	0.21	0.24	0.67	-0.028	NA
chr20	57556341	57556726	TH1L	ENSG00000101158	203	0.29	0.15	0.67	0.14	NA
chr20	61426696	61427099	C20orf20	ENSG00000101189	-908	0.69	0.78	0.67	-0.091	NA
chr20	37464502	37464847	PPP1R16B	ENSG00000101445	-67	0.93	0.95	0.68	-0.022	NA
chr20	39994545	39995810	EMILIN3	ENSG00000183798	290	0.23	0.21	0.68	0.015	NA
chr20	35917988	35918261	MANBAL	ENSG00000101363	83	0.17	0.19	0.69	-0.025	NA
chr20	1305899	1306554	RP11-314N13.4	ENSG00000234684	161	0.19	0.16	0.7	0.023	NA

chr20	34252556	34252927	CPNE1	ENSG00000214078	18	0.31	0.28	0.7	0.033	NA
chr20	35060057	35060262	DLGAP4	ENSG00000080845	38	0.91	0.95	0.7	-0.038	NA
chr20	60877499	60879008	ADRM1	ENSG00000130706	201	0.19	0.2	0.7	-0.0093	NA
chr20	16555518	16555779	KIF16B	ENSG00000089177	-1570	0.24	0.33	0.71	-0.096	NA
chr20	20692747	20693786	RALGAPA2	ENSG00000188559	-135	0.2	0.22	0.71	-0.022	NA
chr20	36888891	36889442	KIAA1755	ENSG00000149633	8	0.57	0.39	0.71	0.18	NA
chr20	42295399	42296320	MYBL2	ENSG00000101057	105	0.3	0.27	0.71	0.03	NA
chr20	48598959	48599657	SNAI1	ENSG00000124216	-228	0.39	0.43	0.71	-0.038	NA
chr20	62575724	62576052	MIR647	ENSG00000207554	-1809	0.79	0.76	0.71	0.032	NA
chr20	23342145	23343406	GZF1	ENSG00000125812	-12	0.2	0.19	0.72	0.012	NA
chr20	25676700	25677784	ZNF337	ENSG00000130684	209	0.18	0.19	0.72	-0.014	NA
chr20	37101171	37101742	RALGAPB	ENSG00000170471	-3	0.14	0.15	0.72	-0.011	NA
chr20	56803282	56804112	ANKRD60	ENSG00000124227	-2	0.27	0.25	0.73	0.023	NA
chr20	60738312	60738728	SS18L1	ENSG00000184402	6	0.91	0.94	0.73	-0.028	NA
chr20	31070189	31072676	C20orf112	ENSG00000197183	-158	0.22	0.23	0.74	-0.0092	NA
chr20	62492849	62494249	ABHD16B	ENSG00000183260	983	0.97	0.98	0.74	-0.0045	NA
chr20	11871374	11872207	BTBD3	ENSG00000132640	325	0.2	0.21	0.75	-0.017	NA
chr20	62102541	62103995	KCNQ2	ENSG00000075043	723	0.22	0.2	0.75	0.011	NA
chr20	2489796	2489998	ZNF343	ENSG00000088876	-119	0.24	0.19	0.76	0.047	NA
chr20	30102057	30102856	HM13	ENSG00000101294	225	0.17	0.15	0.76	0.015	NA
chr20	34203678	34204301	SPAG4	ENSG00000061656	175	0.17	0.19	0.76	-0.019	NA
chr20	55966212	55966964	RBM38	ENSG00000132819	125	0.16	0.18	0.76	-0.017	NA
chr20	60813371	60814247	OSBPL2	ENSG00000130703	229	0.25	0.24	0.76	0.016	NA
chr20	388472	389342	RBCK1	ENSG00000125826	213	0.17	0.18	0.77	-0.011	NA
chr20	21106648	21106967	PLK1S1	ENSG00000088970	159	0.19	0.21	0.77	-0.016	NA
chr20	30062969	30063281	REM1	ENSG00000088320	29	0.24	0.2	0.77	0.041	NA
chr20	48100764	48101022	KCNB1	ENSG00000158445	-1709	0.2	0.3	0.77	-0.096	NA
chr20	62716288	62716533	OPRL1	ENSG00000125510	41	0.61	0.64	0.77	-0.035	NA
chr20	3387965	3388901	C20orf194	ENSG00000088854	-161	0.28	0.29	0.78	-0.014	NA
chr20	25370335	25371823	ABHD12	ENSG00000100997	-309	0.2	0.19	0.78	0.014	NA

chr20	61733275	61734521	HAR1F	ENSG00000238820	415	0.21	0.2	0.78	0.011	NA
chr20	1099078	1099561	PSMF1	ENSG00000125818	78	0.24	0.25	0.79	-0.015	NA
chr20	31350149	31351263	DNMT3B	ENSG00000088305	515	0.22	0.21	0.79	0.013	NA
chr20	49347365	49348659	PARD6B	ENSG00000124171	-69	0.24	0.25	0.79	-0.01	NA
chr20	48729268	48729798	UBE2V1	ENSG00000244687	129	0.23	0.21	0.8	0.016	NA
chr20	36156022	36156669	BLCAP	ENSG00000166619	-220	0.22	0.24	0.81	-0.017	NA
chr20	2780978	2781497	CPXM1	ENSG00000088882	36	0.27	0.24	0.82	0.035	NA
chr20	34824287	34824622	C20orf4	ENSG00000131043	73	0.21	0.19	0.82	0.021	NA
chr20	54933992	54934370	C20orf108	ENSG00000124098	16	0.25	0.3	0.82	-0.047	NA
chr20	62679424	62680883	ZNF512B	ENSG00000196700	-40	0.21	0.22	0.82	-0.0088	NA
chr20	2852899	2854635	PTPRA	ENSG00000132670	-299	0.22	0.21	0.83	0.0085	NA
chr20	17208550	17208756	PCSK2	ENSG00000125851	-123	0.23	0.26	0.83	-0.032	NA
chr20	2489190	2489644	ZNF343	ENSG00000088876	130	0.26	0.29	0.84	-0.024	NA
chr20	44574821	44575022	PCIF1	ENSG00000100982	1275	0.88	1	0.84	-0.12	NA
chr20	61846843	61848103	YTHDF1	ENSG00000149658	18	0.24	0.25	0.84	-0.0087	NA
chr20	62328013	62328558	RTEL1	ENSG00000026036	264	0.23	0.21	0.84	0.024	NA
chr20	4573176	4573496	AL121916.1	ENSG00000228210	-1390	0.23	0.2	0.85	0.028	NA
chr20	13765166	13765909	ESF1	ENSG00000089048	-5	0.22	0.21	0.85	0.013	NA
chr20	57426729	57427047	GNAS-AS1	ENSG00000235590	-930	0.46	0.44	0.85	0.016	NA
chr20	34204987	34205269	SPAG4	ENSG00000061656	160	0.41	0.37	0.86	0.037	NA
chr20	62290246	62290462	RTEL1	ENSG00000026036	-299	0.2	0.15	0.86	0.045	NA
chr20	62378179	62378612	RP4-583P15.10	ENSG00000229299	1498	0.9	0.87	0.86	0.037	NA
chr20	56884738	56885222	RAB22A	ENSG00000124209	228	0.2	0.22	0.88	-0.02	NA
chr20	3209813	3210080	SLC4A11	ENSG00000088836	476	0.84	1	0.89	-0.16	NA
chr20	17206528	17206952	PCSK2	ENSG00000125851	-12	0.31	0.24	0.89	0.072	NA
chr20	61147457	61147787	C20orf166	ENSG00000174407	-38	0.25	0.29	0.89	-0.04	NA
chr20	32307817	32308120	PXMP4	ENSG00000101417	138	0.18	0.17	0.9	0.011	NA
chr20	46130428	46131057	NCOA3	ENSG00000124151	141	0.18	0.17	0.9	0.011	NA
chr20	3218578	3220930	SLC4A11	ENSG00000088836	-942	0.23	0.23	0.91	-0.0032	NA
chr20	18568436	18569092	DTD1	ENSG00000125821	227	0.17	0.18	0.91	-0.0093	NA

chr20	19738039	19739773	RP1-122P22.2	ENSG00000233895	554	0.2	0.21	0.91	-0.0043	NA
chr20	61919024	61919803	ARFGAP1	ENSG00000101199	405	0.88	0.87	0.91	0.011	NA
chr20	1165365	1166332	C20orf46	ENSG00000125895	211	0.25	0.25	0.92	0.0062	NA
chr20	3776198	3776419	CDC25B	ENSG00000101224	-78	0.35	0.3	0.92	0.055	NA
chr20	33460430	33460866	GGT7	ENSG00000131067	-23	0.2	0.18	0.92	0.02	NA
chr20	10198135	10198984	SNAP25	ENSG00000132639	-919	0.25	0.24	0.93	0.0083	NA
chr20	13975768	13976287	SEL1L2	ENSG00000101251	-48	0.2	0.29	0.94	-0.087	NA
chr20	30071912	30072315	NCRNA00028	ENSG00000233354	-1468	0.24	0.25	0.94	-0.0075	NA
chr20	37590617	37591184	DHX35	ENSG00000101452	-42	0.18	0.17	0.95	0.0087	NA
chr20	30555901	30556502	XKR7	ENSG00000101321	396	0.18	0.17	0.96	0.0076	NA
chr20	37434206	37435592	PPP1R16B	ENSG00000101445	551	0.3	0.31	0.97	-0.004	NA
chr20	32890559	32891378	AHCY	ENSG00000101444	155	0.2	0.21	0.99	-0.0059	NA
chr20	34207447	34207681	SPAG4	ENSG00000061656	57	0.13	0.11	0.99	0.015	NA
chr20	52789252	52790986	CYP24A1	ENSG00000019186	-164	0.25	0.24	0.99	0.0025	NA
chr20	442530	443365	TBC1D20	ENSG00000125875	197	0.18	0.19	1	-0.003	NA
chr20	2505159	2505979	ZNF343	ENSG00000088876	-404	0.22	0.22	1	0.0018	NA
chr20	3140295	3140570	UBOX5	ENSG00000185019	90	0.16	0.16	1	0.0033	NA
chr20	3211906	3212178	SLC4A11	ENSG00000088836	-836	1	1	1	0	NA
chr20	3662310	3663187	ADAM33	ENSG00000149451	-93	0.19	0.19	1	-0.0004	NA
chr20	20032740	20033471	CRNKL1	ENSG00000101343	5	0.21	0.21	1	-0.0037	NA
chr20	22559553	22560001	NCRNA00261	ENSG00000225074	-497	0.18	0.18	1	0.0046	NA
chr20	23330636	23332046	NXT1	ENSG00000132661	-32	0.28	0.28	1	0.0047	NA
chr20	23346034	23346650	GZF1	ENSG00000125812	486	0.98	0.98	1	0.0054	NA
chr20	23617906	23618639	CST3	ENSG00000101439	310	0.18	0.18	1	0.0019	NA
chr20	30160786	30161107	RP3-324O17.2	ENSG00000230613	120	0.18	0.33	1	-0.15	NA
chr20	30310503	30310707	BCL2L1	ENSG00000171552	58	0.44	0.38	1	0.069	NA
chr20	30326913	30327430	TPX2	ENSG00000088325	97	0.27	0.26	1	0.00088	NA
chr20	30467544	30467965	TTLL9	ENSG00000131044	124	0.16	0.16	1	0.0048	NA
chr20	30777756	30778329	TSPY26P	ENSG00000235217	135	0.25	0.3	1	-0.05	NA
chr20	31123989	31124697	C20orf112	ENSG00000197183	-143	0.21	0.21	1	-0.001	NA

chr20	32273557	32274505	E2F1	ENSG00000101412	179	0.19	0.19	1	0.0024	NA
chr20	33147527	33147744	MAP1LC3A	ENSG00000101460	1056	0.41	0.5	1	-0.093	NA
chr20	33291815	33292568	TP53INP2	ENSG00000078804	97	0.2	0.2	1	-0.0022	NA
chr20	35467641	35467849	KIAA0889	ENSG00000149639	60	1	1	1	0	NA
chr20	36322168	36322586	CTNBL1	ENSG00000132792	-31	0.25	0.33	1	-0.083	NA
chr20	42085948	42087322	SRSF6	ENSG00000124193	67	0.2	0.2	1	0.00022	NA
chr20	43594894	43595244	RP5-1069P2.4	ENSG00000227477	-26	0.18	0.18	1	-0.0033	NA
chr20	43935199	43935633	RBPJL	ENSG00000124232	-75	0.73	0.67	1	0.061	NA
chr20	44540445	44540957	PLTP	ENSG00000100979	-15	0.21	0.2	1	0.0079	NA
chr20	44562892	44564220	PCIF1	ENSG00000100982	289	0.2	0.2	1	0.002	NA
chr20	44599805	44601207	ZNF335	ENSG00000198026	305	0.22	0.22	1	-0.0011	NA
chr20	44992677	44993103	SLC35C2	ENSG00000080189	110	0.21	0.2	1	0.0078	NA
chr20	45279781	45280169	SLC13A3	ENSG00000158296	104	0.27	0.29	1	-0.023	NA
chr20	47835783	47836067	DDX27	ENSG00000124228	93	0.23	0.22	1	0.0053	NA
chr20	52198058	52198400	ZNF217	ENSG00000171940	1407	0.95	0.94	1	0.0087	NA
chr20	52824330	52825048	PFDN4	ENSG00000101132	303	0.24	0.25	1	-0.004	NA
chr20	54824312	54824584	MC3R	ENSG00000124089	660	1	0.95	1	0.045	NA
chr20	57036303	57036605	APCDD1L	ENSG00000198768	582	1	0.98	1	0.021	NA
chr20	61915934	61916290	ARFGAP1	ENSG00000101199	325	1	0.6	1	0.4	NA
chr20	61953906	61954408	COL20A1	ENSG00000101203	-1508	1	0.99	1	0.0077	NA
chr20	62191381	62191627	RP4-697K14.7	ENSG00000130589	1454	1	0.96	1	0.036	NA
chr20	62440414	62440649	RP4-583P15.11	ENSG00000231208	1102	1	1	1	0	NA
chr20	13976700	13977068	SEL1L2	ENSG00000101251	205	0.21	NA	NA	NA	NA
chr20	18477659	18477892	RBBP9	ENSG00000089050	43	0.37	NA	NA	NA	NA
chr20	22566821	22567055	FOXA2	ENSG00000125798	-845	0.42	NA	NA	NA	NA
chr20	25176774	25177028	ENTPD6	ENSG00000197586	426	0.18	NA	NA	NA	NA
chr20	32803823	32804181	XPOTP1	ENSG00000214185	-304	NA	1	NA	NA	NA
chr20	36150920	36151240	BLCAP	ENSG00000166619	-985	0.34	NA	NA	NA	NA
chr20	39968607	39968860	LPIN3	ENSG00000132793	-827	0.21	NA	NA	NA	NA
chr20	49457137	49457342	TMSL6	ENSG00000230043	47	1	NA	NA	NA	NA

chr20	60971535	60971776	CABLES2	ENSG00000149679	-268	1	NA	NA	NA	NA
chr20	62153066	62153270	PPDPF	ENSG00000125534	1038	0.17	NA	NA	NA	NA
chr20	62318359	62318658	RTEL1	ENSG00000026036	784	1	NA	NA	NA	NA
chr21	44486140	44486465	CBS	ENSG00000160200	-1965	0.97	0.31	1.40E-09	0.66	NA
chr21	45875391	45877326	LRRC3	ENSG00000160233	965	0.68	0.45	1.40E-09	0.23	NA
chr21	45742536	45742825	PFKL	ENSG00000141959	-165	0.88	0.47	2.40E-09	0.41	NA
chr21	38068193	38073891	SIM2	ENSG00000159263	-391	0.32	0.22	2.30E-08	0.1	NA
chr21	46221388	46222456	UBE2G2	ENSG00000184787	-263	0.4	0.18	7.70E-08	0.22	NA
chr21	19191095	19191952	C21orf91	ENSG00000154642	-187	0.3	0.17	3.40E-07	0.13	NA
chr21	36260450	36263687	RUNX1	ENSG00000159216	-1081	0.27	0.16	9.40E-07	0.11	NA
chr21	45753638	45754440	C21orf2	ENSG00000160226	155	0.98	0.7	4.90E-06	0.28	NA
chr21	30396848	30397410	USP16	ENSG00000156256	179	0.41	0.15	1.20E-05	0.26	NA
chr21	45138293	45139831	PDXK	ENSG00000160209	87	0.3	0.18	5.70E-05	0.12	NA
chr21	37692208	37693059	MORC3	ENSG00000159256	146	0.32	0.15	7.50E-05	0.17	NA
chr21	38338384	38338904	HLCS	ENSG00000159267	129	0.28	0.11	8.10E-05	0.17	NA
chr21	10989913	10991413	TPTE	ENSG00000166157	219	0.74	0.64	9.50E-05	0.099	NA
chr21	17101853	17103000	USP25	ENSG00000155313	82	0.3	0.16	0.00012	0.14	NA
chr21	34602241	34603265	IFNAR2	ENSG00000159110	474	0.34	0.16	2.00E-04	0.18	NA
chr21	33650908	33651513	MIS18A	ENSG00000159055	170	0.8	0.14	0.00022	0.66	NA
chr21	42792293	42792704	MX1	ENSG00000157601	205	0.33	0.15	0.00031	0.18	NA
chr21	46378278	46378645	C21orf70	ENSG00000160256	300	0.91	0.73	0.00032	0.18	NA
chr21	48055199	48056060	PRMT2	ENSG00000160310	102	0.15	0.42	0.00051	-0.27	NA
chr21	27106814	27108211	GABPA	ENSG00000154727	631	0.24	0.16	9.00E-04	0.088	NA
chr21	34863644	34864268	DNAJC28	ENSG00000177692	-176	0.2	0.36	0.001	-0.17	NA
chr21	37442140	37442778	CBR1	ENSG00000159228	220	0.36	0.2	0.0015	0.16	NA
chr21	28216558	28218117	ADAMTS1	ENSG00000154734	391	0.25	0.17	0.002	0.082	NA
chr21	30670744	30671786	BACH1	ENSG00000156273	73	0.27	0.17	0.0023	0.094	NA
chr21	35747326	35748122	AP000320.6	ENSG00000225555	-77	0.24	0.14	0.0026	0.098	NA
chr21	36258952	36259472	RUNX1	ENSG00000159216	268	0.18	0.35	0.0027	-0.17	NA
chr21	46876168	46876752	COL18A1	ENSG00000182871	1015	0.79	0.91	0.0027	-0.12	NA

chr21	44257966	44258299	AP001628.6	ENSG00000225218	-1545	0.78	0.36	0.0032	0.41	NA
chr21	45431646	45432978	TRAPPC10	ENSG00000160218	112	0.3	0.19	0.0037	0.11	NA
chr21	45526956	45527813	PWP2	ENSG00000241945	208	0.31	0.2	0.0044	0.11	NA
chr21	47705627	47706428	MCM3AP	ENSG00000160294	-216	0.27	0.18	0.0044	0.094	NA
chr21	42539367	42540872	BACE2	ENSG00000182240	391	0.3	0.21	0.0065	0.091	NA
chr21	46707629	46708751	POFUT2	ENSG00000186866	-391	0.25	0.17	0.0082	0.078	NA
chr21	19617098	19617874	CHODL	ENSG00000154645	336	0.21	0.11	0.011	0.1	NA
chr21	18984535	18985697	BTG3	ENSG00000154640	46	0.24	0.16	0.012	0.081	NA
chr21	33783914	33785717	C21orf63	ENSG00000166979	501	0.24	0.18	0.012	0.062	NA
chr21	40032243	40033665	ERG	ENSG00000157554	-363	0.3	0.22	0.013	0.078	NA
chr21	42798146	42798884	MX1	ENSG00000157601	347	0.35	0.22	0.013	0.13	NA
chr21	15436119	15436962	AP001347.5	ENSG00000249493	-106	0.99	0.94	0.014	0.045	NA
chr21	46957315	46957916	SLC19A1	ENSG00000173638	232	0.97	0.9	0.014	0.073	NA
chr21	27945010	27945646	CYYR1	ENSG00000166265	167	0.32	0.19	0.015	0.13	NA
chr21	30391264	30391758	RWDD2B	ENSG00000156253	116	0.27	0.15	0.015	0.13	NA
chr21	45758975	45759525	AP001062.9	ENSG00000232969	-9	0.21	0.09	0.022	0.11	NA
chr21	47421844	47423883	COL6A1	ENSG00000142156	460	0.93	0.96	0.022	-0.034	NA
chr21	15588439	15588908	RBM11	ENSG00000185272	222	0.13	0.27	0.024	-0.14	NA
chr21	44840119	44840450	SIK1	ENSG00000142178	1601	0.95	1	0.033	-0.047	NA
chr21	46351328	46352911	ITGB2	ENSG00000160255	-215	0.26	0.2	0.033	0.063	NA
chr21	35445087	35446013	MRPS6	ENSG00000243927	26	0.25	0.16	0.038	0.083	NA
chr21	45209221	45209880	RRP1	ENSG00000160214	156	0.28	0.21	0.039	0.078	NA
chr21	44494624	44496989	CBS	ENSG00000160200	135	0.24	0.2	0.041	0.044	NA
chr21	40684370	40686324	BRWD1	ENSG00000185658	-120	0.24	0.18	0.042	0.052	NA
chr21	44527163	44528066	U2AF1	ENSG00000160201	20	0.22	0.16	0.042	0.065	NA
chr21	38079941	38081833	SIM2	ENSG00000159263	-594	0.27	0.22	0.047	0.058	NA
chr21	37757496	37758113	CHAF1B	ENSG00000159259	128	0.45	0.29	0.052	0.15	NA
chr21	38639235	38640491	DSCR3	ENSG00000157538	-409	0.21	0.15	0.056	0.061	NA
chr21	33765013	33765300	URB1	ENSG00000142207	179	0.25	0.12	0.062	0.13	NA
chr21	33244910	33246609	HUNK	ENSG00000142149	131	0.25	0.2	0.064	0.053	NA

chr21	45622218	45622500	AP001057.1	ENSG00000232124	1186	0.98	0.93	0.065	0.058	NA
chr21	39287946	39289267	KCNJ6	ENSG00000157542	143	0.24	0.16	0.067	0.079	NA
chr21	40177002	40178667	ETS2	ENSG00000157557	603	0.2	0.16	0.067	0.041	NA
chr21	47851448	47851683	PCNT	ENSG00000160299	392	0.93	0.76	0.077	0.17	NA
chr21	22369423	22370582	NCAM2	ENSG00000154654	-631	0.27	0.18	0.08	0.09	NA
chr21	31311386	31312106	GRIK1	ENSG00000171189	72	0.16	0.22	0.08	-0.061	NA
chr21	34442206	34444543	OLIG1	ENSG00000184221	924	0.27	0.22	0.082	0.05	NA
chr21	44073201	44074650	PDE9A	ENSG00000160191	179	0.23	0.17	0.087	0.061	NA
chr21	47742779	47743269	C21orf58	ENSG00000160298	747	0.22	0.36	0.089	-0.14	NA
chr21	30445575	30446255	CCT8	ENSG00000156261	-243	0.19	0.3	0.093	-0.12	NA
chr21	45739639	45739927	PFKL	ENSG00000141959	59	0.56	0.83	0.093	-0.27	NA
chr21	43160916	43161948	AP001615.9	ENSG00000236883	1899	0.96	0.92	0.099	0.037	NA
chr21	43547871	43548089	UMODL1	ENSG00000177398	192	0.9	0.72	0.1	0.18	NA
chr21	33984367	33985450	C21orf59	ENSG00000159079	-452	0.28	0.22	0.12	0.064	NA
chr21	46961668	46963078	SLC19A1	ENSG00000173638	-621	0.36	0.3	0.13	0.058	NA
chr21	45379516	45379816	AGPAT3	ENSG00000160216	2	0.86	0.56	0.16	0.31	NA
chr21	32929927	32932017	TIAM1	ENSG00000156299	318	0.23	0.2	0.17	0.033	NA
chr21	47565285	47566345	FTCD	ENSG00000160282	-328	0.87	0.92	0.17	-0.042	NA
chr21	37507198	37508259	CBR3	ENSG00000159231	518	0.21	0.15	0.18	0.055	NA
chr21	40752087	40752825	WRB	ENSG00000182093	286	0.26	0.2	0.19	0.066	NA
chr21	45719515	45720564	PFKL	ENSG00000141959	105	0.21	0.16	0.19	0.051	NA
chr21	34696532	34697750	IFNAR1	ENSG00000142166	407	0.28	0.22	0.2	0.065	NA
chr21	35013876	35014257	CRYZL1	ENSG00000205758	-40	0.2	0.31	0.2	-0.11	NA
chr21	47648191	47649622	LSS	ENSG00000160285	-230	0.23	0.18	0.2	0.051	NA
chr21	34914303	34915906	GART	ENSG00000159131	-719	0.3	0.23	0.21	0.065	NA
chr21	40720185	40721625	HMGN1	ENSG00000205581	-640	0.26	0.2	0.21	0.059	NA
chr21	47333947	47334449	PCBP3	ENSG00000183570	246	0.92	1	0.21	-0.078	NA
chr21	47743685	47745351	C21orf58	ENSG00000160298	-747	0.22	0.18	0.21	0.033	NA
chr21	37502377	37502826	MEMO1P1	ENSG00000226054	-68	0.44	0.24	0.22	0.2	NA
chr21	43373135	43374062	C2CD2	ENSG00000157617	30	0.33	0.41	0.22	-0.08	NA

chr21	47517651	47518999	COL6A2	ENSG00000142173	314	0.19	0.23	0.22	-0.039	NA
chr21	37528205	37529561	AP000689.8	ENSG00000236830	-290	0.24	0.19	0.23	0.049	NA
chr21	42218489	42219222	DSCAM	ENSG00000171587	210	0.28	0.23	0.23	0.051	NA
chr21	44985071	44985474	H2BFS	ENSG00000234289	152	0.98	0.91	0.24	0.072	NA
chr21	47421135	47421398	COL6A1	ENSG00000142156	155	0.93	0.87	0.26	0.064	NA
chr21	40760626	40760829	WRB	ENSG00000182093	1010	0.32	0.16	0.27	0.17	NA
chr21	44394084	44395850	PKNOX1	ENSG00000160199	347	0.29	0.26	0.27	0.039	NA
chr21	44477654	44478065	CBS	ENSG00000160200	1192	0.98	0.95	0.27	0.032	NA
chr21	45789090	45789373	TRPM2	ENSG00000142185	227	0.32	0.75	0.27	-0.43	NA
chr21	40757602	40757900	WRB	ENSG00000182093	-268	0.36	0.46	0.3	-0.096	NA
chr21	18984005	18984298	BTG3	ENSG00000154640	1011	0.2	0.5	0.31	-0.3	NA
chr21	44299111	44299808	WDR4	ENSG00000160193	-74	0.3	0.22	0.31	0.078	NA
chr21	46714984	46715206	NCRNA00205	ENSG00000223768	1895	1	0.84	0.32	0.16	NA
chr21	33765512	33765752	C21orf119	ENSG00000256073	193	0.2	0.27	0.33	-0.07	NA
chr21	48068517	48068808	PRMT2	ENSG00000160310	242	1	0.95	0.33	0.054	NA
chr21	43917046	43917268	AP001625.4	ENSG00000239930	508	0.4	0.25	0.36	0.15	NA
chr21	34851229	34852702	TMEM50B	ENSG00000142188	-369	0.27	0.22	0.39	0.046	NA
chr21	35287803	35288208	ATP5O	ENSG00000241837	23	0.25	0.18	0.39	0.069	NA
chr21	45553021	45554037	C21orf33	ENSG00000160221	42	0.22	0.19	0.39	0.035	NA
chr21	46359647	46360423	C21orf67	ENSG00000183250	-275	0.24	0.2	0.39	0.037	NA
chr21	30364965	30365342	LTN1	ENSG00000198862	117	0.23	0.19	0.42	0.037	NA
chr21	40554764	40556117	PSMG1	ENSG00000183527	-227	0.17	0.14	0.43	0.029	NA
chr21	15456285	15456856	AP001347.1	ENSG00000241115	932	0.93	0.96	0.44	-0.034	NA
chr21	46912381	46912628	COL18A1	ENSG00000182871	-605	0.92	0.97	0.45	-0.052	NA
chr21	45660202	45660414	ICOSLG	ENSG00000160223	415	0.22	0.31	0.46	-0.087	NA
chr21	45844992	45845693	AP001065.2	ENSG00000230061	-187	0.93	0.9	0.46	0.028	NA
chr21	36041305	36043224	CLIC6	ENSG00000159212	576	0.24	0.23	0.47	0.018	NA
chr21	43933589	43934832	SLC37A1	ENSG00000160190	208	0.26	0.29	0.47	-0.03	NA
chr21	15351908	15352658	C21orf81	ENSG00000215559	-51	0.5	0.43	0.48	0.068	NA
chr21	40817302	40817973	LCA5L	ENSG00000157578	8	0.15	0.19	0.48	-0.03	NA

chr21	46824531	46826234	COL18A1	ENSG00000182871	330	0.28	0.25	0.48	0.026	NA
chr21	46494173	46495472	ADARB1	ENSG00000197381	338	0.25	0.27	0.51	-0.021	NA
chr21	16436496	16437864	NRIP1	ENSG00000180530	-54	0.2	0.23	0.52	-0.021	NA
chr21	42878751	42880674	TMPRSS2	ENSG00000184012	197	0.28	0.25	0.53	0.023	NA
chr21	45148454	45149262	PDXK	ENSG00000160209	247	0.24	0.3	0.53	-0.055	NA
chr21	47061773	47064308	PCBP3	ENSG00000183570	-568	0.29	0.26	0.53	0.025	NA
chr21	42676113	42676413	FAM3B	ENSG00000183844	124	0.94	0.86	0.54	0.086	NA
chr21	43186280	43187436	RIPK4	ENSG00000183421	-506	0.28	0.26	0.54	0.023	NA
chr21	43429279	43431489	NCRNA00318	ENSG00000237232	1081	0.21	0.19	0.55	0.014	NA
chr21	37667809	37668088	SRSF9P1	ENSG00000214867	52	0.99	0.97	0.56	0.023	NA
chr21	38362015	38362868	HLCS	ENSG00000159267	83	0.24	0.21	0.56	0.028	NA
chr21	37432123	37433150	SETD4	ENSG00000185917	-96	0.18	0.21	0.57	-0.024	NA
chr21	43638948	43640132	ABCG1	ENSG00000160179	313	0.26	0.23	0.58	0.021	NA
chr21	46292709	46294744	PTTG1IP	ENSG00000183255	-779	0.3	0.32	0.58	-0.021	NA
chr21	43221474	43221842	PRDM15	ENSG00000141956	1620	0.97	1	0.6	-0.027	NA
chr21	43236025	43236510	PRDM15	ENSG00000141956	-949	0.96	0.94	0.6	0.023	NA
chr21	15755371	15756086	HSPA13	ENSG00000155304	-270	0.26	0.31	0.61	-0.047	NA
chr21	34099716	34100796	SYNJ1	ENSG00000159082	-6	0.2	0.21	0.64	-0.018	NA
chr21	30257425	30257771	N6AMT1	ENSG00000156239	95	0.25	0.36	0.65	-0.11	NA
chr21	46706691	46707049	POFUT2	ENSG00000186866	929	0.22	0.25	0.66	-0.034	NA
chr21	46685115	46685379	POFUT2	ENSG00000186866	1043	0.96	0.92	0.67	0.035	NA
chr21	43916278	43916900	RSPH1	ENSG00000160188	-293	0.22	0.27	0.68	-0.045	NA
chr21	44782248	44782601	AP001046.5	ENSG00000237989	-195	0.26	0.19	0.68	0.066	NA
chr21	35014823	35015792	ITSN1	ENSG00000205726	459	0.25	0.21	0.69	0.036	NA
chr21	46129391	46129689	TSPEAR	ENSG00000175894	1922	1	0.58	0.73	0.42	NA
chr21	34775437	34776493	IFNGR2	ENSG00000159128	232	0.23	0.22	0.76	0.014	NA
chr21	38352856	38353274	HLCS	ENSG00000159267	-137	0.23	0.26	0.8	-0.024	NA
chr21	38592987	38593674	AP001432.14	ENSG00000242553	-390	0.22	0.25	0.82	-0.032	NA
chr21	44106168	44106546	PDE9A	ENSG00000160191	50	0.99	1	0.82	-0.013	NA
chr21	9968264	9968620	MAFIP	ENSG00000188681	106	1	0.8	0.84	0.2	NA

chr21	27011624	27012398	JAM2	ENSG00000154721	101	0.21	0.24	0.84	-0.031	NA
chr21	47855892	47856143	PCNT	ENSG00000160299	-937	0.95	0.97	0.84	-0.014	NA
chr21	33103456	33104975	SCAF4	ENSG00000156304	59	0.19	0.2	0.86	-0.0074	NA
chr21	45195887	45196755	CSTB	ENSG00000160213	-134	0.21	0.23	0.87	-0.02	NA
chr21	28218567	28218801	ADAMTS1	ENSG00000154734	-956	0.21	0.2	0.9	0.017	NA
chr21	27541893	27543524	APP	ENSG00000142192	264	0.22	0.23	0.92	-0.005	NA
chr21	43229294	43229508	PRDM15	ENSG00000141956	1421	0.98	0.92	0.92	0.059	NA
chr21	18884806	18886111	CXADR	ENSG00000154639	94	0.23	0.24	0.93	-0.0087	NA
chr21	26979577	26980252	MRPL39	ENSG00000154719	-118	0.19	0.18	0.97	0.0066	NA
chr21	38444860	38446497	PIGP	ENSG00000185808	-655	0.31	0.3	0.97	0.012	NA
chr21	43255476	43255722	PRDM15	ENSG00000141956	28	0.97	0.98	0.99	-0.0088	NA
chr21	14409412	14410501	ANKRD30BP2	ENSG00000224309	-525	0.83	0.85	1	-0.019	NA
chr21	15399937	15400194	AP001347.6	ENSG00000224905	293	0.52	0.67	1	-0.15	NA
chr21	15442956	15443160	5S_rRNA	ENSG00000201812	-134	1	0.97	1	0.032	NA
chr21	26734108	26734485	RPL13AP7	ENSG00000213885	161	0.98	0.97	1	0.0098	NA
chr21	28515802	28516306	GPX1P2	ENSG00000215326	214	0.99	0.99	1	-0.0007	NA
chr21	32716044	32716485	TIAM1	ENSG00000156299	330	0.26	0.25	1	0.01	NA
chr21	33031734	33032657	AP000253.1	ENSG00000234509	-382	0.21	0.21	1	0.0025	NA
chr21	34960388	34961252	DONSON	ENSG00000159147	120	0.16	0.16	1	0.0037	NA
chr21	35986623	35987798	RCAN1	ENSG00000159200	-465	0.14	0.14	1	0.0013	NA
chr21	37259191	37259602	PPP1R2P2	ENSG00000234008	-97	0.99	0.98	1	0.0011	NA
chr21	37617467	37617872	DOPEY2	ENSG00000142197	-930	1	0.96	1	0.04	NA
chr21	42688746	42689085	FAM3B	ENSG00000183844	174	0.11	0.25	1	-0.14	NA
chr21	43240351	43240586	PRDM15	ENSG00000141956	-329	0.95	1	1	-0.045	NA
chr21	43327734	43328024	C2CD2	ENSG00000157617	1032	0.94	0.95	1	-0.0095	NA
chr21	43526570	43526817	C21orf128	ENSG00000184385	1951	0.96	0.98	1	-0.019	NA
chr21	44312913	44313860	NDUFV3	ENSG00000160194	11	0.18	0.19	1	-0.0059	NA
chr21	44590612	44590826	CRYAA	ENSG00000160202	382	0.88	0.89	1	-0.007	NA
chr21	45744313	45744847	PFKL	ENSG00000141959	1735	0.93	0.95	1	-0.021	NA
chr21	45926531	45926754	TSPEAR-AS1	ENSG00000235890	-48	0.98	0.98	1	-0.0024	NA

chr21	46392064	46392348	C21orf70	ENSG00000160256	-765	0.96	1	1	-0.043	NA
chr21	46686907	46687121	POFUT2	ENSG00000186866	-724	0.95	0.95	1	-0.0042	NA
chr21	46950586	46952286	SLC19A1	ENSG00000173638	19	0.97	0.97	1	0.002	NA
chr21	47407675	47408456	COL6A1	ENSG00000142156	1042	1	1	1	0	NA
chr21	47457159	47457739	AP001476.2	ENSG00000224413	483	1	1	1	0	NA
chr21	47531899	47532821	COL6A2	ENSG00000142173	28	0.96	0.97	1	-0.0024	NA
chr21	47602431	47602740	C21orf56	ENSG00000160284	1788	1	1	1	0	NA
chr21	47849049	47849390	PCNT	ENSG00000160299	-1954	0.91	0.9	1	0.0026	NA
chr21	47878070	47879576	AP000337.1	ENSG00000245754	-230	0.21	0.21	1	0.00058	NA
chr21	15309633	15309847	RHOT1P2	ENSG00000203616	-94	0.87	NA	NA	NA	NA
chr21	44515262	44515560	U2AF1	ENSG00000160201	642	NA	0.83	NA	NA	NA
chr22	50725469	50725818	PLXNB2	ENSG00000196576	-961	0.95	0.26	2.10E-09	0.7	NA
chr22	19709081	19712106	GP1BB	ENSG00000203618	125	0.89	0.81	1.90E-08	0.085	NA
chr22	50118095	50118822	RP5-983L19.2	ENSG00000226954	-304	0.3	0.46	3.00E-08	-0.16	NA
chr22	18593113	18594197	TUBA8	ENSG00000183785	202	0.42	0.22	9.80E-08	0.2	NA
chr22	31218226	31218893	OSBP2	ENSG00000184792	56	0.63	0.27	1.20E-07	0.36	NA
chr22	36902024	36903298	FOXRED2	ENSG00000100350	-84	0.59	0.44	1.20E-07	0.15	NA
chr22	39151457	39152476	SUN2	ENSG00000100242	-433	0.27	0.15	2.00E-07	0.13	NA
chr22	46929317	46934861	CELSR1	ENSG00000075275	-1992	0.55	0.47	3.40E-07	0.082	NA
chr22	45403036	45406372	PHF21B	ENSG00000056487	126	0.29	0.19	3.80E-07	0.096	NA
chr22	51042293	51043422	MAPK8IP2	ENSG00000008735	1295	0.95	0.86	4.10E-07	0.086	NA
chr22	38073037	38073412	LGALS1	ENSG00000100097	218	0.26	0.6	9.60E-07	-0.34	NA
chr22	31503236	31503871	RP3-412A9.11	ENSG00000198832	-101	0.42	0.16	1.20E-06	0.26	NA
chr22	29468639	29470233	KREMEN1	ENSG00000183762	370	0.38	0.21	1.40E-06	0.17	NA
chr22	45097755	45098801	PRR5	ENSG00000186654	200	0.31	0.15	3.00E-06	0.16	NA
chr22	44287497	44288061	PNPLA5	ENSG00000100341	96	0.36	0.18	6.30E-06	0.17	NA
chr22	26879458	26879930	HPS4	ENSG00000100099	55	0.09	0.27	6.50E-06	-0.18	NA
chr22	38379093	38379964	SOX10	ENSG00000100146	-107	0.93	0.77	8.00E-06	0.16	NA
chr22	38349502	38349969	C22orf23	ENSG00000128346	-183	0.35	0.13	8.10E-06	0.22	NA
chr22	50726108	50726520	PLXNB2	ENSG00000196576	-1632	0.95	0.81	1.70E-05	0.14	NA

chr22	21319178	21319912	AIFM3	ENSG00000183773	149	0.32	0.14	2.10E-05	0.18	NA
chr22	32145635	32146200	PRR14L	ENSG00000183530	141	0.15	0.41	2.50E-05	-0.26	NA
chr22	42538474	42539579	CYP2D7P1	ENSG00000205702	559	0.96	0.83	2.60E-05	0.13	NA
chr22	50632707	50633041	TRABD	ENSG00000170638	1431	0.85	0.54	2.90E-05	0.31	NA
chr22	50628949	50629249	TRABD	ENSG00000170638	72	0.67	0.4	3.20E-05	0.27	NA
chr22	37956102	37957926	CDC42EP1	ENSG00000128283	560	0.29	0.19	4.00E-05	0.098	NA
chr22	51016253	51017020	CPT1B	ENSG00000205560	-339	0.75	0.52	5.20E-05	0.23	NA
chr22	30116081	30117160	CABP7	ENSG00000100314	547	0.25	0.14	6.40E-05	0.1	NA
chr22	50246590	50248143	ZBED4	ENSG00000100426	-124	0.36	0.23	7.00E-05	0.13	NA
chr22	46658397	46659332	PKDREJ	ENSG00000130943	355	0.41	0.29	7.70E-05	0.12	NA
chr22	19705510	19706557	5-Sep	ENSG00000184702	351	0.19	0.33	7.90E-05	-0.14	NA
chr22	45559298	45560172	CTA-217C2.1	ENSG00000226328	-195	0.21	0.12	0.00012	0.084	NA
chr22	30819399	30820297	MTFP1	ENSG00000242114	-1670	0.18	0.32	0.00017	-0.14	NA
chr22	46465976	46468528	RP6-109B7.4	ENSG00000235159	-1481	0.2	0.15	4.00E-04	0.054	NA
chr22	44392309	44392669	SAMM50	ENSG00000100347	1218	0.96	0.82	0.00045	0.14	NA
chr22	50984972	50988141	KLHDC7B	ENSG00000130487	94	0.51	0.61	0.00047	-0.098	NA
chr22	19748650	19749189	TBX1	ENSG00000184058	199	0.2	0.38	0.00054	-0.18	NA
chr22	22901386	22901698	PRAME	ENSG00000185686	-52	0.51	0.77	0.00058	-0.25	NA
chr22	16423842	16424117	LA16c-23H5.6	ENSG00000235759	-146	0.79	0.57	0.00063	0.22	NA
chr22	23483997	23484309	RTDR1	ENSG00000100218	127	0.55	0.26	0.00064	0.29	NA
chr22	46727378	46727703	TRMU	ENSG00000100416	196	0.93	0.68	0.00068	0.25	NA
chr22	50217157	50217663	BRD1	ENSG00000100425	-461	0.97	0.88	0.00087	0.088	NA
chr22	46371469	46375234	WNT7B	ENSG00000188064	-1562	0.28	0.2	0.00097	0.072	NA
chr22	43583502	43583830	TTLL12	ENSG00000100304	-527	0.15	0.34	0.00098	-0.18	NA
chr22	19967279	19967808	ARVCF	ENSG00000099889	-604	0.86	0.7	0.001	0.16	NA
chr22	16155753	16158017	AP000525.1	ENSG00000206252	1053	0.85	0.72	0.0012	0.12	NA
chr22	38484615	38485721	BAIAP2L2	ENSG00000128298	-223	0.43	0.54	0.0013	-0.11	NA
chr22	19136293	19138512	GSC2	ENSG00000063515	394	0.23	0.17	0.0014	0.065	NA
chr22	19165061	19166816	SLC25A1	ENSG00000100075	55	0.3	0.22	0.0018	0.08	NA
chr22	45124981	45125855	PRR5	ENSG00000186654	-1266	0.79	0.53	0.0019	0.26	NA

chr22	34315841	34318637	LARGE	ENSG00000133424	-913	0.27	0.2	0.002	0.063	NA
chr22	42394589	42395255	WBP2NL	ENSG00000183066	193	0.72	0.47	0.0021	0.26	NA
chr22	19751653	19751909	TBX1	ENSG00000184058	-821	0.98	0.87	0.0025	0.1	NA
chr22	20103648	20103923	TRMT2A	ENSG00000099899	-162	0.53	0.31	0.0026	0.22	NA
chr22	22020132	22020652	PPIL2	ENSG00000100023	119	0.16	0.3	0.0029	-0.14	NA
chr22	18560558	18561410	XXbac-B476C20.9	ENSG00000225335	-421	0.23	0.14	0.003	0.095	NA
chr22	37414319	37416111	TST	ENSG00000128311	273	0.5	0.42	0.0031	0.082	NA
chr22	38082302	38082796	Z83844.2	ENSG00000256872	219	0.41	0.17	0.0037	0.24	NA
chr22	38965733	38966196	DMC1	ENSG00000100206	172	0.26	0.46	0.0038	-0.2	NA
chr22	21311336	21312201	XXbac-B135H6.15	ENSG00000237476	388	0.3	0.19	0.0039	0.1	NA
chr22	50644615	50644879	RP3-402G11.5	ENSG00000073169	-124	0.94	0.83	0.0039	0.11	NA
chr22	50528201	50529085	MOV10L1	ENSG00000073146	335	0.61	0.52	0.0051	0.094	NA
chr22	48884884	48887043	FAM19A5	ENSG00000219438	691	0.22	0.16	0.0052	0.063	NA
chr22	50723670	50724235	PLXNB2	ENSG00000196576	320	1	0.67	0.0058	0.33	NA
chr22	31063462	31064384	DUSP18	ENSG00000167065	-127	0.15	0.23	0.0059	-0.081	NA
chr22	39715473	39715945	RPL3	ENSG00000100316	-127	0.3	0.19	0.0062	0.11	NA
chr22	19109068	19110329	DGCR2	ENSG00000070413	21	0.37	0.22	0.0063	0.14	NA
chr22	42949592	42950304	SERHL2	ENSG00000183569	325	0.24	0.14	0.0074	0.099	NA
chr22	50912550	50913857	SBF1	ENSG00000100241	75	0.27	0.4	0.0074	-0.12	NA
chr22	48970857	48972947	FAM19A5	ENSG00000219438	-216	0.28	0.21	0.0075	0.071	NA
chr22	40766459	40767033	SGSM3	ENSG00000100359	151	0.16	0.3	0.0084	-0.13	NA
chr22	50765047	50766109	FAM116B	ENSG00000205593	-172	0.23	0.16	0.0094	0.077	NA
chr22	30987605	30988384	PES1	ENSG00000100029	-149	0.67	0.23	0.0095	0.44	NA
chr22	43088918	43089668	A4GALT	ENSG00000128274	664	0.89	0.98	0.0099	-0.089	NA
chr22	41032129	41033272	MKL1	ENSG00000196588	-47	0.34	0.21	0.01	0.13	NA
chr22	24666580	24667475	SPECC1L	ENSG00000100014	241	0.28	0.18	0.011	0.1	NA
chr22	29999396	30000153	NF2	ENSG00000186575	229	0.2	0.33	0.011	-0.13	NA
chr22	32870550	32871364	FBXO7	ENSG00000100225	294	0.2	0.29	0.011	-0.095	NA
chr22	42524731	42525908	CYP2D6	ENSG00000100197	592	0.91	0.8	0.011	0.11	NA
chr22	39795628	39796171	TAB1	ENSG00000100324	153	0.33	0.18	0.012	0.15	NA

chr22	23487368	23487970	RAB36	ENSG00000100228	156	0.31	0.22	0.013	0.091	NA
chr22	32026297	32026874	PISD	ENSG00000241878	200	0.26	0.18	0.013	0.086	NA
chr22	38200672	38201691	H1F0	ENSG00000189060	67	0.22	0.15	0.013	0.075	NA
chr22	21354247	21354504	THAP7	ENSG00000184436	1432	0.74	0.35	0.014	0.39	NA
chr22	24819537	24820810	ADORA2A	ENSG00000128271	608	0.3	0.36	0.014	-0.065	NA
chr22	37823011	37824119	RP1-63G5.5	ENSG00000243902	-523	0.3	0.18	0.014	0.12	NA
chr22	45705511	45706616	FAM118A	ENSG00000100376	335	0.21	0.14	0.014	0.068	NA
chr22	46760450	46760679	CELSR1	ENSG00000075275	713	0.76	0.91	0.016	-0.15	NA
chr22	26985516	26986264	TPST2	ENSG00000128294	177	0.18	0.35	0.018	-0.17	NA
chr22	31885140	31886292	EIF4ENIF1	ENSG00000184708	-488	0.21	0.14	0.018	0.075	NA
chr22	50946353	50947010	NCAPH2	ENSG00000025770	36	0.21	0.42	0.018	-0.21	NA
chr22	20939102	20939353	MED15	ENSG00000099917	-6	0.79	0.96	0.019	-0.17	NA
chr22	36782965	36784492	MYH9	ENSG00000100345	335	0.24	0.17	0.019	0.066	NA
chr22	29976920	29977216	NIPSNAP1	ENSG00000184117	-53	0.13	0.23	0.023	-0.099	NA
chr22	41777430	41778281	TEF	ENSG00000167074	-78	0.16	0.26	0.023	-0.097	NA
chr22	51221772	51222317	RABL2B	ENSG00000079974	-16	0.31	0.12	0.024	0.18	NA
chr22	44419824	44420790	PARVB	ENSG00000188677	150	0.22	0.15	0.025	0.062	NA
chr22	21996241	21997332	SDF2L1	ENSG00000128228	236	0.16	0.21	0.026	-0.053	NA
chr22	44207947	44208435	EFCAB6	ENSG00000186976	-121	0.17	0.25	0.028	-0.088	NA
chr22	50716018	50716656	PLXNB2	ENSG00000196576	932	0.94	0.82	0.028	0.12	NA
chr22	40440852	40441810	TNRC6B	ENSG00000100354	-147	0.16	0.23	0.029	-0.066	NA
chr22	25081850	25082112	AP000357.5	ENSG00000224806	-154	0.19	0.43	0.031	-0.24	NA
chr22	31494658	31495175	SMTN	ENSG00000183963	-732	0.8	0.64	0.031	0.16	NA
chr22	37171766	37172669	IFT27	ENSG00000100360	-70	0.73	0.31	0.031	0.42	NA
chr22	37594665	37595488	C1QTNF6	ENSG00000133466	349	0.2	0.35	0.031	-0.14	NA
chr22	41215135	41215576	SLC25A17	ENSG00000100372	-64	0.27	0.18	0.031	0.09	NA
chr22	46067451	46068490	ATXN10	ENSG00000130638	292	0.24	0.17	0.033	0.077	NA
chr22	20286318	20287630	XXbac-B444P24.10	ENSG00000161132	-309	0.31	0.24	0.034	0.071	NA
chr22	26565199	26565986	SEZ6L	ENSG00000100095	152	0.18	0.26	0.036	-0.08	NA
chr22	31795250	31795958	DRG1	ENSG00000185721	95	0.15	0.31	0.036	-0.17	NA

chr22	45560511	45560783	NUP50	ENSG00000093000	131	0.3	0.19	0.037	0.11	NA
chr22	26895185	26895460	TFIP11	ENSG00000100109	35	0.97	0.9	0.039	0.072	NA
chr22	38610335	38610828	MAFF	ENSG00000185022	1039	0.16	0.3	0.044	-0.14	NA
chr22	38901553	38902905	DDX17	ENSG00000100201	-323	0.21	0.16	0.048	0.052	NA
chr22	42475474	42476094	C22orf32	ENSG00000183172	89	0.31	0.21	0.052	0.095	NA
chr22	21024739	21025482	FAM108A5P	ENSG00000229107	162	0.71	0.62	0.053	0.095	NA
chr22	21355973	21356824	THAP7	ENSG00000184436	-367	0.25	0.17	0.053	0.086	NA
chr22	43547319	43548169	TSPO	ENSG00000100300	224	0.27	0.2	0.055	0.067	NA
chr22	29168628	29169048	CCDC117	ENSG00000159873	176	0.22	0.13	0.06	0.096	NA
chr22	35653361	35654028	HMGXB4	ENSG00000100281	249	0.23	0.17	0.061	0.062	NA
chr22	41939917	41940713	POLR3H	ENSG00000100413	75	0.21	0.38	0.064	-0.17	NA
chr22	37815803	37816477	RP1-63G5.5	ENSG00000243902	344	0.19	0.26	0.065	-0.078	NA
chr22	21043660	21043946	POM121L4P	ENSG00000217261	-516	0.8	1	0.066	-0.2	NA
chr22	17897854	17898287	AC004019.10	ENSG00000229492	326	1	0.92	0.067	0.083	NA
chr22	45809191	45809953	SMC1B	ENSG00000077935	-124	0.36	0.46	0.067	-0.1	NA
chr22	41487261	41489159	EP300	ENSG00000100393	420	0.18	0.21	0.068	-0.038	NA
chr22	43045009	43045679	CYB5R3	ENSG00000100243	230	0.22	0.16	0.07	0.061	NA
chr22	30752583	30753214	CCDC157	ENSG00000187860	274	0.26	0.18	0.072	0.081	NA
chr22	44257942	44258612	SULT4A1	ENSG00000130540	9	0.21	0.16	0.073	0.051	NA
chr22	19131992	19132297	DGCR14	ENSG00000100056	2	0.24	0.4	0.075	-0.17	NA
chr22	25800554	25801437	LRP5L	ENSG00000100068	349	0.24	0.18	0.075	0.063	NA
chr22	43582679	43583067	TTLL12	ENSG00000100304	259	0.24	0.14	0.075	0.095	NA
chr22	22006079	22007048	PPIL2	ENSG00000100023	4	0.22	0.17	0.077	0.055	NA
chr22	42764389	42765248	Z83851.1	ENSG00000229891	356	0.18	0.24	0.08	-0.069	NA
chr22	46545480	46547412	PPARA	ENSG00000186951	22	0.21	0.18	0.082	0.039	NA
chr22	50607823	50608040	PANX2	ENSG00000073150	-1229	0.31	0.2	0.082	0.11	NA
chr22	25960959	25961368	ADRBK2	ENSG00000100077	89	0.24	0.15	0.085	0.087	NA
chr22	49088758	49088962	FAM19A5	ENSG00000219438	-199	0.97	0.84	0.086	0.13	NA
chr22	50008958	50009712	RP1-29C18.8	ENSG00000235111	29	0.98	0.95	0.087	0.034	NA
chr22	50944354	50944606	LMF2	ENSG00000100258	169	0.87	0.78	0.089	0.083	NA

chr22	45182016	45182223	ARHGAP8	ENSG00000241484	-218	1	0.82	0.09	0.18	NA
chr22	35935981	35937537	RASD2	ENSG00000100302	-156	0.29	0.23	0.094	0.056	NA
chr22	38850766	38851285	KCNJ4	ENSG00000168135	180	0.19	0.14	0.094	0.055	NA
chr22	22306554	22307402	PPM1F	ENSG00000100034	215	0.17	0.26	0.1	-0.09	NA
chr22	24988593	24989279	C22orf36	ENSG00000178026	65	0.24	0.18	0.1	0.068	NA
chr22	30938016	30938645	SIRPAP1	ENSG00000225774	-193	0.22	0.37	0.1	-0.15	NA
chr22	17639481	17640714	CECR5	ENSG00000069998	-221	0.24	0.19	0.11	0.054	NA
chr22	20790638	20792665	SCARF2	ENSG00000244486	461	0.18	0.15	0.11	0.03	NA
chr22	30821625	30822010	MTFP1	ENSG00000242114	54	0.18	0.13	0.11	0.057	NA
chr22	42915512	42915999	RRP7A	ENSG00000189306	45	0.24	0.13	0.11	0.11	NA
chr22	43738882	43740285	SCUBE1	ENSG00000159307	-294	0.23	0.19	0.11	0.041	NA
chr22	50609181	50609627	PANX2	ENSG00000073150	214	0.18	0.32	0.11	-0.15	NA
chr22	51020656	51021817	CHKB	ENSG00000100288	-387	0.24	0.2	0.11	0.045	NA
chr22	19418745	19420237	HIRA	ENSG00000100084	-272	0.17	0.13	0.12	0.038	NA
chr22	42342407	42343278	CENPM	ENSG00000100162	-150	0.21	0.11	0.12	0.092	NA
chr22	23730282	23730537	CES5AP1	ENSG00000215478	-491	0.65	0.81	0.13	-0.16	NA
chr22	31741045	31743707	PATZ1	ENSG00000100105	-614	0.24	0.21	0.13	0.033	NA
chr22	39052054	39053054	RP1-199H16.5	ENSG00000184949	-271	0.33	0.26	0.13	0.068	NA
chr22	50657480	50657937	TUBGCP6	ENSG00000128159	1137	0.39	0.29	0.13	0.097	NA
chr22	29075100	29076219	TTC28	ENSG00000100154	141	0.27	0.22	0.14	0.048	NA
chr22	44319578	44320513	PNPLA3	ENSG00000100344	426	0.17	0.22	0.14	-0.048	NA
chr22	46663605	46664126	TTC38	ENSG00000075234	7	0.2	0.15	0.14	0.051	NA
chr22	50658993	50659400	TUBGCP6	ENSG00000128159	-351	0.97	0.93	0.14	0.04	NA
chr22	18506419	18507412	XXbac-B461K10.4	ENSG00000093100	410	0.17	0.26	0.15	-0.087	NA
chr22	19746924	19747141	TBX1	ENSG00000184058	-1688	0.17	0.26	0.15	-0.093	NA
chr22	24407673	24408060	CABIN1	ENSG00000099991	101	0.12	0.23	0.15	-0.11	NA
chr22	29949478	29949824	THOC5	ENSG00000100296	-7	0.3	0.2	0.15	0.09	NA
chr22	38054403	38055450	PDXP	ENSG00000241360	192	0.13	0.16	0.15	-0.037	NA
chr22	40814816	40815102	MKL1	ENSG00000196588	-1221	0.91	0.81	0.15	0.096	NA
chr22	43116151	43117121	A4GALT	ENSG00000128274	668	0.29	0.24	0.15	0.048	NA

chr22	50448567	50449521	IL17REL	ENSG00000188263	-1923	0.61	0.54	0.15	0.07	NA
chr22	50708190	50710490	MAPK11	ENSG00000185386	-547	0.24	0.21	0.15	0.033	NA
chr22	32439046	32439442	SLC5A1	ENSG00000100170	225	0.66	0.49	0.16	0.17	NA
chr22	37212769	37213467	PVALB	ENSG00000100362	-73	0.33	0.24	0.16	0.093	NA
chr22	39096373	39097754	JOSD1	ENSG00000100221	-391	0.22	0.17	0.16	0.048	NA
chr22	45898294	45899357	FBLN1	ENSG00000077942	113	0.25	0.21	0.16	0.041	NA
chr22	47014288	47014698	GRAMD4	ENSG00000075240	-1806	0.88	0.93	0.16	-0.053	NA
chr22	47022752	47023210	GRAMD4	ENSG00000075240	241	0.97	1	0.16	-0.028	NA
chr22	50699469	50700358	MAPK12	ENSG00000188130	-341	0.25	0.2	0.16	0.049	NA
chr22	39745983	39746634	SYNGR1	ENSG00000100321	316	0.3	0.21	0.17	0.095	NA
chr22	38577678	38578071	PLA2G6	ENSG00000184381	-119	0.32	0.11	0.18	0.21	NA
chr22	46731379	46732337	TRMU	ENSG00000100416	216	0.2	0.15	0.18	0.046	NA
chr22	50745415	50746125	PLXNB2	ENSG00000196576	247	0.36	0.27	0.18	0.089	NA
chr22	22336948	22337333	TOP3B	ENSG00000100038	7	0.16	0.25	0.19	-0.089	NA
chr22	31892036	31893097	EIF4ENIF1	ENSG00000184708	-472	0.19	0.16	0.19	0.035	NA
chr22	39267539	39269160	CBX6	ENSG00000183741	-128	0.19	0.22	0.19	-0.035	NA
chr22	43485057	43485545	TTL1	ENSG00000100271	43	0.15	0.22	0.2	-0.066	NA
chr22	38597785	38598988	MAFF	ENSG00000185022	497	0.25	0.29	0.21	-0.039	NA
chr22	38793180	38793451	RP3-449O17.1	ENSG00000244627	135	1	0.44	0.21	0.56	NA
chr22	50170669	50170951	BRD1	ENSG00000100425	-1047	0.57	0.48	0.21	0.09	NA
chr22	17516913	17518500	CECR7	ENSG00000237438	246	0.41	0.48	0.22	-0.071	NA
chr22	18121280	18122009	BCL2L13	ENSG00000099968	288	0.24	0.31	0.22	-0.066	NA
chr22	32057922	32058323	PISD	ENSG00000241878	44	0.32	0.21	0.22	0.1	NA
chr22	21399979	21400270	AC002472.13	ENSG00000187905	-125	0.28	0.2	0.23	0.078	NA
chr22	24199058	24200206	SLC2A11	ENSG00000133460	573	0.18	0.15	0.23	0.034	NA
chr22	42665452	42667419	Z83851.3	ENSG00000182057	676	0.32	0.28	0.23	0.04	NA
chr22	43506500	43507610	BIK	ENSG00000100290	301	0.22	0.18	0.23	0.037	NA
chr22	46481815	46482024	RP4-695O20__B.10	ENSG00000197182	42	0.23	0.37	0.23	-0.15	NA
chr22	46692210	46693349	GTSE1	ENSG00000075218	141	0.18	0.22	0.23	-0.042	NA
chr22	32807825	32808285	C22orf28	ENSG00000100220	169	0.28	0.19	0.24	0.086	NA

chr22	47158067	47158980	TBC1D22A	ENSG00000054611	5	0.23	0.27	0.24	-0.04	NA
chr22	29784169	29784779	AP1B1	ENSG00000100280	44	0.15	0.19	0.25	-0.041	NA
chr22	31031358	31032059	SLC35E4	ENSG00000100036	69	0.34	0.25	0.25	0.086	NA
chr22	36718450	36718760	MYH9	ENSG00000100345	-638	0.94	0.99	0.25	-0.047	NA
chr22	41346636	41347759	RBX1	ENSG00000100387	-154	0.25	0.32	0.25	-0.076	NA
chr22	42896636	42897041	SERHL	ENSG00000172250	207	0.19	0.29	0.25	-0.1	NA
chr22	50608207	50608660	PANX2	ENSG00000073150	-727	0.32	0.23	0.25	0.09	NA
chr22	19278671	19279573	CLTCL1	ENSG00000070371	62	0.18	0.13	0.26	0.042	NA
chr22	19434797	19435556	HIRA	ENSG00000100084	-203	0.21	0.18	0.26	0.03	NA
chr22	38035350	38035928	SH3BP1	ENSG00000100092	157	0.24	0.29	0.26	-0.053	NA
chr22	17081936	17082595	AC005301.5	ENSG00000100181	-536	0.17	0.14	0.27	0.029	NA
chr22	36850893	36851466	RP5-1119A7.14	ENSG00000228719	-188	0.25	0.2	0.27	0.058	NA
chr22	43252653	43253667	ARFGAP3	ENSG00000242247	85	0.24	0.2	0.27	0.038	NA
chr22	25755941	25756164	LRP5L	ENSG00000100068	104	0.86	0.98	0.28	-0.12	NA
chr22	36924935	36925640	EIF3D	ENSG00000100353	-343	0.23	0.28	0.28	-0.048	NA
chr22	31480774	31481373	SMTN	ENSG00000183963	91	0.27	0.21	0.29	0.052	NA
chr22	19466308	19467811	UFD1L	ENSG00000070010	-605	0.27	0.23	0.3	0.041	NA
chr22	25507309	25507537	CTA-221G9.11	ENSG00000203280	1236	1	0.33	0.3	0.67	NA
chr22	30162836	30163532	ZMAT5	ENSG00000100319	-234	0.32	0.23	0.3	0.086	NA
chr22	30685195	30685904	GATSL3	ENSG00000239282	-64	0.24	0.31	0.3	-0.071	NA
chr22	42228507	42229984	SREBF2	ENSG00000198911	136	0.2	0.23	0.3	-0.027	NA
chr22	29601547	29602291	EMID1	ENSG00000186998	79	0.24	0.2	0.31	0.035	NA
chr22	43410421	43411510	PACSIN2	ENSG00000100266	139	0.29	0.24	0.31	0.054	NA
chr22	31556124	31556466	RNF185	ENSG00000138942	127	0.23	0.16	0.32	0.076	NA
chr22	33197380	33198267	TIMP3	ENSG00000100234	136	0.2	0.16	0.32	0.045	NA
chr22	51038494	51039752	MAPK8IP2	ENSG00000008735	9	0.16	0.19	0.32	-0.025	NA
chr22	41842383	41843919	TOB2	ENSG00000183864	-362	0.2	0.17	0.33	0.025	NA
chr22	42084641	42085014	NHP2L1	ENSG00000100138	-19	0.16	0.23	0.33	-0.073	NA
chr22	32339933	32341192	YWHAH	ENSG00000128245	115	0.21	0.18	0.34	0.03	NA
chr22	38141761	38142999	TRIOBP	ENSG00000100106	145	0.23	0.2	0.34	0.029	NA

chr22	46972461	46973609	GRAMD4	ENSG00000075240	9	0.23	0.2	0.34	0.03	NA
chr22	50311768	50312953	CRELD2	ENSG00000184164	545	0.2	0.23	0.34	-0.027	NA
chr22	18923470	18923840	PRODH	ENSG00000100033	0	0.14	0.22	0.35	-0.077	NA
chr22	19701514	19701891	5-Sep	ENSG00000184702	-285	0.2	0.15	0.35	0.047	NA
chr22	25574876	25575542	CTA-221G9.10	ENSG00000236650	-482	0.8	0.65	0.35	0.15	NA
chr22	51001199	51001515	C22orf41	ENSG00000217442	-23	0.2	0.16	0.35	0.045	NA
chr22	42486349	42487246	RP4-669P10.18	ENSG00000237037	-140	0.21	0.14	0.36	0.065	NA
chr22	29663622	29664903	RHBDD3	ENSG00000100263	-545	0.21	0.24	0.37	-0.029	NA
chr22	47069523	47069800	GRAMD4	ENSG00000075240	-844	0.92	0.97	0.37	-0.041	NA
chr22	17488274	17489194	GAB4	ENSG00000215568	155	0.66	0.61	0.38	0.048	NA
chr22	30278978	30279858	MTMR3	ENSG00000100330	274	0.19	0.21	0.4	-0.029	NA
chr22	39077816	39078400	RP3-508I15.9	ENSG00000228274	-283	0.25	0.19	0.41	0.058	NA
chr22	20104374	20105729	TRMT2A	ENSG00000099899	-345	0.18	0.2	0.44	-0.02	NA
chr22	39928303	39929071	RPS19BP1	ENSG00000187051	50	0.25	0.22	0.44	0.037	NA
chr22	16374539	16374899	LA16c-2F2.8	ENSG00000230471	1638	0.6	0.51	0.45	0.096	NA
chr22	39853323	39854065	MGAT3	ENSG00000128268	345	0.64	0.66	0.45	-0.023	NA
chr22	30783010	30783620	RNF215	ENSG00000099999	-201	0.25	0.3	0.46	-0.05	NA
chr22	35776988	35777221	HMOX1	ENSG00000100292	18	0.17	0.23	0.46	-0.054	NA
chr22	42466407	42467121	NAGA	ENSG00000198951	70	0.21	0.16	0.46	0.044	NA
chr22	21871023	21872569	PI4KAP2	ENSG00000183506	-26	1	0.67	0.47	0.33	NA
chr22	38863881	38864263	KDELR3	ENSG00000100196	5	0.16	0.12	0.47	0.039	NA
chr22	21386493	21387000	SLC7A4	ENSG00000099960	92	0.33	0.38	0.48	-0.052	NA
chr22	23412224	23413597	GNAZ	ENSG00000128266	370	0.23	0.2	0.48	0.033	NA
chr22	20254889	20255692	RTN4R	ENSG00000040608	-78	0.28	0.21	0.49	0.074	NA
chr22	23908322	23909178	AP000345.2	ENSG00000224277	-501	0.17	0.2	0.49	-0.029	NA
chr22	37447689	37448238	KCTD17	ENSG00000100379	184	0.26	0.22	0.49	0.04	NA
chr22	39548613	39549666	CBX7	ENSG00000100307	-484	0.2	0.18	0.5	0.022	NA
chr22	43538913	43539526	MCAT	ENSG00000100294	67	0.14	0.17	0.5	-0.03	NA
chr22	38528820	38529084	PLA2G6	ENSG00000184381	-68	0.94	0.91	0.51	0.034	NA
chr22	30901242	30901744	SEC14L4	ENSG00000133488	144	0.41	0.52	0.52	-0.11	NA

chr22	37769170	37771587	ELFN2	ENSG00000166897	1201	0.98	0.97	0.52	0.0074	NA
chr22	42322043	42322909	TNFRSF13C	ENSG00000159958	346	0.22	0.24	0.52	-0.023	NA
chr22	24551813	24552696	CABIN1	ENSG00000099991	282	0.21	0.19	0.53	0.027	NA
chr22	29279412	29280287	ZNRF3	ENSG00000183579	269	0.18	0.16	0.53	0.018	NA
chr22	31608021	31608528	LIMK2	ENSG00000182541	49	0.24	0.19	0.53	0.049	NA
chr22	38712684	38713333	CSNK1E	ENSG00000213923	-30	0.2	0.24	0.53	-0.04	NA
chr22	43807400	43808455	MPPED1	ENSG00000186732	-92	0.29	0.25	0.53	0.034	NA
chr22	46440393	46441019	RP11-398F12.1	ENSG00000231711	-216	0.22	0.25	0.54	-0.03	NA
chr22	50221335	50221593	BRD1	ENSG00000100425	-304	0.26	0.16	0.54	0.1	NA
chr22	16867374	16868185	ABCD1P4	ENSG00000225293	-641	0.47	0.54	0.55	-0.064	NA
chr22	18256615	18257377	BID	ENSG00000015475	-214	0.2	0.18	0.55	0.022	NA
chr22	24129097	24129697	SMARCB1	ENSG00000099956	247	0.25	0.29	0.55	-0.041	NA
chr22	50682860	50683640	TUBGCP6	ENSG00000128159	-257	0.22	0.25	0.55	-0.035	NA
chr22	21921936	21922715	UBE2L3	ENSG00000185651	306	0.27	0.24	0.56	0.033	NA
chr22	41593023	41593915	RP1-85F18.5	ENSG00000231993	-9	0.24	0.22	0.56	0.025	NA
chr22	46759899	46760121	CELSR1	ENSG00000075275	1267	0.88	0.95	0.56	-0.075	NA
chr22	29137866	29138560	HSCB	ENSG00000100209	194	0.26	0.23	0.57	0.029	NA
chr22	29709281	29712013	RASL10A	ENSG00000100276	-352	0.26	0.25	0.57	0.011	NA
chr22	29196082	29196962	XBP1	ENSG00000100219	-401	0.21	0.18	0.58	0.025	NA
chr22	18893251	18894291	DGCR6	ENSG00000183628	230	0.2	0.22	0.59	-0.018	NA
chr22	20849594	20850404	KLHL22	ENSG00000099910	80	0.2	0.22	0.6	-0.018	NA
chr22	51111935	51113742	AC000036.5	ENSG00000099882	-5	0.22	0.2	0.6	0.018	NA
chr22	19510871	19512254	CLDN5	ENSG00000184113	1344	0.18	0.16	0.61	0.014	NA
chr22	42078060	42078549	NHP2L1	ENSG00000100138	156	0.54	0.65	0.61	-0.11	NA
chr22	39101825	39102668	GTPBP1	ENSG00000100226	292	0.18	0.15	0.62	0.03	NA
chr22	40742403	40742944	ADSL	ENSG00000239900	166	0.19	0.17	0.62	0.023	NA
chr22	28314588	28315958	PITPNB	ENSG00000180957	-158	0.21	0.19	0.63	0.017	NA
chr22	41697388	41698601	ZC3H7B	ENSG00000100403	468	0.17	0.16	0.63	0.015	NA
chr22	50919453	50920376	ADM2	ENSG00000128165	-71	0.19	0.18	0.63	0.016	NA
chr22	19974274	19974756	ARVCF	ENSG00000099889	101	0.2	0.24	0.64	-0.037	NA

chr22	30792887	30793312	SEC14L2	ENSG00000100003	169	0.2	0.27	0.64	-0.072	NA
chr22	22471899	22472744	FAM108A6P	ENSG00000182502	53	0.67	0.65	0.66	0.021	NA
chr22	26824978	26825680	ASPHD2	ENSG00000128203	90	0.16	0.15	0.66	0.016	NA
chr22	39239168	39240425	NPTXR	ENSG00000221890	191	0.19	0.18	0.66	0.012	NA
chr22	46762735	46762970	CELSR1	ENSG00000075275	-1575	0.79	0.75	0.66	0.037	NA
chr22	21271363	21272616	CRKL	ENSG00000099942	275	0.19	0.21	0.67	-0.015	NA
chr22	24093026	24093621	ZNF70	ENSG00000187792	-44	0.27	0.31	0.67	-0.039	NA
chr22	22089624	22090909	YPEL1	ENSG00000100027	-222	0.24	0.22	0.68	0.018	NA
chr22	38004443	38005271	GGA1	ENSG00000100083	376	0.29	0.26	0.68	0.03	NA
chr22	41985525	41986045	PMM1	ENSG00000100417	15	0.25	0.21	0.68	0.036	NA
chr22	24950798	24952074	C22orf13	ENSG00000138867	-379	0.23	0.25	0.69	-0.02	NA
chr22	31500396	31501239	RP3-412A9.11	ENSG00000198832	933	0.64	0.61	0.69	0.034	NA
chr22	50869663	50869892	PPP6R2	ENSG00000100239	183	0.91	0.86	0.69	0.042	NA
chr22	20307109	20308026	DGCR6L	ENSG00000128185	-35	0.26	0.3	0.7	-0.047	NA
chr22	30233923	30234399	ASCC2	ENSG00000100325	56	0.15	0.17	0.7	-0.019	NA
chr22	31198491	31199033	OSBP2	ENSG00000184792	-311	0.15	0.18	0.7	-0.032	NA
chr22	38668385	38669223	TMEM184B	ENSG00000198792	-134	0.23	0.21	0.7	0.021	NA
chr22	20118509	20119625	ZDHHC8	ENSG00000099904	-263	0.22	0.24	0.71	-0.02	NA
chr22	44350902	44351662	SAMM50	ENSG00000100347	-19	0.2	0.22	0.71	-0.021	NA
chr22	18632736	18632998	USP18	ENSG00000184979	201	0.2	0.24	0.72	-0.041	NA
chr22	22577657	22577912	TOP3B2	ENSG00000228050	1175	1	0.92	0.72	0.083	NA
chr22	31090200	31091334	OSBP2	ENSG00000184792	-26	0.23	0.21	0.72	0.021	NA
chr22	50220118	50220822	BRD1	ENSG00000100425	690	0.23	0.2	0.72	0.028	NA
chr22	38239792	38240409	ANKRD54	ENSG00000100124	-211	0.2	0.22	0.73	-0.023	NA
chr22	50353596	50357215	PIM3	ENSG00000198355	1244	0.31	0.3	0.73	0.0079	NA
chr22	17564602	17564995	IL17RA	ENSG00000177663	-1046	0.95	0.93	0.74	0.028	NA
chr22	43010440	43011063	POLDIP3	ENSG00000100227	112	0.3	0.28	0.74	0.02	NA
chr22	45064159	45065092	PRR5	ENSG00000186654	32	0.21	0.19	0.74	0.021	NA
chr22	21336181	21336939	LZTR1	ENSG00000099949	258	0.19	0.2	0.75	-0.011	NA
chr22	30722572	30723218	TBC1D10A	ENSG00000099992	-5	0.16	0.17	0.75	-0.016	NA

chr22	42310057	42311669	SHISA8	ENSG00000234965	-293	0.18	0.19	0.75	-0.0086	NA
chr22	42977728	42978214	RP1-222E13.10	ENSG00000182841	32	0.13	0.14	0.75	-0.011	NA
chr22	50689160	50690167	HDAC10	ENSG00000100429	-344	0.19	0.17	0.75	0.013	NA
chr22	26908214	26908542	TFIP11	ENSG00000100109	-35	0.16	0.12	0.76	0.038	NA
chr22	39898100	39898789	SMCR7L	ENSG00000100335	228	0.21	0.24	0.76	-0.022	NA
chr22	43570061	43570322	TTLL12	ENSG00000100304	1493	0.97	1	0.76	-0.031	NA
chr22	26936996	26937672	TPST2	ENSG00000128294	-497	0.96	0.95	0.78	0.014	NA
chr22	38966412	38966728	DMC1	ENSG00000100206	-279	0.19	0.12	0.78	0.06	NA
chr22	19929096	19929468	COMT	ENSG00000093010	152	0.19	0.22	0.79	-0.027	NA
chr22	38793732	38795370	CSNK1E	ENSG00000213923	-24	0.22	0.21	0.79	0.01	NA
chr22	46449632	46450115	RP4-695O20__B.10	ENSG00000197182	124	0.16	0.17	0.79	-0.013	NA
chr22	22292528	22292875	LL22NC03-86G7.1	ENSG00000224086	92	0.43	0.62	0.81	-0.2	NA
chr22	25678576	25679273	RP3-462D8.2	ENSG00000233577	-283	0.15	0.15	0.81	-0.0093	NA
chr22	29875919	29877242	NEFH	ENSG00000100285	399	0.27	0.26	0.81	0.0092	NA
chr22	31364564	31365575	TUG1	ENSG00000253352	-574	0.25	0.26	0.83	-0.0089	NA
chr22	42016301	42017784	PPPDE2	ENSG00000100418	58	0.18	0.2	0.83	-0.015	NA
chr22	50638647	50640389	RP3-402G11.5	ENSG00000073169	110	0.2	0.21	0.83	-0.0068	NA
chr22	31476872	31477505	SMTN	ENSG00000183963	-116	0.18	0.16	0.84	0.017	NA
chr22	21056258	21058793	TMEM191A	ENSG00000226287	925	0.16	0.17	0.85	-0.01	NA
chr22	27053081	27053629	MIAT	ENSG00000225783	165	0.2	0.19	0.85	0.016	NA
chr22	35795856	35796650	MCM5	ENSG00000100297	197	0.22	0.21	0.85	0.014	NA
chr22	39638219	39640966	PDGFB	ENSG00000100311	-571	0.22	0.21	0.85	0.0061	NA
chr22	18957995	18958721	DGCR5	ENSG00000237517	331	0.25	0.27	0.86	-0.02	NA
chr22	21212710	21213694	PI4KA	ENSG00000241973	-102	0.26	0.24	0.86	0.021	NA
chr22	24114875	24115467	MMP11	ENSG00000099953	165	0.19	0.17	0.86	0.018	NA
chr22	37578232	37578660	C1QTNF6	ENSG00000133466	399	0.96	0.97	0.86	-0.016	NA
chr22	39688128	39688349	RP3-333H23.8	ENSG00000224794	-755	0.82	0.85	0.86	-0.029	NA
chr22	47022457	47022659	GRAMD4	ENSG00000075240	-100	0.94	1	0.86	-0.056	NA
chr22	45680644	45681016	UPK3A	ENSG00000100373	-33	0.18	0.15	0.87	0.027	NA
chr22	47017355	47017654	GRAMD4	ENSG00000075240	1205	0.93	0.96	0.87	-0.029	NA

chr22	20003521	20004695	ARVCF	ENSG00000099889	160	0.19	0.2	0.88	-0.0064	NA
chr22	24236257	24237539	MIF	ENSG00000240972	261	0.17	0.17	0.88	-0.0056	NA
chr22	35695643	35696110	TOM1	ENSG00000100284	83	0.27	0.28	0.88	-0.015	NA
chr22	47058870	47059114	GRAMD4	ENSG00000075240	-12	0.95	0.96	0.88	-0.011	NA
chr22	17565517	17566990	IL17RA	ENSG00000177663	409	0.22	0.22	0.89	-0.0044	NA
chr22	33453892	33454505	SYN3	ENSG00000185666	160	0.2	0.19	0.89	0.0094	NA
chr22	37420225	37420900	MPST	ENSG00000128309	305	0.97	0.97	0.9	0.0067	NA
chr22	38301954	38302871	MICALL1	ENSG00000100139	108	0.22	0.23	0.9	-0.011	NA
chr22	46366726	46368726	WNT7B	ENSG00000188064	869	0.21	0.22	0.9	-0.0051	NA
chr22	21770896	21772442	HIC2	ENSG00000169635	-24	0.13	0.33	0.91	-0.2	NA
chr22	32149762	32150064	DEPDC5	ENSG00000100150	-31	0.21	0.19	0.91	0.02	NA
chr22	39915622	39917193	ATF4	ENSG00000128272	707	0.21	0.2	0.91	0.0063	NA
chr22	42372483	42373299	3-Sep	ENSG00000100167	77	0.23	0.22	0.91	0.009	NA
chr22	20067406	20067900	DGCR8	ENSG00000128191	-102	0.37	0.39	0.92	-0.02	NA
chr22	38245341	38245681	EIF3L	ENSG00000100129	93	0.17	0.19	0.93	-0.017	NA
chr22	41864420	41865443	PHF5A	ENSG00000100410	-428	0.17	0.15	0.93	0.011	NA
chr22	20008347	20009100	C22orf25	ENSG00000183597	131	0.17	0.18	0.95	-0.01	NA
chr22	50781190	50782009	PPP6R2	ENSG00000100239	-134	0.19	0.18	0.95	0.0068	NA
chr22	20861679	20862252	MED15	ENSG00000099917	137	0.2	0.21	0.96	-0.0082	NA
chr22	24059016	24059643	AP000347.2	ENSG00000228315	125	0.18	0.19	0.96	-0.0068	NA
chr22	30642437	30642671	LIF	ENSG00000128342	174	0.21	0.19	0.96	0.021	NA
chr22	41460014	41460272	RP11-12M9.3	ENSG00000237214	87	0.96	0.96	0.96	-0.0072	NA
chr22	18985499	18985700	DGCR5	ENSG00000237517	-188	0.31	0.29	0.97	0.023	NA
chr22	19841883	19843010	GNB1L	ENSG00000185838	-117	0.16	0.15	0.99	0.0035	NA
chr22	39189721	39190119	DNAL4	ENSG00000100246	217	0.23	0.22	0.99	0.012	NA
chr22	51066107	51067051	ARSA	ENSG00000100299	4	0.16	0.17	0.99	-0.0028	NA
chr22	16122622	16122923	LA16c-60H5.7	ENSG00000215270	52	1	1	1	0	NA
chr22	16228205	16228546	GRAMD4P2	ENSG00000235992	1237	0.76	1	1	-0.24	NA
chr22	17083384	17083628	AC005301.5	ENSG00000100181	572	0.21	0.21	1	0.0035	NA
chr22	18111132	18111672	ATP6V1E1	ENSG00000131100	97	0.2	0.2	1	0.00072	NA

chr22	18483191	18484500	MICAL3	ENSG00000243156	101	0.24	0.24	1	0.0017	NA
chr22	19119160	19119702	TSSK2	ENSG00000206203	1110	1	1	1	0	NA
chr22	19742901	19744729	TBX1	ENSG00000184058	-411	0.2	0.2	1	#####	NA
chr22	20073363	20073931	MIR1306	ENSG00000221366	66	0.98	1	1	-0.024	NA
chr22	20748094	20748811	ZNF74	ENSG00000185252	47	0.2	0.2	1	0.0026	NA
chr22	21368197	21368771	AC002472.8	ENSG00000161149	92	0.25	0.18	1	0.068	NA
chr22	21622176	21622503	KB-1183D5.9	ENSG00000226885	-111	1	1	1	0	NA
chr22	22221055	22222367	MAPK1	ENSG00000100030	19	0.2	0.2	1	-0.0026	NA
chr22	22862623	22863220	ZNF280B	ENSG00000198477	551	0.16	0.15	1	0.004	NA
chr22	23802501	23802934	AP000344.4	ENSG00000227755	181	1	1	1	0	NA
chr22	24110029	24110995	CHCHD10	ENSG00000250479	-449	0.27	0.27	1	-0.0016	NA
chr22	25201953	25202553	SGSM1	ENSG00000167037	65	0.2	0.19	1	0.011	NA
chr22	29426510	29426843	CTA-747E2.11	ENSG00000177993	788	0.25	0.25	1	-0.0089	NA
chr22	29706500	29706710	GAS2L1	ENSG00000185340	336	0.94	0.96	1	-0.021	NA
chr22	29707479	29707797	GAS2L1	ENSG00000185340	1369	0.71	0.71	1	0.0075	NA
chr22	31686636	31687371	PIK3IP1	ENSG00000100100	-291	0.21	0.21	1	0.0011	NA
chr22	32366492	32367061	CTA-342B11.2	ENSG00000230866	-34	0.23	0.23	1	-0.0018	NA
chr22	36424219	36425303	RBFOX2	ENSG00000100320	-288	0.25	0.25	1	-0.0047	NA
chr22	37099471	37099711	CACNG2	ENSG00000166862	12	0.25	0.26	1	-0.012	NA
chr22	37914768	37915883	CARD10	ENSG00000100065	-78	0.25	0.25	1	-0.0018	NA
chr22	38203588	38204218	GCAT	ENSG00000100116	-9	0.48	0.47	1	0.011	NA
chr22	38453187	38453503	PICK1	ENSG00000100151	138	0.27	0.33	1	-0.063	NA
chr22	39548102	39548432	CBX7	ENSG00000100307	182	0.22	0.18	1	0.046	NA
chr22	41185197	41185416	RP3-408N23.4	ENSG00000230769	-35	0.93	0.94	1	-0.015	NA
chr22	41252146	41253240	ST13	ENSG00000100380	-124	0.33	0.31	1	0.02	NA
chr22	41681616	41682543	RANGAP1	ENSG00000100401	-170	0.2	0.2	1	-0.0033	NA
chr22	42095414	42096189	MEI1	ENSG00000167077	298	0.67	0.68	1	-0.0055	NA
chr22	42195953	42196961	CCDC134	ENSG00000100147	-226	0.18	0.18	1	-0.001	NA
chr22	45598721	45599080	KIAA0930	ENSG00000100364	-304	1	1	1	0	NA
chr22	45636070	45636606	KIAA0930	ENSG00000100364	285	0.28	0.27	1	0.0074	NA

chr22	46645764	46646957	C22orf40	ENSG00000205643	-174	0.19	0.19	1	7.00E-05	NA
chr22	46685379	46685796	TTC38	ENSG00000075234	1180	0.97	1	1	-0.032	NA
chr22	50169612	50169864	BRD1	ENSG00000100425	25	1	1	1	0	NA
chr22	50316783	50317011	CRELD2	ENSG00000184164	39	0.94	0.93	1	0.0069	NA
chr22	50945859	50946121	LMF2	ENSG00000100258	123	0.33	0.31	1	0.024	NA
chr22	16288314	16288570	POTEH	ENSG00000198062	-505	NA	1	NA	NA	NA
chr22	16404342	16404671	LA16c-60G3.7	ENSG00000213727	-192	1	NA	NA	NA	NA
chr22	20377811	20380341	AC023490.1	ENSG00000206176	262	1	NA	NA	NA	NA
chr22	20427046	20428590	PI4KAP1	ENSG00000215513	17	NA	1	NA	NA	NA
chr22	20459267	20461473	RIMBP3	ENSG00000196622	1039	0.09	NA	NA	NA	NA
chr22	20503820	20504267	AC011718.4	ENSG00000225894	-559	NA	0.67	NA	NA	NA
chr22	21695101	21695548	KB-1183D5.15	ENSG00000232771	-560	NA	0.5	NA	NA	NA
chr22	24308762	24309700	DDTL	ENSG00000099974	142	NA	1	NA	NA	NA
chr22	24372912	24373725	AP000351.10	ENSG00000235231	201	NA	0.41	NA	NA	NA
chr22	24647367	24647600	POM121L9P	ENSG00000128262	-313	1	NA	NA	NA	NA
chr22	25423973	25424230	KIAA1671	ENSG00000197077	160	NA	1	NA	NA	NA
chr22	38470263	38470484	RP5-1039K5.13	ENSG00000233739	-426	1	NA	NA	NA	NA
chr22	38516735	38517030	PLA2G6	ENSG00000184381	165	1	NA	NA	NA	NA
chr22	41601069	41601476	L3MBTL2	ENSG00000100395	63	0.15	NA	NA	NA	NA
chr22	50529561	50529798	MOV10L1	ENSG00000073146	994	1	NA	NA	NA	NA
chr3	50230430	50232344	GNAT1	ENSG00000114349	382	0.49	0.34	2.40E-09	0.15	NA
chr3	138153269	138154621	ESYT3	ENSG00000158220	517	0.39	0.19	2.70E-09	0.2	NA
chr3	182880277	182880722	LAMP3	ENSG00000078081	171	0.36	0.12	3.70E-09	0.25	NA
chr3	142681137	142683268	PAQR9	ENSG00000188582	-803	0.44	0.2	5.60E-09	0.24	NA
chr3	170136242	170137886	CLDN11	ENSG00000013297	411	0.73	0.42	1.10E-08	0.31	NA
chr3	138048193	138048778	TXNDC6	ENSG00000181322	-280	0.29	0.11	1.40E-08	0.18	NA
chr3	138762689	138764113	PRR23C	ENSG00000233701	333	0.84	0.68	1.40E-08	0.16	NA
chr3	197807029	197808734	AC073135.1	ENSG00000226435	-498	0.35	0.19	1.50E-08	0.15	NA
chr3	46506161	46506416	LTF	ENSG00000012223	70	0.95	0.53	1.70E-08	0.42	NA
chr3	75444712	75445611	RP11-803B1.3	ENSG00000242953	-474	0.53	0.28	2.40E-08	0.25	NA

chr3	125677127	125678408	RP11-666A20.3	ENSG00000241439	368	0.77	0.6	4.20E-08	0.18	NA
chr3	47050486	47051609	NBEAL2	ENSG00000160796	1794	0.43	0.24	4.80E-08	0.19	NA
chr3	192634309	192635967	MB21D2	ENSG00000180611	812	0.32	0.14	5.40E-08	0.18	NA
chr3	184079215	184081286	CLCN2	ENSG00000114859	-976	0.38	0.17	1.00E-07	0.21	NA
chr3	150802996	150805168	MED12L	ENSG00000144893	598	0.25	0.14	1.10E-07	0.11	NA
chr3	127794369	127796136	RP11-525K18.2	ENSG00000239608	599	0.56	0.29	1.20E-07	0.27	NA
chr3	156391811	156393607	TIPARP	ENSG00000163659	578	0.33	0.16	1.30E-07	0.17	NA
chr3	184279194	184280721	EPHB3	ENSG00000182580	385	0.3	0.18	1.40E-07	0.13	NA
chr3	195716516	195717575	SDHAP1	ENSG00000185485	84	0.3	0.09	1.60E-07	0.2	NA
chr3	10857687	10858447	SLC6A11	ENSG00000132164	182	0.39	0.2	2.00E-07	0.19	NA
chr3	13460970	13462146	NUP210	ENSG00000132182	251	0.27	0.12	2.60E-07	0.15	NA
chr3	148415442	148415932	AGTR1	ENSG00000144891	116	0.61	0.2	2.90E-07	0.41	NA
chr3	43731998	43733108	ANO10	ENSG00000160746	-248	0.32	0.19	3.70E-07	0.13	NA
chr3	196728958	196730878	AC068302.3	ENSG00000228109	141	0.31	0.17	4.30E-07	0.14	NA
chr3	120003883	120004426	GPR156	ENSG00000175697	-233	0.5	0.15	4.60E-07	0.35	NA
chr3	160167184	160168200	TRIM59	ENSG00000213186	-291	0.58	0.3	9.40E-07	0.28	NA
chr3	136537559	136539204	TMEM22	ENSG00000168917	520	0.34	0.17	1.00E-06	0.17	NA
chr3	120025415	120026241	RP11-174O3.1	ENSG00000240882	255	0.88	0.68	1.10E-06	0.2	NA
chr3	161089626	161090649	C3orf57	ENSG00000196542	531	0.23	0.11	1.30E-06	0.12	NA
chr3	138663718	138666346	FOXL2	ENSG00000183770	769	0.32	0.2	2.00E-06	0.12	NA
chr3	196255495	196256013	AC092933.4	ENSG00000213358	-92	0.39	0.15	2.10E-06	0.24	NA
chr3	58477486	58478274	KCTD6	ENSG00000168301	39	0.41	0.12	2.20E-06	0.29	NA
chr3	128719865	128721245	RP11-723O4.8	ENSG00000250856	-167	0.34	0.19	2.30E-06	0.15	NA
chr3	172165372	172166738	GHSR	ENSG00000121853	190	0.47	0.23	2.40E-06	0.24	NA
chr3	185000557	185000896	MAP3K13	ENSG00000073803	-3	1	0.13	2.40E-06	0.87	NA
chr3	195600845	195602361	TNK2	ENSG00000061938	1918	0.91	0.48	3.00E-06	0.44	NA
chr3	48541298	48541911	SHISA5	ENSG00000164054	-121	0.38	0.14	3.10E-06	0.24	NA
chr3	197183404	197183724	AC128709.4	ENSG00000229912	-39	0.39	0.13	5.20E-06	0.26	NA
chr3	42977830	42978090	KRBOX1	ENSG00000240747	126	1	0.25	5.30E-06	0.75	NA
chr3	137482964	137484454	SOX14	ENSG00000168875	130	0.35	0.21	6.00E-06	0.13	NA

chr3	2140029	2141784	CNTN4	ENSG00000144619	409	0.25	0.39	6.40E-06	-0.14	NA
chr3	181430141	181431076	SOX2	ENSG00000181449	886	0.3	0.14	6.40E-06	0.16	NA
chr3	134369464	134370242	KY	ENSG00000174611	7	0.52	0.31	6.50E-06	0.21	NA
chr3	197476262	197477556	FYTTD1	ENSG00000122068	505	0.34	0.19	7.80E-06	0.15	NA
chr3	45187026	45187946	CDCP1	ENSG00000163814	428	0.25	0.14	9.60E-06	0.11	NA
chr3	187455330	187455843	BCL6	ENSG00000113916	146	0.39	0.1	9.90E-06	0.29	NA
chr3	28616663	28617970	AC109586.1	ENSG00000228214	-586	0.28	0.14	1.20E-05	0.14	NA
chr3	140660334	140661602	SLC25A36	ENSG00000114120	296	0.32	0.19	1.20E-05	0.13	NA
chr3	64430585	64431192	RP11-14D22.1	ENSG00000244564	-19	0.33	0.17	1.30E-05	0.15	NA
chr3	150479734	150481888	SIAH2	ENSG00000181788	353	0.28	0.18	1.30E-05	0.1	NA
chr3	159942916	159944431	CTD-2049J23.2	ENSG00000244040	-587	0.3	0.18	1.50E-05	0.12	NA
chr3	75718116	75719159	RP11-413E6.7	ENSG00000236138	555	0.62	0.7	1.60E-05	-0.085	NA
chr3	50357453	50357683	HYAL2	ENSG00000068001	811	0.72	0.46	1.90E-05	0.25	NA
chr3	14165717	14166999	CHCHD4	ENSG00000163528	-109	0.39	0.19	2.00E-05	0.2	NA
chr3	44622586	44622866	RP11-944L7.2	ENSG00000214820	-208	0.62	0.38	2.00E-05	0.24	NA
chr3	51428412	51429625	RBM15B	ENSG00000179837	287	0.21	0.11	2.10E-05	0.1	NA
chr3	180319823	180320393	TTC14	ENSG00000163728	190	0.36	0.17	3.50E-05	0.19	NA
chr3	183892455	183893184	AP2M1	ENSG00000161203	342	0.63	0.25	4.30E-05	0.38	NA
chr3	96495617	96495982	RP11-346M10.2	ENSG00000176243	10	0.95	0.4	4.40E-05	0.55	NA
chr3	193852241	193852717	HES1	ENSG00000114315	-1455	0.43	0.17	4.50E-05	0.25	NA
chr3	23847871	23848633	AC020626.1	ENSG00000223791	144	0.28	0.11	5.90E-05	0.16	NA
chr3	186856927	186857659	RPL39L	ENSG00000163923	-21	0.49	0.24	7.80E-05	0.25	NA
chr3	147108511	147111703	ZIC4	ENSG00000174963	71	0.32	0.19	8.40E-05	0.12	NA
chr3	197024427	197025506	DLG1	ENSG00000075711	-499	0.41	0.23	1.00E-04	0.18	NA
chr3	23851987	23852508	UBE2E1	ENSG00000170142	-39	0.45	0.2	0.00012	0.25	NA
chr3	156877175	156878364	CCNL1	ENSG00000163660	-539	0.28	0.16	0.00013	0.13	NA
chr3	184870185	184871525	C3orf70	ENSG00000187068	-53	0.35	0.18	0.00013	0.18	NA
chr3	186078710	186080111	DGKG	ENSG00000058866	336	0.33	0.12	0.00014	0.21	NA
chr3	187461974	187462197	RP11-211G3.2	ENSG00000223401	611	0.6	0.14	0.00014	0.46	NA
chr3	33138083	33138769	GLB1	ENSG00000170266	-142	0.26	0.12	0.00015	0.13	NA

chr3	58291813	58292385	RPP14	ENSG00000163684	125	0.34	0.17	0.00015	0.17	NA
chr3	171527617	171528458	AC078953.1	ENSG00000183657	-323	0.44	0.18	0.00015	0.26	NA
chr3	183959061	183959747	MIR1224	ENSG00000221120	211	0.76	0.48	0.00016	0.27	NA
chr3	141867962	141868613	TFDP2	ENSG00000114126	15	0.17	0.73	0.00018	-0.56	NA
chr3	182697749	182698731	DCUN1D1	ENSG00000043093	-301	0.35	0.19	0.00018	0.15	NA
chr3	127308568	127310132	TPRA1	ENSG00000163870	192	0.28	0.16	2.00E-04	0.12	NA
chr3	47204789	47206336	SETD2	ENSG00000181555	-496	0.28	0.17	0.00022	0.11	NA
chr3	58318398	58319192	PXK	ENSG00000168297	188	0.26	0.14	0.00022	0.11	NA
chr3	138724325	138725446	MRPS22	ENSG00000175110	237	0.86	0.75	0.00026	0.11	NA
chr3	46618307	46618669	AC104304.1	ENSG00000241186	-239	0.27	0.48	0.00028	-0.21	NA
chr3	36985540	36987041	TRANK1	ENSG00000168016	258	0.36	0.22	0.00032	0.14	NA
chr3	126135050	126135431	CCDC37	ENSG00000163885	62	0.63	0.33	0.00036	0.31	NA
chr3	100211233	100211575	TMEM45A	ENSG00000181458	-59	0.19	0.71	4.00E-04	-0.52	NA
chr3	190231330	190232026	IL1RAP	ENSG00000196083	-162	0.23	0.1	4.00E-04	0.12	NA
chr3	193788481	193789266	RP11-407B7.1	ENSG00000230102	-132	0.38	0.2	0.00043	0.18	NA
chr3	196755677	196757374	MF12	ENSG00000163975	-360	0.34	0.19	0.00043	0.15	NA
chr3	159480946	159483023	IQCJ-SCHIP1	ENSG00000250588	482	0.3	0.19	0.00045	0.11	NA
chr3	9745499	9746782	CPNE9	ENSG00000144550	630	0.27	0.17	0.00046	0.1	NA
chr3	122785734	122786600	PDIA5	ENSG00000065485	258	0.33	0.17	0.00046	0.16	NA
chr3	179280362	179281463	ACTL6A	ENSG00000136518	244	0.4	0.17	0.00046	0.23	NA
chr3	187456250	187456580	BCL6	ENSG00000113916	-683	0.71	0.14	0.00056	0.57	NA
chr3	42306149	42307520	CCK	ENSG00000187094	-577	0.31	0.19	0.00057	0.12	NA
chr3	88107550	88108509	CGGBP1	ENSG00000163320	66	0.28	0.14	0.00059	0.14	NA
chr3	136580875	136581721	RP11-85F14.5	ENSG00000239213	-419	0.36	0.19	0.00065	0.17	NA
chr3	160472310	160474487	PPM1L	ENSG00000163590	8	0.25	0.16	0.00066	0.086	NA
chr3	152878268	152881086	RP11-529G21.2	ENSG00000244268	-113	0.25	0.15	0.00069	0.1	NA
chr3	15247446	15248320	COL6A4P1	ENSG00000230524	-417	0.44	0.24	0.00075	0.19	NA
chr3	37034228	37035356	EPM2AIP1	ENSG00000178567	3	0.32	0.07	0.00075	0.25	NA
chr3	183145427	183146790	MCF2L2	ENSG00000053524	-343	0.3	0.17	0.00077	0.13	NA
chr3	52552722	52553384	STAB1	ENSG00000010327	236	0.76	0.45	0.00081	0.31	NA

chr3	185541048	185544146	IGF2BP2	ENSG00000073792	-1538	0.27	0.19	0.00083	0.082	NA
chr3	194117601	194118988	GP5	ENSG00000178732	789	0.31	0.48	0.00084	-0.17	NA
chr3	87101767	87102008	PPATP1	ENSG00000241293	1	0.98	0.86	0.00086	0.12	NA
chr3	143689733	143692279	C3orf58	ENSG00000181744	366	0.31	0.2	0.00088	0.11	NA
chr3	50540220	50541123	CACNA2D2	ENSG00000007402	183	0.35	0.21	0.00091	0.14	NA
chr3	138066795	138067854	MRAS	ENSG00000158186	10	0.39	0.22	0.00093	0.18	NA
chr3	38495088	38497151	ACVR2B	ENSG00000114739	777	0.27	0.18	0.001	0.093	NA
chr3	196695319	196697065	PIGZ	ENSG00000119227	-488	0.25	0.17	0.001	0.08	NA
chr3	6902823	6903516	GRM7	ENSG00000196277	242	0.34	0.18	0.0011	0.16	NA
chr3	71834068	71834653	PROK2	ENSG00000163421	-148	0.24	0.1	0.0011	0.14	NA
chr3	105085990	105086223	ALCAM	ENSG00000170017	-81	0.47	0.2	0.0011	0.28	NA
chr3	142607195	142608229	PCOLCE2	ENSG00000163710	-125	0.26	0.16	0.0011	0.093	NA
chr3	194990987	194992478	C3orf21	ENSG00000173950	-142	0.34	0.19	0.0011	0.14	NA
chr3	196359201	196359684	AC023797.1	ENSG00000232065	16	0.23	0.42	0.0011	-0.2	NA
chr3	49058325	49059986	NDUFAF3	ENSG00000178057	711	0.27	0.18	0.0012	0.097	NA
chr3	3840513	3842772	LRRN1	ENSG00000175928	521	0.27	0.18	0.0014	0.09	NA
chr3	13114627	13115245	IQSEC1	ENSG00000144711	-319	0.26	0.44	0.0014	-0.18	NA
chr3	87039610	87040516	VGLL3	ENSG00000206538	-211	0.25	0.14	0.0014	0.11	NA
chr3	42623214	42623872	SS18L2	ENSG00000008324	211	0.34	0.17	0.0015	0.17	NA
chr3	124605059	124606729	ITGB5	ENSG00000082781	250	0.25	0.15	0.0017	0.1	NA
chr3	46759064	46759550	PRSS50	ENSG00000206549	83	0.63	0.76	0.0018	-0.14	NA
chr3	122134685	122135084	WDR5B	ENSG00000196981	-2	0.38	1	0.0018	-0.62	NA
chr3	11760638	11762078	AC090939.2	ENSG00000224386	443	0.35	0.23	0.0019	0.12	NA
chr3	53078956	53081101	SFMBT1	ENSG00000163935	-747	0.29	0.2	0.0019	0.089	NA
chr3	128968342	128968544	COPG	ENSG00000181789	-6	0.31	0.16	0.0019	0.15	NA
chr3	118753092	118753961	IGSF11	ENSG00000144847	49	0.33	0.17	0.002	0.16	NA
chr3	192232072	192233137	RP11-91M9.1	ENSG00000230126	-207	0.33	0.19	0.002	0.14	NA
chr3	13590414	13591008	FBLN2	ENSG00000163520	80	0.43	0.3	0.0023	0.13	NA
chr3	71773826	71774873	EIF4E3	ENSG00000163412	177	0.3	0.13	0.0024	0.17	NA
chr3	141594486	141596288	ATP1B3	ENSG00000069849	421	0.32	0.21	0.0024	0.11	NA

chr3	56716492	56717658	C3orf63	ENSG00000163946	-30	0.25	0.16	0.0026	0.09	NA
chr3	194207385	194208785	ATP13A3	ENSG00000133657	-697	0.31	0.19	0.0026	0.12	NA
chr3	38388122	38388769	XYLB	ENSG00000093217	194	0.47	0.26	0.0027	0.21	NA
chr3	4534412	4535367	AC024168.2	ENSG00000231249	-42	0.36	0.18	0.0029	0.19	NA
chr3	69062159	69063190	C3orf64	ENSG00000163378	76	0.27	0.18	0.0029	0.09	NA
chr3	45077069	45077690	RNU5B-3P	ENSG00000252410	-1299	0.4	0.21	0.0031	0.18	NA
chr3	113775147	113775582	KIAA1407	ENSG00000163617	-30	0.49	0.2	0.0031	0.29	NA
chr3	50374264	50375629	RASSF1	ENSG00000068028	-51	0.23	0.17	0.0033	0.059	NA
chr3	137489594	137491004	RP11-2A4.3	ENSG00000239513	-492	0.26	0.18	0.0033	0.085	NA
chr3	100119504	100120857	LNP1	ENSG00000206535	143	0.34	0.19	0.0034	0.15	NA
chr3	196044436	196045284	TCTEX1D2	ENSG00000213123	225	0.38	0.18	0.0034	0.2	NA
chr3	10052541	10053023	AC022007.5	ENSG00000206567	-3	0.17	0.08	0.0035	0.095	NA
chr3	49130677	49131845	QRICH1	ENSG00000198218	-217	0.29	0.19	0.0036	0.096	NA
chr3	57112567	57113908	ARHGEF3	ENSG00000163947	-394	0.35	0.22	0.0037	0.13	NA
chr3	119187747	119188308	POGLUT1	ENSG00000163389	242	0.33	0.14	0.0037	0.19	NA
chr3	169898946	169899626	PHC3	ENSG00000173889	225	0.25	0.13	0.0038	0.12	NA
chr3	52443677	52445104	BAP1	ENSG00000163930	-591	0.33	0.23	0.004	0.094	NA
chr3	71113896	71114102	FOXP1	ENSG00000114861	78	0.36	0.11	0.0041	0.25	NA
chr3	119041382	119042255	RP11-305I9.3	ENSG00000241155	-211	0.36	0.17	0.0041	0.19	NA
chr3	73045834	73046517	PPP4R2	ENSG00000163605	239	0.42	0.22	0.0043	0.2	NA
chr3	127316984	127317531	TPRA1	ENSG00000163870	-210	0.25	0.14	0.0045	0.11	NA
chr3	127872176	127872842	EEFSEC	ENSG00000132394	212	0.43	0.21	0.0048	0.22	NA
chr3	13521506	13522262	AC027124.4	ENSG00000244502	-331	0.15	0.27	0.0049	-0.11	NA
chr3	9004864	9005270	RAD18	ENSG00000070950	48	0.41	0.19	0.0051	0.21	NA
chr3	37284558	37285281	GOLGA4	ENSG00000144674	251	0.26	0.18	0.0051	0.082	NA
chr3	186490602	186490813	RP11-573D15.6	ENSG00000230951	329	0.49	0.23	0.0053	0.26	NA
chr3	16925381	16926849	PLCL2	ENSG00000154822	-337	0.36	0.27	0.0055	0.088	NA
chr3	179040466	179041632	ZNF639	ENSG00000121864	270	0.29	0.17	0.0055	0.12	NA
chr3	157260666	157261224	C3orf55	ENSG00000174899	-90	0.35	0.17	0.0056	0.18	NA
chr3	48754577	48754904	IP6K2	ENSG00000068745	-141	0.25	0.12	0.0057	0.13	NA

chr3	38690409	38691513	SCN5A	ENSG00000183873	158	0.34	0.22	0.0059	0.12	NA
chr3	3221083	3221617	CRBN	ENSG00000113851	8	0.25	0.14	0.006	0.11	NA
chr3	44666477	44666820	ZNF197	ENSG00000186448	137	0.32	0.16	0.0062	0.16	NA
chr3	43663661	43663906	ANO10	ENSG00000160746	-223	0.46	0.25	0.0063	0.21	NA
chr3	72495853	72496852	RYBP	ENSG00000163602	-283	0.29	0.2	0.0065	0.095	NA
chr3	154042004	154042376	DHX36	ENSG00000174953	-150	0.38	0.26	0.0065	0.12	NA
chr3	46607346	46607806	LRRC2	ENSG00000163827	148	0.41	0.22	0.0066	0.19	NA
chr3	167967246	167968130	EGFEM1P	ENSG00000206120	378	0.31	0.2	0.0066	0.11	NA
chr3	36421702	36422210	STAC	ENSG00000144681	120	0.38	0.15	0.0069	0.22	NA
chr3	111393190	111393544	PLCXD2	ENSG00000240891	-156	0.38	0.19	0.0071	0.19	NA
chr3	183872925	183873712	DVL3	ENSG00000161202	142	0.35	0.2	0.0071	0.16	NA
chr3	58572478	58572903	FAM107A	ENSG00000168309	150	0.55	0.41	0.0072	0.14	NA
chr3	172468372	172468845	ECT2	ENSG00000114346	136	0.48	0.24	0.0077	0.24	NA
chr3	49394855	49395942	GPX1	ENSG00000233276	318	0.37	0.26	0.0079	0.11	NA
chr3	9595185	9595533	LHFPL4	ENSG00000156959	120	0.22	0.11	0.0081	0.11	NA
chr3	132756985	132757895	TMEM108	ENSG00000144868	205	0.37	0.2	0.0084	0.16	NA
chr3	9690966	9691418	MTMR14	ENSG00000163719	75	0.27	0.18	0.009	0.097	NA
chr3	57198243	57199378	IL17RD	ENSG00000144730	396	0.3	0.2	0.0092	0.098	NA
chr3	154146347	154146965	GPR149	ENSG00000174948	848	0.35	0.11	0.0092	0.24	NA
chr3	122296612	122296828	PARP15	ENSG00000173200	245	0.81	0.52	0.01	0.29	NA
chr3	122513726	122514477	DIRC2	ENSG00000138463	170	0.26	0.12	0.01	0.13	NA
chr3	129829971	129831426	RP11-93K22.12	ENSG00000253540	-423	0.15	0.26	0.01	-0.12	NA
chr3	190039817	190040465	CLDN1	ENSG00000163347	91	0.32	0.19	0.01	0.13	NA
chr3	48470230	48471389	PLXNB1	ENSG00000164050	63	0.37	0.25	0.012	0.12	NA
chr3	93698763	93699433	ARL13B	ENSG00000169379	115	0.34	0.17	0.012	0.17	NA
chr3	173115404	173115775	NLGN1	ENSG00000169760	19	0.27	0.16	0.012	0.11	NA
chr3	183852778	183853386	EIF2B5	ENSG00000145191	256	0.69	0.23	0.012	0.46	NA
chr3	12328994	12329227	PPARG	ENSG00000132170	223	0.31	0.11	0.013	0.19	NA
chr3	14615366	14615957	AC090952.4	ENSG00000234123	638	0.96	0.83	0.013	0.13	NA
chr3	193854575	193856015	HES1	ENSG00000114315	1358	0.3	0.18	0.013	0.12	NA

chr3	50648939	50649829	MAPKAPK3	ENSG00000114738	433	0.28	0.18	0.014	0.094	NA
chr3	54155239	54157025	CACNA2D3	ENSG00000157445	-442	0.3	0.2	0.014	0.096	NA
chr3	124774246	124775113	HEG1	ENSG00000173706	123	0.25	0.15	0.014	0.099	NA
chr3	136470433	136471923	STAG1	ENSG00000118007	30	0.26	0.19	0.014	0.07	NA
chr3	168867211	168867413	MECOM	ENSG00000085276	-1790	0.5	0.14	0.014	0.36	NA
chr3	71630573	71633217	FOXP1	ENSG00000114861	-791	0.3	0.23	0.015	0.064	NA
chr3	194406440	194409045	FAM43A	ENSG00000185112	1120	0.33	0.26	0.015	0.068	NA
chr3	42054781	42055929	TRAK1	ENSG00000182606	61	0.34	0.25	0.016	0.092	NA
chr3	44770936	44771137	ZNF501	ENSG00000186446	-52	0.3	0.16	0.016	0.14	NA
chr3	107940930	107941503	IFT57	ENSG00000114446	-9	0.17	0.3	0.016	-0.13	NA
chr3	142837885	142840838	CHST2	ENSG00000175040	1188	0.28	0.23	0.016	0.055	NA
chr3	40566129	40566689	ZNF621	ENSG00000172888	40	0.3	0.17	0.017	0.13	NA
chr3	57541931	57543244	PDE12	ENSG00000174840	584	0.22	0.16	0.017	0.063	NA
chr3	134092257	134093741	AMOTL2	ENSG00000114019	-369	0.32	0.22	0.017	0.1	NA
chr3	18485112	18487056	TBC1D5	ENSG00000131374	225	0.3	0.22	0.018	0.086	NA
chr3	20081458	20082426	KAT2B	ENSG00000114166	427	0.27	0.17	0.018	0.11	NA
chr3	57993838	57994704	FLNB	ENSG00000136068	144	0.28	0.19	0.018	0.09	NA
chr3	100053448	100053953	NIT2	ENSG00000114021	155	0.35	0.17	0.018	0.18	NA
chr3	169379437	169381056	MECOM	ENSG00000085276	932	0.3	0.21	0.018	0.094	NA
chr3	179168735	179169593	GNB4	ENSG00000114450	-231	0.3	0.2	0.018	0.099	NA
chr3	195162891	195164119	ACAP2	ENSG00000114331	-500	0.45	0.27	0.018	0.18	NA
chr3	196295341	196295796	WDR53	ENSG00000185798	-175	0.26	0.17	0.018	0.09	NA
chr3	38065743	38066822	PLCD1	ENSG00000187091	-215	0.18	0.26	0.019	-0.087	NA
chr3	45266477	45268039	AC010170.1	ENSG00000178550	261	0.29	0.19	0.019	0.094	NA
chr3	51989763	51990639	GPR62	ENSG00000180929	871	0.31	0.17	0.019	0.14	NA
chr3	52231942	52232541	ALAS1	ENSG00000023330	139	0.29	0.2	0.019	0.093	NA
chr3	112738244	112738653	RP11-572M11.4	ENSG00000240057	69	0.31	0.19	0.019	0.12	NA
chr3	133613566	133615174	RAB6B	ENSG00000154917	-73	0.33	0.23	0.019	0.1	NA
chr3	57994921	57995218	FLNB	ENSG00000136068	942	0.35	0.15	0.02	0.2	NA
chr3	156272636	156273099	SSR3	ENSG00000114850	39	0.31	0.17	0.02	0.14	NA

chr3	157822973	157823836	SHOX2	ENSG00000168779	-321	0.28	0.17	0.02	0.11	NA
chr3	10183305	10183941	VHL	ENSG00000134086	151	0.3	0.2	0.021	0.1	NA
chr3	42304944	42305311	CCK	ENSG00000187094	312	1	0.15	0.021	0.85	NA
chr3	122631722	122632854	SEMA5B	ENSG00000082684	-1174	0.94	0.87	0.021	0.073	NA
chr3	123303339	123303929	PTPLB	ENSG00000206527	-232	0.25	0.14	0.021	0.11	NA
chr3	193720953	193721291	RP11-699L21.1	ENSG00000214146	303	0.35	0.14	0.021	0.21	NA
chr3	194980332	194981275	C3orf21	ENSG00000173950	6	0.33	0.22	0.021	0.11	NA
chr3	69788483	69789208	MITF	ENSG00000187098	259	0.24	0.15	0.022	0.089	NA
chr3	49027116	49028356	P4HTM	ENSG00000178467	417	0.24	0.16	0.023	0.08	NA
chr3	79815638	79815900	ROBO1	ENSG00000169855	1196	0.17	1	0.023	-0.83	NA
chr3	148709076	148710069	GYG1	ENSG00000163754	444	0.25	0.16	0.024	0.085	NA
chr3	138327500	138328185	FAIM	ENSG00000158234	300	0.26	0.17	0.025	0.087	NA
chr3	11887799	11888538	C3orf31	ENSG00000144559	78	0.29	0.45	0.026	-0.16	NA
chr3	37217053	37218129	LRRFIP2	ENSG00000093167	-43	0.22	0.15	0.026	0.071	NA
chr3	45635090	45635932	LIMD1	ENSG00000144791	-305	0.3	0.21	0.026	0.096	NA
chr3	52007710	52008248	PCBP4	ENSG00000090097	53	0.3	0.19	0.026	0.11	NA
chr3	114865436	114867124	ZBTB20	ENSG00000181722	-168	0.26	0.18	0.026	0.078	NA
chr3	187871478	187872354	LPP	ENSG00000145012	256	0.17	0.26	0.026	-0.09	NA
chr3	9974379	9975722	CRELD1	ENSG00000163703	-456	0.29	0.22	0.027	0.075	NA
chr3	53527927	53530106	CACNA1D	ENSG00000157388	333	0.26	0.19	0.027	0.067	NA
chr3	119421855	119422334	C3orf15	ENSG00000183833	225	0.37	0.24	0.027	0.13	NA
chr3	184429366	184429907	MAGEF1	ENSG00000177383	200	0.31	0.17	0.027	0.14	NA
chr3	186524095	186524694	RFC4	ENSG00000163918	-250	0.34	0.23	0.027	0.11	NA
chr3	196594576	196595486	SENP5	ENSG00000119231	304	0.31	0.2	0.027	0.11	NA
chr3	53925438	53926174	RP11-884K10.5	ENSG00000113811	76	0.35	0.22	0.028	0.13	NA
chr3	69591011	69592050	FRMD4B	ENSG00000114541	204	0.23	0.17	0.028	0.067	NA
chr3	56835650	56836210	ARHGEF3	ENSG00000163947	47	0.34	0.19	0.029	0.15	NA
chr3	142315171	142315567	PLS1	ENSG00000120756	140	0.29	0.17	0.029	0.12	NA
chr3	45430016	45430237	LARS2	ENSG00000011376	73	0.32	0.14	0.03	0.18	NA
chr3	50336331	50336879	NAT6	ENSG00000243477	-57	0.6	0.23	0.03	0.37	NA

chr3	52489417	52490008	NISCH	ENSG00000010322	188	0.33	0.19	0.03	0.15	NA
chr3	157827760	157828197	RSRC1	ENSG000000174891	137	0.35	0.2	0.03	0.14	NA
chr3	133969033	133970009	RYK	ENSG000000163785	-84	0.22	0.14	0.031	0.073	NA
chr3	140949911	140950963	ACPL2	ENSG000000155893	-230	0.26	0.17	0.031	0.09	NA
chr3	185303822	185304497	SENP2	ENSG000000163904	197	0.3	0.19	0.031	0.11	NA
chr3	49377340	49377854	USP4	ENSG000000114316	-135	0.24	0.17	0.033	0.076	NA
chr3	128712404	128713058	KIAA1257	ENSG000000114656	188	0.35	0.22	0.033	0.13	NA
chr3	178978948	178979364	LRRFIP1P1	ENSG000000240429	-95	0.42	0.23	0.034	0.19	NA
chr3	186648174	186649103	ST6GAL1	ENSG000000073849	364	0.28	0.2	0.034	0.082	NA
chr3	156892554	156893036	RP11-550I24.2	ENSG000000243176	-217	0.34	0.18	0.035	0.15	NA
chr3	169940157	169940778	PRKCI	ENSG000000163558	314	0.21	0.13	0.035	0.071	NA
chr3	190580504	190580899	RP11-332P22.1	ENSG000000205835	-236	0.32	0.21	0.035	0.11	NA
chr3	32433104	32434162	CMTM7	ENSG000000153551	470	0.26	0.19	0.036	0.068	NA
chr3	75834254	75834761	ZNF717	ENSG000000227124	-252	0.42	0.34	0.036	0.086	NA
chr3	51421986	51423031	MANF	ENSG000000145050	30	0.23	0.16	0.037	0.069	NA
chr3	75483802	75485289	FAM86DP	ENSG000000244026	-437	0.3	0.17	0.037	0.13	NA
chr3	133502561	133502963	SRPRB	ENSG000000144867	-115	0.91	0.75	0.037	0.17	NA
chr3	13974400	13974867	RP11-271E2.1	ENSG000000250439	80	0.42	0.27	0.038	0.15	NA
chr3	49236567	49237328	CCDC36	ENSG000000173421	14	0.48	0.34	0.038	0.15	NA
chr3	197391889	197392481	AC024560.2	ENSG000000236833	443	0.24	0.1	0.038	0.14	NA
chr3	101497830	101498648	FAM55C	ENSG000000144815	193	0.24	0.15	0.039	0.089	NA
chr3	156543891	156544405	RP11-6F2.7	ENSG000000197980	59	0.32	0.22	0.039	0.1	NA
chr3	57204169	57204417	IL17RD	ENSG000000144730	30	0.29	0.63	0.04	-0.35	NA
chr3	128902134	128902978	CNBP	ENSG000000169714	151	0.4	0.25	0.04	0.15	NA
chr3	13034850	13036687	IQSEC1	ENSG000000144711	858	0.33	0.24	0.041	0.097	NA
chr3	9833992	9834985	TADA3	ENSG000000171148	-396	0.22	0.16	0.042	0.059	NA
chr3	33759206	33759911	CLASP2	ENSG000000163539	-56	0.23	0.13	0.042	0.1	NA
chr3	49044132	49045576	WDR6	ENSG000000178252	359	0.23	0.17	0.042	0.068	NA
chr3	131221604	131221888	MRPL3	ENSG000000114686	35	0.36	0.11	0.043	0.25	NA
chr3	5019876	5022223	BHLHE40	ENSG000000134107	248	0.35	0.25	0.045	0.096	NA

chr3	113233663	113234094	SPICE1	ENSG00000163611	-189	0.25	0.16	0.046	0.089	NA
chr3	49823482	49824346	IP6K1	ENSG00000176095	-287	0.21	0.14	0.048	0.069	NA
chr3	141120983	141121678	ZBTB38	ENSG00000177311	139	0.31	0.21	0.048	0.11	NA
chr3	18466298	18466604	SATB1	ENSG00000182568	-219	0.35	0.21	0.049	0.14	NA
chr3	48677529	48677877	CELSR3	ENSG00000008300	1867	0.88	0.97	0.051	-0.09	NA
chr3	129033540	129035646	RP13-685P2.5	ENSG00000206417	358	0.24	0.2	0.051	0.048	NA
chr3	178789305	178789827	ZMAT3	ENSG00000172667	-212	0.28	0.16	0.051	0.11	NA
chr3	110790149	110791401	RP11-553A10.2	ENSG00000242242	-565	0.25	0.19	0.052	0.063	NA
chr3	38035701	38036000	VILL	ENSG00000136059	206	0.27	0.41	0.055	-0.14	NA
chr3	126074783	126076865	KLF15	ENSG00000163884	461	0.27	0.21	0.055	0.059	NA
chr3	38206498	38207642	OXSR1	ENSG00000172939	490	0.13	0.26	0.056	-0.13	NA
chr3	155588009	155589602	GMPS	ENSG00000163655	480	0.23	0.17	0.056	0.054	NA
chr3	196296016	196296290	FBXO45	ENSG00000174013	594	0.39	0.15	0.056	0.25	NA
chr3	11313889	11314137	ATG7	ENSG00000197548	18	0.17	0.28	0.057	-0.11	NA
chr3	44379532	44380310	C3orf23	ENSG00000179152	310	0.26	0.17	0.059	0.091	NA
chr3	133292203	133292908	CDV3	ENSG00000091527	-19	0.33	0.2	0.06	0.13	NA
chr3	64253533	64253819	PRICKLE2	ENSG00000163637	-21	0.42	0.26	0.061	0.16	NA
chr3	96532023	96533625	EPHA6	ENSG00000080224	-601	0.28	0.22	0.061	0.067	NA
chr3	98451286	98452225	ST3GAL6	ENSG00000064225	461	0.29	0.2	0.062	0.093	NA
chr3	153838787	153840380	ARHGEF26	ENSG00000114790	791	0.27	0.19	0.063	0.076	NA
chr3	10067898	10068265	CIDECP	ENSG00000186162	-71	0.32	0.21	0.064	0.11	NA
chr3	24535844	24537436	THRB	ENSG00000151090	-463	0.28	0.21	0.064	0.062	NA
chr3	63897392	63898299	ATXN7	ENSG00000163635	240	0.3	0.22	0.066	0.086	NA
chr3	120067499	120068531	LRRC58	ENSG00000163428	171	0.31	0.21	0.067	0.095	NA
chr3	42632164	42632667	SS18L2	ENSG00000008324	117	0.41	0.25	0.068	0.16	NA
chr3	53381345	53381936	DCP1A	ENSG00000162290	-88	0.18	0.26	0.068	-0.078	NA
chr3	98620131	98620910	DCBLD2	ENSG00000057019	-350	0.21	0.15	0.068	0.061	NA
chr3	28389975	28390855	AZI2	ENSG00000163512	-295	0.15	0.21	0.074	-0.064	NA
chr3	122512485	122512798	HSPBAP1	ENSG00000169087	-134	0.19	0.11	0.074	0.079	NA
chr3	12200183	12200532	SYN2	ENSG00000157152	208	0.91	0.7	0.076	0.21	NA

chr3	44902959	44903623	TMEM42	ENSG00000169964	-70	0.31	0.21	0.077	0.091	NA
chr3	121264469	121264943	POLQ	ENSG00000051341	147	0.26	0.39	0.079	-0.13	NA
chr3	15642770	15643581	BTD	ENSG00000169814	327	0.55	0.36	0.08	0.19	NA
chr3	46923265	46925182	MYL3	ENSG00000160808	-564	0.28	0.22	0.08	0.051	NA
chr3	128997958	128998303	C3orf37	ENSG00000183624	282	0.56	0.29	0.08	0.27	NA
chr3	49893810	49894216	TRAIP	ENSG00000183763	-106	0.18	0.12	0.083	0.065	NA
chr3	182510866	182512282	RP11-225N10.1	ENSG00000240063	-392	0.31	0.23	0.083	0.08	NA
chr3	194392808	194393378	LSG1	ENSG00000041802	-202	0.38	0.2	0.083	0.18	NA
chr3	195269553	195270363	PPP1R2	ENSG00000184203	23	0.33	0.22	0.083	0.11	NA
chr3	14692931	14693429	C3orf19	ENSG00000154781	-91	0.32	0.12	0.084	0.2	NA
chr3	113464437	113465159	NAA50	ENSG00000121579	-157	0.24	0.18	0.084	0.065	NA
chr3	15373314	15374209	SH3BP5	ENSG00000131370	-191	0.17	0.24	0.085	-0.069	NA
chr3	145878430	145879287	PLOD2	ENSG00000152952	-80	0.28	0.21	0.085	0.074	NA
chr3	50191971	50193130	SEMA3F	ENSG00000001617	72	0.25	0.2	0.087	0.053	NA
chr3	97540664	97541633	AC110491.1	ENSG00000233280	264	0.22	0.16	0.087	0.056	NA
chr3	129158602	129159477	MBD4	ENSG00000129071	-363	0.28	0.2	0.087	0.078	NA
chr3	50712068	50713007	DOCK3	ENSG00000088538	-135	0.34	0.26	0.088	0.08	NA
chr3	101394976	101396096	AC084198.1	ENSG00000256628	262	0.35	0.27	0.088	0.08	NA
chr3	107809375	107810543	CD47	ENSG00000196776	-98	0.29	0.21	0.088	0.082	NA
chr3	195384521	195385580	AC069513.4	ENSG00000229178	-252	0.15	0.29	0.089	-0.15	NA
chr3	19189688	19190100	KCNH8	ENSG00000183960	-52	0.14	0.23	0.093	-0.093	NA
chr3	139258152	139258731	RBP1	ENSG00000114115	89	0.26	0.19	0.093	0.068	NA
chr3	127541270	127542048	MGLL	ENSG00000074416	42	0.2	0.27	0.094	-0.075	NA
chr3	48955810	48956938	ARIH2	ENSG00000177479	120	0.29	0.23	0.095	0.059	NA
chr3	52188271	52189037	POC1A	ENSG00000164087	-234	0.32	0.19	0.096	0.13	NA
chr3	195622187	195623033	TNK2	ENSG00000061938	-178	0.27	0.19	0.098	0.078	NA
chr3	79067882	79068566	ROBO1	ENSG00000169855	-59	0.24	0.37	0.099	-0.13	NA
chr3	27524934	27526180	SLC4A7	ENSG00000033867	281	0.22	0.16	0.1	0.063	NA
chr3	42814567	42814893	CCDC13	ENSG00000244607	5	0.19	0.27	0.1	-0.079	NA
chr3	50275393	50275645	GNAI2	ENSG00000114353	-25	0.18	0.29	0.1	-0.11	NA

chr3	122745183	122746986	SEMA5B	ENSG00000082684	341	0.24	0.19	0.1	0.047	NA
chr3	126242783	126243358	CHST13	ENSG00000180767	-56	0.21	0.14	0.1	0.075	NA
chr3	142297219	142297849	ATR	ENSG00000175054	32	0.29	0.2	0.1	0.09	NA
chr3	147113608	147114479	ZIC4	ENSG00000174963	930	0.16	0.25	0.1	-0.091	NA
chr3	5163838	5164540	ARL8B	ENSG00000134108	284	0.22	0.32	0.11	-0.098	NA
chr3	8808961	8811280	OXTR	ENSG00000180914	243	0.32	0.26	0.11	0.055	NA
chr3	14219715	14220408	LSM3	ENSG00000170860	203	0.25	0.17	0.11	0.086	NA
chr3	23957941	23959181	RPL15	ENSG00000174748	525	0.31	0.22	0.11	0.086	NA
chr3	33259919	33260763	SUSD5	ENSG00000173705	-56	0.25	0.19	0.11	0.055	NA
chr3	50297440	50298097	U73166.2	ENSG00000230454	33	0.29	0.13	0.11	0.16	NA
chr3	52017056	52017592	ACY1	ENSG00000243989	-32	0.22	0.16	0.11	0.063	NA
chr3	52321783	52322054	GLYCTK	ENSG00000168237	82	0.24	0.15	0.11	0.087	NA
chr3	150421183	150421879	RP11-103G8.2	ENSG00000240137	180	0.25	0.36	0.11	-0.11	NA
chr3	155027498	155027703	PABPC1P10	ENSG00000239443	-4	0.99	0.91	0.11	0.075	NA
chr3	179322346	179322788	MRPL47	ENSG00000136522	-139	0.28	0.17	0.11	0.1	NA
chr3	183967304	183967801	ALG3	ENSG00000214160	-244	0.27	0.19	0.11	0.084	NA
chr3	183977548	183980633	CAMK2N2	ENSG00000163888	161	0.27	0.22	0.11	0.054	NA
chr3	196438874	196439734	CEP19	ENSG00000174007	-185	0.23	0.18	0.11	0.053	NA
chr3	4345005	4345342	SETMAR	ENSG00000170364	157	0.23	0.75	0.12	-0.52	NA
chr3	62354291	62355012	RP11-204J18.3	ENSG00000241472	350	0.37	0.24	0.12	0.14	NA
chr3	67704628	67705051	SUCLG2	ENSG00000172340	192	0.23	0.17	0.12	0.06	NA
chr3	128722283	128723036	KIAA1257	ENSG00000114656	-1126	0.21	0.31	0.12	-0.093	NA
chr3	135684570	135685367	PPP2R3A	ENSG00000073711	382	0.3	0.2	0.12	0.1	NA
chr3	169755594	169756847	GPR160	ENSG00000173890	503	0.3	0.24	0.12	0.063	NA
chr3	11034446	11035384	SLC6A1	ENSG00000157103	495	0.31	0.22	0.13	0.091	NA
chr3	12329427	12330333	PPARG	ENSG00000132170	-457	0.25	0.18	0.13	0.07	NA
chr3	32544018	32544325	CMTM6	ENSG00000091317	117	0.26	0.17	0.13	0.092	NA
chr3	42542820	42544524	VIPR1	ENSG00000114812	268	0.2	0.15	0.13	0.051	NA
chr3	48229077	48230285	CDC25A	ENSG00000164045	-225	0.27	0.21	0.13	0.052	NA
chr3	48487793	48488581	RP11-24C3.2	ENSG00000244380	-151	0.24	0.31	0.13	-0.075	NA

chr3	50606345	50606972	HEMK1	ENSG00000114735	75	0.13	0.21	0.13	-0.082	NA
chr3	65534684	65535344	MAGI1	ENSG00000151276	161	0.25	0.19	0.13	0.059	NA
chr3	73159857	73160140	U2	ENSG00000223247	-145	0.94	1	0.13	-0.064	NA
chr3	87841796	87842563	RP11-451B8.1	ENSG00000239572	600	0.28	0.19	0.13	0.088	NA
chr3	99594969	99595215	FILIP1L	ENSG00000168386	-104	0.23	0.16	0.13	0.069	NA
chr3	119217308	119217756	C3orf1	ENSG00000113845	153	0.32	0.46	0.13	-0.13	NA
chr3	126193683	126195495	ZXDC	ENSG00000070476	-759	0.22	0.17	0.13	0.045	NA
chr3	157821232	157821604	SHOX2	ENSG00000168779	-742	0.24	0.16	0.13	0.081	NA
chr3	178866068	178866908	PIK3CA	ENSG00000121879	177	0.39	0.27	0.13	0.12	NA
chr3	196014248	196015104	PCYT1A	ENSG00000161217	-142	0.28	0.21	0.13	0.069	NA
chr3	55520226	55522344	WNT5A	ENSG00000114251	-186	0.38	0.3	0.14	0.072	NA
chr3	57678339	57678938	FAM116A	ENSG00000174839	-67	0.27	0.2	0.14	0.069	NA
chr3	139108249	139108985	COPB2	ENSG00000184432	-215	0.36	0.22	0.14	0.14	NA
chr3	141205983	141206760	RASA2	ENSG00000155903	480	0.23	0.16	0.14	0.064	NA
chr3	150321002	150321791	SERP1	ENSG00000120742	-381	0.21	0.15	0.14	0.063	NA
chr3	46734731	46735717	ALS2CL	ENSG00000178038	-81	0.29	0.23	0.15	0.063	NA
chr3	52312069	52313057	WDR82	ENSG00000164091	-226	0.25	0.2	0.15	0.049	NA
chr3	105587279	105588218	CBLB	ENSG00000114423	139	0.26	0.21	0.15	0.051	NA
chr3	145968334	145969008	PLSCR4	ENSG00000114698	-17	0.27	0.16	0.15	0.11	NA
chr3	183165238	183165667	RP11-393B14.1	ENSG00000240024	56	0.17	0.27	0.15	-0.093	NA
chr3	10149750	10150066	C3orf24	ENSG00000163705	-140	0.67	0.48	0.16	0.18	NA
chr3	18467440	18467664	SATB1	ENSG00000182568	-691	0.21	0.12	0.16	0.094	NA
chr3	42845436	42846355	HIGD1A	ENSG00000181061	30	0.21	0.16	0.16	0.045	NA
chr3	45017329	45018136	ZDHHC3	ENSG00000163812	-74	0.25	0.19	0.16	0.062	NA
chr3	66271076	66271718	SLC25A26	ENSG00000144741	229	0.28	0.2	0.16	0.077	NA
chr3	125986044	125986727	RP11-71E19.1	ENSG00000250934	725	0.33	0.26	0.16	0.075	NA
chr3	150125972	150128689	TSC22D2	ENSG00000196428	1250	0.23	0.19	0.16	0.039	NA
chr3	154797398	154797988	MME	ENSG00000196549	257	0.21	0.39	0.16	-0.19	NA
chr3	167097927	167098198	ZBBX	ENSG00000169064	9	0.27	0.17	0.16	0.096	NA
chr3	170074786	170076070	SKIL	ENSG00000136603	-38	0.29	0.23	0.16	0.056	NA

chr3	183903386	183904495	ABCF3	ENSG00000161204	129	0.27	0.2	0.16	0.061	NA
chr3	9791123	9792011	OGG1	ENSG00000114026	-61	0.25	0.34	0.17	-0.091	NA
chr3	9987895	9989619	AC018809.6	ENSG00000230082	-331	0.25	0.21	0.17	0.039	NA
chr3	32279423	32280742	CMTM8	ENSG00000170293	-89	0.29	0.36	0.17	-0.062	NA
chr3	47323747	47324607	KIF9	ENSG00000088727	-169	0.27	0.22	0.17	0.055	NA
chr3	50358378	50359606	HYAL2	ENSG00000068001	-613	0.26	0.2	0.17	0.06	NA
chr3	112280022	112280950	ATG3	ENSG00000144848	-6	0.29	0.23	0.17	0.061	NA
chr3	122233408	122233944	KPNA1	ENSG00000114030	77	0.27	0.2	0.17	0.064	NA
chr3	128764540	128766055	RP11-434H6.2	ENSG00000249505	691	0.52	0.48	0.17	0.039	NA
chr3	141497158	141497492	GRK7	ENSG00000114124	335	0.99	0.96	0.17	0.034	NA
chr3	169529875	169530435	LRRC34	ENSG00000171757	147	0.26	0.19	0.17	0.07	NA
chr3	197686919	197687334	IQCG	ENSG00000114473	-113	0.23	0.14	0.17	0.093	NA
chr3	13611923	13612435	FBLN2	ENSG00000163520	1939	0.63	0.71	0.18	-0.081	NA
chr3	15468932	15469432	METTL6	ENSG00000206562	-157	0.23	0.16	0.18	0.073	NA
chr3	53194716	53196133	PRKCD	ENSG00000163932	288	0.25	0.21	0.18	0.037	NA
chr3	113251699	113252290	SIDT1	ENSG00000072858	-30	0.35	0.23	0.18	0.13	NA
chr3	142166202	142167026	XRN1	ENSG00000114127	220	0.27	0.2	0.18	0.068	NA
chr3	195635359	195636895	TNK2	ENSG00000061938	-172	0.26	0.21	0.18	0.047	NA
chr3	48594022	48594853	PFKFB4	ENSG00000114268	-181	0.35	0.25	0.2	0.099	NA
chr3	52089652	52090845	DUSP7	ENSG00000164086	-67	0.27	0.35	0.2	-0.082	NA
chr3	148803904	148804557	RP11-464E15.4	ENSG00000239718	111	0.3	0.22	0.2	0.087	NA
chr3	160117012	160118878	IFT80	ENSG00000068885	-912	0.19	0.23	0.2	-0.038	NA
chr3	171177829	171178964	TNIK	ENSG00000154310	-544	0.35	0.26	0.2	0.087	NA
chr3	172167526	172167866	GHSR	ENSG00000121853	-1450	0.7	0.25	0.2	0.45	NA
chr3	180707266	180707627	DNAJC19	ENSG00000205981	-140	0.5	0.22	0.2	0.28	NA
chr3	196229810	196230791	RNF168	ENSG00000163961	248	0.3	0.25	0.2	0.05	NA
chr3	52279601	52280140	PPM1M	ENSG00000164088	29	0.22	0.17	0.21	0.057	NA
chr3	53879638	53880831	CHDH	ENSG00000016391	183	0.18	0.23	0.21	-0.051	NA
chr3	56501868	56502345	ERC2	ENSG00000187672	259	0.4	0.29	0.21	0.11	NA
chr3	180630152	180630996	FXR1	ENSG00000114416	304	0.24	0.32	0.21	-0.077	NA

chr3	27762351	27763995	EOMES	ENSG00000163508	630	0.23	0.2	0.22	0.035	NA
chr3	32726517	32727149	CNOT10	ENSG00000182973	196	0.27	0.19	0.22	0.075	NA
chr3	49314437	49314815	C3orf62	ENSG00000188315	26	0.23	0.4	0.22	-0.17	NA
chr3	50359839	50360042	HYAL2	ENSG00000068001	232	0.38	0.2	0.22	0.18	NA
chr3	101292885	101293612	PCNP	ENSG00000081154	309	0.17	0.21	0.22	-0.041	NA
chr3	113666359	113667390	ZDHHC23	ENSG00000184307	126	0.23	0.18	0.22	0.044	NA
chr3	125238496	125239201	SNX4	ENSG00000114520	177	0.17	0.23	0.22	-0.059	NA
chr3	39148377	39149400	GORASP1	ENSG00000114745	-257	0.24	0.2	0.23	0.037	NA
chr3	46933746	46934293	PTH1R	ENSG00000160801	-192	0.3	0.19	0.23	0.11	NA
chr3	47017879	47018312	CCDC12	ENSG00000160799	140	0.21	0.15	0.23	0.059	NA
chr3	51533342	51534260	VPRBP	ENSG00000145041	209	0.3	0.22	0.23	0.081	NA
chr3	124449178	124449461	UMPS	ENSG00000114491	106	0.28	0.2	0.23	0.077	NA
chr3	125313986	125314609	OSBPL11	ENSG00000144909	-363	0.29	0.12	0.23	0.17	NA
chr3	170746072	170746292	SLC2A2	ENSG00000163581	-1643	0.5	1	0.23	-0.5	NA
chr3	180397104	180397877	CCDC39	ENSG00000145075	-202	0.28	0.23	0.23	0.05	NA
chr3	186500738	186502048	EIF4A2	ENSG00000156976	399	0.21	0.27	0.23	-0.058	NA
chr3	47516997	47517650	SCAP	ENSG00000114650	-236	0.25	0.18	0.24	0.07	NA
chr3	98241409	98241711	RP11-227H4.5	ENSG00000248839	146	0.13	0.17	0.24	-0.047	NA
chr3	127770741	127771624	SEC61A1	ENSG00000058262	-30	0.24	0.18	0.24	0.063	NA
chr3	141205539	141205744	RASA2	ENSG00000155903	-248	0.75	0.22	0.24	0.53	NA
chr3	156533839	156535131	RP11-392A22.2	ENSG00000240875	338	0.2	0.24	0.24	-0.036	NA
chr3	183415602	183416069	YEATS2	ENSG00000163872	229	0.24	0.17	0.24	0.069	NA
chr3	44726928	44727237	RP11-944L7.4	ENSG00000236869	63	0.2	0.28	0.25	-0.076	NA
chr3	50604905	50605359	C3orf18	ENSG00000088543	-80	0.27	0.22	0.25	0.055	NA
chr3	93781648	93782108	DHFRL1	ENSG00000178700	-193	0.29	0.21	0.25	0.08	NA
chr3	120314958	120315490	NDUFB4	ENSG00000065518	68	0.45	1	0.25	-0.55	NA
chr3	132135973	132136619	DNAJC13	ENSG00000138246	-74	0.25	0.19	0.25	0.056	NA
chr3	14443629	14444577	SLC6A6	ENSG00000131389	27	0.28	0.23	0.26	0.05	NA
chr3	39851025	39851820	MYRIP	ENSG00000170011	326	0.23	0.19	0.26	0.037	NA
chr3	50382889	50383310	ZMYND10	ENSG00000004838	4	0.22	0.31	0.26	-0.093	NA

chr3	99536613	99537023	C3orf26	ENSG00000184220	140	0.3	0.21	0.26	0.092	NA
chr3	169487145	169487522	AC078802.1	ENSG00000184378	350	0.2	0.12	0.26	0.08	NA
chr3	170303044	170303249	SLC7A14	ENSG00000013293	670	0.31	0.23	0.26	0.075	NA
chr3	170587936	170588270	RPL22L1	ENSG00000163584	-119	0.25	0.2	0.26	0.052	NA
chr3	112930437	112931506	BOC	ENSG00000144857	-71	0.22	0.18	0.27	0.039	NA
chr3	135914197	135916090	MSL2	ENSG00000174579	-455	0.24	0.2	0.27	0.036	NA
chr3	192125821	192127994	FGF12	ENSG00000114279	-69	0.25	0.21	0.27	0.039	NA
chr3	195477711	195477983	MUC4	ENSG00000145113	1544	0.98	0.9	0.27	0.076	NA
chr3	44283239	44283838	C3orf77	ENSG00000173769	160	0.98	0.93	0.28	0.049	NA
chr3	106959409	106959925	RP11-280F2.2	ENSG00000242759	-193	0.25	0.2	0.28	0.054	NA
chr3	119528920	119529159	NR1I2	ENSG00000144852	-884	0.18	0.28	0.28	-0.1	NA
chr3	151986327	151987325	MBNL1	ENSG00000152601	131	0.25	0.2	0.28	0.046	NA
chr3	10547178	10547389	ATP2B2	ENSG00000157087	-15	0.24	0.14	0.29	0.1	NA
chr3	11684192	11684930	VGLL4	ENSG00000144560	837	0.24	0.19	0.29	0.046	NA
chr3	43663169	43663484	ANO10	ENSG00000160746	63	0.14	0.28	0.29	-0.14	NA
chr3	44596535	44597018	ZNF167	ENSG00000196345	91	0.24	0.13	0.29	0.11	NA
chr3	64671087	64673957	ADAMTS9	ENSG00000163638	-236	0.29	0.26	0.29	0.038	NA
chr3	52570475	52570842	C3orf78	ENSG00000168273	40	0.21	0.25	0.3	-0.043	NA
chr3	99979678	99980038	TBC1D23	ENSG00000036054	14	0.27	0.38	0.3	-0.11	NA
chr3	170625831	170626841	EIF5A2	ENSG00000163577	51	0.32	0.24	0.3	0.08	NA
chr3	12838471	12838782	CAND2	ENSG00000144712	447	0.44	0.35	0.31	0.093	NA
chr3	25705556	25706570	TOP2B	ENSG00000077097	-275	0.27	0.24	0.31	0.035	NA
chr3	61546328	61549669	PTPRG	ENSG00000144724	755	0.25	0.23	0.31	0.021	NA
chr3	120169202	120170519	FSTL1	ENSG00000163430	-53	0.29	0.37	0.31	-0.072	NA
chr3	121902742	121903645	CASR	ENSG00000036828	12	0.31	0.26	0.31	0.048	NA
chr3	128879823	128880447	ISY1	ENSG00000240682	-264	0.37	0.26	0.31	0.1	NA
chr3	196158603	196159603	UBXN7	ENSG00000163960	165	0.31	0.27	0.31	0.046	NA
chr3	42695528	42696575	RP4-613B23.1	ENSG00000230084	-233	0.25	0.2	0.32	0.054	NA
chr3	43327698	43328310	SNRK	ENSG00000163788	0	0.17	0.13	0.32	0.043	NA
chr3	64008883	64009293	PSMD6	ENSG00000163636	25	0.28	0.12	0.32	0.15	NA

chr3	119012891	119013724	ARHGAP31	ENSG00000031081	87	0.31	0.23	0.32	0.085	NA
chr3	141943946	141944573	GK5	ENSG00000175066	-1	0.22	0.16	0.32	0.057	NA
chr3	47823467	47823824	SMARCC1	ENSG00000173473	-49	0.23	0.16	0.33	0.072	NA
chr3	49466478	49466843	NICN1	ENSG00000145029	48	0.19	0.27	0.33	-0.077	NA
chr3	49940888	49941426	MST1R	ENSG00000164078	-115	0.81	0.76	0.33	0.049	NA
chr3	49967121	49967472	MON1A	ENSG00000164077	-29	0.25	0.18	0.33	0.063	NA
chr3	59035406	59035944	C3orf67	ENSG00000163689	-190	0.2	0.14	0.33	0.069	NA
chr3	121553820	121554236	IQCB1	ENSG00000173226	-189	0.28	0.21	0.33	0.065	NA
chr3	173113270	173113681	NLGN1	ENSG00000169760	-599	0.3	0.15	0.33	0.15	NA
chr3	179370442	179371549	USP13	ENSG00000058056	452	0.29	0.24	0.33	0.047	NA
chr3	12705059	12705887	RAF1	ENSG00000132155	143	0.28	0.23	0.34	0.05	NA
chr3	13919939	13922335	WNT7A	ENSG00000154764	481	0.26	0.23	0.34	0.034	NA
chr3	14989486	14989984	AC090937.2	ENSG00000225733	196	0.25	0.41	0.34	-0.16	NA
chr3	47891129	47891544	MIR1226	ENSG00000221585	291	0.89	0.94	0.34	-0.049	NA
chr3	182971429	182972635	B3GNT5	ENSG00000176597	449	0.3	0.25	0.34	0.043	NA
chr3	9932179	9932739	JAGN1	ENSG00000171135	221	0.3	0.22	0.35	0.082	NA
chr3	48631882	48632901	COL7A1	ENSG00000114270	202	0.3	0.47	0.35	-0.17	NA
chr3	75721294	75721909	RP11-413E6.8	ENSG00000242516	59	0.54	0.47	0.35	0.077	NA
chr3	108308227	108308604	KIAA1524	ENSG00000163507	-137	0.29	0.17	0.35	0.12	NA
chr3	119812775	119814649	GSK3B	ENSG00000082701	-448	0.27	0.22	0.35	0.046	NA
chr3	155523740	155524174	C3orf33	ENSG00000174928	83	0.25	0.18	0.35	0.066	NA
chr3	160282505	160283874	KRT8P12	ENSG00000229320	-46	0.3	0.26	0.35	0.038	NA
chr3	167452376	167452830	PDCD10	ENSG00000114209	6	0.31	0.22	0.36	0.093	NA
chr3	179754520	179755245	PEX5L	ENSG00000114757	-324	0.24	0.18	0.36	0.057	NA
chr3	14988612	14989036	AC090937.2	ENSG00000225733	188	0.25	0.31	0.37	-0.065	NA
chr3	33318818	33319309	FBXL2	ENSG00000153558	149	0.21	0.25	0.37	-0.04	NA
chr3	47866474	47866882	DHX30	ENSG00000132153	160	0.26	0.2	0.37	0.065	NA
chr3	48722969	48723757	NCKIPSD	ENSG00000213672	-95	0.23	0.2	0.37	0.036	NA
chr3	49977367	49978196	RBM6	ENSG00000004534	341	0.19	0.23	0.37	-0.044	NA
chr3	113603863	113604246	RP11-435F17.3	ENSG00000241889	-91	1	0.92	0.37	0.082	NA

chr3	114069725	114070658	RP11-364F11.1	ENSG00000241560	-467	0.97	0.99	0.37	-0.016	NA
chr3	127391011	127392434	ABTB1	ENSG00000114626	-56	0.2	0.17	0.37	0.027	NA
chr3	168864030	168864449	MECOM	ENSG00000085276	-163	0.35	0.23	0.37	0.12	NA
chr3	184045016	184045236	EIF4G1	ENSG00000114867	52	0.95	0.84	0.37	0.11	NA
chr3	196668695	196670054	NCBP2	ENSG00000114503	-647	0.19	0.15	0.37	0.042	NA
chr3	37493418	37494538	ITGA9	ENSG00000144668	372	0.19	0.16	0.38	0.033	NA
chr3	48646620	48647404	UQCRC1	ENSG00000010256	47	0.26	0.32	0.38	-0.059	NA
chr3	3168324	3169231	TRNT1	ENSG00000072756	177	0.22	0.19	0.39	0.029	NA
chr3	49726686	49727340	MST1	ENSG00000173531	-87	0.19	0.24	0.39	-0.046	NA
chr3	49760863	49761895	AMIGO3	ENSG00000176020	-30	0.22	0.15	0.39	0.066	NA
chr3	53915731	53916320	ACTR8	ENSG00000113812	-174	0.24	0.19	0.39	0.053	NA
chr3	58223101	58224364	ABHD6	ENSG00000163686	499	0.23	0.26	0.39	-0.033	NA
chr3	115377267	115377787	RP11-326J18.1	ENSG00000241596	147	0.29	0.18	0.39	0.12	NA
chr3	122102851	122103198	FAM162A	ENSG00000114023	1	0.22	0.14	0.39	0.072	NA
chr3	122283002	122283594	DTX3L	ENSG00000163840	213	0.25	0.3	0.39	-0.051	NA
chr3	137893410	137893808	DBR1	ENSG00000138231	92	0.23	0.17	0.39	0.062	NA
chr3	147115764	147116421	ZIC4	ENSG00000174963	-1119	0.18	0.24	0.39	-0.062	NA
chr3	169684394	169685006	SEC62	ENSG00000008952	277	0.2	0.13	0.39	0.071	NA
chr3	182816771	182817455	MCCC1	ENSG00000078070	-82	0.19	0.24	0.39	-0.046	NA
chr3	9404683	9404938	RP11-380O24.1	ENSG00000254485	-120	0.4	0.22	0.4	0.18	NA
chr3	77088498	77089198	ROBO2	ENSG00000185008	-189	0.18	0.24	0.4	-0.059	NA
chr3	128368929	128369805	RPN1	ENSG00000163902	292	0.28	0.23	0.4	0.054	NA
chr3	186544916	186545471	RP11-573D15.1	ENSG00000231982	855	0.2	0.15	0.4	0.055	NA
chr3	48672406	48673160	SLC26A6	ENSG00000225697	91	0.27	0.32	0.41	-0.049	NA
chr3	49157768	49158463	USP19	ENSG00000172046	-14	0.21	0.16	0.41	0.046	NA
chr3	127347682	127348859	PODXL2	ENSG00000114631	246	0.21	0.18	0.41	0.034	NA
chr3	134204520	134205439	ANAPC13	ENSG00000129055	-434	0.19	0.15	0.41	0.044	NA
chr3	197463335	197464144	KIAA0226	ENSG00000145016	-149	0.25	0.21	0.41	0.039	NA
chr3	5228958	5230190	AC026202.3	ENSG00000233912	-560	0.22	0.19	0.42	0.025	NA
chr3	23986693	23988021	NR1D2	ENSG00000174738	606	0.19	0.22	0.42	-0.024	NA

chr3	47822921	47823194	SMARCC1	ENSG00000173473	314	0.19	0.25	0.42	-0.068	NA
chr3	49710968	49712279	APEH	ENSG00000164062	188	0.19	0.16	0.42	0.027	NA
chr3	123679785	123680481	CCDC14	ENSG00000175455	-78	0.15	0.19	0.42	-0.04	NA
chr3	142442702	142443978	TRPC1	ENSG00000144935	424	0.34	0.26	0.42	0.077	NA
chr3	183542496	183543804	MAP6D1	ENSG00000180834	-137	0.23	0.2	0.42	0.027	NA
chr3	25824336	25825456	NGLY1	ENSG00000151092	-533	0.22	0.19	0.43	0.035	NA
chr3	48884503	48885406	RP11-316M24.1	ENSG00000224424	-51	0.15	0.17	0.43	-0.029	NA
chr3	52029757	52030058	RPL29	ENSG00000162244	-77	0.18	0.23	0.43	-0.047	NA
chr3	56590939	56591223	CCDC66	ENSG00000180376	-108	0.18	0.24	0.43	-0.059	NA
chr3	62859617	62861190	CADPS	ENSG00000163618	301	0.2	0.18	0.43	0.022	NA
chr3	73673230	73674375	PDZRN3	ENSG00000121440	189	0.25	0.21	0.43	0.038	NA
chr3	23244050	23245071	AC135966.1	ENSG00000233153	-491	0.19	0.17	0.44	0.025	NA
chr3	113557568	113557800	GRAMD1C	ENSG00000178075	19	0.19	0.11	0.44	0.077	NA
chr3	137906035	137906861	ARMC8	ENSG00000114098	339	0.26	0.22	0.44	0.041	NA
chr3	163722050	163722295	RP11-208P4.1	ENSG00000214210	-1919	1	0.95	0.44	0.049	NA
chr3	27674209	27674639	AC098614.2	ENSG00000213846	-43	0.2	0.36	0.45	-0.17	NA
chr3	61236606	61237227	FHIT	ENSG00000189283	142	0.23	0.27	0.45	-0.045	NA
chr3	133524568	133525199	SRPRB	ENSG00000144867	424	0.17	0.25	0.45	-0.075	NA
chr3	9956822	9957664	IL17RC	ENSG00000163702	-1515	0.26	0.2	0.46	0.068	NA
chr3	16306136	16306986	DPH3	ENSG00000154813	-277	0.24	0.33	0.46	-0.097	NA
chr3	42947480	42948170	ZNF662	ENSG00000182983	167	0.19	0.22	0.46	-0.031	NA
chr3	45883221	45883860	LZTFL1	ENSG00000163818	-188	0.22	0.16	0.46	0.063	NA
chr3	133748401	133748966	SLCO2A1	ENSG00000174640	75	0.32	0.25	0.46	0.064	NA
chr3	134514085	134515980	EPHB1	ENSG00000154928	928	0.23	0.21	0.46	0.028	NA
chr3	183735183	183736103	ABCC5	ENSG00000114770	-411	0.23	0.16	0.46	0.071	NA
chr3	49203285	49203820	CCDC71	ENSG00000177352	202	0.31	0.26	0.47	0.047	NA
chr3	12882534	12883073	RPL32	ENSG00000144713	225	0.17	0.33	0.48	-0.17	NA
chr3	15140035	15140890	ZFYVE20	ENSG00000131381	162	0.39	0.29	0.48	0.092	NA
chr3	40350857	40351832	EIF1B	ENSG00000114784	169	0.23	0.27	0.48	-0.041	NA
chr3	47422082	47423179	PTPN23	ENSG00000076201	129	0.26	0.23	0.48	0.033	NA

chr3	50387959	50388681	CYB561D2	ENSG00000114395	194	0.29	0.26	0.48	0.035	NA
chr3	132379083	132379643	UBA5	ENSG00000081307	209	0.38	0.3	0.48	0.073	NA
chr3	139653430	139655115	CLSTN2	ENSG00000158258	245	0.23	0.2	0.48	0.027	NA
chr3	185655056	185656029	TRA2B	ENSG00000136527	-334	0.18	0.12	0.48	0.059	NA
chr3	44690126	44690587	ZNF35	ENSG00000169981	137	0.33	0.25	0.49	0.081	NA
chr3	50310445	50311397	SEMA3B	ENSG0000012171	371	0.33	0.35	0.49	-0.025	NA
chr3	75955759	75956308	ROBO2	ENSG00000185008	187	0.21	0.28	0.49	-0.065	NA
chr3	195595722	195595973	TNK2	ENSG00000061938	714	0.95	0.88	0.49	0.073	NA
chr3	27410612	27411066	NEK10	ENSG00000163491	-152	0.19	0.15	0.5	0.038	NA
chr3	45729700	45730033	RP11-697K23.1	ENSG00000230530	508	0.25	0.4	0.5	-0.15	NA
chr3	101405309	101405688	RPL24	ENSG00000114391	41	0.14	0.4	0.5	-0.26	NA
chr3	142720236	142720759	U2SURP	ENSG00000163714	131	0.18	0.21	0.5	-0.027	NA
chr3	186284809	186285329	TBCCD1	ENSG00000113838	72	0.24	0.2	0.5	0.037	NA
chr3	40498639	40499260	RPL14	ENSG00000188846	166	0.33	0.27	0.51	0.052	NA
chr3	45730615	45731294	RP11-697K23.1	ENSG00000230530	-328	0.24	0.28	0.51	-0.038	NA
chr3	52091279	52091652	DUSP7	ENSG00000164086	-899	0.67	1	0.51	-0.33	NA
chr3	107149820	107150910	AC068765.1	ENSG00000245070	588	0.19	0.22	0.51	-0.024	NA
chr3	122399655	122400190	PARP14	ENSG00000173193	250	0.32	0.28	0.51	0.045	NA
chr3	118959339	118959934	B4GALT4	ENSG00000121578	-150	0.18	0.22	0.52	-0.041	NA
chr3	129982745	129983090	COL6A4P2	ENSG00000228252	-368	0.99	0.96	0.52	0.024	NA
chr3	133380458	133380989	TOPBP1	ENSG00000163781	14	0.25	0.21	0.52	0.035	NA
chr3	238391	240140	CHL1	ENSG00000134121	811	0.26	0.24	0.53	0.02	NA
chr3	28282826	28283457	CMC1	ENSG00000187118	66	0.24	0.19	0.53	0.048	NA
chr3	41240162	41241631	CTNNB1	ENSG00000168036	-29	0.24	0.21	0.53	0.022	NA
chr3	129323915	129325332	PLXND1	ENSG00000004399	1038	0.22	0.24	0.53	-0.02	NA
chr3	184032166	184033242	EIF4G1	ENSG00000114867	421	0.22	0.19	0.53	0.029	NA
chr3	30647987	30648881	TGFBR2	ENSG00000163513	440	0.25	0.29	0.54	-0.041	NA
chr3	51740740	51741413	GRM2	ENSG00000164082	-10	0.25	0.2	0.54	0.046	NA
chr3	51975612	51976505	RRP9	ENSG00000114767	-101	0.27	0.24	0.54	0.03	NA
chr3	128839934	128840633	RAB43	ENSG00000172780	341	0.29	0.24	0.54	0.046	NA

chr3	156008991	156009320	KCNAB1	ENSG00000169282	329	0.16	0.21	0.54	-0.045	NA
chr3	197354106	197355165	AC024560.3	ENSG00000214135	78	0.21	0.25	0.54	-0.042	NA
chr3	50263685	50263908	GNAI2	ENSG00000114353	72	0.29	0.24	0.55	0.042	NA
chr3	156806688	156807069	RP11-6F2.6	ENSG00000241135	-792	0.37	0.5	0.55	-0.13	NA
chr3	183947040	183948801	VWA5B2	ENSG00000145198	-297	0.21	0.23	0.55	-0.017	NA
chr3	195771456	195771713	AC024937.2	ENSG00000228413	18	0.98	0.93	0.56	0.049	NA
chr3	26664104	26664796	AC099754.1	ENSG00000225386	-269	0.17	0.21	0.57	-0.041	NA
chr3	46742764	46743086	TMIE	ENSG00000181585	102	0.17	0.21	0.57	-0.046	NA
chr3	49840103	49841191	C3orf54	ENSG00000185614	-40	0.21	0.24	0.57	-0.032	NA
chr3	123987726	123987946	KALRN	ENSG00000160145	398	0.98	1	0.57	-0.023	NA
chr3	147126988	147128999	ZIC1	ENSG00000152977	822	0.19	0.18	0.57	0.014	NA
chr3	149530293	149531234	RNF13	ENSG00000082996	268	0.18	0.23	0.57	-0.053	NA
chr3	195808278	195809219	TFRC	ENSG00000072274	213	0.2	0.18	0.57	0.023	NA
chr3	9437945	9439760	RP11-58B17.1	ENSG00000206573	-563	0.23	0.22	0.58	0.019	NA
chr3	42700092	42700355	ZBTB47	ENSG00000114853	-83	0.93	0.8	0.58	0.13	NA
chr3	69129058	69129515	UBA3	ENSG00000144744	219	0.2	0.17	0.58	0.029	NA
chr3	129693127	129694841	TRH	ENSG00000170893	836	0.31	0.29	0.59	0.025	NA
chr3	174158595	174159348	NAALADL2	ENSG00000177694	236	0.23	0.21	0.59	0.025	NA
chr3	71114334	71114821	FOXP1	ENSG00000114861	341	0.36	0.3	0.6	0.059	NA
chr3	119395989	119396387	COX17	ENSG00000138495	-47	0.38	0.27	0.6	0.11	NA
chr3	126422888	126423609	CHCHD6	ENSG00000159685	185	0.22	0.19	0.6	0.033	NA
chr3	50329399	50330116	IFRD2	ENSG00000214706	-277	0.2	0.23	0.61	-0.033	NA
chr3	66023373	66025595	MAGI1	ENSG00000151276	-501	0.23	0.21	0.61	0.017	NA
chr3	68056899	68057167	FAM19A1	ENSG00000183662	1660	0.25	0.16	0.61	0.089	NA
chr3	112051893	112052406	CD200	ENSG00000091972	234	0.26	0.23	0.61	0.036	NA
chr3	149687877	149689537	PFN2	ENSG00000070087	-519	0.28	0.26	0.61	0.018	NA
chr3	184529812	184530255	VPS8	ENSG00000156931	102	0.26	0.37	0.61	-0.11	NA
chr3	128598176	128598703	ACAD9	ENSG00000177646	0	0.23	0.36	0.62	-0.13	NA
chr3	176915511	176915854	TBL1XR1	ENSG00000177565	-421	0.23	0.17	0.62	0.055	NA
chr3	39424696	39426058	SLC25A38	ENSG00000144659	538	0.2	0.21	0.63	-0.018	NA

chr3	49906737	49907482	CAMKV	ENSG00000164076	227	0.22	0.2	0.63	0.028	NA
chr3	51430384	51430737	RBM15B	ENSG00000179837	404	0.92	0.95	0.63	-0.033	NA
chr3	56502611	56502815	ERC2	ENSG00000187672	-322	0.18	0.15	0.63	0.026	NA
chr3	101231610	101232173	SENP7	ENSG00000138468	137	0.19	0.24	0.63	-0.05	NA
chr3	127633993	127634588	KBTBD12	ENSG00000187715	215	0.33	0.27	0.63	0.057	NA
chr3	197281605	197283128	BDH1	ENSG00000161267	181	0.31	0.29	0.63	0.019	NA
chr3	10290888	10291111	TATDN2	ENSG00000157014	-57	0.12	0.2	0.64	-0.075	NA
chr3	40494414	40494899	RP11-391M1.3	ENSG00000223797	15	0.28	0.22	0.64	0.059	NA
chr3	93692554	93692783	PROS1	ENSG00000184500	38	0.15	0.28	0.64	-0.13	NA
chr3	111804865	111805570	C3orf52	ENSG00000114529	35	0.24	0.26	0.64	-0.025	NA
chr3	119298284	119298983	ADPRH	ENSG00000144843	322	0.15	0.18	0.64	-0.028	NA
chr3	150263609	150264607	SERP1	ENSG00000120742	178	0.33	0.31	0.64	0.028	NA
chr3	188665275	188665552	RP11-297K7.2	ENSG00000234076	15	0.3	0.24	0.65	0.063	NA
chr3	9851476	9852171	TTLL3	ENSG00000214021	265	0.27	0.24	0.66	0.028	NA
chr3	17783646	17784455	TBC1D5	ENSG00000131374	-60	0.18	0.16	0.66	0.025	NA
chr3	38537682	38538071	EXOG	ENSG00000157036	113	0.18	0.2	0.66	-0.024	NA
chr3	49591578	49592534	RP11-949J7.7	ENSG00000226913	-283	0.26	0.3	0.66	-0.04	NA
chr3	50654276	50655120	MAPKAPK3	ENSG00000114738	136	0.26	0.29	0.66	-0.028	NA
chr3	68980783	68982035	FAM19A4	ENSG00000163377	310	0.3	0.27	0.66	0.03	NA
chr3	129611920	129612884	TMCC1	ENSG00000172765	-238	0.32	0.36	0.66	-0.044	NA
chr3	192958709	192959373	HRASLS	ENSG00000127252	127	0.2	0.17	0.66	0.028	NA
chr3	65364942	65365261	MAGI1	ENSG00000151276	1405	0.96	1	0.67	-0.038	NA
chr3	9642387	9642695	AC026194.2	ENSG00000235338	109	0.35	0.3	0.68	0.052	NA
chr3	15900497	15901990	ANKRD28	ENSG00000206560	-314	0.21	0.2	0.68	0.015	NA
chr3	160822494	160823260	NMD3	ENSG00000169251	267	0.24	0.21	0.68	0.026	NA
chr3	16646404	16647131	DAZL	ENSG00000092345	239	0.99	0.98	0.69	0.01	NA
chr3	32611700	32612763	DYNC1LI1	ENSG00000144635	-486	0.28	0.26	0.69	0.021	NA
chr3	38179857	38180689	MYD88	ENSG00000172936	304	0.23	0.26	0.69	-0.027	NA
chr3	39093469	39094025	WDR48	ENSG00000114742	258	0.27	0.25	0.69	0.026	NA
chr3	47887825	47888150	DHX30	ENSG00000132153	995	0.92	0.94	0.69	-0.025	NA

chr3	48936041	48936457	SLC25A20	ENSG00000178537	76	0.14	0.11	0.69	0.032	NA
chr3	49208629	49209196	KLHDC8B	ENSG00000185909	-132	0.35	0.45	0.69	-0.098	NA
chr3	132440713	132441213	NPHP3	ENSG00000113971	-112	0.23	0.26	0.69	-0.031	NA
chr3	133747920	133748266	SLCO2A1	ENSG00000174640	665	0.23	0.5	0.69	-0.27	NA
chr3	183993905	183994347	ECE2	ENSG00000145194	184	0.2	0.15	0.69	0.048	NA
chr3	42002932	42003728	ULK4	ENSG00000168038	156	0.25	0.3	0.7	-0.056	NA
chr3	50365306	50365885	TUSC2	ENSG00000114383	-7	0.33	0.25	0.7	0.083	NA
chr3	12598391	12599051	MKRN2	ENSG00000075975	208	0.36	0.32	0.71	0.034	NA
chr3	33480998	33482139	UBP1	ENSG00000153560	-66	0.22	0.2	0.71	0.014	NA
chr3	67048455	67049273	KBTBD8	ENSG00000163376	137	0.25	0.27	0.71	-0.02	NA
chr3	112709666	112710270	GTPBP8	ENSG00000163607	203	0.22	0.25	0.71	-0.025	NA
chr3	121468092	121468578	GOLGB1	ENSG00000173230	178	0.2	0.17	0.71	0.037	NA
chr3	169482338	169483052	TERC	ENSG00000200182	140	0.26	0.3	0.71	-0.04	NA
chr3	10157129	10157612	C3orf10	ENSG00000254999	94	0.23	0.19	0.72	0.036	NA
chr3	19988333	19989321	EFHB	ENSG00000163576	-326	0.34	0.29	0.72	0.058	NA
chr3	52804559	52805128	NEK4	ENSG00000114904	29	0.26	0.21	0.72	0.046	NA
chr3	146187108	146187710	PLSCR2	ENSG00000163746	-321	0.2	0.24	0.72	-0.041	NA
chr3	184053565	184054263	FAM131A	ENSG00000175182	200	0.21	0.18	0.72	0.03	NA
chr3	49507384	49508290	DAG1	ENSG00000173402	272	0.16	0.15	0.73	0.011	NA
chr3	54660189	54660638	RP11-554O1.1	ENSG00000229806	171	0.97	0.96	0.73	0.016	NA
chr3	130465478	130465700	PIK3R4	ENSG00000196455	84	0.23	0.19	0.73	0.036	NA
chr3	196366394	196366919	LRRC33	ENSG00000174004	99	0.29	0.26	0.73	0.03	NA
chr3	6904133	6904641	GRM7	ENSG00000196277	-43	0.2	0.23	0.74	-0.027	NA
chr3	101568107	101569046	NFKBIZ	ENSG00000144802	218	0.26	0.25	0.74	0.019	NA
chr3	125898662	125899568	ALDH1L1	ENSG00000144908	-353	0.28	0.26	0.74	0.019	NA
chr3	193921881	193922407	RP11-513G11.4	ENSG00000225742	1952	0.23	0.2	0.75	0.025	NA
chr3	197517983	197518782	LRCH3	ENSG00000186001	285	0.25	0.27	0.75	-0.02	NA
chr3	44754099	44754399	ZNF502	ENSG00000196653	114	0.19	0.22	0.76	-0.03	NA
chr3	50273268	50273901	GNAI2	ENSG00000114353	200	0.28	0.26	0.76	0.025	NA
chr3	52931279	52931840	TMEM110	ENSG00000213533	0	0.37	0.34	0.76	0.033	NA

chr3	72896940	72897793	SHQ1	ENSG00000144736	200	0.23	0.18	0.76	0.048	NA
chr3	127323457	127324038	MCM2	ENSG00000073111	8	0.99	0.96	0.76	0.025	NA
chr3	191046948	191047710	UTS2D	ENSG00000188958	-228	0.22	0.2	0.76	0.022	NA
chr3	12045652	12046627	SYN2	ENSG00000157152	277	0.21	0.26	0.77	-0.051	NA
chr3	13520912	13521319	HDAC11	ENSG00000163517	-109	0.25	0.32	0.77	-0.062	NA
chr3	53289533	53290213	TKT	ENSG00000163931	117	0.15	0.17	0.77	-0.018	NA
chr3	37901938	37904039	AC093415.2	ENSG00000235257	223	0.26	0.25	0.78	0.013	NA
chr3	49055214	49056317	DALRD3	ENSG00000178149	-311	0.19	0.21	0.78	-0.013	NA
chr3	49723143	49724618	MST1	ENSG00000173531	-662	0.54	0.52	0.78	0.019	NA
chr3	38070394	38071598	PLCD1	ENSG00000187091	54	0.2	0.22	0.79	-0.012	NA
chr3	45837480	45838256	SLC6A20	ENSG00000163817	-16	0.2	0.19	0.79	0.012	NA
chr3	69101221	69101664	TMF1	ENSG00000144747	-1	0.16	0.17	0.79	-0.017	NA
chr3	81810315	81810953	GBE1	ENSG00000114480	174	0.25	0.27	0.79	-0.021	NA
chr3	100428069	100428669	TFG	ENSG00000114354	164	0.23	0.27	0.79	-0.035	NA
chr3	123602588	123603540	MYLK	ENSG00000065534	85	0.27	0.25	0.79	0.024	NA
chr3	42641844	42642605	SEC22C	ENSG00000093183	-208	0.16	0.15	0.8	0.012	NA
chr3	53190509	53190764	PRKCD	ENSG00000163932	611	0.15	0.17	0.8	-0.018	NA
chr3	55515152	55515613	WNT5A	ENSG00000114251	-158	0.4	0.6	0.8	-0.2	NA
chr3	43020702	43021354	FAM198A	ENSG00000144649	269	0.17	0.16	0.81	0.011	NA
chr3	87138225	87138546	AC107204.1	ENSG00000232092	-45	0.21	0.19	0.81	0.023	NA
chr3	126373571	126374142	TXNRD3	ENSG00000197763	88	0.19	0.21	0.81	-0.023	NA
chr3	158288800	158289271	RP11-538P18.2	ENSG00000243150	-180	0.29	0.34	0.81	-0.048	NA
chr3	35680509	35681628	ARPP21	ENSG00000172995	-13	0.18	0.2	0.82	-0.018	NA
chr3	184104308	184104519	CHRD	ENSG00000090539	1837	0.82	0.8	0.82	0.026	NA
chr3	8543201	8543579	AC087859.1	ENSG00000227110	-106	0.2	0.17	0.83	0.033	NA
chr3	43147184	43147713	C3orf39	ENSG00000144647	-17	0.19	0.23	0.83	-0.033	NA
chr3	49141934	49142373	QARS	ENSG00000172053	-209	0.21	0.19	0.83	0.027	NA
chr3	87275872	87276842	CHMP2B	ENSG00000083937	-64	0.33	0.31	0.83	0.02	NA
chr3	11529784	11530120	AC026185.1	ENSG00000235240	-5	1	0.99	0.84	0.011	NA
chr3	50396347	50397175	TMEM115	ENSG00000126062	280	0.29	0.31	0.84	-0.021	NA

chr3	62304514	62304780	RP11-204J18.3	ENSG00000241472	-80	0.17	0.33	0.84	-0.17	NA
chr3	125802447	125803258	SLC41A3	ENSG00000114544	-87	0.33	0.31	0.84	0.027	NA
chr3	128444900	128445650	RAB7A	ENSG00000075785	310	0.28	0.31	0.84	-0.034	NA
chr3	169490834	169491206	MYNN	ENSG00000085274	167	0.31	0.35	0.84	-0.034	NA
chr3	185825462	185827003	ETV5	ENSG00000244405	101	0.24	0.25	0.84	-0.01	NA
chr3	194353761	194354490	TMEM44	ENSG00000145014	-115	0.27	0.3	0.84	-0.036	NA
chr3	195564747	195565017	AC124944.5	ENSG00000223783	-966	1	0.97	0.84	0.031	NA
chr3	4508608	4508964	SUMF1	ENSG00000144455	143	0.28	0.24	0.85	0.043	NA
chr3	10206449	10207024	IRAK2	ENSG00000134070	187	0.16	0.17	0.85	-0.01	NA
chr3	44802852	44803618	KIAA1143	ENSG00000163807	-232	0.36	0.39	0.85	-0.023	NA
chr3	57741925	57742990	SLMAP	ENSG00000163681	500	0.17	0.16	0.85	0.011	NA
chr3	130612285	130613485	ATP2C1	ENSG00000017260	73	0.2	0.18	0.85	0.025	NA
chr3	138553159	138554078	PIK3CB	ENSG00000051382	-24	0.23	0.24	0.85	-0.011	NA
chr3	197025852	197026105	DLG1	ENSG00000075711	193	0.24	0.22	0.85	0.023	NA
chr3	108836795	108837089	MORC1	ENSG00000114487	8	0.99	0.97	0.86	0.015	NA
chr3	171757493	171758724	FNDC3B	ENSG00000075420	-236	0.25	0.24	0.86	0.011	NA
chr3	9773066	9773911	BRPF1	ENSG00000156983	75	0.35	0.33	0.87	0.023	NA
chr3	32147826	32148874	GPD1L	ENSG00000152642	347	0.19	0.2	0.87	-0.012	NA
chr3	40547391	40547628	ZNF620	ENSG00000177842	26	0.31	0.37	0.87	-0.063	NA
chr3	51705062	51706022	TEX264	ENSG00000164081	351	0.24	0.23	0.87	0.013	NA
chr3	52739537	52740426	SPCS1	ENSG00000114902	329	0.23	0.25	0.87	-0.013	NA
chr3	66550318	66551848	LRIG1	ENSG00000144749	273	0.16	0.16	0.87	-0.0057	NA
chr3	147138916	147139564	ZIC1	ENSG00000152977	126	0.23	0.21	0.87	0.024	NA
chr3	12525749	12526346	TSEN2	ENSG00000154743	116	0.2	0.18	0.88	0.02	NA
chr3	15106459	15106971	MRPS25	ENSG00000131368	52	0.18	0.17	0.88	0.015	NA
chr3	126113547	126113967	RP11-71E19.5	ENSG00000249833	-63	0.29	0.18	0.88	0.1	NA
chr3	127842318	127842907	RUVBL1	ENSG00000175792	31	0.21	0.24	0.88	-0.026	NA
chr3	132378558	132378772	ACAD11	ENSG00000240303	23	0.3	0.26	0.88	0.039	NA
chr3	180546166	180546916	FLYWCH1P1	ENSG00000239516	1097	0.96	0.96	0.88	0.0063	NA
chr3	85008284	85008837	CADM2	ENSG00000175161	-137	0.19	0.21	0.89	-0.015	NA

chr3	111578237	111578739	PHLDB2	ENSG00000144824	-109	0.19	0.2	0.89	-0.0084	NA
chr3	125634298	125635949	RP11-666A20.1	ENSG00000171084	-340	0.21	0.19	0.89	0.019	NA
chr3	138312980	138313342	CEP70	ENSG00000114107	-95	0.19	0.18	0.89	0.011	NA
chr3	158519509	158520329	MFSD1	ENSG00000118855	265	0.31	0.3	0.89	0.012	NA
chr3	194304551	194305051	AC046143.5	ENSG00000231770	61	0.16	0.18	0.89	-0.015	NA
chr3	22413492	22414365	ZNF385D	ENSG00000151789	195	0.2	0.23	0.9	-0.024	NA
chr3	33155227	33156054	CRTAP	ENSG00000170275	169	0.23	0.22	0.9	0.0098	NA
chr3	39447890	39448644	RPSA	ENSG00000168028	87	0.29	0.32	0.9	-0.039	NA
chr3	50126252	50127204	RBM5	ENSG00000003756	387	0.26	0.27	0.9	-0.017	NA
chr3	58419176	58419818	PDHB	ENSG00000168291	44	0.17	0.18	0.9	-0.017	NA
chr3	63263989	63264205	SYNPR	ENSG00000163630	103	0.24	0.18	0.9	0.059	NA
chr3	101443478	101443859	CEP97	ENSG00000182504	181	0.29	0.23	0.9	0.063	NA
chr3	47020855	47021399	NBEAL2	ENSG00000160796	-46	0.24	0.22	0.91	0.024	NA
chr3	47844121	47845155	DHX30	ENSG00000132153	239	0.22	0.21	0.91	0.0069	NA
chr3	107241845	107242731	BBX	ENSG00000114439	438	0.21	0.22	0.91	-0.0091	NA
chr3	129147229	129147617	C3orf25	ENSG00000172771	37	0.31	0.36	0.91	-0.05	NA
chr3	141456881	141457591	RNF7	ENSG00000114125	190	0.21	0.23	0.91	-0.021	NA
chr3	146262126	146262505	PLSCR1	ENSG00000188313	-7	0.23	0.24	0.91	-0.013	NA
chr3	179065560	179065979	MFN1	ENSG00000171109	-69	0.34	0.33	0.91	0.015	NA
chr3	183353234	183354816	KLHL24	ENSG00000114796	669	0.23	0.23	0.92	0.0052	NA
chr3	196466585	196467353	PAK2	ENSG00000180370	241	0.33	0.3	0.93	0.029	NA
chr3	9885512	9885780	RPUSD3	ENSG00000156990	-20	0.2	0.17	0.94	0.027	NA
chr3	44518838	44519368	ZNF445	ENSG00000185219	38	0.16	0.18	0.94	-0.026	NA
chr3	186288248	186288638	TBCCD1	ENSG00000113838	-111	0.24	0.27	0.94	-0.023	NA
chr3	10362506	10362941	SEC13	ENSG00000157020	2	0.29	0.26	0.95	0.029	NA
chr3	40428651	40429015	ENTPD3	ENSG00000168032	97	0.33	0.35	0.95	-0.024	NA
chr3	69434926	69435583	FRMD4B	ENSG00000114541	-176	0.22	0.2	0.95	0.024	NA
chr3	184016577	184017416	PSMD2	ENSG00000175166	10	0.16	0.18	0.95	-0.021	NA
chr3	31573302	31575282	STT3B	ENSG00000163527	162	0.25	0.24	0.96	0.004	NA
chr3	32021969	32023364	OSBPL10	ENSG00000144645	-228	0.31	0.3	0.96	0.011	NA

chr3	62357639	62359774	FEZF2	ENSG00000153266	-16	0.27	0.27	0.96	0.0038	NA
chr3	49448861	49449965	RHOA	ENSG00000067560	-52	0.19	0.18	0.97	0.0043	NA
chr3	49940099	49940431	MST1R	ENSG00000164078	777	0.86	0.85	0.97	0.011	NA
chr3	140769886	140771080	SPSB4	ENSG00000175093	239	0.24	0.24	0.97	-0.0046	NA
chr3	160938961	160939494	NMD3	ENSG00000169251	177	0.19	0.2	0.97	-0.01	NA
chr3	167812829	167814102	GOLIM4	ENSG00000173905	-333	0.19	0.2	0.97	-0.0069	NA
chr3	9811466	9811736	CAMK1	ENSG00000134072	44	0.26	0.33	0.98	-0.069	NA
chr3	52008943	52009339	RP11-155D18.11	ENSG00000114786	75	0.31	0.27	0.98	0.039	NA
chr3	195599024	195599392	TNK2	ENSG00000061938	45	0.91	0.9	0.98	0.011	NA
chr3	48342584	48343258	NME6	ENSG00000172113	-126	0.22	0.23	0.99	-0.0043	NA
chr3	152552602	152553712	P2RY1	ENSG00000169860	421	0.35	0.36	0.99	-0.016	NA
chr3	195594836	195595494	TNK2	ENSG00000061938	1396	0.87	0.87	0.99	0.0044	NA
chr3	10289897	10290410	TATDN2	ENSG00000157014	-443	0.22	0.22	1	0.0041	NA
chr3	11058818	11059051	SLC6A1	ENSG00000157103	132	0.89	0.9	1	-0.011	NA
chr3	11195901	11196552	HRH1	ENSG00000196639	12	0.31	0.32	1	-0.005	NA
chr3	12837992	12838359	CAND2	ENSG00000144712	4	0.23	0.2	1	0.031	NA
chr3	13008648	13009210	IQSEC1	ENSG00000144711	31	0.32	0.32	1	0.0042	NA
chr3	16645948	16646259	DAZL	ENSG00000092345	194	1	1	1	0	NA
chr3	20227289	20227956	SGOL1	ENSG00000129810	-3	0.23	0.23	1	#####	NA
chr3	30936047	30936265	GADL1	ENSG00000144644	-3	0.23	0.17	1	0.064	NA
chr3	33482600	33482864	UBP1	ENSG00000153560	131	1	1	1	0	NA
chr3	33839996	33840671	PDCD6IP	ENSG00000170248	267	0.12	0.14	1	-0.018	NA
chr3	38080628	38081187	DLEC1	ENSG00000008226	211	0.23	0.23	1	-0.0002	NA
chr3	38178002	38178750	ACAA1	ENSG00000060971	-261	0.2	0.2	1	4.00E-04	NA
chr3	39194241	39195359	CSRNP1	ENSG00000144655	266	0.26	0.26	1	0.00046	NA
chr3	39543771	39544223	MOBP	ENSG00000168314	291	1	1	1	0	NA
chr3	40518517	40518848	ZNF619	ENSG00000177873	78	0.22	0.24	1	-0.015	NA
chr3	44619873	44620267	ZNF660	ENSG00000144792	355	0.99	0.98	1	0.0063	NA
chr3	44620551	44620971	ZNF660	ENSG00000144792	1046	0.99	0.98	1	0.0083	NA
chr3	44626325	44626794	ZNF197	ENSG00000186448	179	0.2	0.25	1	-0.045	NA

chr3	46874892	46875769	PRSS42	ENSG00000178055	-17	0.95	0.94	1	0.0028	NA
chr3	47554805	47555404	C3orf75	ENSG00000163832	-275	0.16	0.16	1	0.0013	NA
chr3	48129925	48130896	MAP4	ENSG00000047849	-96	0.19	0.18	1	0.0028	NA
chr3	48481414	48481805	CCDC51	ENSG00000164051	-134	0.19	0.19	1	-0.0028	NA
chr3	50242550	50243589	SLC38A3	ENSG00000188338	390	0.2	0.2	1	0.0018	NA
chr3	50264402	50265101	GNAI2	ENSG00000114353	582	0.25	0.21	1	0.037	NA
chr3	52272839	52273631	TWF2	ENSG00000247596	-77	0.26	0.27	1	-0.013	NA
chr3	52521674	52522612	NISCH	ENSG00000010322	669	0.95	0.95	1	0.0017	NA
chr3	53164206	53164698	RFT1	ENSG00000163933	-25	0.2	0.27	1	-0.065	NA
chr3	55504201	55504453	WNT5A	ENSG00000114251	-158	0.98	0.99	1	-0.003	NA
chr3	55519089	55519623	WNT5A	ENSG00000114251	1743	0.26	0.25	1	0.0044	NA
chr3	55522560	55522836	RP11-875H7.4	ENSG00000244586	971	0.25	0.22	1	0.028	NA
chr3	57261455	57262598	APPL1	ENSG00000157500	261	0.22	0.22	1	-0.0023	NA
chr3	57583020	57583611	ARF4	ENSG00000168374	-263	0.18	0.18	1	-0.0025	NA
chr3	63849046	63850357	THOC7	ENSG00000163634	-239	0.23	0.23	1	-0.0024	NA
chr3	69134086	69134479	ARL6IP5	ENSG00000144746	187	0.33	0.25	1	0.083	NA
chr3	72977999	72978325	FTH1P23	ENSG00000242960	-33	1	0.96	1	0.037	NA
chr3	75707623	75708198	RP11-413E6.5	ENSG00000241622	225	1	1	1	0	NA
chr3	82856984	82857244	RP11-657G2.1	ENSG00000241095	58	0.99	0.99	1	0.00056	NA
chr3	88198514	88199513	C3orf38	ENSG00000179021	120	0.24	0.25	1	-0.0051	NA
chr3	94656732	94657159	WDR82P1	ENSG00000234629	-77	0.99	0.99	1	-0.0071	NA
chr3	97483140	97483618	ARL6	ENSG00000113966	14	0.2	0.21	1	-0.0016	NA
chr3	97690785	97691409	MINA	ENSG00000170854	-166	0.16	0.16	1	0.0037	NA
chr3	98311909	98312696	CPOX	ENSG00000080819	152	0.26	0.25	1	0.011	NA
chr3	99944104	99944332	RP11-15N24.3	ENSG00000243974	0	0.97	0.97	1	-0.0041	NA
chr3	101280545	101280952	RG9MTD1	ENSG00000174173	42	0.32	0.33	1	-0.012	NA
chr3	111697739	111698143	ABHD10	ENSG00000144827	84	0.17	0.16	1	0.011	NA
chr3	111904382	111904845	RP11-757F18.3	ENSG00000244144	232	0.33	0.39	1	-0.058	NA
chr3	113414907	113415736	KIAA2018	ENSG00000176542	172	0.21	0.19	1	0.014	NA
chr3	113822136	113822414	RP11-274J15.2	ENSG00000240912	200	1	1	1	0	NA

chr3	117716100	117716564	RP11-384F7.2	ENSG00000239268	107	0.25	0.25	1	-0.0016	NA
chr3	120626880	120627579	STXBP5L	ENSG00000145087	310	0.29	0.3	1	-0.0052	NA
chr3	122920703	122921114	SEC22A	ENSG00000121542	134	0.33	0.25	1	0.083	NA
chr3	123304002	123304218	PTPLB	ENSG00000206527	-78	0.28	0.25	1	0.027	NA
chr3	124931161	124931747	SLC12A8	ENSG00000221955	155	0.18	0.18	1	-0.0002	NA
chr3	125093668	125094365	ZNF148	ENSG00000163848	77	0.5	0.37	1	0.13	NA
chr3	126707618	126708481	PLXNA1	ENSG00000114554	612	0.92	0.94	1	-0.02	NA
chr3	128997382	128997600	C3orf37	ENSG00000183624	-180	0.21	0.2	1	0.0083	NA
chr3	130064574	130064840	COL6A5	ENSG00000172752	348	0.19	0.2	1	-0.0061	NA
chr3	130745388	130745840	ASTE1	ENSG00000034533	-184	0.26	0.24	1	0.014	NA
chr3	131753880	131754139	CPNE4	ENSG00000196353	-165	0.13	0.11	1	0.024	NA
chr3	135969040	135969565	PCCB	ENSG00000114054	154	0.2	0.2	1	-0.0064	NA
chr3	137489051	137489409	RP11-2A4.3	ENSG00000239513	-1561	0.46	0.5	1	-0.036	NA
chr3	137728994	137729206	CLDN18	ENSG00000066405	42	0.95	0.92	1	0.031	NA
chr3	137833848	137834592	DZIP1L	ENSG00000158163	231	0.24	0.24	1	-0.0017	NA
chr3	139062920	139063146	MRPS22	ENSG00000175110	75	0.35	0.36	1	-0.006	NA
chr3	140784809	140785481	SPSB4	ENSG00000175093	-335	1	1	1	0.0047	NA
chr3	140951193	140951451	ACPL2	ENSG00000155893	566	0.19	0.17	1	0.022	NA
chr3	147136903	147137328	ZIC1	ENSG00000152977	-1999	0.17	0.14	1	0.028	NA
chr3	148847198	148847968	HPS3	ENSG00000163755	212	0.17	0.16	1	0.0095	NA
chr3	149469909	149470388	COMMD2	ENSG00000114744	37	0.5	1	1	-0.5	NA
chr3	149700904	149701152	RP11-651P23.4	ENSG00000224831	67	1	1	1	0	NA
chr3	155461917	155462561	PLCH1	ENSG00000114805	617	0.22	0.23	1	-0.0074	NA
chr3	157155267	157155826	VEPH1	ENSG00000197415	-804	0.33	0.38	1	-0.042	NA
chr3	158362180	158362478	GFM1	ENSG00000168827	12	0.36	0.36	1	-0.008	NA
chr3	159706490	159707011	IL12A	ENSG00000168811	213	0.26	0.25	1	0.0033	NA
chr3	170303532	170303768	SLC7A14	ENSG00000013293	166	0.25	0.22	1	0.028	NA
chr3	170371811	170372083	RP11-373E16.1	ENSG00000213174	101	0.96	0.97	1	-0.0084	NA
chr3	172428416	172428950	NCEH1	ENSG00000144959	159	0.36	0.33	1	0.03	NA
chr3	174094995	174095258	RP11-393N4.2	ENSG00000213169	92	0.98	0.98	1	-0.0065	NA

chr3	182896920	182897381	MCF2L2	ENSG00000053524	949	0.25	0.25	1	-0.006	NA
chr3	183602432	183602874	PARL	ENSG00000175193	-138	0.31	0.31	1	0.0059	NA
chr3	185216310	185217131	TMEM41A	ENSG00000163900	-210	0.27	0.27	1	0.0013	NA
chr3	189838080	189838879	LEPREL1	ENSG00000090530	239	0.31	0.32	1	-0.012	NA
chr3	193776091	193776308	RP11-407B7.1	ENSG00000230102	67	0.26	0.26	1	-0.0015	NA
chr3	195613588	195613966	TNK2	ENSG00000061938	-633	1	1	1	0	NA
chr3	196754626	196754831	MFI2	ENSG00000163975	-793	0.98	0.98	1	-0.0018	NA
chr3	9594068	9594328	LHFPL4	ENSG00000156959	-207	0.31	NA	NA	NA	NA
chr3	15919450	15919653	AC090945.1	ENSG00000224728	-3	1	NA	NA	NA	NA
chr3	19188246	19188772	KCNH8	ENSG00000183960	-1437	NA	0.24	NA	NA	NA
chr3	27765196	27765675	EOMES	ENSG00000163508	-1229	0.33	NA	NA	NA	NA
chr3	54154731	54154970	CACNA2D3	ENSG00000157445	-1724	0.67	NA	NA	NA	NA
chr3	63898485	63898774	ATXN7	ENSG00000163635	354	0.5	NA	NA	NA	NA
chr3	124303529	124304092	KALRN	ENSG00000160145	281	0.33	NA	NA	NA	NA
chr3	125687903	125688331	ROPN1B	ENSG00000114547	130	1	NA	NA	NA	NA
chr3	128399481	128400155	RPN1	ENSG00000163902	100	NA	0.15	NA	NA	NA
chr3	128483727	128484050	FTH1P4	ENSG00000242992	-28	1	NA	NA	NA	NA
chr3	128564771	128565007	RP11-221E20.5	ENSG00000244065	-1642	0.65	NA	NA	NA	NA
chr3	155572358	155572604	SLC33A1	ENSG00000169359	-263	NA	1	NA	NA	NA
chr3	187387914	187388176	SST	ENSG00000157005	142	0.22	NA	NA	NA	NA
chr3	190232236	190232444	IL1RAP	ENSG00000196083	432	NA	1	NA	NA	NA
chr3	193310824	193311188	RP11-175P19.2	ENSG00000236297	-127	0.27	NA	NA	NA	NA
chr3	195351369	195351961	AC069213.1	ENSG00000249796	442	NA	1	NA	NA	NA
chr4	72897564	72897964	NPFFR2	ENSG00000056291	145	0.52	0.15	3.40E-09	0.37	NA
chr4	11370229	11370886	MIR572	ENSG00000207716	106	0.93	0.72	3.50E-09	0.22	NA
chr4	17578648	17579539	LAP3	ENSG00000002549	278	0.25	0.1	1.40E-07	0.15	NA
chr4	99181509	99183199	RAP1GDS1	ENSG00000138698	-181	0.28	0.14	3.40E-07	0.13	NA
chr4	88928480	88929659	PKD2	ENSG00000118762	249	0.3	0.16	3.70E-07	0.14	NA
chr4	74809869	74810089	RP11-88J6.1	ENSG00000250339	37	0.55	0.1	5.20E-07	0.45	NA
chr4	13543562	13546494	NKX3-2	ENSG00000109705	1646	0.39	0.28	6.50E-07	0.11	NA

chr4	102711829	102712199	BANK1	ENSG00000153064	127	0.66	0.38	2.00E-06	0.28	NA
chr4	38869401	38869780	FAM114A1	ENSG00000197712	153	0.59	0.32	3.80E-06	0.27	NA
chr4	184365197	184366435	CDKN2AIP	ENSG00000168564	72	0.22	0.12	4.10E-06	0.1	NA
chr4	119757033	119757811	SEC24D	ENSG00000150961	-129	0.38	0.11	4.20E-06	0.27	NA
chr4	10117575	10118952	WDR1	ENSG00000071127	-313	0.33	0.17	4.60E-06	0.17	NA
chr4	144105684	144106832	RP11-284M14.1	ENSG00000250326	-276	0.27	0.15	5.50E-06	0.12	NA
chr4	2418310	2420894	ZFYVE28	ENSG00000159733	734	0.25	0.15	7.50E-06	0.1	NA
chr4	110480827	110482060	CCDC109B	ENSG00000005059	82	0.37	0.22	8.90E-06	0.15	NA
chr4	187476279	187476844	MTNR1A	ENSG00000168412	-97	0.32	0.12	9.30E-06	0.2	NA
chr4	1803076	1805672	FGFR3	ENSG00000068078	1185	0.89	0.96	9.80E-06	-0.065	NA
chr4	30721204	30724842	PCDH7	ENSG00000169851	986	0.3	0.21	1.40E-05	0.082	NA
chr4	146540053	146540656	MMAA	ENSG00000151611	217	0.28	0.14	1.50E-05	0.14	NA
chr4	89299990	89300429	HERC6	ENSG00000138642	194	0.12	0.47	2.10E-05	-0.35	NA
chr4	95678798	95679809	BMPR1B	ENSG00000138696	184	0.22	0.11	2.60E-05	0.1	NA
chr4	25863760	25864845	SEL1L3	ENSG00000091490	279	0.17	0.28	3.10E-05	-0.11	NA
chr4	111542062	111544464	PITX2	ENSG00000164093	996	0.3	0.2	3.40E-05	0.1	NA
chr4	146857334	146859082	ZNF827	ENSG00000151612	1415	0.3	0.19	4.00E-05	0.11	NA
chr4	55991402	55992171	KDR	ENSG00000128052	-326	0.23	0.12	5.00E-05	0.11	NA
chr4	966732	968137	DGKQ	ENSG00000145214	-324	0.41	0.3	5.20E-05	0.12	NA
chr4	121992003	121993703	RP11-647P12.1	ENSG00000250344	269	0.37	0.22	6.20E-05	0.15	NA
chr4	619513	619912	PDE6B	ENSG00000133256	317	0.65	1	7.50E-05	-0.35	NA
chr4	6910935	6912310	TBC1D14	ENSG00000132405	653	0.36	0.22	0.00011	0.14	NA
chr4	187644319	187648253	FAT1	ENSG00000083857	-1299	0.27	0.2	0.00011	0.072	NA
chr4	103422091	103423229	NFKB1	ENSG00000109320	174	0.24	0.15	0.00013	0.09	NA
chr4	113435898	113438002	RP11-402J6.1	ENSG00000249509	409	0.29	0.18	0.00014	0.1	NA
chr4	6642194	6643322	MRFAP1	ENSG00000179010	345	0.26	0.14	0.00017	0.12	NA
chr4	15003059	15006761	AC006296.3	ENSG00000247624	-1241	0.21	0.15	0.00019	0.056	NA
chr4	25915352	25915996	C4orf52	ENSG00000250317	146	0.34	0.16	0.00022	0.17	NA
chr4	187066155	187066460	FAM149A	ENSG00000109794	226	0.28	0.1	0.00029	0.18	NA
chr4	113066470	113067379	C4orf32	ENSG00000174749	371	0.21	0.13	3.00E-04	0.08	NA

chr4	46995128	46995872	GABRA4	ENSG00000109158	22	0.5	0.15	0.00033	0.35	NA
chr4	125633390	125634275	ANKRD50	ENSG00000151458	55	0.17	0.33	0.00036	-0.16	NA
chr4	18022435	18024273	LCORL	ENSG00000178177	24	0.29	0.2	4.00E-04	0.095	NA
chr4	1003106	1005455	FGFRL1	ENSG00000127418	556	0.28	0.18	0.00048	0.094	NA
chr4	157997166	157997686	GLRB	ENSG00000109738	217	0.36	0.15	0.00051	0.21	NA
chr4	183369276	183370459	ODZ3	ENSG00000218336	-285	0.2	0.13	0.00058	0.07	NA
chr4	100009736	100010129	ADH5	ENSG00000197894	-79	0.39	0.16	0.00063	0.23	NA
chr4	113152512	113153656	AP1AR	ENSG00000138660	191	0.16	0.26	0.00074	-0.099	NA
chr4	53728037	53729000	RASL11B	ENSG00000128045	61	0.22	0.09	0.00083	0.13	NA
chr4	71859158	71859884	DCK	ENSG00000156136	241	0.19	0.35	0.00089	-0.16	NA
chr4	166299975	166300668	CPE	ENSG00000109472	227	0.24	0.14	0.00098	0.1	NA
chr4	3533643	3534788	LRPAP1	ENSG00000163956	-339	0.3	0.2	0.0011	0.1	NA
chr4	37245250	37246979	KIAA1239	ENSG00000174145	272	0.16	0.25	0.0011	-0.082	NA
chr4	111397677	111398089	ENPEP	ENSG00000138792	654	0.76	0.94	0.0012	-0.18	NA
chr4	26862031	26863238	RP11-293A21.1	ENSG00000240005	-431	0.3	0.21	0.0013	0.095	NA
chr4	48271362	48271846	TEC	ENSG00000135605	277	0.26	0.11	0.0014	0.16	NA
chr4	42658278	42659550	ATP8A1	ENSG00000124406	196	0.25	0.16	0.0015	0.093	NA
chr4	184826253	184828177	STOX2	ENSG00000173320	706	0.2	0.27	0.0015	-0.072	NA
chr4	185746557	185747827	ACSL1	ENSG00000151726	-4	0.24	0.15	0.0016	0.087	NA
chr4	925580	926488	GAK	ENSG00000178950	-26	0.25	0.16	0.0017	0.089	NA
chr4	1722179	1723850	TMEM129	ENSG00000168936	-506	0.24	0.17	0.002	0.076	NA
chr4	88140842	88141945	KLHL8	ENSG00000145332	27	0.18	0.11	0.0021	0.069	NA
chr4	150999250	151000706	DCLK2	ENSG00000170390	552	0.21	0.27	0.0021	-0.061	NA
chr4	114682069	114682886	CAMK2D	ENSG00000145349	-253	0.22	0.13	0.0022	0.098	NA
chr4	109683729	109684362	AGXT2L1	ENSG00000164089	-172	0.14	0.28	0.0024	-0.14	NA
chr4	1164515	1166582	SPON2	ENSG00000159674	-690	0.39	0.29	0.0025	0.1	NA
chr4	41753669	41753947	RP11-227F19.2	ENSG00000249122	1446	0.38	0.21	0.0027	0.17	NA
chr4	151504011	151505085	MAB21L2	ENSG00000181541	1471	0.63	0.7	0.0027	-0.077	NA
chr4	107956555	107957453	DKK2	ENSG00000155011	-35	0.15	0.67	0.0028	-0.52	NA
chr4	981480	981704	IDUA	ENSG00000127415	-111	0.78	0.43	0.0033	0.35	NA

chr4	76597635	76598920	G3BP2	ENSG00000138757	-412	0.25	0.17	0.0033	0.077	NA
chr4	76911843	76912252	SDAD1	ENSG00000198301	37	0.37	0.14	0.0033	0.23	NA
chr4	77869440	77872122	11-Sep	ENSG00000138758	-75	0.3	0.22	0.0033	0.076	NA
chr4	80885844	80886148	ANTXR2	ENSG00000163297	48	0.99	0.67	0.0033	0.32	NA
chr4	36245631	36246389	RP11-431M7.3	ENSG00000247193	272	0.15	0.23	0.0042	-0.08	NA
chr4	44449386	44451133	KCTD8	ENSG00000183783	-629	0.17	0.23	0.0042	-0.062	NA
chr4	148402198	148402760	EDNRA	ENSG00000151617	395	0.36	0.21	0.0044	0.15	NA
chr4	62065883	62068801	LPHN3	ENSG00000150471	366	0.19	0.27	0.0045	-0.082	NA
chr4	77342010	77342707	CCDC158	ENSG00000163749	638	0.2	0.31	0.0045	-0.11	NA
chr4	1685405	1686743	FAM53A	ENSG00000174137	-356	0.17	0.25	0.0047	-0.083	NA
chr4	13485522	13486533	RAB28	ENSG00000157869	-72	0.31	0.2	0.0047	0.11	NA
chr4	144434249	144435343	SMARCA5	ENSG00000153147	180	0.29	0.17	0.005	0.12	NA
chr4	56261697	56262503	TMEM165	ENSG00000134851	-24	0.23	0.13	0.0051	0.096	NA
chr4	40858884	40859162	APBB2	ENSG00000163697	149	0.16	0.27	0.0052	-0.11	NA
chr4	155664819	155665833	LRAT	ENSG00000121207	203	0.24	0.15	0.0054	0.089	NA
chr4	94749495	94750998	ATOH1	ENSG00000172238	204	0.34	0.22	0.0058	0.12	NA
chr4	84255726	84256399	HPSE	ENSG00000173083	-166	0.15	0.27	0.0062	-0.12	NA
chr4	681313	681514	MFSD7	ENSG00000169026	-299	0.82	1	0.0063	-0.18	NA
chr4	155663809	155664315	LRAT	ENSG00000121207	-1061	0.65	0.45	0.0065	0.2	NA
chr4	174450046	174451469	HAND2	ENSG00000164107	-694	0.35	0.2	0.0071	0.15	NA
chr4	113332941	113333323	ALPK1	ENSG00000073331	1061	0.71	0.31	0.0077	0.4	NA
chr4	1021106	1021338	RP11-46019.2	ENSG00000250259	-244	0.89	0.62	0.0078	0.27	NA
chr4	2470219	2471728	RNF4	ENSG00000063978	517	0.21	0.29	0.0078	-0.079	NA
chr4	185939222	185942747	HELT	ENSG00000187821	989	0.25	0.17	0.008	0.081	NA
chr4	2042115	2044581	WHSC2	ENSG00000185049	282	0.19	0.24	0.0081	-0.049	NA
chr4	155661678	155661984	LRAT	ENSG00000121207	-159	0.96	0.76	0.0081	0.2	NA
chr4	1202956	1203200	SPON2	ENSG00000159674	-328	0.58	0.08	0.0092	0.5	NA
chr4	52942978	52943248	SPATA18	ENSG00000163071	-1397	0.24	0.15	0.0092	0.088	NA
chr4	9783035	9784960	DRD5	ENSG00000169676	739	0.55	0.64	0.0095	-0.089	NA
chr4	169753048	169754535	PALLD	ENSG00000129116	635	0.27	0.18	0.0099	0.088	NA

chr4	57458635	57459028	AC108215.1	ENSG00000248590	-161	0.73	0.59	0.01	0.14	NA
chr4	78783745	78784015	MRPL1	ENSG00000169288	-104	0.19	0.6	0.01	-0.41	NA
chr4	190905233	190906124	TUBB4Q	ENSG00000251297	348	0.78	0.88	0.01	-0.094	NA
chr4	1396291	1401730	NKX1-1	ENSG00000235608	1109	0.28	0.25	0.011	0.037	NA
chr4	56212294	56213063	SRD5A3	ENSG00000128039	99	0.21	0.13	0.013	0.074	NA
chr4	57301340	57302670	PPAT	ENSG00000128059	-343	0.19	0.29	0.013	-0.098	NA
chr4	158143296	158144053	GRIA2	ENSG00000120251	856	0.18	0.29	0.013	-0.11	NA
chr4	2795139	2795467	SH3BP2	ENSG00000087266	-148	0.21	0.41	0.014	-0.2	NA
chr4	8159728	8160893	ABLIM2	ENSG00000163995	106	0.25	0.18	0.014	0.072	NA
chr4	149363212	149367056	NR3C2	ENSG00000151623	-1758	0.23	0.18	0.014	0.049	NA
chr4	168155005	168155765	SPOCK3	ENSG00000196104	-179	0.32	0.2	0.016	0.12	NA
chr4	1580050	1580455	RP11-1398P2.1	ENSG00000244459	1728	0.37	0.65	0.017	-0.28	NA
chr4	81951941	81952808	BMP3	ENSG00000152785	255	0.14	0.21	0.017	-0.073	NA
chr4	109087747	109090407	LEF1	ENSG00000138795	-1200	0.29	0.23	0.018	0.063	NA
chr4	177240935	177241832	SPCS3	ENSG00000129128	268	0.27	0.19	0.018	0.083	NA
chr4	37828144	37828945	PGM2	ENSG00000169299	289	0.22	0.12	0.019	0.096	NA
chr4	6710948	6711793	MRFAP1L1	ENSG00000178988	184	0.32	0.13	0.02	0.19	NA
chr4	166128385	166129255	KLHL2	ENSG00000109466	50	0.17	0.1	0.02	0.07	NA
chr4	184425262	184427628	RP11-367N14.2	ENSG00000232648	-798	0.22	0.28	0.02	-0.063	NA
chr4	55523409	55525297	KIT	ENSG00000157404	268	0.17	0.23	0.021	-0.059	NA
chr4	184579921	184580644	RWDD4	ENSG00000182552	22	0.2	0.29	0.021	-0.083	NA
chr4	140036277	140036689	PPP1R14BP3	ENSG00000179967	45	0.95	0.85	0.022	0.1	NA
chr4	93226348	93227007	GRID2	ENSG00000152208	869	0.24	0.15	0.023	0.084	NA
chr4	128981810	128983478	LARP1B	ENSG00000138709	221	0.2	0.15	0.023	0.051	NA
chr4	81187494	81187913	FGF5	ENSG00000138675	-50	0.22	0.15	0.024	0.079	NA
chr4	124318307	124319998	SPRY1	ENSG00000164056	-188	0.25	0.19	0.024	0.062	NA
chr4	57842634	57843893	POLR2B	ENSG00000047315	-625	0.21	0.15	0.025	0.062	NA
chr4	83719009	83720241	SCD5	ENSG00000145284	284	0.19	0.25	0.025	-0.055	NA
chr4	165304328	165305177	1-Mar	ENSG00000145416	-83	0.24	0.13	0.025	0.11	NA
chr4	20253276	20256868	SLIT2	ENSG00000145147	189	0.24	0.19	0.026	0.046	NA

chr4	1580673	1582096	RP11-1398P2.1	ENSG00000244459	596	0.29	0.21	0.027	0.078	NA
chr4	8873235	8876433	HMX1	ENSG00000215612	-1486	0.23	0.19	0.027	0.041	NA
chr4	1205817	1206203	CTBP1	ENSG00000159692	828	0.55	0.34	0.028	0.21	NA
chr4	188534687	188534913	RP11-565A3.1	ENSG00000249642	-119	1	0.83	0.028	0.17	NA
chr4	164415409	164416186	C4orf43	ENSG00000198498	203	0.26	0.16	0.03	0.093	NA
chr4	57773867	57775602	REST	ENSG00000084093	692	0.27	0.21	0.032	0.067	NA
chr4	74702420	74702627	CXCL6	ENSG00000124875	166	0.22	0.1	0.032	0.12	NA
chr4	2464006	2464735	RNF4	ENSG00000063978	423	0.33	0.21	0.033	0.12	NA
chr4	148604954	148605625	PRMT10	ENSG00000164169	-13	0.36	0.2	0.033	0.16	NA
chr4	143766940	143768413	INPP4B	ENSG00000109452	-233	0.21	0.14	0.034	0.064	NA
chr4	6271280	6272182	WFS1	ENSG00000109501	155	0.22	0.15	0.035	0.072	NA
chr4	56411993	56413357	CLOCK	ENSG00000134852	-576	0.23	0.17	0.035	0.059	NA
chr4	100574403	100574654	RP11-766F14.2	ENSG00000248713	1277	0.82	0.68	0.035	0.15	NA
chr4	170678944	170679255	C4orf27	ENSG00000056050	-44	0.18	0.11	0.035	0.069	NA
chr4	103265627	103266785	SLC39A8	ENSG00000138821	90	0.22	0.3	0.036	-0.081	NA
chr4	147096877	147097562	LSM6	ENSG00000164167	340	0.22	0.15	0.036	0.071	NA
chr4	146019163	146019826	ANAPC10	ENSG00000164162	-207	0.28	0.18	0.037	0.1	NA
chr4	47915861	47916880	NIPAL1	ENSG00000163293	211	0.25	0.18	0.038	0.068	NA
chr4	76439435	76440003	RCHY1	ENSG00000163743	-253	0.21	0.11	0.038	0.095	NA
chr4	159644148	159644665	PPID	ENSG00000171497	142	0.17	0.29	0.041	-0.12	NA
chr4	83294845	83295786	HNRNPD	ENSG00000138668	-206	0.18	0.33	0.044	-0.14	NA
chr4	83350053	83352459	HNRPDL	ENSG00000152795	-678	0.21	0.25	0.044	-0.048	NA
chr4	153700539	153701491	TIGD4	ENSG00000169989	-99	0.21	0.15	0.044	0.058	NA
chr4	298803	299312	ZNF732	ENSG00000186777	53	0.24	0.46	0.046	-0.22	NA
chr4	8442433	8443113	ACOX3	ENSG00000087008	-335	0.22	0.14	0.046	0.073	NA
chr4	57521621	57522703	HOPX	ENSG00000171476	308	0.2	0.14	0.047	0.059	NA
chr4	984926	985695	SLC26A1	ENSG00000145217	-327	0.91	0.95	0.048	-0.042	NA
chr4	103997208	103998007	NHEDC2	ENSG00000164038	-147	0.16	0.2	0.048	-0.043	NA
chr4	42399152	42400802	SHISA3	ENSG00000178343	121	0.2	0.15	0.049	0.048	NA
chr4	83482744	83483091	TMEM150C	ENSG00000249242	191	0.22	0.13	0.049	0.09	NA

chr4	37455279	37455757	C4orf19	ENSG00000154274	-45	0.14	0.21	0.051	-0.068	NA
chr4	106816415	106817769	NPNT	ENSG00000168743	498	0.24	0.31	0.051	-0.077	NA
chr4	71767793	71768663	MOBK1A	ENSG00000173542	185	0.21	0.16	0.054	0.055	NA
chr4	467471	467839	ZNF721	ENSG00000182903	185	0.27	0.15	0.055	0.12	NA
chr4	187025732	187026873	FAM149A	ENSG00000109794	71	0.16	0.21	0.056	-0.044	NA
chr4	20701817	20702336	PACRGL	ENSG00000163138	40	0.4	0.13	0.057	0.27	NA
chr4	17811954	17813227	DCAF16	ENSG00000163257	-256	0.26	0.19	0.058	0.07	NA
chr4	187111939	187113286	CYP4V2	ENSG00000145476	-62	0.25	0.2	0.059	0.053	NA
chr4	1221837	1222050	CTBP1	ENSG00000159692	129	0.97	0.83	0.06	0.14	NA
chr4	1807117	1807522	FGFR3	ENSG00000068078	1100	0.86	0.98	0.062	-0.12	NA
chr4	153857112	153859245	FHDC1	ENSG00000137460	674	0.21	0.18	0.064	0.038	NA
chr4	115519422	115520932	UGT8	ENSG00000174607	566	0.19	0.29	0.066	-0.093	NA
chr4	656993	658162	PDE6B	ENSG00000133256	65	0.25	0.2	0.067	0.055	NA
chr4	6472175	6474534	PPP2R2C	ENSG00000074211	59	0.22	0.18	0.067	0.041	NA
chr4	186392574	186393184	RP11-279O9.4	ENSG00000249679	209	0.17	0.25	0.067	-0.08	NA
chr4	2794494	2794875	SH3BP2	ENSG00000087266	-66	0.32	0.22	0.069	0.1	NA
chr4	52904454	52904912	SGCB	ENSG00000163069	-35	0.23	0.43	0.069	-0.21	NA
chr4	190942734	190944898	DUX4L9	ENSG00000224807	4	0.58	0.62	0.07	-0.047	NA
chr4	17782642	17783624	FAM184B	ENSG00000047662	2	0.2	0.29	0.071	-0.086	NA
chr4	141071950	141075566	MAML3	ENSG00000196782	365	0.22	0.18	0.073	0.045	NA
chr4	132896360	132896778	RP11-745L13.2	ENSG00000251555	538	0.57	0.79	0.074	-0.21	NA
chr4	89378223	89378948	HERC5	ENSG00000138646	317	0.22	0.17	0.076	0.05	NA
chr4	8582036	8583364	GPR78	ENSG00000155269	407	0.22	0.27	0.077	-0.052	NA
chr4	186317143	186318255	ANKRD37	ENSG00000186352	524	0.2	0.15	0.077	0.049	NA
chr4	4861227	4862241	MSX1	ENSG00000163132	341	0.27	0.2	0.081	0.072	NA
chr4	52708767	52709538	DCUN1D4	ENSG00000109184	-14	0.23	0.32	0.081	-0.088	NA
chr4	174090074	174091423	RP11-10K16.1	ENSG00000245213	-670	0.24	0.19	0.081	0.047	NA
chr4	142557388	142558323	IL15	ENSG00000164136	103	0.26	0.19	0.084	0.067	NA
chr4	1872181	1873986	WHSC1	ENSG00000109685	-68	0.21	0.17	0.085	0.037	NA
chr4	129732322	129733985	PHF17	ENSG00000077684	710	0.27	0.23	0.088	0.048	NA

chr4	100484727	100485284	RG9MTD2	ENSG00000145331	-180	0.21	0.09	0.09	0.12	NA
chr4	1340107	1341471	KIAA1530	ENSG00000163945	-265	0.19	0.15	0.091	0.039	NA
chr4	177713243	177714457	VEGFC	ENSG00000150630	31	0.21	0.16	0.091	0.05	NA
chr4	77610324	77610943	SHROOM3	ENSG00000138771	22	0.15	0.21	0.092	-0.057	NA
chr4	40057484	40059041	N4BP2	ENSG00000078177	-184	0.19	0.15	0.093	0.04	NA
chr4	71570147	71571626	RUFY3	ENSG00000018189	368	0.25	0.2	0.097	0.046	NA
chr4	122617462	122618623	ANXA5	ENSG00000164111	75	0.17	0.22	0.097	-0.049	NA
chr4	6200912	6202724	JAKMIP1	ENSG00000152969	440	0.22	0.18	0.098	0.042	NA
chr4	1218943	1219718	CTBP1	ENSG00000159692	-153	0.93	0.89	0.099	0.046	NA
chr4	37978702	37979595	TBC1D1	ENSG00000065882	217	0.21	0.29	0.1	-0.08	NA
chr4	41362252	41363639	LIMCH1	ENSG00000064042	297	0.23	0.18	0.1	0.043	NA
chr4	84030630	84031309	PLAC8	ENSG00000145287	27	0.26	0.2	0.1	0.062	NA
chr4	166794545	166795341	TLL1	ENSG00000038295	105	0.18	0.25	0.1	-0.071	NA
chr4	1843080	1843352	LETM1	ENSG00000168924	1539	1	0.95	0.11	0.052	NA
chr4	53588189	53588735	RP11-177B4.1	ENSG00000248375	-1464	0.31	0.2	0.11	0.11	NA
chr4	54930241	54931079	CHIC2	ENSG00000109220	-195	0.24	0.17	0.11	0.071	NA
chr4	120221626	120222007	C4orf3	ENSG00000164096	260	0.32	0.47	0.11	-0.15	NA
chr4	178363239	178363708	AGA	ENSG00000038002	90	0.28	0.18	0.11	0.098	NA
chr4	190935925	190936999	5S_rRNA	ENSG00000199572	169	0.19	0.33	0.11	-0.14	NA
chr4	41218314	41218768	APBB2	ENSG00000163697	190	0.53	0.47	0.12	0.056	NA
chr4	53524958	53526227	USP46	ENSG00000109189	-150	0.21	0.25	0.12	-0.044	NA
chr4	54231708	54232320	SCFD2	ENSG00000184178	214	0.26	0.37	0.12	-0.12	NA
chr4	110355380	110355598	RP11-264J9.1	ENSG00000247950	-516	0.14	0.37	0.12	-0.23	NA
chr4	126235895	126238930	FAT4	ENSG00000196159	-142	0.26	0.21	0.12	0.043	NA
chr4	145566242	145567413	RP11-291L15.2	ENSG00000248890	237	0.35	0.24	0.12	0.11	NA
chr4	8271214	8272091	HTRA3	ENSG00000170801	160	0.32	0.4	0.13	-0.076	NA
chr4	122685860	122686565	TMEM155	ENSG00000164112	-297	0.22	0.17	0.13	0.051	NA
chr4	5891981	5892365	CRMP1	ENSG00000072832	-255	0.28	0.19	0.14	0.09	NA
chr4	140004718	140005806	ELF2	ENSG00000109381	82	0.23	0.18	0.14	0.045	NA
chr4	174451828	174452962	RP11-471J12.1	ENSG00000237125	69	0.34	0.25	0.14	0.09	NA

chr4	178230850	178231260	NEIL3	ENSG00000109674	65	0.17	0.29	0.14	-0.12	NA
chr4	3318577	3319128	RGS12	ENSG00000159788	-914	0.91	1	0.15	-0.09	NA
chr4	53617118	53617607	AC104066.1	ENSG00000226887	204	0.12	0.18	0.15	-0.058	NA
chr4	57180957	57182147	KIAA1211	ENSG00000109265	-1277	0.98	0.96	0.15	0.026	NA
chr4	85417659	85420799	NKX6-1	ENSG00000163623	-1126	0.19	0.22	0.15	-0.028	NA
chr4	90758008	90758870	SNCA	ENSG00000145335	-312	0.22	0.17	0.15	0.053	NA
chr4	120548203	120550250	PDE5A	ENSG00000138735	-438	0.28	0.22	0.15	0.062	NA
chr4	186346794	186347571	UFSP2	ENSG00000109775	-98	0.21	0.28	0.15	-0.066	NA
chr4	529166	529556	PIGG	ENSG00000174227	-1133	0.9	0.95	0.16	-0.056	NA
chr4	1107125	1107728	RNF212	ENSG00000178222	-123	0.24	0.3	0.16	-0.057	NA
chr4	6783872	6785283	KIAA0232	ENSG00000170871	208	0.28	0.24	0.16	0.04	NA
chr4	41937098	41937624	TMEM33	ENSG00000109133	224	0.18	0.29	0.16	-0.11	NA
chr4	76649538	76650457	G3BP2	ENSG00000138757	-438	0.21	0.15	0.16	0.062	NA
chr4	108910770	108911370	HADH	ENSG00000138796	200	0.15	0.21	0.16	-0.056	NA
chr4	111119187	111120084	ELOVL6	ENSG00000170522	-113	0.18	0.28	0.16	-0.099	NA
chr4	2964459	2966014	NOP14	ENSG00000087269	-176	0.19	0.22	0.17	-0.038	NA
chr4	15682921	15683601	FBXL5	ENSG00000118564	-84	0.31	0.23	0.17	0.087	NA
chr4	107146	107898	Z95704.3	ENSG00000250238	-522	0.16	0.12	0.18	0.037	NA
chr4	1233872	1234420	CTBP1	ENSG00000159692	1105	0.94	0.84	0.18	0.1	NA
chr4	26858872	26859408	STIM2	ENSG00000109689	-160	0.21	0.16	0.18	0.054	NA
chr4	103681836	103682348	MANBA	ENSG00000109323	-2	0.16	0.21	0.18	-0.056	NA
chr4	118006538	118006859	TRAM1L1	ENSG00000174599	38	0.28	0.18	0.18	0.1	NA
chr4	141445099	141445698	ELMOD2	ENSG00000179387	86	0.19	0.14	0.18	0.053	NA
chr4	159689700	159690823	FNIP2	ENSG00000052795	-29	0.25	0.2	0.18	0.048	NA
chr4	1857065	1858887	LETM1	ENSG00000168924	-294	0.2	0.17	0.19	0.029	NA
chr4	39978066	39979792	PDS5A	ENSG00000121892	201	0.19	0.24	0.19	-0.049	NA
chr4	42152766	42154984	BEND4	ENSG00000188848	273	0.28	0.23	0.19	0.047	NA
chr4	83933332	83934370	LIN54	ENSG00000189308	189	0.24	0.19	0.19	0.052	NA
chr4	164264821	164265772	NPY5R	ENSG00000164129	205	0.23	0.19	0.19	0.041	NA
chr4	3956663	3958275	AC226119.2	ENSG00000251669	-699	0.34	0.26	0.2	0.086	NA

chr4	41747508	41747944	PHOX2B	ENSG00000109132	1998	0.27	0.57	0.2	-0.3	NA
chr4	99916375	99917569	METAP1	ENSG00000164024	201	0.24	0.18	0.2	0.058	NA
chr4	185393870	185395037	IRF2	ENSG00000168310	748	0.24	0.19	0.2	0.047	NA
chr4	798538	798984	CPLX1	ENSG00000168993	-65	0.95	0.9	0.21	0.057	NA
chr4	2845031	2846258	ADD1	ENSG00000087274	60	0.2	0.15	0.21	0.048	NA
chr4	8429929	8430441	ACOX3	ENSG00000087008	3	0.16	0.11	0.21	0.04	NA
chr4	113626739	113627507	RP11-148B6.2	ENSG00000250046	843	0.15	0.27	0.21	-0.12	NA
chr4	114900355	114900810	ARSJ	ENSG00000180801	221	0.18	0.12	0.21	0.059	NA
chr4	170946766	170947925	MFAP3L	ENSG00000198948	101	0.21	0.17	0.21	0.034	NA
chr4	492839	493379	ZNF721	ENSG00000182903	-218	0.19	0.23	0.22	-0.036	NA
chr4	724335	726070	PCGF3	ENSG00000185619	337	0.97	0.95	0.22	0.023	NA
chr4	4291773	4292495	LYAR	ENSG00000145220	-238	0.17	0.12	0.22	0.047	NA
chr4	26585564	26585799	TBC1D19	ENSG00000109680	-25	0.32	0.21	0.22	0.1	NA
chr4	77818015	77819600	ANKRD56	ENSG00000186212	195	0.22	0.26	0.22	-0.034	NA
chr4	87927928	87928667	AFF1	ENSG00000172493	157	0.21	0.27	0.22	-0.058	NA
chr4	100867328	100868162	DNAJB14	ENSG00000164031	-30	0.16	0.19	0.22	-0.035	NA
chr4	151936653	151937519	LRBA	ENSG00000198589	-207	0.14	0.23	0.22	-0.09	NA
chr4	154386834	154388183	KIAA0922	ENSG00000121210	10	0.24	0.21	0.22	0.038	NA
chr4	6675691	6676407	RP11-539L10.3	ENSG00000251580	-492	0.18	0.09	0.23	0.084	NA
chr4	17616175	17616506	AC006160.5	ENSG00000249502	-146	0.27	0.18	0.23	0.089	NA
chr4	57975860	57976916	RP11-12A1.1	ENSG00000245067	460	0.24	0.19	0.23	0.054	NA
chr4	68566603	68567076	UBA6	ENSG00000033178	21	0.24	0.19	0.23	0.054	NA
chr4	74903953	74904589	CXCL3	ENSG00000163734	96	0.25	0.14	0.23	0.11	NA
chr4	76555366	76556079	CDKL2	ENSG00000138769	-52	0.5	0.23	0.23	0.27	NA
chr4	570950	571768	AC116565.1	ENSG00000256961	402	0.24	0.36	0.24	-0.12	NA
chr4	647193	647449	PDE6B	ENSG00000133256	321	0.81	0.7	0.24	0.11	NA
chr4	898030	898532	GAK	ENSG00000178950	288	0.94	0.99	0.24	-0.046	NA
chr4	3076186	3076558	RP11-520M5.6	ENSG00000251075	-131	0.2	0.14	0.24	0.052	NA
chr4	41215871	41216813	APBB2	ENSG00000163697	133	0.23	0.19	0.24	0.042	NA
chr4	22516856	22518048	GPR125	ENSG00000152990	-133	0.21	0.25	0.25	-0.039	NA

chr4	41992477	41993125	SLC30A9	ENSG00000014824	312	0.16	0.12	0.25	0.041	NA
chr4	55094321	55094593	PDGFRA	ENSG000000134853	-807	0.32	0.17	0.25	0.15	NA
chr4	55096185	55100331	PDGFRA	ENSG000000134853	1769	0.24	0.21	0.25	0.021	NA
chr4	74124405	74125130	ANKRD17	ENSG000000132466	-265	0.26	0.32	0.25	-0.057	NA
chr4	77507077	77507339	SHROOM3	ENSG000000138771	-85	0.26	0.34	0.25	-0.083	NA
chr4	101111146	101111497	RP11-588P8.1	ENSG000000249710	131	0.18	0.12	0.25	0.061	NA
chr4	154388274	154388615	KIAA0922	ENSG000000121210	943	0.3	0.17	0.25	0.12	NA
chr4	156129168	156130209	RP11-92A5.2	ENSG000000250538	-105	0.15	0.19	0.25	-0.046	NA
chr4	160023787	160025437	RAPGEF2	ENSG000000109756	-718	0.23	0.19	0.25	0.042	NA
chr4	171010943	171011503	AADAT	ENSG000000109576	-105	0.17	0.22	0.25	-0.049	NA
chr4	77134566	77135377	SCARB2	ENSG000000138760	-218	0.17	0.13	0.26	0.039	NA
chr4	77172587	77173060	FAM47E	ENSG000000189157	-30	0.28	0.21	0.26	0.069	NA
chr4	79472806	79473177	ANXA3	ENSG000000138772	90	0.14	0.21	0.26	-0.063	NA
chr4	152682041	152682293	PET112	ENSG000000059691	-85	0.24	0.1	0.26	0.14	NA
chr4	157892685	157893286	PDGFC	ENSG000000145431	-439	0.3	0.24	0.26	0.059	NA
chr4	25378793	25379275	ANAPC4	ENSG000000053900	199	0.18	0.22	0.27	-0.039	NA
chr4	39046186	39046924	KLHL5	ENSG000000109790	104	0.32	0.24	0.27	0.077	NA
chr4	78739707	78741555	CNOT6L	ENSG000000138767	-414	0.22	0.19	0.27	0.032	NA
chr4	110354464	110355110	RP11-264J9.1	ENSG000000247950	133	0.24	0.19	0.27	0.052	NA
chr4	3767072	3769789	ADRA2C	ENSG000000184160	355	0.29	0.31	0.28	-0.022	NA
chr4	11430235	11431256	HS3ST1	ENSG000000002587	443	0.24	0.2	0.28	0.046	NA
chr4	39772810	39773309	ZBTB12B	ENSG000000180610	-68	0.95	0.98	0.28	-0.026	NA
chr4	77227354	77228482	STBD1	ENSG000000118804	739	0.2	0.17	0.28	0.032	NA
chr4	128801886	128802696	PLK4	ENSG000000142731	275	0.19	0.25	0.28	-0.056	NA
chr4	154680774	154681377	RNF175	ENSG000000145428	-50	0.24	0.17	0.28	0.063	NA
chr4	169239549	169239824	DDX60	ENSG000000137628	269	0.3	0.37	0.28	-0.069	NA
chr4	1224451	1224728	CTBP1	ENSG000000159692	343	0.99	0.92	0.29	0.072	NA
chr4	9692917	9693603	RP11-180A12.3	ENSG000000186234	-859	0.23	0.33	0.29	-0.099	NA
chr4	25161781	25162290	SEPSECS	ENSG000000109618	-19	0.32	0.21	0.29	0.11	NA
chr4	38664649	38666531	KLF3	ENSG000000109787	-227	0.18	0.15	0.29	0.024	NA

chr4	77069066	77069672	NUP54	ENSG00000138750	-16	0.15	0.2	0.29	-0.049	NA
chr4	84205381	84206020	COQ2	ENSG00000173085	218	0.3	0.18	0.29	0.11	NA
chr4	57253468	57253745	AASDH	ENSG00000157426	-17	0.24	0.2	0.3	0.047	NA
chr4	74734918	74735544	CXCL1	ENSG00000163739	121	0.25	0.2	0.3	0.052	NA
chr4	144620822	144622218	RP13-578N3.3	ENSG00000246448	110	0.22	0.18	0.3	0.039	NA
chr4	154709512	154710827	SFRP2	ENSG00000145423	103	0.25	0.21	0.3	0.037	NA
chr4	158558911	158559184	RP11-364P22.2	ENSG00000249275	208	1	0.95	0.3	0.045	NA
chr4	170541251	170541810	CLCN3	ENSG00000109572	-142	0.18	0.22	0.3	-0.038	NA
chr4	980603	981248	DGKQ	ENSG00000145214	-242	0.15	0.18	0.31	-0.035	NA
chr4	57687610	57687906	SPINK2	ENSG00000128040	102	0.17	0.12	0.31	0.046	NA
chr4	57844857	57845202	C4orf14	ENSG00000084092	-40	0.27	0.41	0.31	-0.14	NA
chr4	68410993	68411492	CENPC1	ENSG00000145241	-41	0.18	0.13	0.31	0.046	NA
chr4	77996421	77997571	CCNI	ENSG00000118816	-511	0.21	0.25	0.31	-0.038	NA
chr4	79860213	79860745	PAQR3	ENSG00000163291	-130	0.28	0.23	0.31	0.051	NA
chr4	1656735	1657315	FAM53A	ENSG00000174137	110	0.97	0.94	0.32	0.026	NA
chr4	21950538	21950865	RP11-17E2.2	ENSG00000250039	63	0.28	0.35	0.32	-0.073	NA
chr4	54243642	54244397	FIP1L1	ENSG00000145216	209	0.19	0.15	0.32	0.042	NA
chr4	140476381	140478628	SETD7	ENSG00000145391	-142	0.19	0.17	0.32	0.025	NA
chr4	568513	570488	AC116565.1	ENSG00000256961	-1457	0.21	0.23	0.33	-0.021	NA
chr4	47034427	47034940	GABRB1	ENSG00000163288	1033	0.23	0.3	0.33	-0.075	NA
chr4	129208297	129209780	PGRMC2	ENSG00000164040	-495	0.16	0.19	0.33	-0.028	NA
chr4	188916605	188916876	ZFP42	ENSG00000179059	-185	0.25	0.3	0.33	-0.045	NA
chr4	17513309	17513981	QDPR	ENSG00000151552	-41	0.29	0.24	0.34	0.048	NA
chr4	80993375	80994410	ANTXR2	ENSG00000163297	-175	0.19	0.22	0.34	-0.029	NA
chr4	99579142	99580160	TSPAN5	ENSG00000168785	-302	0.18	0.22	0.34	-0.039	NA
chr4	122871412	122873182	TRPC3	ENSG00000138741	-268	0.19	0.16	0.34	0.027	NA
chr4	175443406	175443837	HPGD	ENSG00000164120	-137	0.24	0.15	0.34	0.084	NA
chr4	189552385	189552791	RP11-756P10.1	ENSG00000250523	510	0.98	1	0.34	-0.012	NA
chr4	3250627	3251447	C4orf44	ENSG00000188981	270	0.96	0.98	0.35	-0.022	NA
chr4	3293714	3294595	RGS12	ENSG00000159788	-601	0.24	0.21	0.35	0.032	NA

chr4	4543437	4544104	STX18	ENSG00000168818	-33	0.2	0.24	0.35	-0.036	NA
chr4	82135888	82136535	PRKG2	ENSG00000138669	-23	0.17	0.2	0.35	-0.035	NA
chr4	82965415	82965896	RP11-689K5.3	ENSG00000251331	-258	0.15	0.2	0.35	-0.046	NA
chr4	185654505	185655515	MLF1IP	ENSG00000151725	-442	0.21	0.18	0.35	0.027	NA
chr4	189080848	189081247	RP11-366H4.1	ENSG00000248370	-172	0.96	1	0.35	-0.043	NA
chr4	1987492	1988260	MIR943	ENSG00000216105	328	0.9	0.94	0.36	-0.035	NA
chr4	109571693	109572039	OSTC	ENSG00000198856	126	0.21	0.17	0.36	0.039	NA
chr4	140216727	140217078	NDUFC1	ENSG00000109390	55	0.21	0.26	0.36	-0.049	NA
chr4	190939801	190940591	5S_rRNA	ENSG00000201145	1345	0.53	0.47	0.36	0.065	NA
chr4	79696707	79697958	BMP2K	ENSG00000138756	-164	0.2	0.23	0.37	-0.033	NA
chr4	108640845	108641835	PAPSS1	ENSG00000138801	-161	0.26	0.21	0.37	0.043	NA
chr4	108852495	108853387	CYP2U1	ENSG00000155016	416	0.15	0.19	0.37	-0.036	NA
chr4	110623959	110624831	CASP6	ENSG00000138794	-390	0.27	0.23	0.37	0.032	NA
chr4	128702830	128704215	HSPA4L	ENSG00000164070	546	0.24	0.21	0.37	0.029	NA
chr4	185569961	185570638	CASP3	ENSG00000164305	302	0.28	0.22	0.37	0.053	NA
chr4	7043808	7045732	CCDC96	ENSG00000173013	-42	0.22	0.2	0.38	0.021	NA
chr4	25657119	25657547	SLC34A2	ENSG00000157765	-111	0.22	0.17	0.38	0.052	NA
chr4	156874740	156875083	CTSO	ENSG00000151792	158	0.18	0.23	0.38	-0.048	NA
chr4	1801121	1801327	FGFR3	ENSG00000068078	-1965	0.9	0.94	0.39	-0.048	NA
chr4	2935461	2936974	MFSD10	ENSG00000109736	-543	0.21	0.24	0.39	-0.034	NA
chr4	26321133	26323150	RBPJ	ENSG00000168214	857	0.23	0.19	0.39	0.042	NA
chr4	76861089	76862426	NAAA	ENSG00000138744	-380	0.17	0.15	0.39	0.023	NA
chr4	81118137	81118603	PRDM8	ENSG00000152784	-288	0.34	0.25	0.39	0.094	NA
chr4	128544031	128544903	INTU	ENSG00000164066	41	0.31	0.26	0.39	0.05	NA
chr4	6564751	6565185	PPP2R2C	ENSG00000074211	359	0.22	0.19	0.4	0.032	NA
chr4	73434855	73435321	ADAMTS3	ENSG00000156140	-572	0.24	0.2	0.4	0.039	NA
chr4	141294666	141295274	SCOC	ENSG00000153130	280	0.2	0.16	0.4	0.041	NA
chr4	159592617	159593587	C4orf46	ENSG00000205208	-58	0.16	0.2	0.4	-0.045	NA
chr4	667273	667601	ATP5I	ENSG00000169020	-125	1	0.56	0.41	0.44	NA
chr4	2933644	2933879	MFSD10	ENSG00000109736	-98	0.72	0.59	0.41	0.12	NA

chr4	668051	668726	ATP5I	ENSG00000169020	-269	0.34	0.27	0.42	0.063	NA
chr4	37687401	37688613	RELL1	ENSG00000181826	-9	0.19	0.22	0.42	-0.028	NA
chr4	48781331	48782339	FRYL	ENSG00000075539	311	0.21	0.17	0.42	0.035	NA
chr4	81257040	81257270	C4orf22	ENSG00000197826	220	0.67	0.39	0.42	0.27	NA
chr4	120133564	120134289	RP11-455G16.1	ENSG00000178636	-259	0.22	0.17	0.42	0.046	NA
chr4	159131508	159131736	TMEM144	ENSG00000164124	11	0.5	0.2	0.42	0.3	NA
chr4	5889203	5890645	CRMP1	ENSG00000072832	-384	0.18	0.2	0.43	-0.027	NA
chr4	5894071	5895116	CRMP1	ENSG00000072832	192	0.16	0.18	0.43	-0.019	NA
chr4	46391903	46392572	GABRA2	ENSG00000151834	-292	0.17	0.15	0.43	0.023	NA
chr4	49526390	49526686	RP11-241F15.5	ENSG00000248532	-644	0.48	0.52	0.43	-0.041	NA
chr4	89079756	89080454	ABCG2	ENSG00000118777	-282	0.19	0.16	0.43	0.029	NA
chr4	96469859	96470994	UNC5C	ENSG00000182168	-303	0.22	0.26	0.43	-0.033	NA
chr4	186130584	186131896	KIAA1430	ENSG00000164323	-582	0.25	0.22	0.43	0.03	NA
chr4	1794442	1797132	FGFR3	ENSG00000068078	753	0.22	0.2	0.44	0.017	NA
chr4	15779998	15780729	CD38	ENSG00000004468	428	0.15	0.18	0.44	-0.032	NA
chr4	48908292	48908850	OCIAD2	ENSG00000145247	173	0.21	0.17	0.44	0.04	NA
chr4	175750330	175750584	GLRA3	ENSG00000145451	-79	0.37	0.14	0.44	0.23	NA
chr4	4249766	4250270	TMEM128	ENSG00000132406	-79	0.14	0.18	0.45	-0.037	NA
chr4	41258759	41259867	UCHL1	ENSG00000154277	527	0.22	0.19	0.45	0.035	NA
chr4	56719704	56720228	EXOC1	ENSG00000090989	184	0.27	0.23	0.45	0.038	NA
chr4	87855873	87857204	C4orf36	ENSG00000163633	-654	0.22	0.2	0.45	0.018	NA
chr4	102267592	102269621	PPP3CA	ENSG00000138814	-653	0.15	0.14	0.45	0.019	NA
chr4	866098	866344	GAK	ENSG00000178950	340	0.93	1	0.46	-0.066	NA
chr4	56501912	56502523	NMU	ENSG00000109255	209	0.22	0.16	0.46	0.059	NA
chr4	75023577	75024037	MTHFD2L	ENSG00000163738	-18	0.35	0.29	0.46	0.054	NA
chr4	87813172	87813718	C4orf36	ENSG00000163633	28	0.21	0.27	0.46	-0.057	NA
chr4	103747631	103749392	UBE2D3	ENSG00000109332	-487	0.25	0.28	0.46	-0.032	NA
chr4	117520431	117520720	RP11-55L3.2	ENSG00000213493	1258	1	0.98	0.46	0.023	NA
chr4	645236	645579	PDE6B	ENSG00000133256	59	0.26	0.32	0.47	-0.065	NA
chr4	680047	680366	MFSD7	ENSG00000169026	908	0.91	0.94	0.47	-0.032	NA

chr4	1188185	1189162	SPON2	ENSG00000159674	249	0.31	0.34	0.47	-0.031	NA
chr4	53578358	53579238	KIAA0114	ENSG00000226950	201	0.23	0.2	0.47	0.034	NA
chr4	106629575	106630214	INTS12	ENSG00000138785	-98	0.33	0.41	0.47	-0.082	NA
chr4	130014349	130014899	C4orf33	ENSG00000151470	152	0.2	1	0.47	-0.8	NA
chr4	139482528	139483255	RP11-173E2.1	ENSG00000248795	1033	0.98	0.94	0.47	0.043	NA
chr4	961347	962155	DGKQ	ENSG00000145214	-788	0.44	0.48	0.48	-0.037	NA
chr4	1806488	1806696	FGFR3	ENSG00000068078	373	0.9	0.93	0.48	-0.034	NA
chr4	40751842	40752493	NSUN7	ENSG00000179299	253	0.21	0.18	0.48	0.03	NA
chr4	153456108	153457843	FBXW7	ENSG00000109670	-803	0.23	0.26	0.48	-0.03	NA
chr4	154265607	154266394	MND1	ENSG00000121211	199	0.18	0.15	0.48	0.032	NA
chr4	330162	332068	RP11-478C6.1	ENSG00000251535	-540	0.2	0.23	0.49	-0.029	NA
chr4	3464799	3465440	DOK7	ENSG00000175920	86	0.33	0.4	0.49	-0.074	NA
chr4	123843362	123843795	NUDT6	ENSG00000170917	19	0.21	0.25	0.49	-0.04	NA
chr4	140222426	140223335	NDUFC1	ENSG00000109390	-306	0.23	0.21	0.49	0.02	NA
chr4	84376666	84377237	HELQ	ENSG00000163312	6	0.23	0.32	0.5	-0.088	NA
chr4	85503546	85504893	CDS1	ENSG00000163624	87	0.21	0.18	0.5	0.025	NA
chr4	106394551	106395322	PPA2	ENSG00000138777	-70	0.25	0.21	0.5	0.046	NA
chr4	1713267	1714980	SLBP	ENSG00000163950	-378	0.2	0.18	0.51	0.019	NA
chr4	1807801	1808059	FGFR3	ENSG00000068078	-913	0.93	1	0.51	-0.068	NA
chr4	71704664	71705736	GRSF1	ENSG00000132463	-482	0.23	0.21	0.52	0.026	NA
chr4	119199620	119200193	SNHG8	ENSG00000246493	-8	0.22	0.26	0.52	-0.035	NA
chr4	134069162	134070442	RP11-9G1.3	ENSG00000250241	466	0.35	0.4	0.52	-0.052	NA
chr4	152020470	152021110	RPS3A	ENSG00000145425	65	0.12	0.25	0.52	-0.12	NA
chr4	186064047	186064614	SLC25A4	ENSG00000151729	-65	0.19	0.21	0.52	-0.024	NA
chr4	4228099	4229839	OTOP1	ENSG00000163982	-353	0.24	0.27	0.53	-0.022	NA
chr4	142141971	142142359	ZNF330	ENSG00000109445	124	0.32	0.22	0.53	0.094	NA
chr4	146402870	146403983	SMAD1	ENSG00000170365	482	0.22	0.2	0.53	0.022	NA
chr4	189027609	189028033	RP11-713C19.1	ENSG00000241011	109	0.98	0.96	0.53	0.014	NA
chr4	83931642	83932194	LIN54	ENSG00000189308	-56	0.23	0.26	0.54	-0.028	NA
chr4	128651419	128651977	SLC25A31	ENSG00000151475	165	0.98	0.97	0.54	0.0098	NA

chr4	108745829	108746535	SGMS2	ENSG00000164023	144	0.17	0.19	0.55	-0.022	NA
chr4	140097251	140099836	ELF2	ENSG00000109381	-190	0.21	0.22	0.55	-0.016	NA
chr4	156588297	156589292	GUCY1A3	ENSG00000164116	444	0.15	0.17	0.55	-0.022	NA
chr4	169401350	169401725	DDX60L	ENSG00000181381	-88	0.14	0.19	0.55	-0.045	NA
chr4	775071	775963	RP11-440L14.1	ENSG00000249592	101	0.29	0.25	0.56	0.044	NA
chr4	144258862	144259087	AC097658.1	ENSG00000178972	-4	0.3	0.36	0.56	-0.059	NA
chr4	166033368	166034212	TMEM192	ENSG00000170088	216	0.17	0.15	0.57	0.017	NA
chr4	5709985	5710495	EVC2	ENSG00000173040	54	0.16	0.19	0.58	-0.032	NA
chr4	132898749	132899190	RP11-745L13.2	ENSG00000251555	-1862	0.98	0.95	0.58	0.027	NA
chr4	139936443	139937428	CCRN4L	ENSG00000151014	-8	0.14	0.16	0.58	-0.016	NA
chr4	174291879	174293273	SAP30	ENSG00000164105	482	0.18	0.17	0.58	0.016	NA
chr4	176986921	176987360	WDR17	ENSG00000150627	155	0.23	0.16	0.58	0.071	NA
chr4	7194537	7195467	SORCS2	ENSG00000184985	737	0.26	0.29	0.59	-0.027	NA
chr4	48485362	48486473	SLC10A4	ENSG00000145248	557	0.18	0.16	0.59	0.021	NA
chr4	73934944	73935650	COX18	ENSG00000163626	112	0.24	0.27	0.59	-0.026	NA
chr4	87515183	87515735	MAPK10	ENSG00000109339	-196	0.17	0.19	0.59	-0.023	NA
chr4	5053230	5054092	STK32B	ENSG00000152953	338	0.17	0.15	0.6	0.023	NA
chr4	124426780	124427157	RP11-381N20.1	ENSG00000251526	534	0.27	0.25	0.6	0.022	NA
chr4	1322394	1322875	MAEA	ENSG00000090316	-211	0.95	0.93	0.61	0.022	NA
chr4	75858300	75859931	PARM1	ENSG00000169116	810	0.21	0.22	0.61	-0.019	NA
chr4	85886808	85887777	WDFY3	ENSG00000163625	211	0.25	0.23	0.61	0.021	NA
chr4	185395838	185396181	IRF2	ENSG00000168310	-275	0.26	0.32	0.61	-0.064	NA
chr4	1241412	1244111	CTBP1	ENSG00000159692	-233	0.2	0.19	0.62	0.012	NA
chr4	9382728	9383135	AC108519.1	ENSG00000226350	190	0.59	0.65	0.62	-0.059	NA
chr4	25032028	25032311	LGI2	ENSG00000153012	118	0.15	0.18	0.62	-0.033	NA
chr4	66535193	66535620	EPHA5	ENSG00000145242	247	0.25	0.29	0.62	-0.038	NA
chr4	90031904	90033005	FAM13A	ENSG00000138640	95	0.19	0.18	0.62	0.017	NA
chr4	170191357	170192844	SH3RF1	ENSG00000154447	-100	0.23	0.25	0.62	-0.014	NA
chr4	106067473	106067968	TET2	ENSG00000168769	-223	0.2	0.17	0.63	0.03	NA
chr4	9495305	9495506	RP11-1396O13.20	ENSG00000251624	25	0.83	0.73	0.64	0.1	NA

chr4	82392610	82393426	RASGEF1B	ENSG00000138670	26	0.17	0.19	0.64	-0.019	NA
chr4	110736868	110737128	GAR1	ENSG00000109534	14	0.44	0.25	0.64	0.19	NA
chr4	39367648	39368213	RFC1	ENSG00000035928	25	0.37	0.4	0.65	-0.037	NA
chr4	170948486	170948908	MFAP3L	ENSG00000198948	-336	0.31	0.29	0.65	0.026	NA
chr4	99849305	99850552	EIF4E	ENSG00000151247	315	0.16	0.14	0.66	0.018	NA
chr4	147443091	147444062	SLC10A7	ENSG00000120519	-460	0.3	0.27	0.66	0.026	NA
chr4	13548570	13549956	AC006445.8	ENSG000000246095	-675	0.23	0.22	0.67	0.013	NA
chr4	144256931	144258527	GAB1	ENSG00000109458	-186	0.22	0.23	0.67	-0.014	NA
chr4	121843148	121844193	PRDM5	ENSG00000138738	166	0.29	0.27	0.68	0.02	NA
chr4	183838036	183839286	DCTD	ENSG00000129187	-612	0.2	0.18	0.68	0.017	NA
chr4	786118	786341	CPLX1	ENSG00000168993	251	0.31	0.42	0.69	-0.11	NA
chr4	2243251	2244007	POLN	ENSG00000130997	219	0.18	0.11	0.69	0.066	NA
chr4	3485963	3486381	DOK7	ENSG00000175920	-99	0.3	0.28	0.69	0.025	NA
chr4	74964656	74965279	CXCL2	ENSG00000081041	-55	0.22	0.2	0.69	0.019	NA
chr4	91048411	91049682	FAM190A	ENSG00000184305	360	0.21	0.19	0.69	0.019	NA
chr4	158141404	158141836	GRIA2	ENSG00000120251	-200	0.16	0.19	0.69	-0.022	NA
chr4	48832807	48833569	OCIAD1	ENSG00000109180	173	0.29	0.24	0.7	0.044	NA
chr4	73433783	73434289	ADAMTS3	ENSG00000156140	-274	0.15	0.13	0.7	0.019	NA
chr4	172733734	172735118	GALNTL6	ENSG00000174473	-228	0.21	0.22	0.7	-0.015	NA
chr4	83811958	83812708	SEC31A	ENSG00000138674	-162	0.19	0.18	0.71	0.013	NA
chr4	122791200	122791835	BBS7	ENSG00000138686	88	0.23	0.19	0.71	0.04	NA
chr4	144480541	144480947	AC139713.1	ENSG000000236296	119	0.33	0.3	0.71	0.031	NA
chr4	152329824	152330873	RP11-610P16.1	ENSG000000251611	-361	0.21	0.19	0.71	0.014	NA
chr4	7056020	7056581	TADA2B	ENSG00000173011	1220	0.95	0.96	0.72	-0.011	NA
chr4	2819499	2820429	SH3BP2	ENSG00000087266	52	0.19	0.18	0.73	0.015	NA
chr4	166248454	166249063	SC4MOL	ENSG00000052802	-17	0.21	0.19	0.73	0.017	NA
chr4	40752691	40752896	NSUN7	ENSG00000179299	812	0.39	0.32	0.74	0.071	NA
chr4	41883492	41884570	RP11-457P14.4	ENSG000000245870	-171	0.18	0.17	0.74	0.0097	NA
chr4	146100754	146102055	OTUD4	ENSG00000164164	-641	0.18	0.17	0.74	0.0086	NA
chr4	187810427	187810735	RP11-11N5.1	ENSG000000250829	-1850	0.95	0.96	0.75	-0.017	NA

chr4	100870377	100871994	RP11-15B17.1	ENSG00000245322	22	0.21	0.22	0.76	-0.013	NA
chr4	124332	124841	ZNF718	ENSG00000250312	200	0.24	0.26	0.77	-0.022	NA
chr4	78978365	78979256	FRAS1	ENSG00000138759	86	0.22	0.24	0.77	-0.014	NA
chr4	78980042	78980410	FRAS1	ENSG00000138759	1092	0.32	0.38	0.77	-0.064	NA
chr4	95372801	95373535	PDLIM5	ENSG00000163110	131	0.18	0.2	0.77	-0.014	NA
chr4	109093038	109094546	RP11-558N14.1	ENSG00000232021	516	0.21	0.2	0.77	0.012	NA
chr4	123747740	123748980	FGF2	ENSG00000138685	497	0.17	0.16	0.77	0.0082	NA
chr4	169552716	169552947	PALLD	ENSG00000129116	65	0.24	0.3	0.77	-0.06	NA
chr4	682724	683079	MFSD7	ENSG00000169026	-132	0.28	0.26	0.78	0.014	NA
chr4	47838604	47839946	CORIN	ENSG00000145244	249	0.21	0.2	0.79	0.0093	NA
chr4	72052243	72053469	SLC4A4	ENSG00000080493	-147	0.22	0.23	0.79	-0.015	NA
chr4	146653994	146654615	C4orf51	ENSG00000237136	698	0.19	0.18	0.79	0.014	NA
chr4	190861591	190862475	FRG1	ENSG00000109536	90	0.26	0.25	0.79	0.013	NA
chr4	6576735	6577173	MAN2B2	ENSG00000013288	52	0.19	0.17	0.8	0.017	NA
chr4	9153957	9155504	RP11-1286E23.2	ENSG00000163612	-292	0.29	0.27	0.8	0.02	NA
chr4	122301567	122302290	QRFPR	ENSG00000186867	-126	0.23	0.21	0.8	0.013	NA
chr4	154074383	154075045	TRIM2	ENSG00000109654	444	0.24	0.23	0.8	0.015	NA
chr4	165878036	165878446	C4orf39	ENSG00000250486	141	0.24	0.19	0.8	0.049	NA
chr4	2928053	2928271	ADD1	ENSG00000087274	126	0.95	0.98	0.81	-0.028	NA
chr4	44728033	44728719	GNPDA2	ENSG00000163281	164	0.24	0.22	0.81	0.018	NA
chr4	48343089	48344329	SLAIN2	ENSG00000109171	370	0.22	0.23	0.81	-0.0072	NA
chr4	74847528	74847830	PF4	ENSG00000163737	162	0.5	0.56	0.81	-0.056	NA
chr4	84405696	84406521	FAM175A	ENSG00000163322	110	0.19	0.17	0.81	0.028	NA
chr4	156297601	156298094	MAP9	ENSG00000164114	83	0.18	0.17	0.81	0.01	NA
chr4	186124665	186125441	KIAA1430	ENSG00000164323	102	0.25	0.24	0.82	0.016	NA
chr4	113558032	113558681	C4orf21	ENSG00000138658	-302	0.21	0.19	0.83	0.017	NA
chr4	7940563	7941853	AC097381.1	ENSG00000228919	480	0.2	0.19	0.84	0.0078	NA
chr4	47465510	47465819	COMMD8	ENSG00000169019	18	0.22	0.19	0.84	0.029	NA
chr4	89513028	89514481	HERC3	ENSG00000138641	180	0.2	0.19	0.84	0.0066	NA
chr4	887190	888164	GAK	ENSG00000178950	938	0.95	0.96	0.85	-0.011	NA

chr4	7802191	7802440	AFAP1	ENSG00000196526	-1428	0.85	1	0.85	-0.15	NA
chr4	48272026	48272298	TEC	ENSG00000135605	-281	0.25	0.29	0.85	-0.044	NA
chr4	123073394	123073776	KIAA1109	ENSG00000138688	97	0.2	0.19	0.86	0.011	NA
chr4	110650701	110651385	PLA2G12A	ENSG00000123739	69	0.19	0.18	0.87	0.011	NA
chr4	111117462	111118390	ELOVL6	ENSG00000170522	1596	0.27	0.26	0.87	0.015	NA
chr4	147866829	147867159	TTC29	ENSG00000137473	-14	0.21	0.23	0.87	-0.017	NA
chr4	53198	53672	ZNF595	ENSG00000197701	237	0.53	0.54	0.88	-0.0035	NA
chr4	843317	843936	GAK	ENSG00000178950	1835	0.96	0.97	0.88	-0.013	NA
chr4	1209765	1210193	CTBP1	ENSG00000159692	216	0.85	1	0.88	-0.15	NA
chr4	16227525	16229145	TAPT1	ENSG00000169762	-682	0.2	0.21	0.88	-0.0078	NA
chr4	41749184	41749811	PHOX2B	ENSG00000109132	227	0.34	0.36	0.88	-0.019	NA
chr4	140374442	140375692	RAB33B	ENSG00000172007	106	0.2	0.17	0.88	0.022	NA
chr4	24585435	24586175	DHX15	ENSG00000109606	100	0.18	0.2	0.89	-0.016	NA
chr4	71553854	71554473	UTP3	ENSG00000132467	-33	0.23	0.22	0.89	0.008	NA
chr4	89444407	89445055	HERC3	ENSG00000138641	-230	0.24	0.25	0.89	-0.011	NA
chr4	4387593	4389919	AC110814.1	ENSG00000168824	773	0.24	0.24	0.9	-0.0056	NA
chr4	66536065	66536674	EPHA5	ENSG00000145242	-156	0.16	0.17	0.9	-0.0081	NA
chr4	39699359	39700214	UBE2K	ENSG00000078140	122	0.27	0.26	0.91	0.011	NA
chr4	128886004	128886971	MFSD8	ENSG00000164073	-190	0.26	0.25	0.91	0.0075	NA
chr4	148538449	148538718	TMEM184C	ENSG00000164168	49	0.29	0.35	0.91	-0.066	NA
chr4	164087461	164088146	NAF1	ENSG00000145414	101	0.22	0.21	0.91	0.0075	NA
chr4	2262960	2264669	MXD4	ENSG00000123933	-288	0.2	0.2	0.92	0.0039	NA
chr4	13629245	13629655	BOD1L	ENSG00000038219	-125	0.21	0.22	0.92	-0.0067	NA
chr4	113206832	113207278	TIFA	ENSG00000145365	-12	0.17	0.18	0.92	-0.0098	NA
chr4	118954410	118955207	NDST3	ENSG00000164100	35	0.21	0.21	0.92	0.0065	NA
chr4	119606477	119606810	METTL14	ENSG00000145388	120	0.27	0.31	0.92	-0.034	NA
chr4	48018490	48019381	CNGA1	ENSG00000198515	-326	0.23	0.24	0.93	-0.009	NA
chr4	155471133	155471682	PLRG1	ENSG00000171566	128	0.24	0.26	0.93	-0.012	NA
chr4	44680343	44680741	GUF1	ENSG00000151806	98	0.21	0.2	0.94	0.0059	NA
chr4	95128657	95129289	RP11-363G15.2	ENSG00000246541	-266	0.18	0.17	0.94	0.0091	NA

chr4	129730646	129731026	PHF17	ENSG00000077684	57	0.56	0.5	0.94	0.06	NA
chr4	6988305	6989373	TBC1D14	ENSG00000132405	-50	0.26	0.25	0.95	0.0073	NA
chr4	48987790	48988808	CWH43	ENSG00000109182	35	0.2	0.2	0.95	-0.0056	NA
chr4	54966163	54968063	GSX2	ENSG00000180613	915	0.27	0.28	0.95	-0.0061	NA
chr4	174254683	174256538	HMGB2	ENSG00000164104	-787	0.21	0.22	0.95	-0.0068	NA
chr4	16084195	16085735	PROM1	ENSG00000007062	-734	0.24	0.23	0.96	0.0059	NA
chr4	41882450	41882964	RP11-457P14.4	ENSG00000245870	1153	0.21	0.2	0.96	0.011	NA
chr4	103789994	103790510	UBE2D3	ENSG00000109332	-234	0.21	0.23	0.96	-0.022	NA
chr4	2009714	2011428	WHSC2	ENSG00000185049	-9	0.22	0.22	0.97	0.0032	NA
chr4	7069098	7070402	GRPEL1	ENSG00000109519	-476	0.19	0.19	0.97	0.007	NA
chr4	25235458	25236246	PI4K2B	ENSG00000038210	255	0.17	0.17	0.97	-0.0037	NA
chr4	37891656	37893314	TBC1D1	ENSG00000065882	-223	0.23	0.25	0.97	-0.013	NA
chr4	148652848	148653918	ARHGAP10	ENSG00000071205	169	0.2	0.19	0.97	0.0037	NA
chr4	6717899	6718549	CNO	ENSG00000186222	382	0.16	0.15	0.98	0.0067	NA
chr4	39640156	39640923	C4orf34	ENSG00000163683	-74	0.14	0.15	0.98	-0.0031	NA
chr4	57333461	57334195	SRP72	ENSG00000174780	66	0.28	0.29	0.98	-0.0063	NA
chr4	122744557	122745267	CCNA2	ENSG00000145386	175	0.17	0.18	0.98	-0.0053	NA
chr4	8594412	8594777	CPZ	ENSG00000109625	159	0.28	0.27	0.99	0.012	NA
chr4	10020481	10021026	SLC2A9	ENSG00000109667	-54	0.23	0.21	0.99	0.012	NA
chr4	52917388	52918280	SPATA18	ENSG00000163071	337	0.24	0.22	0.99	0.022	NA
chr4	529848	530049	PIGG	ENSG00000174227	-546	0.95	1	1	-0.053	NA
chr4	530297	530600	PIGG	ENSG00000174227	-46	0.96	1	1	-0.04	NA
chr4	650278	651114	RP11-1191J2.2	ENSG00000242686	-1262	0.76	0.76	1	-0.0008	NA
chr4	698302	698692	PCGF3	ENSG00000185619	-1040	0.96	0.98	1	-0.015	NA
chr4	699541	699951	PCGF3	ENSG00000185619	192	0.25	0.27	1	-0.018	NA
chr4	716281	716977	RP11-1191J2.4	ENSG00000248416	1194	1	0.99	1	0.00075	NA
chr4	818646	820970	CPLX1	ENSG00000168993	72	0.28	0.28	1	0.0027	NA
chr4	1005930	1006282	FGFRL1	ENSG00000127418	172	0.22	0.23	1	-0.006	NA
chr4	1007037	1007288	FGFRL1	ENSG00000127418	923	0.99	1	1	-0.014	NA
chr4	1022286	1022667	RP11-460I19.2	ENSG00000250259	1010	0.91	0.91	1	0.0049	NA

chr4	1222291	1222497	CTBP1	ENSG00000159692	-322	0.9	0.87	1	0.031	NA
chr4	1283250	1284331	MAEA	ENSG00000090316	151	0.23	0.23	1	-0.0054	NA
chr4	1645886	1646324	FAM53A	ENSG00000174137	575	1	1	1	0	NA
chr4	2757653	2758010	TNIP2	ENSG00000168884	-80	0.14	0.14	1	0.0031	NA
chr4	3075483	3075773	RP11-520M5.6	ENSG00000251075	613	0.23	0.24	1	-0.0084	NA
chr4	3310005	3310235	RGS12	ENSG00000159788	-642	0.25	0.3	1	-0.055	NA
chr4	3414681	3415353	RGS12	ENSG00000159788	304	0.99	1	1	-0.0085	NA
chr4	5713035	5713451	EVC	ENSG00000072840	301	0.14	0.16	1	-0.02	NA
chr4	15656364	15657739	FBXL5	ENSG00000118564	-133	0.2	0.2	1	-0.0065	NA
chr4	16257947	16258227	AC006427.1	ENSG00000242358	91	0.99	1	1	-0.012	NA
chr4	16362416	16362766	ZEB2P1	ENSG00000249506	861	0.98	0.97	1	0.013	NA
chr4	21950085	21950346	KCNIP4	ENSG00000185774	39	0.13	0.1	1	0.027	NA
chr4	25506581	25508076	RP11-206P5.2	ENSG00000248608	710	0.98	0.98	1	8.00E-04	NA
chr4	26320769	26321008	RBPJ	ENSG00000168214	-396	0.18	0.17	1	0.0062	NA
chr4	26361172	26361411	RBPJ	ENSG00000168214	-22	0.94	0.92	1	0.013	NA
chr4	39183823	39184225	WDR19	ENSG00000157796	0	0.21	0.17	1	0.04	NA
chr4	39460087	39460811	RPL9	ENSG00000163682	59	0.18	0.17	1	0.008	NA
chr4	39528728	39529723	UGDH	ENSG00000109814	-168	0.17	0.17	1	0.0046	NA
chr4	40045511	40045733	RP11-333E13.4	ENSG00000205794	79	0.99	0.98	1	0.007	NA
chr4	41983922	41984183	DCAF4L1	ENSG00000182308	339	1	1	1	0	NA
chr4	47708443	47708712	RP11-100N21.1	ENSG00000242262	188	0.96	1	1	-0.037	NA
chr4	52710535	52711124	DCUN1D4	ENSG00000109184	-221	0.25	0.25	1	-0.0021	NA
chr4	56814800	56815511	CEP135	ENSG00000174799	118	0.14	0.13	1	0.0024	NA
chr4	57371582	57372022	ARL9	ENSG00000196503	427	0.25	0.25	1	0	NA
chr4	64214847	64215584	RP11-553E5.1	ENSG00000231442	-617	0.96	0.96	1	0.0023	NA
chr4	75310686	75311140	AREG	ENSG00000109321	62	0.21	0.19	1	0.018	NA
chr4	75719101	75719740	BTC	ENSG00000174808	476	0.33	0.36	1	-0.024	NA
chr4	77723092	77723424	RP11-359D14.3	ENSG00000224218	-141	0.64	0.64	1	-0.0032	NA
chr4	78077995	78079591	CCNG2	ENSG00000138764	489	0.23	0.23	1	2.60E-05	NA
chr4	79102900	79103261	RP11-721G13.1	ENSG00000249565	120	1	1	1	0	NA

chr4	81104761	81105527	PRDM8	ENSG00000152784	111	0.31	0.3	1	0.0085	NA
chr4	81119095	81119391	PRDM8	ENSG00000152784	585	0.12	0.12	1	0.0087	NA
chr4	83821688	83822065	SEC31A	ENSG00000138674	-185	0.26	0.25	1	0.0064	NA
chr4	84457115	84457860	AGPAT9	ENSG00000138678	359	0.2	0.21	1	-0.013	NA
chr4	89204952	89206069	PPM1K	ENSG00000163644	-468	0.26	0.25	1	0.0033	NA
chr4	90228714	90229010	GPRIN3	ENSG00000185477	299	0.25	0.25	1	-0.0036	NA
chr4	93103617	93103953	RP11-562F9.1	ENSG00000248817	1418	0.97	0.96	1	0.00051	NA
chr4	99064602	99064805	C4orf37	ENSG00000163116	-312	0.24	0.23	1	0.0034	NA
chr4	102267096	102267320	PPP3CA	ENSG00000138814	745	0.3	0.27	1	0.029	NA
chr4	103940668	103940951	NHEDC1	ENSG00000164037	-2	0.23	0.22	1	0.0045	NA
chr4	104119319	104119663	CENPE	ENSG00000138778	15	0.17	0.18	1	-0.012	NA
chr4	109092578	109092839	RP11-558N14.1	ENSG00000232021	-219	0.22	0.22	1	0.0067	NA
chr4	119273305	119274458	PRSS12	ENSG00000164099	277	0.19	0.19	1	0.0048	NA
chr4	120375746	120376363	RP11-33B1.1	ENSG00000245958	108	0.2	0.2	1	0.0012	NA
chr4	120987617	120988156	MAD2L1	ENSG00000164109	90	0.15	0.15	1	-0.0012	NA
chr4	122722335	122722758	EXOSC9	ENSG00000123737	74	0.24	0.23	1	0.0051	NA
chr4	123300407	123300805	ADAD1	ENSG00000164113	11	0.97	0.97	1	-0.0009	NA
chr4	123653585	123654000	BBS12	ENSG00000181004	-65	0.21	0.2	1	0.002	NA
chr4	135865380	135865585	RP11-192C21.3	ENSG00000251228	52	1	1	1	0	NA
chr4	141348042	141348957	CLGN	ENSG00000153132	45	0.19	0.18	1	0.0048	NA
chr4	141489962	141490378	UCP1	ENSG00000109424	-211	0.25	0.25	1	0.0047	NA
chr4	141676920	141678170	TBC1D9	ENSG00000109436	-271	0.18	0.18	1	-0.0003	NA
chr4	142053327	142054601	RNF150	ENSG00000170153	32	0.18	0.18	1	0.0018	NA
chr4	147558231	147558583	POU4F2	ENSG00000151615	-1638	0.22	0.21	1	0.009	NA
chr4	155547984	155548322	LRAT	ENSG00000121207	56	0.16	0.16	1	-0.0074	NA
chr4	156680095	156681386	GUCY1B3	ENSG00000061918	596	0.18	0.18	1	-0.0001	NA
chr4	164252954	164253471	NPY1R	ENSG00000164128	536	0.17	0.17	1	0.0044	NA
chr4	165109389	165109842	RP11-39C10.1	ENSG00000250746	152	0.98	0.99	1	-0.0054	NA
chr4	169930790	169931607	CBR4	ENSG00000145439	33	0.18	0.18	1	#####	NA
chr4	175204565	175205395	FBXO8	ENSG00000164117	-183	0.2	0.19	1	0.01	NA

chr4	176923075	176923630	GPM6A	ENSG00000150625	131	0.38	0.33	1	0.052	NA
chr4	184404501	184404771	RP11-367N14.1	ENSG00000213434	-7	1	1	1	0	NA
chr4	186455983	186456864	PDLIM3	ENSG00000154553	197	0.18	0.19	1	-0.0015	NA
chr4	187422034	187422244	RP11-215A19.1	ENSG00000251165	12	0.97	1	1	-0.027	NA
chr4	190962111	190962689	AGGF1P1	ENSG00000214273	-97	0.79	0.79	1	-0.0002	NA
chr4	876455	876740	GAK	ENSG00000178950	1581	1	NA	NA	NA	NA
chr4	899774	899985	GAK	ENSG00000178950	-1310	0.33	NA	NA	NA	NA
chr4	940613	941057	TMEM175	ENSG00000127419	-1364	0.86	NA	NA	NA	NA
chr4	960505	960836	DGKQ	ENSG00000145214	293	0.96	NA	NA	NA	NA
chr4	4119800	4120035	RP11-489M13.2	ENSG00000248669	94	0.67	NA	NA	NA	NA
chr4	8376706	8376983	ACOX3	ENSG00000087008	-950	0.89	NA	NA	NA	NA
chr4	11429414	11429633	HS3ST1	ENSG00000002587	698	0.67	NA	NA	NA	NA
chr4	13530847	13531244	AC006445.1	ENSG00000249512	1996	0.28	NA	NA	NA	NA
chr4	13537646	13537973	AC006445.1	ENSG00000249512	-1850	0.5	NA	NA	NA	NA
chr4	25314217	25314558	ZCCHC4	ENSG00000168228	-20	0.24	NA	NA	NA	NA
chr4	39481980	39482195	RP11-472B18.1	ENSG00000224097	102	0.5	NA	NA	NA	NA
chr4	39771679	39771944	ZBTB12B	ENSG00000180610	1180	1	NA	NA	NA	NA
chr4	41752280	41752502	RP11-227F19.2	ENSG00000249122	29	0.13	NA	NA	NA	NA
chr4	57396748	57397269	RP11-630A13.2	ENSG00000249693	233	0.14	NA	NA	NA	NA
chr4	69048062	69048437	FTLP10	ENSG00000250426	218	1	NA	NA	NA	NA
chr4	74719087	74719339	PF4V1	ENSG00000109272	307	0.38	NA	NA	NA	NA
chr4	74864113	74864329	CXCL5	ENSG00000163735	275	1	NA	NA	NA	NA
chr4	88343677	88344159	NUDT9	ENSG00000170502	184	0.33	NA	NA	NA	NA
chr4	104640559	104640797	TACR3	ENSG00000169836	295	0.56	NA	NA	NA	NA
chr4	123844153	123844438	SPATA5	ENSG00000145375	66	0.33	NA	NA	NA	NA
chr4	139481734	139481996	RP11-173E2.1	ENSG00000248795	7	1	NA	NA	NA	NA
chr4	140201064	140201449	C4orf49	ENSG00000137463	236	0.23	NA	NA	NA	NA
chr4	164394674	164395062	TKTL2	ENSG00000151005	179	0.92	NA	NA	NA	NA
chr4	177116543	177116893	SPATA4	ENSG00000150628	-26	1	NA	NA	NA	NA
chr5	113696516	113699195	KCNN2	ENSG00000080709	1189	0.27	0.16	1.10E-09	0.11	NA

chr5	140589744	140590657	PCDHB12	ENSG00000120328	580	0.81	0.47	1.20E-09	0.34	NA
chr5	63256548	63257886	HTR1A	ENSG00000178394	563	0.32	0.13	1.80E-09	0.19	NA
chr5	140787447	140788044	PCDHGB6	ENSG00000253305	-25	0.58	0.29	1.80E-09	0.29	NA
chr5	191792	192544	LRRC14B	ENSG00000185028	542	0.82	0.62	2.80E-09	0.21	NA
chr5	140249734	140250949	PCDHA11	ENSG00000249158	1652	0.83	0.62	3.60E-09	0.21	NA
chr5	140052059	140053381	DND1	ENSG00000256453	451	0.85	0.66	3.90E-09	0.19	NA
chr5	140789094	140789762	PCDHGB6	ENSG00000253305	1658	0.73	0.4	4.70E-09	0.34	NA
chr5	140683195	140683773	SLC25A2	ENSG00000120329	128	0.75	0.5	1.00E-08	0.24	NA
chr5	140175666	140176813	PCDHA2	ENSG00000204969	1689	0.94	0.77	2.20E-08	0.17	NA
chr5	140800760	140801072	PCDHGA11	ENSG00000253873	154	0.66	0.37	3.60E-08	0.29	NA
chr5	140626444	140627373	PCDHB15	ENSG00000113248	1761	0.89	0.63	3.70E-08	0.26	NA
chr5	1444678	1446648	SLC6A3	ENSG00000142319	-118	0.45	0.28	4.00E-08	0.17	NA
chr5	177398162	177398434	RP11-1252I4.1	ENSG00000249129	-19	0.85	0.57	1.70E-07	0.28	NA
chr5	56110725	56112909	MAP3K1	ENSG00000095015	416	0.3	0.17	1.80E-07	0.14	NA
chr5	172385522	172385912	RPL26L1	ENSG00000037241	-15	0.33	0.13	1.80E-07	0.2	NA
chr5	178053432	178054411	CLK4	ENSG00000113240	81	0.35	0.17	2.60E-07	0.18	NA
chr5	10562816	10565680	ANKRD33B	ENSG00000164236	-194	0.42	0.3	4.70E-07	0.11	NA
chr5	140794358	140795045	PCDHGA10	ENSG00000253846	1958	0.86	0.56	4.70E-07	0.31	NA
chr5	140711797	140712542	PCDHGA1	ENSG00000204956	1917	0.88	0.6	4.90E-07	0.29	NA
chr5	140188014	140188986	PCDHA4	ENSG00000204967	1727	0.95	0.78	5.60E-07	0.17	NA
chr5	145718289	145720095	POU4F3	ENSG00000091010	605	0.49	0.29	6.50E-07	0.21	NA
chr5	132387100	132388369	HSPA4	ENSG00000170606	80	0.32	0.19	7.70E-07	0.13	NA
chr5	140855386	140856620	PCDHGC3	ENSG00000240184	423	0.5	0.31	9.30E-07	0.19	NA
chr5	476317	476933	CTD-2228K2.7	ENSG00000225138	-1613	0.51	0.85	1.20E-06	-0.34	NA
chr5	141705391	141705688	SPRY4	ENSG00000187678	481	0.35	0.09	1.30E-06	0.25	NA
chr5	176432854	176433908	UIMC1	ENSG00000087206	-15	0.31	0.16	1.40E-06	0.15	NA
chr5	1523025	1524588	LPCAT1	ENSG00000153395	49	0.31	0.18	2.10E-06	0.13	NA
chr5	33936168	33938309	RXFP3	ENSG00000182631	747	0.38	0.22	2.30E-06	0.16	NA
chr5	3535630	3536355	RP11-121L11.1	ENSG00000248118	216	0.88	0.98	3.80E-06	-0.1	NA
chr5	140186792	140187268	PCDHA4	ENSG00000204967	257	0.81	0.47	3.90E-06	0.35	NA

chr5	136834016	136835146	SPOCK1	ENSG00000152377	-334	0.31	0.14	4.10E-06	0.17	NA
chr5	43396897	43397364	CCL28	ENSG00000151882	236	0.47	0.09	5.20E-06	0.37	NA
chr5	7394986	7397022	ADCY2	ENSG00000078295	-317	0.44	0.3	6.20E-06	0.14	NA
chr5	140174573	140174888	PCDHA2	ENSG00000204969	180	0.98	0.5	6.20E-06	0.48	NA
chr5	131593039	131593813	PDLIM4	ENSG00000131435	62	0.18	0.38	8.30E-06	-0.2	NA
chr5	179718528	179719767	MAPK9	ENSG00000050748	-180	0.35	0.21	9.00E-06	0.14	NA
chr5	38845502	38846476	CTD-2127H9.1	ENSG00000249740	-119	0.37	0.19	1.20E-05	0.18	NA
chr5	140516311	140517300	PCDHB5	ENSG00000113209	1140	0.79	0.6	1.20E-05	0.18	NA
chr5	140741174	140741738	PCDHGB2	ENSG00000253910	1753	0.83	0.52	1.30E-05	0.31	NA
chr5	179224732	179224985	MIR1229	ENSG00000221394	488	0.97	0.69	1.30E-05	0.28	NA
chr5	1881924	1887743	IRX4	ENSG00000113430	-1975	0.31	0.24	1.50E-05	0.066	NA
chr5	138727710	138730911	AC135457.1	ENSG00000228672	1575	0.21	0.28	1.50E-05	-0.07	NA
chr5	175843118	175843844	CLTB	ENSG00000175416	-219	0.28	0.14	2.00E-05	0.14	NA
chr5	843458	843767	ZDHHC11	ENSG00000188818	196	0.81	0.95	2.40E-05	-0.14	NA
chr5	139125902	139127711	CTB-35F21.2	ENSG00000249131	-998	0.46	0.27	2.80E-05	0.19	NA
chr5	140202573	140203610	PCDHA5	ENSG00000204965	1730	0.94	0.72	3.20E-05	0.22	NA
chr5	177540207	177541234	N4BP3	ENSG00000145911	276	0.19	0.36	3.90E-05	-0.17	NA
chr5	140248789	140249140	PCDHA11	ENSG00000249158	275	0.74	0.46	4.00E-05	0.28	NA
chr5	140615391	140616353	PCDHB18	ENSG00000146001	1588	0.64	0.43	4.00E-05	0.21	NA
chr5	143549939	143550333	YIPF5	ENSG00000145817	5	0.48	0.12	4.60E-05	0.36	NA
chr5	44809047	44809692	MRPS30	ENSG00000112996	342	0.25	0.86	5.00E-05	-0.61	NA
chr5	70882936	70883413	MCCC2	ENSG00000131844	59	0.37	0.13	5.60E-05	0.25	NA
chr5	140604453	140605304	PCDHB14	ENSG00000120327	1800	0.69	0.46	6.20E-05	0.23	NA
chr5	153872839	153873228	CTB-158E9.2	ENSG00000253886	-103	0.97	0.8	7.80E-05	0.16	NA
chr5	177592655	177592986	RP11-889L3.4	ENSG00000251211	117	0.68	1	8.80E-05	-0.32	NA
chr5	177035351	177035660	B4GALT7	ENSG00000027847	1139	0.68	0.87	0.00011	-0.19	NA
chr5	131991554	131992304	AC004041.2	ENSG00000223442	-345	0.3	0.14	0.00012	0.16	NA
chr5	481639	482225	SLC9A3	ENSG00000066230	827	0.52	0.78	0.00013	-0.26	NA
chr5	140011482	140012739	CD14	ENSG00000170458	1126	0.21	0.43	0.00013	-0.22	NA
chr5	14664247	14664989	FAM105B	ENSG00000154124	-155	0.22	0.13	0.00014	0.092	NA

chr5	133303986	133304399	C5orf15	ENSG00000113583	106	0.12	0.43	0.00014	-0.31	NA
chr5	172197482	172199606	DUSP1	ENSG00000120129	-346	0.2	0.3	0.00014	-0.095	NA
chr5	145826576	145827430	TCERG1	ENSG00000113649	129	0.21	0.45	0.00015	-0.24	NA
chr5	122426125	122426836	AC106786.1	ENSG00000223652	-486	0.44	0.23	0.00017	0.21	NA
chr5	176923804	176925339	PDLIM7	ENSG00000196923	-739	0.38	0.23	0.00025	0.15	NA
chr5	180287903	180288862	ZFP62	ENSG00000196670	-106	0.29	0.15	0.00028	0.14	NA
chr5	179059337	179059700	HNRNPH1	ENSG00000169045	1923	0.99	0.9	0.00031	0.091	NA
chr5	121297504	121297895	SRFBP1	ENSG00000151304	43	0.25	0.06	0.00033	0.19	NA
chr5	52775533	52776645	FST	ENSG00000134363	-150	0.23	0.36	0.00042	-0.13	NA
chr5	150138371	150138714	DCTN4	ENSG00000132912	40	0.28	0.13	0.00044	0.16	NA
chr5	179636009	179636444	RASGEF1C	ENSG00000146090	-73	0.39	0.13	0.00047	0.26	NA
chr5	1856773	1858444	CTD-2194D22.2	ENSG00000250417	-926	0.93	0.86	0.00051	0.07	NA
chr5	140531157	140532017	PCDHB6	ENSG00000113211	1103	0.66	0.42	0.00054	0.24	NA
chr5	52405269	52405767	MOCS2	ENSG00000164172	51	0.48	0.24	0.00055	0.24	NA
chr5	140580723	140581625	PCDHB11	ENSG00000197479	896	0.74	0.51	0.00058	0.23	NA
chr5	180100700	180101209	RP11-451H23.2	ENSG00000251352	-1356	0.26	0.5	0.00059	-0.24	NA
chr5	180622178	180622658	CTC-338M12.6	ENSG00000250900	-78	0.94	0.68	7.00E-04	0.27	NA
chr5	114961329	114961969	TMED7-TICAM2	ENSG00000251201	62	0.16	0.3	0.00072	-0.14	NA
chr5	50678632	50679375	ISL1	ENSG00000016082	45	0.27	0.14	0.00074	0.13	NA
chr5	177631219	177632508	HNRNPAB	ENSG00000197451	355	0.29	0.18	0.00087	0.11	NA
chr5	178016558	178017670	COL23A1	ENSG00000050767	442	0.29	0.18	9.00E-04	0.11	NA
chr5	180075688	180076906	FLT4	ENSG00000037280	248	0.2	0.14	0.00093	0.068	NA
chr5	131131929	131133303	FNIP1	ENSG00000217128	-2	0.17	0.27	0.00094	-0.099	NA
chr5	140228129	140228576	PCDHA9	ENSG00000204961	995	0.83	0.56	0.00097	0.27	NA
chr5	92914770	92917337	RP11-65F13.2	ENSG00000237187	660	0.25	0.17	0.001	0.084	NA
chr5	95170617	95170855	AC008592.3	ENSG00000251000	14	0.54	0.3	0.0011	0.23	NA
chr5	131563094	131563954	P4HA2	ENSG00000072682	-37	0.27	0.16	0.0012	0.12	NA
chr5	140731239	140731979	PCDHGB1	ENSG00000254221	1781	0.83	0.64	0.0012	0.19	NA
chr5	1008715	1010039	NKD2	ENSG00000145506	433	0.31	0.2	0.0014	0.11	NA
chr5	42423530	42423740	GHR	ENSG00000112964	-244	0.59	0.21	0.0015	0.38	NA

chr5	140864527	140864748	PCDHGC4	ENSG00000242419	-104	0.76	0.14	0.0015	0.62	NA
chr5	140481546	140482460	PCDHB3	ENSG00000113205	1769	0.84	0.5	0.0016	0.34	NA
chr5	68389677	68390334	SLC30A5	ENSG00000145740	187	0.34	0.15	0.0017	0.19	NA
chr5	11903550	11904703	CTNND2	ENSG00000169862	-35	0.17	0.1	0.0018	0.067	NA
chr5	176830275	176831639	F12	ENSG00000131187	-430	0.23	0.17	0.0019	0.066	NA
chr5	421224	421751	AHRR	ENSG00000063438	452	0.84	0.95	0.0023	-0.12	NA
chr5	102201583	102201912	PAM	ENSG00000145730	33	0.19	0.41	0.0023	-0.23	NA
chr5	89705736	89705942	AC093510.1	ENSG00000255647	22	0.38	0.13	0.0024	0.24	NA
chr5	134209887	134210504	TXNDC15	ENSG00000113621	134	0.25	0.14	0.0024	0.11	NA
chr5	6582882	6583807	CTD-2195M18.1	ENSG00000250056	-45	0.4	0.28	0.0026	0.12	NA
chr5	140762401	140762768	PCDHGA7	ENSG00000253537	117	0.77	0.5	0.0026	0.27	NA
chr5	692681	694377	TPPP	ENSG00000171368	-19	0.13	0.23	0.0028	-0.092	NA
chr5	115151348	115152713	CDO1	ENSG00000129596	324	0.26	0.16	0.0029	0.1	NA
chr5	343449	344535	AHRR	ENSG00000063438	349	0.46	0.6	0.003	-0.13	NA
chr5	175665136	175666027	C5orf25	ENSG00000170085	216	0.29	0.16	0.003	0.14	NA
chr5	99870925	99871720	CTD-2001C12.1	ENSG00000247877	-356	0.28	0.48	0.0031	-0.2	NA
chr5	141258422	141258816	PCDH1	ENSG00000156453	192	0.33	0.16	0.0033	0.17	NA
chr5	156692812	156693749	CYFIP2	ENSG00000055163	191	0.25	0.36	0.004	-0.11	NA
chr5	175963498	175965116	RNF44	ENSG00000146083	-10	0.31	0.2	0.0042	0.11	NA
chr5	114598301	114598657	PGGT1B	ENSG00000164219	69	0.39	0.2	0.0044	0.19	NA
chr5	130500226	130501095	HINT1	ENSG00000169567	253	0.31	0.18	0.0047	0.12	NA
chr5	76114562	76115044	F2RL1	ENSG00000164251	45	0.35	0.59	0.0048	-0.24	NA
chr5	126409006	126409327	C5orf63	ENSG00000164241	-85	0.64	0.34	0.0049	0.29	NA
chr5	67510872	67512386	PIK3R1	ENSG00000145675	81	0.23	0.16	0.005	0.072	NA
chr5	140998077	140998875	DIAPH1	ENSG00000131504	5	0.17	0.29	0.0052	-0.12	NA
chr5	151150014	151152086	G3BP1	ENSG00000145907	444	0.27	0.17	0.0052	0.1	NA
chr5	174870753	174872345	DRD1	ENSG00000184845	-386	0.29	0.2	0.0053	0.086	NA
chr5	140797162	140797701	PCDHGB7	ENSG00000254122	4	0.43	0.21	0.0056	0.22	NA
chr5	169064270	169064702	DOCK2	ENSG00000134516	196	0.24	0.06	0.0056	0.18	NA
chr5	139554389	139555457	C5orf32	ENSG00000120306	182	0.23	0.15	0.0057	0.079	NA

chr5	114937613	114938149	AC010226.4	ENSG00000249249	127	0.26	0.14	0.006	0.12	NA
chr5	50265085	50265737	CTD-2089N3.3	ENSG00000248918	-83	0.32	0.22	0.0063	0.1	NA
chr5	150911152	150911501	FAT2	ENSG00000086570	207	1	0.6	0.0066	0.4	NA
chr5	133859942	133863428	PHF15	ENSG00000043143	1682	0.27	0.2	0.0068	0.067	NA
chr5	170845760	170848124	FGF18	ENSG00000156427	282	0.2	0.14	0.0071	0.06	NA
chr5	133561140	133562544	PPP2CA	ENSG00000113575	-597	0.24	0.17	0.0075	0.062	NA
chr5	611944	612881	RP11-310P5.1	ENSG00000249650	-87	0.3	0.17	0.0083	0.13	NA
chr5	72143909	72144822	TNPO1	ENSG00000083312	368	0.26	0.17	0.0088	0.094	NA
chr5	150004670	150004984	SYNPO	ENSG00000171992	550	0.4	0.13	0.009	0.26	NA
chr5	108744926	108745640	PJA2	ENSG00000198961	-268	0.24	0.52	0.0091	-0.28	NA
chr5	50683285	50683615	ISL1	ENSG00000016082	1154	0.25	0.6	0.0094	-0.35	NA
chr5	133511971	133512902	SKP1	ENSG00000113558	-26	0.24	0.17	0.0094	0.069	NA
chr5	79551369	79552294	SERINC5	ENSG00000164300	7	0.28	0.18	0.0095	0.1	NA
chr5	115177234	115178256	ATG12	ENSG00000145782	-504	0.22	0.15	0.0098	0.068	NA
chr5	140767196	140767695	PCDHGB4	ENSG00000253953	-7	1	0.42	0.0098	0.58	NA
chr5	14872206	14872572	ANKH	ENSG00000154122	-502	0.29	0.14	0.011	0.15	NA
chr5	37209072	37209461	OFD1P17	ENSG00000228212	-200	0.99	0.89	0.011	0.1	NA
chr5	61699350	61699877	DIMT1L	ENSG00000086189	105	0.15	0.27	0.011	-0.12	NA
chr5	73935725	73937551	HEXB	ENSG00000049860	790	0.23	0.17	0.011	0.063	NA
chr5	122180963	122181681	SNX24	ENSG00000064652	178	0.15	0.25	0.011	-0.1	NA
chr5	179634577	179634875	RASGEF1C	ENSG00000146090	1427	0.41	0.17	0.011	0.24	NA
chr5	75012962	75013515	POC5	ENSG00000152359	-69	0.2	0.35	0.012	-0.15	NA
chr5	92956320	92957340	MIR2277	ENSG00000251725	-336	0.29	0.19	0.012	0.099	NA
chr5	134094169	134094771	DDX46	ENSG00000145833	1	0.22	0.33	0.012	-0.12	NA
chr5	168727429	168728275	SLIT3	ENSG00000184347	-139	0.28	0.18	0.012	0.11	NA
chr5	176764115	176764542	LMAN2	ENSG00000169223	1217	0.79	1	0.012	-0.21	NA
chr5	178322713	178323538	ZFP2	ENSG00000198939	230	0.28	0.17	0.012	0.1	NA
chr5	180236992	180238209	MGAT1	ENSG00000131446	-473	0.22	0.31	0.013	-0.098	NA
chr5	6448753	6449629	UBE2QL1	ENSG00000215218	455	0.25	0.15	0.014	0.096	NA
chr5	34929401	34930441	DNAJC21	ENSG00000168724	223	0.18	0.25	0.014	-0.075	NA

chr5	131705169	131705971	AC034220.3	ENSG00000233006	-230	0.25	0.13	0.014	0.12	NA
chr5	172483115	172483862	C5orf41	ENSG00000164463	133	0.22	0.13	0.014	0.084	NA
chr5	128795503	128797417	ADAMTS19	ENSG00000145808	502	0.26	0.2	0.015	0.065	NA
chr5	138739492	138739912	SPATA24	ENSG00000170469	37	0.34	0.13	0.015	0.21	NA
chr5	158636218	158636949	RNF145	ENSG00000145860	-24	0.2	0.1	0.016	0.099	NA
chr5	174151478	174152364	MSX2	ENSG00000120149	385	0.17	0.25	0.016	-0.08	NA
chr5	16935555	16936408	MYO10	ENSG00000145555	66	0.14	0.2	0.017	-0.066	NA
chr5	180630981	180632569	TRIM7	ENSG00000146054	-435	0.22	0.16	0.017	0.061	NA
chr5	68628422	68628739	CCDC125	ENSG00000183323	-37	0.31	0.16	0.018	0.15	NA
chr5	114880113	114880772	FEM1C	ENSG00000145780	149	0.21	0.13	0.018	0.082	NA
chr5	133339600	133341509	VDAC1	ENSG00000213585	-228	0.28	0.21	0.018	0.071	NA
chr5	162886779	162887242	NUDCD2	ENSG00000170584	-168	0.19	0.32	0.018	-0.13	NA
chr5	1799461	1801905	MRPL36	ENSG00000171421	-819	0.21	0.15	0.019	0.059	NA
chr5	140755254	140755941	PCDHGA6	ENSG00000253731	1946	0.82	0.65	0.019	0.17	NA
chr5	177366538	177366973	RP11-1252I4.2	ENSG00000250101	132	0.56	0.9	0.019	-0.34	NA
chr5	7868863	7869840	FASTKD3	ENSG00000124279	-236	0.26	0.19	0.02	0.075	NA
chr5	49736607	49737300	EMB	ENSG00000170571	231	0.34	0.23	0.023	0.11	NA
chr5	272139	272485	PDCD6	ENSG00000249915	-515	0.44	0.18	0.024	0.26	NA
chr5	64858775	64859283	CENPK	ENSG00000123219	-79	0.34	0.19	0.024	0.14	NA
chr5	87956489	87957187	CTC-547D20.1	ENSG00000245526	-1185	0.18	0.26	0.024	-0.076	NA
chr5	137878264	137879425	ETF1	ENSG00000120705	-4	0.28	0.2	0.025	0.078	NA
chr5	167718523	167719688	WWC1	ENSG00000113645	449	0.27	0.2	0.027	0.07	NA
chr5	170814447	170815655	NPM1	ENSG00000181163	399	0.27	0.19	0.027	0.081	NA
chr5	175815288	175815847	NOP16	ENSG00000048162	2	0.27	0.19	0.027	0.085	NA
chr5	95997717	95999117	CAST	ENSG00000153113	640	0.17	0.23	0.029	-0.062	NA
chr5	110559569	110560446	CAMK4	ENSG00000152495	359	0.26	0.18	0.03	0.081	NA
chr5	175394926	175395383	THOC3	ENSG00000051596	117	0.19	0.13	0.03	0.058	NA
chr5	40835241	40835873	RPL37	ENSG00000145592	-269	0.32	0.25	0.031	0.073	NA
chr5	87969960	87972070	CTC-467M3.1	ENSG00000245864	-1021	0.22	0.16	0.031	0.062	NA
chr5	126365623	126367250	3-Mar	ENSG00000173926	-575	0.21	0.15	0.032	0.06	NA

chr5	127872563	127874945	FBN2	ENSG00000138829	-240	0.22	0.17	0.032	0.046	NA
chr5	140536896	140537766	PCDHB17	ENSG00000255622	1754	0.68	1	0.032	-0.32	NA
chr5	141016320	141017685	HDAC3	ENSG00000171720	-610	0.24	0.18	0.033	0.066	NA
chr5	139725530	139726234	HBEGF	ENSG00000113070	306	0.24	0.17	0.036	0.073	NA
chr5	1344545	1345469	CLPTM1L	ENSG00000049656	-8	0.15	0.2	0.037	-0.053	NA
chr5	14143017	14145350	TRIO	ENSG00000038382	372	0.22	0.27	0.037	-0.046	NA
chr5	171682495	171682728	KLF3P1	ENSG00000253218	-168	0.98	0.92	0.04	0.067	NA
chr5	140568216	140569118	PCDHB9	ENSG00000177839	1774	0.71	0.56	0.042	0.16	NA
chr5	10760836	10761925	DAP	ENSG00000112977	-167	0.28	0.2	0.043	0.082	NA
chr5	156277302	156277685	CTB-83D3.1	ENSG00000231989	-56	0.54	0.38	0.043	0.16	NA
chr5	43066398	43067011	CTD-2201E18.3	ENSG00000177738	817	0.23	0.32	0.044	-0.086	NA
chr5	137799615	137802253	EGR1	ENSG00000120738	-235	0.24	0.19	0.044	0.048	NA
chr5	140743961	140744642	PCDHGA5	ENSG00000253485	403	0.72	0.61	0.045	0.11	NA
chr5	178977298	178978291	RUFY1	ENSG00000176783	235	0.25	0.19	0.045	0.065	NA
chr5	36875927	36877660	CTD-2653M23.2	ENSG00000248044	-34	0.24	0.19	0.046	0.045	NA
chr5	132072695	132073429	KIF3A	ENSG00000131437	49	0.32	0.21	0.046	0.11	NA
chr5	145214649	145215139	PRELID2	ENSG00000186314	-98	0.28	0.21	0.046	0.073	NA
chr5	179921201	179922179	CNOT6	ENSG00000113300	278	0.15	0.22	0.046	-0.075	NA
chr5	68788151	68789823	OCLN	ENSG00000197822	370	0.21	0.16	0.047	0.048	NA
chr5	176074138	176074623	TSPAN17	ENSG00000048140	-8	0.22	0.45	0.047	-0.23	NA
chr5	102455553	102455990	GIN1	ENSG00000145723	22	0.4	0.86	0.048	-0.45	NA
chr5	79864842	79866447	ANKRD34B	ENSG00000189127	425	0.19	0.24	0.051	-0.052	NA
chr5	176036458	176037557	GPRIN1	ENSG00000169258	127	0.23	0.18	0.051	0.054	NA
chr5	1201443	1202138	SLC6A19	ENSG00000174358	80	0.83	0.75	0.052	0.074	NA
chr5	59189046	59189894	PDE4D	ENSG00000113448	-358	0.26	0.19	0.052	0.077	NA
chr5	1003937	1005687	AC116351.2	ENSG00000221244	510	0.54	0.48	0.055	0.064	NA
chr5	102090439	102091241	PAM	ENSG00000145730	353	0.16	0.23	0.055	-0.069	NA
chr5	115297607	115298093	AC010282.1	ENSG00000172901	-301	0.32	0.18	0.055	0.15	NA
chr5	79330928	79331488	THBS4	ENSG00000113296	37	0.31	0.17	0.056	0.13	NA
chr5	174178214	174178928	CTD-2532K18.1	ENSG00000251670	264	0.32	0.2	0.056	0.12	NA

chr5	180649487	180649768	TRIM41	ENSG00000146063	128	0.56	0.21	0.056	0.35	NA
chr5	131280907	131281440	AC034228.7	ENSG00000239642	25	0.91	0.83	0.058	0.076	NA
chr5	112823256	112824304	MCC	ENSG00000171444	740	0.26	0.19	0.06	0.073	NA
chr5	146614283	146614560	CTC-255N20.1	ENSG00000250343	1	0.16	0.28	0.061	-0.12	NA
chr5	132112448	132113621	8-Sep	ENSG00000164402	-122	0.22	0.17	0.063	0.054	NA
chr5	179125341	179126340	CANX	ENSG00000127022	433	0.24	0.18	0.065	0.064	NA
chr5	180616157	180619114	CTC-338M12.2	ENSG00000248473	1217	0.25	0.2	0.065	0.06	NA
chr5	140019034	140019502	TMCO6	ENSG00000113119	230	0.7	0.23	0.068	0.47	NA
chr5	10307520	10307913	CMBL	ENSG00000164237	-56	0.17	0.3	0.069	-0.14	NA
chr5	71603816	71604401	MRPS27	ENSG00000113048	-319	0.26	0.2	0.069	0.068	NA
chr5	94955630	94957244	GPR150	ENSG00000178015	655	0.27	0.21	0.069	0.059	NA
chr5	171710180	171710713	UBTD2	ENSG00000168246	629	0.16	0.25	0.069	-0.09	NA
chr5	55007836	55008368	SLC38A9	ENSG00000177058	-13	0.17	0.36	0.07	-0.19	NA
chr5	133968214	133968722	SAR1B	ENSG00000152700	-9	0.19	0.28	0.07	-0.097	NA
chr5	149737077	149737830	TCOF1	ENSG00000070814	251	0.33	0.22	0.07	0.11	NA
chr5	177580534	177581126	NHP2	ENSG00000145912	-250	0.3	0.15	0.07	0.15	NA
chr5	65439836	65440764	SREK1	ENSG00000153914	254	0.29	0.23	0.071	0.062	NA
chr5	126853265	126853925	PRRC1	ENSG00000164244	294	0.15	0.33	0.071	-0.18	NA
chr5	140044194	140044716	WDR55	ENSG00000120314	194	0.19	0.31	0.072	-0.12	NA
chr5	472600	474261	CTD-2228K2.5	ENSG00000188242	-653	0.24	0.19	0.073	0.05	NA
chr5	115908397	115910792	SEMA6A	ENSG00000092421	336	0.24	0.19	0.074	0.047	NA
chr5	60626505	60629809	ZSWIM6	ENSG00000130449	57	0.17	0.21	0.075	-0.035	NA
chr5	176730031	176731130	RAB24	ENSG00000169228	63	0.18	0.24	0.077	-0.057	NA
chr5	77590137	77590721	AP3B1	ENSG00000132842	87	0.19	0.28	0.078	-0.095	NA
chr5	154237008	154238362	CNOT8	ENSG00000155508	572	0.23	0.17	0.078	0.058	NA
chr5	179049815	179051611	HNRNPH1	ENSG00000169045	-548	0.32	0.27	0.079	0.046	NA
chr5	1226976	1227305	SLC6A18	ENSG00000164363	1616	0.98	0.82	0.081	0.17	NA
chr5	77655917	77656997	CTD-2037K23.2	ENSG00000245556	-240	0.17	0.22	0.081	-0.053	NA
chr5	137688146	137689054	KDM3B	ENSG00000120733	315	0.29	0.22	0.081	0.068	NA
chr5	157078327	157079564	SOX30	ENSG00000039600	427	0.74	0.67	0.082	0.071	NA

chr5	74161536	74162716	FAM169A	ENSG00000198780	43	0.29	0.23	0.083	0.06	NA
chr5	140725051	140725891	PCDHGA3	ENSG00000254245	1870	0.84	0.7	0.083	0.14	NA
chr5	176881221	176883117	PRR7	ENSG00000131188	100	0.22	0.18	0.083	0.04	NA
chr5	1073560	1074023	SLC12A7	ENSG00000113504	1034	0.78	0.92	0.084	-0.15	NA
chr5	75698759	75700160	IQGAP2	ENSG00000145703	385	0.22	0.27	0.085	-0.049	NA
chr5	180673068	180673694	CTC-338M12.4	ENSG00000233937	-142	0.3	0.21	0.087	0.086	NA
chr5	110427777	110428270	CTC-551A13.2	ENSG00000253613	-210	0.3	0.6	0.089	-0.3	NA
chr5	14871391	14871611	ANKH	ENSG00000154122	80	0.19	0.32	0.09	-0.14	NA
chr5	146257346	146258575	AC011357.1	ENSG00000156475	184	0.21	0.15	0.091	0.061	NA
chr5	172386298	172386542	CTC-308K20.1	ENSG00000204758	-40	0.3	0.16	0.091	0.14	NA
chr5	176449499	176450115	UIMC1	ENSG00000087206	-204	0.22	0.13	0.092	0.085	NA
chr5	176778572	176779090	LMAN2	ENSG00000169223	-183	0.18	0.32	0.092	-0.14	NA
chr5	1444259	1444463	SLC6A3	ENSG00000142319	-1002	0.28	0.59	0.094	-0.31	NA
chr5	176170244	176170796	RP11-375B1.3	ENSG00000248859	314	0.18	0.26	0.094	-0.087	NA
chr5	121647450	121648147	SNCAIP	ENSG00000064692	343	0.24	0.19	0.095	0.055	NA
chr5	137610105	137610311	GFRA3	ENSG00000146013	46	0.5	0.14	0.095	0.36	NA
chr5	49962267	49963777	PARP8	ENSG00000151883	500	0.32	0.26	0.096	0.061	NA
chr5	175788321	175788998	KIAA1191	ENSG00000122203	-94	0.17	0.28	0.096	-0.1	NA
chr5	122371569	122372822	RP11-359P5.1	ENSG00000249996	229	0.21	0.16	0.097	0.044	NA
chr5	149865064	149866038	NDST1	ENSG00000070614	170	0.28	0.37	0.099	-0.092	NA
chr5	523676	524887	SLC9A3	ENSG00000066230	164	0.21	0.17	0.1	0.044	NA
chr5	28809400	28810520	CTD-2134P3.1	ENSG00000250453	-604	0.98	0.96	0.1	0.022	NA
chr5	72794040	72794641	BTF3	ENSG00000145741	107	0.21	1	0.1	-0.79	NA
chr5	87973951	87974294	CTC-547D20.1	ENSG00000245526	140	0.37	0.17	0.1	0.2	NA
chr5	118323847	118324404	DTWD2	ENSG00000169570	-210	0.26	0.15	0.1	0.11	NA
chr5	148930249	148931244	CSNK1A1	ENSG00000113712	-219	0.21	0.14	0.1	0.069	NA
chr5	153569545	153570538	GALNT10	ENSG00000164574	-249	0.23	0.18	0.1	0.05	NA
chr5	157285769	157286254	CLINT1	ENSG00000113282	130	0.21	0.29	0.1	-0.078	NA
chr5	171433004	171434082	FBXW11	ENSG00000072803	9	0.3	0.2	0.1	0.11	NA
chr5	180670373	180670996	GNB2L1	ENSG00000204628	58	0.2	0.31	0.1	-0.1	NA

chr5	33892191	33892403	ADAMTS12	ENSG00000151388	0	0.13	0.23	0.11	-0.099	NA
chr5	52856665	52856870	NDUFS4	ENSG00000164258	262	0.29	0.5	0.11	-0.21	NA
chr5	61601617	61602930	KIF2A	ENSG00000068796	284	0.2	0.25	0.11	-0.051	NA
chr5	112256980	112258132	REEP5	ENSG00000129625	-355	0.18	0.14	0.11	0.043	NA
chr5	115912001	115912384	SEMA6A	ENSG00000092421	-1562	0.13	0.2	0.11	-0.076	NA
chr5	134368578	134370466	PITX1	ENSG00000069011	-697	0.21	0.25	0.11	-0.041	NA
chr5	140207725	140208078	PCDHA6	ENSG00000081842	251	0.67	0.55	0.11	0.11	NA
chr5	140720138	140720829	PCDHGA2	ENSG00000081853	1944	1	0.65	0.11	0.35	NA
chr5	179243545	179244453	SQSTM1	ENSG00000161011	-1879	0.25	0.31	0.11	-0.063	NA
chr5	5422125	5423251	KIAA0947	ENSG00000164151	-119	0.25	0.2	0.12	0.055	NA
chr5	31855003	31855426	PDZD2	ENSG00000133401	171	0.43	0.28	0.12	0.15	NA
chr5	43040845	43041161	AC025171.1	ENSG00000215068	-674	0.36	0.21	0.12	0.15	NA
chr5	67584213	67584451	PIK3R1	ENSG00000145675	136	0.19	0.32	0.12	-0.13	NA
chr5	74532626	74532899	ANKRD31	ENSG00000145700	-59	0.17	1	0.12	-0.83	NA
chr5	118604471	118604834	TNFAIP8	ENSG00000145779	203	0.22	0.15	0.12	0.07	NA
chr5	137910848	137911637	HSPA9	ENSG00000113013	-387	0.17	0.1	0.12	0.071	NA
chr5	175085004	175085756	HRH2	ENSG00000113749	347	0.3	0.23	0.12	0.07	NA
chr5	1037964	1038426	NKD2	ENSG00000145506	1300	0.92	0.98	0.13	-0.059	NA
chr5	137089253	137090878	HNRNPA0	ENSG00000177733	-26	0.22	0.3	0.13	-0.077	NA
chr5	140773855	140774441	PCDHGA8	ENSG00000253767	1767	0.85	0.72	0.13	0.13	NA
chr5	149681702	149682601	ARSI	ENSG00000183876	365	0.25	0.31	0.13	-0.059	NA
chr5	178421225	178422337	GRM6	ENSG00000113262	343	0.2	0.24	0.13	-0.048	NA
chr5	16179064	16180420	11-Mar	ENSG00000183654	158	0.22	0.27	0.14	-0.05	NA
chr5	17217788	17219021	BASP1	ENSG00000176788	691	0.25	0.2	0.14	0.051	NA
chr5	38556222	38557563	LIFR	ENSG00000113594	-154	0.23	0.18	0.14	0.05	NA
chr5	60457840	60458654	CTC-436P18.1	ENSG00000251279	350	0.17	0.25	0.14	-0.077	NA
chr5	79703436	79704444	ZFYVE16	ENSG00000039319	108	0.25	0.31	0.14	-0.058	NA
chr5	125759047	125759298	GRAMD3	ENSG00000155324	74	0.24	0.16	0.14	0.079	NA
chr5	175816197	175816448	NOP16	ENSG00000048162	-346	0.27	0.13	0.14	0.13	NA
chr5	5139441	5140941	CTD-2297D10.2	ENSG00000250579	-24	0.24	0.18	0.15	0.065	NA

chr5	12794972	12795647	RP11-419C19.3	ENSG00000251112	-466	0.96	1	0.15	-0.035	NA
chr5	32443753	32444923	ZFR	ENSG00000056097	264	0.19	0.13	0.15	0.053	NA
chr5	34656123	34657330	RAI14	ENSG00000039560	384	0.23	0.27	0.15	-0.044	NA
chr5	38257825	38259136	EGFLAM	ENSG00000164318	-31	0.26	0.21	0.15	0.05	NA
chr5	54527319	54527760	CCNO	ENSG00000152669	1886	0.37	0.24	0.15	0.13	NA
chr5	66299768	66300083	AC008872.1	ENSG00000229666	-144	0.14	0.21	0.15	-0.074	NA
chr5	76932317	76933523	OTP	ENSG00000171540	-102	0.27	0.22	0.15	0.055	NA
chr5	96038209	96038884	CAST	ENSG00000153113	42	0.17	0.22	0.15	-0.049	NA
chr5	122110539	122111169	SNX2	ENSG00000205302	163	0.32	0.54	0.15	-0.21	NA
chr5	140165958	140166214	PCDHA1	ENSG00000204970	210	0.16	0.33	0.15	-0.18	NA
chr5	148724888	148725325	GRPEL2	ENSG00000164284	113	0.37	0.21	0.15	0.16	NA
chr5	148737346	148737764	PCYOX1L	ENSG00000145882	-15	0.21	0.14	0.15	0.07	NA
chr5	179232532	179234595	MGAT4B	ENSG00000161013	-258	0.21	0.18	0.15	0.031	NA
chr5	16936753	16936957	MYO10	ENSG00000145555	-483	0.24	0.11	0.16	0.13	NA
chr5	74632476	74633673	CTD-2235C13.2	ENSG00000247372	-335	0.22	0.28	0.16	-0.058	NA
chr5	150827102	150827500	SLC36A1	ENSG00000123643	144	0.26	0.15	0.16	0.11	NA
chr5	34838921	34839624	TTC23L	ENSG00000205838	334	0.2	0.16	0.17	0.037	NA
chr5	53813379	53815306	SNX18	ENSG00000178996	753	0.49	0.45	0.17	0.039	NA
chr5	68462675	68463214	CCNB1	ENSG00000134057	107	0.19	0.26	0.17	-0.079	NA
chr5	71402877	71404868	MAP1B	ENSG00000131711	811	0.18	0.14	0.17	0.037	NA
chr5	112043079	112043917	APC	ENSG00000134982	303	0.18	0.23	0.17	-0.051	NA
chr5	132165472	132166679	SHROOM1	ENSG00000164403	276	0.23	0.19	0.17	0.035	NA
chr5	138940584	138941792	UBE2D2	ENSG00000131508	437	0.21	0.18	0.17	0.034	NA
chr5	141703749	141705023	SPRY4	ENSG00000187678	-404	0.23	0.18	0.17	0.051	NA
chr5	43191974	43193155	AC114947.1	ENSG00000177453	391	0.17	0.26	0.18	-0.089	NA
chr5	86708296	86708878	CCNH	ENSG00000134480	80	0.12	0.18	0.18	-0.054	NA
chr5	96270437	96272125	LNPEP	ENSG00000113441	183	0.22	0.17	0.18	0.052	NA
chr5	139422076	139423150	NRG2	ENSG00000158458	41	0.17	0.22	0.18	-0.056	NA
chr5	167913297	167913641	RARS	ENSG00000113643	19	0.36	0.2	0.18	0.16	NA
chr5	1633901	1634224	RP11-43F13.1	ENSG00000188002	-41	0.31	0.23	0.19	0.081	NA

chr5	114631986	114632302	CCDC112	ENSG00000164221	176	0.23	0.16	0.19	0.072	NA
chr5	130970415	130971505	RAPGEF6	ENSG00000158987	-237	0.26	0.35	0.19	-0.094	NA
chr5	140719129	140719343	PCDHGA2	ENSG00000081853	697	0.85	0.7	0.19	0.15	NA
chr5	176236761	176238081	UNC5A	ENSG00000113763	-57	0.21	0.17	0.19	0.042	NA
chr5	177659197	177659927	AGXT2L2	ENSG00000175309	-20	0.22	0.17	0.19	0.051	NA
chr5	180258186	180258784	CTC-205M6.2	ENSG00000245060	120	0.25	0.19	0.19	0.062	NA
chr5	35617855	35618339	SPEF2	ENSG00000152582	151	0.19	0.11	0.2	0.076	NA
chr5	95768874	95769080	PCSK1	ENSG00000175426	7	0.15	0.3	0.2	-0.15	NA
chr5	138629162	138630308	SIL1	ENSG00000120725	-512	0.21	0.17	0.2	0.043	NA
chr5	140026826	140027504	NDUFA2	ENSG00000131495	-266	0.28	0.23	0.2	0.058	NA
chr5	160974692	160975384	GABRB2	ENSG00000145864	92	0.33	0.47	0.2	-0.14	NA
chr5	63986189	63986974	FAM159B	ENSG00000145642	312	0.15	0.2	0.21	-0.042	NA
chr5	72112157	72113106	CTD-2631K10.1	ENSG00000249085	-239	0.16	0.19	0.21	-0.031	NA
chr5	87968635	87968907	CTC-547D20.1	ENSG00000245526	-257	0.24	0.12	0.21	0.12	NA
chr5	134366913	134367438	PITX1	ENSG00000069011	525	0.97	0.78	0.21	0.19	NA
chr5	153784641	153785130	GALNT10	ENSG00000164574	1290	0.26	0.38	0.21	-0.12	NA
chr5	25909342	25909651	MSNP1	ENSG00000251593	-116	0.92	0.97	0.22	-0.056	NA
chr5	78280317	78281300	ARSB	ENSG00000113273	800	0.17	0.21	0.22	-0.04	NA
chr5	80689818	80690228	ACOT12	ENSG00000172497	-61	0.2	0.15	0.22	0.046	NA
chr5	134734096	134735261	H2AFY	ENSG00000113648	189	0.18	0.22	0.22	-0.04	NA
chr5	138088659	138089836	CTNNA1	ENSG00000044115	461	0.19	0.23	0.22	-0.038	NA
chr5	159545606	159546534	PWWP2A	ENSG00000170234	-230	0.23	0.19	0.22	0.038	NA
chr5	178986513	178986999	RUFY1	ENSG00000176783	63	0.2	0.3	0.22	-0.098	NA
chr5	130330771	130331092	RP11-114H7.2	ENSG00000250405	984	0.93	0.98	0.23	-0.048	NA
chr5	133984171	133984994	SEC24A	ENSG00000113615	103	0.31	0.24	0.23	0.063	NA
chr5	140475599	140476607	PCDHB2	ENSG00000112852	1876	0.75	0.6	0.23	0.15	NA
chr5	140558931	140559789	PCDHB16	ENSG00000196963	-1620	0.65	0.84	0.23	-0.19	NA
chr5	177614102	177614460	AC136940.3	ENSG00000244234	19	0.91	0.84	0.23	0.066	NA
chr5	57755334	57756803	PLK2	ENSG00000145632	-382	0.2	0.23	0.24	-0.027	NA
chr5	93446953	93447436	FAM172A	ENSG00000113391	146	0.19	0.11	0.24	0.078	NA

chr5	137224986	137225477	RP11-381K20.2	ENSG00000250159	-225	0.25	0.32	0.24	-0.07	NA
chr5	142149599	142150832	ARHGAP26	ENSG00000145819	266	0.23	0.2	0.24	0.035	NA
chr5	172410691	172411161	ATP6V0E1	ENSG00000113732	166	0.24	0.16	0.24	0.076	NA
chr5	176793959	176794841	RGS14	ENSG00000169220	182	0.36	0.41	0.24	-0.056	NA
chr5	169578	169798	PLEKHG4B	ENSG00000153404	520	0.41	0.5	0.25	-0.095	NA
chr5	1494853	1495287	LPCAT1	ENSG00000153395	-177	0.96	1	0.25	-0.036	NA
chr5	6378291	6378846	MED10	ENSG00000133398	116	0.17	0.28	0.25	-0.1	NA
chr5	68485215	68485577	CENPH	ENSG00000153044	21	0.17	0.25	0.25	-0.074	NA
chr5	122424337	122424539	PRDM6	ENSG00000061455	-378	0.32	0.16	0.25	0.16	NA
chr5	128300800	128301329	SLC27A6	ENSG00000113396	243	0.13	0.2	0.25	-0.068	NA
chr5	132298789	132299740	AFF4	ENSG00000072364	-59	0.15	0.12	0.25	0.032	NA
chr5	141488316	141488919	NDFIP1	ENSG00000131507	264	0.2	0.15	0.25	0.048	NA
chr5	33440635	33441365	CTD-2203K17.1	ENSG00000249572	-275	0.22	0.29	0.26	-0.067	NA
chr5	65220759	65222416	ERBB2IP	ENSG00000112851	-716	0.22	0.25	0.26	-0.024	NA
chr5	74806581	74807974	COL4A3BP	ENSG00000113163	163	0.18	0.21	0.26	-0.032	NA
chr5	76326120	76326871	AGGF1	ENSG00000164252	285	0.22	0.14	0.26	0.078	NA
chr5	82768387	82769268	VCAN	ENSG00000038427	1083	0.34	0.23	0.26	0.1	NA
chr5	177026715	177027519	B4GALT7	ENSG00000027847	16	0.23	0.19	0.26	0.046	NA
chr5	179779114	179781279	GFPT2	ENSG00000131459	-296	0.21	0.23	0.26	-0.025	NA
chr5	1282649	1283244	TERT	ENSG00000164362	179	0.8	0.75	0.27	0.044	NA
chr5	81267577	81268367	ATG10	ENSG00000152348	128	0.24	0.19	0.27	0.047	NA
chr5	92939795	92940216	RP11-65F13.3	ENSG00000250089	-701	0.22	0.17	0.27	0.051	NA
chr5	112196849	112197247	SRP19	ENSG00000153037	163	0.24	0.18	0.27	0.062	NA
chr5	125930601	125931049	ALDH7A1	ENSG00000164904	-62	0.23	0.17	0.27	0.06	NA
chr5	133747366	133747799	CDKN2AIPNL	ENSG00000237190	-10	0.26	0.16	0.27	0.095	NA
chr5	147763283	147763666	RP11-373N22.3	ENSG00000247199	-128	0.23	0.18	0.27	0.049	NA
chr5	151137992	151138418	ATOX1	ENSG00000177556	5	0.27	0.21	0.27	0.055	NA
chr5	159797388	159797697	C1QTNF2	ENSG00000145861	106	0.17	0.13	0.27	0.045	NA
chr5	172484040	172484413	C5orf41	ENSG00000164463	-121	0.25	0.38	0.27	-0.13	NA
chr5	178286874	178287942	ZNF354B	ENSG00000178338	454	0.26	0.21	0.27	0.046	NA

chr5	1077844	1078056	SLC12A7	ENSG00000113504	-1053	0.75	1	0.28	-0.25	NA
chr5	83679584	83680720	EDIL3	ENSG00000164176	52	0.18	0.15	0.28	0.025	NA
chr5	121412500	121414077	LOX	ENSG00000113083	-419	0.16	0.19	0.28	-0.03	NA
chr5	139283350	139284282	NRG2	ENSG00000158458	79	0.23	0.18	0.28	0.047	NA
chr5	148206075	148206482	ADRB2	ENSG00000169252	122	0.27	0.15	0.28	0.12	NA
chr5	157170505	157171321	LSM11	ENSG00000155858	210	0.18	0.14	0.28	0.04	NA
chr5	32709910	32714450	NPR3	ENSG00000113389	1420	0.26	0.24	0.29	0.026	NA
chr5	37836747	37840726	GDNF	ENSG00000168621	1046	0.24	0.22	0.29	0.02	NA
chr5	43040345	43040633	AC025171.1	ENSG00000215068	-1188	0.35	0.27	0.29	0.083	NA
chr5	69321024	69321534	SERF1B	ENSG00000205572	205	1	0.5	0.29	0.5	NA
chr5	87564608	87564881	TMEM161B	ENSG00000164180	-128	0.16	0.28	0.29	-0.12	NA
chr5	142782071	142785071	NR3C1	ENSG00000113580	-1269	0.2	0.22	0.29	-0.028	NA
chr5	175625966	175626485	RP11-844P9.2	ENSG00000248596	73	0.32	0.23	0.29	0.088	NA
chr5	180479585	180480959	BTNL9	ENSG00000165810	487	0.18	0.21	0.29	-0.031	NA
chr5	32173598	32174837	GOLPH3	ENSG00000113384	191	0.19	0.17	0.3	0.026	NA
chr5	100238722	100239138	ST8SIA4	ENSG00000113532	-12	0.21	0.33	0.3	-0.11	NA
chr5	138609320	138609851	MATR3	ENSG00000015479	144	0.19	0.24	0.3	-0.058	NA
chr5	171614430	171615939	STK10	ENSG00000072786	78	0.24	0.2	0.3	0.039	NA
chr5	176958301	176958517	FAM193B	ENSG00000146067	426	0.93	1	0.3	-0.074	NA
chr5	180688051	180688962	TRIM52	ENSG00000183718	-424	0.23	0.18	0.3	0.053	NA
chr5	880980	881277	BRD9	ENSG00000028310	-915	0.95	1	0.31	-0.055	NA
chr5	14581497	14582569	FAM105A	ENSG00000145569	149	0.19	0.23	0.31	-0.036	NA
chr5	37370946	37371252	NUP155	ENSG00000113569	84	0.23	0.17	0.31	0.056	NA
chr5	54528814	54530163	CCNO	ENSG00000152669	-63	0.25	0.22	0.31	0.032	NA
chr5	56110305	56110535	MAP3K1	ENSG00000095015	-981	0.35	0.2	0.31	0.15	NA
chr5	79286584	79287134	MTX3	ENSG00000177034	209	0.26	0.5	0.31	-0.24	NA
chr5	111093438	111093980	C5orf13	ENSG00000134986	30	0.68	0.5	0.31	0.18	NA
chr5	150051116	150052107	MYOZ3	ENSG00000164591	391	0.44	0.35	0.31	0.087	NA
chr5	320788	323010	AHRR	ENSG00000063438	25	0.3	0.28	0.32	0.026	NA
chr5	1111396	1112388	SLC12A7	ENSG00000113504	258	0.18	0.21	0.32	-0.032	NA

chr5	6712315	6714900	PAPD7	ENSG00000112941	-1111	0.22	0.25	0.32	-0.024	NA
chr5	25190503	25191113	RP11-549K20.1	ENSG00000251273	-43	0.97	0.94	0.32	0.028	NA
chr5	74062566	74063225	NSA2	ENSG00000164346	78	0.25	0.33	0.32	-0.084	NA
chr5	76382727	76383167	CTC-564N23.3	ENSG00000250802	108	0.21	0.15	0.32	0.051	NA
chr5	78531531	78533495	DMGDH	ENSG00000132837	-752	0.19	0.22	0.32	-0.024	NA
chr5	139027443	139030219	CXXC5	ENSG00000171604	1342	0.24	0.22	0.32	0.023	NA
chr5	150284385	150284635	ZNF300	ENSG00000145908	30	0.14	0.26	0.32	-0.12	NA
chr5	177098634	177099525	RP11-1277A3.2	ENSG00000246596	71	0.11	0.16	0.32	-0.05	NA
chr5	178770724	178772794	ADAMTS2	ENSG00000087116	672	0.24	0.21	0.32	0.031	NA
chr5	60139359	60140155	ELOVL7	ENSG00000164181	-392	0.21	0.17	0.33	0.039	NA
chr5	119799821	119800148	PRR16	ENSG00000184838	11	0.17	0.22	0.33	-0.048	NA
chr5	43017968	43018668	CTD-2035E11.3	ENSG00000251131	-213	0.16	0.25	0.34	-0.095	NA
chr5	57878725	57879177	RAB3C	ENSG00000152932	84	0.26	0.19	0.34	0.069	NA
chr5	71616007	71616345	MRPS27	ENSG00000113048	-158	0.23	0.18	0.34	0.048	NA
chr5	141255564	141257968	PCDH1	ENSG00000156453	1188	0.25	0.29	0.34	-0.048	NA
chr5	169931065	169931471	KCNIP1	ENSG00000182132	-96	0.19	0.26	0.35	-0.072	NA
chr5	175792355	175793505	ARL10	ENSG00000175414	459	0.22	0.25	0.35	-0.033	NA
chr5	176738448	176739562	MXD3	ENSG00000213347	-134	0.22	0.18	0.35	0.041	NA
chr5	176918574	176919659	PDLIM7	ENSG00000196923	457	0.9	0.87	0.35	0.028	NA
chr5	71014917	71015715	CARTPT	ENSG00000164326	326	0.29	0.24	0.36	0.048	NA
chr5	76011120	76012292	F2R	ENSG00000181104	-162	0.19	0.22	0.36	-0.033	NA
chr5	126626053	126626901	MEGF10	ENSG00000145794	-46	0.27	0.32	0.36	-0.047	NA
chr5	129239553	129241612	CHSY3	ENSG00000198108	417	0.15	0.17	0.36	-0.019	NA
chr5	141303119	141303634	KIAA0141	ENSG00000081791	3	0.22	0.33	0.36	-0.12	NA
chr5	7850957	7851413	C5orf49	ENSG00000215217	79	0.31	0.21	0.37	0.099	NA
chr5	43313191	43313924	HMGCS1	ENSG00000112972	-231	0.17	0.29	0.37	-0.12	NA
chr5	178367620	178368725	AC104117.1	ENSG00000248595	-88	0.31	0.25	0.37	0.052	NA
chr5	43042107	43043477	AC025171.1	ENSG00000215068	597	0.19	0.21	0.38	-0.023	NA
chr5	79950003	79950873	DHFR	ENSG00000228716	-72	0.21	0.16	0.38	0.054	NA
chr5	118691401	118691759	TNFAIP8	ENSG00000145779	-150	0.45	0.31	0.38	0.14	NA

chr5	176829339	176829756	GRK6	ENSG00000198055	-658	0.23	0.28	0.38	-0.056	NA
chr5	180527368	180528782	FOXO1B	ENSG00000214295	-409	0.38	0.28	0.38	0.099	NA
chr5	56246535	56248351	MIER3	ENSG00000155545	496	0.23	0.21	0.39	0.02	NA
chr5	78809347	78810468	HOMER1	ENSG00000152413	133	0.12	0.15	0.39	-0.024	NA
chr5	96519419	96519645	RP11-155G15.2	ENSG00000251513	229	0.28	0.17	0.39	0.1	NA
chr5	127418594	127420512	CTC-228N24.3	ENSG00000245937	-901	0.17	0.19	0.39	-0.02	NA
chr5	139943835	139944477	APBB3	ENSG00000113108	-311	0.23	0.19	0.39	0.042	NA
chr5	41904032	41904629	C5orf51	ENSG00000205765	40	0.2	0.16	0.4	0.037	NA
chr5	118788125	118788428	HSD17B4	ENSG00000133835	138	0.18	0.26	0.4	-0.085	NA
chr5	122971758	122972008	KRT18P16	ENSG00000235275	79	0.96	0.98	0.4	-0.018	NA
chr5	134240254	134241314	PCBD2	ENSG00000132570	188	0.18	0.21	0.4	-0.025	NA
chr5	171881182	171881547	SH3PXD2B	ENSG00000174705	-2	0.22	0.44	0.4	-0.23	NA
chr5	180017099	180019062	SCGB3A1	ENSG00000161055	83	0.2	0.18	0.4	0.02	NA
chr5	1339662	1340082	CLPTM1L	ENSG00000049656	-1439	0.28	0.18	0.41	0.095	NA
chr5	34007796	34008105	AMACR	ENSG00000242110	183	0.22	0.27	0.41	-0.047	NA
chr5	60039587	60039835	KRT8P31	ENSG00000250148	1086	0.96	1	0.41	-0.043	NA
chr5	140802399	140802832	PCDHGA11	ENSG00000253873	1820	0.8	1	0.41	-0.2	NA
chr5	149569592	149569945	SLC6A7	ENSG00000011083	120	0.17	0.23	0.41	-0.061	NA
chr5	39721548	39721835	CTD-2120M21.1	ENSG00000250492	-76	0.98	0.94	0.42	0.038	NA
chr5	76787740	76788442	WDR41	ENSG00000164253	-263	0.19	0.22	0.42	-0.027	NA
chr5	139780307	139782108	CTC-329D1.2	ENSG00000249637	-255	0.23	0.2	0.42	0.027	NA
chr5	150158223	150158654	C5orf62	ENSG00000256580	306	0.18	1	0.42	-0.82	NA
chr5	156569576	156570067	MED7	ENSG00000155868	-35	0.17	1	0.42	-0.83	NA
chr5	168006098	168006918	PANK3	ENSG00000120137	-153	0.17	0.2	0.42	-0.03	NA
chr5	112312387	112313006	DCP2	ENSG00000172795	297	0.2	0.16	0.43	0.041	NA
chr5	146832560	146833938	DPYSL3	ENSG00000113657	-21	0.27	0.24	0.43	0.03	NA
chr5	157098263	157099041	SOX30	ENSG00000039600	-164	0.36	0.4	0.43	-0.048	NA
chr5	175223609	175224679	CPLX2	ENSG00000145920	513	0.17	0.15	0.43	0.027	NA
chr5	176873349	176874737	PRR7	ENSG00000131188	597	0.21	0.19	0.43	0.02	NA
chr5	179498291	179499338	RNF130	ENSG00000113269	-93	0.27	0.23	0.43	0.041	NA

chr5	180650099	180650679	TRIM41	ENSG00000146063	99	0.19	0.14	0.43	0.051	NA
chr5	892522	893479	BRD9	ENSG00000028310	-363	0.18	0.15	0.44	0.022	NA
chr5	10353400	10354512	6-Mar	ENSG00000145495	141	0.2	0.23	0.44	-0.032	NA
chr5	31639053	31640104	PDZD2	ENSG00000133401	61	0.26	0.23	0.44	0.032	NA
chr5	39424892	39425320	C9	ENSG00000113600	-136	0.18	0.24	0.44	-0.064	NA
chr5	52284715	52285489	ITGA2	ENSG00000164171	-54	0.2	0.16	0.44	0.042	NA
chr5	55290335	55291389	IL6ST	ENSG00000134352	-134	0.19	0.21	0.44	-0.023	NA
chr5	111754477	111756222	EPB41L4A	ENSG00000129595	-339	0.22	0.25	0.44	-0.024	NA
chr5	115298350	115299137	AC010282.1	ENSG00000172901	428	0.3	0.34	0.44	-0.039	NA
chr5	173314931	173315979	CPEB4	ENSG00000113742	172	0.27	0.24	0.44	0.038	NA
chr5	178157189	178157826	ZNF354A	ENSG00000169131	153	0.19	0.23	0.44	-0.035	NA
chr5	36241003	36242664	C5orf33	ENSG00000152620	-340	0.17	0.19	0.45	-0.018	NA
chr5	56204962	56206344	C5orf35	ENSG00000155542	566	0.21	0.18	0.45	0.029	NA
chr5	86564116	86564388	RASA1	ENSG00000145715	170	0.19	0.25	0.45	-0.057	NA
chr5	271527	271956	CTD-2083E4.6	ENSG00000248925	-110	0.19	0.14	0.46	0.044	NA
chr5	109024965	109026701	MAN2A1	ENSG00000112893	766	0.19	0.22	0.46	-0.023	NA
chr5	140346105	140346931	PCDHAC2	ENSG00000243232	698	0.17	0.14	0.46	0.032	NA
chr5	158758474	158758839	AC008697.1	ENSG00000249738	130	0.19	0.25	0.46	-0.053	NA
chr5	179306108	179306346	TBC1D9B	ENSG00000197226	179	0.9	0.84	0.46	0.059	NA
chr5	135170271	135171156	SLC25A48	ENSG00000145832	375	0.22	0.18	0.47	0.035	NA
chr5	170288879	170289737	RANBP17	ENSG00000204764	372	0.19	0.21	0.47	-0.024	NA
chr5	175487567	175488430	FAM153B	ENSG00000182230	306	0.18	0.24	0.47	-0.058	NA
chr5	96143102	96143885	ERAP1	ENSG00000164307	119	0.2	0.25	0.48	-0.046	NA
chr5	134074083	134074494	CAMLG	ENSG00000164615	97	0.35	0.3	0.48	0.048	NA
chr5	139493595	139494541	PURA	ENSG00000185129	360	0.2	0.17	0.48	0.026	NA
chr5	140070804	140071328	HARS	ENSG00000170445	-185	0.29	0.33	0.48	-0.042	NA
chr5	149512300	149512530	PDGFRB	ENSG00000113721	38	0.99	0.96	0.48	0.028	NA
chr5	173043123	173043895	BOD1	ENSG00000145919	-148	0.24	0.21	0.48	0.036	NA
chr5	150603213	150603753	CCDC69	ENSG00000198624	170	0.2	0.17	0.49	0.035	NA
chr5	178450630	178451216	ZNF879	ENSG00000234284	170	0.16	0.21	0.49	-0.05	NA

chr5	52777788	52777996	FST	ENSG00000134363	-632	0.17	0.14	0.5	0.028	NA
chr5	65891877	65893539	MAST4	ENSG00000069020	532	0.19	0.21	0.5	-0.021	NA
chr5	89854290	89854956	GPR98	ENSG00000164199	6	0.2	0.17	0.5	0.036	NA
chr5	90675822	90676930	ARRDC3	ENSG00000113369	-470	0.21	0.18	0.5	0.034	NA
chr5	110074605	110075223	TMEM232	ENSG00000186952	-295	0.18	0.16	0.5	0.028	NA
chr5	140242073	140243007	AC005609.17	ENSG00000249034	684	0.92	0.84	0.5	0.079	NA
chr5	40797651	40798942	AC008810.1	ENSG00000132356	-46	0.27	0.22	0.51	0.045	NA
chr5	137368105	137368722	RP11-325L7.1	ENSG00000246323	-50	0.15	0.09	0.51	0.068	NA
chr5	170735169	170739863	RP11-546B8.6	ENSG00000255373	-1707	0.23	0.21	0.51	0.011	NA
chr5	172068286	172069174	NEURL1B	ENSG00000214357	461	0.37	0.31	0.51	0.053	NA
chr5	128430003	128431062	ISOC1	ENSG00000066583	146	0.21	0.18	0.52	0.026	NA
chr5	177557550	177558393	RMND5B	ENSG00000145916	-26	0.18	0.16	0.52	0.021	NA
chr5	175969749	175971053	CDHR2	ENSG00000074276	-141	0.24	0.22	0.53	0.02	NA
chr5	173415924	173416586	C5orf47	ENSG00000185056	93	0.96	0.95	0.54	0.019	NA
chr5	176852953	176854125	GRK6	ENSG00000198055	42	0.2	0.17	0.54	0.023	NA
chr5	63461448	63462106	RNF180	ENSG00000164197	106	0.17	0.19	0.55	-0.021	NA
chr5	75378974	75380796	SV2C	ENSG00000122012	888	0.19	0.21	0.55	-0.026	NA
chr5	107716309	107718301	FBXL17	ENSG00000145743	-641	0.22	0.2	0.55	0.017	NA
chr5	158523906	158524598	EBF1	ENSG00000164330	379	0.38	0.34	0.55	0.034	NA
chr5	175874629	175875428	FAF2	ENSG00000113194	399	0.26	0.23	0.55	0.031	NA
chr5	176893860	176894794	DBN1	ENSG00000113758	272	0.93	0.95	0.55	-0.019	NA
chr5	178415943	178416197	GRM6	ENSG00000113262	-97	0.98	0.95	0.55	0.025	NA
chr5	37248983	37249783	C5orf42	ENSG00000197603	147	0.31	0.26	0.56	0.055	NA
chr5	76506029	76507189	PDE8B	ENSG00000113231	335	0.19	0.17	0.56	0.016	NA
chr5	122758658	122759330	CEP120	ENSG00000168944	3	0.2	0.23	0.56	-0.028	NA
chr5	98263746	98265531	CTD-2007H13.3	ENSG00000248489	-237	0.2	0.21	0.57	-0.014	NA
chr5	118309296	118309521	CTB-161M19.3	ENSG00000197744	-83	0.98	0.95	0.57	0.035	NA
chr5	110847820	110848445	CTC-426B10.1	ENSG00000246859	208	0.22	0.29	0.58	-0.066	NA
chr5	68855809	68856161	GTF2H2C	ENSG00000183474	-50	0.15	0.3	0.59	-0.15	NA
chr5	94619459	94621121	MCTP1	ENSG00000175471	-586	0.19	0.18	0.59	0.014	NA

chr5	135692397	135693042	TRPC7	ENSG00000069018	354	0.96	0.95	0.59	0.018	NA
chr5	138713814	138714340	SLC23A1	ENSG00000170482	1825	0.93	0.84	0.59	0.091	NA
chr5	174905342	174906065	SFXN1	ENSG00000164466	305	0.22	0.19	0.59	0.026	NA
chr5	70196442	70196952	SERF1A	ENSG00000172058	205	0.38	0.23	0.6	0.14	NA
chr5	135415069	135415307	VTRNA2-1	ENSG00000202030	1098	0.99	0.96	0.6	0.027	NA
chr5	148033472	148034080	HTR4	ENSG00000164270	-60	0.17	0.19	0.6	-0.022	NA
chr5	158526133	158526431	EBF1	ENSG00000164330	419	0.16	0.19	0.6	-0.023	NA
chr5	442820	443604	C5orf55	ENSG00000221990	46	0.31	0.36	0.61	-0.047	NA
chr5	138533870	138534113	SIL1	ENSG00000120725	-5	0.26	0.18	0.61	0.087	NA
chr5	176943525	176944508	DDX41	ENSG00000183258	-120	0.18	0.2	0.61	-0.016	NA
chr5	20305562	20305936	RP11-420O16.1	ENSG00000249854	75	0.97	0.98	0.62	-0.0096	NA
chr5	172261145	172261671	ERGIC1	ENSG00000113719	130	0.15	0.13	0.62	0.027	NA
chr5	149828881	149829631	RPS14	ENSG00000164587	3	0.25	0.22	0.63	0.024	NA
chr5	31532110	31532537	DROSHA	ENSG00000113360	-155	0.23	0.28	0.64	-0.051	NA
chr5	65017603	65018512	SGTB	ENSG00000197860	-100	0.23	0.21	0.64	0.023	NA
chr5	177019064	177019634	TMED9	ENSG00000184840	190	0.24	0.21	0.64	0.032	NA
chr5	179105169	179106412	CANX	ENSG00000127022	161	0.22	0.2	0.64	0.023	NA
chr5	37379266	37379656	WDR70	ENSG00000082068	147	0.33	0.25	0.65	0.079	NA
chr5	83017894	83018358	HAPLN1	ENSG00000145681	-694	0.13	0.15	0.65	-0.018	NA
chr5	95066876	95067812	RHOBTB3	ENSG00000164292	465	0.15	0.17	0.65	-0.017	NA
chr5	133707020	133707892	UBE2B	ENSG00000119048	296	0.19	0.22	0.65	-0.023	NA
chr5	139936755	139937193	SRA1	ENSG00000213523	57	0.21	0.18	0.65	0.032	NA
chr5	148650920	148651772	AFAP1L1	ENSG00000157510	-88	0.21	0.19	0.65	0.016	NA
chr5	157117149	157118379	AC008694.3	ENSG00000253798	-490	0.8	0.82	0.65	-0.017	NA
chr5	176513886	176514433	FGFR4	ENSG00000160867	272	0.17	0.16	0.65	0.018	NA
chr5	112849265	112849982	YTHDC2	ENSG00000047188	243	0.23	0.21	0.66	0.022	NA
chr5	95296368	95297438	ELL2	ENSG00000118985	583	0.19	0.18	0.67	0.018	NA
chr5	17216489	17217036	AC091878.1	ENSG00000215196	394	0.27	0.24	0.68	0.034	NA
chr5	53605932	53606798	ARL15	ENSG00000185305	-120	0.14	0.17	0.68	-0.021	NA
chr5	56469018	56470521	GPBP1	ENSG00000062194	-6	0.21	0.23	0.68	-0.019	NA

chr5	71713267	71713859	CTC-349J22.1	ENSG00000251108	247	1	0.94	0.68	0.056	NA
chr5	132361823	132362317	ZCCHC10	ENSG00000155329	156	0.14	0.15	0.68	-0.014	NA
chr5	133702629	133702905	CDKL3	ENSG00000006837	-6	0.24	0.21	0.68	0.025	NA
chr5	140699898	140700495	TAF7	ENSG00000178913	134	0.18	0.17	0.68	0.015	NA
chr5	101632049	101632373	SLCO4C1	ENSG00000173930	42	0.17	0.1	0.69	0.069	NA
chr5	130506330	130506786	LYRM7	ENSG00000186687	55	0.41	0.29	0.69	0.12	NA
chr5	153418183	153418669	FAM114A2	ENSG00000055147	-119	0.19	0.21	0.69	-0.015	NA
chr5	464887	465666	EXOC3	ENSG00000180104	372	0.96	0.97	0.7	-0.0088	NA
chr5	32585603	32586365	SUB1	ENSG00000113387	379	0.25	0.27	0.7	-0.021	NA
chr5	63801781	63802605	RGS7BP	ENSG00000186479	109	0.19	0.17	0.7	0.023	NA
chr5	82373102	82373347	TMEM167A	ENSG00000174695	-38	0.2	0.22	0.7	-0.023	NA
chr5	158690013	158690541	UBLCP1	ENSG00000164332	188	0.32	0.36	0.7	-0.041	NA
chr5	169010593	169011175	CCDC99	ENSG00000040275	246	0.3	0.32	0.7	-0.024	NA
chr5	68665087	68665866	RAD17	ENSG00000152942	356	0.23	0.21	0.71	0.021	NA
chr5	149109570	149111750	PPARGC1B	ENSG00000155846	799	0.19	0.2	0.71	-0.0086	NA
chr5	34915293	34916240	BRIX1	ENSG00000113460	285	0.23	0.25	0.72	-0.017	NA
chr5	74907286	74907770	ANKDD1B	ENSG00000189045	227	0.33	0.37	0.72	-0.04	NA
chr5	81573833	81574295	RPS23	ENSG00000186468	-102	0.28	0.19	0.72	0.089	NA
chr5	89769625	89770856	POLR3G	ENSG00000113356	364	0.26	0.24	0.72	0.018	NA
chr5	101834354	101834740	SLCO6A1	ENSG00000205359	-193	0.96	1	0.72	-0.044	NA
chr5	122424905	122425958	AC106786.1	ENSG00000223652	-441	0.15	0.16	0.72	-0.012	NA
chr5	162864384	162865007	CCNG1	ENSG00000113328	120	0.2	0.16	0.72	0.038	NA
chr5	6632740	6634162	NSUN2	ENSG00000037474	-296	0.19	0.18	0.73	0.011	NA
chr5	14487930	14488536	TRIO	ENSG00000038382	-324	0.95	0.98	0.73	-0.027	NA
chr5	43483519	43484555	C5orf28	ENSG00000151881	-99	0.21	0.23	0.73	-0.013	NA
chr5	54522302	54523533	RP11-528L24.3	ENSG00000234602	173	0.22	0.23	0.73	-0.011	NA
chr5	150400000	150400490	GPX3	ENSG00000211445	121	0.18	0.2	0.73	-0.024	NA
chr5	178487146	178487921	ZNF354C	ENSG00000177932	117	0.14	0.16	0.73	-0.013	NA
chr5	179004497	179004836	RUFY1	ENSG00000176783	552	0.93	0.95	0.73	-0.017	NA
chr5	179222608	179223825	LTC4S	ENSG00000213316	660	0.24	0.25	0.73	-0.011	NA

chr5	54528095	54528404	CCNO	ENSG00000152669	1176	0.26	0.22	0.74	0.044	NA
chr5	110408704	110409039	TSLP	ENSG00000145777	-141	0.23	0.2	0.74	0.033	NA
chr5	176860862	176861098	GRK6	ENSG00000198055	1746	0.95	1	0.74	-0.045	NA
chr5	39073881	39075236	RICTOR	ENSG00000164327	-67	0.19	0.2	0.75	-0.016	NA
chr5	87980878	87981272	CTC-547D20.1	ENSG00000245526	-322	0.25	0.23	0.75	0.022	NA
chr5	180397288	180397563	CTD-2593A12.3	ENSG00000249287	337	1	0.98	0.75	0.022	NA
chr5	7289733	7290153	RP11-404K5.1	ENSG00000247732	-993	0.98	0.97	0.76	0.01	NA
chr5	40679502	40682081	PTGER4	ENSG00000171522	1191	0.21	0.22	0.76	-0.0076	NA
chr5	74348241	74349681	RP11-229C3.2	ENSG00000250889	-493	0.18	0.17	0.76	0.0086	NA
chr5	80597320	80597734	CTC-281B15.1	ENSG00000247572	-185	0.18	0.15	0.76	0.029	NA
chr5	98104578	98106270	RGMB	ENSG00000174136	426	0.28	0.26	0.76	0.018	NA
chr5	131346892	131347776	AC034228.2	ENSG00000231585	193	0.2	0.22	0.76	-0.018	NA
chr5	131825842	131826935	IRF1	ENSG00000125347	-463	0.16	0.17	0.76	-0.0084	NA
chr5	132946744	132948467	FSTL4	ENSG00000053108	618	0.22	0.23	0.76	-0.0094	NA
chr5	135265848	135266517	FBXL21	ENSG00000164616	176	0.19	0.2	0.76	-0.014	NA
chr5	175298515	175300066	CPLX2	ENSG00000145920	709	0.24	0.23	0.76	0.011	NA
chr5	1467831	1468263	LPCAT1	ENSG00000153395	-607	0.79	0.84	0.77	-0.048	NA
chr5	139227605	139228279	CTB-35F21.4	ENSG00000250692	67	0.16	0.17	0.77	-0.011	NA
chr5	179285250	179286416	C5orf45	ENSG00000161010	-36	0.18	0.2	0.77	-0.015	NA
chr5	92007	92438	CTD-2231H16.1	ENSG00000249430	-44	0.27	0.28	0.78	-0.016	NA
chr5	72746989	72747587	RP11-79P5.7	ENSG00000251604	-35	0.23	0.25	0.78	-0.02	NA
chr5	149339931	149340951	SLC26A2	ENSG00000155850	141	0.18	0.17	0.78	0.011	NA
chr5	176734599	176734944	MXD3	ENSG00000213347	292	0.86	0.83	0.78	0.024	NA
chr5	54468783	54469324	CDC20B	ENSG00000164287	-210	0.22	0.2	0.79	0.022	NA
chr5	79783635	79784145	CTD-2015H6.3	ENSG00000249042	-118	0.21	0.2	0.79	0.014	NA
chr5	143584743	143585064	KCTD16	ENSG00000183775	63	0.28	0.32	0.79	-0.047	NA
chr5	150080131	150080703	RBM22	ENSG00000086589	-234	0.24	0.23	0.79	0.012	NA
chr5	176693340	176693631	NSD1	ENSG00000165671	104	0.97	0.99	0.79	-0.017	NA
chr5	113391071	113392005	RP11-371M22.1	ENSG00000251628	-165	0.25	0.24	0.8	0.017	NA
chr5	139927157	139927491	EIF4EBP3	ENSG00000243056	73	0.21	0.19	0.8	0.015	NA

chr5	52083946	52084287	CTD-2288O8.1	ENSG00000248898	-256	0.27	0.24	0.81	0.031	NA
chr5	108083987	108085203	FER	ENSG00000151422	495	0.2	0.2	0.81	-0.0087	NA
chr5	150537019	150537418	ANXA6	ENSG00000197043	90	0.16	0.19	0.81	-0.03	NA
chr5	474958	475319	CTD-2228K2.5	ENSG00000188242	-1925	0.2	0.22	0.82	-0.021	NA
chr5	92919558	92921430	RP11-65F13.2	ENSG00000237187	860	0.2	0.2	0.82	-0.0055	NA
chr5	140595008	140595880	PCDHB13	ENSG00000187372	1748	0.66	0.63	0.82	0.027	NA
chr5	141348531	141349104	RNF14	ENSG00000013561	213	0.18	0.2	0.82	-0.023	NA
chr5	141392360	141392587	GNPDA1	ENSG00000113552	65	0.16	0.18	0.82	-0.022	NA
chr5	148520992	148521467	ABLIM3	ENSG00000173210	183	0.23	0.21	0.82	0.015	NA
chr5	41869663	41870876	CTD-2062O1.3	ENSG00000248668	137	0.21	0.2	0.83	0.0097	NA
chr5	122736626	122736987	KRT8P33	ENSG00000250539	1232	0.99	0.97	0.83	0.015	NA
chr5	1064132	1064468	SLC12A7	ENSG00000113504	-303	0.9	0.92	0.84	-0.012	NA
chr5	32312338	32313469	MTMR12	ENSG00000150712	127	0.2	0.19	0.84	0.011	NA
chr5	36151497	36152379	LMBRD2	ENSG00000164187	73	0.21	0.18	0.84	0.029	NA
chr5	37834671	37835128	GDNF	ENSG00000168621	111	0.17	0.22	0.84	-0.051	NA
chr5	73980913	73981521	HEXB	ENSG00000049860	248	0.18	0.19	0.84	-0.016	NA
chr5	139174904	139176172	PSD2	ENSG00000146005	132	0.18	0.17	0.84	0.0066	NA
chr5	141030918	141031177	FCHSD1	ENSG00000197948	-104	0.13	0.16	0.84	-0.028	NA
chr5	154317459	154317930	GEMIN5	ENSG00000082516	75	0.18	0.21	0.84	-0.023	NA
chr5	125936522	125937100	PHAX	ENSG00000164902	194	0.15	0.14	0.85	0.012	NA
chr5	154134139	154137009	LARP1	ENSG00000155506	439	0.23	0.22	0.85	0.0051	NA
chr5	169659830	169660229	C5orf58	ENSG00000234511	85	0.96	1	0.85	-0.036	NA
chr5	179334344	179335115	TBC1D9B	ENSG00000197226	123	0.27	0.26	0.85	0.012	NA
chr5	180229375	180230147	MGAT1	ENSG00000131446	6	0.22	0.23	0.85	-0.0098	NA
chr5	41925289	41925716	FBXO4	ENSG00000151876	146	0.42	0.5	0.86	-0.083	NA
chr5	115420581	115421165	COMMD10	ENSG00000145781	185	0.26	0.22	0.86	0.035	NA
chr5	180055849	180056126	FLT4	ENSG00000037280	351	0.94	1	0.86	-0.059	NA
chr5	72860959	72861610	ANKRA2	ENSG00000164331	-255	0.28	0.27	0.87	0.012	NA
chr5	81045904	81047849	SSBP2	ENSG00000145687	-300	0.21	0.22	0.87	-0.0061	NA
chr5	131629230	131630797	SLC22A4	ENSG00000197208	-123	0.21	0.21	0.87	-0.006	NA

chr5	42424338	42425047	GHR	ENSG00000112964	72	0.18	0.29	0.88	-0.1	NA
chr5	76249435	76250528	CRHBP	ENSG00000145708	739	0.21	0.2	0.88	0.0051	NA
chr5	118406744	118407442	DMXL1	ENSG00000172869	193	0.17	0.19	0.88	-0.012	NA
chr5	10249760	10251000	FAM173B	ENSG00000150756	-383	0.25	0.23	0.89	0.013	NA
chr5	16616509	16617428	FAM134B	ENSG00000154153	179	0.18	0.17	0.89	0.0065	NA
chr5	70751401	70751887	BDP1	ENSG00000145734	202	0.18	0.17	0.89	0.017	NA
chr5	88185224	88185589	CTC-454M9.1	ENSG00000248309	144	0.36	0.4	0.89	-0.042	NA
chr5	93953913	93954843	ANKRD32	ENSG00000133302	326	0.28	0.27	0.89	0.0079	NA
chr5	157001468	157001756	ADAM19	ENSG00000135074	1137	0.38	0.5	0.89	-0.12	NA
chr5	176827081	176827754	PFN3	ENSG00000196570	220	0.18	0.19	0.89	-0.013	NA
chr5	134870740	134872051	NEUROG1	ENSG00000181965	244	0.23	0.23	0.9	0.0037	NA
chr5	157002174	157003182	ADAM19	ENSG00000135074	71	0.22	0.21	0.9	0.009	NA
chr5	87985470	87985810	CTC-547D20.1	ENSG00000245526	1218	0.18	0.2	0.91	-0.018	NA
chr5	126112229	126114229	LMNB1	ENSG00000113368	914	0.21	0.21	0.91	-0.0034	NA
chr5	156886969	156887440	NIPAL4	ENSG00000172548	177	0.25	0.26	0.91	-0.014	NA
chr5	157158378	157158856	THG1L	ENSG00000113272	189	0.18	0.16	0.91	0.016	NA
chr5	177433281	177434067	FAM153C	ENSG00000204677	268	0.25	0.11	0.91	0.14	NA
chr5	43120926	43122005	ZNF131	ENSG00000172262	480	0.19	0.19	0.92	-0.0052	NA
chr5	145582725	145583511	RBM27	ENSG00000091009	5	0.28	0.29	0.92	-0.014	NA
chr5	169533080	169533534	FOXI1	ENSG00000168269	390	0.95	0.94	0.92	0.01	NA
chr5	45695394	45696510	HCN1	ENSG00000164588	301	0.18	0.17	0.93	0.0077	NA
chr5	112630219	112630624	MCC	ENSG00000171444	214	0.19	0.2	0.93	-0.017	NA
chr5	140201440	140201657	PCDHA5	ENSG00000204965	187	0.56	0.58	0.93	-0.02	NA
chr5	1594238	1595027	SDHAP3	ENSG00000185986	103	0.19	0.2	0.94	-0.0067	NA
chr5	159343215	159343574	ADRA1B	ENSG00000170214	-396	0.19	0.22	0.94	-0.032	NA
chr5	60240779	60241490	ERCC8	ENSG00000049167	-256	0.29	0.25	0.95	0.041	NA
chr5	159738781	159739913	CCNJL	ENSG00000135083	136	0.23	0.22	0.95	0.0044	NA
chr5	54603209	54603904	DHX29	ENSG00000067248	-188	0.21	0.2	0.96	0.01	NA
chr5	54830148	54831120	PPAP2A	ENSG00000067113	145	0.2	0.2	0.96	0.0034	NA
chr5	59995374	59996331	DEPDC1B	ENSG00000035499	109	0.16	0.16	0.96	-0.0037	NA

chr5	72921593	72922527	RP11-428C6.1	ENSG00000214944	77	0.2	0.2	0.96	0.0051	NA
chr5	77071645	77072303	TBCA	ENSG00000171530	111	0.25	0.24	0.96	0.0055	NA
chr5	78908219	78908691	PAPD4	ENSG00000164329	212	0.26	0.28	0.96	-0.014	NA
chr5	31193952	31194419	CDH6	ENSG00000113361	309	0.29	0.28	0.97	0.012	NA
chr5	68513514	68514200	MRPS36	ENSG00000134056	270	0.33	0.32	0.98	0.0095	NA
chr5	76934581	76935296	OTP	ENSG00000171540	-416	0.12	0.13	0.98	-0.0096	NA
chr5	130599335	130600406	CDC42SE2	ENSG00000158985	511	0.17	0.18	0.98	-0.0045	NA
chr5	176056520	176057494	SNCB	ENSG00000074317	-12	0.32	0.31	0.98	0.0078	NA
chr5	180650917	180651121	TRIM41	ENSG00000146063	-20	0.24	0.27	0.98	-0.031	NA
chr5	40755537	40756257	TTC33	ENSG00000113638	150	0.2	0.21	0.99	-0.011	NA
chr5	55776604	55777233	CTC-236F12.4	ENSG00000248727	678	0.25	0.26	0.99	-0.014	NA
chr5	80255904	80257006	RASGRF2	ENSG00000113319	-36	0.19	0.2	0.99	-0.0037	NA
chr5	111496407	111497040	NCRNA00219	ENSG00000224032	134	0.21	0.21	0.99	-0.0071	NA
chr5	172754056	172757098	STC2	ENSG00000113739	-521	0.22	0.22	0.99	0.0014	NA
chr5	218036	219128	CCDC127	ENSG00000164366	-252	0.21	0.21	1	0.00035	NA
chr5	1080029	1080491	SLC12A7	ENSG00000113504	1513	0.92	0.91	1	0.0068	NA
chr5	1335077	1335280	CLPTM1L	ENSG00000049656	58	0.97	0.98	1	-0.0012	NA
chr5	1466074	1466457	LPCAT1	ENSG00000153395	1175	0.94	1	1	-0.061	NA
chr5	1553035	1553269	CTD-2245E15.3	ENSG00000251532	-1327	0.17	0.13	1	0.035	NA
chr5	1851342	1851564	CTD-2194D22.1	ENSG00000249966	389	0.27	0.29	1	-0.021	NA
chr5	10441605	10442512	ROPN1L	ENSG00000145491	422	0.21	0.21	1	0.0031	NA
chr5	15500076	15500923	FBXL7	ENSG00000183580	194	0.18	0.18	1	0.0014	NA
chr5	15936641	15937316	MIR887	ENSG00000216077	1687	0.98	0.98	1	-0.0012	NA
chr5	16465238	16466460	ZNF622	ENSG00000173545	52	0.32	0.32	1	-0.0039	NA
chr5	17491457	17491873	RP11-321E2.13	ENSG00000249165	213	0.99	0.98	1	0.0053	NA
chr5	17655252	17655723	RP11-432M8.17	ENSG00000248945	254	0.98	1	1	-0.02	NA
chr5	26669548	26669904	CTD-2533K21.3	ENSG00000230571	271	0.97	0.97	1	-0.0054	NA
chr5	33502054	33502363	CTD-2233C11.3	ENSG00000249360	31	0.96	0.95	1	0.0087	NA
chr5	43556419	43557603	PAIP1	ENSG00000172239	-531	0.21	0.21	1	0.00065	NA
chr5	43602977	43603650	RP11-159F24.1	ENSG00000248092	-274	0.22	0.23	1	-0.0062	NA

chr5	61708394	61709056	IPO11	ENSG00000086200	237	0.24	0.24	1	0.0041	NA
chr5	64919914	64920288	TRIM23	ENSG00000113595	22	0.33	0.33	1	-0.0053	NA
chr5	75469968	75470173	RP11-466P24.2	ENSG00000254893	-62	1	1	1	0	NA
chr5	77943868	77945220	LHFPL2	ENSG00000145685	-104	0.2	0.2	1	-0.0027	NA
chr5	83678137	83678394	EDIL3	ENSG00000164176	1939	0.5	1	1	-0.5	NA
chr5	87898488	87898736	CTC-470C15.1	ENSG00000250705	14	0.95	0.96	1	-0.014	NA
chr5	88179866	88180258	MEF2C	ENSG00000081189	323	0.28	0.27	1	0.0035	NA
chr5	89825116	89825804	GPR98	ENSG00000164199	299	0.17	0.18	1	-0.0094	NA
chr5	90576347	90576629	RP11-213H15.1	ENSG00000234292	471	0.13	0.11	1	0.024	NA
chr5	94890407	94891169	TTC37	ENSG00000198677	-140	0.16	0.17	1	-0.0092	NA
chr5	94982329	94982694	RFESD	ENSG00000175449	53	0.22	0.21	1	0.0089	NA
chr5	98108678	98110307	CTC-463N11.3	ENSG00000246763	-716	0.2	0.21	1	-0.0025	NA
chr5	102594435	102595550	C5orf30	ENSG00000181751	255	0.22	0.22	1	-0.0016	NA
chr5	109220986	109221247	AC011366.4	ENSG00000253224	8	0.98	0.98	1	0.0051	NA
chr5	114504910	114506598	TRIM36	ENSG00000152503	-327	0.2	0.2	1	-0.0022	NA
chr5	115783075	115783425	CTB-118N6.3	ENSG00000248445	7	0.97	0.98	1	-0.011	NA
chr5	119800971	119801194	PRR16	ENSG00000184838	-244	0.28	0.33	1	-0.052	NA
chr5	121187387	121188124	FTMT	ENSG00000181867	105	0.98	0.98	1	0.0023	NA
chr5	122847661	122848292	CSNK1G3	ENSG00000151292	183	0.22	0.21	1	0.011	NA
chr5	127871958	127872263	FBN2	ENSG00000138829	1404	0.54	0.53	1	0.0076	NA
chr5	131746225	131746876	C5orf56	ENSG00000197536	222	0.24	0.24	1	-0.0009	NA
chr5	131892564	131892957	RAD50	ENSG00000113522	144	0.18	0.18	1	-0.0033	NA
chr5	132201901	132202753	GDF9	ENSG00000164404	-89	0.3	0.31	1	-0.0055	NA
chr5	134181483	134182250	C5orf24	ENSG00000181904	188	0.23	0.22	1	0.0061	NA
chr5	135364507	135365036	TGFBI	ENSG00000120708	187	0.11	0.11	1	-0.0043	NA
chr5	135416204	135416475	VTRNA2-1	ENSG00000202030	-53	0.8	0.6	1	0.2	NA
chr5	135468349	135469162	SMAD5	ENSG00000113658	221	0.17	0.17	1	0.001	NA
chr5	137673380	137674328	FAM53C	ENSG00000120709	150	0.27	0.29	1	-0.024	NA
chr5	138677333	138678248	PAIP2	ENSG00000120727	269	0.24	0.24	1	0.0021	NA
chr5	139486931	139487672	CTB-131B5.4	ENSG00000245146	-250	0.23	0.23	1	0.005	NA

chr5	139492723	139492966	PURA	ENSG00000185129	331	0.09	0.13	1	-0.04	NA
chr5	140261884	140262153	PCDHA13	ENSG00000239389	164	1	0.9	1	0.1	NA
chr5	140502890	140503804	PCDHB4	ENSG00000081818	1766	0.83	0.75	1	0.078	NA
chr5	140573423	140574316	PCDHB10	ENSG00000120324	1927	0.46	0.5	1	-0.042	NA
chr5	146888750	146889840	DPYSL3	ENSG00000113657	-197	0.19	0.2	1	-0.0041	NA
chr5	148960797	148961203	ARHGEF37	ENSG00000183111	-36	0.24	0.25	1	-0.011	NA
chr5	149379964	149380802	TIGD6	ENSG00000164296	-167	0.22	0.22	1	-0.001	NA
chr5	150460086	150460864	TNIP1	ENSG00000145901	101	0.2	0.2	1	-0.0041	NA
chr5	153825417	153826526	SAP30L	ENSG00000164576	454	0.2	0.2	1	0.001	NA
chr5	158527374	158527983	RP11-175K6.1	ENSG00000245812	187	0.34	0.35	1	-0.012	NA
chr5	159826808	159827111	C5orf54	ENSG00000221886	84	0.23	0.18	1	0.051	NA
chr5	159845996	159846260	SLU7	ENSG00000164609	-40	0.24	0.25	1	-0.014	NA
chr5	162932454	162932946	MAT2B	ENSG00000038274	146	0.21	0.22	1	-0.005	NA
chr5	171711372	171711583	UBTD2	ENSG00000168246	-402	1	1	1	0	NA
chr5	176520157	176520622	FGFR4	ENSG00000160867	213	0.97	0.97	1	0.00085	NA
chr5	176980789	176981789	FAM193B	ENSG00000146067	59	0.2	0.2	1	-0.0029	NA
chr5	177031165	177031584	B4GALT7	ENSG00000027847	61	0.9	0.9	1	-0.0004	NA
chr5	177482699	177482961	RP11-889L3.1	ENSG00000218227	225	1	1	1	0	NA
chr5	178156129	178156555	ZNF354A	ENSG00000169131	42	0.98	1	1	-0.018	NA
chr5	178413296	178413731	GRM6	ENSG00000113262	-260	0.99	1	1	-0.011	NA
chr5	179159467	179160534	MAML1	ENSG00000161021	149	0.21	0.22	1	-0.0063	NA
chr5	179247784	179248711	SQSTM1	ENSG00000161011	369	0.23	0.23	1	0.0021	NA
chr5	179563199	179563779	RASGEF1C	ENSG00000146090	89	0.98	0.98	1	-0.0011	NA
chr5	180661182	180661555	TRIM41	ENSG00000146063	662	1	0.97	1	0.034	NA
chr5	865317	865642	BRD9	ENSG00000028310	1137	0.91	NA	NA	NA	NA
chr5	1879689	1879928	IRX4	ENSG00000113430	1399	0.96	NA	NA	NA	NA
chr5	13810126	13810333	DNAH5	ENSG00000039139	403	1	NA	NA	NA	NA
chr5	21459469	21459852	RP11-823P9.1	ENSG00000183666	71	0.38	NA	NA	NA	NA
chr5	41509783	41510166	PLCXD3	ENSG00000182836	729	NA	0.67	NA	NA	NA
chr5	41510324	41510651	PLCXD3	ENSG00000182836	216	0.22	NA	NA	NA	NA

chr5	43515133	43515349	C5orf34	ENSG00000172244	-61	1	NA	NA	NA	NA
chr5	64064243	64064538	SREK1IP1	ENSG00000153006	56	0.2	NA	NA	NA	NA
chr5	68530597	68531001	CDK7	ENSG00000134058	131	0.34	NA	NA	NA	NA
chr5	69345366	69345821	SMN2	ENSG00000205571	154	1	NA	NA	NA	NA
chr5	70220784	70221239	SMN1	ENSG00000172062	154	NA	0.12	NA	NA	NA
chr5	74349800	74350239	RP11-229C3.2	ENSG00000250889	-1351	0.17	NA	NA	NA	NA
chr5	87955638	87955864	CTC-547D20.1	ENSG00000245526	-98	0.22	NA	NA	NA	NA
chr5	89705343	89705580	CETN3	ENSG00000153140	88	NA	0.26	NA	NA	NA
chr5	102091449	102091666	PAM	ENSG00000145730	510	0.28	NA	NA	NA	NA
chr5	121648312	121648549	SNCAIP	ENSG00000064692	-89	0.23	NA	NA	NA	NA
chr5	137514660	137514941	BRD8	ENSG00000112983	-125	0.12	NA	NA	NA	NA
chr5	137667502	137668037	CDC25C	ENSG00000158402	-253	0.17	NA	NA	NA	NA
chr5	140180844	140181082	PCDHA3	ENSG00000255408	180	0.89	NA	NA	NA	NA
chr5	140235737	140236033	PCDHA10	ENSG00000250120	251	0.9	NA	NA	NA	NA
chr5	140745531	140745893	PCDHGA5	ENSG00000253485	1814	1	NA	NA	NA	NA
chr5	140772385	140772682	PCDHGA8	ENSG00000253767	152	0.83	NA	NA	NA	NA
chr5	140857864	140858065	AC008781.1	ENSG00000242020	-919	0.92	NA	NA	NA	NA
chr5	150325904	150326194	ZNF300P1	ENSG00000197083	-198	0.21	NA	NA	NA	NA
chr5	151304226	151304824	GLRA1	ENSG00000145888	-132	0.32	NA	NA	NA	NA
chr5	159848779	159849113	PTTG1	ENSG00000164611	117	0.5	NA	NA	NA	NA
chr5	172386893	172387102	RPL26L1	ENSG00000037241	229	0.5	NA	NA	NA	NA
chr5	177302423	177302879	RP11-423H2.1	ENSG00000170089	128	0.38	NA	NA	NA	NA
chr5	179061209	179061672	HNRNPH1	ENSG00000169045	1	0.5	NA	NA	NA	NA
chr5	179084875	179085338	RP11-1379J22.5	ENSG00000250999	-131	0.14	NA	NA	NA	NA
chr5	180542153	180542402	CTB-14A14.2	ENSG00000248560	1171	1	NA	NA	NA	NA
chr6	3849271	3851048	FAM50B	ENSG00000145945	539	0.71	0.54	1.10E-09	0.17	NA
chr6	25139920	25140246	RP3-425P12.4	ENSG00000219682	-129	0.97	0.78	1.40E-09	0.19	NA
chr6	50682334	50683214	TFAP2D	ENSG00000008197	1233	0.53	0.29	5.80E-09	0.24	NA
chr6	3224916	3225634	AL445309.1	ENSG00000221674	-491	0.54	0.97	9.70E-09	-0.43	NA
chr6	12749877	12750499	PHACTR1	ENSG00000112137	521	0.32	0.13	1.60E-08	0.19	NA

chr6	10410109	10410690	TFAP2A	ENSG00000137203	-72	0.51	0.21	2.20E-08	0.3	NA
chr6	108495654	108495986	NR2E1	ENSG00000112333	-1488	0.94	0.64	2.30E-08	0.3	NA
chr6	45389420	45391646	RUNX2	ENSG00000124813	619	0.29	0.18	2.50E-08	0.11	NA
chr6	35754713	35754914	C6orf127	ENSG00000204140	-4	0.67	0.32	3.20E-08	0.35	NA
chr6	18122250	18122994	NHLRC1	ENSG00000187566	229	0.46	0.23	8.00E-08	0.23	NA
chr6	41604583	41606663	MDFI	ENSG00000112559	1003	0.41	0.28	1.10E-07	0.13	NA
chr6	70992040	70992912	COL9A1	ENSG00000112280	279	0.47	0.23	1.70E-07	0.24	NA
chr6	146350522	146350780	GRM1	ENSG00000152822	29	0.45	0.15	1.80E-07	0.31	NA
chr6	139116946	139117469	ECT2L	ENSG00000203734	144	0.9	0.53	2.60E-07	0.37	NA
chr6	52441269	52441793	TRAM2	ENSG00000065308	182	0.39	0.16	5.70E-07	0.23	NA
chr6	99275763	99276038	RP11-67P15.1	ENSG00000187472	955	0.88	0.51	5.80E-07	0.37	NA
chr6	166579973	166583423	T	ENSG00000164458	-335	0.29	0.19	2.00E-06	0.092	NA
chr6	39016307	39016998	GLP1R	ENSG00000112164	78	0.36	0.17	2.30E-06	0.19	NA
chr6	87832219	87832610	RCN1P1	ENSG00000215477	-8	0.68	0.41	2.40E-06	0.27	NA
chr6	123317164	123317753	CLVS2	ENSG00000146352	342	0.12	0.33	2.40E-06	-0.21	NA
chr6	151560766	151560993	AKAP12	ENSG00000131016	-255	0.78	0.28	3.00E-06	0.5	NA
chr6	90142751	90143635	ANKRD6	ENSG00000135299	304	0.42	0.16	3.30E-06	0.26	NA
chr6	157801062	157803377	ZDHHC14	ENSG00000175048	54	0.24	0.16	3.40E-06	0.087	NA
chr6	10887184	10887622	SYCP2L	ENSG00000153157	339	0.57	0.2	3.60E-06	0.37	NA
chr6	29855295	29856565	HLA-H	ENSG00000206341	580	0.88	0.18	4.30E-06	0.7	NA
chr6	106959764	106960985	AIM1	ENSG00000112297	644	0.29	0.17	4.30E-06	0.12	NA
chr6	56911202	56911988	KIAA1586	ENSG00000168116	248	0.29	0.06	7.60E-06	0.23	NA
chr6	119215454	119216457	MCM9	ENSG00000111877	-435	0.3	0.16	8.10E-06	0.14	NA
chr6	108497595	108497996	NR2E1	ENSG00000112333	487	0.88	0.51	9.00E-06	0.38	NA
chr6	151711094	151712829	ZBTB2	ENSG00000181472	722	0.26	0.16	3.70E-05	0.1	NA
chr6	43477221	43478553	POLR1C	ENSG00000171453	447	0.28	0.17	4.20E-05	0.11	NA
chr6	134210639	134211218	TCF21	ENSG00000118526	455	0.58	0.28	4.30E-05	0.3	NA
chr6	166720239	166722275	PRR18	ENSG00000176381	614	0.26	0.17	5.20E-05	0.085	NA
chr6	43026939	43027841	MRPL2	ENSG00000112651	-284	0.19	0.39	5.70E-05	-0.2	NA
chr6	168841818	168843100	SMOC2	ENSG00000112562	628	0.3	0.19	6.60E-05	0.12	NA

chr6	74233268	74233546	RP11-505P4.7	ENSG00000229862	66	0.71	0.34	7.00E-05	0.37	NA
chr6	37400847	37401367	FTSJD2	ENSG00000137200	112	0.13	0.32	9.20E-05	-0.19	NA
chr6	150326011	150326802	RAET1K	ENSG00000218358	-126	0.16	0.41	0.00012	-0.25	NA
chr6	167411597	167413422	RP1-167A14.2	ENSG00000227598	44	0.25	0.16	0.00014	0.088	NA
chr6	167039962	167041679	RPS6KA2	ENSG00000071242	-95	0.24	0.15	0.00018	0.092	NA
chr6	150243902	150244210	RAET1G	ENSG00000203722	90	0.49	0.18	0.00019	0.3	NA
chr6	105627406	105627830	POPDC3	ENSG00000132429	117	0.13	0.27	0.00022	-0.14	NA
chr6	88875397	88877449	CNR1	ENSG00000118432	-789	0.25	0.15	0.00024	0.098	NA
chr6	43196811	43197340	C6orf108	ENSG00000112667	116	0.34	0.15	0.00039	0.2	NA
chr6	89855645	89856538	PM20D2	ENSG00000146281	322	0.26	0.15	4.00E-04	0.11	NA
chr6	25732692	25732957	HIST1H2APS1	ENSG00000216436	131	0.89	0.3	0.00041	0.59	NA
chr6	52149149	52149725	MCM3	ENSG00000112118	68	0.25	0.47	0.00044	-0.22	NA
chr6	99279317	99283842	POU3F2	ENSG00000184486	-1001	0.29	0.21	0.00044	0.08	NA
chr6	37617863	37618147	MDGA1	ENSG00000112139	-1599	0.9	0.52	0.00052	0.39	NA
chr6	33601102	33601733	AL139044.1	ENSG00000246981	-4	0.63	0.32	0.00058	0.31	NA
chr6	41513652	41516189	RP11-328M4.2	ENSG00000234753	-1108	0.32	0.24	0.00067	0.081	NA
chr6	160113557	160114863	SOD2	ENSG00000112096	-528	0.17	0.29	0.00069	-0.12	NA
chr6	14117616	14118206	CD83	ENSG00000112149	39	0.37	0.12	0.00079	0.24	NA
chr6	150184344	150185505	LRP11	ENSG00000120256	238	0.13	0.24	0.00084	-0.11	NA
chr6	46655262	46656738	TDRD6	ENSG00000180113	388	0.98	0.94	0.00086	0.036	NA
chr6	692464	693348	EXOC2	ENSG00000112685	205	0.35	0.15	0.00093	0.19	NA
chr6	13813943	13814946	CCDC90A	ENSG00000050393	345	0.3	0.17	0.00094	0.13	NA
chr6	105307119	105307916	HACE1	ENSG00000085382	-82	0.23	0.12	0.001	0.11	NA
chr6	2971086	2971962	SERPINB6	ENSG00000124570	-84	0.32	0.18	0.0012	0.13	NA
chr6	161412377	161413564	MAP3K4	ENSG00000085511	211	0.21	0.35	0.0013	-0.15	NA
chr6	37616722	37617179	MDGA1	ENSG00000112139	-544	0.96	0.88	0.0014	0.08	NA
chr6	105850481	105851257	PREP	ENSG00000085377	90	0.16	0.27	0.0015	-0.12	NA
chr6	44094708	44096134	MRPL14	ENSG00000180992	-227	0.24	0.15	0.0016	0.083	NA
chr6	2875601	2875811	RP11-420G6.4	ENSG00000230438	1038	0.14	0.42	0.0017	-0.28	NA
chr6	52528939	52529651	RP1-152L7.5	ENSG00000216775	-777	0.4	0.18	0.0017	0.23	NA

chr6	134495939	134496958	SGK1	ENSG00000118515	-468	0.13	0.23	0.0017	-0.098	NA
chr6	26104184	26104502	HIST1H4C	ENSG00000197061	239	0.38	0.12	0.0018	0.26	NA
chr6	36807678	36808808	CPNE5	ENSG00000124772	-465	0.39	0.24	0.0019	0.14	NA
chr6	87861526	87862513	ZNF292	ENSG00000188994	-532	0.25	0.13	0.0019	0.12	NA
chr6	1624185	1625468	GMDS	ENSG00000112699	149	0.85	0.77	0.002	0.083	NA
chr6	35888479	35889060	SRPK1	ENSG00000096063	55	0.28	0.15	0.0021	0.12	NA
chr6	6006689	6007043	NRN1	ENSG00000124785	334	0.42	0.15	0.0024	0.28	NA
chr6	125622704	125623117	HDDC2	ENSG00000111906	210	0.25	0.13	0.0027	0.12	NA
chr6	146136325	146136564	RP11-545I5.3	ENSG00000235652	67	0.2	0.46	0.0029	-0.25	NA
chr6	26538496	26539015	HMGNA4	ENSG00000182952	183	0.33	0.18	0.003	0.15	NA
chr6	118971662	118973137	C6orf204	ENSG00000111860	621	0.24	0.15	0.003	0.092	NA
chr6	39901852	39902299	MOCS1	ENSG00000124615	85	0.37	0.21	0.0033	0.16	NA
chr6	108278909	108279704	SEC63	ENSG00000025796	-171	0.37	0.22	0.0033	0.14	NA
chr6	27100174	27101124	HIST1H2BJ	ENSG00000124635	-120	0.19	0.38	0.0034	-0.19	NA
chr6	86303113	86304061	SNX14	ENSG00000135317	-84	0.25	0.14	0.0039	0.11	NA
chr6	34725063	34725306	SNRPC	ENSG00000124562	1	0.22	0.43	0.0041	-0.21	NA
chr6	49430934	49431136	CENPQ	ENSG00000031691	-61	0.26	0.73	0.0041	-0.47	NA
chr6	13710979	13712556	RANBP9	ENSG00000010017	29	0.18	0.26	0.0042	-0.08	NA
chr6	82461133	82463805	FAM46A	ENSG00000112773	-999	0.26	0.16	0.0042	0.11	NA
chr6	109776194	109777645	MICAL1	ENSG00000135596	-71	0.27	0.19	0.0042	0.078	NA
chr6	131383431	131384371	EPB41L2	ENSG00000079819	-185	0.31	0.2	0.0042	0.11	NA
chr6	18264139	18265100	DEK	ENSG00000124795	-180	0.21	0.13	0.0045	0.083	NA
chr6	35181095	35182547	SCUBE3	ENSG00000146197	-369	0.24	0.15	0.0046	0.088	NA
chr6	136610148	136611285	BCLAF1	ENSG00000029363	203	0.23	0.39	0.0046	-0.17	NA
chr6	108878830	108883404	FOXO3	ENSG00000118689	79	0.27	0.22	0.0055	0.049	NA
chr6	71665360	71667132	B3GAT2	ENSG00000112309	495	0.22	0.16	0.0056	0.06	NA
chr6	99797208	99797946	C6orf168	ENSG00000146267	-46	0.16	0.29	0.006	-0.13	NA
chr6	127836730	127837706	RP3-403A15.5	ENSG00000255330	541	0.19	0.12	0.0063	0.073	NA
chr6	143999154	143999667	PHACTR2	ENSG00000112419	254	0.22	0.12	0.0067	0.11	NA
chr6	110500025	110500966	WASF1	ENSG00000112290	357	0.12	0.23	0.0073	-0.11	NA

chr6	41747590	41747874	FRS3	ENSG00000137218	-94	0.2	0.11	0.0076	0.094	NA
chr6	138724617	138726215	HEBP2	ENSG00000051620	748	0.29	0.19	0.0078	0.1	NA
chr6	7590399	7590926	SNRNP48	ENSG00000168566	230	0.16	0.28	0.008	-0.12	NA
chr6	44191278	44191872	SLC29A1	ENSG00000112759	273	0.13	0.24	0.0082	-0.11	NA
chr6	89790137	89791781	PNRC1	ENSG00000146278	489	0.32	0.19	0.0085	0.14	NA
chr6	116691827	116692868	DSE	ENSG00000111817	237	0.26	0.19	0.0088	0.076	NA
chr6	137112676	137114366	MAP3K5	ENSG00000197442	135	0.22	0.16	0.0088	0.057	NA
chr6	27114222	27115181	HIST1H2BK	ENSG00000197903	-124	0.47	0.13	0.0089	0.34	NA
chr6	7726095	7728161	BMP6	ENSG00000153162	796	0.24	0.18	0.009	0.061	NA
chr6	99395302	99395855	FBXL4	ENSG00000112234	224	0.26	0.13	0.0092	0.13	NA
chr6	137365299	137366126	IL20RA	ENSG00000016402	-327	0.28	0.18	0.0099	0.1	NA
chr6	6008857	6009299	NRN1	ENSG00000124785	-1878	0.25	0.48	0.01	-0.23	NA
chr6	71377385	71378178	SMAP1	ENSG00000112305	302	0.26	0.18	0.011	0.083	NA
chr6	97345266	97345973	NDUFAF4	ENSG00000123545	131	0.24	0.38	0.012	-0.14	NA
chr6	109804094	109804522	ZBTB24	ENSG00000112365	132	0.22	0.41	0.012	-0.19	NA
chr6	123110288	123110878	SMPDL3A	ENSG00000172594	268	0.15	0.23	0.012	-0.087	NA
chr6	37467395	37467800	C6orf129	ENSG00000198937	101	0.26	0.12	0.013	0.14	NA
chr6	42897116	42897611	CNPY3	ENSG00000137161	381	0.21	0.34	0.013	-0.14	NA
chr6	74063519	74064471	DPPA5	ENSG00000203909	23	0.96	0.91	0.013	0.046	NA
chr6	26598108	26598316	ABT1	ENSG00000146109	1032	0.71	0.33	0.015	0.37	NA
chr6	170598214	170601222	DLL1	ENSG00000198719	-157	0.21	0.26	0.015	-0.048	NA
chr6	136870826	136872145	MAP7	ENSG00000135525	161	0.19	0.27	0.018	-0.078	NA
chr6	160389832	160390890	IGF2R	ENSG00000197081	230	0.22	0.17	0.018	0.052	NA
chr6	41039981	41041679	C6orf130	ENSG00000124596	-771	0.23	0.15	0.02	0.088	NA
chr6	83073416	83075319	TPBG	ENSG00000146242	406	0.19	0.14	0.02	0.049	NA
chr6	74104425	74104878	DDX43	ENSG00000080007	180	1	0.79	0.022	0.21	NA
chr6	10419399	10420323	TFAP2A	ENSG00000137203	-74	0.29	0.42	0.023	-0.13	NA
chr6	75994003	75994834	TMEM30A	ENSG00000112697	-391	0.22	0.12	0.023	0.1	NA
chr6	100912071	100913337	SIM1	ENSG00000112246	61	0.18	0.13	0.023	0.055	NA
chr6	109611449	109612230	RP11-425D10.2	ENSG00000219700	-133	0.7	0.79	0.024	-0.083	NA

chr6	142409473	142410112	NMBR	ENSG00000135577	144	0.41	0.3	0.024	0.11	NA
chr6	35479388	35479678	TULP1	ENSG00000112041	211	0.66	0.49	0.025	0.17	NA
chr6	45345185	45346261	SUPT3H	ENSG00000196284	-53	0.27	0.17	0.025	0.1	NA
chr6	74161086	74162090	MB21D1	ENSG00000164430	394	0.19	0.27	0.025	-0.078	NA
chr6	27228100	27228364	AL021808.3	ENSG00000244396	-478	0.35	0.24	0.026	0.11	NA
chr6	27775329	27776258	HIST1H2BL	ENSG00000185130	-84	0.32	0.14	0.026	0.19	NA
chr6	90597207	90597653	RP11-63K6.5	ENSG00000219240	1555	0.23	0.33	0.026	-0.11	NA
chr6	97372181	97372661	KLHL32	ENSG00000186231	-75	0.23	0.09	0.026	0.14	NA
chr6	144605926	144608280	UTRN	ENSG00000152818	266	0.23	0.18	0.026	0.053	NA
chr6	43603495	43603818	MAD2L1BP	ENSG00000124688	100	0.21	0.4	0.027	-0.18	NA
chr6	80714149	80714568	TTK	ENSG00000112742	36	0.26	0.48	0.027	-0.22	NA
chr6	143832389	143832943	FUCA2	ENSG00000001036	133	0.14	0.31	0.027	-0.17	NA
chr6	116783067	116783678	FAM26F	ENSG00000188820	-258	0.28	0.18	0.029	0.096	NA
chr6	91296358	91297081	MAP3K7	ENSG00000135341	-117	0.28	0.18	0.03	0.094	NA
chr6	111303114	111303485	RPF2	ENSG00000197498	81	0.18	0.25	0.03	-0.074	NA
chr6	119669589	119671424	MAN1A1	ENSG00000111885	395	0.31	0.24	0.03	0.068	NA
chr6	139308498	139309559	REPS1	ENSG00000135597	-251	0.25	0.19	0.03	0.065	NA
chr6	43044044	43045057	PTK7	ENSG00000112655	505	0.23	0.17	0.031	0.064	NA
chr6	39196817	39197517	KCNK5	ENSG00000164626	59	0.29	0.19	0.032	0.098	NA
chr6	42109904	42110361	C6orf132	ENSG00000188112	50	0.19	0.11	0.033	0.075	NA
chr6	74171349	74171869	MTO1	ENSG00000135297	155	0.28	0.45	0.033	-0.17	NA
chr6	42928218	42928810	GNMT	ENSG00000124713	18	0.24	0.16	0.034	0.077	NA
chr6	27777855	27778251	HIST1H3H	ENSG00000203813	211	0.15	0.36	0.035	-0.21	NA
chr6	41606994	41607238	MDFI	ENSG00000112559	851	0.19	0.71	0.035	-0.52	NA
chr6	66804630	66804831	RP1-129L7.1	ENSG00000218890	72	0.9	0.97	0.035	-0.071	NA
chr6	146055896	146056981	EPM2A	ENSG00000112425	-45	0.28	0.21	0.035	0.07	NA
chr6	144471069	144472017	STX11	ENSG00000135604	-120	0.23	0.17	0.036	0.061	NA
chr6	111135515	111136913	CDK19	ENSG00000155111	85	0.27	0.21	0.038	0.062	NA
chr6	15662444	15663412	DTNBP1	ENSG00000047579	223	0.23	0.15	0.039	0.08	NA
chr6	34122475	34122949	GRM4	ENSG00000124493	687	0.23	0.15	0.039	0.082	NA

chr6	128901553	128901925	EEF1DP5	ENSG00000213130	290	0.85	0.98	0.039	-0.13	NA
chr6	157744004	157745217	C6orf35	ENSG00000215712	23	0.22	0.32	0.04	-0.11	NA
chr6	13486324	13488792	C6orf114	ENSG00000187461	-1143	0.2	0.26	0.041	-0.053	NA
chr6	106773187	106773803	ATG5	ENSG00000057663	-203	0.23	0.15	0.042	0.078	NA
chr6	127796286	127797356	RP3-403A15.5	ENSG00000255330	-270	0.99	0.96	0.042	0.032	NA
chr6	133135364	133135829	RPS12	ENSG00000112306	16	0.28	0.13	0.042	0.14	NA
chr6	122931153	122931705	PKIB	ENSG00000135549	52	0.38	0.15	0.043	0.23	NA
chr6	166795368	166797301	BRP44L	ENSG00000060762	25	0.19	0.14	0.043	0.051	NA
chr6	37616393	37616621	MDGA1	ENSG00000112139	-101	0.87	0.25	0.044	0.62	NA
chr6	52535714	52535988	TMEM14A	ENSG00000096092	-56	0.52	0.27	0.044	0.25	NA
chr6	132128727	132129563	ENPP1	ENSG00000197594	-11	0.14	0.21	0.044	-0.077	NA
chr6	160768414	160770308	SLC22A3	ENSG00000146477	61	0.42	0.34	0.044	0.071	NA
chr6	26250436	26250827	HIST1H3F	ENSG00000256316	204	0.33	0.18	0.045	0.15	NA
chr6	73867584	73867934	RP11-257K9.3	ENSG00000234025	103	0.69	0.85	0.045	-0.16	NA
chr6	131949087	131949552	MED23	ENSG00000112282	-119	0.25	0.15	0.047	0.093	NA
chr6	24494664	24495670	ALDH5A1	ENSG00000112294	87	0.28	0.21	0.048	0.074	NA
chr6	109761395	109762604	PPIL6	ENSG00000185250	-292	0.19	0.14	0.048	0.051	NA
chr6	34664072	34664407	C6orf106	ENSG00000196821	385	0.27	0.15	0.049	0.12	NA
chr6	143265719	143268791	HIVEP2	ENSG00000010818	-917	0.26	0.22	0.049	0.045	NA
chr6	149887317	149888252	C6orf72	ENSG00000055211	374	0.27	0.18	0.049	0.09	NA
chr6	168476320	168476861	FRMD1	ENSG00000153303	-44	0.79	0.91	0.049	-0.13	NA
chr6	139094449	139095009	CCDC28A	ENSG00000024862	72	0.25	0.12	0.051	0.12	NA
chr6	17102309	17102539	RP3-486B10.1	ENSG00000230873	-65	0.29	0.16	0.055	0.12	NA
chr6	100055641	100055866	PRDM13	ENSG00000112238	1103	0.59	0.36	0.055	0.23	NA
chr6	6007387	6007797	NRN1	ENSG00000124785	-392	0.29	0.45	0.057	-0.16	NA
chr6	7312811	7313656	SSR1	ENSG00000124783	174	0.21	0.29	0.058	-0.084	NA
chr6	99872726	99873206	RP11-98I9.4	ENSG00000228506	168	0.21	0.12	0.058	0.097	NA
chr6	114663328	114664859	HS3ST5	ENSG00000249853	116	0.23	0.18	0.058	0.043	NA
chr6	168435835	168436086	KIF25	ENSG00000125337	1282	0.31	1	0.058	-0.69	NA
chr6	117198089	117198705	RFX6	ENSG00000185002	22	0.34	0.25	0.059	0.098	NA

chr6	161352084	161352386	RP3-428L16.1	ENSG00000231863	123	0.25	0.62	0.059	-0.37	NA
chr6	44280719	44281198	AARS2	ENSG00000124608	105	0.24	0.1	0.061	0.14	NA
chr6	54711153	54712033	FAM83B	ENSG00000168143	24	0.36	0.26	0.061	0.1	NA
chr6	71276541	71277035	C6orf57	ENSG00000154079	168	0.24	0.15	0.061	0.094	NA
chr6	7389634	7390317	CAGE1	ENSG00000164304	-340	0.23	0.17	0.062	0.061	NA
chr6	88411325	88412168	AKIRIN2	ENSG00000135334	181	0.23	0.18	0.062	0.047	NA
chr6	19837504	19839314	ID4	ENSG00000172201	792	0.2	0.17	0.064	0.037	NA
chr6	147728082	147728320	YAP1P1	ENSG00000220494	177	0.99	0.95	0.064	0.04	NA
chr6	43737632	43739852	VEGFA	ENSG00000112715	821	0.21	0.17	0.066	0.037	NA
chr6	3259047	3259738	PSMG4	ENSG00000180822	264	0.15	0.24	0.067	-0.089	NA
chr6	11093587	11094667	RP4-761I2.2	ENSG00000224531	88	0.22	0.14	0.068	0.079	NA
chr6	16128992	16130023	MYLIP	ENSG00000007944	151	0.21	0.26	0.068	-0.051	NA
chr6	110797297	110798201	SLC22A16	ENSG00000004809	-150	0.26	0.19	0.069	0.066	NA
chr6	151646668	151646958	AKAP12	ENSG00000131016	-10	0.14	0.27	0.07	-0.13	NA
chr6	153450992	153452792	RGS17	ENSG00000091844	492	0.25	0.2	0.071	0.053	NA
chr6	43336480	43337832	ZNF318	ENSG00000171467	25	0.22	0.17	0.075	0.049	NA
chr6	146864481	146865426	RAB32	ENSG00000118508	124	0.26	0.2	0.076	0.061	NA
chr6	56407464	56407926	DST	ENSG00000151914	-89	0.23	0.17	0.077	0.068	NA
chr6	26596046	26596321	ABT1	ENSG00000146109	-997	0.26	0.12	0.078	0.13	NA
chr6	150463771	150465002	PPP1R14C	ENSG00000198729	174	0.17	0.23	0.078	-0.06	NA
chr6	34202567	34206193	HMGA1	ENSG00000137309	-197	0.5	0.46	0.079	0.037	NA
chr6	105388190	105389545	C6orf220	ENSG00000203809	-465	0.21	0.17	0.079	0.04	NA
chr6	42016243	42016731	CCND3	ENSG00000112576	-73	0.22	0.14	0.084	0.082	NA
chr6	18155534	18156354	KDM1B	ENSG00000165097	384	0.19	0.25	0.085	-0.061	NA
chr6	64345490	64346465	PHF3	ENSG00000118482	252	0.35	0.25	0.085	0.1	NA
chr6	44187186	44187400	SLC29A1	ENSG00000112759	51	0.37	0.58	0.086	-0.22	NA
chr6	11043913	11045206	RP1-62D2.3	ENSG00000230314	566	0.25	0.2	0.088	0.054	NA
chr6	26056167	26056798	HIST1H1C	ENSG00000187837	217	0.15	0.25	0.088	-0.093	NA
chr6	136571120	136571814	FAM54A	ENSG00000146410	-37	0.32	0.19	0.091	0.13	NA
chr6	126661135	126661387	CENPW	ENSG00000203760	-59	0.34	0.23	0.093	0.1	NA

chr6	88757292	88757879	SPACA1	ENSG00000118434	78	0.6	0.67	0.096	-0.07	NA
chr6	97284830	97285782	GPR63	ENSG00000112218	47	0.17	0.24	0.096	-0.07	NA
chr6	90120874	90122370	RRAGD	ENSG00000025039	-398	0.18	0.23	0.097	-0.044	NA
chr6	88032157	88032429	C6orf162	ENSG00000111850	-13	0.16	0.29	0.098	-0.12	NA
chr6	130686414	130687736	SAMD3	ENSG00000164483	-505	0.22	0.18	0.099	0.043	NA
chr6	42018139	42018604	TAF8	ENSG00000137413	120	0.19	0.27	0.1	-0.078	NA
chr6	101846766	101847135	GRIK2	ENSG00000164418	-204	0.69	0.47	0.1	0.22	NA
chr6	21594613	21596437	SOX4	ENSG00000124766	1454	0.24	0.19	0.11	0.044	NA
chr6	53409120	53410099	GCLC	ENSG00000001084	-203	0.22	0.16	0.11	0.06	NA
chr6	79577158	79577756	IRAK1BP1	ENSG00000146243	268	0.2	0.14	0.11	0.057	NA
chr6	110012365	110012769	AKD1	ENSG00000155085	-152	0.21	0.32	0.11	-0.11	NA
chr6	126277792	126278501	HINT3	ENSG00000111911	219	0.24	0.19	0.11	0.056	NA
chr6	139456037	139457121	HECA	ENSG00000112406	330	0.2	0.16	0.11	0.041	NA
chr6	154830560	154832001	CNKSR3	ENSG00000153721	473	0.22	0.27	0.11	-0.049	NA
chr6	26273290	26273557	HIST1H2BI	ENSG00000168242	279	0.36	0.23	0.12	0.13	NA
chr6	35419879	35420766	FANCE	ENSG00000112039	184	0.18	0.27	0.12	-0.087	NA
chr6	38682949	38683265	DNAH8	ENSG00000124721	-1228	0.34	0.17	0.12	0.17	NA
chr6	43214369	43214591	TTBK1	ENSG00000146216	-1247	0.23	0.13	0.12	0.1	NA
chr6	76311330	76312563	SENP6	ENSG00000112701	324	0.13	0.18	0.12	-0.048	NA
chr6	10882926	10883149	GCM2	ENSG00000124827	-863	0.31	0.2	0.13	0.11	NA
chr6	27279794	27280635	POM121L2	ENSG00000158553	-265	0.26	0.33	0.13	-0.068	NA
chr6	42750449	42751432	KIAA0240	ENSG00000112624	1127	0.21	0.29	0.13	-0.084	NA
chr6	43655271	43655618	MRPS18A	ENSG00000096080	84	0.36	0.28	0.13	0.085	NA
chr6	44213695	44215707	HSP90AB1	ENSG00000096384	-123	0.29	0.21	0.13	0.079	NA
chr6	52859565	52859767	GSTA4	ENSG00000170899	302	0.14	0.28	0.13	-0.14	NA
chr6	105584148	105585621	BVES	ENSG00000112276	-661	0.22	0.27	0.13	-0.053	NA
chr6	109415560	109416747	SESN1	ENSG00000080546	-131	0.26	0.19	0.13	0.069	NA
chr6	112193835	112194854	FYN	ENSG00000010810	-104	0.23	0.19	0.13	0.046	NA
chr6	118228042	118229811	SLC35F1	ENSG00000196376	237	0.21	0.17	0.13	0.039	NA
chr6	3456061	3457963	SLC22A23	ENSG00000137266	-735	0.23	0.2	0.14	0.037	NA

chr6	13614901	13615903	NOL7	ENSG00000225921	-157	0.22	0.27	0.14	-0.045	NA
chr6	47445108	47446091	CD2AP	ENSG00000198087	74	0.18	0.13	0.14	0.05	NA
chr6	72596036	72596404	RIMS1	ENSG00000079841	-186	0.35	0.16	0.14	0.19	NA
chr6	155635218	155635882	TFB1M	ENSG00000029639	11	0.16	0.2	0.14	-0.046	NA
chr6	169648546	169649047	THBS2	ENSG00000186340	-21	0.99	0.97	0.14	0.023	NA
chr6	4775131	4777550	RP3-430A16.1	ENSG00000236336	-698	0.2	0.24	0.15	-0.039	NA
chr6	10747827	10748118	TMEM14B	ENSG00000137210	-1	0.17	0.29	0.15	-0.12	NA
chr6	26156449	26157146	HIST1H1E	ENSG00000168298	238	0.14	0.22	0.15	-0.073	NA
chr6	132271356	132271658	RP11-69I8.3	ENSG00000227220	-579	0.11	0.24	0.15	-0.12	NA
chr6	144384894	144385888	PLAGL1	ENSG00000118495	286	0.19	0.24	0.15	-0.057	NA
chr6	150284682	150286515	ULBP1	ENSG00000111981	455	0.14	0.18	0.15	-0.039	NA
chr6	155054186	155055403	SCAF8	ENSG00000213079	335	0.25	0.2	0.15	0.051	NA
chr6	159290673	159291195	C6orf99	ENSG00000203711	-20	0.22	0.13	0.15	0.086	NA
chr6	25652380	25652709	SCGN	ENSG00000079689	80	0.31	0.19	0.16	0.13	NA
chr6	35464056	35466269	TEAD3	ENSG00000007866	-435	0.3	0.26	0.16	0.032	NA
chr6	35733589	35733825	RP3-510O8.3	ENSG00000220734	22	0.88	0.95	0.16	-0.068	NA
chr6	37663761	37667102	MDGA1	ENSG00000112139	-844	0.27	0.24	0.16	0.032	NA
chr6	44232880	44233447	NFKBIE	ENSG00000146232	337	0.2	0.28	0.16	-0.08	NA
chr6	159420465	159421293	RSPH3	ENSG00000130363	-66	0.21	0.3	0.16	-0.084	NA
chr6	11537537	11538929	TMEM170B	ENSG00000205269	295	0.21	0.17	0.17	0.044	NA
chr6	26285423	26285940	HIST1H4H	ENSG00000158406	56	0.18	0.27	0.17	-0.084	NA
chr6	35772960	35773172	LHFPL5	ENSG00000197753	-4	0.23	0.13	0.17	0.097	NA
chr6	37786707	37788114	RP3-441A12.1	ENSG00000225945	-416	0.25	0.21	0.17	0.046	NA
chr6	74229962	74231497	EEF1A1	ENSG00000156508	12	0.19	0.24	0.17	-0.045	NA
chr6	84569263	84569619	CYB5R4	ENSG00000065615	79	0.22	0.17	0.17	0.051	NA
chr6	146920034	146920245	RP11-715G15.1	ENSG00000237468	-72	0.38	0.64	0.17	-0.25	NA
chr6	24720387	24721920	C6orf62	ENSG00000112308	-533	0.33	0.24	0.18	0.092	NA
chr6	34111735	34113944	GRM4	ENSG00000124493	1018	0.21	0.18	0.18	0.027	NA
chr6	42531984	42532292	UBR2	ENSG00000024048	338	0.27	0.19	0.18	0.085	NA
chr6	42989178	42989510	RRP36	ENSG00000124541	-39	0.23	0.14	0.18	0.087	NA

chr6	144164043	144164771	LTV1	ENSG00000135521	-74	0.26	0.2	0.18	0.064	NA
chr6	170062622	170063112	WDR27	ENSG00000184465	952	0.92	1	0.18	-0.082	NA
chr6	107810066	107812733	SOBP	ENSG00000112320	237	0.23	0.19	0.2	0.034	NA
chr6	111408426	111409484	SLC16A10	ENSG00000112394	249	0.18	0.26	0.2	-0.075	NA
chr6	8064046	8064765	MUTED	ENSG00000188428	192	0.24	0.17	0.21	0.07	NA
chr6	44264970	44265711	TCTE1	ENSG00000146221	85	0.14	0.19	0.21	-0.047	NA
chr6	50787286	50788091	TFAP2B	ENSG00000008196	1249	0.28	0.35	0.21	-0.068	NA
chr6	84937116	84937728	KIAA1009	ENSG00000135315	-108	0.26	0.19	0.21	0.069	NA
chr6	107435454	107437310	BEND3	ENSG00000178409	-746	0.22	0.17	0.21	0.043	NA
chr6	109702898	109704093	CD164	ENSG00000135535	-592	0.2	0.27	0.21	-0.073	NA
chr6	144328916	144329847	PLAGL1	ENSG00000118495	-14	0.44	0.48	0.21	-0.039	NA
chr6	28109365	28109939	ZNF192	ENSG00000198315	-64	0.31	0.22	0.22	0.085	NA
chr6	28186476	28186884	TOB2P1	ENSG00000176933	-25	0.25	0.19	0.22	0.053	NA
chr6	74363202	74364006	SLC17A5	ENSG00000119899	92	0.22	0.28	0.22	-0.062	NA
chr6	131456364	131457157	AKAP7	ENSG00000118507	-46	0.19	0.15	0.22	0.04	NA
chr6	132722093	132722901	MOXD1	ENSG00000079931	117	0.25	0.18	0.22	0.065	NA
chr6	133119483	133119802	C6orf192	ENSG00000146409	19	0.47	0.28	0.22	0.19	NA
chr6	153303408	153304973	FBXO5	ENSG00000112029	-37	0.21	0.25	0.22	-0.037	NA
chr6	163148376	163149017	PARK2	ENSG00000185345	4	0.25	0.2	0.22	0.049	NA
chr6	3063811	3064553	RIPK1	ENSG00000137275	90	0.14	0.18	0.23	-0.043	NA
chr6	20212268	20213133	RP11-239H6.2	ENSG00000227803	382	0.23	0.16	0.23	0.069	NA
chr6	34433411	34434371	PACSIN1	ENSG00000124507	-25	0.21	0.17	0.23	0.041	NA
chr6	151773043	151774070	RMND1	ENSG00000155906	-302	0.22	0.18	0.23	0.041	NA
chr6	39869579	39869800	RP11-61I13.2	ENSG00000240126	-1842	0.97	0.91	0.24	0.064	NA
chr6	40554595	40555928	LRFN2	ENSG00000156564	-57	0.26	0.21	0.24	0.045	NA
chr6	86387993	86389034	SNHG5	ENSG00000203875	-275	0.22	0.18	0.24	0.042	NA
chr6	116892235	116892934	RWDD1	ENSG00000111832	54	0.17	0.22	0.24	-0.056	NA
chr6	126307532	126307931	TRMT11	ENSG00000066651	155	0.18	0.23	0.24	-0.05	NA
chr6	139694219	139694599	CITED2	ENSG00000164442	672	0.2	0.12	0.24	0.079	NA
chr6	13328587	13329096	TBC1D7	ENSG00000145979	-104	0.18	0.12	0.25	0.051	NA

chr6	41908745	41909711	CCND3	ENSG00000112576	-37	0.27	0.23	0.25	0.045	NA
chr6	52441975	52442386	RP1-180E22.3	ENSG00000225791	-103	0.19	0.14	0.25	0.046	NA
chr6	117586482	117587156	VGLL2	ENSG00000170162	98	0.27	0.18	0.25	0.092	NA
chr6	150070513	150071285	PCMT1	ENSG00000120265	320	0.14	0.11	0.26	0.032	NA
chr6	168630046	168630390	RP11-503C24.3	ENSG00000228361	-194	0.93	0.96	0.26	-0.022	NA
chr6	391188	393790	IRF4	ENSG00000137265	750	0.22	0.2	0.27	0.021	NA
chr6	26271345	26271588	HIST1H3G	ENSG00000256018	146	0.33	0.21	0.27	0.12	NA
chr6	28249166	28249568	PGBD1	ENSG00000137338	53	0.23	0.18	0.27	0.051	NA
chr6	37321639	37322642	RNF8	ENSG00000112130	392	0.27	0.21	0.27	0.066	NA
chr6	43395188	43395894	ABCC10	ENSG00000124574	255	0.4	0.3	0.27	0.095	NA
chr6	169622297	169622520	THBS2	ENSG00000186340	1127	0.96	1	0.27	-0.039	NA
chr6	27342437	27342779	ZNF391	ENSG00000124613	214	0.3	0.21	0.28	0.086	NA
chr6	160209941	160212015	TCP1	ENSG00000120438	-374	0.25	0.21	0.28	0.035	NA
chr6	37225358	37225700	TMEM217	ENSG00000172738	-157	0.15	0.32	0.29	-0.17	NA
chr6	90348167	90348564	LYRM2	ENSG00000083099	-164	0.19	0.25	0.29	-0.06	NA
chr6	91004795	91006944	BACH2	ENSG00000112182	592	0.19	0.17	0.29	0.024	NA
chr6	10723022	10723609	TMEM14C	ENSG00000111843	167	0.21	0.11	0.3	0.1	NA
chr6	35226897	35227851	ZNF76	ENSG00000065029	126	0.24	0.21	0.3	0.032	NA
chr6	75914705	75916387	COL12A1	ENSG00000111799	-8	0.18	0.22	0.3	-0.042	NA
chr6	107780774	107781409	PDSS2	ENSG00000164494	-323	0.23	0.18	0.3	0.049	NA
chr6	152128822	152129771	ESR1	ENSG00000091831	353	0.18	0.15	0.3	0.03	NA
chr6	167275720	167276626	RPS6KA2	ENSG00000071242	-174	0.24	0.17	0.3	0.066	NA
chr6	3750788	3752767	C6orf145	ENSG00000168994	-14	0.21	0.19	0.31	0.022	NA
chr6	15244877	15246160	JARID2	ENSG00000008083	-216	0.18	0.21	0.31	-0.03	NA
chr6	24403089	24403686	MRS2	ENSG00000124532	234	0.14	0.18	0.31	-0.04	NA
chr6	26550782	26551114	AL121936.1	ENSG00000242649	1829	0.22	0.15	0.31	0.079	NA
chr6	36561907	36562412	SRSF3	ENSG00000112081	14	0.2	0.25	0.31	-0.052	NA
chr6	43211114	43211345	TTBK1	ENSG00000146216	7	1	0.5	0.31	0.5	NA
chr6	46702736	46703316	PLA2G7	ENSG00000146070	50	0.41	0.29	0.31	0.12	NA
chr6	27791780	27792217	HIST1H4J	ENSG00000197238	114	0.33	1	0.32	-0.67	NA

chr6	45982877	45983742	CLIC5	ENSG00000112782	-26	0.24	0.2	0.32	0.034	NA
chr6	84417597	84419378	SNAP91	ENSG00000065609	-841	0.23	0.2	0.32	0.033	NA
chr6	88299620	88299945	RARS2	ENSG00000146282	-61	0.15	0.11	0.32	0.041	NA
chr6	111279644	111280210	GTF3C6	ENSG00000155115	164	0.22	0.27	0.32	-0.043	NA
chr6	149068179	149069775	UST	ENSG00000111962	513	0.2	0.24	0.32	-0.031	NA
chr6	170151351	170152131	TCTE3	ENSG00000184786	-86	0.23	0.18	0.32	0.042	NA
chr6	36164132	36165205	BRPF3	ENSG00000096070	147	0.17	0.21	0.33	-0.045	NA
chr6	89827134	89828122	SRSF12	ENSG00000154548	66	0.23	0.27	0.33	-0.036	NA
chr6	135501988	135504245	MYB	ENSG00000118513	663	0.21	0.18	0.33	0.024	NA
chr6	41888868	41889563	MED20	ENSG00000124641	-338	0.17	0.21	0.34	-0.035	NA
chr6	107780235	107780456	PDSS2	ENSG00000164494	415	0.16	0.1	0.34	0.064	NA
chr6	3231595	3232289	PSMG4	ENSG00000180822	305	0.22	0.31	0.35	-0.081	NA
chr6	7107075	7109854	RREB1	ENSG00000124782	634	0.2	0.22	0.35	-0.02	NA
chr6	84562820	84563758	RIPPLY2	ENSG00000203877	304	0.22	0.19	0.35	0.036	NA
chr6	143857743	143858751	PHACTR2	ENSG00000112419	265	0.3	0.25	0.35	0.049	NA
chr6	146284795	146285701	SHPRH	ENSG00000146414	-15	0.17	0.2	0.36	-0.029	NA
chr6	7541518	7543472	DSP	ENSG00000096696	687	0.18	0.16	0.37	0.019	NA
chr6	56708059	56709166	DST	ENSG00000151914	-149	0.27	0.23	0.37	0.042	NA
chr6	108395432	108396343	OSTM1	ENSG00000081087	54	0.16	0.18	0.37	-0.029	NA
chr6	139349955	139350740	C6orf115	ENSG00000146386	368	0.17	0.2	0.37	-0.024	NA
chr6	151561283	151562550	AKAP12	ENSG00000131016	407	0.2	0.17	0.37	0.03	NA
chr6	160182429	160183770	SOD2	ENSG00000112096	265	0.23	0.19	0.37	0.032	NA
chr6	34359620	34360802	NUDT3	ENSG00000112664	240	0.17	0.19	0.38	-0.027	NA
chr6	56954731	56955486	ZNF451	ENSG00000112200	300	0.19	0.15	0.38	0.041	NA
chr6	74019428	74020053	KHDC1	ENSG00000135314	126	0.13	0.18	0.38	-0.05	NA
chr6	43149736	43150009	CUL9	ENSG00000112659	-41	0.24	0.17	0.39	0.067	NA
chr6	94126272	94129677	EPHA7	ENSG00000135333	1270	0.24	0.22	0.39	0.024	NA
chr6	117803497	117804671	DCBLD1	ENSG00000164465	281	0.22	0.19	0.39	0.026	NA
chr6	170604411	170606479	FAM120B	ENSG00000112584	1036	0.17	0.18	0.39	-0.016	NA
chr6	1389139	1391393	FOXF2	ENSG00000137273	197	0.2	0.18	0.4	0.024	NA

chr6	34759534	34760309	UHRF1BP1	ENSG00000065060	64	0.2	0.17	0.4	0.033	NA
chr6	52930050	52930758	FBXO9	ENSG00000112146	158	0.16	0.18	0.4	-0.023	NA
chr6	150038664	150039440	LATS1	ENSG00000131023	108	0.15	0.2	0.4	-0.057	NA
chr6	5260730	5261935	LYRM4	ENSG00000214113	-450	0.23	0.26	0.41	-0.032	NA
chr6	26458310	26458534	BTN2A1	ENSG00000112763	226	0.28	0.21	0.41	0.067	NA
chr6	36514995	36515308	STK38	ENSG00000112079	96	0.25	0.2	0.41	0.051	NA
chr6	57036954	57037731	BAG2	ENSG00000112208	218	0.22	0.19	0.41	0.033	NA
chr6	101328747	101329451	ASCC3	ENSG00000112249	78	0.18	0.15	0.41	0.034	NA
chr6	127439265	127441072	RSPO3	ENSG00000146374	419	0.2	0.23	0.41	-0.028	NA
chr6	42713166	42713986	TBCC	ENSG00000124659	258	0.23	0.28	0.42	-0.054	NA
chr6	126068722	126071320	HEY2	ENSG00000135547	1211	0.23	0.21	0.42	0.022	NA
chr6	147525374	147525848	STXBP5	ENSG00000164506	103	0.34	0.25	0.42	0.093	NA
chr6	27440613	27441065	ZNF184	ENSG00000096654	58	0.3	0.41	0.43	-0.11	NA
chr6	80340861	80341346	SH3BGRL2	ENSG00000198478	103	0.26	0.32	0.43	-0.058	NA
chr6	158243601	158245035	SNX9	ENSG00000130340	37	0.2	0.18	0.43	0.017	NA
chr6	17706292	17707339	NUP153	ENSG00000124789	-197	0.26	0.23	0.44	0.034	NA
chr6	24775046	24775729	GMNN	ENSG00000112312	228	0.22	0.31	0.44	-0.088	NA
chr6	146135434	146136165	FBXO30	ENSG00000118496	90	0.29	0.25	0.44	0.039	NA
chr6	149867031	149867574	PPIL4	ENSG00000131013	-128	0.16	0.19	0.44	-0.029	NA
chr6	158013812	158014256	ZDHHC14	ENSG00000175048	-7	0.92	0.87	0.44	0.046	NA
chr6	36646244	36648465	CDKN1A	ENSG00000124762	919	0.23	0.21	0.45	0.025	NA
chr6	41753880	41755576	FRS3	ENSG00000137218	-448	0.27	0.23	0.45	0.034	NA
chr6	56297168	56297394	RP3-361114.1	ENSG00000220666	698	1	0.9	0.45	0.095	NA
chr6	124124177	124125309	NKAIN2	ENSG00000188580	-543	0.21	0.25	0.45	-0.035	NA
chr6	139013563	139014881	RP11-390P2.4	ENSG00000225177	537	0.18	0.16	0.45	0.021	NA
chr6	143381444	143381918	AIG1	ENSG00000146416	48	0.21	0.24	0.45	-0.031	NA
chr6	144416219	144416854	SF3B5	ENSG00000169976	218	0.16	0.2	0.45	-0.045	NA
chr6	160221146	160221493	PNLDC1	ENSG00000146453	18	0.85	0.88	0.45	-0.033	NA
chr6	10421414	10421727	TFAP2A	ENSG00000137203	-1678	0.19	0.29	0.46	-0.1	NA
chr6	37137070	37139434	PIM1	ENSG00000137193	273	0.23	0.2	0.46	0.02	NA

chr6	159065191	159065794	DYNLT1	ENSG00000146425	278	0.14	0.16	0.46	-0.022	NA
chr6	43484561	43484887	YIPF3	ENSG00000137207	-67	0.33	0.43	0.47	-0.1	NA
chr6	170101662	170103059	WDR27	ENSG00000184465	-611	0.21	0.23	0.47	-0.021	NA
chr6	10426200	10426638	RP1-290I10.3	ENSG00000228478	-10	0.28	0.23	0.48	0.043	NA
chr6	24645931	24646591	KIAA0319	ENSG00000137261	-305	0.21	0.25	0.48	-0.046	NA
chr6	64282151	64283736	PTP4A1	ENSG00000112245	549	0.21	0.22	0.48	-0.017	NA
chr6	149638018	149639518	TAB2	ENSG00000055208	-295	0.2	0.22	0.48	-0.022	NA
chr6	170067846	170068179	WDR27	ENSG00000184465	-641	0.93	0.98	0.48	-0.046	NA
chr6	38607205	38607462	BTBD9	ENSG00000183826	311	0.34	0.27	0.49	0.067	NA
chr6	100441406	100442152	RP11-14I4.3	ENSG00000229315	-41	0.24	0.19	0.49	0.055	NA
chr6	170190111	170190712	C6orf208	ENSG00000231690	-6	0.45	0.34	0.49	0.12	NA
chr6	2988855	2989549	NQO2	ENSG00000124588	322	0.15	0.12	0.5	0.033	NA
chr6	6002471	6005125	NRN1	ENSG00000124785	-602	0.2	0.22	0.5	-0.02	NA
chr6	26204764	26205213	HIST1H4E	ENSG00000198518	130	0.38	0.5	0.5	-0.12	NA
chr6	33588617	33589909	ITPR3	ENSG00000096433	741	0.23	0.21	0.5	0.02	NA
chr6	168719681	168720495	DACT2	ENSG00000164488	314	0.43	0.48	0.5	-0.053	NA
chr6	2634372	2634945	C6orf195	ENSG00000164385	179	0.19	0.1	0.51	0.089	NA
chr6	3227025	3229688	TUBB2B	ENSG00000137285	-387	0.23	0.21	0.51	0.019	NA
chr6	35995245	35996372	MAPK14	ENSG00000112062	320	0.19	0.21	0.51	-0.025	NA
chr6	42858169	42858960	C6orf226	ENSG00000221821	-10	0.21	0.18	0.51	0.031	NA
chr6	86351551	86353914	SYNCRIP	ENSG00000135316	-23	0.22	0.2	0.51	0.021	NA
chr6	110967011	110967823	RP11-346C16.2	ENSG00000213150	515	0.99	0.98	0.51	0.012	NA
chr6	26184036	26184336	HIST1H2BE	ENSG00000197697	228	0.43	0.6	0.52	-0.17	NA
chr6	27835190	27835461	HIST1H1B	ENSG00000184357	34	0.19	0.24	0.52	-0.05	NA
chr6	27839698	27840069	HIST1H3I	ENSG00000182572	216	0.36	0.27	0.52	0.086	NA
chr6	34856826	34857664	ANKS1A	ENSG00000064999	207	0.27	0.23	0.52	0.042	NA
chr6	90062040	90062886	UBE2J1	ENSG00000241519	-22	0.2	0.23	0.52	-0.029	NA
chr6	138482534	138483710	KIAA1244	ENSG00000112379	64	0.26	0.23	0.52	0.025	NA
chr6	19804854	19805371	RP4-625H18.2	ENSG00000228412	-235	0.2	0.17	0.53	0.029	NA
chr6	35310150	35310686	PPARD	ENSG00000112033	83	0.16	0.13	0.53	0.027	NA

chr6	35435810	35437084	RPL10A	ENSG00000198755	262	0.18	0.2	0.53	-0.017	NA
chr6	41701881	41703481	TFEB	ENSG00000112561	-749	0.2	0.18	0.53	0.014	NA
chr6	88182368	88183202	SLC35A1	ENSG00000164414	142	0.21	0.24	0.53	-0.031	NA
chr6	114291411	114292767	HDAC2	ENSG00000196591	-430	0.23	0.21	0.53	0.017	NA
chr6	158402072	158403444	SYNJ2	ENSG00000078269	-130	0.27	0.29	0.53	-0.018	NA
chr6	143771610	143772084	ADAT2	ENSG00000189007	-37	0.2	0.24	0.54	-0.037	NA
chr6	26217211	26217521	HIST1H2AE	ENSG00000168274	201	0.18	0.25	0.55	-0.07	NA
chr6	41068475	41069343	RP1-34B21.6	ENSG00000243743	148	0.95	0.94	0.55	0.015	NA
chr6	43138711	43140292	SRF	ENSG00000112658	464	0.2	0.19	0.55	0.015	NA
chr6	74079389	74079723	OOEP-AS1	ENSG00000231332	129	0.98	0.99	0.55	-0.012	NA
chr6	116574906	116575367	TSPYL4	ENSG00000187189	125	0.28	0.24	0.55	0.048	NA
chr6	117996395	117997375	AL590303.1	ENSG00000245439	-438	0.16	0.2	0.55	-0.039	NA
chr6	20404072	20404367	E2F3	ENSG00000112242	185	0.33	0.26	0.56	0.07	NA
chr6	117923356	117923964	GOPC	ENSG00000047932	-133	0.17	0.24	0.56	-0.066	NA
chr6	43543124	43544076	XPO5	ENSG00000124571	122	0.2	0.19	0.57	0.017	NA
chr6	110011589	110011804	AKD1	ENSG00000155085	13	0.36	0.27	0.57	0.083	NA
chr6	110679417	110679833	C6orf186	ENSG00000053328	-150	0.24	0.21	0.57	0.027	NA
chr6	155316299	155317197	TIAM2	ENSG00000146426	260	0.2	0.18	0.57	0.02	NA
chr6	34393325	34394014	RPS10	ENSG00000124614	-312	0.4	0.3	0.58	0.1	NA
chr6	80816119	80816686	BCKDHB	ENSG00000083123	38	0.2	0.17	0.58	0.034	NA
chr6	82956999	82957507	IBTK	ENSG00000005700	135	0.22	0.18	0.58	0.038	NA
chr6	89672884	89673579	RNGTT	ENSG00000111880	49	0.23	0.2	0.58	0.029	NA
chr6	76458437	76459267	MYO6	ENSG00000196586	-57	0.13	0.11	0.59	0.014	NA
chr6	125283124	125284389	RNF217	ENSG00000146373	-106	0.26	0.24	0.59	0.021	NA
chr6	125474804	125475722	TPD52L1	ENSG00000111907	384	0.24	0.2	0.59	0.038	NA
chr6	26987598	26988074	TRNAI2	ENSG00000238621	-278	0.23	0.19	0.6	0.033	NA
chr6	43142013	43142217	SRF	ENSG00000112658	1987	0.18	0.24	0.6	-0.064	NA
chr6	137540126	137540678	IFNGR1	ENSG00000027697	97	0.22	0.18	0.6	0.039	NA
chr6	167369439	167370588	RP11-514O12.4	ENSG00000249141	-401	0.16	0.18	0.6	-0.016	NA
chr6	4135175	4136460	RP3-400B16.4	ENSG00000254821	160	0.24	0.22	0.61	0.018	NA

chr6	10404362	10405180	TFAP2A	ENSG00000137203	56	0.28	0.25	0.61	0.032	NA
chr6	13574438	13575110	SIRT5	ENSG00000124523	-52	0.2	0.23	0.61	-0.028	NA
chr6	17600382	17601397	FAM8A1	ENSG00000137414	306	0.17	0.19	0.61	-0.02	NA
chr6	39760066	39760426	DAAM2	ENSG00000146122	104	0.17	0.2	0.62	-0.025	NA
chr6	70576974	70577572	COL19A1	ENSG00000082293	-168	0.22	0.18	0.62	0.034	NA
chr6	3000069	3000520	NQO2	ENSG00000124588	184	0.17	0.15	0.63	0.022	NA
chr6	26027160	26027626	HIST1H4B	ENSG00000124529	87	0.25	0.2	0.63	0.04	NA
chr6	26124493	26124782	HIST1H2AC	ENSG00000180573	219	0.14	0.17	0.63	-0.028	NA
chr6	36842308	36842845	PPIL1	ENSG00000137168	224	0.29	0.24	0.63	0.05	NA
chr6	53212617	53214043	ELOVL5	ENSG00000012660	257	0.23	0.21	0.63	0.015	NA
chr6	75911579	75912133	COL12A1	ENSG00000111799	652	0.2	0.16	0.63	0.037	NA
chr6	137143635	137144445	PEX7	ENSG00000112357	323	0.21	0.19	0.63	0.024	NA
chr6	158588887	158589449	SERAC1	ENSG00000122335	123	0.15	0.18	0.63	-0.024	NA
chr6	96025241	96026042	MANEA	ENSG00000172469	222	0.19	0.12	0.64	0.07	NA
chr6	99841661	99842146	COQ3	ENSG00000132423	164	0.19	0.16	0.64	0.026	NA
chr6	109169468	109170103	ARMC2	ENSG00000118690	166	0.18	0.2	0.64	-0.021	NA
chr6	17987415	17988405	KIF13A	ENSG00000137177	-216	0.23	0.22	0.65	0.015	NA
chr6	25279131	25279890	LRRRC16A	ENSG00000079691	204	0.24	0.21	0.65	0.026	NA
chr6	52226753	52228006	PAQR8	ENSG00000170915	453	0.21	0.2	0.65	0.014	NA
chr6	151662605	151663056	AKAP12	ENSG00000131016	9	0.97	0.99	0.65	-0.016	NA
chr6	170863398	170863823	TBP	ENSG00000112592	189	0.14	0.19	0.65	-0.048	NA
chr6	2245118	2246153	GMDS	ENSG00000112699	291	0.18	0.16	0.66	0.013	NA
chr6	33756063	33757006	LEMD2	ENSG00000161904	73	0.19	0.18	0.66	0.016	NA
chr6	110678854	110679108	C6orf186	ENSG00000053328	199	0.27	0.32	0.66	-0.054	NA
chr6	116421673	116422382	NT5DC1	ENSG00000178425	28	0.22	0.21	0.66	0.014	NA
chr6	134273310	134274844	TBPL1	ENSG00000028839	653	0.17	0.19	0.66	-0.015	NA
chr6	166401526	166402659	C6orf176	ENSG00000223414	-565	0.26	0.24	0.66	0.02	NA
chr6	44253897	44254150	TCTE1	ENSG00000146221	67	0.97	1	0.67	-0.031	NA
chr6	55443732	55444092	HMGCLL1	ENSG00000146151	-41	0.23	0.2	0.67	0.023	NA
chr6	71998106	71999109	OGFRL1	ENSG00000119900	101	0.28	0.31	0.67	-0.03	NA

chr6	114179734	114181226	MARCKS	ENSG00000155130	1939	0.2	0.19	0.67	0.016	NA
chr6	127835928	127836255	RP3-403A15.5	ENSG00000255330	1668	0.16	0.19	0.67	-0.024	NA
chr6	34216408	34217348	C6orf1	ENSG00000186577	-116	0.15	0.14	0.68	0.015	NA
chr6	90539454	90539954	CASP8AP2	ENSG00000118412	91	0.07	0.11	0.68	-0.037	NA
chr6	133562086	133563586	EYA4	ENSG00000112319	347	0.17	0.18	0.68	-0.012	NA
chr6	1515515	1515798	RP11-157J24.1	ENSG00000218027	-132	0.98	0.97	0.69	0.015	NA
chr6	132271826	132272566	RP11-69I8.3	ENSG00000227220	110	0.2	0.22	0.69	-0.015	NA
chr6	83775374	83775766	UBE2CBP	ENSG00000118420	-100	0.22	0.3	0.7	-0.077	NA
chr6	28234842	28235124	ZNF187	ENSG00000197062	56	0.25	0.38	0.71	-0.13	NA
chr6	108496715	108497320	NR2E1	ENSG00000112333	-291	0.23	0.27	0.71	-0.041	NA
chr6	139694811	139696578	CITED2	ENSG00000164442	-613	0.24	0.22	0.71	0.015	NA
chr6	27218792	27219813	PRSS16	ENSG00000112812	452	0.22	0.4	0.72	-0.18	NA
chr6	36929837	36930135	PI16	ENSG00000164530	-780	0.61	0.57	0.72	0.038	NA
chr6	66497675	66498033	RP11-707M13.1	ENSG00000220483	-456	0.98	0.97	0.72	0.014	NA
chr6	71122892	71123820	FAM135A	ENSG00000082269	345	0.17	0.18	0.72	-0.011	NA
chr6	119399091	119400223	FAM184A	ENSG00000111879	-120	0.23	0.21	0.72	0.016	NA
chr6	128840158	128842126	PTPRK	ENSG00000152894	361	0.2	0.19	0.72	0.014	NA
chr6	168378748	168379044	RP3-470B24.5	ENSG00000235994	157	0.91	0.93	0.72	-0.022	NA
chr6	135818501	135819160	AHI1	ENSG00000135541	-43	0.16	0.13	0.73	0.022	NA
chr6	160147729	160149065	SOD2	ENSG00000112096	-421	0.24	0.23	0.73	0.015	NA
chr6	41773954	41774420	USP49	ENSG00000164663	534	0.97	0.96	0.74	0.0098	NA
chr6	90529137	90529698	MDN1	ENSG00000112159	20	0.19	0.17	0.74	0.019	NA
chr6	170615241	170616210	FAM120B	ENSG00000112584	-105	0.18	0.17	0.74	0.0094	NA
chr6	16238589	16239231	GMPR	ENSG00000137198	99	0.24	0.27	0.75	-0.03	NA
chr6	42420075	42421090	TRERF1	ENSG00000124496	-793	0.22	0.24	0.75	-0.021	NA
chr6	111580363	111580887	KIAA1919	ENSG00000173214	74	0.21	0.19	0.75	0.023	NA
chr6	1524153	1524543	AL512329.1	ENSG00000240850	1202	0.31	0.28	0.76	0.032	NA
chr6	42946310	42947127	PEX6	ENSG00000124587	170	0.23	0.21	0.76	0.017	NA
chr6	58287429	58287828	GUSBP4	ENSG00000215190	30	0.37	0.2	0.76	0.17	NA
chr6	166073882	166077752	PDE10A	ENSG00000112541	-233	0.22	0.23	0.76	-0.0063	NA

chr6	36098039	36098621	MAPK13	ENSG00000156711	232	0.15	0.13	0.77	0.02	NA
chr6	100016069	100016775	CCNC	ENSG00000112237	-319	0.25	0.23	0.77	0.024	NA
chr6	39692743	39692966	KIF6	ENSG00000164627	257	0.22	0.12	0.78	0.1	NA
chr6	47276455	47277823	TNFRSF21	ENSG00000146072	502	0.21	0.22	0.78	-0.011	NA
chr6	55039170	55039392	HCRTR2	ENSG00000137252	231	0.25	0.21	0.78	0.045	NA
chr6	112408406	112408910	TUBE1	ENSG00000074935	24	0.18	0.22	0.78	-0.041	NA
chr6	3068530	3069354	RIPK1	ENSG00000137275	201	0.19	0.18	0.79	0.011	NA
chr6	44238131	44238689	TMEM151B	ENSG00000178233	207	0.2	0.17	0.79	0.032	NA
chr6	48036137	48036410	C6orf138	ENSG00000244694	107	0.25	0.22	0.79	0.033	NA
chr6	134638797	134639021	SGK1	ENSG00000118515	140	0.22	0.25	0.79	-0.026	NA
chr6	5004062	5004372	RPP40	ENSG00000124787	35	0.19	0.21	0.8	-0.017	NA
chr6	84743357	84743948	MRAP2	ENSG00000135324	177	0.23	0.21	0.8	0.015	NA
chr6	3157400	3158418	TUBB2A	ENSG00000137267	-149	0.17	0.17	0.81	-0.008	NA
chr6	13925099	13925510	RNF182	ENSG00000180537	177	0.19	0.22	0.81	-0.024	NA
chr6	43596790	43597690	GTPBP2	ENSG00000172432	-341	0.21	0.19	0.81	0.018	NA
chr6	130340556	130342450	L3MBTL3	ENSG00000198945	-133	0.19	0.2	0.81	-0.009	NA
chr6	3118572	3119292	BPHL	ENSG00000137274	324	0.2	0.21	0.82	-0.011	NA
chr6	42419510	42419743	TRERF1	ENSG00000124496	157	0.31	0.27	0.82	0.036	NA
chr6	79943403	79944550	HMG3	ENSG00000118418	430	0.17	0.15	0.82	0.023	NA
chr6	152623279	152623480	SYNE1	ENSG00000131018	25	0.5	0.17	0.82	0.33	NA
chr6	152957810	152958472	SYNE1	ENSG00000131018	-323	0.17	0.18	0.82	-0.013	NA
chr6	170893259	170893898	PDCD2	ENSG00000071994	-264	0.18	0.16	0.82	0.013	NA
chr6	35655607	35656856	FKBP5	ENSG00000096060	461	0.23	0.24	0.83	-0.0082	NA
chr6	35695725	35696156	FKBP5	ENSG00000096060	418	0.22	0.2	0.83	0.017	NA
chr6	116600494	116601174	TSPYL1	ENSG00000189241	216	0.22	0.3	0.83	-0.084	NA
chr6	27356492	27357020	ZNF391	ENSG00000124613	259	0.21	0.17	0.84	0.036	NA
chr6	36806881	36807217	CPNE5	ENSG00000124772	729	0.26	0.25	0.84	0.014	NA
chr6	150262703	150263677	ULBP2	ENSG00000131015	54	0.25	0.23	0.84	0.017	NA
chr6	31238852	31240120	HLA-C	ENSG00000204525	341	0.38	1	0.85	-0.62	NA
chr6	99962953	99963478	USP45	ENSG00000123552	37	0.16	0.17	0.85	-0.015	NA

chr6	656409	657155	HUS1B	ENSG00000188996	181	0.98	0.97	0.86	0.0071	NA
chr6	24910626	24911285	FAM65B	ENSG00000111913	240	0.22	0.19	0.86	0.022	NA
chr6	110299365	110301267	GPR6	ENSG00000146360	807	0.18	0.19	0.86	-0.011	NA
chr6	151186747	151188112	MTHFD1L	ENSG00000120254	349	0.2	0.19	0.86	0.007	NA
chr6	168352516	168352728	MLLT4	ENSG00000130396	38	1	0.98	0.86	0.021	NA
chr6	26199838	26200120	HIST1H2BF	ENSG00000197846	231	0.37	0.32	0.87	0.05	NA
chr6	34855604	34855888	TAF11	ENSG00000064995	73	0.17	0.23	0.87	-0.064	NA
chr6	111195383	111197576	AMD1	ENSG00000123505	506	0.2	0.21	0.87	-0.0061	NA
chr6	151814980	151815527	C6orf97	ENSG00000120262	88	0.22	0.21	0.87	0.013	NA
chr6	168841438	168841699	SMOC2	ENSG00000112562	-263	0.19	0.21	0.87	-0.018	NA
chr6	26197070	26197537	HIST1H3D	ENSG00000197409	175	0.38	0.5	0.88	-0.12	NA
chr6	72892037	72892877	RIMS1	ENSG00000079841	2	0.19	0.18	0.88	0.0054	NA
chr6	86159425	86160395	NT5E	ENSG00000135318	101	0.2	0.2	0.88	-0.0064	NA
chr6	154360586	154361008	OPRM1	ENSG00000112038	206	0.18	0.1	0.88	0.082	NA
chr6	168479566	168479809	FRMD1	ENSG00000153303	152	1	0.99	0.88	0.012	NA
chr6	80656744	80657593	ELOVL4	ENSG00000118402	129	0.24	0.23	0.89	0.0087	NA
chr6	87864919	87866096	ZNF292	ENSG00000188994	240	0.3	0.27	0.89	0.028	NA
chr6	153323534	153324320	MTRF1L	ENSG00000112031	-256	0.23	0.22	0.89	0.0098	NA
chr6	10694617	10695352	C6orf52	ENSG00000137434	-218	0.19	0.18	0.9	0.0094	NA
chr6	28192961	28193284	ZNF193	ENSG00000137185	80	0.26	0.28	0.9	-0.02	NA
chr6	159589636	159591319	FNDC1	ENSG00000164694	48	0.23	0.24	0.9	-0.0057	NA
chr6	26199197	26199466	HIST1H2AD	ENSG00000196866	140	0.15	0.19	0.91	-0.032	NA
chr6	33679158	33679701	C6orf125	ENSG00000137288	75	0.16	0.17	0.91	-0.013	NA
chr6	44355156	44355778	CDC5L	ENSG00000096401	205	0.29	0.27	0.91	0.021	NA
chr6	52926278	52926863	ICK	ENSG00000112144	-2	0.13	0.14	0.91	-0.0079	NA
chr6	57086396	57087311	RAB23	ENSG00000112210	223	0.19	0.2	0.91	-0.012	NA
chr6	88117707	88118363	C6orf165	ENSG00000213204	305	0.15	0.16	0.91	-0.0092	NA
chr6	106958232	106958718	AIM1	ENSG00000112297	-1255	0.39	0.35	0.91	0.032	NA
chr6	10411394	10413857	TFAP2A	ENSG00000137203	-346	0.2	0.2	0.92	-0.0041	NA
chr6	10838098	10838915	MAK	ENSG00000111837	222	0.25	0.24	0.92	0.012	NA

chr6	12012543	12013379	HIVEP1	ENSG00000095951	390	0.31	0.29	0.92	0.024	NA
chr6	27858166	27858564	HIST1H3J	ENSG00000197153	205	0.32	0.29	0.92	0.035	NA
chr6	83777271	83777690	DOPEY1	ENSG00000083097	95	0.19	0.2	0.92	-0.0077	NA
chr6	166755812	166756510	SFT2D1	ENSG00000198818	-126	0.17	0.16	0.92	0.0093	NA
chr6	38607777	38608148	BTBD9	ENSG00000183826	-38	0.22	0.2	0.93	0.02	NA
chr6	127587833	127588602	RNF146	ENSG00000118518	346	0.18	0.17	0.93	0.0055	NA
chr6	138187825	138189141	TNFAIP3	ENSG00000118503	132	0.2	0.2	0.93	-0.0058	NA
chr6	168377416	168377724	RP3-470B24.5	ENSG00000235994	49	0.94	0.95	0.93	-0.01	NA
chr6	20402003	20403886	E2F3	ENSG00000112242	807	0.22	0.23	0.94	-0.0035	NA
chr6	41748132	41748672	FRS3	ENSG00000137218	-198	0.2	0.19	0.94	0.0087	NA
chr6	42714707	42715042	KIAA0240	ENSG00000112624	178	0.27	0.26	0.94	0.013	NA
chr6	44224698	44225486	SLC35B2	ENSG00000157593	173	0.22	0.21	0.94	0.0062	NA
chr6	138428188	138428816	PERP	ENSG00000112378	54	0.67	0.45	0.94	0.21	NA
chr6	168226063	168228559	C6orf124	ENSG00000198221	-1171	0.21	0.21	0.94	-0.0027	NA
chr6	17280739	17282334	RBM24	ENSG00000112183	-41	0.24	0.24	0.95	-0.0033	NA
chr6	36953667	36954470	MTCH1	ENSG00000137409	-311	0.22	0.23	0.95	-0.011	NA
chr6	111803556	111805509	REV3L	ENSG00000009413	-410	0.23	0.23	0.95	-0.004	NA
chr6	27805843	27806853	HIST1H2AK	ENSG00000184348	-231	0.16	0.18	0.96	-0.023	NA
chr6	85472702	85474132	TBX18	ENSG00000112837	-239	0.25	0.24	0.96	0.0073	NA
chr6	97730696	97731199	MMS22L	ENSG00000146263	105	0.19	0.2	0.96	-0.0093	NA
chr6	119255738	119256331	RP11-351A11.1	ENSG00000253194	84	0.2	0.2	0.96	0.0069	NA
chr6	158957220	158958677	TMEM181	ENSG00000146433	482	0.25	0.22	0.97	0.029	NA
chr6	26659536	26660165	ZNF322A	ENSG00000181315	63	0.23	0.22	0.98	0.0079	NA
chr6	46620541	46621189	SLC25A27	ENSG00000153291	187	0.23	0.22	0.98	0.0056	NA
chr6	148663425	148664041	SASH1	ENSG00000111961	4	0.25	0.27	0.98	-0.019	NA
chr6	7910087	7911418	MUTED	ENSG00000188428	-625	0.29	0.3	0.99	-0.0053	NA
chr6	33560892	33561189	C6orf227	ENSG00000197251	75	0.97	0.92	0.99	0.056	NA
chr6	56298003	56298214	RP3-361I14.1	ENSG00000220666	-129	0.9	0.88	0.99	0.021	NA
chr6	112683759	112683979	KRT18P32	ENSG00000215807	55	0.97	0.96	0.99	0.014	NA
chr6	147828733	147830298	SAMD5	ENSG00000203727	-548	0.21	0.21	0.99	0.0027	NA

chr6	150067323	150067766	NUP43	ENSG00000120253	114	0.21	0.21	0.99	0.007	NA
chr6	2765203	2766775	WRNIP1	ENSG00000124535	341	0.24	0.24	1	-0.0003	NA
chr6	4021444	4022004	RP3-406P24.3	ENSG00000230648	-275	0.22	0.22	1	0.00074	NA
chr6	7141036	7141576	RREB1	ENSG00000124782	1828	0.22	0.22	1	#####	NA
chr6	7728885	7729108	BMP6	ENSG00000153162	1904	0.19	0.25	1	-0.059	NA
chr6	7986333	7986847	PIP5K1P1	ENSG00000219294	-140	0.97	0.97	1	0.0058	NA
chr6	8102504	8102885	EEF1E1	ENSG00000124802	20	0.12	0.13	1	-0.0058	NA
chr6	8435314	8436141	SLC35B3	ENSG00000124786	-11	0.25	0.24	1	0.0059	NA
chr6	18387450	18387846	RNF144B	ENSG00000137393	67	0.28	0.29	1	-0.0019	NA
chr6	19837014	19837228	ID4	ENSG00000172201	-496	0.17	0.2	1	-0.033	NA
chr6	22569584	22570705	HDGFL1	ENSG00000112273	466	0.98	0.98	1	0.0013	NA
chr6	24666538	24667395	TDP2	ENSG00000111802	-147	0.21	0.21	1	0.0029	NA
chr6	26031880	26032264	HIST1H3B	ENSG00000124693	216	0.24	0.2	1	0.041	NA
chr6	26045644	26046033	HIST1H3C	ENSG00000196532	199	0.2	0.21	1	-0.0038	NA
chr6	26225386	26225790	HIST1H3E	ENSG00000196966	205	0.25	0.25	1	-0.0029	NA
chr6	26246815	26247100	HIST1H4G	ENSG00000124578	302	1	1	1	0	NA
chr6	26251898	26252233	HIST1H2BH	ENSG00000197459	186	0.33	0.18	1	0.16	NA
chr6	27598687	27599146	TRNAI6	ENSG00000238648	-272	0.23	0.22	1	0.0086	NA
chr6	27861317	27861595	HIST1H2BO	ENSG00000196331	253	0.2	0.18	1	0.016	NA
chr6	28219523	28219745	ZKSCAN4	ENSG00000187626	-32	0.15	0.15	1	0.003	NA
chr6	28367124	28367651	ZSCAN12	ENSG00000158691	121	0.22	0.25	1	-0.034	NA
chr6	35479872	35480154	TULP1	ENSG00000112041	38	0.26	0.27	1	-0.0079	NA
chr6	35744225	35744562	C6orf126	ENSG00000196748	22	0.33	0.44	1	-0.11	NA
chr6	36410433	36411139	KCTD20	ENSG00000112078	242	0.16	0.16	1	0.00057	NA
chr6	37012609	37012884	COX6A1P2	ENSG00000226976	139	0.98	0.96	1	0.022	NA
chr6	39082427	39083054	C6orf64	ENSG00000112167	107	0.16	0.14	1	0.015	NA
chr6	41862841	41863335	USP49	ENSG00000164663	11	0.18	0.19	1	-0.0028	NA
chr6	42981408	42982077	MEA1	ENSG00000124733	-36	0.2	0.19	1	0.0047	NA
chr6	43021125	43021694	CUL7	ENSG00000044090	28	0.21	0.21	1	0.008	NA
chr6	43422368	43423705	DLK2	ENSG00000171462	292	0.19	0.19	1	0.00057	NA

chr6	44041014	44041468	RP5-1120P11.3	ENSG00000231881	-409	0.18	0.19	1	-0.0052	NA
chr6	45387346	45388164	RUNX2	ENSG00000124813	-1471	0.25	0.25	1	0.00087	NA
chr6	46458878	46459257	RCAN2	ENSG00000172348	32	0.24	0.23	1	0.01	NA
chr6	52284749	52285253	EFHC1	ENSG00000096093	-105	0.17	0.17	1	-0.0008	NA
chr6	53659254	53660972	LRRC1	ENSG00000137269	818	0.21	0.21	1	0.0012	NA
chr6	56112188	56112444	COL21A1	ENSG00000124749	-81	0.14	0.25	1	-0.11	NA
chr6	56818873	56820308	DST	ENSG00000151914	-205	0.19	0.19	1	0.0023	NA
chr6	72129508	72130756	C6orf155	ENSG00000233237	-326	0.2	0.2	1	-0.0006	NA
chr6	72294372	72294988	RP11-263F15.1	ENSG00000218014	256	1	1	1	0	NA
chr6	73972819	73973027	KHDC1	ENSG00000135314	-28	0.21	0.2	1	0.011	NA
chr6	74073294	74073561	C6orf221	ENSG00000203908	1027	0.98	0.97	1	0.0028	NA
chr6	74405600	74406021	CD109	ENSG00000156535	-17	0.21	0.21	1	0.0053	NA
chr6	79787608	79788337	PHIP	ENSG00000146247	-19	0.16	0.16	1	#####	NA
chr6	83902606	83903777	PGM3	ENSG00000013375	-241	0.18	0.18	1	0.0016	NA
chr6	87647253	87647707	HTR1E	ENSG00000168830	70	0.23	0.22	1	0.0077	NA
chr6	90596271	90596856	RP11-63K6.5	ENSG00000219240	688	0.95	1	1	-0.05	NA
chr6	96463869	96464136	FUT9	ENSG00000172461	142	0.2	0.21	1	-0.014	NA
chr6	100054686	100054988	PRDM13	ENSG00000112238	187	0.33	0.36	1	-0.031	NA
chr6	106534136	106534385	PRDM1	ENSG00000057657	65	1	0.86	1	0.14	NA
chr6	106808487	106809171	AIM1	ENSG00000112297	45	0.24	0.25	1	-0.0053	NA
chr6	107349276	107349720	C6orf203	ENSG00000130349	91	0.21	0.22	1	-0.011	NA
chr6	108581716	108582669	SNX3	ENSG00000112335	-24	0.22	0.22	1	-0.0003	NA
chr6	109330285	109331037	SESN1	ENSG00000080546	97	0.17	0.17	1	-0.001	NA
chr6	117002067	117002797	KPNA5	ENSG00000196911	82	0.2	0.14	1	0.057	NA
chr6	122720607	122721366	HSF2	ENSG00000025156	295	0.22	0.24	1	-0.011	NA
chr6	126111537	126112480	NCOA7	ENSG00000111912	7	0.18	0.18	1	-0.0019	NA
chr6	126964603	126964988	RP11-753G20.1	ENSG00000217325	9	1	1	1	0	NA
chr6	127441553	127441760	AL356534.1	ENSG00000248650	-662	0.14	0.14	1	0.0074	NA
chr6	127664192	127664755	ECHDC1	ENSG00000093144	18	0.23	0.23	1	0.0023	NA
chr6	132833798	132834349	STX7	ENSG00000079950	128	0.21	0.21	1	0.0024	NA

chr6	134497536	134497756	SGK1	ENSG00000118515	-517	0.25	0.24	1	0.014	NA
chr6	135375749	135376141	HBS1L	ENSG00000112339	-7	0.25	0.26	1	-0.013	NA
chr6	142622583	142623453	GPR126	ENSG00000112414	27	0.24	0.24	1	-0.0002	NA
chr6	149777792	149778189	ZC3H12D	ENSG00000178199	15	0.97	0.98	1	-0.0027	NA
chr6	149969499	149969972	KATNA1	ENSG00000186625	94	0.2	0.2	1	0.0026	NA
chr6	150389943	150390558	ULBP3	ENSG00000131019	-48	0.29	0.29	1	0.0059	NA
chr6	150920904	150922146	PLEKHG1	ENSG00000120278	526	0.19	0.19	1	-0.0004	NA
chr6	155539975	155540193	TIAM2	ENSG00000146426	1984	1	1	1	0	NA
chr6	159239081	159240775	EZR	ENSG00000092820	-669	0.19	0.19	1	-0.0008	NA
chr6	160679377	160679701	SLC22A2	ENSG00000112499	232	0.95	0.95	1	-0.0023	NA
chr6	170059237	170059586	WDR27	ENSG00000184465	1377	0.89	1	1	-0.11	NA
chr6	170862124	170862480	PSMB1	ENSG00000008018	115	0.4	0.4	1	-0.0038	NA
chr6	3140555	3140785	BPHL	ENSG00000137274	11	1	NA	NA	NA	NA
chr6	3154104	3154746	AL031963.1	ENSG00000221162	-453	1	NA	NA	NA	NA
chr6	10415018	10415318	TFAP2A	ENSG00000137203	50	0.5	NA	NA	NA	NA
chr6	24126309	24126512	NRSN1	ENSG00000152954	60	NA	1	NA	NA	NA
chr6	26020671	26021125	HIST1H3A	ENSG00000198366	180	0.33	NA	NA	NA	NA
chr6	26044203	26044469	U91328.2	ENSG00000234816	119	0.32	NA	NA	NA	NA
chr6	26501725	26502107	BTN1A1	ENSG00000124557	421	0.44	NA	NA	NA	NA
chr6	26863458	26863776	AL133255.1	ENSG00000197848	-509	0.83	NA	NA	NA	NA
chr6	27107138	27107394	HIST1H4I	ENSG00000198339	190	0.96	NA	NA	NA	NA
chr6	27782247	27782485	HIST1H2AJ	ENSG00000182611	241	1	NA	NA	NA	NA
chr6	27833120	27833406	HIST1H2AL	ENSG00000198374	229	0.34	NA	NA	NA	NA
chr6	28226979	28227483	ZKSCAN4	ENSG00000187626	-220	0.81	NA	NA	NA	NA
chr6	29894140	29895117	HLA-K	ENSG00000230795	392	NA	0.6	NA	NA	NA
chr6	29910202	29911367	HLA-A	ENSG00000206503	497	NA	0.5	NA	NA	NA
chr6	29924201	29924533	HLA-W	ENSG00000235290	-6	NA	1	NA	NA	NA
chr6	31148369	31148577	POU5F1	ENSG00000204531	35	1	NA	NA	NA	NA
chr6	31691425	31691718	C6orf25	ENSG00000204420	410	1	NA	NA	NA	NA
chr6	32632158	32633027	HLA-DQB1	ENSG00000179344	1823	0.9	NA	NA	NA	NA

chr6	32729342	32729877	HLA-DQB2	ENSG00000232629	1634	NA	1	NA	NA	NA
chr6	34231093	34231502	RPL35P2	ENSG00000220583	153	1	NA	NA	NA	NA
chr6	36853590	36853927	C6orf89	ENSG00000198663	128	NA	0.35	NA	NA	NA
chr6	38670576	38670975	GLO1	ENSG00000124767	142	NA	0.17	NA	NA	NA
chr6	43276419	43276659	CRIP3	ENSG00000146215	-13	0.9	NA	NA	NA	NA
chr6	62995855	62996228	KHDRBS2	ENSG00000112232	91	0.15	NA	NA	NA	NA
chr6	66011253	66011481	RP11-74E24.2	ENSG00000214558	13	0.88	NA	NA	NA	NA
chr6	69345216	69345483	BAI3	ENSG00000135298	90	0.25	NA	NA	NA	NA
chr6	82957625	82957842	IBTK	ENSG00000005700	-262	0.2	NA	NA	NA	NA
chr6	96969511	96970100	RP3-443E24.1	ENSG00000233797	-260	0.35	NA	NA	NA	NA
chr6	108615961	108616398	LACE1	ENSG00000135537	81	0.29	NA	NA	NA	NA
chr6	110501609	110501821	CDC40	ENSG00000168438	91	0.27	NA	NA	NA	NA
chr6	112575091	112575483	LAMA4	ENSG00000112769	400	1	NA	NA	NA	NA
chr6	121655615	121656022	C6orf170	ENSG00000146350	-194	0.19	NA	NA	NA	NA
chr6	122792758	122793091	SERINC1	ENSG00000111897	28	0.27	NA	NA	NA	NA
chr6	133563701	133563905	EYA4	ENSG00000112319	1034	0.37	NA	NA	NA	NA
chr6	142468190	142468458	VTA1	ENSG00000009844	-43	0.25	NA	NA	NA	NA
chr7	44185961	44186184	GCK	ENSG00000106633	-329	0.23	0.62	1.30E-09	-0.39	NA
chr7	100075303	100075551	TSC22D4	ENSG00000166925	-302	0.75	0.27	1.50E-09	0.48	NA
chr7	75911818	75912496	SRRM3	ENSG00000177679	225	0.16	0.36	1.80E-09	-0.19	NA
chr7	116139774	116140352	CAV2	ENSG00000105971	269	0.46	0.19	6.60E-09	0.27	NA
chr7	100284888	100285155	GIGYF1	ENSG00000146830	-639	0.83	0.38	1.10E-08	0.46	NA
chr7	156741472	156741899	NOM1	ENSG00000146909	-732	0.68	0.43	4.80E-08	0.25	NA
chr7	24323558	24325080	NPY	ENSG00000122585	537	0.38	0.18	5.70E-08	0.2	NA
chr7	130417912	130419378	KLF14	ENSG00000174595	243	0.32	0.2	1.20E-07	0.12	NA
chr7	22893794	22894577	AC005682.5	ENSG00000228649	-1520	0.54	0.23	2.10E-07	0.31	NA
chr7	27163819	27164098	AC004080.12	ENSG00000253552	1171	0.29	0.88	2.20E-07	-0.6	NA
chr7	65970022	65971421	GS1-124K5.9	ENSG00000179342	232	0.82	0.69	2.50E-07	0.12	NA
chr7	8301031	8302252	ICA1	ENSG00000003147	41	0.28	0.16	3.20E-07	0.12	NA
chr7	151038858	151039136	NUB1	ENSG00000013374	122	0.41	0.15	3.30E-07	0.26	NA

chr7	50849752	50850871	GRB10	ENSG00000106070	-47	0.63	0.48	3.40E-07	0.15	NA
chr7	98467023	98468058	TMEM130	ENSG00000166448	-51	0.22	0.11	3.60E-07	0.11	NA
chr7	73183379	73185115	CLDN3	ENSG00000165215	353	0.27	0.49	5.30E-07	-0.22	NA
chr7	158379328	158381221	PTPRN2	ENSG00000155093	97	0.3	0.18	6.20E-07	0.12	NA
chr7	81240381	81240708	AC010091.4	ENSG00000230196	98	0.99	0.8	7.10E-07	0.19	NA
chr7	155246390	155251955	AC008060.8	ENSG00000236544	622	0.45	0.36	7.10E-07	0.096	NA
chr7	27231805	27233097	RP1-170O19.14	ENSG00000253508	616	0.35	0.18	1.00E-06	0.17	NA
chr7	19184221	19184686	AC003986.5	ENSG00000229533	537	0.83	0.38	1.20E-06	0.45	NA
chr7	128482286	128482977	FLNC	ENSG00000128591	1246	0.93	0.76	1.20E-06	0.16	NA
chr7	84814839	84816242	SEMA3D	ENSG00000153993	631	0.18	0.33	1.60E-06	-0.15	NA
chr7	32535086	32535540	AVL9	ENSG00000105778	212	0.18	0.41	8.30E-06	-0.24	NA
chr7	91874781	91875851	KRIT1	ENSG00000001631	-207	0.18	0.48	1.00E-05	-0.3	NA
chr7	2563610	2564056	LFNG	ENSG00000106003	606	0.41	0.11	1.80E-05	0.3	NA
chr7	556611	562845	PDGFA	ENSG00000197461	-1591	0.2	0.26	1.90E-05	-0.058	NA
chr7	1024021	1024233	CYP2W1	ENSG00000073067	1133	0.83	0.6	1.90E-05	0.23	NA
chr7	19184818	19185033	FERD3L	ENSG00000146618	119	0.83	0.2	1.90E-05	0.63	NA
chr7	43622682	43623392	STK17A	ENSG00000164543	373	0.17	0.32	2.00E-05	-0.16	NA
chr7	156735245	156735665	RP5-1121A15.3	ENSG00000230033	-1960	0.3	0.55	2.10E-05	-0.25	NA
chr7	6209930	6210718	CYTH3	ENSG00000008256	266	0.89	0.75	2.70E-05	0.14	NA
chr7	38217549	38218002	STARD3NL	ENSG00000010270	-49	0.48	0.19	2.90E-05	0.29	NA
chr7	63391462	63392174	RP11-340I6.10	ENSG00000213645	299	0.8	0.62	3.10E-05	0.17	NA
chr7	111845860	111846887	DOCK4	ENSG00000128512	76	0.15	0.27	3.50E-05	-0.12	NA
chr7	35296921	35298218	AC009531.2	ENSG00000226063	1771	0.34	0.21	3.60E-05	0.13	NA
chr7	150037459	150039031	RARRES2	ENSG00000106538	487	0.27	0.41	3.90E-05	-0.14	NA
chr7	123388399	123389623	WASL	ENSG00000106299	5	0.14	0.26	4.40E-05	-0.12	NA
chr7	1659040	1659765	AC074389.5	ENSG00000231476	-888	0.94	0.85	5.80E-05	0.092	NA
chr7	150068756	150070051	RP4-584D14.5	ENSG00000240449	276	0.95	0.9	6.10E-05	0.058	NA
chr7	144532762	144533253	TPK1	ENSG00000196511	85	0.17	0.31	7.00E-05	-0.14	NA
chr7	30067762	30068600	PLEKHA8	ENSG00000106086	203	0.18	0.32	7.30E-05	-0.14	NA
chr7	27179062	27179511	HOXA3	ENSG00000105997	539	0.34	0.21	8.60E-05	0.14	NA

chr7	150019950	150020752	ACTR3C	ENSG00000106526	-99	0.35	0.22	8.60E-05	0.13	NA
chr7	73021486	73021720	MLXIPL	ENSG00000009950	-153	0.26	0.48	8.70E-05	-0.23	NA
chr7	75623357	75624164	TMEM120A	ENSG00000189077	114	0.18	0.33	8.80E-05	-0.15	NA
chr7	62574596	62575257	RP11-196D18.4	ENSG00000234312	257	0.86	0.7	1.00E-04	0.16	NA
chr7	28995305	28998541	AC005013.5	ENSG00000228421	1057	0.31	0.24	0.00011	0.068	NA
chr7	102920309	102921514	DPY19L2P2	ENSG00000170629	-245	0.28	0.12	0.00011	0.16	NA
chr7	2598550	2599203	IQCE	ENSG00000106012	244	0.2	0.34	0.00013	-0.14	NA
chr7	39772839	39773252	NCRNA00265	ENSG00000188185	-186	0.19	0.42	0.00016	-0.22	NA
chr7	139024930	139026298	LUC7L2	ENSG00000146963	509	0.17	0.28	0.00016	-0.11	NA
chr7	70596228	70598382	WBSCR17	ENSG00000185274	150	0.18	0.26	0.00019	-0.078	NA
chr7	1026777	1027150	CYP2W1	ENSG00000073067	670	0.93	0.77	2.00E-04	0.15	NA
chr7	127291647	127292551	AC073934.6	ENSG00000240790	-33	0.18	0.3	0.00022	-0.12	NA
chr7	150715308	150716404	ATG9B	ENSG00000181652	32	0.12	0.43	0.00022	-0.3	NA
chr7	16685252	16686364	ANKMY2	ENSG00000106524	-521	0.36	0.14	0.00023	0.22	NA
chr7	150901550	150901978	IQCA1P1	ENSG00000183016	817	0.61	0.89	0.00024	-0.28	NA
chr7	26191794	26192757	NFE2L3	ENSG00000050344	415	0.28	0.18	0.00027	0.097	NA
chr7	103629525	103630652	RELN	ENSG00000189056	-125	0.28	0.47	0.00028	-0.19	NA
chr7	79082948	79083850	AC004945.2	ENSG00000234456	123	0.22	0.36	0.00032	-0.13	NA
chr7	117067403	117067666	ASZ1	ENSG00000154438	18	0.99	0.86	0.00033	0.13	NA
chr7	148580495	148582061	EZH2	ENSG00000106462	-677	0.19	0.29	0.00038	-0.096	NA
chr7	152372980	152373421	XRCC2	ENSG00000196584	50	0.13	0.4	0.00039	-0.27	NA
chr7	32337983	32338725	PDE1C	ENSG00000154678	587	0.17	0.31	0.00046	-0.14	NA
chr7	143207985	143208798	OR10AC1P	ENSG00000176510	332	0.8	0.61	0.00049	0.18	NA
chr7	28220014	28220534	AC005017.1	ENSG00000234336	198	0.42	0.18	0.00055	0.24	NA
chr7	129073722	129074700	FAM40B	ENSG00000128578	-63	0.15	0.25	0.00057	-0.1	NA
chr7	102036470	102037017	PRKRIP1	ENSG00000128563	-67	0.24	0.88	0.00058	-0.63	NA
chr7	51383311	51384938	COBL	ENSG00000106078	44	0.34	0.25	0.00071	0.098	NA
chr7	959724	959959	ADAP1	ENSG00000105963	669	0.66	0.84	0.00075	-0.18	NA
chr7	63560419	63561064	RP11-165H4.1	ENSG00000224458	58	0.3	0.45	0.00082	-0.15	NA
chr7	141251013	141251472	AGK	ENSG00000006530	47	0.21	0.12	0.00085	0.09	NA

chr7	44184770	44185695	GCK	ENSG00000106633	496	0.48	0.73	9.00E-04	-0.24	NA
chr7	44152227	44152505	AEBP1	ENSG00000106624	1260	0.86	0.67	0.00093	0.19	NA
chr7	148036494	148036848	CNTNAP2	ENSG00000174469	107	0.15	0.34	0.00094	-0.19	NA
chr7	17338252	17339101	AHR	ENSG00000106546	369	0.14	0.25	0.00095	-0.11	NA
chr7	45613386	45615504	ADCY1	ENSG00000164742	706	0.21	0.31	0.00097	-0.1	NA
chr7	1532994	1533552	INTS1	ENSG00000164880	230	0.78	0.93	0.00098	-0.15	NA
chr7	27283408	27283614	RP1-170O19.16	ENSG00000253405	67	0.23	0.41	0.001	-0.18	NA
chr7	151106244	151107808	RP4-555L14.5	ENSG00000243836	779	0.15	0.23	0.001	-0.073	NA
chr7	102984857	102985337	DNAJC2	ENSG00000105821	-62	0.25	0.13	0.0013	0.13	NA
chr7	143077469	143079169	AC093673.5	ENSG00000232533	-731	0.18	0.26	0.0013	-0.077	NA
chr7	100086074	100086286	C7orf51	ENSG00000166924	1633	0.67	0.93	0.0016	-0.27	NA
chr7	5553168	5553517	FBXL18	ENSG00000155034	40	0.17	0.34	0.0018	-0.18	NA
chr7	50517627	50518668	FIGNL1	ENSG00000132436	-359	0.48	0.27	0.0018	0.2	NA
chr7	149156561	149158080	ZNF777	ENSG00000196453	894	0.17	0.25	0.0019	-0.075	NA
chr7	1097405	1097953	GPR146	ENSG00000164849	538	0.99	0.87	0.0021	0.12	NA
chr7	960048	960351	ADAP1	ENSG00000105963	311	0.77	0.92	0.0023	-0.16	NA
chr7	100845050	100845726	MOGAT3	ENSG00000106384	-1086	0.17	0.29	0.0023	-0.12	NA
chr7	128577818	128578756	IRF5	ENSG00000128604	296	0.27	0.19	0.0023	0.088	NA
chr7	23625611	23626161	CLK2P	ENSG00000232553	270	0.97	0.9	0.0024	0.069	NA
chr7	32930730	32931956	KBTBD2	ENSG00000170852	-578	0.27	0.19	0.0025	0.082	NA
chr7	156931422	156932075	UBE3C	ENSG00000009335	141	0.13	0.24	0.0026	-0.11	NA
chr7	106684813	106685765	PRKAR2B	ENSG00000005249	195	0.16	0.23	0.0027	-0.076	NA
chr7	2393628	2395174	EIF3B	ENSG00000106263	680	0.16	0.24	0.0028	-0.081	NA
chr7	26239418	26242062	HNRNPA2B1	ENSG00000122566	-396	0.17	0.23	0.0028	-0.059	NA
chr7	107220344	107221075	BCAP29	ENSG00000075790	287	0.18	0.3	0.0029	-0.12	NA
chr7	75677041	75677767	STYXL1	ENSG00000127952	-133	0.16	0.27	0.003	-0.11	NA
chr7	24796541	24797487	DFNA5	ENSG00000105928	80	0.24	0.12	0.0031	0.12	NA
chr7	128049499	128050488	IMPDH1	ENSG00000106348	-453	0.25	0.16	0.0031	0.094	NA
chr7	158497157	158498011	NCAPG2	ENSG00000146918	-127	0.1	0.18	0.0031	-0.079	NA
chr7	65446771	65447340	GUSB	ENSG00000169919	-97	0.23	0.33	0.0033	-0.1	NA

chr7	25164548	25165236	CYCS	ENSG00000172115	-24	0.16	0.29	0.0034	-0.13	NA
chr7	70158760	70160687	AUTS2	ENSG00000158321	-136	0.16	0.23	0.0034	-0.064	NA
chr7	94284858	94286527	SGCE	ENSG00000127990	-282	0.4	0.28	0.0036	0.12	NA
chr7	55639277	55640599	VOPP1	ENSG00000154978	-377	0.27	0.15	0.004	0.12	NA
chr7	105172468	105172821	RINT1	ENSG00000135249	112	0.4	0.18	0.004	0.22	NA
chr7	44084106	44084747	DBNL	ENSG00000136279	194	0.24	0.12	0.0042	0.12	NA
chr7	100270875	100274003	GNB2	ENSG00000172354	1285	0.28	0.2	0.0042	0.08	NA
chr7	92462201	92466387	CDK6	ENSG00000105810	-1063	0.21	0.28	0.0044	-0.069	NA
chr7	75156588	75157524	PMS2P3	ENSG00000127957	-147	0.23	0.14	0.0046	0.087	NA
chr7	99933238	99934087	PILRB	ENSG00000121716	-40	0.32	0.59	0.0047	-0.27	NA
chr7	63642039	63643802	RP11-165H4.3	ENSG00000213644	832	0.34	0.4	0.0048	-0.064	NA
chr7	27135342	27136736	HOXA1	ENSG00000105991	-446	0.22	0.32	0.0052	-0.095	NA
chr7	57270847	57271464	RP11-1217F2.14	ENSG00000169325	149	0.63	0.8	0.0052	-0.17	NA
chr7	87563342	87564571	ADAM22	ENSG00000008277	498	0.27	0.19	0.0054	0.087	NA
chr7	1026167	1026395	CYP2W1	ENSG00000073067	-12	0.88	0.7	0.0057	0.18	NA
chr7	8473139	8475199	NXPH1	ENSG00000122584	584	0.24	0.17	0.0058	0.069	NA
chr7	131012460	131013190	AC018642.1	ENSG00000236753	-349	0.15	0.23	0.0064	-0.082	NA
chr7	2742273	2742546	AMZ1	ENSG00000174945	245	0.88	1	0.0066	-0.12	NA
chr7	129780474	129781597	RP11-775D22.2	ENSG00000229196	-536	0.8	0.71	0.007	0.083	NA
chr7	77427331	77428850	TMEM60	ENSG00000135211	-193	0.23	0.16	0.0071	0.065	NA
chr7	57484168	57485070	RP11-114G11.2	ENSG00000235368	412	0.68	0.6	0.0075	0.083	NA
chr7	2739968	2740417	AMZ1	ENSG00000174945	-1463	0.92	0.99	0.0083	-0.069	NA
chr7	127227758	127229039	ARF5	ENSG00000004059	-1	0.17	0.25	0.0091	-0.082	NA
chr7	2353629	2354075	SNX8	ENSG00000106266	224	0.11	0.21	0.0092	-0.1	NA
chr7	27190274	27191115	HOXA6	ENSG00000106006	-472	0.31	0.18	0.0092	0.13	NA
chr7	150777607	150780879	FASTK	ENSG00000164896	-1366	0.27	0.22	0.0093	0.055	NA
chr7	76256088	76256838	POMZP3	ENSG00000146707	94	0.58	0.15	0.0094	0.43	NA
chr7	127880750	127881375	LEP	ENSG00000174697	-275	0.51	0.42	0.0096	0.095	NA
chr7	140714478	140714943	MRPS33	ENSG00000090263	-231	0.1	0.27	0.0097	-0.16	NA
chr7	5632335	5634555	FSCN1	ENSG00000075618	1006	0.16	0.22	0.01	-0.06	NA

chr7	30174230	30176169	C7orf41	ENSG00000180354	773	0.19	0.25	0.01	-0.065	NA
chr7	43965806	43966400	URGCP	ENSG00000106608	-166	0.21	0.36	0.01	-0.15	NA
chr7	102004220	102005167	PRKRIP1	ENSG00000128563	374	0.17	0.11	0.01	0.064	NA
chr7	107531480	107531983	DLD	ENSG00000091140	124	0.3	0.17	0.01	0.13	NA
chr7	33168674	33169243	AC074338.5	ENSG00000228015	-203	0.22	0.57	0.011	-0.35	NA
chr7	98923235	98923975	ARPC1A	ENSG00000241685	84	0.18	0.12	0.011	0.061	NA
chr7	150942304	150943033	SMARCD3	ENSG00000082014	-69	0.21	0.12	0.011	0.096	NA
chr7	75831068	75831542	SRRM3	ENSG00000177679	89	0.22	1	0.012	-0.78	NA
chr7	154001964	154002281	DPP6	ENSG00000130226	-73	0.16	0.42	0.012	-0.26	NA
chr7	4721637	4722779	FO XK1	ENSG00000164916	278	0.28	0.19	0.013	0.087	NA
chr7	44613211	44613875	DDX56	ENSG00000136271	-280	0.22	0.34	0.013	-0.12	NA
chr7	128766335	128767982	RP11-286H14.4	ENSG00000230626	586	0.83	0.74	0.013	0.087	NA
chr7	129425486	129425859	RP11-738B7.1	ENSG00000242078	-647	0.34	0.17	0.013	0.17	NA
chr7	130353070	130353979	COPG2	ENSG00000158623	39	0.15	0.24	0.013	-0.084	NA
chr7	155436673	155437817	AC009403.2	ENSG00000216895	-174	0.14	0.19	0.013	-0.048	NA
chr7	2583206	2583542	BRAT1	ENSG00000106009	512	0.73	0.97	0.014	-0.24	NA
chr7	155174128	155175248	AC008060.7	ENSG00000218672	-83	0.53	0.39	0.014	0.14	NA
chr7	56119045	56119963	PSPH	ENSG00000146733	-419	0.16	0.23	0.015	-0.073	NA
chr7	64973420	64974994	RP11-328P23.3	ENSG00000226767	-350	1	0.52	0.015	0.48	NA
chr7	100449772	100450617	RP11-126L15.4	ENSG00000236305	44	0.16	0.23	0.015	-0.073	NA
chr7	6098449	6098982	EIF2AK1	ENSG00000086232	-28	0.25	0.39	0.016	-0.14	NA
chr7	1066931	1068245	C7orf50	ENSG00000146540	387	0.28	0.21	0.017	0.068	NA
chr7	45960137	45961347	IGFBP3	ENSG00000146674	-276	0.19	0.25	0.017	-0.062	NA
chr7	150870831	150872036	GBX1	ENSG00000164900	399	0.87	0.81	0.017	0.061	NA
chr7	35292985	35294674	TBX20	ENSG00000164532	-587	0.24	0.17	0.018	0.072	NA
chr7	62514515	62514983	RP11-196D18.1	ENSG00000227148	60	0.62	0.5	0.018	0.12	NA
chr7	107301205	107302416	SLC26A4	ENSG00000091137	361	0.42	0.27	0.018	0.15	NA
chr7	50132572	50132921	ZBPB	ENSG00000042813	82	0.53	0.41	0.019	0.13	NA
chr7	100424424	100425626	SLC12A9	ENSG00000146828	583	0.14	0.21	0.019	-0.064	NA
chr7	48494361	48494753	ABCA13	ENSG00000179869	-103	0.98	0.8	0.02	0.18	NA

chr7	150783076	150783293	AGAP3	ENSG00000133612	230	0.3	0.12	0.023	0.18	NA
chr7	6441809	6442042	RAC1	ENSG00000136238	676	0.73	0.43	0.024	0.3	NA
chr7	44240418	44240729	YKT6	ENSG00000106636	6	0.73	0.29	0.024	0.44	NA
chr7	1587240	1587693	AC093734.13	ENSG00000241181	-1581	0.84	0.94	0.025	-0.095	NA
chr7	6654745	6655860	AC073343.8	ENSG00000236609	54	0.16	0.22	0.025	-0.056	NA
chr7	105223524	105223850	RP11-251G23.3	ENSG00000231167	16	0.89	0.79	0.025	0.098	NA
chr7	142985047	142985810	CASP2	ENSG00000106144	120	0.19	0.3	0.025	-0.12	NA
chr7	115850370	115851028	TES	ENSG00000135269	152	0.16	0.25	0.026	-0.087	NA
chr7	5013508	5014436	RNF216L	ENSG00000196204	353	0.18	0.11	0.027	0.064	NA
chr7	93519366	93520184	TFPI2	ENSG00000105825	-293	0.22	0.32	0.027	-0.1	NA
chr7	105161982	105162889	PUS7	ENSG00000091127	250	0.19	0.11	0.027	0.08	NA
chr7	56019371	56019979	GBAS	ENSG00000146729	189	0.26	0.1	0.029	0.16	NA
chr7	64349424	64350151	RP11-797H7.5	ENSG00000189316	691	0.35	0.27	0.029	0.079	NA
chr7	129142171	129143038	RP11-305M3.3	ENSG00000240204	284	0.17	0.23	0.029	-0.063	NA
chr7	97601307	97601813	AC004967.7	ENSG00000243554	6	0.13	0.23	0.03	-0.1	NA
chr7	99869003	99870085	AC005071.4	ENSG00000239521	62	0.18	0.26	0.031	-0.088	NA
chr7	124404700	124406189	GPR37	ENSG00000170775	237	0.16	0.23	0.031	-0.067	NA
chr7	104941752	104941978	RWDD4P1	ENSG00000244490	-104	0.99	0.95	0.032	0.044	NA
chr7	25990012	25991320	MIR148A	ENSG00000199085	-1060	0.16	0.23	0.034	-0.061	NA
chr7	100224270	100224558	TFR2	ENSG00000106327	813	0.34	1	0.034	-0.66	NA
chr7	45128417	45128780	NACAD	ENSG00000136274	-85	0.27	0.14	0.035	0.13	NA
chr7	150817005	150817237	AGAP3	ENSG00000133612	18	0.96	0.83	0.035	0.13	NA
chr7	105752103	105753148	SYPL1	ENSG00000008282	42	0.18	0.13	0.036	0.046	NA
chr7	156432433	156433670	RNF32	ENSG00000105982	76	0.34	0.28	0.036	0.06	NA
chr7	12250720	12251214	TMEM106B	ENSG00000106460	100	0.18	0.24	0.037	-0.068	NA
chr7	149321187	149322234	ZNF767	ENSG00000133624	-54	0.17	0.23	0.038	-0.059	NA
chr7	4922707	4923576	RADIL	ENSG00000157927	144	0.17	0.23	0.04	-0.058	NA
chr7	44364432	44365328	CAMK2B	ENSG00000058404	-91	0.16	0.25	0.04	-0.088	NA
chr7	44835726	44836798	PPIA	ENSG00000196262	-17	0.21	0.28	0.042	-0.079	NA
chr7	121783946	121784663	AASS	ENSG00000008311	5	0.16	0.23	0.042	-0.064	NA

chr7	124569882	124570199	RP11-3B12.1	ENSG00000224897	113	0.14	0.5	0.042	-0.36	NA
chr7	148958858	148959891	ZNF783	ENSG00000204946	112	0.16	0.21	0.042	-0.051	NA
chr7	2727682	2728392	AMZ1	ENSG00000174945	201	0.22	0.17	0.043	0.057	NA
chr7	28448716	28450028	CREB5	ENSG00000146592	418	0.18	0.14	0.043	0.04	NA
chr7	153748407	153750444	DPP6	ENSG00000130226	-78	0.19	0.26	0.043	-0.069	NA
chr7	42267546	42267823	GLI3	ENSG00000106571	-364	0.46	0.27	0.044	0.19	NA
chr7	32801484	32801972	AC018633.4	ENSG00000229358	-329	0.9	0.33	0.045	0.56	NA
chr7	121513046	121513911	PTPRZ1	ENSG00000106278	335	0.22	0.16	0.045	0.061	NA
chr7	6144970	6145319	USP42	ENSG00000106346	491	0.31	0.13	0.046	0.18	NA
chr7	76090885	76091495	AC005522.1	ENSG00000091073	197	0.36	0.1	0.046	0.26	NA
chr7	98741205	98741990	SMURF1	ENSG00000198742	45	0.19	0.26	0.046	-0.073	NA
chr7	145813030	145814084	CNTNAP2	ENSG00000174469	104	0.17	0.26	0.046	-0.082	NA
chr7	150065169	150066351	REPIN1	ENSG00000214022	482	0.24	0.19	0.046	0.055	NA
chr7	2594724	2595538	BRAT1	ENSG00000106009	197	0.16	0.22	0.047	-0.058	NA
chr7	26415746	26416891	AC004540.4	ENSG00000225792	-426	0.13	0.19	0.047	-0.064	NA
chr7	73498098	73498697	LIMK1	ENSG00000106683	290	0.21	0.31	0.047	-0.098	NA
chr7	943565	943892	ADAP1	ENSG00000105963	181	0.85	0.94	0.048	-0.091	NA
chr7	1784027	1786934	AC074389.8	ENSG00000225968	1247	0.98	0.96	0.048	0.015	NA
chr7	23636735	23637557	CCDC126	ENSG00000169193	148	0.24	0.17	0.048	0.073	NA
chr7	27153187	27153647	HOXA3	ENSG00000105997	47	0.21	0.3	0.048	-0.09	NA
chr7	116593880	116594325	ST7OT4	ENSG00000214188	149	0.29	0.21	0.048	0.081	NA
chr7	158936507	158938492	VIPR2	ENSG00000106018	-52	0.15	0.19	0.048	-0.043	NA
chr7	66093348	66094174	KCTD7	ENSG00000243335	-107	0.14	0.2	0.049	-0.062	NA
chr7	89747892	89749036	DPY19L2P4	ENSG00000235436	-250	0.18	0.26	0.05	-0.082	NA
chr7	112090122	112091412	IFRD1	ENSG00000006652	586	0.17	0.23	0.05	-0.06	NA
chr7	116962841	116964803	WNT2	ENSG00000105989	-727	0.17	0.24	0.05	-0.066	NA
chr7	140396414	140397357	NDUFB2	ENSG00000090266	414	0.2	0.26	0.05	-0.062	NA
chr7	150675206	150675866	KCNH2	ENSG00000055118	-312	0.29	0.2	0.05	0.093	NA
chr7	65669965	65670945	TPST1	ENSG00000169902	269	0.14	0.2	0.052	-0.061	NA
chr7	1584054	1584345	AC093734.14	ENSG00000241340	1216	0.9	0.96	0.053	-0.062	NA

chr7	30543984	30545005	GGCT	ENSG00000006625	-79	0.28	0.17	0.053	0.11	NA
chr7	99678768	99679702	ZNF3	ENSG00000166526	91	0.22	0.15	0.053	0.066	NA
chr7	102256802	102257489	RASA4	ENSG00000105808	-6	0.15	0.09	0.053	0.058	NA
chr7	156742285	156743074	NOM1	ENSG00000146909	262	0.19	0.24	0.053	-0.051	NA
chr7	128828333	128829366	SMO	ENSG00000128602	136	0.14	0.18	0.056	-0.042	NA
chr7	156400018	156400712	RP5-982E9.1	ENSG00000241558	-1904	0.47	0.4	0.056	0.074	NA
chr7	157129089	157130306	DNAJB6	ENSG00000105993	37	0.18	0.25	0.057	-0.068	NA
chr7	25021013	25021520	OSBPL3	ENSG00000070882	-13	0.34	0.15	0.058	0.19	NA
chr7	35840132	35841591	AC007551.3	ENSG00000228878	-663	0.16	0.21	0.058	-0.046	NA
chr7	100421295	100421515	EPHB4	ENSG00000196411	1743	0.66	0.83	0.058	-0.18	NA
chr7	73118500	73118749	STX1A	ENSG00000106089	-103	0.98	0.83	0.059	0.15	NA
chr7	73152564	73153716	ABHD11	ENSG00000106077	-427	0.22	0.16	0.059	0.068	NA
chr7	21985071	21985842	CDCA7L	ENSG00000164649	40	0.21	0.15	0.06	0.064	NA
chr7	77325410	77326409	AC090421.1	ENSG00000214293	-339	0.15	0.22	0.06	-0.074	NA
chr7	100732088	100732424	TRIM56	ENSG00000169871	-636	0.99	0.94	0.06	0.053	NA
chr7	156802170	156804414	MNX1	ENSG00000130675	-901	0.21	0.17	0.06	0.038	NA
chr7	72726824	72727440	RP11-483G21.3	ENSG00000225005	-975	0.9	0.96	0.063	-0.056	NA
chr7	130130739	130133111	MEST-IT1	ENSG00000246011	-912	0.41	0.46	0.065	-0.044	NA
chr7	100806279	100809064	VGFB	ENSG00000128564	724	0.17	0.2	0.066	-0.03	NA
chr7	2968234	2968596	CARD11	ENSG00000198286	1279	0.41	0.32	0.068	0.086	NA
chr7	148991655	148992181	RP4-800G7.2	ENSG00000244560	738	0.93	0.98	0.068	-0.052	NA
chr7	993401	994574	ADAP1	ENSG00000105963	346	0.24	0.3	0.069	-0.068	NA
chr7	6974757	6974963	RP11-740N7.6	ENSG00000242731	1329	0.87	0.98	0.069	-0.11	NA
chr7	2671156	2671937	TTYH3	ENSG00000136295	-39	0.21	0.3	0.071	-0.089	NA
chr7	121035820	121036670	FAM3C	ENSG00000196937	115	0.18	0.13	0.071	0.046	NA
chr7	99724482	99725808	RP11-506M12.1	ENSG00000242798	-383	0.16	0.22	0.072	-0.053	NA
chr7	100463758	100464146	TRIP6	ENSG00000087077	-808	0.17	0.27	0.072	-0.1	NA
chr7	88388488	88389283	ZNF804B	ENSG00000182348	203	0.29	0.43	0.073	-0.14	NA
chr7	101457382	101461030	CUX1	ENSG00000160967	-34	0.2	0.17	0.073	0.024	NA
chr7	156801418	156801632	MNX1	ENSG00000130675	244	0.42	0.59	0.074	-0.16	NA

chr7	38350920	38351331	AC006033.22	ENSG00000231916	141	0.27	0.45	0.075	-0.18	NA
chr7	54826581	54827188	SEC61G	ENSG00000132432	-9	0.18	0.12	0.076	0.065	NA
chr7	95064073	95064409	PON2	ENSG00000105854	20	0.09	0.27	0.076	-0.18	NA
chr7	132766509	132767096	CHCHD3	ENSG00000106554	-2	0.2	0.29	0.076	-0.081	NA
chr7	54612324	54612558	VSTM2A	ENSG00000170419	-1413	0.41	0.16	0.078	0.25	NA
chr7	134671119	134671750	AGBL3	ENSG00000146856	175	0.14	0.2	0.078	-0.06	NA
chr7	74306265	74307187	STAG3L2	ENSG00000160828	-234	0.12	0.22	0.079	-0.098	NA
chr7	90893567	90896683	FZD1	ENSG00000157240	1342	0.21	0.26	0.079	-0.044	NA
chr7	44079717	44080568	AC017116.8	ENSG00000235314	1020	0.21	0.12	0.08	0.086	NA
chr7	108095401	108097206	NRCAM	ENSG00000091129	462	0.17	0.2	0.08	-0.036	NA
chr7	100025804	100028002	ZCWPW1	ENSG00000078487	-616	0.24	0.19	0.081	0.054	NA
chr7	6769321	6770216	PMS2CL	ENSG00000187953	356	0.2	0.27	0.082	-0.061	NA
chr7	45039171	45040257	CCM2	ENSG00000136280	-70	0.33	0.54	0.082	-0.21	NA
chr7	65958470	65959121	GS1-124K5.3	ENSG00000223473	-270	0.14	0.26	0.083	-0.11	NA
chr7	1609568	1610037	PSMG3	ENSG00000157778	-173	0.12	0.17	0.084	-0.052	NA
chr7	23052971	23054002	FAM126A	ENSG00000122591	207	0.26	0.2	0.084	0.065	NA
chr7	101943785	101944557	SH2B2	ENSG00000160999	336	0.95	0.91	0.084	0.036	NA
chr7	134896014	134896664	WDR91	ENSG00000105875	-53	0.21	0.29	0.085	-0.076	NA
chr7	117854128	117854721	ANKRD7	ENSG00000106013	-303	0.27	0.39	0.086	-0.12	NA
chr7	112579633	112580217	C7orf60	ENSG00000164603	-252	0.24	0.42	0.087	-0.18	NA
chr7	20370003	20371504	ITGB8	ENSG00000105855	428	0.24	0.19	0.089	0.055	NA
chr7	72299836	72300419	SBDSP1	ENSG00000225648	123	0.16	0.26	0.089	-0.1	NA
chr7	100318106	100318684	EPO	ENSG00000130427	-28	0.15	0.2	0.089	-0.051	NA
chr7	156795355	156799394	RP5-1121A15.4	ENSG00000235029	-1627	0.28	0.25	0.093	0.035	NA
chr7	75071482	75072262	POM121C	ENSG00000135213	121	0.18	0.09	0.095	0.089	NA
chr7	1512939	1513216	INTS1	ENSG00000164880	-291	0.89	0.96	0.096	-0.07	NA
chr7	1198965	1200144	AC091729.9	ENSG00000229043	-108	0.24	0.2	0.097	0.042	NA
chr7	72395367	72396135	POM121	ENSG00000196313	91	0.21	0.15	0.097	0.056	NA
chr7	2442792	2444011	CHST12	ENSG00000136213	178	0.18	0.23	0.099	-0.045	NA
chr7	4855990	4856212	RADIL	ENSG00000157927	-1137	0.88	1	0.099	-0.12	NA

chr7	6010075	6010408	RSPH10B	ENSG00000155026	22	0.08	0.27	0.1	-0.18	NA
chr7	10979991	10980279	NDUFA4	ENSG00000189043	-252	0.28	0.16	0.1	0.12	NA
chr7	98608993	98609222	AC004893.11	ENSG00000242687	-1681	0.96	1	0.1	-0.035	NA
chr7	98971649	98973170	ARPC1B	ENSG00000130429	537	0.31	0.27	0.1	0.044	NA
chr7	130790358	130792773	AC058791.2	ENSG00000231721	224	0.21	0.18	0.1	0.033	NA
chr7	644181	644461	AC147651.4	ENSG00000237181	1499	0.96	0.82	0.11	0.14	NA
chr7	2272010	2272856	MAD1L1	ENSG00000002822	147	0.15	0.2	0.11	-0.047	NA
chr7	16793188	16794100	TSPAN13	ENSG00000106537	484	0.2	0.14	0.11	0.062	NA
chr7	26903869	26904753	SKAP2	ENSG00000005020	-107	0.23	0.15	0.11	0.074	NA
chr7	32981938	32982865	RP9P	ENSG00000205763	174	0.18	0.24	0.11	-0.061	NA
chr7	66386044	66386809	C7orf42	ENSG00000106609	214	0.23	0.18	0.11	0.051	NA
chr7	98245805	98247759	NPTX2	ENSG00000106236	173	0.18	0.15	0.11	0.029	NA
chr7	103968783	103969959	LHFPL3	ENSG00000187416	267	0.27	0.21	0.11	0.053	NA
chr7	141401432	141402207	KIAA1147	ENSG00000127359	134	0.14	0.19	0.11	-0.05	NA
chr7	148638035	148638324	RNY5	ENSG00000252310	-401	0.42	0.27	0.11	0.15	NA
chr7	150674737	150675026	KCNH2	ENSG00000055118	133	0.22	0.39	0.11	-0.17	NA
chr7	155325811	155326357	CNPY1	ENSG00000146910	449	0.2	0.29	0.11	-0.09	NA
chr7	2296353	2297249	SNX8	ENSG00000106266	452	0.91	0.94	0.12	-0.037	NA
chr7	23719619	23720006	C7orf46	ENSG00000188732	63	0.19	0.14	0.12	0.051	NA
chr7	47621112	47621727	TNS3	ENSG00000136205	-190	0.2	0.15	0.12	0.049	NA
chr7	55000876	55001135	RP4-791C19.1	ENSG00000218586	-387	0.18	0.12	0.12	0.059	NA
chr7	64126715	64126994	ZNF107	ENSG00000196247	278	0.2	0.12	0.12	0.071	NA
chr7	72992434	72993397	TBL2	ENSG00000106638	-316	0.12	0.16	0.12	-0.042	NA
chr7	105028260	105029774	SRPK2	ENSG00000135250	324	0.24	0.2	0.12	0.042	NA
chr7	105516844	105517963	ATXN7L1	ENSG00000146776	-480	0.18	0.25	0.12	-0.078	NA
chr7	111202079	111202683	IMMP2L	ENSG00000184903	-34	0.18	0.23	0.12	-0.056	NA
chr7	128502715	128503276	ATP6V1F	ENSG00000128524	115	0.27	0.2	0.12	0.073	NA
chr7	6793645	6793978	RSPH10B2	ENSG00000169402	71	0.14	0.4	0.13	-0.25	NA
chr7	16684239	16684505	ANKMY2	ENSG00000106524	915	0.18	0.5	0.13	-0.32	NA
chr7	55954935	55955387	RP11-15K19.2	ENSG00000249773	191	0.25	0.17	0.13	0.085	NA

chr7	77044840	77045719	PION	ENSG00000186088	-95	0.29	0.21	0.13	0.085	NA
chr7	89840813	89841491	AC002064.3	ENSG00000227646	-203	0.31	0.24	0.13	0.072	NA
chr7	1126578	1126910	GPER	ENSG00000164850	232	0.32	0.58	0.14	-0.26	NA
chr7	5266921	5267306	WIPI2	ENSG00000157954	1532	0.95	0.86	0.14	0.089	NA
chr7	23570757	23571819	TRA2A	ENSG00000164548	11	0.2	0.27	0.14	-0.068	NA
chr7	27203915	27206462	HOXA9	ENSG00000078399	-117	0.28	0.25	0.14	0.035	NA
chr7	27278945	27279469	RP1-170O19.17	ENSG00000253308	1640	0.27	0.21	0.14	0.057	NA
chr7	37955622	37956555	SFRP4	ENSG00000106483	332	0.15	0.2	0.14	-0.046	NA
chr7	139043885	139045478	LUC7L2	ENSG00000146963	54	0.17	0.21	0.14	-0.042	NA
chr7	148480129	148480504	AC006323.1	ENSG00000239325	1169	0.65	0.57	0.14	0.082	NA
chr7	151825925	151826675	RP5-981O7.3	ENSG00000213188	336	0.98	1	0.14	-0.019	NA
chr7	5820472	5821444	RNF216	ENSG00000011275	293	0.14	0.17	0.15	-0.033	NA
chr7	6570453	6571095	GRID2IP	ENSG00000215045	43	0.22	0.28	0.15	-0.061	NA
chr7	28219435	28219697	AC005017.1	ENSG00000234336	-375	0.25	0.13	0.15	0.12	NA
chr7	29603540	29604793	PRR15	ENSG00000176532	739	0.19	0.23	0.15	-0.041	NA
chr7	66205245	66206565	KCTD7	ENSG00000243335	262	0.16	0.14	0.15	0.026	NA
chr7	75114831	75115715	AC006014.7	ENSG00000242073	112	0.2	0.14	0.15	0.064	NA
chr7	134854975	134855696	C7orf49	ENSG00000122783	-72	0.23	0.17	0.15	0.063	NA
chr7	5526389	5526693	snoU13	ENSG00000238394	1515	0.17	0.31	0.16	-0.14	NA
chr7	92219060	92219873	FAM133B	ENSG00000234545	-122	0.23	0.18	0.16	0.05	NA
chr7	96746767	96747190	ACN9	ENSG00000196636	-35	0.15	0.25	0.16	-0.1	NA
chr7	99036099	99036892	PTCD1	ENSG00000106246	-225	0.19	0.24	0.16	-0.047	NA
chr7	100253782	100254150	ACTL6B	ENSG00000077080	23	0.21	0.14	0.16	0.072	NA
chr7	100888069	100888488	FIS1	ENSG00000214253	51	0.22	0.15	0.16	0.066	NA
chr7	102715106	102716015	FBXL13	ENSG00000161040	-388	0.2	0.24	0.16	-0.042	NA
chr7	139167480	139168712	KLRG2	ENSG00000188883	313	0.16	0.2	0.16	-0.036	NA
chr7	148725047	148726161	PDIA4	ENSG00000155660	-44	0.17	0.21	0.16	-0.038	NA
chr7	149470114	149471054	ZNF467	ENSG00000181444	-276	0.3	0.23	0.16	0.062	NA
chr7	149535243	149536037	ZNF862	ENSG00000106479	184	0.15	0.2	0.16	-0.042	NA
chr7	150075939	150076856	ZNF775	ENSG00000196456	-21	0.17	0.22	0.16	-0.051	NA

chr7	154861797	154862074	HTR5A	ENSG00000157219	-99	0.18	0.67	0.16	-0.49	NA
chr7	1590387	1591020	TMEM184A	ENSG00000164855	-137	0.91	0.94	0.17	-0.033	NA
chr7	36406370	36407017	KIAA0895	ENSG00000164542	-171	0.18	0.24	0.17	-0.061	NA
chr7	45127979	45128263	NACAD	ENSG00000136274	392	0.25	0.75	0.17	-0.5	NA
chr7	45197181	45197807	RAMP3	ENSG00000122679	104	0.27	0.22	0.17	0.045	NA
chr7	66767145	66768031	PMS2P4	ENSG00000067601	-182	0.3	0.18	0.17	0.12	NA
chr7	72971527	72972220	BCL7B	ENSG00000106635	-332	0.21	0.27	0.17	-0.06	NA
chr7	98030097	98030422	AC093799.1	ENSG00000006453	121	0.12	0.2	0.17	-0.073	NA
chr7	99070295	99070859	ZNF789	ENSG00000198556	113	0.27	0.14	0.17	0.13	NA
chr7	100201614	100203652	PCOLCE	ENSG00000106333	978	0.22	0.26	0.17	-0.038	NA
chr7	107641795	107644058	LAMB1	ENSG00000091136	-454	0.27	0.23	0.17	0.042	NA
chr7	128784695	128785096	TSPAN33	ENSG00000158457	183	0.26	0.19	0.17	0.07	NA
chr7	128864320	128865655	AHCYL2	ENSG00000158467	123	0.23	0.27	0.17	-0.045	NA
chr7	136553854	136556194	CHRM2	ENSG00000181072	1155	0.22	0.28	0.17	-0.061	NA
chr7	1535617	1536099	INTS1	ENSG00000164880	-10	0.89	0.95	0.18	-0.056	NA
chr7	23287221	23287508	GPNMB	ENSG00000136235	970	0.24	0.19	0.18	0.05	NA
chr7	36192591	36193434	EEPD1	ENSG00000122547	254	0.17	0.21	0.18	-0.043	NA
chr7	90225082	90226364	AC002456.2	ENSG00000223969	-519	0.14	0.17	0.18	-0.034	NA
chr7	99063423	99063624	ATP5J2	ENSG00000241468	261	0.13	0.33	0.18	-0.2	NA
chr7	766085	766952	HEATR2	ENSG00000164818	180	0.24	0.18	0.19	0.052	NA
chr7	4824365	4824680	KIAA0415	ENSG00000242802	-1484	0.74	0.81	0.19	-0.068	NA
chr7	11013426	11013888	PHF14	ENSG00000106443	158	0.25	0.36	0.19	-0.11	NA
chr7	27186927	27187692	RP1-170O19.2	ENSG00000254369	207	0.32	0.27	0.19	0.052	NA
chr7	42971634	42972299	PSMA2	ENSG00000106588	-213	0.26	0.17	0.19	0.087	NA
chr7	97736035	97736854	LMTK2	ENSG00000164715	247	0.19	0.25	0.19	-0.061	NA
chr7	5183878	5184223	ZNF890P	ENSG00000159904	127	0.53	0.62	0.2	-0.086	NA
chr7	5322680	5323193	SLC29A4	ENSG00000164638	276	0.19	0.25	0.2	-0.058	NA
chr7	7606372	7607023	MIOS	ENSG00000164654	194	0.22	0.31	0.2	-0.092	NA
chr7	27195601	27196567	HOXA7	ENSG00000122592	-467	0.18	0.14	0.2	0.043	NA
chr7	31091717	31093077	ADCYAP1R1	ENSG00000078549	321	0.24	0.19	0.2	0.048	NA

chr7	93633439	93633910	BET1	ENSG00000105829	-7	0.27	0.19	0.2	0.081	NA
chr7	128555329	128556650	RP11-309L24.6	ENSG00000224163	-1872	0.65	0.69	0.2	-0.043	NA
chr7	152456740	152457511	ACTR3B	ENSG00000133627	291	0.22	0.18	0.2	0.039	NA
chr7	5400611	5401610	TNRC18	ENSG00000182095	548	0.87	0.91	0.21	-0.04	NA
chr7	6487306	6487750	DAGLB	ENSG00000164535	35	0.15	0.19	0.21	-0.04	NA
chr7	87256958	87258444	RUNDC3B	ENSG00000105784	713	0.2	0.16	0.21	0.039	NA
chr7	91808331	91808632	AC000120.8	ENSG00000240720	-40	0.21	0.3	0.21	-0.092	NA
chr7	97881132	97881906	TECPRI	ENSG00000205356	-280	0.18	0.14	0.21	0.043	NA
chr7	99755854	99756459	C7orf43	ENSG00000146826	126	0.18	0.25	0.21	-0.071	NA
chr7	100608736	100609793	RP11-395B7.2	ENSG00000225946	22	0.16	0.18	0.21	-0.025	NA
chr7	117512942	117513865	CTTNBP2	ENSG00000077063	80	0.16	0.13	0.21	0.036	NA
chr7	138915434	138916956	UBN2	ENSG00000157741	-36	0.18	0.21	0.21	-0.032	NA
chr7	148844254	148845556	ZNF398	ENSG00000197024	345	0.18	0.21	0.21	-0.029	NA
chr7	158648984	158649759	WDR60	ENSG00000126870	102	0.19	0.16	0.21	0.033	NA
chr7	23720367	23720677	AC006026.13	ENSG00000234286	-117	0.31	0.17	0.22	0.15	NA
chr7	76022369	76023172	SRCRB4D	ENSG00000146700	37	0.2	0.15	0.22	0.049	NA
chr7	101929503	101931089	SH2B2	ENSG00000160999	1844	0.23	0.2	0.22	0.029	NA
chr7	116502427	116502920	CAPZA2	ENSG00000198898	146	0.1	1	0.22	-0.9	NA
chr7	128694513	128695357	TNPO3	ENSG00000064419	2	0.27	0.37	0.22	-0.1	NA
chr7	132260474	132262527	PLXNA4	ENSG00000221866	-271	0.18	0.2	0.22	-0.026	NA
chr7	135347056	135347498	AC091736.5	ENSG00000243317	33	0.16	0.21	0.22	-0.045	NA
chr7	140372743	140373443	ADCK2	ENSG00000133597	140	0.13	0.17	0.22	-0.039	NA
chr7	5111620	5112088	RBAK	ENSG00000146587	98	0.4	0.29	0.23	0.11	NA
chr7	43908911	43909478	MRPS24	ENSG00000062582	-88	0.36	0.22	0.23	0.14	NA
chr7	917632	917859	GET4	ENSG00000239857	203	0.25	0.17	0.23	0.079	NA
chr7	19156050	19158042	TWIST1	ENSG00000122691	-499	0.26	0.23	0.23	0.03	NA
chr7	87849003	87849594	SRI	ENSG00000075142	53	0.24	0.16	0.23	0.078	NA
chr7	100080693	100081371	C7orf51	ENSG00000166924	-518	0.19	0.24	0.23	-0.05	NA
chr7	102105123	102105782	ALKBH4	ENSG00000160993	-148	0.14	0.18	0.23	-0.036	NA
chr7	129592032	129592891	UBE2H	ENSG00000186591	-90	0.17	0.21	0.23	-0.039	NA

chr7	142494563	142495248	TRBJ2-4	ENSG00000211768	223	0.16	0.2	0.23	-0.046	NA
chr7	44621293	44622377	TMED4	ENSG00000158604	-26	0.18	0.26	0.24	-0.078	NA
chr7	44788714	44789119	ZMIZ2	ENSG00000122515	355	0.15	0.3	0.24	-0.15	NA
chr7	66021169	66022278	RP4-756H11.1	ENSG00000232491	520	0.94	0.9	0.24	0.037	NA
chr7	129845146	129845424	TMEM209	ENSG00000146842	-97	0.22	0.13	0.24	0.084	NA
chr7	149570366	149571272	RP4-751H13.6	ENSG00000204934	112	0.21	0.25	0.24	-0.038	NA
chr7	32767535	32768848	AC018648.6	ENSG00000237004	449	0.23	0.18	0.25	0.045	NA
chr7	23145211	23146037	AC006039.4	ENSG00000230658	-302	0.16	0.2	0.25	-0.042	NA
chr7	95225503	95226194	PDK4	ENSG00000004799	-76	0.2	0.16	0.25	0.041	NA
chr7	96338816	96339277	SHFM1	ENSG00000127922	78	0.15	0.21	0.25	-0.066	NA
chr7	100964790	100965201	RABL5	ENSG00000128581	50	0.17	0.1	0.25	0.063	NA
chr7	114562170	114563193	MDFIC	ENSG00000135272	472	0.17	0.21	0.25	-0.036	NA
chr7	128001346	128002066	PRRT4	ENSG00000224940	-48	0.2	0.25	0.25	-0.051	NA
chr7	138793113	138794608	ZC3HAV1	ENSG00000105939	240	0.19	0.21	0.25	-0.027	NA
chr7	419519	419916	AC226118.1	ENSG00000249574	392	0.22	0.17	0.26	0.044	NA
chr7	2718826	2719124	AMZ1	ENSG00000174945	-181	0.27	0.17	0.26	0.1	NA
chr7	14030965	14031213	ETV1	ENSG00000006468	-80	0.34	0.54	0.26	-0.2	NA
chr7	27227520	27229043	HOXA11-AS1	ENSG00000240990	843	0.28	0.23	0.26	0.05	NA
chr7	30810863	30811550	FAM188B	ENSG00000106125	173	0.22	0.28	0.26	-0.061	NA
chr7	98990157	98990922	ARPC1B	ENSG00000130429	-1126	0.22	0.26	0.26	-0.039	NA
chr7	151216068	151217901	RHEB	ENSG00000106615	-715	0.22	0.19	0.26	0.034	NA
chr7	976647	976894	ADAP1	ENSG00000105963	-1954	0.76	0.86	0.27	-0.095	NA
chr7	128379114	128379697	CALU	ENSG00000128595	59	0.23	0.18	0.27	0.05	NA
chr7	1514354	1514578	INTS1	ENSG00000164880	1320	0.85	0.92	0.28	-0.072	NA
chr7	37487354	37488672	ELMO1	ENSG00000155849	446	0.16	0.19	0.28	-0.031	NA
chr7	41745178	41745462	AC005027.3	ENSG00000236310	-387	0.28	0.43	0.28	-0.15	NA
chr7	61820458	61822022	RP11-715L17.1	ENSG00000233918	-629	0.66	0.69	0.28	-0.024	NA
chr7	86848911	86850024	C7orf23	ENSG00000135185	-525	0.21	0.24	0.28	-0.032	NA
chr7	99214144	99214885	ZNF498	ENSG00000197037	-55	0.23	0.19	0.28	0.038	NA
chr7	105924650	105925975	NAMPT	ENSG00000105835	-234	0.21	0.24	0.28	-0.03	NA

chr7	1177726	1178255	C7orf50	ENSG00000146540	-114	0.16	0.12	0.29	0.039	NA
chr7	26331463	26331944	SNX10	ENSG00000086300	162	0.2	0.13	0.29	0.068	NA
chr7	29233704	29235046	CHN2	ENSG00000106069	347	0.18	0.15	0.29	0.027	NA
chr7	39988922	39991612	CDK13	ENSG00000065883	631	0.17	0.19	0.29	-0.019	NA
chr7	64029902	64030972	RP11-561N12.5	ENSG00000213642	378	0.23	0.3	0.29	-0.076	NA
chr7	127031854	127033084	ZNF800	ENSG00000048405	-297	0.27	0.23	0.29	0.034	NA
chr7	129710092	129710493	KLHDC10	ENSG00000128607	-58	0.17	0.21	0.29	-0.045	NA
chr7	143058917	143060156	FAM131B	ENSG00000159784	-388	0.2	0.23	0.29	-0.031	NA
chr7	150783480	150785040	AGAP3	ENSG00000133612	434	0.17	0.15	0.29	0.021	NA
chr7	37960316	37961046	EPDR1	ENSG00000086289	-241	0.18	0.26	0.3	-0.074	NA
chr7	73133388	73134204	STX1A	ENSG00000106089	160	0.16	0.19	0.3	-0.026	NA
chr7	86688832	86689238	KIAA1324L	ENSG00000164659	-88	0.35	0.23	0.3	0.12	NA
chr7	122525748	122526959	CADPS2	ENSG00000081803	58	0.22	0.19	0.3	0.03	NA
chr7	134001207	134001982	SLC35B4	ENSG00000205060	55	0.14	0.18	0.3	-0.041	NA
chr7	138720044	138721019	ZC3HAV1L	ENSG00000146858	232	0.2	0.16	0.3	0.034	NA
chr7	150934649	150934869	MIR671	ENSG00000211517	-748	0.81	0.88	0.3	-0.074	NA
chr7	27146069	27146600	AC004080.12	ENSG00000253552	-1062	0.24	0.18	0.31	0.055	NA
chr7	45928002	45928585	IGFBP1	ENSG00000146678	197	0.24	0.2	0.31	0.046	NA
chr7	140339997	140341136	DENND2A	ENSG00000146966	-468	0.2	0.18	0.31	0.025	NA
chr7	25219408	25219962	C7orf31	ENSG00000153790	-18	0.19	0.23	0.32	-0.044	NA
chr7	102157823	102158510	RASA4B	ENSG00000170667	-9	1	0.12	0.32	0.88	NA
chr7	112429980	112430566	TMEM168	ENSG00000146802	161	0.24	0.18	0.32	0.058	NA
chr7	153583317	153585666	DPP6	ENSG00000130226	309	0.18	0.2	0.32	-0.027	NA
chr7	6523064	6523897	KDELR2	ENSG00000136240	208	0.14	0.16	0.33	-0.02	NA
chr7	27282086	27283136	EVX1	ENSG00000106038	447	0.25	0.21	0.33	0.038	NA
chr7	36429250	36429806	ANLN	ENSG00000011426	113	0.21	0.14	0.33	0.065	NA
chr7	44058608	44058988	POLR2J4	ENSG00000214783	-86	0.26	0.33	0.33	-0.071	NA
chr7	44529710	44530557	NUDCD3	ENSG00000015676	-269	0.31	0.39	0.33	-0.079	NA
chr7	66119075	66120404	RP4-756H11.3	ENSG00000226824	214	0.15	0.17	0.33	-0.021	NA
chr7	113724924	113727795	FOXP2	ENSG00000128573	-23	0.15	0.17	0.33	-0.018	NA

chr7	150725173	150726018	ABCB8	ENSG00000197150	85	0.17	0.22	0.33	-0.055	NA
chr7	156685008	156686179	LMBR1	ENSG00000105983	-320	0.26	0.21	0.33	0.049	NA
chr7	191875	193799	FAM20C	ENSG00000177706	-132	0.19	0.17	0.34	0.017	NA
chr7	1498575	1499123	MICALL2	ENSG00000164877	113	0.23	0.18	0.34	0.05	NA
chr7	4798529	4799281	FOXK1	ENSG00000164916	1265	0.92	1	0.34	-0.077	NA
chr7	18125914	18127009	HDAC9	ENSG00000048052	-111	0.16	0.18	0.34	-0.025	NA
chr7	29845881	29846751	WIPF3	ENSG00000122574	214	0.19	0.17	0.34	0.024	NA
chr7	101838731	101839597	SNORA48	ENSG00000252824	-1720	0.95	0.93	0.34	0.023	NA
chr7	29603109	29603328	AC007255.8	ENSG00000223813	61	0.44	0.31	0.35	0.12	NA
chr7	32996732	32997591	FKBP9	ENSG00000122642	144	0.2	0.23	0.35	-0.023	NA
chr7	43152020	43153340	HECW1	ENSG00000002746	482	0.23	0.26	0.35	-0.03	NA
chr7	44887267	44888070	H2AFV	ENSG00000105968	-48	0.22	0.27	0.35	-0.049	NA
chr7	74508135	74509130	GTF2IRD2B	ENSG00000174428	268	0.5	0.21	0.35	0.29	NA
chr7	94536849	94537477	PPP1R9A	ENSG00000158528	214	0.21	0.18	0.35	0.032	NA
chr7	99516602	99517296	TRIM4	ENSG00000146833	-221	0.17	0.21	0.35	-0.034	NA
chr7	116164703	116166735	CAV1	ENSG00000105974	880	0.19	0.21	0.35	-0.028	NA
chr7	7679840	7680679	RPA3	ENSG00000106399	-51	0.25	0.14	0.36	0.11	NA
chr7	56032046	56032903	GBAS	ENSG00000146729	200	0.23	0.2	0.36	0.029	NA
chr7	139875411	139877493	JHDM1D	ENSG00000006459	289	0.21	0.22	0.36	-0.019	NA
chr7	588913	589544	AC147651.1	ENSG00000252986	-1142	0.84	0.89	0.37	-0.051	NA
chr7	4825116	4825345	KIAA0415	ENSG00000242802	-776	0.89	0.97	0.37	-0.074	NA
chr7	6629328	6630235	C7orf26	ENSG00000146576	133	0.16	0.19	0.37	-0.037	NA
chr7	91763095	91764367	CYP51A1	ENSG00000001630	113	0.19	0.21	0.37	-0.024	NA
chr7	96634622	96634915	DLX6	ENSG00000006377	-92	0.19	0.32	0.37	-0.13	NA
chr7	100171148	100172286	AC069281.1	ENSG00000205307	-447	0.92	0.94	0.37	-0.017	NA
chr7	102073605	102074334	ORAI2	ENSG00000160991	-13	0.16	0.19	0.37	-0.032	NA
chr7	139208442	139209069	CLEC2L	ENSG00000236279	153	0.23	0.18	0.37	0.047	NA
chr7	12726156	12727248	ARL4A	ENSG00000122644	221	0.17	0.19	0.38	-0.018	NA
chr7	23221406	23221980	NUPL2	ENSG00000136243	247	0.17	0.2	0.38	-0.027	NA
chr7	89874321	89874855	C7orf63	ENSG00000105792	100	0.19	0.23	0.38	-0.044	NA

chr7	128430707	128432003	CCDC136	ENSG00000128596	544	0.25	0.22	0.38	0.029	NA
chr7	139477406	139478496	HIPK2	ENSG00000064393	-434	0.17	0.19	0.38	-0.024	NA
chr7	150417414	150418018	GIMAP5	ENSG00000196329	-1625	0.93	0.96	0.38	-0.026	NA
chr7	965987	966266	ADAP1	ENSG00000105963	565	0.88	0.82	0.39	0.059	NA
chr7	1913829	1914077	MAD1L1	ENSG00000002822	-1561	0.94	0.97	0.39	-0.029	NA
chr7	4815019	4815542	KIAA0415	ENSG00000242802	27	0.2	0.25	0.39	-0.054	NA
chr7	82791674	82792412	PCLO	ENSG00000186472	154	0.2	0.23	0.39	-0.028	NA
chr7	1570406	1571136	MAFK	ENSG00000198517	421	0.32	0.25	0.4	0.064	NA
chr7	6388210	6388743	C7orf70	ENSG00000178397	114	0.22	0.17	0.4	0.051	NA
chr7	100472375	100473393	SRRT	ENSG00000087087	151	0.21	0.23	0.4	-0.023	NA
chr7	150676178	150676585	KCNH2	ENSG00000055118	-978	0.23	0.29	0.4	-0.061	NA
chr7	1660480	1660781	AC074389.5	ENSG00000231476	340	0.98	0.94	0.41	0.033	NA
chr7	48074838	48075985	C7orf57	ENSG00000164746	303	0.18	0.2	0.41	-0.02	NA
chr7	56297432	56297662	CCNJP1	ENSG00000227491	-72	0.19	0.24	0.41	-0.056	NA
chr7	87505100	87506493	DBF4	ENSG00000006634	265	0.22	0.19	0.41	0.027	NA
chr7	106300402	106301573	AC004917.1	ENSG00000177820	355	0.21	0.19	0.41	0.026	NA
chr7	329258	331428	WI2-237311.1	ENSG00000248999	-274	0.27	0.25	0.42	0.018	NA
chr7	1515982	1516241	INTS1	ENSG00000164880	-325	0.8	0.86	0.42	-0.056	NA
chr7	72717665	72717985	NSUN5	ENSG00000130305	875	0.89	0.82	0.42	0.068	NA
chr7	107383657	107385021	CBLL1	ENSG00000105879	197	0.19	0.22	0.42	-0.033	NA
chr7	150757031	150757297	SLC4A2	ENSG00000164889	7	0.33	0.28	0.42	0.058	NA
chr7	75931704	75932978	HSPB1	ENSG00000106211	480	0.18	0.15	0.43	0.025	NA
chr7	93204085	93204381	CALCR	ENSG00000004948	-191	0.14	0.17	0.43	-0.036	NA
chr7	45025958	45026626	SNORA9	ENSG00000206942	-1183	0.29	0.19	0.44	0.096	NA
chr7	99686452	99686839	COPS6	ENSG00000168090	68	0.15	0.17	0.44	-0.021	NA
chr7	100167136	100168144	RP11-44M6.3	ENSG00000184414	-114	0.17	0.21	0.44	-0.044	NA
chr7	137531125	137532382	DGKI	ENSG00000157680	-471	0.19	0.17	0.44	0.018	NA
chr7	150652807	150653080	KCNH2	ENSG00000055118	-45	0.32	0.22	0.44	0.1	NA
chr7	154794017	154795750	PAXIP1	ENSG00000157212	-262	0.18	0.2	0.44	-0.017	NA
chr7	155601175	155603235	SHH	ENSG00000164690	-439	0.19	0.17	0.44	0.022	NA

chr7	27182613	27185562	HOXA5	ENSG00000106004	-800	0.24	0.22	0.45	0.016	NA
chr7	75368062	75369078	HIP1	ENSG00000127946	-317	0.16	0.18	0.45	-0.019	NA
chr7	89783567	89784081	STEAP1	ENSG00000164647	135	0.26	0.14	0.45	0.12	NA
chr7	99005784	99006859	PDAP1	ENSG00000106244	-108	0.21	0.24	0.45	-0.023	NA
chr7	127671158	127672853	LRRC4	ENSG00000128594	-331	0.2	0.18	0.45	0.016	NA
chr7	74489353	74489930	WBSCR16	ENSG00000174374	-15	0.21	0.15	0.46	0.056	NA
chr7	155302253	155303158	AC008060.5	ENSG00000227365	-273	0.18	0.21	0.46	-0.033	NA
chr7	38670439	38671008	AMPH	ENSG00000078053	297	0.23	0.2	0.47	0.036	NA
chr7	45808183	45808745	SEPT7P2	ENSG00000214765	89	0.29	0.19	0.47	0.11	NA
chr7	97501183	97501919	ASNS	ENSG00000070669	-360	0.16	0.13	0.47	0.032	NA
chr7	43797823	43798802	BLVRA	ENSG00000106605	33	0.24	0.27	0.48	-0.03	NA
chr7	64254700	64255067	ZNF138	ENSG00000197008	117	0.13	0.16	0.48	-0.038	NA
chr7	79082174	79082427	AC004945.2	ENSG00000234456	102	0.12	0.2	0.48	-0.075	NA
chr7	87230059	87230260	ABCB1	ENSG00000085563	-659	0.19	0.07	0.48	0.12	NA
chr7	92076699	92077395	GATAD1	ENSG00000157259	280	0.22	0.19	0.48	0.029	NA
chr7	1536621	1537489	INTS1	ENSG00000164880	-1207	0.74	1	0.49	-0.26	NA
chr7	6311322	6312526	CYTH3	ENSG00000008256	351	0.21	0.23	0.49	-0.021	NA
chr7	22539545	22540022	AC099759.1	ENSG00000105889	13	0.15	0.27	0.49	-0.12	NA
chr7	27147589	27148389	AC004080.12	ENSG00000253552	593	0.29	0.25	0.49	0.038	NA
chr7	56242406	56243298	RP4-725G10.4	ENSG00000233028	-475	0.24	0.26	0.49	-0.024	NA
chr7	76178541	76179487	AC004980.7	ENSG00000205485	337	0.19	0.22	0.49	-0.028	NA
chr7	30066419	30066685	FKBP14	ENSG00000106080	-252	0.19	0.23	0.5	-0.049	NA
chr7	32529753	32530146	LSM5	ENSG00000106355	24	0.43	0.37	0.5	0.058	NA
chr7	42951216	42951905	C7orf25	ENSG00000136197	-51	0.13	0.15	0.5	-0.023	NA
chr7	48019088	48019389	HUS1	ENSG00000136273	-137	0.22	0.27	0.5	-0.049	NA
chr7	72935612	72937090	BAZ1B	ENSG00000009954	251	0.18	0.17	0.5	0.019	NA
chr7	84569238	84569567	AC074183.4	ENSG00000232019	159	0.95	1	0.5	-0.053	NA
chr7	92157487	92158405	PEX1	ENSG00000127980	-197	0.18	0.2	0.5	-0.024	NA
chr7	150554419	150554741	ABP1	ENSG00000002726	-441	0.94	0.9	0.5	0.041	NA
chr7	150747976	150748519	ACCN3	ENSG00000213199	240	0.18	0.2	0.5	-0.023	NA

chr7	17979774	17980542	SNX13	ENSG00000071189	-104	0.16	0.19	0.51	-0.029	NA
chr7	21466646	21467806	SP4	ENSG00000105866	-426	0.2	0.22	0.51	-0.024	NA
chr7	25018999	25020255	OSBPL3	ENSG00000070882	133	0.19	0.21	0.51	-0.018	NA
chr7	43945583	43946456	URGCP	ENSG00000106608	-109	0.23	0.26	0.51	-0.024	NA
chr7	100823307	100823701	C7orf52	ENSG00000167011	-8	0.16	0.19	0.51	-0.028	NA
chr7	1515370	1515742	INTS1	ENSG00000164880	230	0.94	0.97	0.52	-0.033	NA
chr7	5427455	5429037	TNRC18	ENSG00000182095	-586	0.94	0.93	0.52	0.0089	NA
chr7	5938173	5938557	CCZ1	ENSG00000122674	9	1	0.67	0.52	0.33	NA
chr7	30517987	30518610	NOD1	ENSG00000106100	-46	0.12	0.15	0.52	-0.023	NA
chr7	21582443	21583313	DNAH11	ENSG00000105877	45	0.23	0.25	0.53	-0.021	NA
chr7	23338797	23339264	C7orf30	ENSG00000156928	211	0.14	0.11	0.53	0.028	NA
chr7	27212416	27214396	HOXA10	ENSG00000253293	-898	0.25	0.23	0.53	0.021	NA
chr7	66056451	66057405	GS1-124K5.12	ENSG00000232559	445	0.15	0.18	0.53	-0.021	NA
chr7	106810128	106810329	HBP1	ENSG00000105856	63	0.2	0.16	0.53	0.04	NA
chr7	120590584	120591328	ING3	ENSG00000071243	153	0.31	0.25	0.53	0.057	NA
chr7	130794689	130795032	MKLN1	ENSG00000128585	5	0.26	0.33	0.53	-0.073	NA
chr7	6677238	6677551	AC073343.9	ENSG00000205903	441	0.22	0.18	0.54	0.045	NA
chr7	99097277	99098104	ZNF394	ENSG00000160908	-363	0.26	0.23	0.54	0.037	NA
chr7	99155871	99156969	ZNF655	ENSG00000197343	391	0.2	0.22	0.54	-0.023	NA
chr7	117823984	117824485	NAA38	ENSG00000128534	148	0.21	0.18	0.54	0.035	NA
chr7	6575923	6576389	GRID2IP	ENSG00000215045	372	0.22	0.26	0.55	-0.037	NA
chr7	16460778	16461265	ISPD	ENSG00000214960	-74	0.21	0.19	0.55	0.02	NA
chr7	56131778	56132226	SUMF2	ENSG00000129103	85	0.22	0.18	0.55	0.038	NA
chr7	75508166	75508759	RHBDD2	ENSG00000005486	196	0.2	0.22	0.55	-0.021	NA
chr7	150754922	150755426	CDK5	ENSG00000164885	-239	0.18	0.21	0.55	-0.027	NA
chr7	4998405	4998950	MMD2	ENSG00000136297	145	0.21	0.25	0.56	-0.035	NA
chr7	16566252	16566674	AC005014.4	ENSG00000205858	-42	0.98	0.96	0.56	0.019	NA
chr7	27169572	27170638	RP1-170O19.2	ENSG00000254369	509	0.17	0.19	0.56	-0.019	NA
chr7	73867787	73868061	GTF2IRD1	ENSG00000006704	-196	0.19	0.23	0.56	-0.035	NA
chr7	150746002	150746381	ACCN3	ENSG00000213199	218	0.91	0.93	0.56	-0.022	NA

chr7	931767	932014	GET4	ENSG00000239857	-47	0.92	1	0.57	-0.078	NA
chr7	1881181	1881391	AC110781.5	ENSG00000227990	526	0.91	0.97	0.57	-0.059	NA
chr7	44153157	44153501	POLD2	ENSG00000106628	1834	0.93	0.9	0.57	0.03	NA
chr7	56949864	56950322	RP13-580B18.1	ENSG00000233437	-254	0.8	0.84	0.57	-0.039	NA
chr7	75051059	75051612	POM121C	ENSG00000135213	-767	0.96	1	0.57	-0.041	NA
chr7	151136933	151137273	CRYGN	ENSG00000127377	-9	0.33	0.25	0.57	0.083	NA
chr7	6676454	6676785	AC073343.9	ENSG00000205903	-334	0.2	0.24	0.58	-0.034	NA
chr7	39015543	39015929	POU6F2	ENSG00000106536	-1862	0.27	0.23	0.58	0.046	NA
chr7	149410858	149412351	KRBA1	ENSG00000133619	-268	0.36	0.38	0.58	-0.02	NA
chr7	807336	808261	HEATR2	ENSG00000164818	-314	0.16	0.18	0.59	-0.017	NA
chr7	5644923	5645142	FSCN1	ENSG00000075618	1473	0.72	0.81	0.59	-0.089	NA
chr7	27284639	27286237	RP1-170O19.16	ENSG00000253405	1410	0.23	0.25	0.59	-0.013	NA
chr7	35733995	35734979	HERPUD2	ENSG00000122557	-311	0.16	0.15	0.59	0.016	NA
chr7	143582125	143582610	FAM115A	ENSG00000198420	-3	0.17	0.12	0.59	0.052	NA
chr7	1543280	1544399	INTS1	ENSG00000164880	164	0.2	0.22	0.6	-0.017	NA
chr7	7222020	7222974	C1GALT1	ENSG00000106392	319	0.21	0.19	0.6	0.022	NA
chr7	22704823	22705421	AC002480.2	ENSG00000238033	30	0.94	0.96	0.6	-0.017	NA
chr7	71800757	71802768	CALN1	ENSG00000183166	218	0.19	0.21	0.6	-0.014	NA
chr7	72349774	72350765	POM121	ENSG00000196313	333	0.29	0.25	0.6	0.048	NA
chr7	120497120	120498220	TSPAN12	ENSG00000106025	-492	0.21	0.23	0.6	-0.018	NA
chr7	140097905	140098428	SLC37A3	ENSG00000157800	91	0.26	0.23	0.6	0.034	NA
chr7	4874104	4875095	RADIL	ENSG00000157927	258	0.96	0.95	0.61	0.013	NA
chr7	27219309	27219750	RP1-170O19.20	ENSG00000257184	103	0.28	0.21	0.61	0.064	NA
chr7	128095678	128096197	METTL2B	ENSG00000165055	43	0.17	0.18	0.61	-0.016	NA
chr7	1014698	1015239	COX19	ENSG00000240230	-216	0.26	0.29	0.62	-0.036	NA
chr7	56173912	56174398	CHCHD2	ENSG00000106153	-31	0.23	0.2	0.62	0.03	NA
chr7	151572761	151575106	PRKAG2	ENSG00000106617	-60	0.21	0.2	0.62	0.013	NA
chr7	157208794	157209008	DNAJB6	ENSG00000105993	802	0.95	0.98	0.62	-0.033	NA
chr7	158798591	158799434	AC004863.6	ENSG00000231419	-201	0.95	0.91	0.62	0.039	NA
chr7	195474	195988	FAM20C	ENSG00000177706	106	0.97	0.95	0.63	0.023	NA

chr7	2686757	2687306	TTYH3	ENSG00000136295	-306	0.88	0.9	0.63	-0.019	NA
chr7	4828344	4828549	KIAA0415	ENSG00000242802	589	0.9	0.94	0.63	-0.041	NA
chr7	5360640	5360869	TNRC18	ENSG00000182095	-461	0.98	0.97	0.63	0.013	NA
chr7	6745867	6746716	ZNF12	ENSG00000164631	-124	0.22	0.2	0.63	0.018	NA
chr7	39662543	39663792	RALA	ENSG00000006451	85	0.18	0.17	0.63	0.015	NA
chr7	72741804	72742710	TRIM50	ENSG00000146755	-300	0.93	1	0.63	-0.071	NA
chr7	27238690	27240311	HOXA13	ENSG00000106031	225	0.19	0.18	0.64	0.014	NA
chr7	80548306	80548726	SEMA3C	ENSG00000075223	-18	0.18	0.16	0.64	0.024	NA
chr7	99613104	99613797	ZKSCAN1	ENSG00000106261	246	0.23	0.25	0.64	-0.019	NA
chr7	100033262	100034253	C7orf47	ENSG00000160813	-64	0.2	0.18	0.64	0.015	NA
chr7	123174472	123174682	IQUB	ENSG00000164675	40	0.42	0.2	0.64	0.22	NA
chr7	148982079	148982675	RP4-800G7.2	ENSG00000244560	5	0.17	0.16	0.64	0.015	NA
chr7	2558371	2559967	LFNG	ENSG00000106003	-307	0.19	0.18	0.65	0.013	NA
chr7	75987606	75988977	YWHAG	ENSG00000170027	-14	0.13	0.14	0.65	-0.015	NA
chr7	100492217	100494941	ACHE	ENSG00000087085	-97	0.2	0.21	0.65	-0.012	NA
chr7	100797532	100798479	AP1S1	ENSG00000106367	327	0.26	0.24	0.65	0.026	NA
chr7	102937857	102938141	PMPCB	ENSG00000105819	130	0.2	0.22	0.65	-0.02	NA
chr7	73790230	73790510	CLIP2	ENSG00000106665	-30	0.79	0.87	0.66	-0.08	NA
chr7	126891300	126894205	GRM8	ENSG00000179603	-317	0.18	0.19	0.66	-0.01	NA
chr7	155604725	155605095	SHH	ENSG00000164690	57	0.19	0.27	0.66	-0.081	NA
chr7	6703503	6704075	AC073343.13	ENSG00000228010	184	0.13	0.1	0.67	0.026	NA
chr7	63386608	63386885	RP11-73B2.6	ENSG00000227910	-91	0.5	1	0.67	-0.5	NA
chr7	75543965	75544775	POR	ENSG00000127948	-27	0.18	0.16	0.67	0.013	NA
chr7	128116667	128117312	METTL2B	ENSG00000165055	206	0.14	0.16	0.67	-0.024	NA
chr7	148823194	148824228	ZNF425	ENSG00000204947	-313	0.16	0.15	0.67	0.015	NA
chr7	295730	296831	FAM20C	ENSG00000177706	119	0.98	0.97	0.68	0.01	NA
chr7	91569986	91570348	AKAP9	ENSG00000127914	-14	0.16	0.19	0.68	-0.032	NA
chr7	123172732	123173231	IQUB	ENSG00000164675	21	0.3	0.37	0.68	-0.07	NA
chr7	150705759	150706129	NOS3	ENSG00000164867	-18	0.37	0.4	0.68	-0.027	NA
chr7	100209594	100210655	MOSPD3	ENSG00000106330	399	0.24	0.26	0.69	-0.022	NA

chr7	123672063	123673691	RP5-921G16.1	ENSG00000242593	618	0.18	0.19	0.69	-0.014	NA
chr7	150929388	150930151	CHPF2	ENSG00000033100	194	0.18	0.2	0.69	-0.017	NA
chr7	150945352	150946161	SMARCD3	ENSG00000082014	-24	0.23	0.21	0.69	0.022	NA
chr7	107204114	107204797	COG5	ENSG00000164597	-107	0.16	0.17	0.7	-0.013	NA
chr7	135661841	135662272	MTPN	ENSG00000105887	8	0.18	0.17	0.7	0.018	NA
chr7	142551879	142553186	EPHB6	ENSG00000106123	-260	0.19	0.2	0.7	-0.015	NA
chr7	5862830	5863066	ZNF815	ENSG00000235944	110	0.17	0.19	0.71	-0.027	NA
chr7	33943665	33945509	BMPER	ENSG00000164619	64	0.23	0.22	0.71	0.012	NA
chr7	86781624	86782194	DMTF1	ENSG00000135164	232	0.18	0.2	0.71	-0.018	NA
chr7	102119203	102119605	POLR2J	ENSG00000005075	-58	0.21	0.31	0.71	-0.1	NA
chr7	751712	752150	PRKAR1B	ENSG00000188191	278	0.16	0.18	0.72	-0.023	NA
chr7	985613	985913	ADAP1	ENSG00000105963	-311	0.66	0.63	0.72	0.034	NA
chr7	5569062	5570594	ACTB	ENSG00000075624	-534	0.16	0.17	0.72	-0.0086	NA
chr7	73037528	73038957	MLXIPL	ENSG00000009950	580	0.16	0.15	0.72	0.0096	NA
chr7	73588252	73589341	EIF4H	ENSG00000106682	221	0.16	0.17	0.72	-0.01	NA
chr7	131242693	131243006	PODXL	ENSG00000128567	127	0.18	0.21	0.72	-0.028	NA
chr7	33101938	33102907	NT5C3	ENSG00000122643	-14	0.17	0.16	0.73	0.014	NA
chr7	74071547	74073035	GTF2I	ENSG00000077809	297	0.23	0.21	0.73	0.012	NA
chr7	95950779	95951636	SLC25A13	ENSG00000004864	116	0.15	0.14	0.73	0.01	NA
chr7	100486729	100488093	UFSP1	ENSG00000176125	-72	0.18	0.2	0.73	-0.013	NA
chr7	102789395	102790120	NAPEPLD	ENSG00000161048	-334	0.18	0.17	0.73	0.012	NA
chr7	45150987	45151554	TBRG4	ENSG00000136270	-170	0.19	0.17	0.74	0.02	NA
chr7	128045542	128046298	IMPDH1	ENSG00000106348	-1	0.13	0.12	0.74	0.0096	NA
chr7	150863966	150865511	GBX1	ENSG00000164900	-103	0.22	0.23	0.74	-0.01	NA
chr7	27134097	27134303	HOTAIRM1	ENSG00000233429	-1066	0.27	0.24	0.75	0.036	NA
chr7	40173881	40175018	C7orf11	ENSG00000168303	-191	0.19	0.21	0.75	-0.012	NA
chr7	123197660	123197925	NDUFA5	ENSG00000128609	-59	0.31	0.38	0.75	-0.06	NA
chr7	56355508	56355798	RP11-700P18.1	ENSG00000223559	-270	0.23	0.22	0.76	0.017	NA
chr7	79763793	79764889	GNAI1	ENSG00000127955	527	0.18	0.19	0.76	-0.012	NA
chr7	100136448	100136919	AGFG2	ENSG00000106351	-151	0.21	0.19	0.76	0.021	NA

chr7	121943867	121944538	FEZF1	ENSG00000128610	289	0.28	0.25	0.76	0.033	NA
chr7	141438004	141438393	RP5-894A10.5	ENSG00000228775	-178	0.21	0.3	0.76	-0.093	NA
chr7	157293455	157294066	AC006372.5	ENSG00000223872	-256	0.89	0.91	0.76	-0.023	NA
chr7	30028518	30029822	SCRN1	ENSG00000136193	158	0.18	0.17	0.77	0.0067	NA
chr7	50343757	50344519	IKZF1	ENSG00000185811	-186	0.16	0.15	0.77	0.012	NA
chr7	100183527	100184625	LRCH4	ENSG00000077454	-324	0.2	0.18	0.77	0.016	NA
chr7	151092875	151093197	WDR86	ENSG00000187260	-33	0.27	0.25	0.77	0.022	NA
chr7	72722327	72722967	NSUN5	ENSG00000130305	-97	0.16	0.17	0.78	-0.011	NA
chr7	72738347	72738639	TRIM50	ENSG00000146755	1082	0.24	0.21	0.78	0.031	NA
chr7	94953769	94953971	PON1	ENSG00000005421	-82	0.71	0.79	0.78	-0.08	NA
chr7	231272	231539	AC145676.2	ENSG00000249852	-1848	0.92	0.9	0.79	0.026	NA
chr7	76026790	76027223	ZP3	ENSG00000188372	171	0.23	0.25	0.79	-0.029	NA
chr7	76750995	76751394	FAM185BP	ENSG00000214439	239	0.09	0.08	0.79	0.018	NA
chr7	100076454	100076785	TSC22D4	ENSG00000166925	173	0.27	0.24	0.79	0.027	NA
chr7	5085411	5086342	RBAK	ENSG00000146587	424	0.22	0.2	0.8	0.012	NA
chr7	82072021	82073520	CACNA2D1	ENSG00000153956	261	0.21	0.23	0.8	-0.013	NA
chr7	1131625	1133187	GPER	ENSG00000164850	-168	0.91	0.9	0.81	0.009	NA
chr7	53103275	53103801	POM121L12	ENSG00000221900	203	0.98	0.97	0.81	0.013	NA
chr7	64498577	64498930	CCT6P3	ENSG00000234585	21	0.17	0.25	0.81	-0.077	NA
chr7	97840559	97840845	BHLHA15	ENSG00000180535	-864	0.18	0.17	0.81	0.016	NA
chr7	134143115	134144063	AKR1B1	ENSG00000085662	261	0.19	0.2	0.81	-0.011	NA
chr7	140623997	140624949	BRAF	ENSG00000157764	-15	0.2	0.21	0.81	-0.0092	NA
chr7	22396039	22396852	RAPGEF5	ENSG00000136237	84	0.19	0.2	0.82	-0.011	NA
chr7	27154999	27155426	AC004080.12	ENSG00000253552	188	0.26	0.24	0.82	0.024	NA
chr7	73703458	73704127	CLIP2	ENSG00000106665	-11	0.22	0.26	0.82	-0.041	NA
chr7	99746253	99746643	C7orf59	ENSG00000188186	-82	0.2	0.27	0.82	-0.076	NA
chr7	106809461	106809815	HBP1	ENSG00000105856	178	0.4	0.35	0.82	0.05	NA
chr7	2883438	2884314	GNA12	ENSG00000146535	-226	0.2	0.19	0.83	0.011	NA
chr7	5521368	5521615	AC092171.1	ENSG00000203571	-1318	0.94	0.96	0.83	-0.02	NA
chr7	6120829	6121398	AC004895.4	ENSG00000231704	-189	0.14	0.12	0.83	0.015	NA

chr7	42276003	42277850	GLI3	ENSG00000106571	-314	0.19	0.18	0.83	0.0066	NA
chr7	55433147	55434271	LANCL2	ENSG00000132434	-95	0.21	0.22	0.83	-0.0091	NA
chr7	56515585	56515864	RP13-492C18.2	ENSG00000237268	344	0.27	0.29	0.83	-0.019	NA
chr7	137686291	137687056	CREB3L2	ENSG00000182158	-100	0.2	0.22	0.83	-0.017	NA
chr7	148395430	148397002	CUL1	ENSG00000055130	283	0.19	0.2	0.83	-0.0055	NA
chr7	150101906	150102968	ZNF775	ENSG00000196456	485	0.22	0.24	0.83	-0.014	NA
chr7	4876024	4876229	RADIL	ENSG00000157927	-1269	0.97	0.96	0.84	0.013	NA
chr7	5642948	5643184	FSCN1	ENSG00000075618	-493	0.92	0.94	0.84	-0.02	NA
chr7	44646065	44646823	OGDH	ENSG00000105953	273	0.18	0.18	0.84	-0.0094	NA
chr7	54614052	54614797	VSTM2A	ENSG00000170419	59	0.19	0.21	0.84	-0.012	NA
chr7	148936618	148937330	ZNF212	ENSG00000170260	232	0.26	0.2	0.84	0.06	NA
chr7	100895202	100895805	FIS1	ENSG00000214253	-89	0.17	0.22	0.85	-0.048	NA
chr7	6048396	6049255	PMS2	ENSG00000122512	-175	0.2	0.21	0.86	-0.011	NA
chr7	6590563	6590957	GRID2IP	ENSG00000215045	307	0.9	0.91	0.86	-0.01	NA
chr7	23508184	23509712	IGF2BP3	ENSG00000136231	173	0.25	0.24	0.86	0.009	NA
chr7	44162850	44163720	POLD2	ENSG00000106628	-190	0.25	0.23	0.86	0.019	NA
chr7	62858468	62858826	RP11-340I6.2	ENSG00000234467	223	1	0.62	0.86	0.38	NA
chr7	66461857	66462107	TYW1	ENSG00000198874	115	0.21	0.17	0.86	0.044	NA
chr7	72984990	72985208	TBL2	ENSG00000106638	625	0.97	0.94	0.86	0.032	NA
chr7	74987976	74988921	PMS2P2	ENSG00000174368	-235	0.33	0.24	0.86	0.095	NA
chr7	94139031	94139949	CASD1	ENSG00000127995	380	0.17	0.15	0.86	0.02	NA
chr7	99102154	99102968	ZKSCAN5	ENSG00000196652	287	0.22	0.2	0.86	0.016	NA
chr7	99698173	99699646	MCM7	ENSG00000166508	-529	0.18	0.18	0.86	0.0046	NA
chr7	129422997	129423355	RP11-738B7.1	ENSG00000242078	1849	0.27	0.26	0.86	0.013	NA
chr7	149194139	149195275	ZNF746	ENSG00000181220	117	0.25	0.26	0.86	-0.01	NA
chr7	855308	856747	SUN1	ENSG00000164828	499	0.2	0.19	0.87	0.0086	NA
chr7	35076136	35077808	DPY19L1	ENSG00000173852	681	0.19	0.19	0.87	0.007	NA
chr7	44104746	44105116	PGAM2	ENSG00000164708	255	0.25	0.29	0.87	-0.041	NA
chr7	51454273	51454504	CTD-2021A8.2	ENSG00000228897	410	0.94	0.97	0.87	-0.029	NA
chr7	65215732	65216495	CCT6P1	ENSG00000228409	-16	0.15	0.19	0.87	-0.038	NA

chr7	72568756	72569128	RP11-396K3.1	ENSG00000233369	-91	0.17	0.06	0.87	0.1	NA
chr7	129251237	129252441	NRF1	ENSG00000106459	284	0.17	0.18	0.87	-0.0079	NA
chr7	143598867	143599426	FAM115A	ENSG00000198420	73	0.24	0.26	0.87	-0.019	NA
chr7	97910459	97911618	BRI3	ENSG00000164713	59	0.2	0.21	0.88	-0.0083	NA
chr7	6413934	6414720	RAC1	ENSG00000136238	173	0.16	0.15	0.88	0.0064	NA
chr7	148892424	148892837	ZNF282	ENSG00000170265	76	0.15	0.17	0.88	-0.021	NA
chr7	1978698	1978934	MAD1L1	ENSG00000002822	1369	0.94	0.95	0.89	-0.011	NA
chr7	27779566	27780601	TAX1BP1	ENSG00000106052	369	0.21	0.19	0.89	0.016	NA
chr7	73245434	73246045	CLDN4	ENSG00000189143	410	0.87	0.85	0.89	0.015	NA
chr7	150756391	150756659	SLC4A2	ENSG00000164889	-132	0.23	0.2	0.89	0.026	NA
chr7	3340354	3341216	SDK1	ENSG00000146555	-295	0.18	0.19	0.9	-0.0052	NA
chr7	29724188	29725436	AC007255.7	ENSG00000225264	-58	0.26	0.27	0.9	-0.011	NA
chr7	30323917	30325641	ZNRF2	ENSG00000180233	856	0.18	0.17	0.9	0.0056	NA
chr7	64601085	64601891	INTS4L1	ENSG00000164669	-115	0.5	0.37	0.9	0.13	NA
chr7	73668393	73669142	RFC2	ENSG00000049541	-128	0.21	0.22	0.9	-0.006	NA
chr7	100303014	100304079	POP7	ENSG00000172336	-130	0.16	0.16	0.9	0.0046	NA
chr7	116311824	116312598	MET	ENSG00000105976	-37	0.15	0.16	0.9	-0.0095	NA
chr7	39649253	39649510	AC004837.3	ENSG00000106540	65	0.29	0.28	0.91	0.011	NA
chr7	55086141	55088105	EGFR	ENSG00000146648	409	0.19	0.19	0.91	0.0031	NA
chr7	96635458	96635749	DLX6	ENSG00000006377	-202	0.12	0.17	0.91	-0.046	NA
chr7	130080527	130081067	TSGA14	ENSG00000106477	-108	0.17	0.16	0.91	0.0095	NA
chr7	39872841	39873151	AC004987.9	ENSG00000233225	-174	0.16	0.17	0.92	-0.0086	NA
chr7	150819919	150820764	AGAP3	ENSG00000133612	-368	0.91	0.91	0.92	0.0052	NA
chr7	149494	150038	AC093627.10	ENSG00000240859	169	0.13	0.15	0.93	-0.021	NA
chr7	4681433	4682117	FOXP1	ENSG00000164916	-1613	0.16	0.17	0.93	-0.0054	NA
chr7	5229657	5230341	WIPI2	ENSG00000157954	180	0.15	0.15	0.93	-0.0049	NA
chr7	104653119	104654966	RP11-325F22.3	ENSG00000228393	-571	0.24	0.25	0.93	-0.0049	NA
chr7	157647800	157648007	AC011899.9	ENSG00000233038	411	0.96	0.94	0.93	0.016	NA
chr7	808543	808835	HEATR2	ENSG00000164818	577	0.14	0.17	0.94	-0.032	NA
chr7	1513775	1514052	INTS1	ENSG00000164880	-1127	0.57	0.55	0.94	0.025	NA

chr7	8008097	8009495	GLCC1	ENSG00000106415	371	0.15	0.16	0.94	-0.0027	NA
chr7	30721372	30722445	CRHR2	ENSG00000106113	-12	0.27	0.26	0.94	0.0065	NA
chr7	77166610	77167337	PTPN12	ENSG00000127947	139	0.21	0.21	0.94	0.0062	NA
chr7	139762255	139763245	PARP12	ENSG00000059378	-399	0.19	0.2	0.94	-0.0037	NA
chr7	886803	887535	SUN1	ENSG00000164828	-972	0.99	0.98	0.95	0.01	NA
chr7	27224267	27224596	HOXA11-AS1	ENSG00000240990	141	0.22	0.3	0.95	-0.074	NA
chr7	30634124	30635058	GARS	ENSG00000106105	294	0.19	0.18	0.95	0.0059	NA
chr7	54609734	54610140	VSTM2A	ENSG00000170419	-81	0.16	0.17	0.95	-0.015	NA
chr7	131240513	131241847	PODXL	ENSG00000128567	142	0.2	0.19	0.95	0.0047	NA
chr7	138144667	138146023	TRIM24	ENSG00000122779	392	0.17	0.16	0.95	0.0032	NA
chr7	155088705	155090212	INSIG1	ENSG00000186480	-28	0.17	0.17	0.95	0.0036	NA
chr7	2281362	2282105	FTSJ2	ENSG00000122687	71	0.23	0.22	0.96	0.0064	NA
chr7	32110063	32110910	PDE1C	ENSG00000154678	-25	0.19	0.19	0.96	-0.004	NA
chr7	48128046	48128499	UPP1	ENSG00000183696	47	0.24	0.25	0.96	-0.0089	NA
chr7	64541192	64541752	AC073210.1	ENSG00000245043	169	0.17	0.18	0.96	-0.0084	NA
chr7	148787421	148788601	ZNF786	ENSG00000197362	-214	0.22	0.23	0.96	-0.0032	NA
chr7	39605776	39606376	AC011290.4	ENSG00000227172	-238	0.16	0.15	0.97	0.008	NA
chr7	101005899	101007443	EMID2	ENSG00000160963	570	0.21	0.21	0.97	0.0032	NA
chr7	127983683	127984096	RBM28	ENSG00000106344	35	0.28	0.28	0.97	0.008	NA
chr7	143533841	143534552	RP11-61L23.2	ENSG00000253882	-170	0.17	0.14	0.97	0.028	NA
chr7	150923880	150924536	ABCF2	ENSG00000033050	-164	0.16	0.16	0.97	0.0053	NA
chr7	27208871	27209616	RP1-170O19.21	ENSG00000257667	-180	0.46	0.46	0.98	0.0056	NA
chr7	69062374	69065037	RP5-942I16.1	ENSG00000234215	-1271	0.18	0.18	0.98	0.0016	NA
chr7	72298512	72298988	TYW1B	ENSG00000254184	-96	0.24	0.23	0.98	0.0076	NA
chr7	149416662	149416974	KRBA1	ENSG00000133619	88	1	0.97	0.98	0.029	NA
chr7	1084387	1084595	GPR146	ENSG00000164849	250	0.17	0.18	0.99	-0.0061	NA
chr7	5886992	5887483	ZNF815	ENSG00000235944	284	0.89	1	0.99	-0.11	NA
chr7	284872	285161	FAM20C	ENSG00000177706	-845	0.96	1	1	-0.043	NA
chr7	915753	916644	GET4	ENSG00000239857	9	0.18	0.18	1	-0.0024	NA
chr7	930913	931215	GET4	ENSG00000239857	-873	0.86	0.88	1	-0.014	NA

chr7	1024606	1024894	CYP2W1	ENSG00000073067	-1287	0.95	0.95	1	-0.0006	NA
chr7	1062496	1062966	MIR339	ENSG00000199023	-69	1	1	1	0	NA
chr7	1575736	1575993	MAFK	ENSG00000198517	-1259	0.79	1	1	-0.21	NA
chr7	1885033	1885402	AC110781.3	ENSG00000176349	281	1	0.98	1	0.016	NA
chr7	2419808	2420340	EIF3B	ENSG00000106263	1752	0.91	0.91	1	-0.0026	NA
chr7	3341450	3341733	SDK1	ENSG00000146555	372	0.18	0.17	1	0.0012	NA
chr7	5267748	5268110	WIPI2	ENSG00000157954	-1110	0.96	1	1	-0.039	NA
chr7	5338674	5339002	SLC29A4	ENSG00000164638	-122	0.81	0.83	1	-0.026	NA
chr7	5372280	5372717	TNRC18	ENSG00000182095	11	0.94	0.94	1	-0.0036	NA
chr7	5534384	5534766	MIR589	ENSG00000207973	973	0.21	0.17	1	0.041	NA
chr7	5539957	5541567	FBXL18	ENSG00000155034	-135	0.96	0.96	1	0.001	NA
chr7	6144047	6144469	USP42	ENSG00000106346	-257	0.18	0.13	1	0.051	NA
chr7	6616918	6617277	ZDHHC4	ENSG00000136247	32	0.27	0.28	1	-0.0055	NA
chr7	6865701	6866094	C7orf28B	ENSG00000146574	-71	1	1	1	0	NA
chr7	9765661	9766215	AC060834.2	ENSG00000197320	68	0.98	0.97	1	0.0055	NA
chr7	12610165	12610834	SCIN	ENSG00000006747	296	0.22	0.22	1	0.00096	NA
chr7	14029378	14029593	ETV1	ENSG00000006468	86	0.25	0.26	1	-0.0012	NA
chr7	16626148	16626531	AC005014.5	ENSG00000224280	43	1	1	1	0	NA
chr7	23695159	23695374	AC006026.12	ENSG00000228953	-35	0.94	0.86	1	0.082	NA
chr7	26437727	26438715	AC004540.5	ENSG00000214870	8	0.24	0.24	1	0.002	NA
chr7	27143181	27143479	HOXA2	ENSG00000105996	-900	0.16	0.14	1	0.018	NA
chr7	33148607	33149317	RP9	ENSG00000164610	-22	0.16	0.16	1	-0.0019	NA
chr7	35225363	35226580	DPY19L2P1	ENSG00000189212	-318	0.18	0.17	1	0.0044	NA
chr7	43768814	43769479	C7orf44	ENSG00000106603	-95	0.21	0.21	1	-0.0017	NA
chr7	44121856	44122662	POLM	ENSG00000122678	-196	0.26	0.26	1	-0.0037	NA
chr7	50342895	50343456	IKZF1	ENSG00000185811	-545	0.38	0.39	1	-0.0087	NA
chr7	51456541	51456834	CTD-2021A8.3	ENSG00000227080	124	0.99	0.99	1	-0.0074	NA
chr7	56183577	56184165	RP4-725G10.1	ENSG00000185290	222	0.25	0.25	1	0.0012	NA
chr7	62810043	62810401	RP5-905H7.10	ENSG00000227545	215	1	1	1	0	NA
chr7	62814101	62814402	RP5-905H7.7	ENSG00000227923	-160	1	0.75	1	0.25	NA

chr7	63361126	63361493	RP11-340I6.8	ENSG00000226581	108	0.27	0.26	1	0.0082	NA
chr7	63505977	63506298	RP11-3N2.13	ENSG00000214652	316	0.21	0.2	1	0.013	NA
chr7	64197040	64197246	RP11-416N13.1	ENSG00000224172	-22	0.98	0.97	1	0.0068	NA
chr7	64535252	64535630	RP11-460N20.4	ENSG00000227113	40	0.96	0.95	1	0.0092	NA
chr7	65338006	65338212	VKORC1L1	ENSG00000196715	-145	0.22	0.2	1	0.011	NA
chr7	65540543	65541104	ASL	ENSG00000126522	38	0.22	0.22	1	0.0042	NA
chr7	65579764	65580200	CRCP	ENSG00000241258	169	0.15	0.16	1	-0.0089	NA
chr7	66309503	66310040	RP11-792A8.2	ENSG00000230583	42	0.2	0.2	1	0.004	NA
chr7	66460112	66460803	TYW1	ENSG00000198874	297	0.22	0.22	1	0.0049	NA
chr7	72424803	72425472	NSUN5P2	ENSG00000106133	115	0.27	0.3	1	-0.025	NA
chr7	72439687	72440646	TRIM74	ENSG00000155428	-169	0.67	0.67	1	-0.0001	NA
chr7	73081843	73082705	VPS37D	ENSG00000176428	119	0.19	0.2	1	-0.0014	NA
chr7	73097126	73098263	WBSCR22	ENSG00000071462	339	0.22	0.22	1	0.00049	NA
chr7	75039434	75040103	NSUN5P1	ENSG00000223705	163	0.2	0.23	1	-0.027	NA
chr7	77165936	77166255	PTPN12	ENSG00000127947	-497	0.2	0.17	1	0.033	NA
chr7	86415620	86416112	AC005009.2	ENSG00000233073	42	1	1	1	0	NA
chr7	86974740	86975088	TP53TG1	ENSG00000182165	-112	0.19	0.19	1	0.0036	NA
chr7	87104723	87105305	ABCB4	ENSG00000005471	-233	0.29	0.31	1	-0.02	NA
chr7	91509997	91510427	CTB-104F4.2	ENSG00000242870	-208	0.22	0.25	1	-0.026	NA
chr7	94293609	94293864	PEG10	ENSG00000242265	-311	0.99	0.99	1	0.001	NA
chr7	95401691	95402432	DYNC111	ENSG00000158560	195	0.17	0.16	1	0.0011	NA
chr7	97567894	97568129	AC079781.8	ENSG00000232097	95	0.95	1	1	-0.046	NA
chr7	97839862	97840222	BHLHA15	ENSG00000180535	-1524	0.27	0.27	1	-0.0032	NA
chr7	97841636	97842005	BHLHA15	ENSG00000180535	254	0.94	0.94	1	-0.004	NA
chr7	98476004	98476954	TRRAP	ENSG00000196367	366	0.17	0.17	1	-0.001	NA
chr7	98609669	98610059	AC004893.11	ENSG00000242687	-924	0.98	0.97	1	0.0077	NA
chr7	99149508	99149807	FAM200A	ENSG00000221909	100	0.25	0.27	1	-0.015	NA
chr7	99774733	99775583	GPC2	ENSG00000213420	-168	0.16	0.16	1	0.0023	NA
chr7	100230649	100231320	TFR2	ENSG00000106327	-271	0.28	0.27	1	0.017	NA
chr7	100484425	100484651	SRRT	ENSG00000087087	-85	0.85	1	1	-0.15	NA

chr7	100489981	100490365	ACHE	ENSG00000087085	1681	0.96	0.96	1	0.0019	NA
chr7	100490862	100491203	ACHE	ENSG00000087085	822	0.91	0.93	1	-0.021	NA
chr7	100860297	100861029	PLOD3	ENSG00000106397	206	0.15	0.15	1	0.0016	NA
chr7	102212867	102213262	POLR2J3	ENSG00000168255	-147	0.1	0.11	1	-0.015	NA
chr7	108166211	108167077	PNPLA8	ENSG00000135241	-129	0.18	0.18	1	-0.0058	NA
chr7	108209784	108210906	THAP5	ENSG00000177683	-448	0.17	0.17	1	-0.0018	NA
chr7	119912840	119913883	KCND2	ENSG00000184408	-361	0.26	0.27	1	-0.0074	NA
chr7	119915062	119915485	KCND2	ENSG00000184408	1551	0.98	1	1	-0.023	NA
chr7	120969587	120970743	WNT16	ENSG00000002745	862	0.17	0.33	1	-0.17	NA
chr7	121945345	121946235	RP11-560I19.4	ENSG00000230316	786	0.18	0.18	1	-0.0011	NA
chr7	127225200	127225950	GCC1	ENSG00000179562	86	0.26	0.26	1	0.0018	NA
chr7	128550409	128550903	KCP	ENSG00000135253	117	0.34	0.36	1	-0.026	NA
chr7	129690960	129691326	ZC3HC1	ENSG00000091732	66	0.2	0.2	1	0.0013	NA
chr7	130021511	130021726	CPA1	ENSG00000091704	684	0.96	0.96	1	0.0041	NA
chr7	135194567	135195309	CNOT4	ENSG00000080802	-252	0.26	0.26	1	0.0039	NA
chr7	136849054	136849346	AC009264.1	ENSG00000234352	-112	0.98	0.98	1	-0.0077	NA
chr7	138666358	138666972	KIAA1549	ENSG00000122778	-601	0.24	0.22	1	0.02	NA
chr7	139992321	139992574	RP11-785H2.1	ENSG00000241661	-105	1	1	1	0	NA
chr7	140178289	140179467	MKRN1	ENSG00000133606	-575	0.23	0.22	1	0.0048	NA
chr7	143317293	143318004	FAM115C	ENSG00000170379	-395	1	1	1	0	NA
chr7	150710349	150711333	NOS3	ENSG00000164867	435	0.17	0.17	1	0.00061	NA
chr7	150974116	150974535	SMARCD3	ENSG00000082014	213	0.19	0.18	1	0.011	NA
chr7	151722590	151723241	GALNT11	ENSG00000178234	156	0.15	0.15	1	0.002	NA
chr7	156760878	156761236	NOM1	ENSG00000146909	-392	0.94	1	1	-0.056	NA
chr7	158621005	158622747	ESYT2	ENSG00000117868	287	0.15	0.15	1	#####	NA
chr7	973189	973888	ADAP1	ENSG00000105963	1278	1	NA	NA	NA	NA
chr7	1491773	1491975	MICALL2	ENSG00000164877	-1702	0.54	NA	NA	NA	NA
chr7	2019763	2020100	MAD1L1	ENSG00000002822	443	1	NA	NA	NA	NA
chr7	5601802	5602129	ACTB	ENSG00000075624	456	0.33	NA	NA	NA	NA
chr7	6803483	6803750	RSPH10B2	ENSG00000169402	61	1	NA	NA	NA	NA

chr7	12443163	12443705	VWDE	ENSG00000146530	-84	0.17	NA	NA	NA	NA
chr7	16684665	16684907	ANKMY2	ENSG00000106524	501	0.29	NA	NA	NA	NA
chr7	19748397	19748861	TWISTNB	ENSG00000105849	81	0.58	NA	NA	NA	NA
chr7	19812569	19813005	TMEM196	ENSG00000173452	30	NA	1	NA	NA	NA
chr7	22862400	22862624	TOMM7	ENSG00000196683	-102	0.33	NA	NA	NA	NA
chr7	23530434	23530690	RPS2P32	ENSG00000232818	470	1	NA	NA	NA	NA
chr7	27702220	27702851	HIBADH	ENSG00000106049	-59	0.44	NA	NA	NA	NA
chr7	29688911	29689357	AC007276.5	ENSG00000227855	-709	NA	1	NA	NA	NA
chr7	44259669	44259923	CAMK2B	ENSG00000058404	756	1	NA	NA	NA	NA
chr7	44788177	44788440	ZMIZ2	ENSG00000122515	128	NA	0.18	NA	NA	NA
chr7	50861390	50861638	GRB10	ENSG00000106070	-355	NA	1	NA	NA	NA
chr7	53254982	53255204	RP11-266F12.1	ENSG00000227344	12	0.98	NA	NA	NA	NA
chr7	57087667	57088017	RP11-220H4.1	ENSG00000214668	138	1	NA	NA	NA	NA
chr7	62854467	62854768	RP11-73B2.3	ENSG00000223889	-130	1	NA	NA	NA	NA
chr7	63767750	63767991	ZNF736	ENSG00000234444	33	0.25	NA	NA	NA	NA
chr7	64838984	64839213	ZNF92	ENSG00000146757	304	0.5	NA	NA	NA	NA
chr7	65112260	65113234	INTS4L2	ENSG00000232270	-30	NA	1	NA	NA	NA
chr7	72711622	72712080	POM121B	ENSG00000205578	924	NA	0.5	NA	NA	NA
chr7	73256704	73256926	WBSCR27	ENSG00000165171	31	0.13	NA	NA	NA	NA
chr7	74070951	74071154	GTF2I	ENSG00000077809	-942	1	NA	NA	NA	NA
chr7	74867531	74867901	GATSL2	ENSG00000198750	-375	NA	1	NA	NA	NA
chr7	79081565	79081879	AC004945.2	ENSG00000234456	-476	0.12	NA	NA	NA	NA
chr7	89975785	89976027	GTPBP10	ENSG00000105793	-43	NA	1	NA	NA	NA
chr7	96653467	96654199	DLX5	ENSG00000105880	306	0.14	NA	NA	NA	NA
chr7	102134158	102134405	RASA4B	ENSG00000170667	-523	0.91	NA	NA	NA	NA
chr7	102134871	102135575	RASA4B	ENSG00000170667	46	0.95	NA	NA	NA	NA
chr7	102234040	102234744	RASA4	ENSG00000105808	46	NA	1	NA	NA	NA
chr7	102251470	102251827	RASA4	ENSG00000105808	390	1	NA	NA	NA	NA
chr7	102311947	102312332	POLR2J2	ENSG00000228049	-91	0.48	NA	NA	NA	NA
chr7	102329950	102330654	RP11-577H5.2	ENSG00000233297	614	NA	1	NA	NA	NA

chr7	102389480	102390092	FAM185A	ENSG00000222011	302	NA	0.33	NA	NA	NA
chr7	104885049	104885400	RP4-778K6.1	ENSG00000213361	125	0.94	NA	NA	NA	NA
chr7	134918319	134918654	STRA8	ENSG00000146857	1755	1	NA	NA	NA	NA
chr7	138348962	138349444	SVOPL	ENSG00000157703	-234	0.22	NA	NA	NA	NA
chr7	149469542	149469748	ZNF467	ENSG00000181444	663	1	NA	NA	NA	NA
chr7	157206934	157207348	DNAJB6	ENSG00000105993	-958	0.94	NA	NA	NA	NA
chr8	74658490	74659828	STAU2	ENSG00000040341	-106	0.34	0.16	4.40E-09	0.18	NA
chr8	143807788	143809310	CTD-2292P10.4	ENSG00000253741	-158	0.43	0.18	4.90E-09	0.25	NA
chr8	82542798	82543475	IMPA1P	ENSG00000251521	233	0.92	0.23	9.20E-09	0.69	NA
chr8	1764328	1765171	MIR596	ENSG00000207826	-648	0.91	0.19	1.20E-08	0.72	NA
chr8	120428398	120429178	NOV	ENSG00000136999	242	0.51	0.12	1.80E-08	0.39	NA
chr8	145772645	145773966	AC084125.1	ENSG00000255681	-1586	0.91	0.65	2.60E-08	0.26	NA
chr8	20160811	20161685	LZTS1	ENSG00000061337	226	0.65	0.26	2.90E-08	0.39	NA
chr8	9911629	9912633	MSRA	ENSG00000175806	353	0.63	0.27	5.60E-08	0.36	NA
chr8	21987532	21989013	HR	ENSG00000168453	-78	0.46	0.19	7.50E-08	0.27	NA
chr8	82644603	82644849	ZFAND1	ENSG00000104231	-118	0.62	0.21	9.50E-08	0.41	NA
chr8	37654048	37656100	GPR124	ENSG00000020181	673	0.35	0.18	1.40E-07	0.17	NA
chr8	8860200	8860742	ERI1	ENSG00000104626	157	0.48	0.19	1.60E-07	0.29	NA
chr8	22422534	22423702	SORBS3	ENSG00000120896	553	0.4	0.19	1.90E-07	0.21	NA
chr8	99952020	99954686	STK3	ENSG00000104375	1446	0.35	0.2	2.10E-07	0.16	NA
chr8	142010440	142011907	PTK2	ENSG00000169398	-148	0.37	0.17	2.30E-07	0.2	NA
chr8	42751212	42753132	RNF170	ENSG00000120925	-444	0.36	0.2	3.90E-07	0.16	NA
chr8	73448659	73449725	KCNB2	ENSG00000182674	-434	0.62	0.23	3.90E-07	0.4	NA
chr8	11725059	11725600	CTSB	ENSG00000164733	-127	0.56	0.13	4.00E-07	0.43	NA
chr8	62626556	62627511	ASPH	ENSG00000198363	51	0.47	0.13	4.10E-07	0.35	NA
chr8	58055960	58056244	RP11-513O17.2	ENSG00000253301	840	0.81	0.51	5.30E-07	0.29	NA
chr8	12611609	12613562	LONRF1	ENSG00000154359	-734	0.33	0.18	6.00E-07	0.15	NA
chr8	144510850	144513957	MAFA	ENSG00000182759	-335	0.35	0.22	6.50E-07	0.13	NA
chr8	56792115	56793325	LYN	ENSG00000254087	348	0.44	0.16	7.70E-07	0.28	NA
chr8	143750759	143751448	JRK	ENSG00000234616	247	0.47	0.19	7.90E-07	0.28	NA

chr8	60030134	60032356	RP11-25K19.1	ENSG00000167912	-354	0.49	0.23	8.00E-07	0.25	NA
chr8	24770908	24772547	NEFM	ENSG00000104722	456	0.49	0.26	1.00E-06	0.23	NA
chr8	57358126	57359415	PENK	ENSG00000181195	-563	0.34	0.19	1.20E-06	0.15	NA
chr8	109799429	109799847	TMEM74	ENSG00000164841	185	0.59	0.24	1.40E-06	0.35	NA
chr8	1921559	1922872	RP11-439C15.4	ENSG00000253764	-439	0.36	0.17	1.50E-06	0.18	NA
chr8	135724770	135725552	ZFAT	ENSG00000066827	44	0.45	0.21	1.80E-06	0.23	NA
chr8	13133842	13134312	DLC1	ENSG00000164741	-22	0.39	0.18	2.20E-06	0.2	NA
chr8	43101489	43102542	RP11-726G23.2	ENSG00000253884	63	0.46	0.23	2.80E-06	0.23	NA
chr8	29205664	29209847	DUSP4	ENSG00000120875	-1433	0.33	0.21	3.10E-06	0.11	NA
chr8	139508795	139509774	FAM135B	ENSG00000147724	-219	0.32	0.16	3.30E-06	0.16	NA
chr8	26371172	26372830	PNMA2	ENSG00000240694	-613	0.37	0.19	4.60E-06	0.18	NA
chr8	141644429	141645598	EIF2C2	ENSG00000123908	632	0.39	0.19	5.50E-06	0.2	NA
chr8	144675988	144676207	EEF1D	ENSG00000104529	-1034	0.85	0.26	5.60E-06	0.59	NA
chr8	120867785	120868440	DSCC1	ENSG00000136982	-14	0.49	0.19	5.70E-06	0.3	NA
chr8	145549984	145551217	DGAT1	ENSG00000185000	-270	0.29	0.16	6.50E-06	0.13	NA
chr8	145654517	145654810	VPS28	ENSG00000160948	-732	0.75	0.35	6.80E-06	0.4	NA
chr8	97657174	97657943	AC010859.1	ENSG00000104324	103	0.49	0.13	7.10E-06	0.36	NA
chr8	146012190	146012913	ZNF34	ENSG00000196378	138	0.41	0.15	7.20E-06	0.26	NA
chr8	57232370	57232795	SDR16C5	ENSG00000170786	152	0.56	0.19	7.80E-06	0.37	NA
chr8	18871072	18872046	PSD3	ENSG00000156011	-363	0.54	0.2	1.10E-05	0.34	NA
chr8	67624608	67625424	SGK3	ENSG00000104205	363	0.46	0.17	1.10E-05	0.29	NA
chr8	143781581	143782609	LY6K	ENSG00000160886	205	0.86	0.69	1.10E-05	0.17	NA
chr8	145514719	145515959	BOP1	ENSG00000170727	-290	0.35	0.15	1.10E-05	0.2	NA
chr8	32405407	32406901	NRG1	ENSG00000157168	426	0.26	0.15	1.20E-05	0.1	NA
chr8	120885814	120886610	DEPTOR	ENSG00000155792	255	0.46	0.17	1.30E-05	0.28	NA
chr8	125739685	125741266	MTSS1	ENSG00000170873	-618	0.39	0.18	1.30E-05	0.21	NA
chr8	38853700	38855116	TM2D2	ENSG00000169490	-406	0.32	0.19	1.70E-05	0.13	NA
chr8	91013141	91014266	DECR1	ENSG00000104325	70	0.28	0.13	2.10E-05	0.15	NA
chr8	126441471	126443552	TRIB1	ENSG00000173334	-52	0.29	0.16	2.10E-05	0.13	NA
chr8	144240761	144242113	LY6H	ENSG00000176956	20	0.43	0.24	2.10E-05	0.19	NA

chr8	61564204	61565152	RP11-91I20.2	ENSG00000254869	1442	0.4	0.17	2.70E-05	0.22	NA
chr8	145149550	145150440	CYC1	ENSG00000179091	65	0.32	0.14	3.40E-05	0.18	NA
chr8	8748652	8751478	MFHAS1	ENSG00000147324	1090	0.36	0.24	3.70E-05	0.12	NA
chr8	141467218	141467927	TRAPPC9	ENSG00000167632	289	0.4	0.19	4.10E-05	0.21	NA
chr8	54934665	54935160	TCEA1	ENSG00000187735	-204	0.4	0.18	4.40E-05	0.22	NA
chr8	42396235	42397195	C8orf40	ENSG00000176209	417	0.39	0.18	4.50E-05	0.21	NA
chr8	120220388	120221222	MAL2	ENSG00000147676	195	0.46	0.22	4.50E-05	0.24	NA
chr8	132916322	132917060	EFR3A	ENSG00000132294	356	0.48	0.19	4.80E-05	0.29	NA
chr8	102236153	102236949	KB-1410C5.1	ENSG00000253942	250	0.96	0.48	5.20E-05	0.48	NA
chr8	145163068	145165467	KIAA1875	ENSG00000179698	-335	0.91	0.82	5.40E-05	0.093	NA
chr8	125383817	125385437	TMEM65	ENSG00000164983	306	0.32	0.16	5.60E-05	0.17	NA
chr8	91803656	91804141	NECAB1	ENSG00000123119	120	0.3	0.1	5.70E-05	0.2	NA
chr8	125551211	125551521	TATDN1	ENSG00000147687	-88	0.36	0.09	5.90E-05	0.26	NA
chr8	29952635	29953584	LEPROTL1	ENSG00000104660	195	0.31	0.12	6.30E-05	0.19	NA
chr8	25897200	25897612	EBF2	ENSG00000221818	1598	0.83	0.59	6.70E-05	0.24	NA
chr8	110551736	110552643	EBAG9	ENSG00000147654	249	0.49	0.2	7.00E-05	0.29	NA
chr8	1711234	1712654	CTD-2336O2.1	ENSG00000253982	-481	0.4	0.16	7.40E-05	0.25	NA
chr8	41386448	41386925	GINS4	ENSG00000147536	-39	0.41	0.16	8.60E-05	0.25	NA
chr8	75232649	75234101	GDAP1	ENSG00000104381	10	0.35	0.18	8.70E-05	0.17	NA
chr8	21966485	21967329	NUDT18	ENSG00000173566	3	0.45	0.2	0.00011	0.26	NA
chr8	43132045	43132478	RP11-726G23.10	ENSG00000234713	-295	0.48	0.3	0.00011	0.18	NA
chr8	686830	689496	CTD-3212A4.1	ENSG00000237647	512	0.36	0.25	0.00012	0.11	NA
chr8	52811167	52812312	PCMTD1	ENSG00000168300	-209	0.48	0.25	0.00012	0.23	NA
chr8	55370170	55372525	SOX17	ENSG00000164736	852	0.27	0.17	0.00015	0.092	NA
chr8	61193312	61194195	CA8	ENSG00000178538	130	0.37	0.18	0.00015	0.19	NA
chr8	95652455	95652873	ESRP1	ENSG00000104413	-638	0.43	0.18	0.00016	0.25	NA
chr8	30669450	30670475	PPP2CB	ENSG00000104695	151	0.35	0.18	0.00017	0.17	NA
chr8	22436295	22437076	PDLIM2	ENSG00000120913	42	0.41	0.15	2.00E-04	0.25	NA
chr8	132052203	132054749	ADCY8	ENSG00000155897	-897	0.27	0.15	0.00022	0.12	NA
chr8	67687305	67687787	SGK3	ENSG00000104205	97	0.44	0.25	0.00023	0.19	NA

chr8	97273615	97274767	MTERFD1	ENSG00000156469	-375	0.38	0.18	0.00026	0.2	NA
chr8	145742464	145743826	RECQL4	ENSG00000160957	-262	0.31	0.14	0.00026	0.16	NA
chr8	70744098	70747441	SLCO5A1	ENSG00000137571	-819	0.31	0.2	0.00027	0.11	NA
chr8	145158467	145160068	SHARPIN	ENSG00000179526	-608	0.33	0.21	0.00027	0.12	NA
chr8	95906788	95909088	CCNE2	ENSG00000175305	-1060	0.34	0.21	0.00028	0.12	NA
chr8	79428433	79428754	PKIA	ENSG00000171033	3	0.34	0.15	0.00029	0.2	NA
chr8	19674263	19675236	INTS10	ENSG00000104613	98	0.35	0.19	3.00E-04	0.16	NA
chr8	42697869	42698326	THAP1	ENSG00000131931	-166	0.44	0.19	0.00033	0.25	NA
chr8	42911215	42912042	FNTA	ENSG00000168522	332	0.48	0.18	0.00033	0.3	NA
chr8	143858279	143859411	LYNX1	ENSG00000180155	-407	0.33	0.16	0.00033	0.17	NA
chr8	144852777	144854555	RP11-429J17.7	ENSG00000254973	326	0.27	0.13	0.00036	0.14	NA
chr8	145980532	145981234	ZNF251	ENSG00000198169	-59	0.51	0.28	0.00036	0.23	NA
chr8	101962644	101965427	YWHAZ	ENSG00000164924	-1267	0.32	0.2	0.00038	0.12	NA
chr8	99305903	99306726	NIPAL2	ENSG00000104361	24	0.3	0.15	4.00E-04	0.15	NA
chr8	48920837	48921414	UBE2V2	ENSG00000169139	165	0.39	0.17	0.00042	0.22	NA
chr8	99960497	99961438	OSR2	ENSG00000164920	347	0.44	0.21	0.00045	0.22	NA
chr8	126103760	126104122	NSMCE2	ENSG00000156831	20	0.5	0.11	0.00045	0.39	NA
chr8	74206223	74208179	RPL7	ENSG00000147604	-528	0.26	0.17	5.00E-04	0.096	NA
chr8	37756454	37757339	RAB11FIP1	ENSG00000156675	63	0.38	0.19	0.00052	0.2	NA
chr8	12293393	12294880	FAM86B2	ENSG00000145002	-284	0.3	1	0.00054	-0.7	NA
chr8	38243741	38244695	LETM2	ENSG00000165046	397	0.38	0.16	0.00058	0.22	NA
chr8	102504478	102504841	GRHL2	ENSG00000083307	-1	0.7	0.4	6.00E-04	0.3	NA
chr8	80523975	80525765	STMN2	ENSG00000104435	900	0.46	0.26	0.00061	0.19	NA
chr8	95960751	95962372	TP53INP1	ENSG00000164938	33	0.3	0.17	0.00073	0.12	NA
chr8	21998711	21999544	REEP4	ENSG00000168476	-74	0.38	0.18	0.00074	0.2	NA
chr8	124286209	124287666	ZHX1	ENSG00000165156	-700	0.33	0.15	0.00074	0.18	NA
chr8	58054945	58055600	RP11-513O17.2	ENSG00000253301	24	0.72	0.45	0.00075	0.28	NA
chr8	23539807	23540602	NKX3-1	ENSG00000167034	198	0.28	0.17	0.00076	0.11	NA
chr8	37887692	37888830	EIF4EBP1	ENSG00000187840	402	0.6	0.2	0.00076	0.4	NA
chr8	681066	681731	ERICH1	ENSG00000104714	-201	0.46	0.19	0.00083	0.26	NA

chr8	145581331	145582765	FBXL6	ENSG00000182325	-462	0.29	0.16	0.00083	0.13	NA
chr8	116679698	116679936	TRPS1	ENSG00000104447	417	0.77	0.4	0.00091	0.37	NA
chr8	38088735	38089956	DDHD2	ENSG00000085788	484	0.37	0.2	0.00094	0.16	NA
chr8	144099928	144100593	LY6E	ENSG00000160932	326	0.4	0.21	0.00095	0.18	NA
chr8	56013656	56015761	XKR4	ENSG00000206579	-241	0.31	0.2	0.00096	0.11	NA
chr8	131455248	131456285	ASAP1	ENSG00000153317	17	0.41	0.19	0.00096	0.22	NA
chr8	134308328	134310145	NDRG1	ENSG00000104419	-457	0.38	0.21	0.00099	0.17	NA
chr8	72459564	72460523	RP11-1102P16.1	ENSG00000253379	-151	0.29	0.16	0.001	0.13	NA
chr8	104152726	104153390	BAALC	ENSG00000164929	120	0.37	0.17	0.001	0.21	NA
chr8	103818620	103819495	KB-1732A1.1	ENSG00000253669	7	0.36	0.16	0.0011	0.19	NA
chr8	10587304	10591109	SOX7	ENSG00000171056	-1184	0.47	0.39	0.0012	0.078	NA
chr8	98881311	98881843	MATN2	ENSG00000132561	266	0.37	0.18	0.0012	0.19	NA
chr8	128806081	128806899	PVT1	ENSG00000249859	-289	0.45	0.26	0.0012	0.18	NA
chr8	146023902	146024734	ZNF517	ENSG00000197363	57	0.25	0.14	0.0012	0.11	NA
chr8	21947065	21947410	FAM160B2	ENSG00000158863	493	0.46	0.2	0.0013	0.26	NA
chr8	65492935	65494452	RP11-21C4.1	ENSG00000254102	752	0.37	0.18	0.0014	0.18	NA
chr8	71314145	71316770	NCOA2	ENSG00000140396	-1143	0.28	0.19	0.0014	0.083	NA
chr8	356374	357674	FBXO25	ENSG00000147364	596	0.35	0.18	0.0015	0.17	NA
chr8	101225077	101225879	SPAG1	ENSG00000104450	163	0.3	0.16	0.0015	0.14	NA
chr8	105235384	105235979	RIMS2	ENSG00000176406	89	0.33	0.18	0.0015	0.14	NA
chr8	67344497	67344989	ADHFE1	ENSG00000147576	25	0.5	0.1	0.0016	0.4	NA
chr8	95486930	95487374	RAD54B	ENSG00000197275	130	0.27	0.08	0.002	0.19	NA
chr8	96145760	96146729	PLEKHF2	ENSG00000175895	212	0.28	0.16	0.002	0.12	NA
chr8	140714585	140718259	KCNK9	ENSG00000169427	-1138	0.34	0.23	0.0022	0.11	NA
chr8	74884234	74884602	TCEB1	ENSG00000154582	-77	0.38	0.16	0.0023	0.23	NA
chr8	103875222	103877084	AZIN1	ENSG00000155096	110	0.37	0.23	0.0023	0.14	NA
chr8	22526298	22526757	BIN3	ENSG00000147439	65	0.3	0.17	0.0027	0.13	NA
chr8	96280844	96281747	KB-1047C11.2	ENSG00000253773	231	0.38	0.24	0.0027	0.15	NA
chr8	145733793	145735370	MFSD3	ENSG00000167700	124	0.32	0.19	0.0028	0.13	NA
chr8	54163303	54164443	OPRK1	ENSG00000082556	99	0.37	0.24	0.0029	0.13	NA

chr8	133492398	133493586	KCNQ3	ENSG00000184156	-435	0.33	0.22	0.0029	0.12	NA
chr8	67976440	67977448	COPS5	ENSG00000121022	-435	0.33	0.17	0.003	0.15	NA
chr8	53626005	53627501	RB1CC1	ENSG00000023287	230	0.3	0.2	0.0033	0.1	NA
chr8	59571603	59572526	NSMAF	ENSG00000035681	-291	0.27	0.17	0.0033	0.1	NA
chr8	144371446	144372076	ZNF696	ENSG00000185730	-85	0.84	0.68	0.0033	0.15	NA
chr8	71581050	71581650	LACTB2	ENSG00000147592	42	0.39	0.15	0.0036	0.24	NA
chr8	145637965	145639182	SLC39A4	ENSG00000147804	380	0.57	0.4	0.0036	0.17	NA
chr8	144820669	144820909	RP11-429J17.6	ENSG00000203499	-777	0.44	0.88	0.0038	-0.44	NA
chr8	22408672	22409635	SORBS3	ENSG00000120896	-55	0.45	0.22	0.0044	0.24	NA
chr8	22298112	22299142	PPP3CC	ENSG00000120910	295	0.32	0.21	0.0045	0.11	NA
chr8	118532855	118533311	MED30	ENSG00000164758	131	0.36	0.18	0.0046	0.19	NA
chr8	144911055	144912075	PUF60	ENSG00000179950	-369	0.45	0.26	0.0046	0.18	NA
chr8	22014152	22014559	LGI3	ENSG00000168481	-165	0.33	0.14	0.0048	0.18	NA
chr8	21769694	21770080	DOK2	ENSG00000147443	191	0.82	0.97	0.0049	-0.14	NA
chr8	30584790	30585651	GSR	ENSG00000104687	-36	0.33	0.16	0.0049	0.16	NA
chr8	22102303	22103142	MIR320A	ENSG00000208037	-166	0.32	0.19	0.005	0.12	NA
chr8	72755783	72756667	RP11-383H13.1	ENSG00000235531	429	0.25	0.13	0.0052	0.12	NA
chr8	93114056	93115979	RUNX1T1	ENSG00000079102	118	0.26	0.19	0.0052	0.075	NA
chr8	59465463	59466103	SDCBP	ENSG00000137575	300	0.33	0.12	0.0053	0.21	NA
chr8	637393	638251	ERICH1	ENSG00000104714	-1098	0.36	0.18	0.0055	0.19	NA
chr8	37593834	37594703	ERLIN2	ENSG00000147475	151	0.26	0.12	0.0055	0.15	NA
chr8	52321162	52322221	PXDNL	ENSG00000147485	-152	0.98	0.92	0.0058	0.061	NA
chr8	145669110	145670460	TONSL	ENSG00000160949	12	0.29	0.18	0.0058	0.12	NA
chr8	124552539	124554017	FBXO32	ENSG00000156804	151	0.4	0.25	0.0068	0.14	NA
chr8	23386220	23387386	SLC25A37	ENSG00000147454	485	0.24	0.16	0.0069	0.084	NA
chr8	22224519	22225244	SLC39A14	ENSG00000104635	119	0.34	0.22	0.007	0.12	NA
chr8	121823534	121824720	SNTB1	ENSG00000172164	-324	0.4	0.24	0.007	0.16	NA
chr8	76319450	76320196	HNF4G	ENSG00000164749	-326	0.31	0.18	0.0073	0.14	NA
chr8	142138208	142139342	RP11-809O17.1	ENSG00000253210	-555	0.34	0.21	0.0075	0.13	NA
chr8	144776009	144776734	RP11-429J17.2	ENSG00000181097	-1953	0.99	0.93	0.0076	0.066	NA

chr8	11659676	11660795	FDFT1	ENSG00000079459	487	0.3	0.19	0.0079	0.11	NA
chr8	11141894	11142686	MTMR9	ENSG00000104643	365	0.34	0.17	0.008	0.17	NA
chr8	28558588	28559960	CTD-2172A10.1	ENSG000000246339	-504	0.28	0.16	0.0085	0.11	NA
chr8	29884771	29885310	MAP2K1P1	ENSG000000254013	-189	0.91	0.97	0.0086	-0.06	NA
chr8	22925655	22926912	RP11-875O11.2	ENSG000000246130	541	0.31	0.17	0.0088	0.14	NA
chr8	27629753	27630234	CCDC25	ENSG00000147419	131	0.37	0.15	0.0088	0.22	NA
chr8	123792369	123794942	ZHX2	ENSG00000178764	22	0.3	0.22	0.0096	0.075	NA
chr8	16884363	16885339	EFHA2	ENSG00000155970	104	0.31	0.19	0.0097	0.12	NA
chr8	48649766	48651653	CEBPD	ENSG000000221869	268	0.3	0.18	0.011	0.12	NA
chr8	61429174	61430173	RP11-163N6.2	ENSG000000251396	-334	0.35	0.2	0.011	0.16	NA
chr8	106330518	106332120	ZFPM2	ENSG00000169946	399	0.32	0.21	0.011	0.11	NA
chr8	67837480	67837954	SNHG6	ENSG000000245910	59	0.34	0.16	0.012	0.18	NA
chr8	10586613	10586886	CTD-2135J3.3	ENSG000000248896	-75	0.95	0.71	0.013	0.25	NA
chr8	71519680	71520857	TRAM1	ENSG00000067167	-255	0.36	0.2	0.013	0.17	NA
chr8	74005021	74005856	C8orf84	ENSG00000164764	69	0.38	0.25	0.013	0.14	NA
chr8	95653898	95654733	ESRP1	ENSG00000104413	475	0.28	0.17	0.013	0.11	NA
chr8	98787835	98788874	LAPTM4B	ENSG00000104341	277	0.34	0.23	0.013	0.1	NA
chr8	94712366	94713345	FAM92A1	ENSG00000188343	375	0.24	0.15	0.014	0.094	NA
chr8	94752975	94753499	RBM12B	ENSG00000183808	-53	0.4	0.21	0.014	0.19	NA
chr8	124780286	124781265	FAM91A1	ENSG00000176853	79	0.33	0.23	0.015	0.097	NA
chr8	11665773	11666045	FDFT1	ENSG00000079459	-17	0.25	0.11	0.015	0.14	NA
chr8	20054546	20055027	ATP6V1B2	ENSG00000147416	-92	0.45	0.13	0.015	0.32	NA
chr8	144357997	144359075	GLI4	ENSG000000250571	1767	0.32	0.18	0.015	0.13	NA
chr8	17658166	17659321	MTUS1	ENSG00000129422	-566	0.25	0.17	0.016	0.082	NA
chr8	63951122	63952104	GGH	ENSG00000137563	-253	0.27	0.17	0.016	0.1	NA
chr8	141646075	141646514	EIF2C2	ENSG00000123908	-576	0.26	0.14	0.016	0.12	NA
chr8	145016417	145016916	PLEC	ENSG00000178209	26	0.33	0.19	0.016	0.14	NA
chr8	110345916	110346904	NUDCD1	ENSG00000120526	-63	0.44	0.25	0.017	0.19	NA
chr8	22856800	22857728	RHOBTB2	ENSG00000008853	172	0.41	0.2	0.018	0.21	NA
chr8	27168205	27169082	TRIM35	ENSG00000104228	-270	0.31	0.16	0.018	0.15	NA

chr8	136468939	136470342	RP11-343P9.1	ENSG00000254372	-445	0.41	0.19	0.019	0.21	NA
chr8	11559596	11562956	GATA4	ENSG00000136574	-384	0.29	0.21	0.02	0.08	NA
chr8	65710990	65711722	CYP7B1	ENSG00000172817	-38	0.4	0.3	0.02	0.11	NA
chr8	28479635	28480798	EXTL3	ENSG00000012232	-30	0.36	0.23	0.021	0.13	NA
chr8	38614414	38615236	TACC1	ENSG00000147526	68	0.28	0.19	0.021	0.086	NA
chr8	41435360	41436159	AGPAT6	ENSG00000158669	52	0.48	0.31	0.021	0.18	NA
chr8	144349048	144350070	GLI4	ENSG00000250571	-44	0.24	0.16	0.021	0.075	NA
chr8	19094956	19095376	RP11-618M23.1	ENSG00000250316	-81	1	0.92	0.022	0.085	NA
chr8	86375500	86376714	CA2	ENSG00000104267	26	0.31	0.21	0.023	0.1	NA
chr8	42948532	42948928	AC113191.1	ENSG00000185900	72	0.47	0.2	0.023	0.27	NA
chr8	143625625	143626162	BAI1	ENSG00000181790	1031	0.47	0.33	0.023	0.14	NA
chr8	12522621	12523226	AC068587.3	ENSG00000247397	-64	0.28	0.14	0.024	0.13	NA
chr8	23260442	23261867	LOXL2	ENSG00000134013	435	0.37	0.26	0.024	0.12	NA
chr8	48872458	48873907	PRKDC	ENSG00000253729	-444	0.28	0.2	0.024	0.08	NA
chr8	110374552	110374793	PKHD1L1	ENSG00000205038	-34	0.71	0.22	0.024	0.48	NA
chr8	81785425	81786038	ZNF704	ENSG00000164684	169	0.25	0.14	0.025	0.11	NA
chr8	144416712	144417054	TOP1MT	ENSG00000184428	82	0.41	0.17	0.025	0.24	NA
chr8	144897283	144898354	SCRIB	ENSG00000180900	-269	0.26	0.19	0.025	0.062	NA
chr8	145738638	145739030	RECQL4	ENSG00000160957	-679	0.91	1	0.025	-0.094	NA
chr8	90996372	90996957	NBN	ENSG00000104320	-199	0.26	0.16	0.026	0.095	NA
chr8	97505747	97507607	SDC2	ENSG00000169439	636	0.24	0.16	0.026	0.076	NA
chr8	130951372	130952651	FAM49B	ENSG00000153310	-71	0.4	0.24	0.026	0.16	NA
chr8	1496731	1497884	DLGAP2	ENSG00000198010	497	0.94	0.9	0.027	0.043	NA
chr8	24812946	24814299	NEFL	ENSG00000104725	1002	0.29	0.21	0.027	0.079	NA
chr8	104383409	104384109	CTHRC1	ENSG00000164932	16	0.27	0.15	0.027	0.12	NA
chr8	8243559	8243984	AC068353.1	ENSG00000182319	237	0.35	0.22	0.028	0.14	NA
chr8	11059011	11059242	XKR6	ENSG00000171044	-251	0.39	0.18	0.029	0.21	NA
chr8	23562475	23565175	NKX2-6	ENSG00000180053	97	0.41	0.27	0.029	0.14	NA
chr8	41753340	41755250	ANK1	ENSG00000029534	-15	0.29	0.2	0.03	0.084	NA
chr8	101661671	101662022	SNX31	ENSG00000174226	47	0.5	0.14	0.03	0.36	NA

chr8	17013436	17014790	ZDHHC2	ENSG00000104219	575	0.32	0.22	0.031	0.098	NA
chr8	41165852	41167140	SFRP1	ENSG00000104332	492	0.28	0.19	0.031	0.094	NA
chr8	27471954	27472523	CLU	ENSG00000120885	-40	1	0.4	0.034	0.6	NA
chr8	38758457	38759380	PLEKHA2	ENSG00000169499	165	0.24	0.15	0.035	0.082	NA
chr8	30241416	30242878	RBPMS	ENSG00000157110	203	0.31	0.22	0.036	0.083	NA
chr8	110656795	110657291	SYBU	ENSG00000147642	-35	0.33	0.18	0.036	0.16	NA
chr8	94928518	94930124	PDP1	ENSG00000164951	238	0.3	0.22	0.037	0.083	NA
chr8	146077931	146078881	COMMD5	ENSG00000170619	-364	0.33	0.23	0.037	0.1	NA
chr8	64080674	64081766	YTHDF3	ENSG00000185728	108	0.27	0.17	0.038	0.098	NA
chr8	144800957	144801335	RP11-429J17.5	ENSG00000254548	-85	0.65	0.77	0.038	-0.12	NA
chr8	42995665	42996591	HGSNAT	ENSG00000165102	481	0.34	0.2	0.039	0.14	NA
chr8	17270603	17271120	MTMR7	ENSG00000003987	-45	0.24	0.11	0.04	0.13	NA
chr8	145017868	145018444	PLEC	ENSG00000178209	-30	0.67	0.19	0.04	0.48	NA
chr8	82632973	82633672	ZFAND1	ENSG00000104231	154	0.53	0.23	0.041	0.3	NA
chr8	41347794	41348581	GOLGA7	ENSG00000147533	272	0.41	0.29	0.042	0.12	NA
chr8	56986556	56987308	RPS20	ENSG00000008988	-17	0.25	0.12	0.043	0.13	NA
chr8	65290108	65290946	RP11-32K4.2	ENSG00000254377	10	0.48	0.34	0.044	0.14	NA
chr8	95651206	95651760	ESRP1	ENSG00000104413	-1819	0.46	0.26	0.045	0.2	NA
chr8	145111297	145111564	OPLAH	ENSG00000178814	-1648	0.78	0.93	0.045	-0.15	NA
chr8	124253054	124253707	C8orf76	ENSG00000189376	146	0.35	0.21	0.046	0.14	NA
chr8	104310809	104311620	RP11-318M2.2	ENSG00000247081	-223	0.35	0.24	0.047	0.11	NA
chr8	119123974	119124432	EXT1	ENSG00000182197	-111	0.31	0.2	0.047	0.1	NA
chr8	144651572	144652288	C8orf73	ENSG00000204839	-10	0.35	0.21	0.048	0.14	NA
chr8	144691400	144692269	PYCRL	ENSG00000104524	-107	0.5	0.24	0.048	0.26	NA
chr8	146227946	146228921	C8orf77	ENSG00000255559	236	0.24	0.16	0.048	0.081	NA
chr8	37707149	37707507	BRF2	ENSG00000104221	28	0.23	0.1	0.051	0.13	NA
chr8	41654875	41655984	ANK1	ENSG00000029534	-318	0.92	0.78	0.051	0.13	NA
chr8	33371897	33372526	C8orf41	ENSG00000129696	-1092	0.32	0.13	0.052	0.19	NA
chr8	99129434	99129855	HRSP12	ENSG00000132541	-175	0.21	0.14	0.055	0.078	NA
chr8	105478672	105479340	DPYS	ENSG00000147647	266	0.41	0.3	0.056	0.11	NA

chr8	21923840	21924633	EPB49	ENSG00000158856	227	0.2	0.29	0.059	-0.091	NA
chr8	102217317	102218461	ZNF706	ENSG00000120963	-374	0.25	0.17	0.059	0.076	NA
chr8	144099456	144099731	LY6E	ENSG00000160932	194	0.62	0.18	0.059	0.44	NA
chr8	121457353	121457657	MRPL13	ENSG00000172172	121	0.36	0.23	0.06	0.13	NA
chr8	120844798	120845115	TAF2	ENSG00000064313	118	0.45	0.24	0.061	0.21	NA
chr8	144635308	144636026	GSDMD	ENSG00000104518	290	0.6	0.27	0.061	0.33	NA
chr8	98289604	98290404	TSPYL5	ENSG00000180543	172	0.43	0.28	0.062	0.14	NA
chr8	66546058	66546400	ARMC1	ENSG00000104442	168	0.5	0.25	0.063	0.25	NA
chr8	82192378	82193685	FABP5	ENSG00000164687	433	0.4	0.29	0.064	0.11	NA
chr8	11057684	11058479	XKR6	ENSG00000171044	262	0.34	0.23	0.068	0.11	NA
chr8	28259183	28259717	ZNF395	ENSG00000186918	768	0.43	0.18	0.068	0.25	NA
chr8	73163618	73164191	RP11-656G20.1	ENSG00000250979	-104	0.21	0.37	0.07	-0.16	NA
chr8	107282031	107283876	AC090579.1	ENSG00000164830	480	0.29	0.21	0.071	0.083	NA
chr8	92082236	92082985	GS1-25119.4	ENSG00000253738	-259	0.36	0.23	0.073	0.13	NA
chr8	38965013	38965423	ADAM32	ENSG00000197140	170	0.33	0.23	0.074	0.099	NA
chr8	145909676	145912846	ARHGAP39	ENSG00000147799	-67	0.25	0.19	0.074	0.056	NA
chr8	146051833	146053292	ZNF7	ENSG00000147789	-287	0.27	0.21	0.074	0.061	NA
chr8	96037018	96037600	C8orf38	ENSG00000156170	95	0.22	0.12	0.075	0.093	NA
chr8	7212487	7212890	FAM66B	ENSG00000215374	188	0.6	0.28	0.077	0.32	NA
chr8	104033147	104033564	ATP6V1C1	ENSG00000155097	64	0.47	0.29	0.077	0.18	NA
chr8	67351287	67351839	ADHFE1	ENSG00000147576	60	0.25	0.17	0.081	0.081	NA
chr8	6565314	6566658	CTD-2541M15.1	ENSG00000249898	-286	0.31	0.22	0.085	0.094	NA
chr8	95274410	95274655	GEM	ENSG00000164949	15	0.24	0.15	0.085	0.086	NA
chr8	22960384	22960927	TNFRSF10C	ENSG00000173535	221	0.28	0.2	0.086	0.081	NA
chr8	143623275	143623662	BAI1	ENSG00000181790	-1394	1	0.81	0.087	0.19	NA
chr8	35092679	35093559	UNC5D	ENSG00000156687	144	0.41	0.29	0.088	0.12	NA
chr8	38644473	38645760	TACC1	ENSG00000147526	394	0.26	0.2	0.089	0.064	NA
chr8	144360666	144361504	RP13-582O9.5	ENSG00000253716	1934	0.57	0.49	0.089	0.086	NA
chr8	79716681	79717403	IL7	ENSG00000104432	121	0.37	0.2	0.09	0.17	NA
chr8	103250753	103251209	RRM2B	ENSG00000048392	22	0.29	0.15	0.091	0.14	NA

chr8	95835249	95835932	INTS8	ENSG00000164941	152	0.38	0.23	0.093	0.15	NA
chr8	48100163	48100914	RP11-1134I14.4	ENSG00000254348	-390	0.27	0.2	0.095	0.074	NA
chr8	101733213	101735222	PABPC1	ENSG00000070756	-423	0.27	0.22	0.095	0.049	NA
chr8	144399189	144399391	TOP1MT	ENSG00000184428	-1313	0.88	1	0.095	-0.12	NA
chr8	23314664	23315490	ENTPD4	ENSG00000197217	75	0.41	0.25	0.096	0.15	NA
chr8	95565657	95566011	KIAA1429	ENSG00000164944	-146	0.44	0.22	0.096	0.22	NA
chr8	101321568	101322714	RNF19A	ENSG00000034677	-387	0.27	0.21	0.096	0.059	NA
chr8	133787441	133787891	PHF20L1	ENSG00000129292	48	0.6	0.19	0.097	0.41	NA
chr8	66556764	66557513	MTFR1	ENSG00000066855	169	0.5	0.29	0.1	0.21	NA
chr8	67089249	67089962	CRH	ENSG00000147571	1355	0.4	0.25	0.1	0.15	NA
chr8	103424045	103425154	UBR5	ENSG00000104517	318	0.37	0.26	0.1	0.11	NA
chr8	144105675	144105879	LY6E	ENSG00000160932	1811	0.96	0.76	0.1	0.19	NA
chr8	145137176	145138235	GPAA1	ENSG00000197858	212	0.3	0.22	0.1	0.08	NA
chr8	29119957	29120787	KIF13B	ENSG00000197892	207	0.27	0.18	0.11	0.093	NA
chr8	33342171	33343141	MAK16	ENSG00000198042	388	0.33	0.25	0.11	0.076	NA
chr8	38325091	38326374	FGFR1	ENSG00000077782	-507	0.24	0.19	0.11	0.054	NA
chr8	90914197	90915340	OSGIN2	ENSG00000164823	6	0.26	0.21	0.11	0.052	NA
chr8	623372	623710	ERICH1	ENSG00000104714	-79	1	0.89	0.12	0.11	NA
chr8	38323719	38324070	FGFR1	ENSG00000077782	-180	0.35	0.15	0.12	0.2	NA
chr8	57360585	57360815	PENK	ENSG00000181195	-1407	0.26	0.1	0.12	0.16	NA
chr8	61822358	61823028	AC022182.1	ENSG00000254777	81	0.42	0.29	0.12	0.13	NA
chr8	82754054	82754476	SNX16	ENSG00000104497	-72	0.22	0.37	0.12	-0.15	NA
chr8	35093900	35094111	UNC5D	ENSG00000156687	712	0.33	0.15	0.13	0.18	NA
chr8	65491083	65491319	RP11-21C4.1	ENSG00000254102	-1381	0.27	0.4	0.13	-0.13	NA
chr8	99076754	99077244	C8orf47	ENSG00000177459	249	0.33	0.15	0.13	0.19	NA
chr8	134581969	134584875	ST3GAL1	ENSG00000008513	-800	0.26	0.21	0.13	0.051	NA
chr8	12990090	12990914	DLC1	ENSG00000164741	296	0.34	0.25	0.14	0.088	NA
chr8	77912132	77913057	PEX2	ENSG00000164751	-132	0.29	0.19	0.14	0.099	NA
chr8	80677581	80677996	HEY1	ENSG00000164683	922	0.37	0.18	0.14	0.19	NA
chr8	91657389	91658779	TMEM64	ENSG00000180694	-344	0.3	0.19	0.14	0.11	NA

chr8	144450376	144451557	C8orf51	ENSG00000254389	-248	0.37	0.25	0.14	0.12	NA
chr8	145133199	145134040	EXOSC4	ENSG00000178896	90	0.24	0.17	0.14	0.064	NA
chr8	145925410	145926101	AF186192.2	ENSG00000255085	17	0.24	0.57	0.14	-0.33	NA
chr8	25041795	25042820	DOCK5	ENSG00000147459	69	0.27	0.22	0.15	0.053	NA
chr8	55047705	55048005	MRPL15	ENSG00000137547	85	0.36	0.25	0.15	0.12	NA
chr8	127568676	127570873	RP11-103H7.5	ENSG00000254010	633	0.3	0.25	0.15	0.055	NA
chr8	144332365	144332743	ZFP41	ENSG00000181638	-770	0.96	0.99	0.15	-0.033	NA
chr8	104426894	104427823	DCAF13	ENSG00000164934	416	0.19	0.24	0.16	-0.057	NA
chr8	131028491	131029095	FAM49B	ENSG00000153310	-142	0.27	0.2	0.17	0.073	NA
chr8	91997230	91997906	RP11-122A3.2	ENSG00000253250	-83	0.5	0.21	0.18	0.29	NA
chr8	99956558	99957023	OSR2	ENSG00000164920	159	0.32	0.17	0.18	0.14	NA
chr8	57123572	57124997	PLAG1	ENSG00000181690	-446	0.25	0.18	0.19	0.067	NA
chr8	145662143	145662383	AC084125.4	ENSG00000232600	-795	0.97	0.83	0.19	0.13	NA
chr8	21914275	21914525	EPB49	ENSG00000158856	-16	0.59	0.36	0.2	0.23	NA
chr8	26240290	26241017	BNIP3L	ENSG00000104765	239	0.29	0.21	0.21	0.081	NA
chr8	37962449	37963453	ASH2L	ENSG00000129691	191	0.3	0.23	0.21	0.071	NA
chr8	110987857	110988072	KCNV1	ENSG00000164794	112	0.5	0.27	0.21	0.23	NA
chr8	145634390	145635222	CPSF1	ENSG00000071894	-241	0.23	0.18	0.21	0.052	NA
chr8	4848968	4852635	CSMD1	ENSG00000183117	1137	0.3	0.26	0.22	0.04	NA
chr8	29940142	29940699	TMEM66	ENSG00000133872	44	0.24	0.33	0.22	-0.089	NA
chr8	42995248	42995519	HGSNAT	ENSG00000165102	-173	0.16	0.3	0.22	-0.14	NA
chr8	49468683	49468959	RP11-567J20.2	ENSG00000253688	180	0.27	0.18	0.22	0.094	NA
chr8	19170999	19172056	SH2D4A	ENSG00000104611	399	0.32	0.25	0.23	0.064	NA
chr8	33580364	33580600	VENTXP5	ENSG00000253569	115	0.94	0.99	0.23	-0.053	NA
chr8	145690605	145692505	CYHR1	ENSG00000187954	-744	0.26	0.21	0.23	0.043	NA
chr8	145597414	145598588	ADCK5	ENSG00000173137	475	0.27	0.23	0.24	0.04	NA
chr8	145063919	145065386	PARP10	ENSG00000178685	-499	0.27	0.22	0.25	0.055	NA
chr8	145235202	145235442	HEATR7A	ENSG00000179832	964	0.83	0.97	0.25	-0.14	NA
chr8	1771361	1772760	ARHGEF10	ENSG00000104728	-82	0.24	0.19	0.26	0.05	NA
chr8	60032532	60032746	RP11-25K19.1	ENSG00000167912	134	0.18	0.28	0.27	-0.1	NA

chr8	80679669	80681007	HEY1	ENSG00000164683	-631	0.3	0.22	0.27	0.076	NA
chr8	144462630	144462954	RHPN1	ENSG00000158106	1285	0.5	0.87	0.27	-0.37	NA
chr8	144699233	144700481	TSTA3	ENSG00000104522	-387	0.27	0.22	0.27	0.046	NA
chr8	144696328	144696808	TSTA3	ENSG00000104522	-13	0.87	0.95	0.28	-0.079	NA
chr8	22457123	22457753	C8orf58	ENSG00000241852	278	0.33	0.52	0.3	-0.19	NA
chr8	142318353	142319155	SLC45A4	ENSG0000022567	-363	0.49	0.4	0.3	0.085	NA
chr8	144798487	144799038	MAPK15	ENSG00000181085	252	0.3	0.19	0.3	0.11	NA
chr8	26148757	26149453	PPP2R2A	ENSG00000221914	98	0.24	0.18	0.32	0.056	NA
chr8	74790342	74791412	UBE2W	ENSG00000104343	183	0.23	0.19	0.32	0.037	NA
chr8	124084902	124085318	WDR67	ENSG00000156787	190	0.24	0.17	0.32	0.076	NA
chr8	25899335	25899692	EBF2	ENSG00000221818	-509	0.81	0.73	0.33	0.079	NA
chr8	63056947	63057412	CTD-2571E19.3	ENSG00000237810	149	0.92	0.96	0.33	-0.045	NA
chr8	63998227	63998737	TTPA	ENSG00000137561	126	0.26	0.19	0.33	0.07	NA
chr8	144921644	144921914	NRBP2	ENSG00000185189	422	0.91	0.83	0.33	0.084	NA
chr8	82023855	82024483	PAG1	ENSG00000076641	134	0.26	0.18	0.34	0.08	NA
chr8	22132791	22133357	PIWIL2	ENSG00000197181	264	0.95	0.91	0.35	0.04	NA
chr8	73920858	73921552	TERF1	ENSG00000147601	106	0.25	0.19	0.35	0.051	NA
chr8	88886171	88886445	DCAF4L2	ENSG00000176566	-12	0.96	0.99	0.35	-0.032	NA
chr8	1495105	1495333	DLGAP2	ENSG00000198010	-1591	1	0.95	0.36	0.053	NA
chr8	16859044	16859452	FGF20	ENSG00000078579	101	0.22	0.17	0.36	0.052	NA
chr8	86350765	86351196	CA3	ENSG00000164879	-76	0.44	0.35	0.36	0.096	NA
chr8	144872530	144873040	SCRIB	ENSG00000180900	927	0.67	0.76	0.36	-0.09	NA
chr8	69242920	69243803	C8orf34	ENSG00000165084	404	0.22	0.17	0.37	0.042	NA
chr8	117886284	117887319	RAD21	ENSG00000164754	-234	0.27	0.21	0.37	0.061	NA
chr8	144328103	144329545	ZFP41	ENSG00000181638	-167	0.25	0.19	0.37	0.063	NA
chr8	144923490	144923808	NRBP2	ENSG00000185189	-503	0.52	0.4	0.37	0.12	NA
chr8	11058624	11058844	XKR6	ENSG00000171044	114	0.5	0.25	0.38	0.25	NA
chr8	17354321	17355250	SLC7A2	ENSG00000003989	188	0.26	0.21	0.38	0.053	NA
chr8	41908373	41909581	MYST3	ENSG00000083168	528	0.38	0.27	0.38	0.12	NA
chr8	39380225	39380533	ADAM3A	ENSG00000197475	-50	0.94	0.97	0.39	-0.034	NA

chr8	28748070	28748431	HMBOX1	ENSG00000147421	108	0.3	0.19	0.4	0.11	NA
chr8	43131177	43131487	RP11-726G23.10	ENSG00000234713	634	0.56	0.46	0.42	0.098	NA
chr8	48172791	48172993	KIAA0146	ENSG00000164808	-275	0.92	0.83	0.42	0.089	NA
chr8	50822270	50822860	SNTG1	ENSG00000147481	216	0.46	0.36	0.42	0.1	NA
chr8	87354544	87355446	WWP1	ENSG00000123124	28	0.28	0.24	0.42	0.047	NA
chr8	143407246	143408048	TSNARE1	ENSG00000171045	-61	0.97	0.99	0.42	-0.021	NA
chr8	11204825	11205689	AF131216.5	ENSG00000255020	-246	0.32	0.26	0.44	0.054	NA
chr8	27950470	27950868	ELP3	ENSG00000134014	50	0.33	0.17	0.44	0.16	NA
chr8	21776842	21777942	XPO7	ENSG00000130227	212	0.22	0.19	0.46	0.031	NA
chr8	54755576	54756109	ATP6V1H	ENSG00000047249	-265	0.19	0.26	0.46	-0.064	NA
chr8	67025345	67025599	AC084082.3	ENSG00000253190	-50	0.2	0.25	0.47	-0.057	NA
chr8	25315286	25317028	KCTD9	ENSG00000104756	-361	0.27	0.24	0.48	0.032	NA
chr8	56685492	56686207	TMEM68	ENSG00000167904	-169	0.22	0.18	0.48	0.043	NA
chr8	21946568	21946809	FAM160B2	ENSG00000158863	18	0.29	0.18	0.5	0.11	NA
chr8	42249055	42249849	VDAC3	ENSG00000078668	310	0.25	0.21	0.51	0.043	NA
chr8	145745783	145746029	LRRC14	ENSG00000160959	1255	0.87	0.92	0.51	-0.049	NA
chr8	9762661	9764748	RP11-403C10.2	ENSG00000253230	-828	0.27	0.25	0.52	0.022	NA
chr8	10697016	10697634	PINX1	ENSG00000254093	-44	0.32	0.28	0.52	0.036	NA
chr8	38239342	38240670	WHSC1L1	ENSG00000147548	-642	0.22	0.25	0.52	-0.034	NA
chr8	74888375	74888925	TMEM70	ENSG00000175606	220	0.22	0.13	0.52	0.09	NA
chr8	124054057	124054733	WDR67	ENSG00000156787	187	0.21	0.18	0.52	0.025	NA
chr8	110703409	110703897	SYBU	ENSG00000147642	180	0.24	0.21	0.53	0.027	NA
chr8	144717866	144718798	ZNF623	ENSG00000183309	149	0.23	0.28	0.54	-0.052	NA
chr8	38033408	38034643	LSM1	ENSG00000175324	-19	0.41	0.45	0.55	-0.035	NA
chr8	66753589	66754950	PDE7A	ENSG00000205268	-514	0.31	0.27	0.55	0.036	NA
chr8	144631767	144631971	RP11-661A12.5	ENSG00000254859	30	0.73	0.63	0.55	0.1	NA
chr8	145653335	145654145	VPS28	ENSG00000160948	186	0.25	0.21	0.55	0.039	NA
chr8	12808798	12809862	AC135352.2	ENSG00000250305	492	0.24	0.21	0.56	0.035	NA
chr8	144894918	144895169	MIR937	ENSG00000216090	169	0.87	0.75	0.56	0.12	NA
chr8	81805955	81806327	AC012533.1	ENSG00000244833	-48	0.5	0.32	0.57	0.18	NA

chr8	145103285	145108027	CTD-3065J16.6	ENSG00000204791	1198	0.35	0.34	0.58	0.015	NA
chr8	144623134	144623917	ZC3H3	ENSG00000014164	98	0.26	0.22	0.59	0.04	NA
chr8	146016927	146018664	RPL8	ENSG00000161016	-451	0.26	0.29	0.59	-0.031	NA
chr8	22456091	22456508	C8orf58	ENSG00000241852	-815	0.2	0.16	0.6	0.038	NA
chr8	107669777	107670591	AC090579.1	ENSG00000164830	288	0.3	0.27	0.6	0.033	NA
chr8	6691833	6693135	XKR5	ENSG00000186530	536	0.35	0.3	0.61	0.049	NA
chr8	59323806	59324180	UBXN2B	ENSG00000215114	170	0.24	0.31	0.61	-0.066	NA
chr8	101157647	101158215	FBXO43	ENSG00000156509	-262	0.16	0.21	0.61	-0.052	NA
chr8	145703038	145703902	PPP1R16A	ENSG00000160972	118	0.28	0.21	0.61	0.066	NA
chr8	57350947	57351285	PENK	ENSG00000181195	-71	0.95	0.91	0.63	0.042	NA
chr8	144649331	144649742	C8orf73	ENSG00000204839	-255	0.52	0.48	0.63	0.04	NA
chr8	53477544	53478627	FAM150A	ENSG00000196711	-117	0.25	0.27	0.64	-0.021	NA
chr8	67940691	67940997	LRRC67	ENSG00000178125	-89	0.26	0.23	0.64	0.035	NA
chr8	22089367	22089668	PHYHIP	ENSG00000168490	65	0.25	0.18	0.65	0.07	NA
chr8	145700238	145700822	FOXH1	ENSG00000160973	676	0.31	0.28	0.65	0.031	NA
chr8	105600453	105601704	LRP12	ENSG00000147650	145	0.26	0.29	0.66	-0.03	NA
chr8	87520573	87521116	FAM82B	ENSG00000176623	-186	0.18	0.15	0.67	0.028	NA
chr8	109455600	109456263	TTC35	ENSG00000104412	101	0.25	0.17	0.67	0.083	NA
chr8	124408092	124409038	ATAD2	ENSG00000156802	54	0.28	0.25	0.67	0.028	NA
chr8	19796843	19798006	LPL	ENSG00000175445	541	0.37	0.4	0.68	-0.027	NA
chr8	30515170	30516024	GTF2E2	ENSG00000197265	-48	0.34	0.3	0.68	0.034	NA
chr8	58907001	58907822	FAM110B	ENSG00000169122	343	0.19	0.17	0.68	0.028	NA
chr8	125486521	125487622	RP11-383J24.5	ENSG00000245149	-476	0.25	0.23	0.68	0.026	NA
chr8	94767000	94767214	TMEM67	ENSG00000164953	35	0.23	0.17	0.7	0.062	NA
chr8	22462092	22462868	KIAA1967	ENSG00000158941	335	0.26	0.25	0.71	0.019	NA
chr8	143359844	143360110	TSNARE1	ENSG00000171045	1381	0.75	0.7	0.71	0.051	NA
chr8	144642609	144643132	GSDMD	ENSG00000104518	72	0.76	0.72	0.72	0.034	NA
chr8	144822011	144822805	RP11-429J17.6	ENSG00000203499	842	0.35	0.32	0.72	0.025	NA
chr8	144952047	144952980	EPPK1	ENSG00000227184	119	0.43	0.4	0.72	0.031	NA
chr8	145027911	145028352	PLEC	ENSG00000178209	-43	0.23	0.29	0.72	-0.056	NA

chr8	17780032	17781272	PCM1	ENSG00000078674	303	0.28	0.29	0.73	-0.019	NA
chr8	33423939	33424895	RNF122	ENSG00000133874	226	0.27	0.23	0.73	0.037	NA
chr8	133687573	133687998	LRRRC6	ENSG00000129295	-14	0.22	0.12	0.73	0.098	NA
chr8	142237037	142237360	SLC45A4	ENSG00000022567	1471	0.94	0.97	0.73	-0.025	NA
chr8	17941489	17942459	ASAH1	ENSG00000104763	-401	0.43	0.5	0.74	-0.066	NA
chr8	81083320	81084057	TPD52	ENSG00000076554	-253	0.32	0.29	0.74	0.034	NA
chr8	122651665	122652389	HAS2-AS1	ENSG00000248690	-115	0.16	0.2	0.74	-0.039	NA
chr8	33456915	33457515	DUSP26	ENSG00000133878	281	0.33	0.2	0.75	0.13	NA
chr8	57025546	57026543	MOS	ENSG00000172680	497	0.43	0.39	0.75	0.047	NA
chr8	65488536	65489116	RP11-21C4.1	ENSG00000254102	994	0.28	0.2	0.75	0.083	NA
chr8	67578694	67579509	VCPIP1	ENSG00000175073	351	0.3	0.33	0.75	-0.032	NA
chr8	93977793	93978469	C8orf83	ENSG00000205133	-314	0.3	0.24	0.75	0.062	NA
chr8	101170161	101170827	SPAG1	ENSG00000104450	231	0.28	0.25	0.75	0.029	NA
chr8	144640396	144640772	GSDMD	ENSG00000104518	107	0.24	0.28	0.75	-0.042	NA
chr8	99837461	99837936	STK3	ENSG00000104375	176	0.15	0.2	0.76	-0.047	NA
chr8	143484018	143485051	TSNARE1	ENSG00000171045	-285	0.22	0.24	0.77	-0.017	NA
chr8	144372931	144373839	ZNF696	ENSG00000185730	305	0.2	0.17	0.77	0.028	NA
chr8	144885269	144886103	SCRIB	ENSG00000180900	635	0.92	0.94	0.77	-0.025	NA
chr8	146277801	146278396	C8orf33	ENSG00000182307	247	0.4	0.34	0.77	0.06	NA
chr8	12989380	12989635	DLC1	ENSG00000164741	1291	0.29	0.46	0.78	-0.18	NA
chr8	23145528	23146006	R3HCC1	ENSG00000104679	130	0.21	0.18	0.78	0.025	NA
chr8	27631846	27632323	ESCO2	ENSG00000171320	181	0.29	0.37	0.78	-0.083	NA
chr8	41507516	41507868	NKX6-3	ENSG00000165066	319	0.94	0.96	0.78	-0.021	NA
chr8	145687389	145687880	CYHR1	ENSG00000187954	164	0.36	0.29	0.78	0.072	NA
chr8	145830699	145831212	ARHGAP39	ENSG00000147799	129	0.96	0.98	0.78	-0.021	NA
chr8	124428605	124429425	WDYHV1	ENSG00000156795	50	0.36	0.31	0.79	0.047	NA
chr8	144441870	144442438	TOP1MT	ENSG00000184428	-60	0.9	0.91	0.79	-0.012	NA
chr8	86573421	86575248	REXO1L1	ENSG00000205176	1392	0.94	0.96	0.8	-0.023	NA
chr8	145616814	145619875	MIR939	ENSG00000216133	1101	0.93	0.94	0.8	-0.011	NA
chr8	75262521	75263044	GDAP1	ENSG00000104381	165	0.22	0.17	0.81	0.051	NA

chr8	99057537	99057900	RPL30	ENSG00000156482	24	0.32	0.29	0.81	0.027	NA
chr8	101117922	101118693	RGS22	ENSG00000132554	-117	0.26	0.23	0.81	0.03	NA
chr8	102138593	102139108	KB-1460A1.1	ENSG00000253395	-464	0.2	0.11	0.81	0.093	NA
chr8	103135914	103136775	NCALD	ENSG00000104490	-166	0.35	0.33	0.81	0.019	NA
chr8	26434372	26436785	DPYSL2	ENSG00000092964	1000	0.26	0.25	0.82	0.0098	NA
chr8	146175835	146176337	ZNF16	ENSG00000170631	-105	0.34	0.31	0.82	0.033	NA
chr8	9413381	9414093	TNKS	ENSG00000173273	313	0.2	0.19	0.83	0.013	NA
chr8	23429038	23429265	AC051642.1	ENSG00000215298	-1006	1	0.98	0.84	0.023	NA
chr8	33330164	33330878	FUT10	ENSG00000172728	88	0.21	0.19	0.84	0.027	NA
chr8	42009723	42011098	AP3M2	ENSG00000070718	-54	0.24	0.26	0.84	-0.017	NA
chr8	11550366	11550585	GATA4	ENSG00000136574	340	0.33	0.19	0.85	0.14	NA
chr8	43126987	43127239	AFG3L2P1	ENSG00000253606	-8	0.76	0.78	0.85	-0.02	NA
chr8	63160598	63162064	NKAIN3	ENSG00000185942	181	0.24	0.25	0.85	-0.015	NA
chr8	103666157	103668861	KLF10	ENSG00000155090	-906	0.23	0.22	0.85	0.0078	NA
chr8	144365642	144366028	RP13-582O9.5	ENSG00000253716	-1975	0.88	0.91	0.85	-0.027	NA
chr8	41909829	41910139	MYST3	ENSG00000083168	-476	0.22	0.26	0.86	-0.04	NA
chr8	42195860	42196225	POLB	ENSG00000070501	70	0.18	0.5	0.86	-0.32	NA
chr8	58172076	58173863	RP11-513O17.3	ENSG00000253614	-816	0.98	1	0.86	-0.024	NA
chr8	87526560	87527272	FAM82B	ENSG00000176623	-349	0.22	0.2	0.86	0.016	NA
chr8	128747805	128751279	MYC	ENSG00000136997	1212	0.28	0.27	0.86	0.0087	NA
chr8	37619779	37620770	PROSC	ENSG00000147471	163	0.29	0.32	0.87	-0.036	NA
chr8	81398429	81399618	ZBTB10	ENSG00000205189	575	0.21	0.2	0.87	0.013	NA
chr8	98656153	98657230	MTDH	ENSG00000147649	284	0.23	0.24	0.87	-0.013	NA
chr8	79578112	79578667	FAM164A	ENSG00000104427	107	0.17	0.12	0.88	0.043	NA
chr8	80942117	80942593	MRPS28	ENSG00000147586	-208	0.29	0.27	0.89	0.027	NA
chr8	95731798	95732449	DPY19L4	ENSG00000156162	192	0.29	0.24	0.89	0.051	NA
chr8	135843698	135845068	AC083843.2	ENSG00000254028	-607	0.23	0.24	0.89	-0.011	NA
chr8	15397636	15398287	TUSC3	ENSG00000104723	229	0.22	0.21	0.9	0.013	NA
chr8	28351456	28352560	FZD3	ENSG00000104290	279	0.31	0.3	0.9	0.0091	NA
chr8	48173260	48174091	KIAA0146	ENSG00000164808	170	0.56	0.45	0.91	0.1	NA

chr8	15094237	15095168	SGCZ	ENSG00000185053	1146	0.18	0.19	0.92	-0.011	NA
chr8	109094485	109095849	RSPO2	ENSG00000147655	-103	0.27	0.26	0.92	0.014	NA
chr8	90769535	90770457	RP11-37B2.1	ENSG00000251136	-404	0.35	0.33	0.93	0.02	NA
chr8	100025146	100025999	RP11-410L14.2	ENSG00000253948	-300	0.25	0.23	0.93	0.023	NA
chr8	11549858	11550166	GATA4	ENSG00000136574	-123	0.25	0.31	0.94	-0.058	NA
chr8	11627091	11627668	NEIL2	ENSG00000154328	235	0.24	0.26	0.94	-0.015	NA
chr8	67025850	67026118	AC084082.3	ENSG00000253190	462	0.21	0.19	0.94	0.015	NA
chr8	68864584	68864946	PREX2	ENSG00000046889	162	0.24	0.21	0.94	0.021	NA
chr8	19614131	19615307	CSGALNACT1	ENSG00000147408	9	0.23	0.24	0.95	-0.0089	NA
chr8	38126097	38127032	PPAPDC1B	ENSG00000147535	-107	0.19	0.21	0.95	-0.017	NA
chr8	57359899	57360114	PENK	ENSG00000181195	-713	0.36	0.34	0.95	0.016	NA
chr8	27695095	27695479	PBK	ENSG00000168078	13	0.32	0.35	0.96	-0.03	NA
chr8	144917878	144918318	NRBP2	ENSG00000185189	1206	0.95	1	0.96	-0.053	NA
chr8	68255129	68256274	ARFGEF1	ENSG00000066777	211	0.24	0.23	0.97	0.0099	NA
chr8	67340796	67342111	RP11-346I3.4	ENSG00000246145	-241	0.23	0.24	0.98	-0.0065	NA
chr8	144766496	144766993	ZNF707	ENSG00000181135	122	0.27	0.29	0.99	-0.017	NA
chr8	77594255	77594860	ZFHX4	ENSG00000091656	-205	0.19	0.22	1	-0.03	NA
chr8	28573597	28573840	EXTL3	ENSG00000012232	-484	0.97	0.95	1	0.016	NA
chr8	181838	182862	ZNF596	ENSG00000172748	213	0.14	0.2	1	-0.057	NA
chr8	663998	664794	ERICH1	ENSG00000104714	1531	1	1	1	0	NA
chr8	2046691	2046963	MYOM2	ENSG00000036448	952	0.96	1	1	-0.037	NA
chr8	6263582	6264293	RP11-115C21.2	ENSG00000246089	132	0.27	0.26	1	0.006	NA
chr8	7812520	7812938	FAM66E	ENSG00000225725	193	1	0.56	1	0.44	NA
chr8	9760750	9761643	RP11-403C10.2	ENSG00000253230	-357	0.33	0.35	1	-0.013	NA
chr8	11323779	11324697	FAM167A	ENSG00000154319	6	0.24	0.24	1	-0.0035	NA
chr8	11872118	11872779	RP11-481A20.11	ENSG00000255098	595	0.18	0.17	1	0.016	NA
chr8	12219511	12219916	FAM66A	ENSG00000227888	186	0.17	0.08	1	0.087	NA
chr8	17103890	17104863	CNOT7	ENSG00000198791	-419	0.28	0.27	1	0.0065	NA
chr8	17434648	17434954	PDGFRL	ENSG00000104213	100	0.2	0.19	1	0.0084	NA
chr8	21905461	21905757	EPB49	ENSG00000158856	-897	1	1	1	0	NA

chr8	23081956	23082975	RP11-1149O23.3	ENSG00000246582	481	0.27	0.28	1	-0.01	NA
chr8	23103775	23104601	CHMP7	ENSG00000147457	38	0.33	0.21	1	0.12	NA
chr8	25900562	25905842	EBF2	ENSG00000221818	-508	0.31	0.31	1	0.0017	NA
chr8	27348658	27348883	EPHX2	ENSG00000120915	102	0.26	0.26	1	-0.0009	NA
chr8	27490959	27491775	SCARA3	ENSG00000168077	-18	0.31	0.28	1	0.026	NA
chr8	27779081	27779767	SCARA5	ENSG00000168079	297	1	0.93	1	0.067	NA
chr8	28243684	28244283	ZNF395	ENSG00000186918	-38	0.5	0.36	1	0.14	NA
chr8	30013700	30014360	DCTN6	ENSG00000104671	217	0.25	0.17	1	0.083	NA
chr8	40755164	40755404	ZMAT4	ENSG00000165061	42	0.24	0.26	1	-0.017	NA
chr8	42128689	42129141	RP11-231D20.2	ENSG00000253408	-200	0.26	0.25	1	0.0038	NA
chr8	42698430	42698723	THAP1	ENSG00000131931	-128	0.2	0.15	1	0.047	NA
chr8	57905700	57906452	IMPAD1	ENSG00000104331	-157	0.29	0.23	1	0.06	NA
chr8	58192499	58192884	C8orf71	ENSG00000215117	589	0.87	1	1	-0.13	NA
chr8	65286067	65286659	RP11-32K4.2	ENSG00000254377	478	0.25	0.23	1	0.016	NA
chr8	67524607	67526059	MYBL1	ENSG00000185697	-477	0.25	0.26	1	-0.0032	NA
chr8	72987480	72988023	TRPA1	ENSG00000104321	101	0.48	0.47	1	0.0039	NA
chr8	75896528	75897116	CRISPLD1	ENSG00000121005	72	0.27	0.26	1	0.006	NA
chr8	81177941	81178191	RP11-941H19.3	ENSG00000253238	-323	1	1	1	0	NA
chr8	81786253	81786464	ZNF704	ENSG00000164684	-458	0.33	0.17	1	0.16	NA
chr8	82598267	82598684	IMPA1	ENSG00000133731	-189	0.23	0.21	1	0.018	NA
chr8	85096759	85097247	RALYL	ENSG00000184672	-107	0.28	0.3	1	-0.016	NA
chr8	86019305	86019864	LRRCC1	ENSG00000133739	261	0.26	0.25	1	0.019	NA
chr8	86157835	86158168	RP11-219B4.5	ENSG00000258256	-55	0.29	0.3	1	-0.0035	NA
chr8	86774807	86776407	AC232323.1	ENSG00000255694	-1312	1	1	1	0	NA
chr8	89339965	89340481	RP11-586K2.1	ENSG00000253553	150	0.39	0.37	1	0.018	NA
chr8	93156337	93156640	RP11-777J24.1	ENSG00000233778	64	0.91	1	1	-0.091	NA
chr8	97171805	97172022	GDF6	ENSG00000156466	1034	0.3	0.32	1	-0.019	NA
chr8	99058245	99058673	RPL30	ENSG00000156482	238	0.24	0.27	1	-0.029	NA
chr8	100905657	100906003	COX6C	ENSG00000164919	20	0.25	0.25	1	1.00E-04	NA
chr8	101571515	101572104	ANKRD46	ENSG00000186106	-55	0.21	0.21	1	-0.002	NA

chr8	103251480	103251751	KB-431C1.4	ENSG00000246263	-7	0.19	0.19	1	-0.0035	NA
chr8	116681380	116681623	TRPS1	ENSG00000104447	209	0.17	0.17	1	-0.0077	NA
chr8	117767930	117768139	EIF3H	ENSG00000147677	-11	0.28	0.28	1	-0.0001	NA
chr8	117778487	117779146	EIF3H	ENSG00000147677	-322	0.2	0.21	1	-0.0073	NA
chr8	119963946	119964178	TNFRSF11B	ENSG00000164761	60	0.17	0.18	1	-0.0094	NA
chr8	119964389	119964637	TNFRSF11B	ENSG00000164761	-74	0.23	0.23	1	4.00E-04	NA
chr8	121137099	121137778	COL14A1	ENSG00000187955	91	0.36	0.35	1	0.014	NA
chr8	125313572	125314097	RP11-383J24.2	ENSG00000237586	278	0.97	0.97	1	-0.0049	NA
chr8	126010436	126011194	RP11-6D1.3	ENSG00000253513	-375	0.28	0.27	1	0.0071	NA
chr8	142264027	142264315	SLC45A4	ENSG0000022567	54	0.94	1	1	-0.062	NA
chr8	143361313	143361642	TSNARE1	ENSG00000171045	-119	1	1	1	0	NA
chr8	143916135	143916405	RP11-706C16.5	ENSG00000253728	-66	1	0.98	1	0.02	NA
chr8	144461972	144462261	RHPN1	ENSG00000158106	609	0.67	0.73	1	-0.06	NA
chr8	144811237	144811446	FAM83H	ENSG00000180921	-531	1	0.83	1	0.17	NA
chr8	144871986	144872261	RP11-429J17.8	ENSG00000214733	438	0.82	0.81	1	0.0076	NA
chr8	144887111	144887662	SCRIB	ENSG00000180900	-1065	0.91	0.93	1	-0.018	NA
chr8	144922744	144923112	NRBP2	ENSG00000185189	-126	0.33	0.33	1	-0.0005	NA
chr8	145621585	145621891	CPSF1	ENSG00000071894	207	0.98	0.98	1	0.0059	NA
chr8	145622979	145623325	CPSF1	ENSG00000071894	-1207	0.98	1	1	-0.016	NA
chr8	145770743	145771165	ARHGAP39	ENSG00000147799	94	0.98	0.98	1	0.0018	NA
chr8	146277254	146277491	C8orf33	ENSG00000182307	-392	0.43	1	1	-0.57	NA
chr8	2480425	2480920	RP11-378A12.1	ENSG00000249694	-219	0.5	NA	NA	NA	NA
chr8	8085016	8086608	RP11-556O5.5	ENSG00000253893	-427	0.42	NA	NA	NA	NA
chr8	8820766	8821112	RP11-62H7.2	ENSG00000233609	1519	NA	0.38	NA	NA	NA
chr8	19459905	19460137	CSGALNACT1	ENSG00000147408	-15	1	NA	NA	NA	NA
chr8	21644908	21647845	GFRA2	ENSG00000168546	-705	NA	1	NA	NA	NA
chr8	41503916	41504266	NKX6-3	ENSG00000165066	787	0.5	NA	NA	NA	NA
chr8	86132421	86133003	C8orf59	ENSG00000176731	-144	0.36	NA	NA	NA	NA
chr8	98636694	98636904	KB-1683C8.1	ENSG00000213750	508	NA	1	NA	NA	NA
chr8	117950472	117950717	C8orf85	ENSG00000205002	156	0.26	NA	NA	NA	NA

chr8	121135864	121136141	COL14A1	ENSG00000187955	-1345	0.43	NA	NA	NA	NA
chr8	142183432	142183767	DENND3	ENSG00000105339	-5	1	NA	NA	NA	NA
chr8	143485413	143485699	TSNARE1	ENSG00000171045	-955	0.53	NA	NA	NA	NA
chr8	143530645	143530872	BAI1	ENSG00000181790	-33	NA	0.5	NA	NA	NA
chr8	145490233	145491044	SCXA	ENSG00000188686	89	NA	1	NA	NA	NA
chr8	145641915	145642118	SLC39A4	ENSG00000147804	-120	0.5	NA	NA	NA	NA
chr8	145688281	145688537	CYHR1	ENSG00000187954	-165	NA	0.5	NA	NA	NA
chr9	131418671	131419447	WDR34	ENSG00000119333	-99	0.44	0.12	3.10E-09	0.32	NA
chr9	110249748	110252660	KLF4	ENSG00000136826	-476	0.31	0.19	5.50E-09	0.11	NA
chr9	2047212	2047801	RP11-264I13.2	ENSG00000236199	-1483	0.94	0.48	8.60E-09	0.46	NA
chr9	68413652	68413912	RP11-764K9.2	ENSG00000232815	414	0.4	0.27	8.80E-09	0.13	NA
chr9	98278128	98279754	PTCH1	ENSG00000185920	-1	0.34	0.17	3.60E-08	0.17	NA
chr9	124360438	124362382	DAB2IP	ENSG00000136848	863	0.35	0.2	3.70E-08	0.16	NA
chr9	139142010	139142288	CR392000.1	ENSG00000232317	325	0.38	0.96	3.70E-08	-0.57	NA
chr9	131936269	131941021	RP11-247A12.2	ENSG00000204055	-405	0.28	0.18	7.80E-08	0.098	NA
chr9	38487602	38488284	RP11-392E22.1	ENSG00000229511	392	0.85	0.65	1.20E-07	0.2	NA
chr9	136131001	136131831	ABO	ENSG00000175164	-145	0.77	0.95	1.20E-07	-0.18	NA
chr9	96713326	96718186	BARX1	ENSG00000131668	-43	0.35	0.23	1.30E-07	0.12	NA
chr9	140093882	140095686	TPRN	ENSG00000176058	-227	0.29	0.15	1.70E-07	0.14	NA
chr9	38526666	38526954	RP11-392E22.3	ENSG00000243085	-18	0.91	0.59	4.50E-07	0.32	NA
chr9	69147116	69148171	PGM5P2	ENSG00000227558	-149	1	0.15	5.70E-07	0.85	NA
chr9	133805004	133805453	FIBCD1	ENSG00000130720	138	0.99	0.67	6.00E-07	0.32	NA
chr9	21970913	21971190	CDKN2A	ENSG00000147889	156	0.62	0.12	1.10E-06	0.5	NA
chr9	32782936	32783625	TMEM215	ENSG00000188133	-217	0.16	0.31	1.30E-06	-0.15	NA
chr9	126132998	126133253	CRB2	ENSG00000148204	1957	0.92	0.65	1.50E-06	0.27	NA
chr9	139886312	139887180	C9orf142	ENSG00000148362	-124	0.38	0.18	1.70E-06	0.2	NA
chr9	124522246	124522546	DAB2IP	ENSG00000136848	-223	0.96	0.76	1.80E-06	0.2	NA
chr9	139265191	139265890	CARD9	ENSG00000187796	-195	0.95	0.78	1.90E-06	0.16	NA
chr9	4662252	4662951	PPAPDC2	ENSG00000205808	303	0.38	0.16	2.30E-06	0.22	NA
chr9	133813631	133815781	FIBCD1	ENSG00000130720	-469	0.27	0.17	2.60E-06	0.1	NA

chr9	33523494	33524796	ANKRD18B	ENSG00000230453	-247	0.24	0.35	2.80E-06	-0.11	NA
chr9	100744982	100747768	ANP32B	ENSG00000136938	737	0.3	0.2	3.40E-06	0.099	NA
chr9	134350708	134351708	PRRC2B	ENSG00000130723	-109	0.79	0.58	4.90E-06	0.21	NA
chr9	130742515	130743486	FAM102A	ENSG00000167106	-260	0.39	0.21	6.80E-06	0.17	NA
chr9	72960	73877	RP11-143M1.2	ENSG00000225655	702	0.22	0.11	6.90E-06	0.12	NA
chr9	127215291	127216022	GPR144	ENSG00000180264	798	0.25	0.43	7.10E-06	-0.18	NA
chr9	100615234	100617510	FOXE1	ENSG00000178919	836	0.3	0.19	7.30E-06	0.11	NA
chr9	130166812	130167191	SLC2A8	ENSG00000136856	673	0.95	0.72	8.70E-06	0.23	NA
chr9	34957717	34958472	KIAA1045	ENSG00000122733	-222	0.26	0.15	1.70E-05	0.11	NA
chr9	136242306	136243549	SURF4	ENSG00000148248	-491	0.15	0.28	2.30E-05	-0.12	NA
chr9	139564999	139565286	MIR126	ENSG00000199161	88	0.78	0.95	2.70E-05	-0.17	NA
chr9	116916275	116917022	COL27A1	ENSG00000196739	-1192	0.19	0.45	3.10E-05	-0.26	NA
chr9	140330620	140330910	ENTPD8	ENSG00000188833	1933	0.46	0.8	5.20E-05	-0.34	NA
chr9	86431954	86433094	GKAP1	ENSG00000165113	-313	0.27	0.15	6.20E-05	0.12	NA
chr9	137997370	137997588	OLFM1	ENSG00000130558	-7	0.54	0.3	6.50E-05	0.25	NA
chr9	132597219	132598321	C9orf78	ENSG00000136819	-237	0.18	0.33	7.00E-05	-0.15	NA
chr9	138985837	138987846	NACC2	ENSG00000148411	290	0.39	0.27	7.40E-05	0.12	NA
chr9	129622611	129623574	ZBTB34	ENSG00000177125	148	0.31	0.17	8.50E-05	0.14	NA
chr9	68408548	68409592	CR786580.1	ENSG00000203508	347	0.36	0.44	9.80E-05	-0.083	NA
chr9	140068792	140069082	ANAPC2	ENSG00000176248	1587	0.28	0.61	9.80E-05	-0.33	NA
chr9	124413512	124414193	DAB2IP	ENSG00000136848	-21	0.38	0.15	0.00014	0.23	NA
chr9	13278312	13279805	RP11-272P10.2	ENSG00000234740	128	0.31	0.18	0.00015	0.13	NA
chr9	21402501	21403058	IFNA12P	ENSG00000235108	-301	0.2	0.67	0.00015	-0.47	NA
chr9	140051062	140051730	GRIN1	ENSG00000176884	-32	0.27	0.45	0.00015	-0.18	NA
chr9	503936	505722	KANK1	ENSG00000107104	127	0.27	0.18	0.00016	0.089	NA
chr9	4740694	4741868	AK3	ENSG00000147853	-54	0.26	0.16	2.00E-04	0.095	NA
chr9	99839207	99840055	RP11-520B13.4	ENSG00000228376	497	0.48	0.33	2.00E-04	0.15	NA
chr9	100174099	100174946	TDRD7	ENSG00000196116	290	0.32	0.18	2.00E-04	0.14	NA
chr9	124987743	124991086	LHX6	ENSG00000106852	451	0.37	0.28	0.00027	0.09	NA
chr9	140058048	140058432	GRIN1	ENSG00000176884	1082	0.7	0.89	0.00028	-0.19	NA

chr9	91605764	91606141	C9orf47	ENSG00000186354	174	0.39	0.61	3.00E-04	-0.22	NA
chr9	135645441	135646092	RP11-295G24.5	ENSG00000224992	-167	0.76	0.42	0.00037	0.35	NA
chr9	6412353	6414097	UHRF2	ENSG00000147854	74	0.29	0.18	0.00042	0.11	NA
chr9	140082465	140083853	ANAPC2	ENSG00000176248	-170	0.2	0.11	0.00047	0.093	NA
chr9	4792556	4793553	RCL1	ENSG00000120158	185	0.24	0.12	0.00051	0.11	NA
chr9	116111663	116112189	BSPRY	ENSG00000119411	105	0.33	0.18	0.00053	0.15	NA
chr9	116860473	116860695	KIF12	ENSG00000136883	-368	0.28	0.08	0.00057	0.19	NA
chr9	34376500	34377187	KIAA1161	ENSG00000164976	8	0.24	1	0.00058	-0.76	NA
chr9	97136589	97137656	HIATL1	ENSG00000148110	289	0.4	0.16	0.00064	0.24	NA
chr9	134000784	134001306	NUP214	ENSG00000126883	97	0.24	0.13	0.00065	0.11	NA
chr9	124975753	124976692	LHX6	ENSG00000106852	-83	0.19	0.27	0.00071	-0.087	NA
chr9	71650646	71651176	FXN	ENSG00000165060	233	0.26	0.13	0.00089	0.14	NA
chr9	86152353	86153777	FRMD3	ENSG00000172159	288	0.2	0.14	0.00094	0.068	NA
chr9	70921274	70921477	RP11-561O23.7	ENSG00000225337	-934	0.3	0.11	0.001	0.19	NA
chr9	102668916	102669473	STX17	ENSG00000136874	241	0.29	0.14	0.001	0.15	NA
chr9	139580969	139582615	AGPAT2	ENSG00000169692	25	0.34	0.45	0.001	-0.11	NA
chr9	94711117	94713075	ROR2	ENSG00000169071	-934	0.3	0.22	0.0011	0.078	NA
chr9	116138954	116139306	HDHD3	ENSG00000119431	75	0.18	0.48	0.0011	-0.3	NA
chr9	125667114	125667804	RC3H2	ENSG00000056586	35	0.28	0.16	0.0011	0.12	NA
chr9	16870123	16872020	BNC2	ENSG00000173068	-403	0.4	0.23	0.0012	0.17	NA
chr9	130547264	130549117	CDK9	ENSG00000136807	232	0.26	0.18	0.0013	0.081	NA
chr9	707021	707420	KANK1	ENSG00000107104	331	0.38	0.22	0.0014	0.16	NA
chr9	139879489	139880580	LCNL1	ENSG00000214402	1580	0.34	0.45	0.0014	-0.11	NA
chr9	74525249	74526679	FAM108B1	ENSG00000107362	-306	0.23	0.14	0.0015	0.087	NA
chr9	139417115	139417518	NOTCH1	ENSG00000148400	1034	0.9	0.6	0.0015	0.31	NA
chr9	137028717	137030556	RNU6ATAC	ENSG00000221676	50	0.25	0.17	0.0016	0.08	NA
chr9	89560584	89562647	GAS1	ENSG00000180447	489	0.22	0.16	0.0017	0.06	NA
chr9	120175253	120177496	ASTN2	ENSG00000148219	842	0.26	0.18	0.0017	0.084	NA
chr9	35972143	35972446	RP11-327L3.5	ENSG00000213866	21	1	0.5	0.0019	0.5	NA
chr9	113341213	113342029	SVEP1	ENSG00000165124	202	0.27	0.16	0.0019	0.12	NA

chr9	124061805	124062229	GSN	ENSG00000148180	-54	0.53	0.16	0.002	0.37	NA
chr9	100954734	100955165	CORO2A	ENSG00000106789	-27	0.3	0.15	0.0021	0.15	NA
chr9	114423569	114424308	GNG10	ENSG00000242616	323	0.27	0.12	0.0022	0.15	NA
chr9	107509906	107510768	NIPSNAP3A	ENSG00000136783	368	0.25	0.14	0.0023	0.1	NA
chr9	135455164	135458586	BARHL1	ENSG00000125492	-697	0.22	0.29	0.0023	-0.071	NA
chr9	72374408	72375103	PTAR1	ENSG00000188647	102	0.34	0.75	0.0026	-0.41	NA
chr9	123963367	123964478	RAB14	ENSG00000119396	225	0.24	0.15	0.0026	0.098	NA
chr9	134404317	134404560	UCK1	ENSG00000130717	106	0.99	0.9	0.0026	0.092	NA
chr9	127615432	127615874	WDR38	ENSG00000136918	-102	0.09	0.57	0.0027	-0.48	NA
chr9	132388344	132388748	METTL11A	ENSG00000148335	94	0.14	0.28	0.0027	-0.14	NA
chr9	125590415	125590924	PDCL	ENSG00000136940	241	0.36	0.17	0.003	0.2	NA
chr9	128469269	128469635	MAPKAP1	ENSG00000119487	4	0.29	0.14	0.003	0.15	NA
chr9	130564863	130565566	FPGS	ENSG00000136877	60	0.3	0.15	0.003	0.15	NA
chr9	131965037	131965636	RP11-247A12.2	ENSG00000204055	1742	0.33	0.17	0.003	0.16	NA
chr9	136150031	136151365	ABO	ENSG00000175164	-93	0.3	0.21	0.003	0.094	NA
chr9	135036713	135038933	NTNG2	ENSG00000196358	489	0.22	0.29	0.0032	-0.075	NA
chr9	21031513	21031823	PTPLAD2	ENSG00000188921	-60	0.47	0.31	0.0033	0.16	NA
chr9	112081402	112082905	EPB41L4B	ENSG00000095203	868	0.21	0.14	0.0033	0.068	NA
chr9	129372737	129378106	RP11-123K19.1	ENSG00000224842	-623	0.27	0.22	0.0037	0.052	NA
chr9	123836702	123837585	CEP110	ENSG00000119397	2	0.19	0.35	0.004	-0.16	NA
chr9	129677706	129678009	RALGPS1	ENSG00000136828	128	0.17	0.48	0.004	-0.31	NA
chr9	4297817	4300182	GLIS3	ENSG00000107249	-503	0.3	0.23	0.0041	0.074	NA
chr9	128002945	128003972	HSPA5	ENSG00000044574	151	0.15	0.3	0.0041	-0.15	NA
chr9	5437566	5437996	C9orf46	ENSG00000107020	-75	0.3	0.19	0.0042	0.11	NA
chr9	43133116	43134845	ANKRD20A3	ENSG00000132498	-652	0.67	0.24	0.0044	0.42	NA
chr9	139847313	139847559	LCN12	ENSG00000184925	92	0.74	1	0.0044	-0.26	NA
chr9	115480082	115480481	C9orf80	ENSG00000148153	85	0.23	0.08	0.0049	0.15	NA
chr9	132244401	132245732	RP11-492E3.1	ENSG00000204054	-664	0.26	0.18	0.0052	0.075	NA
chr9	139332839	139334501	INPP5E	ENSG00000148384	604	0.17	0.25	0.0052	-0.079	NA
chr9	131872624	131873959	CRAT	ENSG00000095321	-323	0.27	0.18	0.0056	0.093	NA

chr9	84302139	84305001	TLE1	ENSG00000196781	-1287	0.22	0.17	0.006	0.051	NA
chr9	21994101	21995910	CDKN2A	ENSG00000147889	-515	0.4	0.27	0.0063	0.13	NA
chr9	139008034	139008896	C9orf69	ENSG00000238227	-764	0.97	0.89	0.0064	0.078	NA
chr9	130683969	130684370	PIP5KL1	ENSG00000167103	-156	0.41	0.17	0.0067	0.24	NA
chr9	135116147	135117929	NTNG2	ENSG00000196358	210	0.29	0.21	0.0069	0.072	NA
chr9	90474180	90474478	XXyac-YM21GA2.7	ENSG00000214888	-15	0.91	0.99	0.0071	-0.077	NA
chr9	101469579	101472154	GABBR2	ENSG00000136928	613	0.23	0.18	0.0071	0.047	NA
chr9	37002489	37002957	PAX5	ENSG00000196092	-51	0.92	0.82	0.0074	0.1	NA
chr9	131709353	131710564	DOLK	ENSG00000175283	-94	0.26	0.16	0.0077	0.1	NA
chr9	127532040	127533691	RP11-175D17.3	ENSG00000236643	463	0.23	0.17	0.008	0.068	NA
chr9	37464814	37466569	ZBTB5	ENSG00000168795	-295	0.2	0.3	0.008	-0.099	NA
chr9	80262446	80263701	GNA14	ENSG00000156049	150	0.31	0.22	0.008	0.094	NA
chr9	138591283	138591504	SOHLH1	ENSG00000165643	-19	0.82	0.98	0.008	-0.16	NA
chr9	132258213	132259153	RP11-492E3.1	ENSG00000204054	-1935	0.23	0.14	0.0081	0.092	NA
chr9	140149205	140150502	COBRA1	ENSG00000188986	228	0.24	0.18	0.0083	0.06	NA
chr9	21802524	21802981	MTAP	ENSG00000099810	117	0.2	0.37	0.0085	-0.17	NA
chr9	129986564	129988295	GARNL3	ENSG00000136895	679	0.24	0.18	0.0086	0.063	NA
chr9	41954478	41954842	RP11-104G3.2	ENSG00000229273	80	0.25	0.14	0.0091	0.11	NA
chr9	66493170	66494106	RP11-262H14.5	ENSG00000229422	558	0.21	0.16	0.0095	0.052	NA
chr9	99639589	99640054	ZNF782	ENSG00000196597	-1916	0.33	0.16	0.0098	0.17	NA
chr9	137217062	137218078	RXRA	ENSG00000186350	-856	0.18	0.26	0.01	-0.078	NA
chr9	21559133	21559816	RP11-354P17.9	ENSG00000171889	194	0.22	0.13	0.011	0.085	NA
chr9	21696487	21696754	KHSRPP1	ENSG00000229835	1445	0.84	0.69	0.011	0.15	NA
chr9	95857703	95859132	RP11-274J16.5	ENSG00000223446	-606	0.16	0.25	0.011	-0.089	NA
chr9	129276571	129276977	RP11-205K6.1	ENSG00000233721	-1922	0.39	0.22	0.011	0.17	NA
chr9	4490262	4490916	SLC1A1	ENSG00000106688	145	0.21	0.13	0.012	0.079	NA
chr9	71394793	71395492	FAM122A	ENSG00000187866	178	0.12	0.5	0.012	-0.38	NA
chr9	115512611	115513757	RP11-276E15.4	ENSG00000226609	-448	0.25	0.16	0.012	0.091	NA
chr9	23820691	23822135	ELAVL2	ENSG00000107105	65	0.24	0.15	0.013	0.084	NA
chr9	35616980	35617324	CD72	ENSG00000137101	1198	0.18	0.35	0.013	-0.17	NA

chr9	37485801	37486099	POLR1E	ENSG00000137054	18	0.22	0.5	0.013	-0.28	NA
chr9	97021464	97021967	ZNF169	ENSG00000175787	122	0.29	0.14	0.013	0.14	NA
chr9	127951391	127952263	PPP6C	ENSG00000119414	235	0.15	0.25	0.013	-0.096	NA
chr9	135819526	135820529	TSC1	ENSG00000165699	-45	0.3	0.17	0.013	0.14	NA
chr9	14346265	14348149	RP11-120J1.1	ENSG00000225472	-112	0.28	0.14	0.014	0.14	NA
chr9	94877272	94877782	SPTLC1	ENSG00000090054	93	0.19	0.42	0.014	-0.23	NA
chr9	132815766	132816615	GPR107	ENSG00000148358	205	0.16	0.28	0.014	-0.12	NA
chr9	1042417	1042973	RP11-147I11.2	ENSG00000231191	-175	0.23	0.45	0.015	-0.22	NA
chr9	91002741	91004330	SPIN1	ENSG00000106723	201	0.21	0.15	0.015	0.062	NA
chr9	96108466	96108992	C9orf129	ENSG00000204352	-33	0.32	0.18	0.016	0.14	NA
chr9	114937020	114937824	SUSD1	ENSG00000106868	43	0.23	0.14	0.016	0.095	NA
chr9	976162	977828	DMRT3	ENSG00000064218	31	0.2	0.15	0.017	0.056	NA
chr9	133027737	133028563	RP11-88G17.6	ENSG00000230938	-119	0.21	0.13	0.017	0.086	NA
chr9	97766649	97767955	C9orf3	ENSG00000148120	40	0.19	0.25	0.018	-0.065	NA
chr9	100818729	100819368	NANS	ENSG00000095380	27	0.32	0.2	0.018	0.13	NA
chr9	137533359	137534397	COL5A1	ENSG00000130635	258	0.28	0.2	0.018	0.077	NA
chr9	140917284	140918052	CACNA1B	ENSG00000148408	-455	0.25	0.17	0.018	0.086	NA
chr9	91149945	91150648	NXNL2	ENSG00000130045	280	0.48	0.25	0.019	0.23	NA
chr9	37800565	37801563	EXOSC3	ENSG00000107371	-358	0.25	0.19	0.021	0.061	NA
chr9	68298596	68299115	RP11-452D2.2	ENSG00000234042	56	0.83	0.88	0.021	-0.055	NA
chr9	97810765	97811272	C9orf3	ENSG00000148120	-32	0.75	0.27	0.021	0.48	NA
chr9	98268475	98271454	PTCH1	ENSG00000185920	-1083	0.25	0.19	0.021	0.058	NA
chr9	131549294	131549546	TBC1D13	ENSG00000107021	-63	0.31	0.14	0.021	0.17	NA
chr9	140008309	140009473	DPP7	ENSG00000176978	53	0.26	0.15	0.021	0.11	NA
chr9	27572966	27573385	C9orf72	ENSG00000147894	271	0.34	0.21	0.022	0.13	NA
chr9	130692839	130693331	PIP5KL1	ENSG00000167103	-21	0.24	0.14	0.022	0.1	NA
chr9	134406025	134407173	UCK1	ENSG00000130717	-33	0.2	0.28	0.022	-0.076	NA
chr9	100684498	100685051	C9orf156	ENSG00000136932	-24	0.21	0.32	0.023	-0.11	NA
chr9	115652446	115653448	SLC46A2	ENSG00000119457	143	0.29	0.21	0.024	0.086	NA
chr9	131643911	131644749	CCBL1	ENSG00000171097	-122	0.3	0.18	0.024	0.12	NA

chr9	71788715	71789542	TJP2	ENSG00000119139	47	0.3	0.2	0.026	0.099	NA
chr9	25677494	25678684	TUSC1	ENSG00000198680	767	0.17	0.23	0.027	-0.064	NA
chr9	130477195	130478146	PTRH1	ENSG00000187024	213	0.25	0.18	0.027	0.072	NA
chr9	116701	118177	FOXD4	ENSG00000170122	978	0.38	0.14	0.028	0.24	NA
chr9	110045112	110046303	RAD23B	ENSG00000119318	289	0.19	0.26	0.028	-0.076	NA
chr9	137967110	137967727	OLFM1	ENSG00000130558	150	0.3	0.16	0.028	0.14	NA
chr9	36400251	36401327	RNF38	ENSG00000137075	-493	0.21	0.16	0.029	0.056	NA
chr9	37784749	37785345	EXOSC3	ENSG00000107371	7	0.23	0.17	0.029	0.06	NA
chr9	79633326	79636030	FOXB2	ENSG00000204612	107	0.21	0.16	0.03	0.052	NA
chr9	101705907	101706682	COL15A1	ENSG00000204291	373	0.26	0.17	0.03	0.085	NA
chr9	130661107	130662047	ST6GALNAC6	ENSG00000160408	118	0.34	0.19	0.03	0.14	NA
chr9	131533779	131534695	ZER1	ENSG00000160445	-270	0.28	0.16	0.03	0.11	NA
chr9	139399040	139400388	NOTCH1	ENSG00000148400	-417	0.97	0.93	0.03	0.04	NA
chr9	123605043	123605585	PSMD5	ENSG00000095261	-154	0.32	0.15	0.031	0.17	NA
chr9	112402767	112403349	PALM2	ENSG00000243444	-10	0.19	0.75	0.032	-0.56	NA
chr9	140352818	140354044	NELF	ENSG00000165802	323	0.31	0.23	0.032	0.079	NA
chr9	104357007	104357288	PPP3R2	ENSG00000188386	95	1	0.93	0.033	0.068	NA
chr9	107689847	107690798	ABCA1	ENSG00000165029	98	0.27	0.34	0.033	-0.07	NA
chr9	82185479	82188560	TLE4	ENSG00000106829	331	0.18	0.23	0.034	-0.046	NA
chr9	112542131	112542667	PALM2-AKAP2	ENSG00000157654	-190	0.24	0.14	0.034	0.093	NA
chr9	91606335	91606823	S1PR3	ENSG00000213694	217	0.33	0.21	0.036	0.12	NA
chr9	140484219	140485721	ZMYND19	ENSG00000165724	-28	0.25	0.18	0.037	0.076	NA
chr9	140332887	140333140	ENTPD8	ENSG00000188833	-259	0.51	0.68	0.038	-0.17	NA
chr9	140055368	140055924	GRIN1	ENSG00000176884	-1512	0.27	0.51	0.039	-0.24	NA
chr9	19379794	19380341	RPS6	ENSG00000137154	129	0.22	0.12	0.04	0.1	NA
chr9	140349704	140349970	NELF	ENSG00000165802	-676	0.78	0.92	0.04	-0.14	NA
chr9	37575918	37576445	FBXO10	ENSG00000147912	69	0.24	0.18	0.041	0.066	NA
chr9	4984543	4985630	JAK2	ENSG00000096968	53	0.26	0.2	0.042	0.056	NA
chr9	93922196	93922679	C9orf73	ENSG00000235641	386	0.78	0.39	0.042	0.39	NA
chr9	99962136	99962426	ZNF322B	ENSG00000188801	-371	0.6	1	0.042	-0.4	NA

chr9	26946847	26947578	PLAA	ENSG00000137055	-231	0.23	0.17	0.043	0.063	NA
chr9	99449110	99449578	RP11-535M15.1	ENSG00000224848	6	0.32	0.58	0.043	-0.25	NA
chr9	139439041	139441532	NOTCH1	ENSG00000148400	28	0.24	0.2	0.043	0.041	NA
chr9	14312952	14315351	NFIB	ENSG00000147862	-485	0.23	0.19	0.044	0.043	NA
chr9	79792070	79793328	VPS13A	ENSG00000197969	430	0.23	0.17	0.044	0.056	NA
chr9	131790148	131790443	SH3GLB2	ENSG00000148341	169	0.23	0.15	0.045	0.08	NA
chr9	73027330	73029184	KLF9	ENSG00000119138	1283	0.27	0.2	0.046	0.071	NA
chr9	97848140	97848525	MIR24-1	ENSG00000207617	29	0.86	0.5	0.046	0.36	NA
chr9	117266468	117268094	DFNB31	ENSG00000095397	-662	0.22	0.17	0.046	0.051	NA
chr9	36258170	36258886	GNE	ENSG00000159921	-202	0.25	0.16	0.047	0.089	NA
chr9	123555399	123555899	FBXW2	ENSG00000119402	-4	0.34	0.2	0.047	0.14	NA
chr9	130374108	130374885	STXBP1	ENSG00000136854	-44	0.18	0.29	0.047	-0.12	NA
chr9	98637245	98638445	C9orf130	ENSG00000175611	-493	0.17	0.26	0.048	-0.088	NA
chr9	131580590	131581583	ENDOG	ENSG00000167136	333	0.16	0.22	0.048	-0.062	NA
chr9	33290318	33291003	NFX1	ENSG00000086102	151	0.32	0.16	0.049	0.16	NA
chr9	4491167	4491418	SLC1A1	ENSG00000106688	848	0.15	0.29	0.05	-0.14	NA
chr9	131798727	131799280	FAM73B	ENSG00000148343	103	0.39	0.27	0.05	0.12	NA
chr9	3181006	3181867	RP11-32F11.2	ENSG00000236511	-153	0.21	0.14	0.051	0.066	NA
chr9	96792652	96793436	PTPDC1	ENSG00000158079	-32	0.15	0.22	0.053	-0.066	NA
chr9	111695774	111696956	IKBKAP	ENSG00000070061	-132	0.22	0.36	0.053	-0.14	NA
chr9	17134821	17135706	CNTLN	ENSG00000044459	283	0.23	0.17	0.055	0.056	NA
chr9	139685250	139685978	TMEM141	ENSG00000244187	-193	0.27	0.18	0.055	0.088	NA
chr9	91925372	91926639	CKS2	ENSG00000123975	-108	0.2	0.14	0.057	0.056	NA
chr9	841374	843364	DMRT1	ENSG00000137090	679	0.32	0.26	0.058	0.058	NA
chr9	116163208	116163848	ALAD	ENSG00000148218	-128	0.26	0.18	0.058	0.085	NA
chr9	88713705	88714908	GOLM1	ENSG00000135052	167	0.27	0.18	0.059	0.092	NA
chr9	138606403	138606934	KCNT1	ENSG00000107147	268	0.3	0.21	0.06	0.09	NA
chr9	138628082	138628730	KCNT1	ENSG00000107147	41	0.31	0.21	0.06	0.098	NA
chr9	27528976	27529885	MOBK2B	ENSG00000120162	349	0.23	0.16	0.061	0.075	NA
chr9	101569905	101570349	GALNT12	ENSG00000119514	146	0.29	0.17	0.061	0.12	NA

chr9	135545001	135546462	DDX31	ENSG00000125485	-328	0.26	0.21	0.066	0.047	NA
chr9	139301540	139301847	SDCCAG3	ENSG00000165689	-56	0.88	0.97	0.066	-0.081	NA
chr9	44118137	44120175	ANKRD20A7P	ENSG00000236816	-712	0.33	0.4	0.067	-0.07	NA
chr9	115095149	115095919	ROD1	ENSG00000119314	-225	0.23	0.17	0.069	0.061	NA
chr9	139922197	139923447	ABCA2	ENSG00000107331	-199	0.24	0.19	0.07	0.051	NA
chr9	140079329	140079764	ANAPC2	ENSG00000176248	-1313	0.82	0.88	0.074	-0.059	NA
chr9	124921950	124922170	NDUFA8	ENSG00000119421	6	0.28	0.2	0.075	0.082	NA
chr9	136856230	136858681	VAV2	ENSG00000160293	-74	0.23	0.19	0.078	0.038	NA
chr9	5628570	5629743	KIAA1432	ENSG00000107036	131	0.17	0.24	0.079	-0.068	NA
chr9	66457551	66458640	RP11-262H14.1	ENSG00000238113	195	0.21	0.24	0.08	-0.027	NA
chr9	68377476	68377826	RP11-149F8.9	ENSG00000230640	208	0.65	0.47	0.08	0.18	NA
chr9	132499968	132500553	AL590369.1	ENSG00000255824	1642	0.16	0.3	0.08	-0.15	NA
chr9	136202804	136203247	SURF6	ENSG00000148296	210	0.23	0.17	0.081	0.056	NA
chr9	94903572	94903827	C9orf44	ENSG00000225511	119	0.2	0.45	0.082	-0.25	NA
chr9	100954286	100954593	CORO2A	ENSG00000106789	483	0.33	0.48	0.084	-0.14	NA
chr9	130829535	130830949	NAIF1	ENSG00000171169	-642	0.2	0.15	0.085	0.053	NA
chr9	35071756	35072885	VCP	ENSG00000165280	-309	0.3	0.24	0.086	0.061	NA
chr9	69380679	69382408	ANKRD20A4	ENSG00000172014	-269	0.2	0.12	0.086	0.087	NA
chr9	70922045	70922723	RP11-561O23.7	ENSG00000225337	75	0.65	0.87	0.086	-0.22	NA
chr9	138370738	138372414	KIAA0649	ENSG00000196422	-72	0.21	0.17	0.087	0.046	NA
chr9	139943099	139943715	ENTPD2	ENSG00000054179	658	0.23	0.15	0.087	0.075	NA
chr9	1051819	1052240	DMRT2	ENSG00000173253	415	0.18	1	0.088	-0.82	NA
chr9	79520803	79521508	PRUNE2	ENSG00000106772	-154	0.23	0.15	0.089	0.083	NA
chr9	140099321	140100465	TMEM203	ENSG00000187713	196	0.19	0.25	0.089	-0.056	NA
chr9	6645080	6645975	GLDC	ENSG00000178445	123	0.3	0.22	0.09	0.08	NA
chr9	26956301	26956770	IFT74	ENSG00000096872	164	0.28	0.17	0.091	0.11	NA
chr9	132020629	132021038	RP11-344B5.4	ENSG00000235007	200	0.25	0.18	0.094	0.069	NA
chr9	130922511	130923145	C9orf16	ENSG00000171159	289	0.31	0.21	0.099	0.096	NA
chr9	1050078	1050510	DMRT2	ENSG00000173253	-60	0.34	0.18	0.1	0.16	NA
chr9	85677015	85678321	RASEF	ENSG00000165105	375	0.18	0.23	0.1	-0.054	NA

chr9	89763336	89763767	C9orf170	ENSG00000204446	-8	0.13	0.2	0.1	-0.071	NA
chr9	138680881	138681159	KCNT1	ENSG00000107147	185	0.81	0.91	0.1	-0.095	NA
chr9	33447446	33447824	AQP3	ENSG00000165272	-128	0.26	0.14	0.11	0.12	NA
chr9	94123793	94124201	AUH	ENSG00000148090	172	0.14	0.25	0.11	-0.11	NA
chr9	95946147	95947835	WNK2	ENSG00000165238	-207	0.21	0.17	0.11	0.036	NA
chr9	132804279	132806003	FNBP1	ENSG00000187239	300	0.23	0.18	0.11	0.046	NA
chr9	139939783	139941141	NPDC1	ENSG00000107281	46	0.19	0.15	0.11	0.033	NA
chr9	2014831	2018105	SMARCA2	ENSG00000080503	1126	0.24	0.21	0.12	0.033	NA
chr9	37079450	37080393	RP11-220I1.1	ENSG00000233137	28	0.25	0.17	0.12	0.085	NA
chr9	86594326	86596142	HNRNPK	ENSG00000165119	-129	0.28	0.22	0.12	0.062	NA
chr9	95526459	95527825	BICD2	ENSG00000185963	-48	0.26	0.21	0.12	0.051	NA
chr9	99540025	99540472	ZNF510	ENSG00000081386	80	0.28	0.17	0.12	0.11	NA
chr9	99983210	99984959	RP11-498P14.2	ENSG00000159712	-546	0.28	0.21	0.12	0.067	NA
chr9	116860979	116861591	KIF12	ENSG00000136883	52	0.21	0.15	0.12	0.061	NA
chr9	124854824	124855819	TLL1	ENSG00000175764	-276	0.25	0.2	0.12	0.059	NA
chr9	128023933	128024596	GAPVD1	ENSG00000165219	191	0.27	0.41	0.12	-0.14	NA
chr9	130497262	130497846	TOR2A	ENSG00000160404	0	0.21	0.14	0.12	0.073	NA
chr9	136024223	136025112	RALGDS	ENSG00000160271	-79	0.28	0.2	0.12	0.081	NA
chr9	136918498	136918708	BRD3	ENSG00000169925	659	0.78	0.87	0.12	-0.085	NA
chr9	34989555	34989875	DNAJB5	ENSG00000137094	77	0.16	0.24	0.13	-0.073	NA
chr9	95569429	95572255	ANKRD19P	ENSG00000187984	-828	0.29	0.23	0.13	0.057	NA
chr9	95675545	95675773	ALOX15P2	ENSG00000188101	221	0.86	0.96	0.13	-0.1	NA
chr9	103189776	103190020	C9orf30	ENSG00000066697	179	0.19	0.26	0.13	-0.072	NA
chr9	103791944	103792173	RP11-35N6.1	ENSG00000148123	1067	0.33	1	0.13	-0.67	NA
chr9	113017745	113019297	TXN	ENSG00000136810	225	0.18	0.24	0.13	-0.059	NA
chr9	123475985	123477255	MEGF9	ENSG00000106780	-8	0.21	0.16	0.13	0.046	NA
chr9	15510176	15511338	PSIP1	ENSG00000164985	-470	0.28	0.22	0.14	0.061	NA
chr9	135905412	135906550	GTF3C5	ENSG00000148308	-95	0.26	0.2	0.14	0.055	NA
chr9	139872237	139873143	PTGDS	ENSG00000107317	-574	0.26	0.21	0.14	0.053	NA
chr9	140499458	140500891	ARRDC1	ENSG00000197070	68	0.23	0.18	0.14	0.05	NA

chr9	95431812	95432671	IPPK	ENSG00000127080	306	0.27	0.2	0.15	0.071	NA
chr9	101017382	101018581	TBC1D2	ENSG00000095383	-119	0.18	0.26	0.15	-0.083	NA
chr9	107526172	107526779	NIPSNAP3B	ENSG00000165028	37	0.22	0.36	0.15	-0.14	NA
chr9	111617320	111618144	ACTL7B	ENSG00000148156	1507	0.96	0.99	0.15	-0.029	NA
chr9	129676764	129677415	RALGPS1	ENSG00000136828	36	0.2	0.14	0.15	0.057	NA
chr9	130616619	130616858	ENG	ENSG00000106991	177	0.84	0.72	0.15	0.12	NA
chr9	139400878	139401569	NOTCH1	ENSG00000148400	-1926	0.96	0.91	0.15	0.045	NA
chr9	35646744	35647265	CD72	ENSG00000137101	-197	0.17	0.24	0.16	-0.073	NA
chr9	125693676	125694113	ZBTB26	ENSG00000171448	-115	0.19	0.34	0.16	-0.16	NA
chr9	130955166	130955498	CIZ1	ENSG00000148337	-956	0.16	0.24	0.16	-0.082	NA
chr9	133710260	133711285	ABL1	ENSG00000097007	319	0.21	0.29	0.16	-0.079	NA
chr9	68410746	68411413	RP11-764K9.3	ENSG00000230253	1156	0.54	0.47	0.17	0.069	NA
chr9	71939501	71940679	FAM189A2	ENSG00000135063	602	0.17	0.22	0.17	-0.045	NA
chr9	98783216	98784364	NCRNA00092	ENSG00000225194	252	0.21	0.25	0.17	-0.039	NA
chr9	99616401	99616940	ZNF782	ENSG00000196597	-205	0.28	0.34	0.17	-0.066	NA
chr9	100263675	100265217	TMOD1	ENSG00000136842	525	0.24	0.2	0.17	0.038	NA
chr9	131266838	131267277	GLE1	ENSG00000119392	78	0.16	0.22	0.17	-0.059	NA
chr9	139606300	139607433	FAM69B	ENSG00000165716	-156	0.24	0.3	0.17	-0.069	NA
chr9	72873689	72874264	SMC5	ENSG00000198887	39	0.32	0.22	0.18	0.1	NA
chr9	94185651	94187296	NFIL3	ENSG00000165030	-329	0.22	0.17	0.18	0.052	NA
chr9	114361410	114361760	PTGR1	ENSG00000106853	102	0.21	0.31	0.18	-0.098	NA
chr9	116638594	116638974	ZNF618	ENSG00000157657	154	0.25	0.17	0.18	0.082	NA
chr9	137000467	137001998	WDR5	ENSG00000196363	22	0.23	0.19	0.18	0.039	NA
chr9	34611950	34612641	C9orf23	ENSG00000164967	-194	0.27	0.21	0.19	0.055	NA
chr9	38423947	38424584	IGFBPL1	ENSG00000137142	179	0.2	0.15	0.19	0.045	NA
chr9	94648653	94648964	ROR2	ENSG00000169071	673	0.95	0.88	0.19	0.067	NA
chr9	2717903	2718953	KCNV2	ENSG00000168263	926	0.98	0.99	0.2	-0.013	NA
chr9	34628795	34629061	ARID3C	ENSG00000205143	-824	0.26	0.14	0.2	0.12	NA
chr9	36572703	36573073	MELK	ENSG00000165304	29	0.18	0.09	0.2	0.092	NA
chr9	71319698	71320937	PIP5K1B	ENSG00000107242	-258	0.24	0.3	0.2	-0.053	NA

chr9	74061513	74062097	TRPM3	ENSG00000083067	-54	0.24	0.19	0.21	0.052	NA
chr9	96069141	96069380	WNK2	ENSG00000165238	341	0.91	0.96	0.21	-0.055	NA
chr9	118916362	118917175	PAPPA	ENSG00000182752	685	0.22	0.17	0.21	0.047	NA
chr9	34379541	34380017	C9orf24	ENSG00000164972	-6	0.83	0.92	0.22	-0.092	NA
chr9	34664930	34665687	RP11-195F19.9	ENSG00000230074	-354	0.2	0.14	0.22	0.063	NA
chr9	37120050	37120985	ZCCHC7	ENSG00000147905	-19	0.19	0.15	0.22	0.039	NA
chr9	90340715	90341542	CTSL1	ENSG00000135047	104	0.21	0.16	0.22	0.051	NA
chr9	130271237	130271447	FAM129B	ENSG00000136830	1272	0.97	0.87	0.22	0.099	NA
chr9	139640640	139640885	LCN6	ENSG00000204003	-288	0.86	1	0.22	-0.14	NA
chr9	5832579	5833261	ERMP1	ENSG00000099219	-79	0.24	0.19	0.23	0.05	NA
chr9	22446681	22447695	DMRTA1	ENSG00000176399	348	0.2	0.25	0.23	-0.045	NA
chr9	99637845	99638281	ZNF782	ENSG00000196597	-207	0.22	0.37	0.23	-0.15	NA
chr9	115983419	115984109	FKBP15	ENSG00000119321	-205	0.31	0.22	0.23	0.089	NA
chr9	124460967	124461361	DAB2IP	ENSG00000136848	-485	0.2	0.29	0.23	-0.087	NA
chr9	132648043	132648284	RP11-409K20.7	ENSG00000224988	-1714	0.48	0.32	0.23	0.16	NA
chr9	139980377	139981887	MAN1B1	ENSG00000177239	-247	0.23	0.18	0.23	0.054	NA
chr9	140512892	140513420	C9orf37	ENSG00000203993	109	0.22	0.15	0.23	0.077	NA
chr9	35675648	35676375	C9orf100	ENSG00000137135	-148	0.29	0.24	0.24	0.051	NA
chr9	108456700	108457485	TMEM38B	ENSG00000095209	267	0.3	0.22	0.24	0.071	NA
chr9	132565316	132566033	TOR1B	ENSG00000136816	242	0.2	0.12	0.24	0.082	NA
chr9	133319864	133320810	ASS1	ENSG00000130707	243	0.23	0.28	0.24	-0.045	NA
chr9	38067683	38069628	RP11-613M10.9	ENSG00000255872	29	0.24	0.21	0.25	0.031	NA
chr9	89563490	89563698	RP11-276H19.1	ENSG00000226237	-20	0.23	0.13	0.25	0.096	NA
chr9	91933284	91933907	SECISBP2	ENSG00000187742	174	0.22	0.15	0.25	0.075	NA
chr9	114393346	114394205	C9orf29	ENSG00000204173	-206	0.27	0.21	0.25	0.061	NA
chr9	131218100	131219409	ODF2	ENSG00000136811	418	0.25	0.22	0.25	0.03	NA
chr9	134151853	134153015	FAM78A	ENSG00000126882	-500	0.23	0.19	0.25	0.038	NA
chr9	1045541	1046394	AL358976.1	ENSG00000247223	-112	0.21	0.24	0.26	-0.038	NA
chr9	5185333	5185780	INSL6	ENSG00000120210	112	0.9	0.96	0.26	-0.057	NA
chr9	19788215	19789288	SLC24A2	ENSG00000155886	-1825	0.31	0.23	0.26	0.071	NA

chr9	77702885	77703819	C9orf95	ENSG00000106733	-301	0.22	0.19	0.26	0.034	NA
chr9	123342126	123342513	CDK5RAP2	ENSG00000136861	-36	0.2	0.31	0.26	-0.11	NA
chr9	125703098	125703597	RABGAP1	ENSG00000011454	235	0.23	0.14	0.26	0.091	NA
chr9	136324676	136325527	C9orf7	ENSG00000160325	12	0.17	0.12	0.26	0.05	NA
chr9	139304467	139305795	SDCCAG3	ENSG00000165689	-411	0.19	0.24	0.26	-0.042	NA
chr9	96338040	96339836	PHF2	ENSG00000197724	249	0.32	0.27	0.27	0.042	NA
chr9	101983719	101984961	ALG2	ENSG00000119523	-116	0.2	0.26	0.27	-0.061	NA
chr9	117160139	117161064	RP11-9M16.2	ENSG00000235119	182	0.23	0.28	0.27	-0.046	NA
chr9	123638820	123639936	PHF19	ENSG00000119403	-74	0.26	0.22	0.27	0.04	NA
chr9	130186276	130187160	ZNF79	ENSG00000196152	57	0.2	0.26	0.27	-0.052	NA
chr9	132403872	132404743	ASB6	ENSG00000148331	96	0.17	0.21	0.27	-0.035	NA
chr9	138709776	138711099	CAMSAP1	ENSG00000130559	-420	0.96	0.97	0.27	-0.016	NA
chr9	3526015	3526945	RP11-509J21.1	ENSG00000232104	-243	0.26	0.32	0.28	-0.059	NA
chr9	6715976	6716503	RP11-390F4.3	ENSG00000225489	-309	0.37	0.47	0.28	-0.1	NA
chr9	26892288	26892936	C9orf82	ENSG00000120159	-247	0.19	0.15	0.28	0.044	NA
chr9	130889698	130891144	PTGES2	ENSG00000148334	-467	0.2	0.16	0.28	0.035	NA
chr9	135285310	135285897	C9orf171	ENSG00000188523	173	0.31	0.25	0.28	0.056	NA
chr9	136199331	136199570	SURF6	ENSG00000148296	325	0.96	0.99	0.28	-0.027	NA
chr9	139313354	139313588	PMPCA	ENSG00000165688	1825	0.9	1	0.28	-0.098	NA
chr9	35096152	35096673	PIGO	ENSG00000165282	-195	0.18	0.22	0.29	-0.043	NA
chr9	114245044	114246784	KIAA0368	ENSG00000136813	723	0.23	0.2	0.29	0.03	NA
chr9	138852639	138853439	UBAC1	ENSG00000130560	19	0.22	0.26	0.29	-0.046	NA
chr9	21335125	21335560	KLHL9	ENSG00000198642	-102	0.2	0.15	0.3	0.052	NA
chr9	21965096	21965747	C9orf53	ENSG00000224854	-1716	0.18	0.22	0.3	-0.046	NA
chr9	86322017	86323215	RP11-522I20.3	ENSG00000254473	107	0.18	0.22	0.3	-0.045	NA
chr9	88896741	88897721	ISCA1	ENSG00000135070	-208	0.2	0.23	0.3	-0.034	NA
chr9	113799913	113801375	LPAR1	ENSG00000198121	-321	0.23	0.2	0.3	0.033	NA
chr9	139911509	139912786	ABCA2	ENSG00000107331	516	0.97	0.95	0.3	0.019	NA
chr9	35689610	35691101	TPM2	ENSG00000198467	-458	0.5	0.47	0.31	0.034	NA
chr9	74979145	74980744	ZFAND5	ENSG00000107372	-682	0.28	0.24	0.31	0.036	NA

chr9	97401286	97402067	FBP1	ENSG00000165140	113	0.48	0.32	0.31	0.15	NA
chr9	98054676	98054916	RP11-173G21.1	ENSG00000230221	-290	0.98	0.93	0.31	0.056	NA
chr9	99145524	99145849	SLC35D2	ENSG00000130958	276	0.35	0.22	0.31	0.12	NA
chr9	116172303	116173090	C9orf43	ENSG00000157653	362	0.21	0.27	0.31	-0.056	NA
chr9	127539239	127540081	OLFML2A	ENSG00000185585	223	0.31	0.24	0.31	0.067	NA
chr9	139622242	139623428	SNHG7	ENSG00000233016	-199	0.2	0.17	0.31	0.03	NA
chr9	140347840	140348320	NELF	ENSG00000165802	-457	0.9	0.95	0.31	-0.046	NA
chr9	140473002	140473681	WDR85	ENSG00000148399	-172	0.26	0.33	0.31	-0.068	NA
chr9	38619908	38622631	FAM201A	ENSG00000204860	798	0.2	0.18	0.32	0.021	NA
chr9	70490059	70490348	CBWD5	ENSG00000147996	-98	0.07	0.11	0.32	-0.04	NA
chr9	122131086	122132214	DBC1	ENSG00000078725	53	0.21	0.24	0.32	-0.038	NA
chr9	132372343	132372965	METTL11A	ENSG00000148335	1491	0.22	0.31	0.32	-0.092	NA
chr9	136223347	136223966	SURF1	ENSG00000148290	-295	0.05	0.16	0.32	-0.11	NA
chr9	13323112	13323350	RP11-272P10.3	ENSG00000223672	423	0.46	0.37	0.33	0.089	NA
chr9	116102409	116102717	WDR31	ENSG00000148225	-29	0.34	0.27	0.33	0.07	NA
chr9	128508321	128510670	PBX3	ENSG00000167081	944	0.2	0.18	0.33	0.024	NA
chr9	139559804	139561005	EGFL7	ENSG00000172889	164	0.29	0.32	0.33	-0.032	NA
chr9	38478281	38478534	RP11-403F21.3	ENSG00000215165	-61	0.96	0.91	0.34	0.044	NA
chr9	95055762	95056299	IARS	ENSG00000196305	-107	0.17	0.12	0.34	0.052	NA
chr9	99179479	99181723	ZNF367	ENSG00000165244	10	0.23	0.21	0.34	0.022	NA
chr9	135229934	135230783	SETX	ENSG00000107290	14	0.25	0.22	0.34	0.036	NA
chr9	139804004	139804337	TRAF2	ENSG00000127191	1582	0.84	1	0.34	-0.16	NA
chr9	35828737	35829423	C9orf128	ENSG00000204930	-336	0.17	0.21	0.35	-0.042	NA
chr9	100613938	100614622	FOXE1	ENSG00000178919	-1256	0.35	0.31	0.35	0.039	NA
chr9	104160853	104161528	MRPL50	ENSG00000136897	-304	0.28	0.5	0.35	-0.22	NA
chr9	6006964	6008676	KIAA2026	ENSG00000183354	-33	0.24	0.27	0.36	-0.029	NA
chr9	33025082	33025797	APTX	ENSG00000137074	-331	0.18	0.22	0.36	-0.037	NA
chr9	43684674	43685278	CNTNAP3B	ENSG00000154529	74	0.14	0.3	0.36	-0.16	NA
chr9	103114595	103115414	TEX10	ENSG00000136891	-151	0.2	0.18	0.36	0.024	NA
chr9	115818836	115819343	ZFP37	ENSG00000136866	-93	0.25	0.21	0.36	0.044	NA

chr9	33263781	33265118	BAG1	ENSG00000107262	108	0.26	0.22	0.38	0.031	NA
chr9	95087949	95088606	CENPP	ENSG00000188312	55	0.17	0.13	0.38	0.041	NA
chr9	133884359	133885010	LAMC3	ENSG00000050555	215	0.26	0.18	0.38	0.075	NA
chr9	138391394	138393271	C9orf116	ENSG00000160345	-614	0.23	0.21	0.38	0.022	NA
chr9	139780406	139781527	TRAF2	ENSG00000127191	449	0.16	0.19	0.38	-0.027	NA
chr9	140708852	140709066	EHMT1	ENSG00000181090	-829	0.93	0.98	0.38	-0.044	NA
chr9	33166700	33167934	RP11-326F20.5	ENSG00000233554	344	0.21	0.25	0.39	-0.035	NA
chr9	132250466	132251123	RP11-492E3.1	ENSG00000204054	-30	0.23	0.19	0.39	0.041	NA
chr9	140727486	140727862	EHMT1	ENSG00000181090	590	1	0.92	0.39	0.083	NA
chr9	89626509	89626742	CDC20P1	ENSG00000231007	58	0.99	0.96	0.4	0.033	NA
chr9	95599702	95600005	EEF1DP2	ENSG00000226721	130	0.98	0.99	0.4	-0.018	NA
chr9	112296438	112296747	RP11-397F23.3	ENSG00000213539	-61	0.98	0.94	0.4	0.034	NA
chr9	112916	114839	RP11-143M1.4	ENSG00000231808	-123	0.24	0.26	0.41	-0.021	NA
chr9	32526144	32526424	DDX58	ENSG00000107201	-91	0.19	0.14	0.41	0.041	NA
chr9	34329006	34329499	KIF24	ENSG00000186638	-54	0.3	0.19	0.41	0.11	NA
chr9	40633298	40633795	RP11-292B8.1	ENSG00000215142	153	0.21	0.32	0.41	-0.11	NA
chr9	88356140	88357365	AGTPBP1	ENSG00000135049	-19	0.22	0.19	0.41	0.033	NA
chr9	100459096	100459775	XPA	ENSG00000136936	140	0.19	0.22	0.41	-0.032	NA
chr9	101866994	101868297	TGFBR1	ENSG00000106799	274	0.2	0.18	0.41	0.022	NA
chr9	115248728	115249744	C9orf147	ENSG00000230185	-451	0.23	0.27	0.41	-0.039	NA
chr9	131084541	131085471	TRUB2	ENSG00000167112	-314	0.24	0.28	0.41	-0.043	NA
chr9	136214430	136215760	MED22	ENSG00000148297	-537	0.25	0.21	0.41	0.038	NA
chr9	139901954	139902205	ABCA2	ENSG00000107331	1161	0.66	0.59	0.41	0.076	NA
chr9	132382432	132383004	C9orf50	ENSG00000179058	337	0.27	0.21	0.42	0.055	NA
chr9	34589113	34591978	CNTFR	ENSG00000122756	-841	0.32	0.3	0.42	0.02	NA
chr9	35732124	35732757	CREB3	ENSG00000107175	108	0.29	0.24	0.42	0.047	NA
chr9	100069890	100070351	C9orf174	ENSG00000197816	179	0.43	0.39	0.42	0.045	NA
chr9	127631143	127632264	ARPC5L	ENSG00000136950	219	0.18	0.14	0.42	0.038	NA
chr9	133971670	133972578	AIF1L	ENSG00000126878	261	0.24	0.2	0.42	0.048	NA
chr9	34126266	34126959	DCAF12	ENSG00000198876	159	0.23	0.2	0.43	0.036	NA

chr9	99416904	99417592	C9orf21	ENSG00000158122	-218	0.22	0.18	0.43	0.042	NA
chr9	36487107	36488083	RNF38	ENSG00000137075	-50	0.21	0.17	0.44	0.037	NA
chr9	98079189	98080213	FANCC	ENSG00000158169	-194	0.18	0.15	0.44	0.024	NA
chr9	139964155	139965284	C9orf140	ENSG00000186193	321	0.2	0.23	0.44	-0.029	NA
chr9	15422521	15423200	SNAPC3	ENSG00000164975	158	0.15	0.19	0.45	-0.037	NA
chr9	97488818	97489172	C9orf3	ENSG00000148120	12	0.23	0.27	0.45	-0.045	NA
chr9	112810858	112811128	AKAP2	ENSG00000241978	115	0.57	0.42	0.45	0.15	NA
chr9	114287380	114287695	ZNF483	ENSG00000173258	98	1	0.19	0.45	0.81	NA
chr9	135946586	135947050	RP11-326L24.4	ENSG00000228947	429	0.94	0.89	0.45	0.047	NA
chr9	139551254	139551559	EGFL7	ENSG00000172889	-1902	0.44	1	0.45	-0.56	NA
chr9	140445653	140446891	MRPL41	ENSG00000182154	621	0.23	0.21	0.45	0.022	NA
chr9	21974578	21975306	CDKN2A	ENSG00000147889	-116	0.16	0.2	0.46	-0.048	NA
chr9	34377401	34377610	KIAA1161	ENSG00000164976	-654	0.22	0.27	0.46	-0.051	NA
chr9	36136188	36137229	GLIPR2	ENSG00000122694	-22	0.27	0.24	0.46	0.029	NA
chr9	87283178	87285704	NTRK2	ENSG00000148053	975	0.24	0.21	0.46	0.025	NA
chr9	99800856	99801724	CTSL2	ENSG00000136943	134	0.22	0.26	0.46	-0.04	NA
chr9	111881482	111882278	C9orf5	ENSG00000106771	345	0.17	0.13	0.46	0.038	NA
chr9	130996210	130996443	DNM1	ENSG00000106976	483	0.9	0.96	0.46	-0.059	NA
chr9	131037591	131038695	C9orf119	ENSG00000175854	485	0.25	0.28	0.46	-0.034	NA
chr9	139586824	139587048	AL590226.1	ENSG00000221693	-1652	1	0.97	0.46	0.029	NA
chr9	35657752	35658777	RMRP	ENSG00000199916	-250	0.19	0.24	0.47	-0.042	NA
chr9	68726056	68726939	RP11-391M20.1	ENSG00000229789	-132	0.42	0.45	0.47	-0.03	NA
chr9	111929197	111929587	C9orf4	ENSG00000136805	179	0.19	0.22	0.47	-0.035	NA
chr9	131450972	131452682	SET	ENSG00000119335	322	0.27	0.29	0.47	-0.026	NA
chr9	139760652	139761206	EDF1	ENSG00000107223	-211	0.22	0.27	0.47	-0.05	NA
chr9	140115986	140118466	RNF208	ENSG00000212864	-1193	0.24	0.22	0.47	0.02	NA
chr9	20684026	20684636	RP11-4E23.2	ENSG00000227071	356	0.17	0.21	0.48	-0.038	NA
chr9	35748653	35749512	GBA2	ENSG00000070610	-112	0.23	0.2	0.48	0.035	NA
chr9	88969007	88969904	ZCCHC6	ENSG00000083223	-130	0.23	0.2	0.48	0.026	NA
chr9	108006467	108007921	SLC44A1	ENSG00000070214	291	0.19	0.17	0.48	0.024	NA

chr9	131133566	131133958	URM1	ENSG00000167118	164	0.31	0.12	0.48	0.19	NA
chr9	33816798	33818300	UBE2R2	ENSG00000107341	-16	0.3	0.34	0.49	-0.043	NA
chr9	69065081	69065964	RP11-87H9.2	ENSG00000233961	-133	0.42	0.33	0.49	0.097	NA
chr9	80850833	80851434	CEP78	ENSG00000148019	155	0.17	0.14	0.49	0.024	NA
chr9	34457375	34458892	DNAI1	ENSG00000122735	721	0.18	0.2	0.5	-0.019	NA
chr9	37903630	37904475	MCART1	ENSG00000122696	55	0.14	0.11	0.5	0.025	NA
chr9	68454902	68455796	RP11-764K9.4	ENSG00000215548	26	0.48	0.5	0.5	-0.028	NA
chr9	74764241	74764903	GDA	ENSG00000119125	279	0.21	0.18	0.5	0.025	NA
chr9	123690771	123691675	TRAF1	ENSG00000056558	-176	0.2	0.18	0.5	0.028	NA
chr9	35489704	35490700	RUSC2	ENSG00000198853	78	0.18	0.16	0.51	0.026	NA
chr9	104499849	104501076	GRIN3A	ENSG00000198785	400	0.23	0.2	0.51	0.029	NA
chr9	112083333	112083549	EPB41L4B	ENSG00000095203	-197	0.28	0.34	0.51	-0.054	NA
chr9	32550559	32552532	C9orf133	ENSG00000235453	403	0.17	0.2	0.52	-0.026	NA
chr9	101558329	101559214	ANKS6	ENSG00000165138	23	0.24	0.22	0.52	0.022	NA
chr9	22008657	22009471	CDKN2B	ENSG00000147883	-112	0.19	0.22	0.53	-0.026	NA
chr9	33076492	33076775	SMU1	ENSG00000122692	24	0.18	0.22	0.53	-0.04	NA
chr9	71628407	71628907	PRKACG	ENSG00000165059	382	1	0.99	0.53	0.011	NA
chr9	103235171	103236627	TMEFF1	ENSG00000241697	504	0.19	0.18	0.53	0.016	NA
chr9	5450409	5450629	CD274	ENSG00000120217	16	0.22	0.36	0.54	-0.14	NA
chr9	35161874	35162409	UNC13B	ENSG00000198722	142	0.17	0.2	0.54	-0.033	NA
chr9	130639738	130640143	AK1	ENSG00000106992	10	0.26	0.22	0.54	0.04	NA
chr9	140033235	140034176	GRIN1	ENSG00000176884	78	0.29	0.23	0.54	0.055	NA
chr9	10612635	10613333	PTPRD	ENSG00000153707	-261	0.19	0.22	0.55	-0.027	NA
chr9	38069784	38069991	RP11-613M10.9	ENSG00000255872	-677	0.31	0.38	0.55	-0.071	NA
chr9	44866684	44866915	RP11-160N1.10	ENSG00000204814	-772	0.89	0.96	0.55	-0.076	NA
chr9	70971549	70972604	PGM5	ENSG00000154330	261	0.23	0.28	0.56	-0.055	NA
chr9	86535742	86536646	KIF27	ENSG00000165115	148	0.18	0.15	0.56	0.027	NA
chr9	129088646	129088994	FAM125B	ENSG00000196814	-308	0.29	0.22	0.56	0.07	NA
chr9	130486339	130486653	RP11-56D16.8	ENSG00000242194	615	0.8	0.73	0.56	0.065	NA
chr9	131314228	131315496	RP11-216B9.6	ENSG00000228395	-173	0.21	0.23	0.56	-0.019	NA

chr9	28849	29588	XXyac-YRM2039.2	ENSG00000181404	41	0.2	0.15	0.57	0.045	NA
chr9	19027850	19028064	RP11-296P7.4	ENSG00000236680	1067	0.95	1	0.57	-0.05	NA
chr9	19049981	19049949	RRAGA	ENSG00000155876	143	0.22	0.25	0.57	-0.025	NA
chr9	35814649	35815119	HINT2	ENSG00000137133	105	0.21	0.19	0.57	0.025	NA
chr9	140728478	140729896	EHMT1	ENSG00000181090	656	1	0.99	0.57	0.0096	NA
chr9	92218833	92219259	GADD45G	ENSG00000130222	-882	0.17	0.2	0.58	-0.033	NA
chr9	115913081	115913807	SLC31A2	ENSG00000136867	222	0.18	0.21	0.58	-0.03	NA
chr9	103790612	103791764	RP11-35N6.1	ENSG00000148123	197	0.27	0.3	0.59	-0.03	NA
chr9	132481472	132481745	RP11-483H20.6	ENSG00000236024	-694	0.79	0.81	0.59	-0.022	NA
chr9	99328810	99329764	CDC14B	ENSG00000081377	-175	0.22	0.19	0.6	0.024	NA
chr9	129567144	129567803	ZBTB43	ENSG00000169155	188	0.19	0.17	0.6	0.021	NA
chr9	136890463	136891448	NCRNA00094	ENSG00000235106	394	0.28	0.25	0.6	0.034	NA
chr9	139009862	139011272	C9orf69	ENSG00000238227	-447	0.2	0.21	0.6	-0.015	NA
chr9	140195501	140197475	NRARP	ENSG00000198435	215	0.21	0.22	0.6	-0.013	NA
chr9	126129330	126129602	CRB2	ENSG00000148204	-1592	0.87	0.89	0.61	-0.027	NA
chr9	135753347	135754384	C9orf9	ENSG00000165698	451	0.21	0.23	0.61	-0.015	NA
chr9	139905818	139906459	ABCA2	ENSG00000107331	-670	0.95	0.94	0.61	0.016	NA
chr9	77642704	77643595	C9orf41	ENSG00000156017	40	0.19	0.22	0.62	-0.025	NA
chr9	132099123	132099616	RP11-65J3.1	ENSG00000233901	211	0.21	0.26	0.62	-0.049	NA
chr9	132630324	132630823	USP20	ENSG00000136878	-28	0.93	0.95	0.62	-0.022	NA
chr9	136444127	136444604	FAM163B	ENSG00000196990	1003	0.9	0.87	0.62	0.034	NA
chr9	139345637	139345866	SEC16A	ENSG00000148396	-481	0.88	0.91	0.62	-0.031	NA
chr9	139693983	139695096	KIAA1984	ENSG00000213213	-228	0.22	0.19	0.62	0.034	NA
chr9	140114800	140115390	RNF208	ENSG00000212864	680	0.86	0.9	0.62	-0.036	NA
chr9	70176487	70177962	FOXD4L5	ENSG00000204779	1591	0.32	0.26	0.63	0.059	NA
chr9	127703131	127703629	GOLGA1	ENSG00000136935	-2	0.24	0.21	0.63	0.032	NA
chr9	99883497	99883763	RP11-520B13.7	ENSG00000213612	-311	0.99	0.96	0.64	0.028	NA
chr9	35791584	35791924	NPR2	ENSG00000159899	-397	0.2	0.18	0.65	0.026	NA
chr9	131464843	131465830	PKN3	ENSG00000160447	534	0.19	0.2	0.66	-0.013	NA
chr9	124132057	124133095	STOM	ENSG00000148175	-93	0.4	0.42	0.66	-0.025	NA

chr9	139904435	139904811	ABCA2	ENSG00000107331	213	0.93	0.91	0.66	0.02	NA
chr9	71736074	71737367	RP11-265B8.4	ENSG00000227410	511	0.27	0.24	0.67	0.035	NA
chr9	114658618	114659773	UGCG	ENSG00000148154	149	0.2	0.18	0.67	0.016	NA
chr9	130007229	130007688	GARNL3	ENSG00000136895	-158	0.2	0.18	0.67	0.027	NA
chr9	6757336	6758872	KDM4C	ENSG00000107077	463	0.2	0.19	0.68	0.011	NA
chr9	32572996	32573227	NDUFB6	ENSG00000165264	46	0.12	0.16	0.68	-0.037	NA
chr9	35111267	35111504	KIAA1539	ENSG00000005238	35	0.33	0.28	0.68	0.051	NA
chr9	37650696	37651409	FRMPD1	ENSG00000070601	55	0.26	0.22	0.68	0.038	NA
chr9	139552947	139553269	EGFL7	ENSG00000172889	-200	0.86	0.89	0.68	-0.031	NA
chr9	14693030	14693576	ZDHHC21	ENSG00000175893	-40	0.17	0.21	0.69	-0.033	NA
chr9	111775041	111775934	CTNNAL1	ENSG00000119326	292	0.17	0.15	0.69	0.016	NA
chr9	77502093	77502518	TRPM6	ENSG00000119121	-42	0.18	0.15	0.7	0.028	NA
chr9	79008637	79009762	RFK	ENSG00000135002	-517	0.2	0.22	0.7	-0.015	NA
chr9	140335758	140336321	ENTPD8	ENSG00000188833	-138	0.27	0.23	0.7	0.04	NA
chr9	17578721	17579804	SH3GL2	ENSG00000107295	309	0.2	0.19	0.71	0.013	NA
chr9	35079628	35080213	FANCG	ENSG00000221829	-254	0.22	0.24	0.71	-0.022	NA
chr9	99380814	99382236	CDC14B	ENSG00000081377	-637	0.2	0.22	0.71	-0.015	NA
chr9	130159210	130160490	SLC2A8	ENSG00000136856	429	0.18	0.19	0.71	-0.014	NA
chr9	132586191	132586570	TOR1A	ENSG00000136827	3	0.25	0.22	0.71	0.029	NA
chr9	19408498	19409285	ACER2	ENSG00000177076	-34	0.22	0.2	0.72	0.024	NA
chr9	74383077	74384702	TMEM2	ENSG00000135048	-587	0.3	0.29	0.72	0.016	NA
chr9	90795354	90795580	RP11-1E11.1	ENSG00000204429	-117	0.95	1	0.72	-0.055	NA
chr9	125026828	125027250	MRRF	ENSG00000148187	157	0.2	0.26	0.72	-0.055	NA
chr9	130965464	130966516	DNM1	ENSG00000106976	332	0.23	0.24	0.72	-0.012	NA
chr9	139553659	139553915	EGFL7	ENSG00000172889	479	0.55	0.58	0.72	-0.03	NA
chr9	132199361	132199984	RP11-65J3.2	ENSG00000226355	-823	0.2	0.23	0.73	-0.025	NA
chr9	136343980	136344764	SLC2A6	ENSG00000160326	-175	0.22	0.2	0.73	0.029	NA
chr9	77112712	77113583	RORB	ENSG00000198963	866	0.22	0.25	0.74	-0.02	NA
chr9	139701953	139703088	C9orf86	ENSG00000196642	146	0.21	0.23	0.74	-0.012	NA
chr9	15552733	15553334	C9orf93	ENSG00000164989	138	0.19	0.24	0.75	-0.044	NA

chr9	96213340	96214953	FAM120AOS	ENSG00000188938	-750	0.24	0.25	0.75	-0.014	NA
chr9	136282680	136283483	REXO4	ENSG00000148300	-162	0.24	0.22	0.75	0.014	NA
chr9	35115701	35116446	KIAA1539	ENSG00000005238	-226	0.2	0.17	0.76	0.038	NA
chr9	8857485	8858708	PTPRD	ENSG00000153707	-320	0.17	0.16	0.77	0.013	NA
chr9	34380737	34381151	C9orf24	ENSG00000164972	-163	0.19	0.17	0.77	0.017	NA
chr9	34637200	34637950	SIGMAR1	ENSG00000147955	-166	0.16	0.19	0.77	-0.027	NA
chr9	80645881	80647503	GNAQ	ENSG00000156052	-318	0.23	0.22	0.77	0.0095	NA
chr9	112262010	112262317	PTPN3	ENSG00000070159	-1570	0.18	0.21	0.77	-0.03	NA
chr9	34646586	34647003	GALT	ENSG00000213930	161	0.26	0.22	0.79	0.037	NA
chr9	77566773	77568038	C9orf40	ENSG00000135045	397	0.23	0.22	0.79	0.011	NA
chr9	124261806	124262587	GGTA1P	ENSG00000204136	-160	0.21	0.2	0.79	0.016	NA
chr9	127020249	127020741	NEK6	ENSG00000119408	246	0.19	0.21	0.79	-0.016	NA
chr9	37422568	37422915	GRHPR	ENSG00000137106	78	0.27	0.25	0.8	0.026	NA
chr9	140075158	140075375	ANAPC2	ENSG00000176248	-337	0.97	1	0.8	-0.025	NA
chr9	214586	215431	DOCK8	ENSG00000107099	154	0.16	0.15	0.81	0.01	NA
chr9	78507351	78507652	PCSK5	ENSG00000099139	1880	0.19	0.18	0.81	0.018	NA
chr9	107688769	107689046	RP11-217B7.2	ENSG00000226334	-927	0.33	0.28	0.81	0.05	NA
chr9	131486215	131486754	ZDHHC12	ENSG00000160446	-99	0.16	0.15	0.81	0.015	NA
chr9	14348684	14349074	RP11-120J1.1	ENSG00000225472	1560	0.2	0.14	0.82	0.057	NA
chr9	127905675	127905947	SCAI	ENSG00000173611	-45	0.22	0.17	0.82	0.055	NA
chr9	130213143	130214335	RPL12	ENSG00000197958	-87	0.2	0.21	0.82	-0.0078	NA
chr9	130516407	130517849	SH2D3C	ENSG00000095370	181	0.21	0.22	0.82	-0.0091	NA
chr9	139914769	139915051	ABCA2	ENSG00000107331	347	0.98	0.93	0.82	0.055	NA
chr9	35665059	35665364	C9orf100	ENSG00000137135	-27	0.14	0.12	0.83	0.024	NA
chr9	104248247	104249501	C9orf125	ENSG00000165152	525	0.18	0.19	0.83	-0.01	NA
chr9	133587865	133588901	ABL1	ENSG00000097007	-885	0.23	0.24	0.83	-0.011	NA
chr9	139360683	139361143	SEC16A	ENSG00000148396	-415	0.96	0.97	0.83	-0.017	NA
chr9	470108	470324	KANK1	ENSG00000107104	-75	0.25	0.5	0.84	-0.25	NA
chr9	34048639	34049615	UBAP2	ENSG00000137073	-257	0.36	0.47	0.84	-0.11	NA
chr9	139784322	139784693	TRAF2	ENSG00000127191	520	0.93	0.91	0.84	0.019	NA

chr9	140248250	140248615	EXD3	ENSG00000187609	-209	0.89	0.9	0.84	-0.016	NA
chr9	15232687	15232937	TTC39B	ENSG00000155158	-370	1	0.97	0.86	0.029	NA
chr9	33510858	33511221	AL139008.1	ENSG00000226823	-330	0.16	0.15	0.86	0.012	NA
chr9	90112514	90113817	DAPK1	ENSG00000196730	569	0.22	0.21	0.86	0.0093	NA
chr9	90589209	90589807	CDK20	ENSG00000156345	-4	0.21	0.18	0.86	0.023	NA
chr9	93404976	93405313	DIRAS2	ENSG00000165023	242	0.17	0.2	0.86	-0.032	NA
chr9	99212164	99213507	HABP4	ENSG00000130956	352	0.24	0.25	0.86	-0.0081	NA
chr9	129244737	129245247	FAM125B	ENSG00000196814	1900	0.23	0.2	0.86	0.029	NA
chr9	102761262	102761485	UPF3AP3	ENSG00000234709	-22	0.98	0.92	0.87	0.062	NA
chr9	108320245	108320640	RP11-235C23.5	ENSG00000228317	-132	0.21	0.19	0.87	0.018	NA
chr9	130689378	130690215	PIP5KL1	ENSG00000167103	-331	0.24	0.25	0.87	-0.013	NA
chr9	136399367	136400274	ADAMTSL2	ENSG00000197859	389	0.22	0.2	0.87	0.015	NA
chr9	116037549	116038229	PRPF4	ENSG00000136875	266	0.23	0.2	0.88	0.028	NA
chr9	116225763	116226133	RGS3	ENSG00000138835	-61	0.18	0.17	0.88	0.0073	NA
chr9	135282052	135282315	TTF1	ENSG00000125482	26	0.2	0.17	0.88	0.029	NA
chr9	140134706	140136568	TUBB2C	ENSG00000188229	-28	0.21	0.2	0.88	0.0052	NA
chr9	2843965	2844308	KIAA0020	ENSG00000080608	105	0.17	0.15	0.89	0.024	NA
chr9	86237966	86238536	C9orf103	ENSG00000148057	285	0.25	0.27	0.89	-0.014	NA
chr9	135995969	135996954	RALGDS	ENSG00000160271	82	0.2	0.19	0.89	0.011	NA
chr9	77111778	77112042	RORB	ENSG00000198963	-371	0.22	0.23	0.9	-0.013	NA
chr9	130331537	130331934	FAM129B	ENSG00000136830	-368	0.2	0.29	0.9	-0.092	NA
chr9	134954960	134955335	MED27	ENSG00000160563	106	0.19	0.21	0.9	-0.024	NA
chr9	140061735	140064864	GRIN1	ENSG00000176884	924	0.19	0.19	0.9	0.0036	NA
chr9	140317160	140318663	EXD3	ENSG00000187609	-304	0.21	0.2	0.9	0.0049	NA
chr9	140683120	140683774	RP11-188C12.2	ENSG00000255585	-308	0.91	0.92	0.9	-0.016	NA
chr9	66455767	66456272	RP11-262H14.10	ENSG00000236215	1078	0.47	0.47	0.91	-0.0043	NA
chr9	127623557	127624486	RPL35	ENSG00000136942	-186	0.28	0.27	0.91	0.015	NA
chr9	131591751	131592246	C9orf114	ENSG00000198917	60	0.18	0.17	0.91	0.011	NA
chr9	138593527	138594253	KCNT1	ENSG00000107147	-141	0.22	0.24	0.91	-0.016	NA
chr9	35756948	35757339	MSMP	ENSG00000215183	-533	0.22	0.24	0.92	-0.016	NA

chr9	38392509	38393187	ALDH1B1	ENSG00000137124	187	0.18	0.19	0.92	-0.009	NA
chr9	77113709	77113927	RP11-171A24.3	ENSG00000224825	225	0.28	0.17	0.92	0.11	NA
chr9	133569082	133569451	EXOSC2	ENSG00000130713	158	0.33	0.27	0.92	0.06	NA
chr9	93879725	93880618	RP11-305L7.6	ENSG00000229694	-1173	0.78	0.81	0.93	-0.027	NA
chr9	95820744	95821526	SUSD3	ENSG00000157303	146	0.24	0.23	0.93	0.0086	NA
chr9	132427908	132428171	PRRX2	ENSG00000167157	119	0.24	0.22	0.93	0.016	NA
chr9	133534534	133542394	PRDM12	ENSG00000130711	-1517	0.29	0.29	0.93	-0.0018	NA
chr9	2621308	2623685	RP11-125B21.2	ENSG00000236404	-1083	0.22	0.23	0.94	-0.0069	NA
chr9	16726859	16727273	RP11-62F24.2	ENSG00000234779	254	0.22	0.24	0.94	-0.011	NA
chr9	36036798	36037564	RECK	ENSG00000122707	260	0.22	0.21	0.94	0.012	NA
chr9	88555701	88556638	NAA35	ENSG00000135040	108	0.26	0.27	0.94	-0.0058	NA
chr9	116930004	116930368	COL27A1	ENSG00000196739	191	0.38	0.37	0.94	0.0094	NA
chr9	130533453	130533882	SH2D3C	ENSG00000095370	50	0.28	0.26	0.94	0.013	NA
chr9	130953519	130954251	CIZ1	ENSG00000148337	-154	0.24	0.25	0.94	-0.0083	NA
chr9	4679325	4679999	CDC37L1	ENSG00000106993	103	0.18	0.17	0.95	0.0093	NA
chr9	7799355	7799846	C9orf123	ENSG00000137038	467	0.15	0.16	0.95	-0.013	NA
chr9	19102470	19103110	HAUS6	ENSG00000147874	327	0.25	0.24	0.95	0.0094	NA
chr9	92219771	92221411	GADD45G	ENSG00000130222	663	0.21	0.21	0.95	0.0039	NA
chr9	130551609	130551831	CDK9	ENSG00000136807	1019	0.87	0.89	0.95	-0.016	NA
chr9	139802417	139802824	TRAF2	ENSG00000127191	32	0.95	1	0.95	-0.047	NA
chr9	19127179	19127880	PLIN2	ENSG00000147872	-56	0.31	0.31	0.96	0.0077	NA
chr9	35603968	35605991	TESK1	ENSG00000107140	-302	0.23	0.23	0.96	-0.0032	NA
chr9	108210085	108210753	FSD1L	ENSG00000106701	104	0.21	0.2	0.96	0.0058	NA
chr9	124461797	124462190	DAB2IP	ENSG00000136848	344	0.23	0.24	0.96	-0.0076	NA
chr9	131182468	131183335	CERCAM	ENSG00000167123	142	0.25	0.24	0.96	0.008	NA
chr9	100395340	100396414	TSTD2	ENSG00000136925	-294	0.21	0.21	0.97	-0.0044	NA
chr9	139844292	139844693	LCN12	ENSG00000184925	489	0.15	0.16	0.97	-0.0082	NA
chr9	20620728	20621862	MLLT3	ENSG00000171843	-135	0.33	0.34	0.98	-0.015	NA
chr9	100881098	100881660	TRIM14	ENSG00000106785	-172	0.27	0.26	0.98	0.0071	NA
chr9	5110784	5112274	RP11-39K24.7	ENSG00000236567	616	0.99	0.99	1	0.00072	NA

chr9	178851	179249	CBWD1	ENSG00000172785	-32	0.25	0.25	1	0	NA
chr9	4804490	4804780	RP11-307114.3	ENSG00000233186	337	0.98	0.98	1	0.00044	NA
chr9	5040734	5041922	RP11-39K24.2	ENSG00000234534	383	0.98	0.97	1	0.0027	NA
chr9	5042797	5043270	JAK2	ENSG00000096968	-1397	0.93	0.96	1	-0.027	NA
chr9	6703948	6704662	RP11-390F4.10	ENSG00000229611	-166	0.16	0.18	1	-0.014	NA
chr9	8713281	8713891	RP11-134K1.2	ENSG00000212695	275	0.99	0.99	1	0.00082	NA
chr9	12775486	12775813	C9orf150	ENSG00000153714	-18	0.14	0.14	1	-0.0076	NA
chr9	15306722	15307386	TTC39B	ENSG00000155158	153	0.17	0.17	1	0.0034	NA
chr9	15527652	15527881	FTH1P12	ENSG00000213362	-85	1	1	1	0	NA
chr9	29826526	29826736	RP11-460C6.1	ENSG00000230097	78	0.99	1	1	-0.012	NA
chr9	31253816	31254763	RP11-572H4.2	ENSG00000232203	390	0.98	0.99	1	-0.0039	NA
chr9	32384420	32384911	ACO1	ENSG00000122729	64	0.18	0.18	1	-0.0043	NA
chr9	32566741	32567004	TIGD1L2	ENSG00000241043	85	0.93	0.94	1	-0.0024	NA
chr9	33001216	33001668	APTX	ENSG00000137074	77	0.22	0.25	1	-0.035	NA
chr9	33750519	33751160	PRSS3	ENSG0000010438	151	0.25	0.24	1	0.0031	NA
chr9	34134615	34134819	RP11-537H15.4	ENSG00000239392	-23	0.97	0.97	1	0.0026	NA
chr9	34178951	34179480	UBAP1	ENSG00000165006	212	0.29	0.3	1	-0.0067	NA
chr9	34522724	34523357	ENHO	ENSG00000168913	-13	0.19	0.19	1	0.0068	NA
chr9	35102695	35103463	STOML2	ENSG00000165283	-307	0.23	0.22	1	0.0047	NA
chr9	35790823	35791149	NPR2	ENSG00000159899	-1165	0.22	0.21	1	0.009	NA
chr9	36190870	36191536	CLTA	ENSG00000122705	283	0.28	0.28	1	-0.0015	NA
chr9	37592198	37592734	RP11-613M10.8	ENSG00000256966	0	0.21	0.21	1	-0.0028	NA
chr9	39464187	39464617	BX248098.1	ENSG00000198416	124	1	1	1	0	NA
chr9	39817324	39817937	BX088645.3	ENSG00000225529	-322	0.19	0.18	1	0.0086	NA
chr9	42367086	42368730	RP11-216M21.7	ENSG00000233207	-816	0.39	0.5	1	-0.11	NA
chr9	66553464	66553828	RP11-262H14.3	ENSG00000234665	265	1	1	1	0	NA
chr9	67925459	67927188	ANKRD20A1	ENSG00000196774	-438	0.43	0.4	1	0.035	NA
chr9	70917888	70919111	FOX4L3	ENSG00000187559	1223	0.88	1	1	-0.12	NA
chr9	72286804	72288081	APBA1	ENSG00000107282	-220	0.21	0.21	1	0.0022	NA
chr9	78505230	78505483	PCSK5	ENSG00000099139	-204	0.33	0.38	1	-0.042	NA

chr9	78505603	78507120	PCSK5	ENSG00000099139	740	0.24	0.24	1	-0.0015	NA
chr9	79073907	79074561	GCNT1	ENSG00000187210	166	0.24	0.23	1	0.0034	NA
chr9	80765851	80766122	RP11-336N8.1	ENSG00000233457	123	1	1	1	0	NA
chr9	80911779	80912611	PSAT1	ENSG00000135069	152	0.34	0.34	1	0.0028	NA
chr9	86571047	86572027	C9orf64	ENSG00000165118	-294	0.16	0.15	1	0.00086	NA
chr9	91792662	91793611	SHC3	ENSG00000148082	546	0.19	0.19	1	-0.0001	NA
chr9	91995951	91996230	SEMA4D	ENSG00000187764	12	1	0.97	1	0.033	NA
chr9	95896007	95897016	NINJ1	ENSG00000131669	-10	0.2	0.2	1	-0.004	NA
chr9	96055059	96055412	WNK2	ENSG00000165238	-136	0.93	0.93	1	-0.0004	NA
chr9	97094626	97095058	RP11-307E17.8	ENSG00000232063	84	0.5	1	1	-0.5	NA
chr9	99775098	99776102	HIATL2	ENSG00000196312	262	0.14	0.16	1	-0.02	NA
chr9	100000463	100000820	RP11-23J9.5	ENSG00000254876	-90	0.2	0.19	1	0.0081	NA
chr9	102860775	102861677	ERP44	ENSG00000023318	96	0.31	0.31	1	-0.0026	NA
chr9	104295917	104296232	RNF20	ENSG00000155827	-59	0.14	0.17	1	-0.031	NA
chr9	106855962	106856793	SMC2	ENSG00000136824	-164	0.2	0.2	1	#####	NA
chr9	108282047	108282289	RALGAPA1P	ENSG00000229419	-241	1	1	1	0	NA
chr9	114557287	114557576	C9orf84	ENSG00000165181	-143	0.94	0.94	1	0.0031	NA
chr9	115141854	115142638	HSDL2	ENSG00000119471	29	0.18	0.33	1	-0.16	NA
chr9	116917701	116918018	COL27A1	ENSG00000196739	19	0.33	0.37	1	-0.042	NA
chr9	116918299	116918522	COL27A1	ENSG00000196739	179	0.3	0.21	1	0.086	NA
chr9	117349887	117350388	ATP6V1G1	ENSG00000136888	111	0.23	0.25	1	-0.017	NA
chr9	117373484	117374076	C9orf91	ENSG00000157693	294	0.24	0.23	1	0.0097	NA
chr9	119976797	119977010	ASTN2	ENSG00000148219	-71	0.98	1	1	-0.016	NA
chr9	126030891	126031347	STRBP	ENSG00000165209	-264	0.23	0.24	1	-0.0038	NA
chr9	126770663	126772091	RP11-85O21.2	ENSG00000236668	139	0.27	0.28	1	-0.0058	NA
chr9	127212624	127213064	GPR144	ENSG00000180264	-579	0.33	0.3	1	0.037	NA
chr9	127962543	127963125	RABEPK	ENSG00000136933	13	0.18	0.19	1	-0.0085	NA
chr9	130330540	130331180	FAM129B	ENSG00000136830	304	0.2	0.2	1	0.0048	NA
chr9	130674546	130674958	ST6GALNAC4	ENSG00000136840	-79	0.93	0.94	1	-0.0073	NA
chr9	130679120	130679612	ST6GALNAC4	ENSG00000136840	-91	0.16	0.16	1	-0.0035	NA

chr9	130699759	130700266	DPM2	ENSG00000136908	46	0.21	0.2	1	0.0048	NA
chr9	131102450	131103298	SLC27A4	ENSG00000167114	-51	0.21	0.21	1	0.0036	NA
chr9	131842931	131843748	DOLPP1	ENSG00000167130	-40	0.22	0.21	1	0.0045	NA
chr9	132082871	132083582	C9orf106	ENSG00000179082	-69	0.19	0.19	1	-0.0029	NA
chr9	132636786	132637221	USP20	ENSG00000136878	-873	0.94	0.94	1	0.0047	NA
chr9	132934213	132934483	NCS1	ENSG00000107130	-509	0.29	0.27	1	0.013	NA
chr9	132935029	132935543	NCS1	ENSG00000107130	429	0.19	0.19	1	-0.0033	NA
chr9	133454629	133455496	FUBP3	ENSG00000107164	102	0.26	0.26	1	-0.0031	NA
chr9	134378193	134378792	POMT1	ENSG00000130714	203	0.27	0.26	1	0.0078	NA
chr9	136198674	136199173	SURF6	ENSG00000148296	852	0.96	0.96	1	0.003	NA
chr9	136293566	136294160	ADAMTS13	ENSG00000160323	112	0.22	0.22	1	0.0052	NA
chr9	136919143	136919376	BRD3	ENSG00000169925	3	0.87	0.86	1	0.014	NA
chr9	137218620	137218968	RXRA	ENSG00000186350	368	0.4	0.43	1	-0.031	NA
chr9	137978821	137980254	OLFM1	ENSG00000130558	431	0.26	0.26	1	0.00063	NA
chr9	137980463	137980852	OLFM1	ENSG00000130558	1072	0.25	0.24	1	0.0057	NA
chr9	138626544	138626789	KCNT1	ENSG00000107147	-1699	1	1	1	0	NA
chr9	138798462	138800325	CAMSAP1	ENSG00000130559	-323	0.19	0.19	1	-0.0022	NA
chr9	138941470	138944021	NACC2	ENSG00000148411	-319	1	0.53	1	0.47	NA
chr9	139096665	139096993	LHX3	ENSG00000107187	126	0.38	0.37	1	0.0046	NA
chr9	139262001	139262396	CARD9	ENSG00000187796	-116	0.94	0.94	1	-0.0051	NA
chr9	139294086	139294813	SNAPC4	ENSG00000165684	-1200	0.2	0.19	1	0.0032	NA
chr9	140262925	140263236	EXD3	ENSG00000187609	-1996	0.94	0.95	1	-0.0096	NA
chr9	140375366	140375581	PNPLA7	ENSG00000130653	-294	1	1	1	0	NA
chr9	141069395	141070191	TUBBP5	ENSG00000159247	356	0.98	0.97	1	0.0095	NA
chr9	5303860	5304476	RLN2	ENSG00000107014	264	NA	1	NA	NA	NA
chr9	5339026	5339678	RLN1	ENSG00000107018	273	0.5	NA	NA	NA	NA
chr9	21968358	21968728	C9orf53	ENSG00000224854	1406	0.44	NA	NA	NA	NA
chr9	27528357	27528725	MOBKL2B	ENSG00000120162	1238	0.34	NA	NA	NA	NA
chr9	27573759	27573987	C9orf72	ENSG00000147894	-9	0.5	NA	NA	NA	NA
chr9	33019921	33020146	RP11-54K16.2	ENSG00000225693	130	1	NA	NA	NA	NA

chr9	34318282	34318948	RP11-571F15.6	ENSG00000229207	210	0.97	NA	NA	NA	NA
chr9	37753655	37753949	RG9MTD3	ENSG00000165275	-2	0.5	NA	NA	NA	NA
chr9	41433336	41433949	RP11-144A16.1	ENSG00000234138	-322	1	NA	NA	NA	NA
chr9	45733487	45733690	FAM27E2	ENSG00000204807	29	0.67	NA	NA	NA	NA
chr9	68809168	68810258	PGM5P1	ENSG00000204794	185	NA	0.22	NA	NA	NA
chr9	115774295	115774615	ZNF883	ENSG00000228623	52	0.33	NA	NA	NA	NA
chr9	127177366	127177818	PSMB7	ENSG00000136930	-22	0.2	NA	NA	NA	NA
chr9	129595357	129595584	ZBTB43	ENSG00000169155	1782	1	NA	NA	NA	NA
chr9	132428495	132428809	PRRX2	ENSG00000167157	732	0.31	NA	NA	NA	NA
chr9	134269881	134270252	PRRC2B	ENSG00000130723	466	0.35	NA	NA	NA	NA
chr9	139228816	139229229	GPSM1	ENSG00000160360	117	0.82	NA	NA	NA	NA
chr9	139589028	139589256	AL590226.1	ENSG00000221693	554	1	NA	NA	NA	NA
chr9	140005167	140005373	DPP7	ENSG00000176978	1397	1	NA	NA	NA	NA
chr9	140417626	140417856	PNPLA7	ENSG00000130653	-445	0.8	NA	NA	NA	NA

Table S2. RRBS data for promoter CpG islands in mouse models of medulloblastoma compared to normal cere

Methylation status for statistically significant ($p < 1E-09$) promoter CpG islands (\pm 2kb from TSS) are shown. Methylation status is annotated with respect to tumor compared to strain-specific normal controls: hyper1 = 1-32% hypermethylation; hyper2 = 33-59% hypermethylation; hyper3 = >60% hypermethylation; hypo1 = 1-32%

chr	start	end	gene_name	gene_id	dist	mMYCN1.ratio	mMYCN2.ratio	mSmoA1.ratio	mSmoA2.ratio	mWTCbl_MYCN.ratio	mWTCbl_Smo.ratio
chr12	20821040	20821877	1700030C10Rik	ENSMUSG000000091071	130	0.73	0.76	0.59	0.61	0.46	0.42
chr13	120276779	120277928	Gm71120	ENSMUSG000000074634	507	0.72	0.72	0.53	0.68	0.62	0.46
chr19	61300996	61303817	Csf2ra	ENSMUSG000000059326	1915	0.13	0.34	0.26	0.36	0.16	0.17
chr4	146649246	146650225	Gm13135	ENSMUSG000000082925	-350	0.59	0.64	0.46	0.63	0.28	0.31
chr7	149268099	149268647	Dusp8	ENSMUSG000000043186	-1781	0.49	0.63	0.64	0.63	0.29	0.43
chr2	56964017	56964500	Nr4a2	ENSMUSG000000026826	1225	0.8	0.86	0.76	0.76	0.22	0.58
chr17	39985165	39985768	AY036118	ENSMUSG000000045999	306	0.36	0.19	0.24	0.49	0.36	0.18
chr10	79197827	79198908	Polrmt	ENSMUSG000000020329	1146	0.19	0.43	0.72	0.9	0.51	0.59
chr12	19612233	19613090	Gm9257	ENSMUSG000000078375	-123	0.19	0.1	0.68	0.71	0.07	0.46
chr13	72765765	72769439	Gm20554	ENSMUSG000000093587	-1590	0.23	0.13	0.26	0.35	0.09	0.17
chr14	64562196	64563143	Sox7	ENSMUSG000000063060	158	0.13	0.18	0.29	0.28	0.16	0.16
chr17	12961924	12962875	Igf2r	ENSMUSG000000023830	131	0.21	0.18	0.33	0.35	0.12	0.13
chr17	91487264	91488118	Nrxn1	ENSMUSG000000024109	132	0.94	0.94	0.92	0.9	0.93	0.72
chr2	147864267	147864552	9030622O22Rik	ENSMUSG000000086141	-403	0.25	0.31	0.44	0.56	0.11	0.23
chr4	145426544	145427367	Gm13238	ENSMUSG000000082999	-167	0.73	0.72	0.75	0.86	0.55	0.6
chr7	64764362	64765526	Gabra5	ENSMUSG000000055078	435	0.26	0.13	0.2	0.42	0.11	0.1
chr12	81858401	81860412	Gm17242	ENSMUSG000000092063	13	0.82	0.33	0.36	0.78	0.41	0.49
chr16	18588135	18589132	Tbx1	ENSMUSG00000009097	-520	0.28	0.29	0.21	0.29	0.11	0.15
chr3	82679799	82680624	Rbm46	ENSMUSG000000033882	194	0.38	0.42	0.18	0.46	0.21	0.22
chr7	4981801	4983585	Zfp865	ENSMUSG000000074405	1062	0.97	0.98	0.92	0.94	0.81	0.85
chr9	58159462	58160927	Loxl1	ENSMUSG000000032334	797	0.43	0.4	0.29	0.51	0.14	0.25
chr11	116195519	116197049	Foxj1	ENSMUSG000000034227	429	0.47	0.38	0.2	0.36	0.13	0.19
chr5	143005728	143006161	Pap0lb	ENSMUSG000000074817	86	0.94	0.71	0.54	0.79	0.42	0.62

chr7	150644960	150647382	Cdkn1c	ENSMUSG000000037664	784	0.46	0.49	0.29	0.42	0.32	0.3
chr7	114352691	114354099	Rbmxl2	ENSMUSG000000073894	436	0.39	0.56	0.37	0.52	0.22	0.32
chr7	112910654	112911327	Gm15645	ENSMUSG000000086414	155	0.8	0.81	0.67	0.8	0.45	0.62
chr13	113442167	113442711	Ddx4	ENSMUSG000000021758	79	0.98	0.86	0.78	0.91	0.76	0.67
chr11	102526482	102527772	Gm1564	ENSMUSG000000051455	225	0.86	0.69	0.52	0.83	0.46	0.55
chr1	134086664	134087732	Lemd1	ENSMUSG000000079330	-815	0.08	0.07	0.12	0.28	0.18	0.13
chr1	14745232	14745884	Gm9947	ENSMUSG000000054493	23	0.22	0.31	0.19	0.43	0.14	0.16
chr1	165242132	165242752	Prrx1	ENSMUSG000000026586	1357	0.13	0.12	0.17	0.33	0.12	0.14
chr1	9289296	9290101	Sntg1	ENSMUSG000000025909	-379	0.2	0.11	0.11	0.28	0.17	0.1
chr1	182260686	182262998	Gm5069	ENSMUSG000000055676	-1161	0.22	0.29	0.12	0.3	0.21	0.15
chr10	79256221	79256597	Palm	ENSMUSG000000035863	92	0.67	0.22	0.07	0.26	0.07	0.11
chr10	7500201	7500664	BC013529	ENSMUSG000000040006	257	0.19	0.1	0.11	0.26	0.07	0.12
chr10	79451126	79451576	Cnn2	ENSMUSG000000004665	22	0.33	0.34	0.16	0.38	0.23	0.14
chr10	110181978	110182829	E2f7	ENSMUSG000000020185	-92	0.12	0.19	0.22	0.33	0.15	0.19
chr10	80809299	80809806	Hmg20b	ENSMUSG000000020232	-77	0.19	0.34	0.42	0.6	0.19	0.35
chr11	11936492	11938111	Grb10	ENSMUSG000000020176	103	0.12	0.2	0.16	0.29	0.19	0.17
chr11	4035226	4035536	Rnf215	ENSMUSG000000003581	96	0.44	0.54	0.08	0.37	0.19	0.08
chr11	49659901	49660774	Mapk9	ENSMUSG000000020366	84	0.1	0.14	0.1	0.21	0.16	0.09
chr11	120478895	120479342	Pcyt2	ENSMUSG000000025137	65	0.11	0.17	0.06	0.18	0.08	0.07
chr11	19824382	19825905	Spred2	ENSMUSG000000045671	698	0.11	0.11	0.11	0.23	0.09	0.11
chr12	22510336	22511073	Gm20487	ENSMUSG000000092484	228	0.3	0.24	0.38	0.54	0.16	0.22
chr12	11272573	11273422	Gen1	ENSMUSG000000051235	-404	0.2	0.22	0.11	0.21	0.4	0.11
chr12	24781526	24782353	9030624G23Rik	ENSMUSG000000073158	-106	0.45	0.44	0.34	0.49	0.21	0.21
chr12	33832178	33832759	F730043M19Rik	ENSMUSG000000052125	-17	0.44	0.14	0.12	0.29	0.31	0.14
chr12	89598935	89599272	Adck1	ENSMUSG000000021044	105	0.18	0.18	0.2	0.28	0.11	0.09
chr12	58676925	58677593	Ttc6	ENSMUSG000000046782	455	0.16	0.15	0.14	0.36	0.13	0.13
chr12	14156488	14157450	Fam84a	ENSMUSG000000020607	1875	0.17	0.07	0.13	0.39	0.11	0.12
chr12	85910817	85911286	Vsx2	ENSMUSG000000021239	261	0.16	0.16	0.28	0.44	0.16	0.16
chr13	3609756	3610553	BC016423	ENSMUSG000000033799	200	0.5	0.27	0.14	0.33	0.16	0.13
chr13	73764302	73764620	Tert	ENSMUSG000000021611	12	0.18	0.08	0.1	0.27	0.06	0.06

chr13	47109559	47110315	Nhirc1	ENSMUSG00000044231	282	0.16	0.22	0.13	0.27	0.12	0.13
chr13	55311366	55314112	Nsd1	ENSMUSG00000021488	-697	0.18	0.14	0.14	0.33	0.16	0.17
chr14	35315158	35316625	Bmpr1a	ENSMUSG00000021796	-177	0.14	0.08	0.06	0.11	0.11	0.05
chr14	118531881	118532130	Tgds	ENSMUSG00000022130	-18	0.32	0.2	0.23	0.47	0.2	0.18
chr14	13177252	13178880	Fezf2	ENSMUSG00000021743	313	0.26	0.13	0.29	0.41	0.15	0.16
chr14	22804180	22807728	Zfp503	ENSMUSG00000039081	1130	0.24	0.2	0.31	0.36	0.21	0.23
chr14	4518341	4519171	Gm3164	ENSMUSG00000091399	269	0.43	0.39	0.21	0.44	NA	0.14
chr15	54402846	54403178	Mal2	ENSMUSG00000024479	91	0.12	0.07	0.1	0.26	0.07	0.11
chr16	35660095	35660750	Sema5b	ENSMUSG00000052133	901	0.27	0.23	0.56	0.81	0.39	0.62
chr16	90934542	90935615	1110004E09Rik	ENSMUSG00000022972	-327	0.35	0.32	0.1	0.21	0.17	0.11
chr16	17891227	17892003	Dgcr2	ENSMUSG00000003166	71	0.29	0.35	0.1	0.31	0.2	0.12
chr17	12934306	12935355	Airn	ENSMUSG00000078247	566	0.49	0.28	0.45	0.69	0.27	0.39
chr17	35561733	35562805	H2-Q6	ENSMUSG00000073409	474	0.19	0.24	0.17	0.26	0.14	0.16
chr17	24551361	24552098	Rnps1	ENSMUSG00000034681	109	0.12	0.12	0.17	0.33	0.15	0.14
chr18	66097680	66098689	Rax	ENSMUSG00000024518	559	0.14	0.11	0.17	0.37	0.09	0.18
chr18	80519177	80519961	Gm16997	ENSMUSG00000087218	-505	0.11	0.07	0.15	0.24	0.07	0.13
chr19	5117398	5118509	Klc2	ENSMUSG00000024862	-367	0.45	0.15	0.12	0.26	0.16	0.11
chr19	50752497	50753449	Sorcs1	ENSMUSG00000043531	-15	0.27	0.14	0.13	0.3	0.14	0.14
chr19	5741653	5742295	Ltbp3	ENSMUSG00000024940	1070	0.12	0.14	0.1	0.21	0.13	0.1
chr19	17430842	17431254	Gcnt1	ENSMUSG00000038843	109	0.08	0.18	0.18	0.48	0.1	0.19
chr2	178148098	178149407	Ppp1r3d	ENSMUSG00000049999	425	0.19	0.33	0.18	0.38	0.28	0.2
chr2	147190633	147192131	Pax1	ENSMUSG00000037034	652	0.31	0.32	0.15	0.35	0.21	0.15
chr2	25432541	25435428	Gm996	ENSMUSG00000091064	1433	0.27	0.2	0.19	0.37	0.24	0.23
chr2	38209969	38210410	Lhx2	ENSMUSG00000000247	867	0.12	0.15	0.26	0.49	0.18	0.21
chr2	119062753	119063968	Spint1	ENSMUSG00000027315	262	0.15	0.17	0.09	0.2	0.11	0.08
chr3	127335404	127337421	Neurog2	ENSMUSG00000027967	358	0.12	0.25	0.18	0.27	0.17	0.15
chr3	94167370	94168305	C2cd4d	ENSMUSG00000091648	1471	0.13	0.12	0.19	0.34	0.16	0.2
chr3	45180620	45181239	2610316D01Rik	ENSMUSG00000086101	1253	0.09	0.04	0.1	0.21	0.08	0.09
chr4	145722461	145723287	Gm13241	ENSMUSG00000073716	-167	0.76	0.8	0.68	0.78	0.59	0.51
chr4	109079288	109079938	Ttc39a	ENSMUSG00000028555	-79	0.39	0.17	0.09	0.28	0.18	0.1

chr4	131604313	131605022	Epb4.1	ENSMUSG00000028906	326	0.1	0.13	0.08	0.16	0.15	0.07
chr4	87677503	87679434	Mllt3	ENSMUSG00000028496	249	0.26	0.26	0.15	0.34	0.18	0.12
chr4	155079070	155079883	Ssu72	ENSMUSG00000029038	243	0.34	0.4	0.1	0.3	0.28	0.13
chr4	128782600	128782951	Tmem54	ENSMUSG00000028786	-17	0.17	0.2	0.39	0.5	0.14	0.24
chr4	106351244	106351646	Ttc4	ENSMUSG00000025413	-154	0.3	0.34	0.17	0.38	0.16	0.1
chr4	58924310	58925827	Al314180	ENSMUSG00000050812	-294	0.15	0.19	0.09	0.19	0.14	0.11
chr4	145364184	145364615	Gm13243	ENSMUSG00000081192	-223	1	1	0.23	0.44	NA	0.11
chr5	28784318	28785746	9530036O11Rik	ENSMUSG00000086663	218	0.21	0.16	0.11	0.19	0.11	0.09
chr5	58108478	58111739	4932441J04Rik	ENSMUSG00000085597	-950	0.22	0.22	0.14	0.24	0.14	0.15
chr5	86601452	86602059	Uba6	ENSMUSG00000035898	-219	0.31	0.15	0.08	0.24	0.16	0.08
chr5	119009680	119011467	Med13l	ENSMUSG00000018076	-155	0.21	0.14	0.19	0.37	0.16	0.15
chr5	24082663	24083391	Abcf2	ENSMUSG00000028953	190	0.12	0.11	0.16	0.34	0.07	0.21
chr5	138704649	138705338	BC037034	ENSMUSG00000036948	225	0.25	0.26	0.11	0.32	0.31	0.12
chr5	84845188	84845527	Epha5	ENSMUSG00000029245	474	NA	0.2	0.19	0.41	0.17	0.12
chr6	113256577	113257694	Brpf1	ENSMUSG0000001632	-40	0.21	0.28	0.11	0.24	0.15	0.09
chr6	67484857	67485654	Tacstd2	ENSMUSG00000051397	561	0.2	0.1	0.16	0.38	0.12	0.12
chr6	83744929	83745388	Nagk	ENSMUSG00000034744	182	0.29	0.72	0.1	0.25	0.14	0.09
chr6	52175255	52176312	Hoxa9	ENSMUSG00000038227	367	0.1	0.16	0.12	0.26	0.11	0.15
chr6	148392495	148393244	Tmtc1	ENSMUSG00000030306	42	0.1	0.12	0.1	0.22	0.1	0.11
chr7	64642150	64642594	Gabrg3	ENSMUSG00000055026	-131	0.55	0.39	0.18	0.29	0.14	0.11
chr7	37480331	37483719	Tshz3	ENSMUSG00000021217	-1112	0.22	0.14	0.1	0.18	0.16	0.12
chr7	148067555	148068325	Sirt3	ENSMUSG00000025486	-172	0.38	0.21	0.15	0.33	0.22	0.09
chr7	112892402	112893046	Taf10	ENSMUSG00000043866	-128	0.13	0.15	0.26	0.28	0.07	0.1
chr7	56891682	56892262	Dbx1	ENSMUSG00000030507	247	0.25	0.22	0.36	0.5	0.08	0.19
chr7	108079266	108080885	Arhgef17	ENSMUSG00000032875	600	0.13	0.11	0.18	0.33	0.12	0.17
chr7	88851426	88852089	Homer2	ENSMUSG00000025813	54	0.08	0.09	0.1	0.17	0.07	0.08
chr7	16683573	16684371	Napa	ENSMUSG00000006024	165	0.09	0.27	0.12	0.29	0.13	0.1
chr7	129008507	129008725	Scnn1b	ENSMUSG00000030873	25	0.13	0.21	0.24	0.45	0.15	0.17
chr7	94394957	94395361	Nox4	ENSMUSG00000030562	0	0.1	0.18	0.13	0.27	0.11	0.1
chr7	111650482	111650903	Gm16464	ENSMUSG00000082154	-29	NA	NA	0.22	0.42	NA	0.13

chr8	113669124	113669910	9430091E24Rik	ENSMUSG00000084808	-158	0.09	0.11	0.1	0.29	0.07	0.09
chr9	55391802	55392080	Isl2	ENSMUSG00000032318	1798	0.24	0.05	0.25	0.41	0.04	0.1
chr9	62991945	62994481	Skor1	ENSMUSG00000022245	1574	0.13	0.17	0.14	0.27	0.09	0.11
chr9	66653628	66654032	Ppp1r2-ps4	ENSMUSG00000059237	-85	0.25	0.32	0.24	0.34	0.06	0.13
chr9	115218619	115220109	Stt3b	ENSMUSG00000032437	175	0.2	0.25	0.11	0.23	0.17	0.1
chr9	103965058	103965507	Uba5	ENSMUSG00000032557	111	0.06	0.37	0.1	0.28	0.08	0.13
chr9	108729404	108730333	Celsr3	ENSMUSG00000023473	1217	0.13	0.13	0.13	0.31	0.13	0.14
chr4	145334915	145335752	Gm13244	ENSMUSG00000082334	-316	0.33	0.34	0.32	0.58	0.05	0.11
chr7	4945108	4946356	Zfp579	ENSMUSG00000051550	1210	0.93	0.92	0.75	0.82	0.61	0.44
chr12	20421248	20422356	Gm10479	ENSMUSG00000073184	3	0.61	0.48	0.51	0.61	0.23	0.26
chr4	145053444	145054340	Smarca5-ps	ENSMUSG00000052912	-215	0.55	0.52	0.37	0.58	0.2	0.14
chr12	18521016	18521850	5730507C01Rik	ENSMUSG00000073197	-111	0.09	0.37	0.49	0.65	0.09	0.28
chr15	80501861	80502569	Fam83f	ENSMUSG00000022408	-62	0.25	0.38	0.51	0.59	0.15	0.23
chr6	30907813	30909263	Klf14	ENSMUSG00000073209	452	0.19	0.26	0.25	0.47	0.13	0.14
chr6	148303076	148304060	Rps4y2	ENSMUSG00000063171	390	0.68	0.8	0.7	0.85	0.4	0.4
chr4	146034485	146035326	Gm13034	ENSMUSG00000082195	-20	0.63	0.69	0.38	0.69	0.28	0.25
chr5	144014681	144016934	Zfp316	ENSMUSG00000046658	1108	0.69	0.63	0.56	0.7	0.26	0.24
chr12	19393396	19394249	Gm5784	ENSMUSG00000073187	157	0.53	0.72	0.34	0.58	0.1	0.14
chr11	58948024	58949860	Obscn	ENSMUSG00000061462	935	0.16	0.18	0.44	0.69	0.1	0.18
chr12	22990377	22991277	2410018L13Rik	ENSMUSG00000073164	171	NA	NA	0.4	0.53	NA	0.18
chr16	18590535	18590816	4930588K23Rik	ENSMUSG00000075335	-1410	0.24	0.23	0.4	0.57	0.21	0.18
chr19	59243605	59244971	Vax1	ENSMUSG00000006270	230	0.3	0.16	0.29	0.54	0.11	0.13
chr7	15207674	15208941	Vmn1r90	ENSMUSG00000041596	-480	0.18	0.12	0.4	0.6	0.1	0.19
chr17	27639624	27639943	Grm4	ENSMUSG00000063239	466	0.84	0.95	0.8	0.8	0.6	0.36
chr8	89993991	89994981	Cbln1	ENSMUSG00000090275	481	0.85	0.91	0.64	0.59	0.16	0.13
chr12	24319033	24319840	Gm20474	ENSMUSG00000091973	-96	0.52	0.38	0.61	0.74	0.12	0.4
chr12	22086328	22087057	Gm9282	ENSMUSG00000092226	136	0.23	0.3	0.38	0.56	0.1	0.22
chr12	86518133	86518482	Pgf	ENSMUSG00000004791	-61	0.08	0.27	0.32	0.63	0.05	0.17
chr4	145230187	145231200	Gm13231	ENSMUSG00000081885	-567	0.58	0.57	0.44	0.73	0.33	0.32
chr12	18394007	18394852	Gm9590	ENSMUSG00000091781	-132	0.72	0.65	0.44	0.71	0.3	0.29

chr2	119569561	119570178	ltpka	ENSMUSG00000027296	1796	0.63	0.63	0.52	0.77	0.25	0.41
chr4	147112575	147113263	Gm13136	ENSMUSG00000081179	-384	0.64	0.54	0.32	0.64	0.19	0.23
chr8	4206443	4206677	4932443L11Rik	ENSMUSG00000086805	-273	0.87	0.84	0.54	0.84	0.38	0.46
chr13	65360392	65360809	Gm10775	ENSMUSG00000074847	-247	0.31	0.79	0.52	0.72	0.4	0.36
chr4	132807271	132807492	Map3k6	ENSMUSG00000028862	617	0.51	0.7	0.47	0.58	0.16	0.24
chr4	146817148	146817570	Gm13161	ENSMUSG00000082248	-221	0.27	0.22	0.25	0.49	0.11	0.14
chr13	47106222	47106465	2010001K21Rik	ENSMUSG00000051606	301	0.92	0.37	0.77	0.95	0.38	0.56
chr1	156051967	156052668	Zfp648	ENSMUSG00000066797	1090	0.55	0.38	0.3	0.5	0.25	0.14
chr1	137481284	137481931	Gm4793	ENSMUSG00000054412	257	0.06	0.17	0.51	0.77	0.16	0.22
chr1	90101904	90102374	Dnajb3	ENSMUSG00000081984	184	0.08	0.16	0.14	0.41	0.1	0.08
chr11	31271323	31271818	Stc2	ENSMUSG00000020303	-1496	0.11	0.13	0.34	0.54	0.33	0.17
chr11	4537624	4537922	Ascc2	ENSMUSG00000020412	23	0.23	0.18	0.1	0.49	0.14	0.15
chr12	17999394	18000496	Gm4983	ENSMUSG00000091687	6	0.27	0.19	0.23	0.51	0.09	0.17
chr12	24936801	24937596	Gm9312	ENSMUSG00000092064	-152	0.82	1	0.33	0.64	1	0.22
chr12	20996063	20997166	Asap2	ENSMUSG00000052632	294	0.39	0.62	0.26	0.58	0.32	0.21
chr12	21834163	21835020	Gm17680	ENSMUSG00000073183	156	1	0.82	0.41	0.65	0.35	0.29
chr12	24653152	24654271	Gm17330	ENSMUSG00000091196	-1	NA	0.4	0.32	0.55	1	0.13
chr17	55584778	55585416	St6gal2	ENSMUSG00000024172	249	0.75	0.24	0.19	0.56	0.12	0.15
chr18	46625207	46625511	Mospd4	ENSMUSG00000046487	111	0.15	0.3	0.43	0.61	0.25	0.27
chr19	10630204	10630531	Tmem216	ENSMUSG00000024667	-141	0.21	0.63	0.19	0.63	0.25	0.21
chr2	9798914	9799312	Gm13256	ENSMUSG00000086618	230	0.17	0.13	0.47	0.57	0.29	0.17
chr2	79268788	79269068	Cerkl	ENSMUSG00000075256	120	0.14	0.16	0.36	0.6	0.16	0.24
chr4	146315836	146316755	Gm13140	ENSMUSG00000083027	-290	1	0.81	0.65	0.84	0.62	0.51
chr4	122999661	123000858	Oxct2a	ENSMUSG00000076436	618	0.72	0.37	0.26	0.76	0.42	0.31
chr4	122793502	122794699	Oxct2b	ENSMUSG00000076438	593	0.6	0.5	0.46	0.85	0.34	0.29
chr4	145617306	145618144	Gm13233	ENSMUSG00000083038	-315	0.43	0.45	0.49	0.65	0.23	0.3
chr4	136157960	136158821	Kdm1a	ENSMUSG00000036940	-167	0.74	0.54	0.2	0.57	0.58	0.16
chr6	122289272	122289655	Phc1	ENSMUSG00000040669	167	0.17	0.62	0.14	0.49	0.18	0.11
chr8	95379169	95379542	Lpcat2	ENSMUSG00000033192	106	0.05	0.06	0.14	0.5	0.08	0.16
chr9	20843062	20843270	Gm17470	ENSMUSG00000091919	-940	0.43	0.56	0.27	0.55	0.28	0.21

chr5	53658219	53658645	1810013D10Rik	ENSMUSG00000061461	87	0.28	0.35	0.4	0.81	0.12	0.16
chr12	85912163	85912686	Vsx2	ENSMUSG00000021239	1634	0.11	0.1	0.62	0.88	0.11	0.23
chr17	25359420	25359694	Unkl	ENSMUSG00000015127	73	0.5	1	0.62	0.83	0.5	0.22
chr2	120229624	120229995	Ganc	ENSMUSG00000062646	177	0.25	0.28	0.41	0.92	0.38	0.1
chr9	78023692	78023940	C920006O11Rik	ENSMUSG00000087566	95	NA	1	0.21	1	NA	0.14
chr17	56650721	56651890	Znrf4	ENSMUSG00000044526	601	0.42	0.71	0.31	0.31	0.44	0.51
chr11	102298687	102300192	Fam171a2	ENSMUSG00000034685	1652	0.21	0.13	0.16	0.2	0.16	0.31
chr11	97361451	97362293	4933428G20Rik	ENSMUSG00000047988	-218	0.18	0.17	0.14	0.26	0.17	0.43
chr19	6184250	6184665	1700123I01Rik	ENSMUSG00000024786	69	0.88	0.92	0.63	0.63	0.76	0.91
chr19	6427827	6428991	Nrxn2	ENSMUSG00000033768	486	0.13	0.09	0.19	0.36	0.13	0.48
chr4	131476114	131478267	Tmem200b	ENSMUSG00000070720	-496	0.21	0.18	0.12	0.16	0.13	0.23
chr5	124573533	124573744	Pitpnm2	ENSMUSG00000029406	925	0.42	0.58	0.59	0.55	0.81	0.86
chr5	136209452	136210477	Por	ENSMUSG00000005514	913	0.85	0.9	0.79	0.75	0.98	0.97
chr5	132092267	132092618	Auts2	ENSMUSG00000029673	33	0.17	0.1	0.19	0.25	0.1	0.48
chr5	135825721	135826025	Fkbp6	ENSMUSG00000040013	-128	0.88	0.86	0.64	0.61	0.89	0.92
chr7	26099726	26101031	Megf8	ENSMUSG00000045039	-1805	0.08	0.1	0.14	0.19	0.11	0.33
chr8	87230619	87230958	Nfix	ENSMUSG0000001911	827	0.15	0.15	0.29	0.37	0.18	0.61
chr9	14555262	14556715	Fut4	ENSMUSG00000049307	578	0.6	0.63	0.18	0.21	0.71	0.43
chr11	95691801	95692672	Phospho1	ENSMUSG00000050860	159	0.25	0.17	0.18	0.34	0.17	0.65
chr15	99256199	99256481	Nckap5l	ENSMUSG00000023009	-1372	0.83	0.71	0.51	0.65	0.82	0.86
chr4	48064484	48065050	Nr4a3	ENSMUSG00000028341	647	0.25	0.34	0.2	0.29	0.36	0.54
chr7	51807356	51807769	Nr1h2	ENSMUSG00000060601	-321	0.69	0.63	0.37	0.43	0.61	0.74
chr10	93498084	93499304	Vezt	ENSMUSG00000036099	-282	0.09	0.14	0.15	0.08	0.16	0.22
chr14	55172742	55173279	Haus4	ENSMUSG00000022177	188	0.25	0.14	0.17	0.12	0.17	0.24
chr14	52639326	52640008	Zfp219	ENSMUSG00000049295	709	0.08	0.18	0.13	0.1	0.1	0.24
chr3	95363448	95363650	Hormad1	ENSMUSG00000028109	-50	0.94	0.94	0.72	0.67	0.76	0.94
chr9	44061344	44061546	Pdzd3	ENSMUSG00000032105	-1898	0.3	0.21	0.34	0.29	0.71	0.75
chr10	79634543	79634777	Cirbp	ENSMUSG00000045193	-67	0.18	0.1	0.25	0.26	0.78	0.74
chr4	107356149	107356597	Dmrtb1	ENSMUSG00000028610	-188	0.48	0.58	0.51	0.53	0.76	0.91
chr1	138112393	138112693	Gm17643	ENSMUSG00000091279	-108	0.32	0.74	0.34	0.45	0.82	0.89

chr1	155755045	155755289	Glul	ENSMUSG00000026473	1994	0.95	0.93	0.52	0.44	0.88	0.86
chr10	79844305	79845310	Mex3d	ENSMUSG00000048696	-75	0.77	0.66	0.56	0.44	0.91	0.98
chr11	5616861	5617204	Mrps24	ENSMUSG00000020477	-1349	0.7	0.88	0.56	0.52	0.94	0.9
chr11	75328874	75329093	Scarf1	ENSMUSG00000038188	1906	0.93	0.97	0.55	0.6	0.94	0.97
chr13	112545473	112545709	Map3k1	ENSMUSG00000021754	-679	0.99	0.99	0.51	0.39	0.95	0.96
chr17	28212974	28213327	4930526A20Rik	ENSMUSG00000085521	150	0.77	0.91	0.27	0.3	0.72	0.65
chr19	7495770	7496020	2700081O15Rik	ENSMUSG00000053080	377	0.38	0.37	0.18	0.21	0.22	0.63
chr19	6320208	6320809	Cdc42bpg	ENSMUSG00000024769	-1300	0.68	0.78	0.39	0.37	0.82	0.74
chr2	152460186	152460419	Rem1	ENSMUSG00000000359	1599	0.82	0.47	0.23	0.15	0.62	0.67
chr2	38527606	38527913	Gm13587	ENSMUSG00000087062	-298	0.62	0.78	0.37	0.23	0.83	0.81
chr2	155767579	155768067	Gm15557	ENSMUSG00000078972	1359	0.5	0.56	0.15	0.17	0.74	0.67
chr2	158521648	158521940	Ppp1r16b	ENSMUSG00000037754	-77	0.97	0.87	0.42	0.51	0.9	0.93
chr3	88972633	88972835	Clk2	ENSMUSG00000068917	1648	0.82	0.84	0.37	0.48	0.92	0.93
chr3	108742960	108743361	4921515J06Rik	ENSMUSG00000045662	158	NA	0.33	0.19	0.13	0.41	0.62
chr5	115199284	115199602	Git2	ENSMUSG00000041890	-1165	0.81	0.65	0.28	0.32	0.72	0.7
chr5	136750732	136751267	Gm16599	ENSMUSG00000086220	133	0.88	0.87	0.33	0.33	0.85	0.89
chr6	29009954	29010170	Lep	ENSMUSG00000059201	-158	0.28	0.32	0.18	0.24	0.5	0.62
chr9	107501120	107501482	BY080835	ENSMUSG00000070285	-1895	0.88	0.86	0.33	0.33	0.86	0.85
chr9	107346313	107346582	Gm17118	ENSMUSG00000091425	915	1	0.56	0.37	0.38	1	0.93
chr3	88447906	88448126	Arhgef2	ENSMUSG00000028059	162	0.53	0.39	0.23	0.35	0.97	0.84
chr4	116821471	116821684	Gm13015	ENSMUSG00000070834	49	0.27	0.35	0.41	0.27	0.78	0.73
chr10	80785283	80785521	2510012J08Rik	ENSMUSG00000034889	1554	0.31	0.62	0.56	0.41	0.75	0.8
chr9	110532506	110532846	Nbeal2	ENSMUSG00000056724	-504	0.86	0.86	0.71	0.52	0.94	0.86
chr9	44248695	44249088	Foxr1	ENSMUSG00000074397	60	0.77	0.79	0.56	0.45	0.84	0.86
chr9	107473150	107473423	Hyal2	ENSMUSG00000010047	1838	NA	NA	0.62	0.48	NA	0.98
chr14	8147038	8147607	Gm3739	ENSMUSG00000091472	241	NA	1	0.11	0.07	NA	1
chr6	149302176	149302396	Gm15782	ENSMUSG00000084083	62	1	1	0.32	0.29	0.61	0.98
chr16	9992345	9992570	Grin2a	ENSMUSG00000059003	169	0.56	0.33	0.78	0.56	0.44	0.54
chr11	98190858	98191070	Neurod2	ENSMUSG00000038255	-2	1	NA	0.56	NA	0.11	0.2
chr17	26978069	26978447	Nkx2-5	ENSMUSG00000015579	252	0.34	0.12	0.48	0.45	0.17	0.11

chr2	155455074	155455437	Myh7b	ENSMUSG00000074652	459	NA	NA	0.39	0.26	NA	0.06
chr6	29685416	29686541	Smo	ENSMUSG00000001761	284	0.21	0.19	0.68	0.14	0.11	0.13
chr17	13896933	13898717	Gm16052	ENSMUSG000000086292	-833	0.13	0.19	0.08	0.13	0.09	0.15
chr15	88898011	88899044	Panx2	ENSMUSG000000058441	-1576	0.79	0.91	0.48	0.66	0.5	0.69
chr2	37648625	37649392	Crb2	ENSMUSG000000035403	-1681	0.85	0.87	0.34	0.42	0.49	0.48
chr4	149422722	149423191	Gm13067	ENSMUSG000000086665	-166	0.31	0.67	0.15	0.19	0.14	0.28
chr17	35972302	35972656	Tubb5	ENSMUSG00000001525	1526	0.4	0.14	0.23	0.32	0.55	0.55
chr1	88421402	88425154	Ptma	ENSMUSG000000026238	-33	0.11	0.15	0.11	0.16	0.17	0.17
chr1	89652441	89653237	Atg16l1	ENSMUSG000000026289	394	0.06	0.15	0.1	0.14	0.13	0.18
chr1	60155000	60155621	Carf	ENSMUSG000000026017	219	0.06	0.11	0.05	0.18	0.03	0.19
chr1	59969392	59970734	Fam117b	ENSMUSG000000041040	213	0.15	0.09	0.08	0.16	0.1	0.22
chr1	162836340	162837227	Rc3h1	ENSMUSG000000040423	234	0.14	0.16	0.08	0.14	0.1	0.21
chr1	192802127	192803330	Vash2	ENSMUSG000000037568	149	0.12	0.12	0.08	0.23	0.1	0.21
chr1	75356930	75357545	Des	ENSMUSG000000026208	333	0.14	0.11	0.12	0.21	0.19	0.25
chr1	75371800	75372361	Speg	ENSMUSG000000026207	208	0.2	0.25	0.27	0.37	0.18	0.55
chr1	75418563	75420015	Speg	ENSMUSG000000026207	-796	0.1	0.18	0.14	0.17	0.1	0.25
chr10	79439528	79440516	ORF61	ENSMUSG000000013858	1496	0.89	0.9	0.6	0.67	0.73	0.74
chr10	121078644	121079141	D930020B18Rik	ENSMUSG000000047642	248	0.23	0.17	0.08	0.17	0.13	0.21
chr10	126415466	126417218	Ctdsp2	ENSMUSG000000078429	569	0.17	0.18	0.11	0.16	0.13	0.21
chr10	12683814	12684493	Stx11	ENSMUSG000000039232	-88	0.09	0.08	0.07	0.18	0.14	0.25
chr10	127520303	127521046	Atp5b	ENSMUSG000000025393	345	0.06	0.09	0.08	0.15	0.09	0.22
chr10	79782877	79783359	2310011J03Rik	ENSMUSG000000020133	164	NA	NA	0.1	0.3	0.47	0.35
chr11	74978809	74982829	Hic1	ENSMUSG000000043099	829	0.2	0.21	0.29	0.36	0.14	0.38
chr11	120048582	120049034	2810410L24Rik	ENSMUSG000000075389	1257	0.14	0.16	0.11	0.24	0.29	0.27
chr11	77978482	77979367	Traf4	ENSMUSG000000017386	94	0.15	0.08	0.07	0.1	0.07	0.21
chr11	97489569	97491279	E130012A19Rik	ENSMUSG000000043439	606	0.19	0.16	0.09	0.13	0.14	0.15
chr11	119408206	119411046	Nptx1	ENSMUSG000000025582	-559	0.19	0.18	0.08	0.14	0.23	0.15
chr12	112088284	112088936	Zfp839	ENSMUSG000000021271	121	0.25	0.16	0.11	0.16	0.11	0.22
chr12	70297780	70299262	1110034A24Rik	ENSMUSG000000020973	-432	0.15	0.17	0.09	0.15	0.08	0.16
chr12	4848016	4848493	Fkbp1b	ENSMUSG000000020635	147	0.16	0.11	0.08	0.12	0.07	0.24

chr12	66176461	66176962	Fancm	ENSMUSG00000055884	118	0.09	0.11	0.06	0.16	0.05	0.16
chr12	40948799	40950110	Gm7008	ENSMUSG00000035983	109	0.22	0.2	0.07	0.14	0.2	0.17
chr12	114166611	114168153	Jag2	ENSMUSG00000002799	324	0.07	0.1	0.07	0.11	0.07	0.14
chr13	69672302	69674070	Nsun2	ENSMUSG00000021595	562	0.16	0.19	0.08	0.17	0.13	0.14
chr13	64253711	64254862	Zfp367	ENSMUSG00000044934	-549	0.12	0.13	0.09	0.12	0.09	0.17
chr13	78334137	78334834	Nr2f1	ENSMUSG00000069171	1149	0.2	0.14	0.1	0.15	0.17	0.23
chr14	118633686	118636443	Sox21	ENSMUSG00000061517	246	0.16	0.13	0.1	0.14	0.12	0.17
chr14	70953879	70954936	Hr	ENSMUSG00000022096	544	0.18	0.21	0.09	0.15	0.12	0.2
chr14	26513489	26513898	Ppif	ENSMUSG00000021868	53	0.06	0.11	0.05	0.13	0.09	0.15
chr15	100252907	100253949	Slc11a2	ENSMUSG00000023030	-28	0.11	0.2	0.09	0.15	0.35	0.19
chr15	58654258	58655652	Tmem65	ENSMUSG00000062373	130	0.34	0.11	0.09	0.11	0.12	0.21
chr15	101004071	101005078	Acvr1b	ENSMUSG0000000532	18	0.14	0.1	0.08	0.14	0.07	0.17
chr15	39774763	39775910	Lrp12	ENSMUSG00000022305	-84	0.26	0.21	0.09	0.14	0.11	0.18
chr15	102033871	102034642	Zfp740	ENSMUSG00000046897	177	0.15	0.09	0.08	0.15	0.07	0.17
chr15	100408678	100408932	Pou6f1	ENSMUSG00000009739	1857	0.8	0.73	0.58	0.64	0.81	0.87
chr16	17131674	17132699	Sdf2l1	ENSMUSG00000022769	290	0.3	0.16	0.09	0.2	0.32	0.23
chr16	44139763	44140601	Atp6v1a	ENSMUSG00000052459	-364	0.14	0.24	0.09	0.14	0.13	0.17
chr16	96212227	96212715	Psmg1	ENSMUSG00000022913	26	0.12	0.32	0.08	0.17	0.12	0.28
chr17	5342099	5342310	Arid1b	ENSMUSG00000069729	490	0.79	0.79	0.68	0.75	0.93	0.93
chr17	48060669	48061637	Foxp4	ENSMUSG00000023991	196	0.23	0.14	0.07	0.13	0.07	0.16
chr17	26852346	26853324	A930001N09Rik	ENSMUSG00000048249	240	0.19	0.38	0.12	0.15	0.38	0.26
chr17	33896832	33897323	Gm17251	ENSMUSG00000090952	140	0.17	NA	0.11	0.32	0.46	0.36
chr17	28313878	28314610	Zfp523	ENSMUSG00000024220	92	0.15	0.15	0.08	0.16	0.08	0.19
chr17	34401422	34402041	H2-Ab1	ENSMUSG00000073421	1546	0.12	0.08	0.07	0.13	0.07	0.14
chr17	28278533	28279768	Scube3	ENSMUSG00000038677	-111	0.18	0.18	0.07	0.14	0.11	0.17
chr17	23700739	23701256	Zfp213	ENSMUSG00000071256	196	0.14	0.18	0.11	0.13	0.25	0.25
chr17	34161296	34162323	Ring1	ENSMUSG00000024325	-212	0.08	0.15	0.08	0.18	0.12	0.16
chr17	45732259	45732899	Slc29a1	ENSMUSG00000023942	-128	0.19	0.1	0.12	0.16	0.13	0.27
chr17	57161969	57162183	Khsrp	ENSMUSG00000007670	1416	0.48	0.55	0.2	0.39	0.4	0.42
chr17	80460520	80461977	Hnrpl	ENSMUSG00000024095	76	0.17	0.15	0.1	0.2	0.19	0.21

chr18	42554012	42555571	Pou4f3	ENSMUSG00000024497	598	0.16	0.15	0.11	0.18	0.08	0.21
chr18	42670714	42671945	Tcerg1	ENSMUSG00000024498	188	0.32	0.24	0.11	0.17	0.14	0.23
chr19	46210307	46211672	Pitx3	ENSMUSG00000025229	790	0.14	0.15	0.09	0.15	0.12	0.19
chr2	28368482	28369303	Ralgds	ENSMUSG00000026821	247	0.19	0.13	0.07	0.12	0.09	0.13
chr2	164823028	164823794	Slc12a5	ENSMUSG00000017740	1320	0.25	0.19	0.19	0.26	0.1	0.42
chr2	155937149	155937748	Cpne1	ENSMUSG00000074643	151	0.27	0.16	0.09	0.12	0.13	0.24
chr2	130866780	130867488	Gfra4	ENSMUSG00000027316	16	0.09	0.09	0.07	0.12	0.05	0.16
chr2	32127339	32127641	Gm13611	ENSMUSG00000066068	125	0.79	0.88	0.56	0.71	0.87	0.87
chr2	127307845	127308460	Kcnip3	ENSMUSG00000079056	83	0.41	0.32	0.12	0.21	0.55	0.33
chr2	149656129	149657030	Tmem90b	ENSMUSG00000074736	55	0.17	0.15	0.09	0.2	0.12	0.22
chr2	168751827	168752206	Zfp64	ENSMUSG00000027551	364	0.51	0.33	0.24	0.36	0.43	0.53
chr2	130986664	130986306	1700037H04Rik	ENSMUSG00000027327	-229	0.25	0.07	0.08	0.11	0.06	0.35
chr2	164286302	164287192	Gm14302	ENSMUSG00000085760	-292	0.09	0.12	0.1	0.14	0.1	0.21
chr2	28766826	28767071	Barhl1	ENSMUSG00000026805	1067	0.28	0.18	0.13	0.29	0.17	0.42
chr2	180317299	180317747	1600027N09Rik	ENSMUSG00000027569	106	0.1	0.16	0.06	0.1	0.08	0.18
chr2	84510346	84510948	2700094K13Rik	ENSMUSG00000076437	186	0.3	NA	0.07	0.2	0.4	0.29
chr2	101518660	101518931	Traf6	ENSMUSG00000027164	198	0.11	0.07	0.09	0.13	0.08	0.22
chr3	52071532	52073982	Foxo1	ENSMUSG00000044167	498	0.09	0.1	0.09	0.15	0.08	0.17
chr3	121517579	121518461	Abcd3	ENSMUSG00000028127	-193	0.13	0.19	0.06	0.12	0.12	0.13
chr4	135411506	135412523	Srsf10	ENSMUSG00000028676	352	0.41	0.2	0.1	0.12	0.25	0.2
chr4	147314889	147315784	2510039O18Rik	ENSMUSG00000044496	332	0.16	0.17	0.09	0.11	0.09	0.19
chr4	100741393	100742353	Raver2	ENSMUSG00000035275	285	0.08	0.11	0.07	0.14	0.1	0.15
chr4	135553358	135553581	Gm13007	ENSMUSG00000083852	31	0.84	0.76	0.56	0.66	0.74	0.82
chr4	47003891	47005057	Gabbr2	ENSMUSG00000039809	271	0.15	0.21	0.08	0.15	0.16	0.16
chr4	148892283	148892694	Ctnnbp1	ENSMUSG00000028988	143	0.11	0.15	0.09	0.17	0.13	0.29
chr4	124571800	124572326	1700125G02Rik	ENSMUSG00000085263	-37	0.07	0.08	0.06	0.12	0.06	0.18
chr4	129418523	129420073	Khdrbs1	ENSMUSG00000028790	242	0.23	0.17	0.11	0.16	0.24	0.27
chr5	100406738	100408485	Hnrnpd	ENSMUSG00000000568	32	0.15	0.06	0.11	0.24	0.06	0.29
chr5	135644071	135644883	Bcl7b	ENSMUSG00000029681	324	0.27	0.27	0.07	0.15	0.15	0.17
chr5	24107374	24108569	Smarcd3	ENSMUSG00000028949	-253	0.18	0.08	0.15	0.13	0.07	0.29

chr5	104888479	104889440	Pkd2	ENSMUSG00000034462	398	0.37	0.36	0.11	0.18	0.22	0.24
chr5	130647317	130648122	Rabgef1	ENSMUSG00000025340	51	0.12	0.09	0.09	0.19	0.16	0.19
chr5	148241460	148242812	Pan3	ENSMUSG00000029647	399	0.2	0.12	0.1	0.14	0.23	0.2
chr5	31394949	31396025	Slc30a3	ENSMUSG00000029151	501	0.18	0.14	0.09	0.13	0.17	0.21
chr5	115607743	115608906	Mlec	ENSMUSG00000048578	-139	0.19	0.12	0.11	0.12	0.2	0.22
chr5	35621478	35623696	Adra2c	ENSMUSG00000045318	1372	0.13	0.2	0.1	0.18	0.14	0.16
chr5	77444875	77445259	1700023E05Rik	ENSMUSG00000029248	19	0.14	0.15	0.09	0.15	0.06	0.29
chr5	111845559	111849549	Mn1	ENSMUSG00000070576	1172	0.14	0.13	0.11	0.18	0.13	0.17
chr5	115798513	115799388	Cox6a1	ENSMUSG00000041697	-27	0.09	0.12	0.07	0.15	0.07	0.24
chr5	141000017	141000633	Chst12	ENSMUSG00000036599	751	1	0.98	0.62	0.7	0.98	0.95
chr6	71389801	71391295	Rmnd5a	ENSMUSG00000002222	83	0.32	0.45	0.14	0.17	0.16	0.28
chr6	85461428	85463942	Egr4	ENSMUSG00000071341	898	0.13	0.11	0.1	0.13	0.1	0.17
chr7	13592985	13593571	Zbtb45	ENSMUSG00000049600	1871	0.89	0.53	0.32	0.55	0.49	0.55
chr7	90014441	90018737	Mex3b	ENSMUSG00000057706	746	0.22	0.19	0.11	0.17	0.14	0.2
chr7	31098952	31099178	Al428936	ENSMUSG00000019737	-761	0.46	0.36	0.26	0.41	0.7	0.57
chr7	19589491	19591013	Irf2bp1	ENSMUSG00000044030	838	0.11	0.12	0.1	0.15	0.13	0.18
chr7	35437872	35440941	Kctd15	ENSMUSG00000030499	-1361	0.15	0.23	0.12	0.19	0.12	0.19
chr7	104473727	104474521	Usp35	ENSMUSG00000035713	350	0.23	0.18	0.15	0.22	0.14	0.41
chr7	30303303	30304489	4932431P20Rik	ENSMUSG00000074224	-328	0.14	0.18	0.1	0.17	0.16	0.18
chr7	28149126	28149562	AC157561.1	ENSMUSG00000080562	1011	NA	0.18	0.11	0.16	0.12	0.38
chr8	73300171	73301304	Pik3r2	ENSMUSG00000031834	-159	0.39	0.22	0.08	0.11	0.15	0.21
chr8	90482327	90486694	Zfp423	ENSMUSG00000045333	-1016	0.1	0.09	0.1	0.15	0.15	0.16
chr8	125100378	125100895	Aprt	ENSMUSG00000006589	171	0.07	0.19	0.09	0.17	0.16	0.2
chr8	126472748	126473484	Nup133	ENSMUSG00000039509	49	0.16	0.17	0.09	0.15	0.31	0.25
chr8	86131817	86132711	Dnajb1	ENSMUSG00000005483	190	0.06	0.07	0.08	0.13	0.09	0.19
chr8	36557800	36558759	Eri1	ENSMUSG00000031527	308	0.08	0.07	0.09	0.11	0.06	0.2
chr8	72854548	72856229	Gdf1	ENSMUSG00000055694	1724	0.39	0.5	0.39	0.49	0.41	0.51
chr8	73416016	73416786	Slc5a5	ENSMUSG00000000792	255	0.2	0.65	0.22	0.27	0.25	0.4
chr8	86423579	86425146	Lphn1	ENSMUSG00000013033	358	0.1	0.13	0.07	0.13	0.11	0.14
chr8	114400310	114400754	Tmem170	ENSMUSG00000031953	43	NA	0.4	0.06	0.18	0.11	0.35

chr9	114471398	114473714	Trim71	ENSMUSG00000079259	931	0.13	0.1	0.08	0.16	0.08	0.16
chr9	64988730	64989804	Igdcc3	ENSMUSG00000032394	306	0.23	0.16	0.08	0.14	0.11	0.19
chr9	108249961	108250641	Usp4	ENSMUSG00000032612	139	0.12	0.23	0.07	0.09	0.22	0.2
chr9	114310177	114310805	Glb1	ENSMUSG00000045594	297	0.26	0.11	0.07	0.11	0.11	0.17
chr9	59450839	59451170	Cell6	ENSMUSG00000032297	539	0.41	0.3	0.27	0.31	0.48	0.58
chr9	69860268	69860757	Gtf2a2	ENSMUSG00000033543	155	0.12	0.09	0.08	0.11	0.09	0.22
chr9	95305634	95308180	Chst2	ENSMUSG00000033350	782	0.2	0.14	0.13	0.18	0.21	0.2
chr9	21052841	21053098	S1pr5	ENSMUSG00000045087	-82	0.14	0.12	0.1	0.19	0.21	0.28
chr9	53513734	53514620	Rab39	ENSMUSG00000055069	160	0.1	1	0.08	0.08	0.15	0.27
chr15	101321672	101321902	5430421N21Rik	ENSMUSG00000067613	156	0.97	0.88	0.23	0.29	0.31	0.6
chr11	98247994	98248196	Pnmt	ENSMUSG00000038216	69	0.81	1	0.38	0.57	0.33	0.78
chr7	31371786	31372046	Wbp7	ENSMUSG0000006307	-1557	0.12	NA	0.19	0.29	0.74	0.63
chr1	75446951	75447255	Accn4	ENSMUSG00000033007	92	NA	0.06	0.13	0.24	0.05	0.52
chr2	30679673	30679925	Asb6	ENSMUSG00000039483	1024	0.46	0.54	0.37	0.44	0.81	0.72
chr2	28767421	28767685	Barhl1	ENSMUSG00000026805	462	0.37	0.19	0.17	0.34	0.22	0.51
chr4	139521480	139521752	Klhdc7a	ENSMUSG00000078234	1752	0.97	0.89	0.35	0.46	0.74	0.68
chr6	149310037	149310422	Gm15784	ENSMUSG00000081126	21	NA	1	0.48	0.57	0.91	0.96
chr7	30750140	30750632	Gm10169	ENSMUSG00000083669	198	0.96	0.6	0.36	0.49	0.71	0.85
chr1	55419325	55420501	Boll	ENSMUSG00000025977	-362	0.6	0.52	0.4	0.41	0.35	0.31
chr11	3093000	3093702	Sfi1	ENSMUSG00000023764	59	0.76	0.74	0.84	0.85	0.58	0.86
chr11	87430404	87431472	Hsf5	ENSMUSG00000070345	272	0.92	0.94	0.9	0.94	0.78	0.88
chr12	21117343	21118462	Asap2	ENSMUSG00000052632	293	0.38	0.33	0.16	0.18	0.15	0.12
chr13	31717367	31719040	Foxf2	ENSMUSG00000038402	518	0.21	0.2	0.11	0.14	0.07	0.16
chr15	76287822	76288560	Scx	ENSMUSG00000034161	323	0.38	0.29	0.14	0.18	0.08	0.12
chr2	102498807	102499504	Slc1a2	ENSMUSG0000005089	339	0.77	0.75	0.09	0.15	0.61	0.11
chr2	167013625	167015891	1110018N20Rik	ENSMUSG00000085151	556	0.54	0.51	0.36	0.41	0.27	0.36
chr4	11117555	11118935	Ccne2	ENSMUSG00000028212	-253	0.21	0.18	0.1	0.14	0.07	0.12
chr6	17413387	17414161	Met	ENSMUSG00000009376	-26	0.33	0.3	0.12	0.22	0.07	0.16
chr7	146037634	146038751	Ppp2r2d	ENSMUSG00000041769	430	0.29	0.3	0.13	0.17	0.19	0.13
chr8	19892510	19893180	6820431F20Rik	ENSMUSG00000071796	165	0.23	0.33	0.08	0.13	0.11	0.12

chr9	55056657	55057292	Fbxo22	ENSMUSG00000032309	242	0.47	0.46	0.12	0.2	0.24	0.12
chr9	41931949	41932582	Sorl1	ENSMUSG00000049313	115	0.39	0.31	0.18	0.13	0.09	0.2
chr11	61497496	61498606	Fam83g	ENSMUSG00000042377	458	0.47	0.3	0.17	0.2	0.12	0.22
chr2	156865774	156866489	9830001H06Rik	ENSMUSG00000055485	-156	0.53	0.47	0.12	0.16	0.18	0.18
chr10	127631065	127632269	Gls2	ENSMUSG00000044005	154	0.8	0.41	0.12	0.16	0.11	0.17
chr10	45205487	45206674	Lin28b	ENSMUSG00000063804	-497	0.19	0.3	0.1	0.15	0.09	0.17
chr10	94406234	94408200	Plxnc1	ENSMUSG00000074785	-5	0.11	0.17	0.1	0.15	0.07	0.12
chr10	122513081	122513626	Mon2	ENSMUSG00000034602	208	0.18	0.36	0.11	0.15	0.06	0.17
chr10	122633381	122634397	Usp15	ENSMUSG00000020124	102	0.18	0.37	0.09	0.2	0.1	0.17
chr10	21713713	21714719	Sgk1	ENSMUSG00000019970	-256	0.14	0.36	0.1	0.17	0.07	0.15
chr10	31328401	31329461	Rnf217	ENSMUSG00000063760	59	0.09	0.16	0.08	0.14	0.06	0.15
chr10	26093497	26095333	L3mbt3	ENSMUSG00000039089	-653	0.19	0.35	0.08	0.14	0.1	0.13
chr10	70700385	70700921	Tfam	ENSMUSG00000003923	-227	0.14	0.41	0.08	0.18	0.08	0.13
chr10	79578085	79579685	Stk11	ENSMUSG00000003068	337	0.09	0.33	0.12	0.18	0.06	0.1
chr10	116018223	116019225	5330438D12Rik	ENSMUSG00000052291	387	0.04	0.23	0.09	0.13	0.06	0.14
chr10	42398634	42399201	Ostm1	ENSMUSG00000038280	195	0.07	0.33	0.09	0.18	0.05	0.14
chr11	11585307	11586484	Gm11999	ENSMUSG00000085652	-492	0.22	0.32	0.11	0.21	0.1	0.15
chr11	68213036	68214116	Ntn1	ENSMUSG00000020902	749	0.14	0.28	0.13	0.19	0.08	0.13
chr11	21270445	21271492	Ugp2	ENSMUSG00000001891	-488	0.17	0.29	0.13	0.15	0.09	0.13
chr11	62945916	62946764	Pmp22	ENSMUSG00000018217	269	0.16	0.42	0.14	0.16	0.11	0.12
chr11	11925557	11926335	Grb10	ENSMUSG00000020176	381	0.35	0.58	0.34	0.43	0.37	0.41
chr12	56499644	56500175	Psmc6	ENSMUSG00000021024	147	0.32	0.35	0.11	0.23	0.1	0.23
chr12	86939748	86940747	Jdp2	ENSMUSG00000034271	-119	0.3	0.41	0.09	0.13	0.11	0.15
chr12	56699824	56701801	Insm2	ENSMUSG00000045440	908	0.18	0.28	0.12	0.19	0.12	0.15
chr12	8308285	8309199	Gdf7	ENSMUSG00000037660	18	0.21	0.28	0.13	0.2	0.1	0.15
chr12	66137204	66137674	Prpf39	ENSMUSG00000035597	119	0.17	0.38	0.09	0.11	0.06	0.13
chr12	29320240	29321015	Rps7	ENSMUSG00000061477	191	0.14	0.43	0.19	0.16	0.17	0.13
chr13	99124217	99126114	Foxd1	ENSMUSG00000078302	965	0.2	0.27	0.11	0.13	0.1	0.13
chr13	94827405	94828070	Lhfpl2	ENSMUSG00000045312	-14	0.19	0.24	0.11	0.14	0.1	0.15
chr13	34435998	34437457	Slc22a23	ENSMUSG00000038267	-655	0.13	0.28	0.11	0.13	0.09	0.14

chr13	30751701	30752094	Dusp22	ENSMUSG00000069255	29	0.09	0.31	0.06	0.14	0.08	0.06
chr13	97440314	97441224	Hmgcr	ENSMUSG00000021670	-332	0.12	0.31	0.13	0.2	0.08	0.19
chr14	58143520	58144449	Il17d	ENSMUSG00000050222	318	0.16	0.16	0.09	0.08	0.07	0.09
chr14	6240377	6240760	Gm3468	ENSMUSG00000079372	120	0.17	0.23	0.16	0.12	0.03	0.12
chr14	55495240	55496443	Ppp1r3e	ENSMUSG00000093691	-353	0.18	0.32	0.09	0.15	0.08	0.14
chr15	43308713	43309156	Ttc35	ENSMUSG00000022337	159	0.18	0.39	0.07	0.19	0.09	0.11
chr15	74346483	74350229	Bai1	ENSMUSG00000034730	1730	0.11	0.23	0.11	0.15	0.09	0.15
chr15	75771302	75771903	Zfp623	ENSMUSG00000050846	220	0.12	0.25	0.13	0.14	0.09	0.12
chr15	98701704	98702792	Mli2	ENSMUSG00000048154	-634	0.14	0.28	0.1	0.14	0.12	0.13
chr15	6657477	6659529	Rictor	ENSMUSG00000050310	122	0.14	0.42	0.12	0.17	0.16	0.12
chr16	18620835	18621907	Gp1bb	ENSMUSG00000050761	88	0.41	0.4	0.24	0.37	0.16	0.3
chr16	45158725	45159383	Slc35a5	ENSMUSG00000022664	-235	0.31	0.29	0.14	0.18	0.11	0.16
chr16	95923470	95924500	Ets2	ENSMUSG00000022895	303	0.19	0.26	0.13	0.16	0.08	0.17
chr16	78576497	78577161	D16Ert472e	ENSMUSG00000022864	73	0.16	0.26	0.08	0.1	0.08	0.1
chr16	4963986	4964667	Anks3	ENSMUSG00000022515	-22	0.33	0.41	0.11	0.14	0.09	0.19
chr16	17530691	17531400	Thap7	ENSMUSG00000022760	-296	0.23	0.33	0.1	0.15	0.08	0.13
chr16	46496412	46498047	Pvrl3	ENSMUSG00000022656	-344	0.14	0.3	0.09	0.13	0.11	0.12
chr17	69731825	69733626	Zfp161	ENSMUSG00000049672	335	0.27	0.31	0.09	0.13	0.13	0.15
chr17	44871399	44873584	Runx2	ENSMUSG00000039153	-849	0.31	0.36	0.15	0.22	0.17	0.21
chr17	84584941	84588054	Zfp3612	ENSMUSG00000045817	-20	0.22	0.28	0.13	0.2	0.11	0.13
chr17	27759609	27760736	Nudt3	ENSMUSG00000024213	-383	0.19	0.29	0.12	0.2	0.1	0.18
chr17	56723571	56724975	Safb2	ENSMUSG00000042625	-549	0.17	0.25	0.12	0.16	0.08	0.13
chr17	7374090	7374872	Rps6ka2	ENSMUSG00000023809	17	0.13	0.29	0.12	0.09	0.06	0.11
chr17	71901152	71901860	Spdya	ENSMUSG00000052525	105	0.19	0.31	0.13	0.18	0.09	0.14
chr17	32236972	32237418	Pdxk-ps	ENSMUSG0000002791	36	0.13	0.37	0.16	0.18	0.1	0.21
chr17	63848747	63849982	Fbxl17	ENSMUSG00000023965	2	0.07	0.16	0.09	0.12	0.07	0.11
chr18	5591345	5593503	Zeb1	ENSMUSG00000024238	566	0.33	0.33	0.1	0.12	0.11	0.15
chr18	14128648	14130119	Zfp521	ENSMUSG00000024420	1859	0.16	0.24	0.08	0.11	0.08	0.11
chr18	10609527	10610463	Esco1	ENSMUSG00000024293	112	0.16	0.35	0.1	0.16	0.1	0.15
chr19	57435112	57436200	B230217O12Rik	ENSMUSG00000085096	-391	0.23	0.31	0.12	0.21	0.09	0.21

chr19	30104404	30105833	Uhrf2	ENSMUSG00000024817	115	0.13	0.22	0.12	0.13	0.07	0.14
chr19	25580093	25581460	Dmrt1	ENSMUSG00000024837	668	0.22	0.45	0.16	0.26	0.12	0.16
chr2	24774297	24775278	Ehmt1	ENSMUSG00000036893	323	0.31	0.38	0.1	0.11	0.1	0.16
chr2	180444355	180445429	Dido1	ENSMUSG00000038914	-188	0.24	0.32	0.13	0.17	0.09	0.14
chr2	146909574	146911293	Nkx2-4	ENSMUSG00000054160	748	0.12	0.18	0.09	0.12	0.05	0.1
chr2	3391706	3392571	Suv39h2	ENSMUSG00000026646	94	0.22	0.37	0.09	0.18	0.09	0.18
chr2	167065629	167066084	Ptgis	ENSMUSG00000017969	233	0.23	0.37	0.15	0.22	0.11	0.21
chr2	57090095	57090995	Gpd2	ENSMUSG00000026827	-163	0.18	0.42	0.12	0.19	0.1	0.14
chr2	60047480	60048483	Baz2b	ENSMUSG00000026987	-176	0.17	0.32	0.13	0.2	0.09	0.15
chr2	29107028	29108799	6530402F18Rik	ENSMUSG00000079499	600	0.21	0.31	0.15	0.14	0.08	0.18
chr2	103601004	103601573	Nat10	ENSMUSG00000027185	-205	0.2	0.26	0.11	0.17	0.07	0.13
chr2	146047001	146049584	Insm1	ENSMUSG00000068154	635	0.16	0.31	0.12	0.2	0.13	0.15
chr3	102739297	102740153	Sycp1	ENSMUSG00000027855	298	0.54	0.91	0.91	0.92	0.69	0.95
chr3	8666662	8667747	Hey1	ENSMUSG00000040289	-165	0.16	0.24	0.1	0.15	0.08	0.14
chr3	51143687	51145396	Elf2	ENSMUSG00000037174	-53	0.13	0.17	0.09	0.11	0.08	0.14
chr3	33698632	33699511	Ttc14	ENSMUSG00000027677	194	0.12	0.19	0.11	0.14	0.1	0.14
chr3	119485485	119486349	Ptbp2	ENSMUSG00000028134	389	0.22	0.47	0.11	0.15	0.15	0.2
chr3	100488949	100490237	Man1a2	ENSMUSG00000008763	-362	0.08	0.2	0.1	0.17	0.09	0.13
chr4	32325381	32327270	Bach2	ENSMUSG00000040270	546	0.29	0.27	0.13	0.14	0.13	0.17
chr4	125825741	125826924	Fam176b	ENSMUSG00000050212	556	0.2	0.3	0.19	0.16	0.08	0.17
chr4	41660353	41660809	2810432D09Rik	ENSMUSG00000036114	-15	0.28	0.36	0.11	0.19	0.1	0.15
chr4	128964804	128965169	Sync	ENSMUSG0000001333	125	0.4	0.48	0.22	0.23	0.19	0.36
chr4	122781861	122782886	Bmp8b	ENSMUSG0000002384	-35	0.14	0.21	0.13	0.19	0.1	0.15
chr4	123426979	123427844	Akirin1	ENSMUSG00000023075	63	0.16	0.29	0.13	0.13	0.09	0.16
chr4	104039578	104040509	Dab1	ENSMUSG00000028519	325	0.14	0.32	0.11	0.15	0.08	0.16
chr4	151368765	151371119	Phf13	ENSMUSG00000047777	425	0.1	0.21	0.09	0.14	0.11	0.14
chr5	46247609	46249249	Lcorl	ENSMUSG00000015882	-639	0.27	0.23	0.15	0.19	0.08	0.13
chr5	145528904	145529696	Trrap	ENSMUSG00000045482	339	0.25	0.3	0.11	0.17	0.08	0.12
chr5	144492374	144493643	Usp42	ENSMUSG00000051306	141	0.18	0.26	0.1	0.13	0.11	0.12
chr5	114358102	114359172	Coro1c	ENSMUSG0000004530	17	0.14	0.19	0.08	0.14	0.05	0.12

chr5	122951259	122952758	Atp2a2	ENSMUSG00000029467	175	0.1	0.15	0.09	0.13	0.06	0.11
chr5	73305192	73306418	Slain2	ENSMUSG00000036087	262	0.16	0.2	0.08	0.16	0.07	0.12
chr5	42154559	42155636	Nkx3-2	ENSMUSG00000049691	362	0.19	0.44	0.1	0.17	0.14	0.14
chr5	123526189	123526779	Tmem120b	ENSMUSG00000054434	200	0.14	0.34	0.08	0.14	0.1	0.11
chr5	121670142	121671244	Gm15800	ENSMUSG00000042744	465	0.18	0.41	0.12	0.19	0.13	0.22
chr6	47892969	47893595	Zfp783	ENSMUSG00000072653	112	0.28	0.28	0.17	0.25	0.12	0.15
chr6	28782067	28783707	Lrrc4	ENSMUSG00000049939	-1140	0.14	0.2	0.09	0.14	0.06	0.14
chr6	87680706	87681577	Ccdc48	ENSMUSG00000068263	278	0.28	0.37	0.1	0.16	0.07	0.12
chr6	128312451	128313282	5930416119Rik	ENSMUSG00000048668	-36	0.09	0.19	0.14	0.13	0.06	0.1
chr6	37820514	37821689	Trim24	ENSMUSG00000029833	290	0.1	0.26	0.1	0.24	0.08	0.13
chr6	99470484	99473043	Foxp1	ENSMUSG00000030067	-772	0.13	0.3	0.1	0.13	0.11	0.16
chr7	38968684	38969116	1600014C10Rik	ENSMUSG00000054676	94	0.16	0.25	0.13	0.15	0.08	0.13
chr7	137408505	137410026	Fgfr2	ENSMUSG00000030849	262	0.22	0.22	0.1	0.17	0.09	0.15
chr7	107269606	107270180	Pold3	ENSMUSG00000030726	72	0.31	0.42	0.14	0.14	0.11	0.2
chr7	53121340	53121876	Grin2d	ENSMUSG00000002771	443	0.23	0.33	0.08	0.12	0.1	0.13
chr7	97128617	97129918	Eed	ENSMUSG00000030619	-198	0.27	0.39	0.12	0.16	0.14	0.14
chr7	86660181	86660773	Al854517	ENSMUSG00000085554	359	0.23	0.44	0.11	0.17	0.13	0.16
chr7	56044245	56044705	Zdhhc13	ENSMUSG00000030471	102	0.1	0.32	0.09	0.11	0.05	0.14
chr8	13493806	13494518	Gas6	ENSMUSG00000031451	373	0.11	0.32	0.22	0.26	0.08	0.16
chr8	19784572	19785241	Gm10060	ENSMUSG00000059078	160	0.07	0.23	0.09	0.07	0.09	0.11
chr8	4249280	4249706	Gm14378	ENSMUSG00000089736	-836	0.46	0.73	0.56	0.62	0.41	0.47
chr9	20988447	20988896	Pde4a	ENSMUSG00000032177	126	0.32	0.38	0.13	0.22	0.15	0.18
chr9	98756887	98757196	Gm6406	ENSMUSG00000063058	31	0.87	0.93	0.81	0.89	0.68	0.77
chr9	118834960	118836190	Gm2415	ENSMUSG00000086119	-199	0.22	0.25	0.1	0.17	0.1	0.13
chr9	66439739	66441481	Usp3	ENSMUSG00000032376	155	0.18	0.32	0.14	0.15	0.08	0.16
chr9	75256997	75258102	Mapk6	ENSMUSG00000042688	-383	0.16	0.42	0.13	0.15	0.12	0.15
chr9	103266897	103268419	Cdv3	ENSMUSG00000032803	-349	0.1	0.23	0.17	0.17	0.12	0.17
chr9	107611573	107612351	Sema3f	ENSMUSG00000034684	844	0.08	0.27	0.12	0.11	0.09	0.1
chr9	35228711	35229698	Cdon	ENSMUSG00000038119	491	0.11	0.28	0.09	0.11	0.09	0.1
chr3	36962422	36962785	Adad1	ENSMUSG00000027719	154	0.68	0.83	0.55	0.74	0.44	0.56

chr8	20019789	20020448	2610005L07Rik	ENSMUSG00000071793	175	0.43	0.66	0.21	0.48	0.18	0.26
chr8	24367160	24367790	Golga7	ENSMUSG00000015341	18	0.78	0.86	0.43	0.45	0.49	0.27
chr9	55388629	55389061	Gm17226	ENSMUSG00000090270	-150	0.29	0.53	0.07	0.15	0.04	0.22
chr11	101025326	101025842	Plekhh3	ENSMUSG00000035172	1054	0.81	0.75	0.37	0.41	0.34	0.38
chr12	20926270	20927392	3110053B16Rik	ENSMUSG00000085642	83	0.7	0.82	0.21	0.39	0.36	0.25
chr12	18859323	18860033	Gm3944	ENSMUSG00000090885	-49	0.7	0.58	0.59	0.69	0.16	0.43
chr13	55098546	55098786	Unc5a	ENSMUSG00000025876	766	0.68	0.69	0.31	0.36	0.24	0.59
chr14	71036558	71036835	Epb4.9	ENSMUSG00000022099	-911	0.88	0.83	0.41	0.51	0.28	0.7
chr18	37903392	37903887	Pcdhga9	ENSMUSG00000023036	1891	0.88	0.9	0.73	0.78	0.41	0.57
chr2	29700849	29701992	Mir219-2	ENSMUSG00000065485	-173	0.54	0.59	0.33	0.4	0.13	0.34
chr3	54614894	54615327	Gm10254	ENSMUSG00000069011	62	0.97	0.94	0.87	0.97	0.53	0.88
chr4	107518815	107519218	Lrp8	ENSMUSG00000028613	210	0.96	0.89	0.84	0.87	0.5	0.78
chr5	123213769	123214036	Camkk2	ENSMUSG00000029471	351	0.74	0.74	0.13	0.16	0.31	0.22
chr7	25370639	25371071	Eth1	ENSMUSG00000064254	-1707	0.87	0.76	0.37	0.43	0.28	0.33
chr8	74126023	74126842	Fam129c	ENSMUSG00000043243	266	0.59	0.57	0.09	0.14	0.21	0.15
chr8	86525195	86525718	1700067K01Rik	ENSMUSG00000046408	55	0.68	0.71	0.46	0.53	0.26	0.53
chr10	82417108	82417416	Gm4799	ENSMUSG00000071151	173	0.8	0.86	0.57	0.71	0.53	0.7
chr10	78996117	78996659	Ppap2c	ENSMUSG00000052151	99	0.32	0.57	0.09	0.09	0.05	0.14
chr10	4540340	4541532	Fbxo5	ENSMUSG00000019773	-5	0.26	0.45	0.13	0.16	0.12	0.16
chr10	57205995	57206825	4930467K11Rik	ENSMUSG00000085621	-251	0.4	0.7	0.15	0.26	0.25	0.16
chr10	116661113	116661605	Yeats4	ENSMUSG00000020171	172	0.14	0.5	0.15	0.17	0.09	0.15
chr11	5688222	5688830	Dbnl	ENSMUSG00000020476	35	0.17	0.68	0.13	0.13	0.11	0.14
chr11	50049933	50051002	Gm16641	ENSMUSG00000085364	-44	0.09	0.5	0.12	0.18	0.12	0.15
chr11	100006624	100007121	Krt19	ENSMUSG00000020911	562	0.26	0.77	0.15	0.08	0.19	0.11
chr12	110697954	110698238	Dik1	ENSMUSG00000040856	43	0.93	0.88	0.28	0.17	0.35	0.38
chr13	43711196	43711664	Rnf182	ENSMUSG00000044164	78	0.09	0.49	0.1	0.12	0.09	0.14
chr14	31362220	31362800	Tkt	ENSMUSG00000021957	193	0.21	0.57	0.11	0.12	0.1	0.18
chr15	99223267	99223921	Tmbim6	ENSMUSG00000023010	281	0.14	0.48	0.13	0.16	0.05	0.12
chr15	89259744	89260416	Chkb	ENSMUSG00000022617	-219	0.2	0.8	0.14	0.17	0.21	0.16
chr17	23879083	23879721	9530082P21Rik	ENSMUSG00000086281	-799	0.62	0.68	0.19	0.18	0.25	0.35

chr17	24940995	24941511	4930528F23Rik	ENSMUSG00000024155	-74	0.25	0.55	0.14	0.23	0.05	0.18
chr18	11052636	11052987	1010001N08Rik	ENSMUSG000000087274	-246	0.22	0.54	0.14	0.15	0.04	0.12
chr2	52600926	52601771	Stam2	ENSMUSG000000055371	-158	0.26	0.44	0.15	0.14	0.1	0.18
chr2	71227093	71227643	Hat1	ENSMUSG000000027018	51	0.14	0.69	0.2	0.28	0.09	0.17
chr2	148233043	148233425	Thbd	ENSMUSG000000074743	690	0.15	0.52	0.13	0.36	0.07	0.23
chr2	35317761	35318144	Ggta1	ENSMUSG000000035778	799	0.5	0.46	0.11	0.17	0.06	0.06
chr2	24222977	24223308	Psd4	ENSMUSG000000026979	42	0.07	0.73	0.12	0.13	0.13	0.12
chr3	108394116	108395135	Wdr47	ENSMUSG000000040389	428	0.33	0.95	0.12	0.19	0.52	0.2
chr4	34136742	34137118	Spaca1	ENSMUSG000000028264	84	0.67	0.73	0.21	0.5	0.2	0.28
chr5	135421999	135422286	Cldn4	ENSMUSG000000047501	662	0.54	0.71	0.29	0.51	0.2	0.35
chr5	106160962	106161453	Lrrc8d	ENSMUSG000000046079	198	0.45	0.61	0.22	0.32	0.2	0.23
chr7	89319603	89320304	Sh3gl3	ENSMUSG000000030638	225	0.46	0.61	0.2	0.28	0.15	0.21
chr7	56501140	56502402	Nav2	ENSMUSG000000052512	212	0.1	0.44	0.13	0.17	0.1	0.16
chr8	86545083	86545285	Palm3	ENSMUSG000000047986	-186	0.45	0.48	0.11	0.21	0.08	0.19
chr8	73034047	73034718	Uba52	ENSMUSG000000090137	-133	0.07	0.48	0.04	0.09	0.07	0.17
chr9	117949220	117950334	Azi2	ENSMUSG000000039285	160	0.16	0.53	0.12	0.14	0.13	0.21
chr9	95650218	95650885	Trpc1	ENSMUSG000000032839	226	0.27	0.76	0.18	0.19	0.23	0.17
chr9	42328872	42329196	AC136903.1	ENSMUSG000000093745	-120	0.08	0.63	0.08	0.13	0.06	0.11
chr11	86922945	86923437	Fam33a	ENSMUSG000000020492	438	1	0.75	0.12	0.57	0.12	0.19
chr1	186669379	186669874	Mosc2	ENSMUSG000000073481	-176	0.3	1	0.13	0.33	0.23	0.18
chr11	94189609	94189966	Ankrd40	ENSMUSG000000020864	219	NA	1	0.1	0.12	0.15	0.11
chr13	58486142	58486765	2210016F16Rik	ENSMUSG000000021550	133	0.17	0.85	0.29	0.19	0.1	0.3
chr14	120876932	120878324	Rap2a	ENSMUSG000000051615	-38	0.25	1	0.13	0.15	0.14	0.19
chr15	79921541	79922313	Syngr1	ENSMUSG000000022415	163	0.17	0.93	0.09	0.13	0.26	0.13
chr16	17233452	17234234	Hic2	ENSMUSG000000050240	178	0.08	1	0.14	0.14	0.15	0.11
chr2	25562174	25562931	Bmyc	ENSMUSG000000049086	153	0.4	1	0.17	0.39	0.15	0.18
chr2	23089933	23090188	Gm13422	ENSMUSG000000084098	-696	0.38	0.85	0.78	0.82	0.15	0.49
chr2	80478915	80479314	Nup35	ENSMUSG000000026999	141	0.22	0.79	0.17	0.1	0.09	0.12
chr3	107261124	107263276	Kcnc4	ENSMUSG000000027895	-384	0.14	0.93	0.13	0.2	0.18	0.14
chr4	116324023	116324303	Akr1a1	ENSMUSG000000028692	122	0.5	1	0.1	0.12	0.06	0.23

chr4	125911185	125911732	Mtap7d1	ENSMUSG00000028849	562	0.67	0.58	0.63	0.67	0.9	0.79
chr9	70390129	70391224	Sltm	ENSMUSG00000032212	10	0.12	0.12	0.1	0.14	0.32	0.13
chr2	25977769	25978531	Nacc2	ENSMUSG00000026932	153	0.08	0.06	0.1	0.1	0.2	0.12
chr8	129469428	129469920	Tomm20	ENSMUSG00000058779	49	0.18	0.16	0.09	0.19	0.26	0.14
chr14	31989600	31989971	Nisch	ENSMUSG00000021910	-11	0.43	0.36	0.52	0.71	0.86	0.67
chr17	34048518	34048958	Daxx	ENSMUSG00000002307	-957	0.33	0.26	0.6	0.69	0.83	0.78
chr5	144952066	144952351	Bhlha15	ENSMUSG00000052271	1053	0.16	0.21	0.67	0.77	0.57	0.61
chr8	73985340	73985807	Abhd8	ENSMUSG00000007950	1983	0.17	0.17	0.31	0.5	0.55	0.41
chr2	25993985	25994368	1810012K08Rik	ENSMUSG000000087595	110	0.28	0.32	0.81	0.74	0.9	0.79
chr5	23830773	23831084	Kcnh2	ENSMUSG00000038319	679	0.1	0.42	0.84	0.87	0.88	0.92
chr13	3477421	3477736	2810429I04Rik	ENSMUSG000000086566	89	0.36	0.06	0.1	0.09	0.41	0.15
chr19	6117858	6118613	Sac3d1	ENSMUSG000000024790	351	0.47	0.11	0.13	0.11	0.54	0.16
chr5	31502786	31502994	Zfp513	ENSMUSG000000043059	-231	0.26	0.26	0.59	0.41	0.74	0.77
chr12	25178380	25178591	Gm16372	ENSMUSG000000057160	36	0.09	0.1	0.37	0.46	0.74	0.58
chr1	168339517	168340192	Pogk	ENSMUSG000000040596	-332	0.25	0.11	0.08	0.13	0.05	0.2
chr10	53794435	53795971	Man1a	ENSMUSG00000003746	312	0.27	0.11	0.1	0.19	0.1	0.16
chr10	119911975	119914666	Hmga2	ENSMUSG000000056758	28	0.27	0.09	0.13	0.16	0.09	0.16
chr10	77068693	77069562	Sumo3	ENSMUSG000000020265	285	0.42	0.41	0.1	0.14	0.16	0.15
chr11	105898089	105898638	Dcaf7	ENSMUSG000000049354	177	0.35	0.11	0.08	0.12	0.08	0.08
chr11	105026124	105027610	Gm11620	ENSMUSG000000081965	1067	0.95	0.94	0.78	0.87	0.8	0.9
chr11	121249067	121249552	Rab40b	ENSMUSG000000025170	70	0.43	0.18	0.09	0.16	0.11	0.17
chr12	75008462	75009790	Hif1a	ENSMUSG000000021109	235	0.28	0.21	0.09	0.13	0.08	0.12
chr12	40763913	40764811	Arl4a	ENSMUSG000000047446	-408	0.39	0.3	0.08	0.19	0.13	0.1
chr12	103942657	103943631	Itpk1	ENSMUSG000000057963	-65	0.21	0.07	0.12	0.18	0.07	0.1
chr12	60112617	60113274	Sec23a	ENSMUSG000000020986	59	0.39	0.26	0.12	0.28	0.1	0.14
chr12	60231768	60232786	Ctage5	ENSMUSG000000021000	453	0.28	0.17	0.08	0.15	0.09	0.12
chr13	108687841	108681654	Zswim6	ENSMUSG000000032846	61	0.21	0.1	0.1	0.1	0.06	0.11
chr13	24853428	24854039	Gmnn	ENSMUSG000000006715	-3	0.38	0.24	0.1	0.1	0.07	0.12
chr13	49310916	49311757	1110007C09Rik	ENSMUSG000000037960	-199	0.23	0.08	0.08	0.12	0.05	0.11
chr13	9275651	9275931	Dip2c	ENSMUSG000000048264	17	0.33	0.35	0.09	0.12	0.11	0.13

chr13	46058766	46060829	Atxn1	ENSMUSG00000046876	529	0.2	0.16	0.11	0.18	0.07	0.17
chr13	96294253	96295390	F2r11	ENSMUSG00000021678	374	0.45	0.31	0.14	0.27	0.13	0.19
chr14	46276780	46278103	Ddhd1	ENSMUSG00000037697	-365	0.25	0.12	0.09	0.09	0.07	0.14
chr14	14844947	14845641	Atxn7	ENSMUSG00000021738	289	0.37	0.16	0.12	0.14	0.16	0.14
chr14	55530996	55531952	Slc22a17	ENSMUSG00000022199	253	0.3	0.15	0.11	0.14	0.11	0.13
chr15	11925006	11925862	Sub1	ENSMUSG00000022205	71	0.37	0.21	0.11	0.13	0.09	0.16
chr15	76307592	76308341	Bop1	ENSMUSG00000022557	-288	0.29	0.1	0.09	0.12	0.11	0.12
chr16	91010885	91011843	Synj1	ENSMUSG00000022973	-59	0.36	0.15	0.08	0.13	0.08	0.14
chr17	66425646	66426939	Ankrd12	ENSMUSG00000034647	70	0.25	0.14	0.09	0.13	0.08	0.1
chr18	16966592	16968144	Cdh2	ENSMUSG00000024304	-397	0.31	0.13	0.1	0.16	0.11	0.14
chr19	54119545	54122174	Adra2a	ENSMUSG00000033717	1187	0.34	0.19	0.12	0.19	0.12	0.16
chr19	45080296	45081313	Peo1	ENSMUSG00000025209	241	0.36	0.18	0.1	0.15	0.09	0.15
chr2	154616416	154617899	Raly	ENSMUSG00000027593	325	0.39	0.12	0.08	0.17	0.09	0.11
chr2	70499403	70500081	Gorasp2	ENSMUSG00000014959	109	0.22	0.09	0.1	0.12	0.07	0.08
chr3	32716239	32716881	Usp13	ENSMUSG00000056900	92	0.28	0.1	0.09	0.11	0.06	0.13
chr3	146475320	146476329	Prkacb	ENSMUSG0000005034	100	0.33	0.24	0.15	0.18	0.14	0.17
chr4	146561384	146562062	Gm13146	ENSMUSG00000084002	-94	0.79	0.72	0.76	0.76	0.55	0.7
chr4	134408385	134410113	Tmem57	ENSMUSG00000028826	-185	0.25	0.15	0.1	0.13	0.09	0.13
chr4	124538911	124539689	Maneal	ENSMUSG00000042763	115	0.22	0.13	0.09	0.11	0.08	0.1
chr4	100937136	100937926	Jak1	ENSMUSG00000028530	297	0.34	0.16	0.12	0.21	0.12	0.16
chr4	146230587	146231025	Gm13168	ENSMUSG00000081460	-154	0.29	0.26	0.26	0.43	0.07	0.09
chr4	82505124	82505705	Zdhhc21	ENSMUSG00000028403	44	0.39	0.11	0.09	0.12	0.12	0.12
chr5	120130416	120131026	Tbx3	ENSMUSG00000018604	-39	0.32	0.13	0.12	0.15	0.08	0.14
chr5	33773088	33778201	Nkx1-1	ENSMUSG00000029112	-1800	0.24	0.19	0.12	0.16	0.1	0.15
chr5	77286325	77287530	C530008M17Rik	ENSMUSG00000036377	-940	0.84	0.78	0.62	0.65	0.55	0.65
chr5	100467391	100469341	Hnrpd1	ENSMUSG00000029328	-478	0.23	0.18	0.1	0.16	0.08	0.14
chr5	20560999	20561844	Ptpn12	ENSMUSG00000028771	122	0.39	0.28	0.09	0.17	0.1	0.16
chr5	145118472	145119468	Baiap211	ENSMUSG00000038859	11	0.36	0.13	0.12	0.11	0.1	0.17
chr5	73881798	73883875	Dcun1d4	ENSMUSG00000051674	571	0.35	0.21	0.12	0.19	0.13	0.18
chr5	123299915	123300634	Rnf34	ENSMUSG00000029474	77	0.32	0.15	0.12	0.11	0.06	0.18

chr5	77017619	77018221	Cep135	ENSMUSG00000036403	197	0.33	0.28	0.11	0.11	0.12	0.12
chr6	66485123	66485713	Mad211	ENSMUSG00000029910	34	0.46	0.23	0.12	0.17	0.17	0.14
chr7	69608470	69609420	Peg12	ENSMUSG00000070526	451	0.39	0.25	0.31	0.28	0.19	0.26
chr7	91299619	91300834	Fam108c	ENSMUSG00000038459	177	0.23	0.11	0.09	0.14	0.11	0.13
chr9	31720432	31722817	Barx2	ENSMUSG00000032033	-577	0.25	0.08	0.13	0.13	0.07	0.2
chr9	59333525	59334845	Arih1	ENSMUSG00000025234	-322	0.35	0.2	0.1	0.15	0.17	0.14
chr11	58775297	58775717	Gm12260	ENSMUSG00000080152	193	0.83	0.37	0.72	0.87	0.25	0.66
chr11	84333674	84334015	Lhx1	ENSMUSG00000018698	1725	0.6	0.3	0.16	0.26	0.2	0.33
chr11	70043843	70044162	Bcl6b	ENSMUSG00000000317	-702	0.55	0.24	0.1	0.16	0.12	0.17
chr13	69948718	69949099	Med10	ENSMUSG00000021598	148	0.57	0.11	0.08	0.14	0.13	0.11
chr14	31438562	31439518	Prkcd	ENSMUSG00000021948	318	0.66	0.13	0.11	0.16	0.09	0.2
chr14	58617707	58618246	Efha1	ENSMUSG00000021973	123	0.43	0.22	0.09	0.12	0.09	0.15
chr14	45838993	45840165	Txndc16	ENSMUSG00000021830	-540	0.62	0.17	0.15	0.18	0.15	0.12
chr15	81877410	81878079	Nhp211	ENSMUSG00000063480	221	0.52	0.25	0.11	0.13	0.07	0.16
chr15	79435316	79435549	Dmc1	ENSMUSG00000022429	82	0.7	0.38	0.11	0.34	0.34	0.17
chr15	58046034	58046641	Fbxo32	ENSMUSG00000022358	96	0.52	0.14	0.1	0.17	0.07	0.15
chr16	11134169	11135061	Txndc11	ENSMUSG00000022498	31	0.53	0.22	0.1	0.15	0.18	0.13
chr17	35496048	35496609	H2-Q3	ENSMUSG00000092253	394	0.57	0.12	0.17	0.17	0.1	0.21
chr17	31523224	31523587	Pde9a	ENSMUSG00000041119	166	0.72	1	0.08	0.28	0.16	0.14
chr18	89938536	89938990	Dok6	ENSMUSG00000073514	157	0.57	0.25	0.09	0.15	0.1	0.13
chr18	62071166	62071548	Ablim3	ENSMUSG00000032735	121	0.39	0.12	0.08	0.15	0.05	0.15
chr18	58818883	58819584	Isoc1	ENSMUSG00000024601	97	0.6	0.16	0.11	0.14	0.07	0.15
chr19	8845454	8845812	Tmem223	ENSMUSG00000075043	147	0.56	0.12	0.15	0.32	0.12	0.23
chr19	36131091	36132271	Htr7	ENSMUSG00000024798	149	0.76	0.5	0.19	0.28	0.24	0.22
chr2	150326257	150326645	Gm14121	ENSMUSG00000083325	130	0.81	0.43	0.3	0.6	0.28	0.37
chr2	93173759	93174663	Tspan18	ENSMUSG00000027217	396	0.42	0.22	0.12	0.13	0.09	0.12
chr2	117075410	117075922	Fam98b	ENSMUSG00000027349	191	0.71	0.54	0.19	0.2	0.18	0.3
chr2	106814344	106814585	2700007P21Rik	ENSMUSG00000027122	90	0.58	0.06	0.11	0.2	0.07	0.13
chr2	32237022	32237709	1110008P14Rik	ENSMUSG00000039195	17	0.59	0.14	0.07	0.16	0.18	0.13
chr2	164859547	164860534	Ncoa5	ENSMUSG00000039804	247	0.52	0.2	0.15	0.19	0.19	0.2

chr3	32428301	32428763	Mfn1	ENSMUSG00000027668	145	0.68	0.21	0.12	0.2	0.19	0.19
chr4	19968949	19969510	Ggh	ENSMUSG00000073987	30	0.6	0.13	0.12	0.15	0.07	0.13
chr4	48057606	48058597	Nr4a3	ENSMUSG00000028341	76	0.48	0.35	0.09	0.14	0.12	0.18
chr5	93634791	93635865	Ccni	ENSMUSG00000063015	-375	0.48	0.14	0.07	0.17	0.1	0.16
chr6	127984347	127985125	Tspan9	ENSMUSG00000030352	-126	0.4	0.1	0.12	0.18	0.06	0.18
chr6	14851455	14851980	Foxp2	ENSMUSG00000029563	240	0.48	0.67	0.19	0.15	0.05	0.15
chr6	137200855	137201420	Ptpro	ENSMUSG00000030223	317	0.41	0.19	0.1	0.09	0.05	0.1
chr6	85075986	85076187	Gm5878	ENSMUSG00000072952	33	0.7	0.57	0.11	0.13	0.32	0.13
chr8	124956495	124956869	Cyba	ENSMUSG00000006519	126	0.6	0.3	0.15	0.16	0.12	0.35
chr9	98886597	98887305	Faim	ENSMUSG00000032463	159	0.53	0.1	0.09	0.18	0.07	0.17
chr9	44728453	44728809	Atp5l	ENSMUSG00000038717	194	0.52	0.18	0.14	0.14	0.19	0.19
chr9	72380149	72380455	Rfx7	ENSMUSG00000037674	-114	0.6	0.16	0.15	0.12	0.08	0.12
chr10	105010496	105011506	Gm15663	ENSMUSG00000085282	-8	0.75	0.47	0.19	0.23	0.09	0.15
chr11	102786113	102786588	Kif18b	ENSMUSG00000051378	52	1	0.32	0.11	0.21	0.13	0.22
chr11	61770239	61770873	Specc1	ENSMUSG00000042331	275	1	0.24	0.31	0.07	0.07	0.1
chr17	64680714	64681639	CT010479.2	ENSMUSG00000092824	-29	0.74	0.12	0.08	0.09	0.09	0.16
chr18	69505681	69506159	Tcf4	ENSMUSG00000053477	63	0.85	0.2	0.09	0.14	0.08	0.1
chr18	67503609	67503836	B430212C06Rik	ENSMUSG00000046415	35	0.9	0.68	0.07	0.21	0.09	0.18
chr2	180869332	180869916	Kcnq2	ENSMUSG00000016346	3	0.89	0.31	0.1	0.19	0.11	0.14
chr2	125608234	125608648	Secisbp2l	ENSMUSG00000035093	165	0.89	0.34	0.13	0.22	0.17	0.15
chr3	108247677	108248190	Sars	ENSMUSG00000068739	128	0.95	0.39	0.21	0.5	0.24	0.28
chr4	40800543	40801637	B4galt1	ENSMUSG00000028413	-52	0.8	0.2	0.13	0.2	0.14	0.23
chr4	33037466	33038054	Ankrd6	ENSMUSG00000040183	41	0.75	0.19	0.12	0.16	0.08	0.12
chr7	28954605	28955236	Fbl	ENSMUSG00000046865	155	1	0.07	0.07	0.12	0.05	0.1
chr11	98656068	98657789	Msl1	ENSMUSG00000052915	98	0.09	0.22	0.11	0.13	0.33	0.14
chr8	125856539	125857055	Spire2	ENSMUSG00000010154	184	0.07	0.18	0.09	0.16	0.39	0.15
chr15	88990868	88991540	Plxnb2	ENSMUSG00000036606	773	0.45	0.62	0.66	0.71	0.92	0.87
chr19	56900646	56901012	Tdrd1	ENSMUSG00000025081	130	0.18	0.85	0.74	0.83	0.71	0.71
chr7	19979387	19979661	Ercc2	ENSMUSG00000030400	514	0.28	0.27	0.78	0.75	0.87	0.9
chr2	42508372	42508661	Lrp1b	ENSMUSG00000049252	19	0.06	0.2	0.08	0.09	0.79	0.15

chr8	4275696	4275947	Timm44	ENSMUSG00000002949	50	0.07	0.43	0.27	0.3	1	0.25
chr1	75500297	75500536	Obsl1	ENSMUSG000000026211	-161	0.35	0.4	0.75	0.77	0.72	0.74
chr1	122017494	122017857	Dbi	ENSMUSG000000026385	-179	1	0.09	0.12	0.13	0.11	0.17
chr1	161161912	161162667	Rfwd2	ENSMUSG000000040782	-168	0.11	0.2	0.08	0.14	0.61	0.14
chr1	24685355	24685922	Lmbrd1	ENSMUSG000000073725	255	0.61	0.28	0.15	0.12	0.06	0.18
chr1	33964302	33964538	Bend6	ENSMUSG000000042182	184	1	1	0.15	0.14	0.11	0.09
chr1	183282508	183283038	Cnih3	ENSMUSG000000026514	14	0.65	0.38	0.2	0.21	0.17	0.31
chr1	155033065	155033417	Lamc2	ENSMUSG000000026479	336	0.58	0.18	0.13	0.2	0.16	0.14
chr1	89083149	89083802	Prss56	ENSMUSG000000036480	235	0.55	0.08	0.09	0.13	0.11	0.12
chr1	167637914	167638190	Rcsd1	ENSMUSG000000040723	173	0.11	0.12	0.1	0.12	0.45	0.14
chr1	171899076	171899562	Hsd17b7	ENSMUSG000000026675	53	0.29	0.11	0.12	0.18	0.1	0.14
chr1	168168628	168169096	Mael	ENSMUSG000000040629	13	0.96	0.96	0.9	0.98	0.84	0.93
chr1	91350943	91352450	Agap1	ENSMUSG000000055013	315	0.19	0.11	0.1	0.15	0.11	0.12
chr1	182780651	182781442	BC031781	ENSMUSG000000038806	-236	0.39	0.25	0.1	0.12	0.11	0.12
chr1	164670102	164670804	Prrc2c	ENSMUSG000000040225	228	0.38	0.39	0.13	0.2	0.09	0.2
chr1	153191355	153192554	Ivns1abp	ENSMUSG000000023150	326	0.24	0.14	0.09	0.18	0.11	0.11
chr1	21951084	21952205	Kcnq5	ENSMUSG000000028033	18	0.39	0.19	0.09	0.17	0.17	0.17
chr1	95341508	95342343	Hdlbp	ENSMUSG000000034088	338	0.19	0.11	0.12	0.11	0.09	0.16
chr1	157405277	157405924	Acbd6	ENSMUSG000000033701	341	0.15	0.08	0.09	0.13	0.05	0.17
chr1	59538795	59540781	Fzd7	ENSMUSG000000041075	797	0.05	0.09	0.1	0.14	0.15	0.13
chr1	138027852	138028503	Kif21b	ENSMUSG000000041642	211	0.16	0.15	0.1	0.17	0.06	0.14
chr1	39534968	39535842	Tbc1d8	ENSMUSG000000003134	187	0.46	0.31	0.17	0.13	0.21	0.19
chr1	182867112	182867323	Lefty1	ENSMUSG000000038793	215	0.21	0.13	0.17	0.12	0.06	0.2
chr1	94807087	94808104	5033417F24Rik	ENSMUSG000000091828	-254	0.13	0.1	0.08	0.13	0.06	0.11
chr1	108692819	108693358	Vps4b	ENSMUSG000000009907	66	0.47	0.16	0.11	0.16	0.11	0.09
chr1	54982569	54983461	Ankrd44	ENSMUSG000000052331	216	0.18	0.09	0.13	0.13	0.09	0.16
chr1	167931596	167933716	Pou2f1	ENSMUSG000000026565	84	0.21	0.22	0.13	0.16	0.12	0.13
chr1	181889651	181890700	Cdc42bpa	ENSMUSG000000026490	-428	0.26	0.24	0.1	0.12	0.12	0.12
chr1	157005678	157006410	Stx6	ENSMUSG000000026470	211	0.28	0.13	0.09	0.15	0.13	0.12
chr1	138311799	138312255	Ddx59	ENSMUSG000000026404	179	0.05	0.12	0.09	0.13	0.13	0.11

chr1	31005671	31007061	Ptp4a1	ENSMUSG00000026064	-213	0.11	0.12	0.11	0.14	0.04	0.12
chr1	167564246	167564918	Mpzl1	ENSMUSG00000026566	90	0.11	0.06	0.07	0.11	0.04	0.11
chr1	182570898	182572012	Lin9	ENSMUSG00000058729	-43	0.15	0.1	0.12	0.12	0.09	0.12
chr1	137180108	137180699	Rnpep	ENSMUSG00000041926	258	0.17	0.11	0.08	0.18	0.07	0.16
chr1	38683638	38684929	Aff3	ENSMUSG00000037138	-253	0.15	0.12	0.09	0.14	0.07	0.16
chr1	88199715	88200559	B3gnt7	ENSMUSG00000079445	341	0.07	0.09	0.09	0.14	0.14	0.15
chr1	158488627	158489569	Abl2	ENSMUSG00000026596	181	0.46	0.14	0.14	0.25	0.22	0.15
chr1	58768286	58768608	Cflar	ENSMUSG00000026031	95	0.08	0.19	0.11	0.09	0.18	0.14
chr1	52783635	52784373	Mfsd6	ENSMUSG00000041439	158	0.2	0.19	0.12	0.15	0.11	0.11
chr1	9535350	9536349	Rrs1	ENSMUSG00000061024	360	0.11	0.22	0.17	0.21	0.2	0.18
chr1	135975384	135976015	Btg2	ENSMUSG00000020423	-2	0.35	0.09	0.11	0.21	0.09	0.13
chr1	75232994	75233535	Dnajb2	ENSMUSG00000026203	224	0.11	0.09	0.08	0.11	0.35	0.15
chr1	95698267	95698755	Dtymk	ENSMUSG00000026281	-28	0.23	0.11	0.12	0.19	0.08	0.16
chr1	158134813	158135215	Fam163a	ENSMUSG00000015484	142	0.3	0.24	0.2	0.24	0.17	0.16
chr1	39044344	39044897	Pdcl3	ENSMUSG00000026078	-39	0.19	0.2	0.1	0.12	0.1	0.15
chr1	107560403	107561224	2310035C23Rik	ENSMUSG00000026319	375	0.5	0.17	0.11	0.23	0.15	0.16
chr1	66514596	66515197	Unc80	ENSMUSG00000055567	-45	0.13	0.18	0.1	0.18	0.06	0.09
chr1	74647668	74648033	Rnf25	ENSMUSG00000026171	69	0.19	0.11	0.1	0.22	1	0.18
chr1	93391041	93391486	Traf3ip1	ENSMUSG00000034292	18	0.17	0.1	0.09	0.1	0.08	0.11
chr1	98768721	98769006	Slco4c1	ENSMUSG00000040693	-115	0.45	0.3	0.16	0.29	0.17	0.14
chr1	172994070	172996091	Fcgr3	ENSMUSG00000059498	-14	0.06	0.02	0.08	0.1	0.02	0.09
chr1	174012670	174013290	Copa	ENSMUSG00000026553	206	0.29	0.86	0.13	0.19	0.09	0.22
chr1	39250263	39251280	Npas2	ENSMUSG00000026077	195	0.22	0.26	0.14	0.22	0.1	0.16
chr1	46909541	46910898	Slc39a10	ENSMUSG00000025986	672	0.13	0.09	0.07	0.12	0.07	0.11
chr1	140752877	140753398	2310009B15Rik	ENSMUSG00000079283	294	0.87	0.2	0.11	0.22	0.33	0.11
chr1	180248338	180249442	B230369F24Rik	ENSMUSG000000086350	-210	0.21	0.15	0.12	0.15	0.09	0.17
chr1	193541613	193543014	Lpgat1	ENSMUSG00000026623	600	0.21	0.15	0.09	0.12	0.11	0.11
chr1	74930875	74932187	Fev	ENSMUSG00000055197	-349	0.29	0.14	0.14	0.19	0.12	0.2
chr1	134942555	134943286	Pik3c2b	ENSMUSG00000026447	331	0.12	0.09	0.1	0.13	0.24	0.09
chr1	38185893	38187053	Rev1	ENSMUSG00000026082	34	0.08	0.13	0.09	0.15	0.16	0.12

chr1	94728263	94729442	Gpc1	ENSMUSG00000034220	630	0.12	0.1	0.1	0.09	0.07	0.11
chr1	57434318	57434863	4930558J18Rik	ENSMUSG000000084958	-242	0.13	0.14	0.1	0.14	0.07	0.08
chr1	192752326	192752853	Angel2	ENSMUSG000000026634	220	0.17	0.08	0.14	0.12	0.07	0.1
chr1	138156346	138157491	Gpr25	ENSMUSG000000052759	532	0.16	0.14	0.14	0.12	0.29	0.13
chr1	79668149	79668512	Ap1s3	ENSMUSG000000054702	210	0.1	0.12	0.12	0.19	0.03	0.24
chr1	129999856	130000557	R3hdm1	ENSMUSG000000056211	323	0.1	0.09	0.18	0.16	0.24	0.13
chr1	64781421	64784553	Fzd5	ENSMUSG000000045005	1337	0.24	0.24	0.11	0.17	0.16	0.14
chr1	121970256	121970508	Tmem37	ENSMUSG000000050777	269	1	1	0.11	0.15	0.09	0.12
chr1	37486622	37487260	6330578E17Rik	ENSMUSG000000026112	7	0.38	0.22	0.09	0.1	0.09	0.16
chr1	74818260	74818783	Wnt6	ENSMUSG000000033227	55	0.08	0.17	0.09	0.13	0.23	0.11
chr1	172797643	172797989	Atf6	ENSMUSG000000026663	86	0.11	0.19	0.12	0.28	0.26	0.32
chr1	184447129	184447951	Capn2	ENSMUSG000000026509	48	0.11	0.14	0.1	0.13	0.19	0.1
chr1	74708246	74708738	Ttli4	ENSMUSG000000033257	173	0.5	0.32	0.11	0.14	0.2	0.13
chr1	38892646	38893621	Lonrf2	ENSMUSG000000048814	-198	0.09	0.08	0.07	0.11	0.14	0.11
chr1	74379023	74379398	Pnkd	ENSMUSG000000026179	26	0.19	0.15	0.11	0.13	0.06	0.24
chr1	55083717	55084449	Sf3b1	ENSMUSG000000025982	239	0.25	0.2	0.13	0.16	0.11	0.22
chr1	15276499	15277259	Kcnb2	ENSMUSG000000092083	-461	0.33	0.24	0.16	0.15	0.19	0.13
chr1	66863010	66864441	1110028C15Rik	ENSMUSG000000026004	395	0.09	0.08	0.1	0.12	0.05	0.09
chr1	55462426	55463492	Plcl1	ENSMUSG000000038349	-273	0.18	0.13	0.1	0.17	0.09	0.11
chr1	95531678	95532555	Stk25	ENSMUSG000000026277	-60	0.11	0.07	0.1	0.15	0.05	0.15
chr1	64578941	64580312	Creb1	ENSMUSG000000025958	248	0.15	0.12	0.1	0.13	0.09	0.16
chr1	137715085	137715585	Lad1	ENSMUSG000000041782	160	0.07	0.22	0.11	0.25	0.2	0.15
chr1	134195135	134195846	Klhdc8a	ENSMUSG000000042115	287	0.08	0.16	0.1	0.11	0.13	0.15
chr1	155334111	155334908	Dhx9	ENSMUSG000000042699	281	0.5	0.2	0.12	0.14	0.2	0.14
chr1	184338793	184339742	Gm10517	ENSMUSG000000073482	-116	0.25	0.21	0.12	0.15	0.17	0.17
chr1	145851259	145851639	Rgs2	ENSMUSG000000026360	-184	0.75	0.33	0.11	0.21	0.2	0.26
chr1	87689902	87691066	Cab39	ENSMUSG000000036707	468	0.31	0.15	0.16	0.17	0.18	0.13
chr1	134125580	134125957	Gm10188	ENSMUSG000000066936	576	0.62	0.73	0.95	0.85	0.86	0.97
chr1	176431860	176432671	Fmn2	ENSMUSG000000028354	309	0.11	0.11	0.21	0.19	1	0.21
chr1	52874050	52874706	Inpp1	ENSMUSG000000026102	-83	0.19	0.17	0.13	0.16	0.09	0.13

chr1	193730475	193731576	Slc30a1	ENSMUSG000000037434	379	0.13	0.23	0.08	0.16	0.24	0.16
chr1	38053791	38054304	Txndc9	ENSMUSG000000058407	4	0.17	0.17	0.14	0.14	0.07	0.13
chr1	129573805	129574714	Tmem163	ENSMUSG000000026347	414	0.3	0.18	0.1	0.1	0.15	0.16
chr1	153936746	153937458	1700025G04Rik	ENSMUSG000000032666	348	0.11	0.1	0.08	0.11	0.22	0.2
chr1	168930722	168931994	Gm16701	ENSMUSG000000086622	-386	0.09	0.17	0.1	0.15	0.13	0.14
chr1	60466122	60467095	Abi2	ENSMUSG000000026782	69	0.28	0.21	0.14	0.15	0.14	0.14
chr1	23928558	23929393	Smap1	ENSMUSG000000026155	181	0.12	0.14	0.07	0.11	0.08	0.1
chr1	178743499	178744854	Cep170	ENSMUSG000000057335	22	0.08	0.06	0.14	0.14	0.24	0.17
chr1	171461420	171461730	Nuf2	ENSMUSG000000026683	-16	0.07	0.11	0.07	0.27	0.24	0.25
chr1	178204764	178205703	Pld5	ENSMUSG000000055214	172	0.27	0.34	0.14	0.19	0.12	0.18
chr1	182742623	182744487	H3f3a	ENSMUSG000000060743	110	0.07	0.07	0.1	0.14	0.11	0.14
chr1	136311825	136312536	Adipor1	ENSMUSG000000026457	225	0.06	0.06	0.08	0.1	0.11	0.11
chr1	153418443	153418885	Fam129a	ENSMUSG000000026483	161	0.21	0.17	0.11	0.2	0.1	0.13
chr1	167124042	167124706	Sft2d2	ENSMUSG000000040848	190	0.27	0.17	0.14	0.15	0.16	0.14
chr1	157882662	157883516	Tor1aip2	ENSMUSG000000079252	233	0.37	0.2	0.08	0.2	0.22	0.14
chr1	164478395	164478840	Mettl13	ENSMUSG000000026694	36	0.74	0.14	0.1	0.2	0.32	0.15
chr1	136456657	136458321	Kdm5b	ENSMUSG000000042207	741	0.12	0.2	0.11	0.19	0.18	0.14
chr1	196802467	196803025	A330023F24Rik	ENSMUSG000000073474	177	0.14	0.12	0.16	0.14	0.07	0.12
chr1	10222224	10223509	Arfgef1	ENSMUSG000000067851	-115	0.28	0.22	0.1	0.18	0.19	0.12
chr1	159341917	159342960	Rasal2	ENSMUSG000000070565	-373	0.17	0.14	0.12	0.12	0.11	0.14
chr1	13650312	13650813	Lactb2	ENSMUSG000000025937	65	0.07	0.07	0.13	0.16	0.12	0.12
chr1	158869093	158870138	Ralgps2	ENSMUSG000000026594	-97	0.25	0.18	0.11	0.18	0.18	0.12
chr1	74552035	74553393	Rqcd1	ENSMUSG000000026174	82	0.27	0.21	0.1	0.19	0.16	0.11
chr1	5906509	5907555	Npbwr1	ENSMUSG000000033774	447	0.25	0.28	0.23	0.36	0.08	0.16
chr1	89160781	89161531	Efh1	ENSMUSG000000026255	218	0.2	0.18	0.11	0.13	0.11	0.16
chr1	133049602	133049906	Eif2d	ENSMUSG000000026427	-4	0.07	0.38	0.11	0.23	0.2	0.2
chr1	165859915	165860542	Scyl3	ENSMUSG000000026584	307	0.1	0.08	0.09	0.1	0.05	0.09
chr1	180206228	180206716	4930527J03Rik	ENSMUSG000000070489	298	0.11	0.08	0.13	0.09	0.06	0.09
chr1	184212225	184213002	Degs1	ENSMUSG000000038633	-258	0.21	0.27	0.11	0.15	0.13	0.13
chr1	43884159	43884980	Uxs1	ENSMUSG000000057363	17	0.33	0.11	0.17	0.19	0.11	0.12

chr1	65225478	65225947	Idh1	ENSMUSG00000025950	4	0.33	0.61	0.12	0.14	1	0.17
chr1	77510924	77512028	Epha4	ENSMUSG00000026235	187	0.16	0.31	0.1	0.19	0.31	0.17
chr1	63492289	63493103	Adam23	ENSMUSG00000025964	231	0.25	0.26	0.13	0.24	0.17	0.15
chr1	128389274	128389517	Nckap5	ENSMUSG00000049690	-76	0.12	0.11	0.16	0.2	0.5	0.17
chr1	53409308	53409621	Asnsd1	ENSMUSG00000026095	-50	0.07	0.08	0.07	0.15	0.21	0.13
chr1	121400999	121401574	Ralb	ENSMUSG00000004451	85	0.19	0.13	0.12	0.15	0.1	0.15
chr1	132993386	132994424	Mapkapk2	ENSMUSG00000016528	239	0.21	0.15	0.13	0.23	0.15	0.17
chr1	194979063	194979606	Irf6	ENSMUSG00000026638	28	0.18	0.15	0.19	0.27	0.1	0.16
chr1	84692073	84692320	Mir5126	ENSMUSG00000093254	-218	0.47	0.16	0.08	0.23	0.18	0.16
chr1	88255186	88256582	Ncl	ENSMUSG00000026234	146	0.19	0.15	0.12	0.17	0.09	0.16
chr1	93308957	93309957	Hes6	ENSMUSG00000067071	328	0.16	0.2	0.08	0.12	0.1	0.13
chr1	37597160	37597765	Mgat4a	ENSMUSG00000026110	399	0.22	0.14	0.07	0.12	0.09	0.13
chr1	130313401	130314019	Dars	ENSMUSG00000026356	283	0.11	0.68	0.12	0.2	0.32	0.16
chr1	36748167	36748714	Cox5b	ENSMUSG00000061518	108	0.29	0.33	0.13	0.21	0.16	0.14
chr1	43009637	43010388	Gpr45	ENSMUSG00000079587	293	0.1	0.14	0.12	0.12	0.19	0.13
chr1	75381493	75381755	Speg	ENSMUSG00000026207	221	0.56	1	0.56	0.33	0.9	0.69
chr1	94370037	94370541	Ndufa10	ENSMUSG00000026260	148	0.11	0.1	0.11	0.16	0.07	0.13
chr1	167166514	167167249	Tipr1	ENSMUSG00000040843	172	1	NA	0.1	0.25	0.33	0.43
chr1	155272285	155272721	1700012A16Rik	ENSMUSG00000042708	211	0.28	1	0.17	0.34	0.7	0.19
chr1	193645128	193645850	Nek2	ENSMUSG00000026622	166	0.16	0.08	0.1	0.1	0.1	0.11
chr1	93146868	93147430	Ube2f	ENSMUSG00000034343	261	0.05	0.11	0.08	0.1	0.09	0.13
chr1	130140676	130141549	Ubxn4	ENSMUSG00000026353	354	0.07	0.09	0.1	0.21	0.15	0.16
chr1	20809969	20810378	Mcm3	ENSMUSG00000041859	186	0.2	0.11	0.1	0.22	0.09	0.18
chr1	52557352	52557671	Nab1	ENSMUSG00000002881	12	0.31	0.14	0.11	0.15	0.17	0.15
chr1	166179170	166179817	Slc19a2	ENSMUSG00000040918	316	0.3	0.14	0.14	0.19	0.08	0.3
chr1	16655227	16655707	Tmem70	ENSMUSG00000025940	179	0.23	0.12	0.11	0.13	0.12	0.14
chr1	75518006	75518560	Stk11ip	ENSMUSG00000026213	179	1	0.13	0.09	0.18	0.05	0.18
chr1	84835029	84836875	Trip12	ENSMUSG00000026219	-73	0.11	0.27	0.17	0.19	0.16	0.15
chr1	154233443	154233874	Tsen15	ENSMUSG00000014980	64	0.25	0.25	0.12	0.3	0.16	0.21
chr1	30929953	30930871	Phf3	ENSMUSG00000048874	127	0.14	0.12	0.08	0.16	0.09	0.1

chr1	157588247	157590376	Lhx4	ENSMUSG00000026468	-61	0.12	0.15	0.08	0.13	0.08	0.14
chr1	167389710	167391695	Dcaf6	ENSMUSG00000026571	-106	0.15	0.28	0.1	0.18	0.22	0.15
chr1	38054668	38055520	Eif5b	ENSMUSG00000026083	239	0.14	0.1	0.11	0.11	0.09	0.13
chr1	74437906	74439004	Ctdsp1	ENSMUSG00000026176	372	0.11	0.08	0.13	0.13	0.08	0.13
chr1	75475244	75476361	Chpf	ENSMUSG00000032997	-481	0.1	0.11	0.1	0.17	0.14	0.12
chr1	181447862	181448198	Smyd3	ENSMUSG00000055067	52	0.5	0.31	0.08	0.17	0.19	0.14
chr1	62749412	62750322	Nrp2	ENSMUSG00000025969	8	0.07	0.12	0.11	0.17	0.11	0.13
chr1	94538303	94538622	Myeov2	ENSMUSG00000073616	38	0.6	1	0.28	1	0.26	0.26
chr1	97210095	97210823	Fam174a	ENSMUSG00000051185	254	0.12	0.27	0.11	0.13	0.17	0.16
chr1	75165132	75165516	Zfand2b	ENSMUSG00000026197	104	0.1	0.15	0.09	0.15	0.17	0.12
chr1	182655893	182656846	Acbd3	ENSMUSG00000026499	195	0.13	0.15	0.11	0.16	0.08	0.12
chr1	63319637	63320487	Gm11608	ENSMUSG00000087561	-373	0.07	0.1	0.1	0.19	0.11	0.12
chr1	122499420	122500567	En1	ENSMUSG00000058665	998	0.2	0.13	0.25	0.25	0.14	0.17
chr1	192849403	192850366	Mfsd7b	ENSMUSG00000066595	185	0.11	0.13	0.1	0.11	0.07	0.11
chr1	10029826	10030360	Cspp1	ENSMUSG00000056763	239	0.11	0.08	0.12	0.14	0.06	0.15
chr1	157659563	157660287	Qsox1	ENSMUSG00000033684	25	0.31	0.27	0.14	0.15	0.17	0.19
chr1	183081022	183081476	Cnih4	ENSMUSG00000062169	187	0.28	0.24	0.13	0.12	0.19	0.17
chr1	44204455	44205058	Erc5	ENSMUSG00000026048	167	0.26	0.13	0.13	0.2	0.16	0.18
chr1	82286770	82288397	Irs1	ENSMUSG00000055980	408	0.13	0.43	0.08	0.16	0.08	0.18
chr1	90967011	90967820	Sh3bp4	ENSMUSG00000036206	387	0.24	0.22	0.1	0.09	0.11	0.16
chr1	132774770	132775112	Faim3	ENSMUSG00000042474	33	0.14	0.1	0.1	0.19	0.07	0.13
chr1	168309438	168310107	Tada1	ENSMUSG00000026563	324	0.18	0.11	0.1	0.15	0.11	0.16
chr1	17086845	17088220	Jph1	ENSMUSG00000042686	347	0.19	0.17	0.09	0.15	0.14	0.14
chr1	173126056	173126286	Pcp4l1	ENSMUSG00000038370	228	0.09	0.05	0.09	0.12	0.21	0.14
chr1	180457418	180461026	Kif26b	ENSMUSG00000026494	-34	0.12	0.2	0.12	0.16	0.16	0.14
chr1	55109351	55110141	Coq10b	ENSMUSG00000025981	132	0.17	0.27	0.11	0.17	0.13	0.13
chr1	72757435	72758292	Rpl37a	ENSMUSG00000046330	29	0.11	0.09	0.11	0.17	0.18	0.17
chr1	145586517	145586886	Glrx2	ENSMUSG00000018196	14	0.14	0.09	0.08	0.09	0.07	0.24
chr1	57462981	57463911	9430016H08Rik	ENSMUSG00000025971	274	0.14	0.14	0.1	0.16	0.25	0.17
chr1	89406115	89407132	Neu2	ENSMUSG00000079434	159	0.11	0.13	0.09	0.13	0.08	0.1

chr1	172519410	172520189	Nos1ap	ENSMUSG00000038473	-371	0.12	0.13	0.15	0.09	0.09	0.16
chr1	10028031	10028296	Cops5	ENSMUSG00000025917	45	0.12	0.43	0.14	0.27	0.24	0.15
chr1	75378499	75378962	Speg	ENSMUSG00000026207	41	0.3	0.36	0.18	0.19	0.46	0.19
chr1	93436894	93437649	Asb1	ENSMUSG00000026311	129	0.18	0.07	0.1	0.13	0.1	0.12
chr1	163180948	163181409	Prdx6	ENSMUSG00000026701	74	0.19	0.13	0.17	0.13	0.33	0.11
chr1	23768661	23770043	B3gat2	ENSMUSG00000026156	587	0.12	0.08	0.12	0.16	0.08	0.14
chr1	39633370	39634372	Rnf149	ENSMUSG00000048234	379	0.18	0.13	0.15	0.13	0.13	0.16
chr1	84931147	84931629	Slc16a14	ENSMUSG00000026220	312	0.16	0.13	0.1	0.16	0.29	0.19
chr1	87791049	87791481	Itn2c	ENSMUSG00000026223	409	0.68	0.68	0.14	0.28	0.48	0.14
chr1	127331751	127332553	Actr3	ENSMUSG00000026341	-85	0.23	0.19	0.1	0.15	0.15	0.21
chr1	172815137	172815638	Dusp12	ENSMUSG00000026659	-57	0.13	0.1	0.09	0.14	0.07	0.12
chr1	45852220	45852602	Wdr75	ENSMUSG00000025995	117	0.09	0.08	0.08	0.13	0.05	0.17
chr1	127808025	127808826	Lypd1	ENSMUSG00000026344	366	0.1	0.12	0.08	0.23	0.17	0.11
chr1	132612143	132612447	Pfkfb2	ENSMUSG00000026409	16	0.5	0.14	0.17	0.17	0.19	0.13
chr1	153347156	153348271	Rnf2	ENSMUSG00000026484	240	0.08	0.1	0.11	0.15	0.1	0.13
chr1	174078092	174078693	Dcaf8	ENSMUSG00000026554	246	0.22	0.22	0.17	0.22	0.1	0.21
chr1	191511793	191512318	Cenpf	ENSMUSG00000026605	-141	0.29	0.08	0.09	0.23	0.14	0.1
chr1	193398834	193399970	Dtl	ENSMUSG00000037474	11	0.16	0.06	0.09	0.15	0.1	0.1
chr1	193960606	193962494	Gm10516	ENSMUSG00000073476	770	0.11	0.12	0.09	0.15	0.15	0.15
chr1	36995686	36996967	Tmem131	ENSMUSG00000026116	46	0.12	0.09	0.09	0.14	0.1	0.11
chr1	55187901	55188617	Mob4	ENSMUSG00000025979	184	0.25	0.2	0.12	0.19	0.17	0.12
chr1	57027702	57027963	9130024F11Rik	ENSMUSG000000087022	-503	0.13	0.06	0.06	0.05	0.06	0.1
chr1	71148978	71149794	Bard1	ENSMUSG00000026196	334	0.1	0.08	0.09	0.11	0.06	0.1
chr1	133422293	133424974	Srgap2	ENSMUSG00000026425	305	0.2	0.2	0.1	0.13	0.29	0.15
chr1	177555409	177555791	Fh1	ENSMUSG00000026526	104	0.17	0.25	0.12	0.21	0.12	0.17
chr1	189039347	189039679	Gpatch2	ENSMUSG00000039210	126	0.11	0.1	0.08	0.14	0.07	0.13
chr1	194660819	194661245	A730013G03Rik	ENSMUSG00000047384	-119	0.32	0.31	0.14	0.15	0.52	0.19
chr1	121316871	121319454	Inhbb	ENSMUSG00000037035	663	0.09	0.12	0.12	0.14	0.07	0.15
chr1	9838246	9838611	Sgk3	ENSMUSG00000025915	66	0.18	0.15	0.12	0.17	0.13	0.1
chr1	36835929	36836165	Zap70	ENSMUSG00000026117	200	0.84	0.82	0.82	0.74	0.92	0.91

chr1	42750919	42751329	RP23-71K9.1	ENSMUSG00000093778	546	0.09	0.06	0.16	0.16	1	0.17
chr1	71699271	71699932	Apol7d	ENSMUSG00000073652	190	0.14	0.21	0.09	0.16	0.1	0.14
chr1	87961033	87961743	Psmc1	ENSMUSG00000026229	194	0.15	0.09	0.09	0.15	0.2	0.14
chr1	155179133	155180209	Lamc1	ENSMUSG00000026478	245	0.08	0.07	0.1	0.12	0.06	0.13
chr1	16608639	16609482	Ube2w	ENSMUSG00000025939	280	0.11	0.1	0.11	0.14	0.08	0.09
chr1	40737851	40738929	Slc9a2	ENSMUSG00000026062	-167	0.12	0.07	0.09	0.14	0.08	0.12
chr1	137584308	137585061	Nav1	ENSMUSG00000090399	-2	0.15	0.17	0.11	0.16	0.21	0.21
chr1	134313946	134314567	Dstyk	ENSMUSG00000042046	226	0.11	0.15	0.08	0.12	0.18	0.12
chr1	140859971	140860685	Dennd1b	ENSMUSG00000056268	315	0.21	0.12	0.1	0.21	0.16	0.11
chr1	141318673	141319328	Zbtb41	ENSMUSG00000033964	40	0.11	0.09	0.09	0.1	0.06	0.11
chr1	158604186	158604547	Tor3a	ENSMUSG00000060519	79	0.14	0.11	0.09	0.13	0.25	0.1
chr1	15795672	15796189	Terf1	ENSMUSG00000025925	191	0.33	0.18	0.11	0.33	0.08	0.21
chr1	23108726	23109101	4933415F23Rik	ENSMUSG00000073730	179	0.92	0.94	0.75	0.72	0.96	0.96
chr1	84280891	84281187	Pid1	ENSMUSG00000045658	-41	0.08	0.08	0.1	0.16	0.06	0.11
chr1	136258353	136258745	Tmem183a	ENSMUSG00000042305	27	0.27	0.25	0.15	0.19	0.16	0.24
chr1	138362793	138363207	Kif14	ENSMUSG00000041498	-1535	0.2	0.15	0.09	0.16	0.14	0.13
chr1	184694023	184694281	Susd4	ENSMUSG00000038576	9	0.11	0.04	0.08	0.14	0.17	0.15
chr1	186555533	186556924	Hlx	ENSMUSG00000039377	102	0.15	0.13	0.12	0.15	0.1	0.18
chr1	72258323	72258996	Mreg	ENSMUSG00000039395	222	0.13	0.13	0.1	0.11	0.1	0.11
chr1	72282977	72283498	D230017M19Rik	ENSMUSG00000085769	198	0.15	0.27	0.18	0.19	0.32	0.34
chr1	75542839	75543331	Slc4a3	ENSMUSG00000006576	244	0.2	0.1	0.21	0.15	0.14	0.17
chr1	20880515	20880892	6720483E21Rik	ENSMUSG00000087078	-149	0.12	0.17	0.17	0.15	0.2	0.23
chr1	20941743	20941971	Efhc1	ENSMUSG00000041809	88	0.4	0.6	0.81	0.47	0.6	0.17
chr1	80754646	80755360	Dock10	ENSMUSG00000038608	125	0.37	0.42	0.19	0.28	0.24	0.12
chr1	136543243	136543830	Gm3834	ENSMUSG00000091246	-439	0.04	0.06	0.09	0.15	0.15	0.14
chr1	193149725	193150359	Tmem206	ENSMUSG00000026627	251	0.07	0.06	0.11	0.18	0.11	0.09
chr1	134776887	134777523	Lrrn2	ENSMUSG00000026443	273	0.07	0.05	0.07	0.16	0.1	0.12
chr1	154802060	154803381	Nmnat2	ENSMUSG00000042751	489	0.08	0.24	0.18	0.16	0.12	0.15
chr1	7078572	7079352	Pcmdt1	ENSMUSG00000051285	-39	0.11	0.05	0.09	0.13	0.05	0.15
chr1	58480187	58480974	Clk1	ENSMUSG00000026034	330	0.33	0.32	0.11	0.22	0.17	0.1

chr1	59030054	59030961	Trak2	ENSMUSG00000026028	-234	0.17	0.19	0.11	0.23	0.13	0.17
chr1	74838307	74838816	Wnt10a	ENSMUSG00000026167	471	0.43	0.17	0.07	0.11	0.16	0.12
chr1	87942431	87943158	2810459M11Rik	ENSMUSG00000026227	356	0.09	0.09	0.07	0.11	0.07	0.1
chr1	90173788	90174279	Hjurp	ENSMUSG00000044783	48	0.12	0.05	0.07	0.15	0.09	0.1
chr1	162125092	162125541	Mrps14	ENSMUSG00000058267	-30	0.22	0.09	0.08	0.19	0.09	0.11
chr1	173433519	173434331	Alyref2	ENSMUSG00000060244	316	0.46	0.28	0.15	0.27	0.33	0.19
chr1	188529018	188529595	Tgfb2	ENSMUSG00000039239	-137	0.09	0.14	0.1	0.15	0.13	0.14
chr1	191745769	191746277	Smyd2	ENSMUSG00000026603	109	0.05	0.1	0.11	0.12	0.07	0.08
chr1	191994469	191994910	Prox1	ENSMUSG00000010175	-130	0.12	0.04	0.1	0.11	0.05	0.21
chr1	9933866	9934277	Snord87	ENSMUSG00000093178	-1441	0.1	0.27	0.16	0.19	0.15	0.16
chr1	12980799	12981281	Slco5a1	ENSMUSG00000025938	-45	0.07	0.1	0.24	0.34	0.14	0.2
chr1	58449592	58450741	Bzw1	ENSMUSG00000051223	186	0.22	0.16	0.13	0.17	0.18	0.14
chr1	193219957	193221680	Ppp2r5a	ENSMUSG00000026626	101	0.14	0.12	0.12	0.16	0.12	0.13
chr1	43149092	43149661	Tgfbra1	ENSMUSG00000070939	-68	0.1	0.15	0.11	0.1	0.08	0.13
chr1	137662457	137663287	Phlda3	ENSMUSG00000041801	176	0.09	0.19	0.11	0.17	0.07	0.12
chr1	183074104	183074436	Nvl	ENSMUSG00000026516	18	0.15	0.09	0.07	0.13	0.08	0.15
chr1	192735372	192735810	Rps6kc1	ENSMUSG00000089872	22	0.24	NA	0.08	0.13	0.12	0.11
chr1	42907984	42908527	Mrps9	ENSMUSG00000060679	177	0.4	0.2	0.14	0.3	0.13	0.3
chr1	154247048	154247494	Git25d2	ENSMUSG00000032649	311	0.24	0.2	0.14	0.13	0.1	0.18
chr1	173367561	173368084	F11r	ENSMUSG00000038235	156	0.32	0.35	0.16	0.19	0.21	0.18
chr1	182125840	182126453	Adck3	ENSMUSG00000026489	-113	0.29	0.44	0.12	0.16	0.44	0.19
chr1	5073120	5073617	Atp6v1h	ENSMUSG00000033793	114	0.2	0.53	0.19	0.16	0.32	0.14
chr1	72582726	72582963	4-Mar	ENSMUSG00000039372	660	0.45	0.28	0.12	0.29	0.24	0.18
chr1	74350440	74350929	Tmbim1	ENSMUSG00000006301	10	0.16	0.18	0.14	0.18	0.12	0.13
chr1	75138006	75139764	1810031K17Rik	ENSMUSG00000033159	-776	0.12	0.12	0.12	0.18	0.08	0.13
chr1	137625739	137625956	Csrp1	ENSMUSG00000026421	123	0.32	0.2	0.13	0.27	0.47	0.15
chr1	157263979	157264675	Xpr1	ENSMUSG00000026469	112	0.07	0.07	0.08	0.16	0.05	0.11
chr1	173217669	173218191	Usp21	ENSMUSG00000053483	125	0.16	0.1	0.17	0.19	0.08	0.18
chr1	82835903	82836895	AC138214.1	ENSMUSG00000093782	378	0.12	0.14	0.09	0.17	0.14	0.12
chr1	94803549	94804169	Dusp28	ENSMUSG00000047067	293	0.18	0.15	0.16	0.19	0.25	0.17

chr1	99666109	99667267	Gin1	ENSMUSG00000026333	-61	0.06	0.21	0.16	0.22	0.09	0.16
chr1	108655924	108656479	Kdsr	ENSMUSG00000009905	118	0.1	0.1	0.1	0.17	0.15	0.1
chr1	11404141	11404546	A830018L16Rik	ENSMUSG00000057715	157	0.08	0.04	0.07	0.15	0.03	0.15
chr1	59727540	59727744	Sumo1	ENSMUSG00000026021	36	0.38	0.14	0.11	0.12	0.13	0.24
chr1	74331037	74331709	Aamp	ENSMUSG00000006299	-119	0.47	0.19	0.16	0.17	0.34	0.1
chr1	74997205	74998667	lhh	ENSMUSG00000006538	289	0.1	0.13	0.12	0.15	0.12	0.17
chr1	89052413	89052695	Ecel1	ENSMUSG00000026247	186	0.67	0.46	0.16	0.26	1	0.15
chr1	120524398	120524859	Tfcp2l1	ENSMUSG00000026380	106	0.34	0.31	0.15	0.16	0.22	0.16
chr1	183949641	183950845	Enah	ENSMUSG00000022995	-132	0.16	0.16	0.22	0.25	0.2	0.19
chr1	165924564	165925285	BC055324	ENSMUSG00000041406	-252	0.25	0.23	0.1	0.2	0.15	0.18
chr1	168238972	168239613	5330438I03Rik	ENSMUSG00000091393	424	0.07	0.1	0.07	0.11	0.1	0.11
chr1	172574326	172574791	Olfml2b	ENSMUSG00000038463	-105	0.18	0.1	0.11	0.19	0.14	0.22
chr1	191167193	191167861	Kcnk2	ENSMUSG00000037624	184	0.14	0.13	0.11	0.17	0.2	0.13
chr1	10983567	10984086	Prex2	ENSMUSG00000048960	280	0.15	0.15	0.11	0.22	0.1	0.09
chr1	40847363	40847656	Mfsd9	ENSMUSG00000041945	-7	0.49	NA	0.12	0.45	0.63	0.24
chr1	89050487	89051660	Ecel1	ENSMUSG00000026247	529	0.08	0.06	0.09	0.12	0.07	0.12
chr1	133034353	133034955	Dyrk3	ENSMUSG00000016526	157	0.38	0.1	0.1	0.2	0.14	0.15
chr1	43502691	43503413	Nck2	ENSMUSG00000066877	456	0.15	0.11	0.13	0.2	0.12	0.13
chr1	51972027	51973038	Myo1b	ENSMUSG00000018417	224	0.1	0.07	0.08	0.13	0.14	0.09
chr1	54614099	54614649	Pgap1	ENSMUSG00000070889	152	0.13	0.11	0.1	0.14	0.09	0.13
chr1	107252539	107253475	Gm17634	ENSMUSG00000090759	423	0.12	0.14	0.12	0.15	0.08	0.14
chr1	107886456	107888331	Zcchc2	ENSMUSG00000038866	410	0.09	0.09	0.1	0.14	0.08	0.14
chr1	123224230	123224720	Insig2	ENSMUSG0000003721	-220	0.13	0.07	0.1	0.14	0.07	0.15
chr1	135557464	135558021	Zc3h11a	ENSMUSG00000026464	215	0.57	0.38	0.33	0.29	0.4	0.42
chr1	155746907	155748196	Glul	ENSMUSG00000026473	477	0.12	0.12	0.14	0.13	0.08	0.17
chr1	162722160	162723301	Rabgap1l	ENSMUSG00000026721	339	0.08	0.15	0.13	0.14	0.1	0.17
chr1	179371622	179372907	Gm17407	ENSMUSG00000078909	1137	0.16	0.15	0.1	0.13	0.12	0.11
chr1	190831111	190831837	Kctd3	ENSMUSG00000026608	245	0.25	0.19	0.09	0.18	0.34	0.15
chr1	36613652	36615335	Sema4c	ENSMUSG00000026121	-122	0.13	0.11	0.09	0.14	0.1	0.13
chr1	39424279	39425462	Rpl31	ENSMUSG00000073702	174	0.18	0.17	0.07	0.18	0.15	0.15

chr1	130255914	130256433	Mcm6	ENSMUSG00000026355	51	0.18	0.06	0.06	0.09	0.11	0.11
chr1	132613253	132614410	Yod1	ENSMUSG00000046404	-73	0.14	0.11	0.1	0.14	0.08	0.14
chr1	137815286	137815863	Pkp1	ENSMUSG00000026413	123	0.29	0.45	0.11	0.38	0.2	0.16
chr1	157819853	157820801	Cep350	ENSMUSG00000033671	-310	0.15	0.14	0.13	0.13	0.35	0.19
chr1	162964535	162965312	Gas5	ENSMUSG00000053332	370	0.14	0.09	0.11	0.14	0.11	0.17
chr1	181476047	181477016	Tfb2m	ENSMUSG00000026492	-183	0.06	0.1	0.09	0.17	0.07	0.15
chr1	89749924	89750472	Dgkd	ENSMUSG00000070738	336	0.1	0.13	0.07	0.11	0.12	0.1
chr1	133806821	133807795	Nucks1	ENSMUSG00000026434	273	0.08	0.06	0.09	0.15	0.06	0.14
chr1	140743770	140744026	Lhx9	ENSMUSG00000019230	258	0.5	0.06	0.13	0.13	0.07	0.17
chr1	188528159	188528404	Tgfb2	ENSMUSG00000039239	888	0.15	0.06	0.08	0.24	0.11	0.14
chr1	193141670	193142022	Nenf	ENSMUSG00000037499	227	0.09	0.08	0.05	0.14	0.14	0.14
chr1	4847546	4848453	Tcea1	ENSMUSG00000033813	224	0.19	0.15	0.14	0.16	0.14	0.17
chr1	95700054	95700968	Ing5	ENSMUSG00000026283	-31	0.67	0.38	0.15	0.21	0.26	0.16
chr1	108068006	108069907	Philpp1	ENSMUSG00000044340	627	0.1	0.15	0.11	0.13	0.11	0.13
chr1	188573127	188573381	Rrp15	ENSMUSG0000001305	-50	0.41	0.13	0.13	0.18	0.28	0.13
chr1	58026577	58027089	Kctd18	ENSMUSG00000054770	59	0.5	0.11	0.1	0.13	0.08	0.17
chr1	136131954	136132232	Adora1	ENSMUSG00000042429	-89	0.28	0.31	0.07	0.21	0.21	0.11
chr1	34858546	34858904	Arhgef4	ENSMUSG00000037509	176	0.12	0.05	0.09	0.17	0.18	0.11
chr1	61685310	61685980	Pard3b	ENSMUSG00000052062	247	0.06	0.06	0.1	0.13	0.09	0.1
chr1	65232953	65233627	Idh1	ENSMUSG00000025950	-237	0.34	0.39	0.15	0.27	0.29	0.21
chr1	79772558	79772961	Mrpl44	ENSMUSG00000026248	166	0.25	0.25	0.12	0.19	0.19	0.24
chr1	95582031	95583211	Bok	ENSMUSG00000026278	350	0.11	0.21	0.09	0.23	0.08	0.13
chr1	186634648	186635052	Mosc1	ENSMUSG00000026621	226	0.19	0.19	0.07	0.27	0.29	0.19
chr1	36603755	36604135	Ankrd39	ENSMUSG00000079610	101	0.18	0.13	0.14	0.24	0.14	0.14
chr1	53841613	53842213	Stk17b	ENSMUSG00000026094	155	0.08	0.08	0.08	0.15	0.07	0.11
chr1	145623844	145624785	Trove2	ENSMUSG00000018199	-262	0.14	0.12	0.11	0.15	0.12	0.15
chr1	173177145	173177532	Ndufs2	ENSMUSG00000013593	-85	0.09	0.4	0.17	0.14	0.05	0.14
chr1	191551805	191552712	Ptpn14	ENSMUSG00000026604	111	0.13	0.14	0.1	0.13	0.15	0.13
chr1	34807103	34807930	Arhgef4	ENSMUSG00000037509	-210	0.08	0.13	0.07	0.2	0.1	0.11
chr1	91825231	91825570	D130058E05Rik	ENSMUSG00000092627	-1409	0.11	0.08	0.14	0.25	0.15	0.19

chr1	129670495	129671437	Ccnt2	ENSMUSG00000026349	225	0.33	0.16	0.12	0.13	0.28	0.19
chr1	173957129	173957614	Vangl2	ENSMUSG00000026556	28	0.06	0.09	0.06	0.13	0.08	0.13
chr1	180335790	180336802	Efcab2	ENSMUSG00000026495	284	0.19	0.19	0.12	0.2	0.13	0.12
chr1	193008605	193009070	Atf3	ENSMUSG00000026628	-1618	0.37	0.81	0.22	0.27	0.3	0.21
chr1	13362827	13364875	Ncoa2	ENSMUSG00000005886	259	0.13	0.17	0.12	0.14	0.15	0.14
chr1	51535003	51535465	Obfc2a	ENSMUSG00000026107	9	0.05	0.03	0.14	0.12	0.1	0.12
chr1	93262880	93263329	Fam132b	ENSMUSG00000047443	97	0.48	0.39	0.14	0.09	0.27	0.13
chr1	194861673	194862215	Syt14	ENSMUSG00000016200	-52	0.14	0.29	0.1	0.19	0.2	0.19
chr1	54307413	54307644	Ccdc150	ENSMUSG00000025983	1	0.29	0.3	0.17	0.33	0.2	0.15
chr1	184054785	184055407	Srp9	ENSMUSG00000026511	228	0.14	0.3	0.09	0.2	0.1	0.15
chr1	194659782	194659986	A730013G03Rik	ENSMUSG00000047384	1029	0.53	0.41	0.64	0.54	0.45	0.8
chr1	152239907	152240849	Tpr	ENSMUSG00000006005	410	0.1	0.1	0.12	0.16	0.08	0.13
chr1	36739929	36740283	Fam178b	ENSMUSG00000046337	-78	0.99	0.99	0.9	1	0.95	0.98
chr1	95202281	95202538	Mterfd2	ENSMUSG00000026273	31	0.13	0.17	0.12	0.16	0.17	0.17
chr1	138130799	138131240	5730559C18Rik	ENSMUSG00000041605	-178	0.23	0.1	0.1	0.25	0.14	0.14
chr1	182626726	182627458	Mixl1	ENSMUSG00000026497	73	0.2	0.2	0.13	0.21	0.17	0.14
chr1	138241975	138242898	Camsap2	ENSMUSG00000041570	-161	0.08	0.05	0.12	0.13	0.1	0.11
chr1	43220573	43220925	Fhl2	ENSMUSG00000008136	57	0.06	0.09	0.09	0.12	0.08	0.13
chr1	52289051	52290347	Gls	ENSMUSG00000026103	-559	0.11	0.15	0.09	0.12	0.13	0.16
chr1	60623026	60624104	Raph1	ENSMUSG00000026014	48	0.33	0.28	0.12	0.16	0.3	0.14
chr1	75313680	75314644	Dnpep	ENSMUSG00000026209	50	0.09	0.12	0.1	0.13	0.12	0.13
chr1	131170058	131170347	Thsd7b	ENSMUSG00000042581	140	1	0.33	0.18	0.29	0.19	0.2
chr1	173080472	173080797	Sdhc	ENSMUSG00000058076	85	0.19	0.5	0.11	0.1	0.1	0.09
chr1	174306481	174307478	Pigm	ENSMUSG00000050229	317	0.19	0.15	0.08	0.13	0.21	0.11
chr1	137947398	137947929	Cacna1s	ENSMUSG00000026407	-1664	0.14	0.25	0.19	0.32	0.17	0.26
chr1	153275215	153276150	1200016B10Rik	ENSMUSG000000052748	-117	0.14	0.07	0.11	0.14	0.11	0.13
chr1	182186009	182186554	Psen2	ENSMUSG00000010609	94	0.1	0.06	0.07	0.12	0.12	0.1
chr1	194014547	194014968	Kcnh1	ENSMUSG00000058248	91	0.1	0.07	0.11	0.11	0.08	0.15
chr1	79854768	79855581	Serpine2	ENSMUSG00000026249	97	0.14	0.23	0.1	0.2	0.11	0.14
chr1	158233248	158233921	Tdrd5	ENSMUSG00000060985	-105	0.07	0.15	0.13	0.22	0.1	0.16

chr1	196445854	196447070	Plxna2	ENSMUSG00000026640	439	0.23	0.12	0.11	0.19	0.2	0.15
chr1	21068950	21069775	Tram2	ENSMUSG00000041779	-52	0.17	0.17	0.13	0.18	0.12	0.19
chr1	43990497	43991395	Tpp2	ENSMUSG00000041763	99	0.5	0.13	0.13	0.09	0.11	0.14
chr1	64663519	64664366	Mettl21a	ENSMUSG00000025956	-200	0.22	0.3	0.14	0.15	0.16	0.15
chr1	141351211	141351810	Aspm	ENSMUSG00000033952	160	0.21	0.17	0.17	0.18	0.26	0.12
chr1	153602314	153603055	Edem3	ENSMUSG00000043019	180	0.11	0.09	0.11	0.14	0.1	0.14
chr1	34516252	34516809	Ptpn18	ENSMUSG00000026126	-61	0.16	0.1	0.1	0.2	0.1	0.1
chr1	44158780	44159603	1700029F09Rik	ENSMUSG00000026049	-333	0.09	0.21	0.08	0.16	0.07	0.1
chr1	156930311	156930691	Gm9530	ENSMUSG00000086217	-105	0.1	0.08	0.09	0.11	0.15	0.09
chr1	163806582	163807229	Al848100	ENSMUSG00000040297	-113	0.17	0.28	0.11	0.18	0.12	0.19
chr1	12981566	12982865	Slco5a1	ENSMUSG00000025938	-957	0.3	0.49	0.1	0.25	0.24	0.13
chr1	19199836	19200148	Tfap2b	ENSMUSG00000025927	951	0.09	0.19	0.12	0.25	0.05	0.18
chr1	32229385	32229891	Khdrbs2	ENSMUSG00000026058	-13	0.1	0.12	0.13	0.2	0.07	0.12
chr1	52556875	52557096	Nab1	ENSMUSG00000002881	-161	0.04	0.05	0.08	0.09	0.05	0.15
chr1	88566187	88567449	Nppc	ENSMUSG00000026241	329	0.11	0.1	0.09	0.14	0.09	0.11
chr1	123327567	123327782	Ccdc93	ENSMUSG00000026339	48	0.22	0.27	0.2	0.24	0.08	0.12
chr1	163899249	163899645	4930558K02Rik	ENSMUSG00000086277	-168	0.37	0.15	0.18	0.23	0.28	0.13
chr1	173200286	173200845	B4galt3	ENSMUSG00000052423	106	0.18	0.19	0.11	0.15	0.29	0.23
chr1	25886690	25887525	Gm9884	ENSMUSG00000052558	-395	0.09	0.19	0.08	0.18	0.11	0.15
chr1	33964747	33964951	Bend6	ENSMUSG00000042182	-188	0.32	0.5	0.3	0.36	0.42	0.18
chr1	74283154	74283767	Arpc2	ENSMUSG00000006304	336	0.13	0.08	0.11	0.2	0.18	0.14
chr1	75215787	75216557	Tuba4a	ENSMUSG00000026202	-344	0.09	0.09	0.11	0.18	0.1	0.15
chr1	180266550	180268143	Hnrmpu	ENSMUSG00000039630	513	0.12	0.18	0.09	0.18	0.11	0.14
chr1	183140938	183142519	Wdr26	ENSMUSG00000038733	-171	0.11	0.15	0.11	0.13	0.09	0.12
chr1	16094846	16096372	Rdh10	ENSMUSG00000025921	-246	0.09	0.1	0.1	0.15	0.11	0.14
chr1	36364461	36365058	Arid5a	ENSMUSG00000037447	181	0.18	NA	0.07	0.17	0.12	0.11
chr1	87914864	87915411	Spata3	ENSMUSG00000026226	-131	0.11	0.08	0.09	0.25	0.19	0.15
chr1	89223397	89224138	Gigyf2	ENSMUSG00000048000	194	0.16	0.23	0.11	0.14	0.18	0.15
chr1	95239137	95240669	Pask	ENSMUSG00000026274	-537	0.19	0.12	0.1	0.13	0.14	0.12
chr1	133141239	133142132	Rassf5	ENSMUSG00000026430	150	0.13	0.12	0.1	0.13	0.11	0.13

chr1	134921662	134921996	Mdm4	ENSMUSG00000054387	96	0.16	0.14	0.12	0.15	0.23	0.17
chr1	162142569	162143536	Cacybp	ENSMUSG00000014226	-144	0.08	0.09	0.07	0.11	0.06	0.12
chr1	184271117	184271716	Fbxo28	ENSMUSG00000047539	321	0.13	0.14	0.1	0.14	0.14	0.15
chr1	194956013	194956571	Diexf	ENSMUSG00000016181	153	0.27	0.1	0.13	0.18	0.16	0.19
chr1	57028353	57030345	Satb2	ENSMUSG00000038331	-647	0.17	0.17	0.1	0.17	0.19	0.15
chr1	58561387	58562006	Orc2	ENSMUSG00000026037	257	0.11	0.31	0.13	0.25	0.14	0.12
chr1	75484211	75484653	Obsl1	ENSMUSG00000026211	-55	0.11	0.1	0.11	0.12	0.08	0.09
chr1	121422402	121423055	Tmem185b	ENSMUSG00000037015	-274	0.15	0.15	0.08	0.17	0.13	0.14
chr1	5008638	5009792	Rgs20	ENSMUSG00000002459	-399	0.06	0.12	0.1	0.14	0.08	0.19
chr1	88600193	88600736	Dis3l2	ENSMUSG00000053333	85	0.07	0.11	0.11	0.12	0.09	0.13
chr1	99557260	99558855	D1Ert622e	ENSMUSG00000044768	196	0.11	0.08	0.11	0.13	0.12	0.13
chr1	177422229	177422847	Rgs7	ENSMUSG00000026527	-1277	0.08	0.13	0.08	0.11	0.09	0.11
chr1	82313020	82313491	Rhbdd1	ENSMUSG00000026142	228	0.23	0.18	0.14	0.14	0.26	0.14
chr1	95132278	95133084	Sned1	ENSMUSG00000047793	263	0.12	0.17	0.11	0.24	0.1	0.13
chr1	23389520	23390239	Ogfr1	ENSMUSG00000026158	135	0.17	0.12	0.09	0.16	0.15	0.13
chr1	74901433	74903043	Cdk5r2	ENSMUSG00000090071	730	0.14	0.12	0.08	0.13	0.13	0.17
chr1	59293763	59294337	Als2	ENSMUSG00000026024	-113	0.08	0.05	0.07	0.14	0.06	0.1
chr1	95374803	95376034	Hdlbp	ENSMUSG00000034088	-33	0.1	0.1	0.09	0.16	0.09	0.11
chr1	58052707	58053097	Sgol2	ENSMUSG00000026039	87	0.1	0.21	0.1	0.11	0.05	0.14
chr1	93697463	93699258	Twist2	ENSMUSG00000007805	322	0.15	0.18	0.11	0.2	0.13	0.17
chr1	133903919	133904989	Elk4	ENSMUSG00000026436	270	0.11	0.12	0.12	0.18	0.1	0.13
chr1	134035882	134036137	Cdk18	ENSMUSG00000026437	173	0.07	0.11	0.08	0.1	0.09	0.09
chr1	74170818	74171497	Tns1	ENSMUSG00000055322	-136	0.16	0.13	0.11	0.2	0.14	0.14
chr1	129101495	129102228	Mgat5	ENSMUSG00000036155	298	0.12	0.11	0.09	0.19	0.1	0.32
chr1	140515729	140516441	Nek7	ENSMUSG00000026393	166	0.13	0.17	0.09	0.12	0.12	0.12
chr1	172145134	172145553	Uhmk1	ENSMUSG00000026667	185	0.1	0.07	0.11	0.15	0.09	0.1
chr1	82721367	82721756	Mff	ENSMUSG00000026150	96	0.08	0.06	0.1	0.18	0.07	0.15
chr1	130487486	130488341	Cxcr4	ENSMUSG00000045382	954	0.08	0.03	0.1	0.08	0.1	0.18
chr1	187027810	187028288	Rab3gap2	ENSMUSG00000039318	2	1	0.19	0.1	0.34	0.29	0.14
chr1	55144254	55144584	Hspd1	ENSMUSG00000025980	-1	0.07	0.14	0.12	0.14	0.08	0.17

chr1	9737641	9738726	1700034P13Rik	ENSMUSG00000085661	454	0.16	0.17	0.14	0.21	0.18	0.18
chr1	15882501	15883133	Gm106	ENSMUSG00000032719	-14	0.12	0.16	0.09	0.21	0.14	0.13
chr1	135260005	135260889	Etnk2	ENSMUSG00000070644	298	0.1	0.08	0.12	0.19	0.12	0.1
chr1	136351852	136352413	Klhl12	ENSMUSG00000026455	24	0.23	0.28	0.21	0.22	0.29	0.18
chr1	52176137	52176581	Stat1	ENSMUSG00000026104	77	0.08	0.1	0.13	0.2	0.11	0.13
chr1	158648468	158649039	Fam20b	ENSMUSG00000033557	288	0.5	0.17	0.12	0.11	0.16	0.15
chr1	169238380	169239196	Tmco1	ENSMUSG00000052428	-13	0.14	0.15	0.14	0.21	0.12	0.15
chr1	37776158	37776973	2010300C02Rik	ENSMUSG00000026090	75	0.11	0.12	0.06	0.14	0.13	0.07
chr1	79757826	79758408	Wdfy1	ENSMUSG00000073643	227	0.09	0.16	0.08	0.11	0.07	0.11
chr1	181733057	181734169	Gm10518	ENSMUSG00000073486	106	0.07	0.09	0.13	0.11	0.07	0.1
chr1	33726398	33727414	Prim2	ENSMUSG00000026134	-275	0.22	0.09	0.2	0.16	0.16	0.24
chr1	93294674	93295644	Ilkap	ENSMUSG00000026309	201	0.21	0.38	0.14	0.19	0.25	0.15
chr1	16083037	16083452	4930444P10Rik	ENSMUSG00000067795	162	0.11	0.07	0.11	0.19	0.12	0.11
chr1	66909413	66909720	Acadl	ENSMUSG00000026003	285	0.09	0.12	0.11	0.24	0.25	0.11
chr1	36125305	36126061	Hs6st1	ENSMUSG00000045216	438	0.08	0.1	0.14	0.12	0.08	0.14
chr1	60099490	60100343	Ica1l	ENSMUSG00000026018	15	0.08	0.08	0.11	0.09	0.09	0.08
chr1	168184110	168184378	Ildr2	ENSMUSG00000040612	-26	0.09	0.09	0.08	0.09	0.08	0.12
chr1	60237058	60237333	Nbeal1	ENSMUSG00000073664	-248	0.21	0.19	0.09	0.19	0.15	0.07
chr1	135506329	135507012	Snrpe	ENSMUSG00000090553	-168	0.27	0.14	0.15	0.24	0.23	0.2
chr1	136302528	136302751	Cyb5r1	ENSMUSG00000026456	72	0.27	0.1	0.06	0.11	0.21	0.08
chr1	137326530	137327297	Ipo9	ENSMUSG00000041879	83	0.09	0.05	0.07	0.19	0.14	0.14
chr1	156945455	156946868	Ier5	ENSMUSG00000056708	605	0.13	0.2	0.07	0.15	0.12	0.15
chr1	9787902	9788733	Sgk3	ENSMUSG00000025915	106	0.11	0.22	0.1	0.13	0.11	0.14
chr1	42753419	42755502	Pou3f3	ENSMUSG00000045515	469	0.1	0.15	0.11	0.15	0.1	0.13
chr1	121733336	121734331	Ptfn4	ENSMUSG00000026384	-257	0.37	0.58	0.24	0.3	0.34	0.17
chr1	137043072	137044143	Arl8a	ENSMUSG00000026426	206	0.08	0.1	0.1	0.1	0.09	0.11
chr1	163072914	163073132	Ankrd45	ENSMUSG00000044835	125	0.12	0.09	0.16	0.27	0.2	0.14
chr1	181598015	181598823	Sccpdt	ENSMUSG00000038936	78	0.09	0.09	0.08	0.15	0.08	0.14
chr1	34496086	34496983	Ccdc115	ENSMUSG00000042111	-17	0.13	0.12	0.15	0.19	0.15	0.17
chr1	36425529	36426175	4632411B12Rik	ENSMUSG00000010453	174	0.08	0.08	0.07	0.15	0.09	0.13

chr1	97563942	97564345	St8sia4	ENSMUSG00000040710	28	0.09	0.06	0.11	0.2	0.05	0.17
chr1	163000779	163001276	Dars2	ENSMUSG00000026709	-240	0.21	0.23	0.13	0.17	0.18	0.18
chr1	95650443	95651925	Thap4	ENSMUSG00000026279	173	0.23	0.25	0.09	0.17	0.21	0.13
chr1	99873511	99873832	Pam	ENSMUSG00000026335	-26	0.17	0.5	0.17	0.13	0.08	0.19
chr1	182872374	182873070	Tmem63a	ENSMUSG00000026519	247	0.16	0.32	0.13	0.18	0.14	0.23
chr1	185857191	185858416	1700056E22Rik	ENSMUSG00000044854	-350	0.1	0.23	0.12	0.17	0.11	0.11
chr1	186706440	186707045	C130074G19Rik	ENSMUSG00000039349	355	0.12	0.11	0.12	0.16	0.11	0.18
chr1	33814456	33814794	Bag2	ENSMUSG00000042215	14	0.25	0.09	0.13	0.16	0.07	0.1
chr1	38954709	38955047	Chst10	ENSMUSG00000026080	120	0.1	0.05	0.07	0.12	0.06	0.11
chr1	57026463	57026717	Satb2	ENSMUSG00000038331	94	0.14	0.35	0.08	0.16	0.08	0.19
chr1	74939299	74939710	Cryba2	ENSMUSG00000006546	-198	0.33	0.25	0.11	0.21	0.12	0.13
chr1	179726065	179726925	Adss	ENSMUSG00000015961	137	0.1	0.12	0.07	0.13	0.07	0.14
chr1	4797640	4798184	Lypla1	ENSMUSG00000025903	43	0.09	0.25	0.08	0.18	0.08	0.12
chr1	78508402	78508645	Mogat1	ENSMUSG00000012187	81	0.09	0.12	0.13	0.13	0.06	0.22
chr1	154749083	154751094	Smg7	ENSMUSG00000042772	-312	0.22	0.27	0.11	0.18	0.23	0.17
chr1	57831542	57832476	Spats2l	ENSMUSG00000038305	430	0.17	0.16	0.09	0.15	0.16	0.11
chr1	72871267	72871511	Igfbp2	ENSMUSG00000039323	248	0.4	0.15	0.07	0.21	0.2	0.18
chr1	75207379	75207640	Stk16	ENSMUSG00000026201	96	0.2	0.16	0.12	0.18	0.17	0.16
chr1	135319634	135321021	Sox13	ENSMUSG00000070643	627	0.42	0.2	0.17	0.15	0.4	0.25
chr1	160292679	160293006	Astn1	ENSMUSG00000026587	371	0.28	0.23	0.14	0.13	0.25	0.2
chr1	182413327	182413708	6330403A02Rik	ENSMUSG00000053963	81	0.09	0.14	0.15	0.1	0.11	0.13
chr1	193916148	193916632	Gm16621	ENSMUSG000000085764	137	0.05	0.09	0.1	0.1	0.07	0.11
chr1	133964202	133964825	Mfsd4	ENSMUSG00000059149	-110	0.1	0.29	0.12	0.18	0.09	0.22
chr1	182834285	182834670	Pycr2	ENSMUSG00000026520	72	0.09	0.08	0.16	0.11	0.12	0.18
chr1	33870975	33871535	Zfp451	ENSMUSG00000042197	-201	0.14	0.09	0.09	0.15	0.13	0.14
chr1	134212475	134213132	Nuak2	ENSMUSG00000009772	100	0.07	0.06	0.16	0.09	0.06	0.24
chr1	154613057	154614391	Rgl1	ENSMUSG00000026482	-289	0.11	0.1	0.1	0.17	0.1	0.13
chr1	183771994	183772885	Lbr	ENSMUSG00000004880	93	0.09	0.07	0.08	0.13	0.08	0.1
chr1	24593360	24594016	Col19a1	ENSMUSG00000026141	562	0.08	0.09	0.09	0.14	0.08	0.1
chr1	34636374	34636685	1700101119Rik	ENSMUSG00000045815	-71	0.16	0.09	0.08	0.12	0.11	0.12

chr1	72871936	72872227	Igfbp2	ENSMUSG00000039323	185	0.39	0.3	0.16	0.2	0.33	0.17
chr1	39707286	39708060	Creg2	ENSMUSG00000050967	354	0.11	0.33	0.1	0.14	0.13	0.15
chr1	189432876	189433561	Esrrg	ENSMUSG00000026610	310	0.08	0.08	0.08	0.13	0.09	0.09
chr1	33776670	33777295	Rab23	ENSMUSG00000004768	255	0.16	0.12	0.09	0.13	0.15	0.09
chr1	54251186	54252086	Hecw2	ENSMUSG000000042807	242	0.17	0.22	0.09	0.1	0.16	0.13
chr1	140738075	140738646	Lhx9	ENSMUSG00000019230	646	1	0.36	0.14	0.25	0.41	0.19
chr1	39957317	39958304	Map4k4	ENSMUSG00000026074	52	0.11	0.15	0.09	0.12	0.11	0.12
chr1	58852426	58852696	Casp8	ENSMUSG00000026029	343	0.1	0.09	0.11	0.29	0.11	0.19
chr1	59176666	59177324	Als2cr4	ENSMUSG000000038079	-55	0.14	0.15	0.09	0.16	0.13	0.13
chr1	169213895	169215283	Uck2	ENSMUSG00000026558	669	0.09	0.1	0.08	0.14	0.09	0.12
chr1	192886526	192887234	Tatdn3	ENSMUSG00000026632	-97	0.06	0.09	0.08	0.1	0.04	0.12
chr1	36300736	36301257	Uggt1	ENSMUSG000000037470	-44	0.06	0.09	0.12	0.1	0.05	0.15
chr1	135027657	135028481	Ppp1r15b	ENSMUSG000000046062	349	0.06	0.09	0.12	0.16	0.06	0.16
chr1	136391091	136391525	Rabif	ENSMUSG000000042229	83	0.11	0.09	0.09	0.2	0.12	0.13
chr1	191993104	191993480	Prox1	ENSMUSG00000010175	-14	0.09	0.11	0.13	0.17	0.15	0.15
chr1	36766466	36766993	Actr1b	ENSMUSG000000037351	-206	0.08	0.06	0.11	0.19	0.14	0.12
chr1	125942028	125942710	Dpp10	ENSMUSG000000036815	-233	0.13	0.09	0.18	0.11	0.1	0.27
chr1	179187430	179189252	Akt3	ENSMUSG00000019699	-7	0.11	0.14	0.1	0.15	0.12	0.17
chr1	193048205	193048802	D730003115Rik	ENSMUSG000000073478	150	0.11	0.15	0.11	0.08	0.09	0.18
chr1	6349163	6349523	Fam150a	ENSMUSG000000087247	-194	0.13	0.24	0.14	0.22	0.19	0.17
chr1	39592432	39593210	D1Bwg0212e	ENSMUSG000000003135	174	0.1	0.15	0.15	0.17	0.1	0.18
chr1	55293829	55294660	Mars2	ENSMUSG000000046994	223	0.09	0.09	0.11	0.15	0.1	0.14
chr1	59819629	59821057	Bmpr2	ENSMUSG000000067336	-1138	0.14	0.2	0.09	0.18	0.13	0.15
chr1	74634207	74635046	Zfp142	ENSMUSG000000026135	-100	0.18	0.11	0.08	0.27	0.24	0.15
chr1	93355576	93356311	Per2	ENSMUSG000000055866	-38	0.08	0.09	0.1	0.09	0.09	0.18
chr1	122237037	122238458	C1ql2	ENSMUSG000000036907	588	0.13	0.22	0.12	0.16	0.13	0.15
chr1	177810737	177811370	Exo1	ENSMUSG000000039748	144	0.09	0.09	0.1	0.22	0.07	0.17
chr1	36568608	36569851	Cnnm3	ENSMUSG00000001138	517	0.08	0.09	0.09	0.1	0.08	0.1
chr1	37356685	37357352	Inpp4a	ENSMUSG000000026113	308	0.14	0.1	0.09	0.22	0.15	0.17
chr1	54495601	54495903	Gtf3c3	ENSMUSG000000041303	63	0.1	0.12	0.07	0.11	0.07	0.12

chr1	66747326	66747925	Rpe	ENSMUSG00000026005	220	0.16	0.15	0.12	0.11	0.15	0.14
chr1	92949205	92949779	Lrrfip1	ENSMUSG00000026305	-529	0.07	0.33	0.08	0.14	0.09	0.16
chr1	174562669	174563260	Dusp23	ENSMUSG00000026544	141	0.1	0.09	0.1	0.19	0.09	0.13
chr1	194596834	194597332	Hhat	ENSMUSG00000037375	171	0.07	0.03	0.1	0.14	0.05	0.09
chr1	6204511	6205413	4732440D04Rik	ENSMUSG00000090031	-291	0.19	0.23	0.11	0.15	0.19	0.12
chr1	34734915	34735264	C230030N03Rik	ENSMUSG00000089955	56	0.09	0.07	0.1	0.15	0.07	0.11
chr1	37921457	37922169	Tsga10	ENSMUSG00000060771	-161	0.1	0.07	0.1	0.12	0.1	0.11
chr1	63160059	63160923	Ino80d	ENSMUSG00000040865	338	0.11	0.11	0.11	0.1	0.1	0.15
chr1	63411858	63412063	Gm11605	ENSMUSG00000081643	-21	1	0.88	0.91	0.8	0.96	0.96
chr1	91826657	91827973	D130058E05Rik	ENSMUSG00000092627	506	0.11	0.1	0.09	0.1	0.11	0.1
chr1	92895094	92895719	Lrrfip1	ENSMUSG00000026305	102	0.1	0.11	0.12	0.11	0.1	0.17
chr1	94830838	94831525	Capn10	ENSMUSG00000026270	228	0.07	0.04	0.1	0.1	0.06	0.1
chr1	137001445	137001888	Lgr6	ENSMUSG00000042793	187	0.07	0.1	0.09	0.06	0.08	0.09
chr1	3661735	3662237	Xkr4	ENSMUSG00000051951	-407	0.13	0.5	0.14	0.26	0.17	0.31
chr1	9689866	9690962	Mybl1	ENSMUSG00000025912	-379	0.15	0.1	0.09	0.2	0.17	0.15
chr1	53009470	53009801	1700019D03Rik	ENSMUSG00000043629	53	0.05	0.06	0.12	0.1	0.09	0.22
chr1	89110391	89110957	Eif4e2	ENSMUSG00000026254	185	0.19	0.17	0.16	0.17	0.19	0.2
chr1	90597528	90599089	Arl4c	ENSMUSG00000049866	143	0.09	0.08	0.08	0.14	0.09	0.13
chr1	180117563	180118384	Pppde1	ENSMUSG00000026502	310	0.12	0.17	0.09	0.19	0.1	0.09
chr1	187186708	187187364	4930532G15Rik	ENSMUSG00000091047	-292	0.11	0.12	0.08	0.13	0.08	0.09
chr1	4487028	4487689	Sox17	ENSMUSG00000025902	-864	0.09	0.18	0.08	0.18	0.08	0.2
chr1	7387827	7388675	Gm16899	ENSMUSG00000086461	-369	0.11	0.25	0.2	0.23	0.1	0.17
chr1	13116379	13116750	Prdm14	ENSMUSG00000042414	680	0.1	0.19	0.11	0.22	0.1	0.18
chr1	13579243	13580258	Tram1	ENSMUSG00000025935	195	0.1	0.18	0.17	0.18	0.1	0.21
chr1	14299828	14300117	Eya1	ENSMUSG00000025932	228	0.07	0.11	0.08	0.06	0.08	0.18
chr1	16509814	16510174	Stau2	ENSMUSG00000025920	107	0.08	0.11	0.08	0.15	0.08	0.11
chr1	17135548	17135876	Gdap1	ENSMUSG00000025777	227	0.46	0.45	0.27	0.49	0.55	0.28
chr1	22812521	22813203	Rims1	ENSMUSG00000041670	-299	0.07	0.1	0.1	0.16	0.07	0.12
chr1	23262857	23263893	Gm6420	ENSMUSG00000073729	-130	0.19	0.16	0.12	0.25	0.18	0.19
chr1	24012210	24012553	1110058L19Rik	ENSMUSG00000026154	114	0.12	0.2	0.11	0.22	0.1	0.17

chr1	24106480	24107395	Fam135a	ENSMUSG00000026153	243	0.1	0.1	0.08	0.15	0.1	0.13
chr1	34068329	34068706	Dst	ENSMUSG00000026131	-153	0.23	0.23	0.18	0.15	0.23	0.15
chr1	34234787	34235038	Gm16750	ENSMUSG00000085306	206	0.92	1	0.8	1	1	0.86
chr1	34899379	34900010	Fam168b	ENSMUSG00000037503	201	0.09	0.07	0.11	0.14	0.08	0.13
chr1	34906740	34907023	Plekhh2	ENSMUSG00000026123	77	0.12	0.06	0.06	0.18	0.11	0.07
chr1	36501720	36502153	Lman2l	ENSMUSG00000001143	180	0.09	0.11	0.12	0.18	0.1	0.15
chr1	36528111	36529000	Cnnm4	ENSMUSG00000037408	113	0.27	0.13	0.14	0.29	0.25	0.25
chr1	37947207	37947627	Mitd1	ENSMUSG00000026088	-165	0.11	0.14	0.11	0.19	0.11	0.12
chr1	40323401	40323721	Il1r1	ENSMUSG00000026072	130	0.11	0.05	0.08	0.14	0.08	0.27
chr1	44608423	44609336	Gulp1	ENSMUSG00000056870	341	0.17	0.21	0.13	0.34	0.15	0.17
chr1	50983891	50984906	Tmeff2	ENSMUSG00000026109	35	0.1	0.12	0.1	0.17	0.11	0.15
chr1	53353632	53354223	Pms1	ENSMUSG00000026098	-116	0.25	0.09	0.13	0.17	0.25	0.19
chr1	58501925	58502389	Nif3l1	ENSMUSG00000026036	162	0.04	0.1	0.07	0.13	0.05	0.11
chr1	60400099	60400501	Cyp20a1	ENSMUSG00000049439	133	0.22	0.09	0.07	0.11	0.19	0.12
chr1	63223121	63224001	Ndufs1	ENSMUSG00000025968	-320	0.08	0.08	0.12	0.2	0.09	0.2
chr1	64168187	64168716	Klf7	ENSMUSG00000025959	-386	0.07	0.08	0.08	0.09	0.06	0.1
chr1	64737108	64738159	2810408l11Rik	ENSMUSG00000087213	-451	0.09	0.08	0.08	0.14	0.09	0.13
chr1	65003072	65003444	Plekhh3	ENSMUSG00000051344	43	0.12	0.06	0.08	0.23	0.11	0.21
chr1	69153608	69154629	Erbp4	ENSMUSG00000062209	212	0.15	0.21	0.1	0.15	0.14	0.15
chr1	69873437	69873776	Spag16	ENSMUSG00000053153	44	0.22	0.17	0.08	0.18	0.21	0.14
chr1	71603522	71603941	Atic	ENSMUSG00000026192	7	0.5	0.26	0.11	0.15	1	0.17
chr1	74947129	74947558	Mir375	ENSMUSG00000065616	-43	0.11	0.5	0.07	0.14	0.12	0.13
chr1	75501776	75502959	Obsl1	ENSMUSG00000026211	-151	0.06	0.06	0.08	0.14	0.06	0.11
chr1	78306638	78307313	Sgpp2	ENSMUSG00000032908	54	0.14	0.07	0.09	0.17	0.13	0.16
chr1	78654197	78655124	Acsl3	ENSMUSG00000032883	260	0.07	0.11	0.07	0.12	0.07	0.07
chr1	88478719	88479213	Pde6d	ENSMUSG00000026239	126	0.15	0.13	0.16	0.17	0.14	0.16
chr1	88483612	88484042	Cops7b	ENSMUSG00000026240	152	0.15	1	0.27	0.26	0.16	0.13
chr1	89904782	89905176	Usp40	ENSMUSG00000005501	130	0.29	0.23	0.07	0.14	0.3	0.09
chr1	92499751	92500285	Cops8	ENSMUSG00000034432	18	0.14	0.46	0.11	0.14	0.14	0.13
chr1	93194472	93195371	Scly	ENSMUSG00000026307	6	0.2	0.09	0.12	0.21	0.15	0.1

chr1	94727823	94728130	Gpc1	ENSMUSG00000034220	-246	0.12	0.08	0.12	0.44	0.14	0.2
chr1	94998157	94998686	Kif1a	ENSMUSG00000014602	-13	0.28	0.1	0.14	0.11	0.25	0.13
chr1	99991624	99992468	Pam	ENSMUSG00000026335	152	0.09	0.09	0.07	0.11	0.09	0.11
chr1	108609070	108609524	Bcl2	ENSMUSG00000057329	1554	0.14	0.14	0.26	0.14	0.17	0.34
chr1	120207574	120208110	Tsn	ENSMUSG00000026374	-133	0.19	0.19	0.11	0.12	0.17	0.09
chr1	120285796	120286295	Clasp1	ENSMUSG00000064302	410	0.31	0.08	0.1	0.28	0.26	0.18
chr1	120355854	120356371	U4atac	ENSMUSG00000080542	-270	0.07	0.16	0.1	0.1	0.04	0.12
chr1	120949975	120950360	Gli2	ENSMUSG00000048402	29	0.16	0.1	0.07	0.26	0.15	0.1
chr1	121544930	121545632	Epb4.1l5	ENSMUSG00000026383	296	0.12	0.2	0.1	0.21	0.13	0.19
chr1	121809730	121809988	Tmem177	ENSMUSG00000036975	-74	0.41	0.39	0.21	0.15	0.39	0.21
chr1	123423992	123424532	Htr5b	ENSMUSG00000050534	780	0.28	0.2	0.1	0.23	0.27	0.31
chr1	127456966	127457923	Slc35f5	ENSMUSG00000026342	-149	0.25	0.29	0.18	0.26	0.26	0.21
chr1	134287967	134288459	Tmcc2	ENSMUSG00000042066	-355	0.06	0.1	0.07	0.07	0.06	0.1
chr1	136131281	136131666	Adora1	ENSMUSG00000042429	-318	0.14	0.13	0.1	0.11	0.13	0.09
chr1	136605450	136606000	Syt2	ENSMUSG00000026452	-152	0.12	0.09	0.17	0.2	0.12	0.17
chr1	138849492	138849711	Nr5a2	ENSMUSG00000026398	606	0.2	0.17	0.07	0.2	0.19	0.27
chr1	145549891	145550306	Cdc73	ENSMUSG00000026361	-75	0.18	0.55	0.18	0.26	0.16	0.12
chr1	154472038	154472418	Rgl1	ENSMUSG00000026482	-69	0.07	0.17	0.14	0.21	0.06	0.19
chr1	158404145	158404524	Soat1	ENSMUSG00000026600	125	0.31	0.78	0.16	0.22	0.3	0.17
chr1	160286170	160286374	Fam5b	ENSMUSG0000004031	119	0.15	0.13	0.11	0.12	0.13	0.1
chr1	164407696	164408210	Gm10176	ENSMUSG00000066752	142	0.16	0.21	0.17	0.14	0.17	0.2
chr1	164500484	164501733	Vamp4	ENSMUSG00000026696	462	0.1	0.11	0.11	0.16	0.09	0.14
chr1	166237588	166237815	Blzf1	ENSMUSG00000026577	-99	0.13	0.24	0.12	0.19	0.11	0.11
chr1	167693836	167694350	Creg1	ENSMUSG00000040713	216	0.33	0.33	0.09	0.07	0.2	0.13
chr1	168309061	168309285	Tada1	ENSMUSG00000026563	-55	0.16	0.22	0.08	NA	0.12	0.11
chr1	169280262	169280672	Aldh9a1	ENSMUSG00000026687	345	0.08	0.09	0.09	0.14	0.09	0.15
chr1	169618405	169619386	Lmx1a	ENSMUSG00000026686	-475	0.08	0.08	0.1	0.16	0.08	0.12
chr1	172104740	172105420	Uap1	ENSMUSG00000026670	-160	0.12	0.09	0.09	0.12	0.11	0.09
chr1	173224601	173224949	Ufc1	ENSMUSG00000062963	296	0.12	0.11	0.16	0.24	0.11	0.19
chr1	173259020	173259619	Dedd	ENSMUSG00000013973	43	0.12	0.17	0.14	0.14	0.11	0.12

chr1	173275569	173276032	Nit1	ENSMUSG00000013997	-187	0.39	0.19	0.09	0.5	0.33	0.21
chr1	173341340	173342002	Usf1	ENSMUSG00000026641	227	0.08	0.1	0.09	0.18	0.08	0.17
chr1	175297312	175297930	Cadm3	ENSMUSG00000005338	110	0.5	0.85	0.16	0.18	0.4	0.15
chr1	176433442	176433760	Fmn2	ENSMUSG00000028354	1624	0.05	0.08	0.12	0.07	0.05	0.19
chr1	177622216	177623212	Opn3	ENSMUSG00000026525	-9	0.1	0.09	0.1	0.18	0.1	0.14
chr1	182498859	182499622	Parp1	ENSMUSG00000026496	154	0.35	0.24	0.12	0.31	0.4	0.17
chr1	182824555	182824929	Lefty2	ENSMUSG00000066652	153	0.08	0.14	0.07	0.12	0.08	0.13
chr1	187152742	187153317	Iars2	ENSMUSG00000026618	246	0.19	0.16	0.1	0.17	0.2	0.16
chr1	187278815	187279540	Gm2061	ENSMUSG00000085692	270	0.12	0.18	0.09	0.2	0.13	0.18
chr1	188791268	188792185	D1Pas1	ENSMUSG00000039224	431	0.98	0.93	0.94	0.99	0.98	0.97
chr1	189431192	189431473	Esrrg	ENSMUSG00000026610	-1338	0.25	1	0.38	0.56	0.14	0.33
chr1	192921735	192922555	Batf3	ENSMUSG00000026630	-148	0.16	0.26	0.17	0.23	0.16	0.18
chr1	193006302	193008249	Atf3	ENSMUSG00000026628	-288	0.18	0.24	0.14	0.22	0.18	0.16
chr1	194681080	194681649	Gm15867	ENSMUSG00000089812	242	0.1	0.15	0.08	0.17	0.11	0.16
chr1	3660700	3661155	Xkr4	ENSMUSG00000051951	652	NA	0.21	0.11	0.22	NA	0.11
chr1	4775457	4775895	Mrpl15	ENSMUSG00000033845	97	NA	NA	NA	1	0.5	0.75
chr1	16646845	16647124	Tceb1	ENSMUSG00000079658	-38	NA	0.14	0.18	0.4	NA	0.13
chr1	19094652	19095004	Gm15825	ENSMUSG00000089787	93	NA	0.33	0.09	0.25	0.33	0.11
chr1	37086092	37086331	Vwa3b	ENSMUSG00000050122	62	NA	0.33	NA	0.1	NA	0.15
chr1	40382654	40382864	Il1rl2	ENSMUSG00000070942	1287	0.17	0.14	0.39	0.31	NA	0.17
chr1	42751578	42752106	RP23-71K9.1	ENSMUSG00000093778	-172	NA	0.18	0.12	0.16	0.11	0.13
chr1	43155325	43155799	Tgfbra1	ENSMUSG00000070939	-95	NA	NA	0.15	NA	0.83	0.23
chr1	52687385	52687786	Tmem194b	ENSMUSG00000043015	36	NA	NA	0.18	0.22	0.5	0.31
chr1	57033948	57034236	Satb2	ENSMUSG00000038331	1402	NA	0.05	0.1	0.17	0.14	0.12
chr1	58642763	58643271	Fam126b	ENSMUSG00000038174	18	NA	1	NA	1	1	NA
chr1	59741700	59742059	Nop58	ENSMUSG00000026020	26	NA	NA	0.27	1	NA	0.5
chr1	65040979	65041201	Rpl10a-ps1	ENSMUSG00000084416	88	NA	NA	1	NA	NA	1
chr1	66221885	66222219	Mtap2	ENSMUSG00000015222	165	NA	0.17	0.16	0.23	0.07	0.26
chr1	72272508	72272792	U2	ENSMUSG00000075752	-164	NA	NA	0.29	NA	1	0.2
chr1	72290396	72290771	D230017M19Rik	ENSMUSG00000085769	-12	NA	1	0.21	1	NA	0.33

chr1	72301319	72301560	AC120136.3	ENSMUSG00000093333	-143	1	NA	0.09	0.14	NA	0.22
chr1	72920272	72920540	Igfbp5	ENSMUSG00000026185	443	NA	0.22	0.1	0.11	0.5	0.15
chr1	74760192	74760405	Cyp27a1	ENSMUSG00000026170	150	NA	NA	0.43	1	NA	1
chr1	74795306	74795619	Prkag3	ENSMUSG00000006542	-21	NA	NA	0.44	NA	NA	0.5
chr1	75483285	75483523	Obsl1	ENSMUSG00000026211	404	NA	NA	0.12	NA	0.5	0.2
chr1	78193206	78193862	Pax3	ENSMUSG00000004872	-121	NA	0.12	0.12	0.29	0.15	0.15
chr1	78485058	78485491	Farsb	ENSMUSG00000026245	147	NA	0.12	0.14	0.12	NA	0.17
chr1	88051183	88051616	Armc9	ENSMUSG00000062590	44	NA	0.17	0.1	0.23	0.5	0.18
chr1	93310790	93311019	Hes6	ENSMUSG00000067071	-289	0.33	NA	0.08	0.18	NA	0.14
chr1	94745011	94745360	Mir149	ENSMUSG00000065470	-1770	NA	NA	0.16	0.2	0.17	0.5
chr1	95408353	95408631	Farp2	ENSMUSG00000034066	-164	NA	NA	0.07	NA	NA	NA
chr1	106665058	106665497	Cdh20	ENSMUSG00000050840	171	NA	NA	0.17	1	NA	0.17
chr1	108610233	108610809	Bcl2	ENSMUSG00000057329	330	NA	1	0.16	0.15	0.12	0.18
chr1	111879009	111879805	Cdh7	ENSMUSG00000026312	120	NA	0.71	0.56	0.75	0.41	0.48
chr1	113761063	113761573	Dsel	ENSMUSG00000038702	168	0.5	0.11	0.12	0.12	NA	0.19
chr1	120218333	120218634	Mki67ip	ENSMUSG00000026377	67	1	0.21	0.5	1	NA	0.67
chr1	120285336	120285582	Clasp1	ENSMUSG00000064302	-176	NA	0.25	0.11	0.26	0.14	0.18
chr1	122238944	122239216	C1ql2	ENSMUSG00000036907	1921	0.08	1	0.12	0.29	NA	0.12
chr1	123464169	123464658	Ddx18	ENSMUSG00000001674	-114	NA	0.12	0.08	0.15	0.27	0.1
chr1	129765264	129765658	Rab3gap1	ENSMUSG00000036104	111	NA	NA	1	NA	1	0.67
chr1	129935110	129935357	Rpl28-ps1	ENSMUSG00000058603	87	1	NA	1	NA	NA	1
chr1	133724187	133724866	Slc41a1	ENSMUSG00000013275	-28	NA	0.07	0.1	0.18	0.08	0.23
chr1	133763803	133764065	Rab711	ENSMUSG00000026433	117	NA	0.58	0.44	NA	NA	0.46
chr1	134439361	134439584	Cntn2	ENSMUSG00000053024	44	NA	0.43	0.14	NA	0.29	0.31
chr1	136852088	136852568	Ppp1r12b	ENSMUSG00000073557	100	NA	NA	0.15	NA	0.47	0.12
chr1	136858983	136859329	Ube2t	ENSMUSG00000026429	14	NA	NA	0.06	0.13	NA	0.08
chr1	137210173	137210493	Timm17a	ENSMUSG00000062580	-65	0.33	0.5	0.17	NA	NA	0.08
chr1	137271492	137271742	Shisa4	ENSMUSG00000041889	37	NA	0.11	0.29	NA	NA	NA
chr1	138521213	138521579	Gm17718	ENSMUSG00000091667	-169	NA	0.5	0.25	0.54	NA	0.14
chr1	152840408	152840729	Hmcn1	ENSMUSG00000066842	-3	NA	0.1	0.1	0.16	0.1	0.16

chr1	155396678	155396967	Npl	ENSMUSG00000042684	22	NA	NA	0.11	0.67	NA	0.14
chr1	163657577	163657812	Gm15429	ENSMUSG00000040323	-74	NA	NA	0.5	1	NA	1
chr1	166178750	166179046	Sic19a2	ENSMUSG00000040918	-279	NA	0.25	0.13	0.15	0.39	0.17
chr1	166387797	166388868	Atp1b1	ENSMUSG00000026576	154	NA	0.5	0.2	0.2	0.21	0.17
chr1	169324202	169324552	Mgst3	ENSMUSG00000026688	-405	1	NA	0.12	1	NA	0.1
chr1	174242460	174242763	Igsf8	ENSMUSG00000038034	113	NA	NA	NA	1	NA	1
chr1	174270996	174271325	Kcnj10	ENSMUSG00000044708	-181	NA	0.44	0.09	0.14	NA	0.21
chr1	174430209	174430991	Tagln2	ENSMUSG00000026547	422	NA	NA	0.21	0.26	0.2	0.27
chr10	20878782	20881122	Myb	ENSMUSG00000019982	838	0.25	0.18	0.13	0.22	0.1	0.12
chr10	62254394	62255293	Ccar1	ENSMUSG00000020074	273	0.22	0.15	0.15	0.18	0.51	0.15
chr10	62485769	62487041	Hnrnp3	ENSMUSG00000020069	190	0.28	0.16	0.09	0.12	0.09	0.16
chr10	80720011	80720602	Matk	ENSMUSG00000004933	262	0.54	0.15	0.12	0.24	0.12	0.14
chr10	127805540	127806317	Coq10a	ENSMUSG00000039914	1160	0.35	0.28	0.13	0.16	0.14	0.16
chr10	85379167	85379967	Prdm4	ENSMUSG00000035529	123	0.21	0.17	0.1	0.16	0.09	0.16
chr10	41994537	41998359	Foxo3	ENSMUSG00000048756	54	0.22	0.11	0.1	0.11	0.1	0.13
chr10	36693945	36695064	Hdac2	ENSMUSG00000019777	154	0.29	0.16	0.12	0.17	0.12	0.13
chr10	127495762	127496925	Ptges3	ENSMUSG00000071072	333	0.15	0.27	0.13	0.21	0.31	0.16
chr10	93977441	93978283	Tmcc3	ENSMUSG00000020023	260	0.27	0.24	0.11	0.13	0.13	0.15
chr10	85484515	85485162	Fbxo7	ENSMUSG00000001786	121	0.29	0.12	0.11	0.18	0.07	0.12
chr10	42481273	42482128	Sec63	ENSMUSG00000019802	398	0.09	0.09	0.12	0.19	0.57	0.13
chr10	13588558	13588961	Aig1	ENSMUSG00000019806	-131	0.08	0.11	0.08	0.11	0.24	0.14
chr10	57514537	57514806	Smpdl3a	ENSMUSG00000019872	297	0.64	0.48	0.09	0.16	0.2	0.23
chr10	98569415	98570375	Poc1b	ENSMUSG00000019952	225	0.32	0.23	0.11	0.21	0.15	0.16
chr10	13684371	13687422	Hivep2	ENSMUSG00000015501	-289	0.31	0.17	0.13	0.15	0.16	0.16
chr10	43198189	43199901	Bend3	ENSMUSG00000038214	99	0.43	0.27	0.14	0.16	0.19	0.15
chr10	6605533	6606271	Plekhg1	ENSMUSG00000040624	-26	0.49	0.68	0.2	0.37	0.21	0.28
chr10	84646996	84648235	Cry1	ENSMUSG00000020038	184	0.17	0.16	0.11	0.12	0.1	0.11
chr10	77084824	77085609	Ube2g2	ENSMUSG00000009293	196	0.24	0.16	0.09	0.14	0.1	0.11
chr10	12588749	12589455	Utrn	ENSMUSG00000019820	61	0.27	0.19	0.11	0.16	0.12	0.15
chr10	7675144	7676706	Tab2	ENSMUSG00000015755	-234	0.2	0.16	0.09	0.15	0.1	0.11

chr10	80805720	80806288	Gipc3	ENSMUSG00000034872	7	0.28	0.17	0.1	0.14	0.1	0.13
chr10	94977296	94978527	Ube2n	ENSMUSG00000074781	132	0.16	0.17	0.11	0.15	0.08	0.16
chr10	58684022	58685535	10-Sep	ENSMUSG00000019917	-183	0.39	0.14	0.11	0.19	0.16	0.14
chr10	39450929	39452940	E130307A14Rik	ENSMUSG00000087177	-352	0.15	0.14	0.11	0.13	0.08	0.15
chr10	80729347	80729719	Mrpl54	ENSMUSG00000034932	136	0.38	0.14	0.18	0.31	0.12	0.15
chr10	80260431	80261794	Sf3a2	ENSMUSG00000020211	169	0.25	0.24	0.1	0.14	0.1	0.14
chr10	11063094	11063610	Epm2a	ENSMUSG00000055493	150	0.25	0.12	0.09	0.12	0.09	0.13
chr10	58275006	58276847	Gm9987	ENSMUSG00000055958	-36	0.23	0.3	0.12	0.19	0.1	0.18
chr10	74979793	74980335	1110038D17Rik	ENSMUSG00000033416	-149	0.31	0.22	0.13	0.26	0.1	0.16
chr10	25079390	25080402	Epb4.1l2	ENSMUSG00000019978	292	0.28	0.15	0.11	0.17	0.11	0.14
chr10	61111138	61111851	Ppa1	ENSMUSG00000020089	194	0.35	0.17	0.09	0.23	0.12	0.15
chr10	114821307	114823017	Thap2	ENSMUSG00000020137	-671	0.19	0.19	0.12	0.18	0.09	0.14
chr10	41022660	41023125	Fig4	ENSMUSG00000038417	155	1	0.06	0.11	0.1	0.11	0.2
chr10	61440797	61442050	Col13a1	ENSMUSG00000058806	-554	0.4	0.16	0.15	0.15	0.2	0.17
chr10	30562146	30563043	Hey2	ENSMUSG00000019789	13	0.09	0.19	0.13	0.14	0.34	0.17
chr10	128110841	128111049	Suox	ENSMUSG00000049858	29	0.75	NA	0.11	0.14	0.05	0.14
chr10	12912594	12913040	Ltv1	ENSMUSG00000019814	126	0.3	0.21	0.14	0.18	0.11	0.13
chr10	79755055	79755648	Rps15	ENSMUSG00000063457	175	0.23	0.23	0.15	0.18	0.09	0.14
chr10	80023681	80024632	Rexo1	ENSMUSG00000047417	126	0.7	0.35	0.17	0.24	0.28	0.24
chr10	107598638	107599929	Ppp1r12a	ENSMUSG00000019907	34	0.25	0.16	0.12	0.16	0.17	0.17
chr10	43723294	43724261	Gm10812	ENSMUSG00000075162	-183	0.21	0.11	0.09	0.13	0.09	0.17
chr10	80052691	80053159	Fam108a	ENSMUSG00000003346	124	0.42	0.27	0.13	0.21	0.11	0.16
chr10	20672222	20672764	Ahi1	ENSMUSG00000019986	102	0.18	0.11	0.11	0.12	0.09	0.12
chr10	74674649	74675192	Specc1l	ENSMUSG00000033444	102	0.13	0.09	0.09	0.12	0.05	0.1
chr10	116584884	116585908	Frs2	ENSMUSG00000020170	134	0.15	0.11	0.09	0.15	0.07	0.13
chr10	42221644	42222524	Snx3	ENSMUSG00000019804	248	0.56	0.18	0.13	0.22	0.29	0.15
chr10	79937969	79938445	U6	ENSMUSG00000089228	-890	0.3	0.15	0.11	0.18	0.13	0.18
chr10	93103567	93104272	Ntn4	ENSMUSG00000020019	125	0.17	0.15	0.1	0.11	0.08	0.14
chr10	88194020	88194835	Arl1	ENSMUSG00000060904	316	0.16	0.15	0.13	0.17	0.07	0.17
chr10	126478020	126479290	Mettl1	ENSMUSG00000006732	185	0.39	0.12	0.1	0.17	0.21	0.17

chr10	33738962	33739750	Rwdd1	ENSMUSG00000019782	36	0.29	0.12	0.11	0.14	0.11	0.1
chr10	70844174	70844547	lpmk	ENSMUSG00000060733	-137	0.71	0.62	0.88	0.79	0.94	0.9
chr10	74454147	74454472	Gnaz	ENSMUSG00000040009	723	0.96	0.95	0.85	0.87	0.76	0.8
chr10	70061365	70062904	Phyhipl	ENSMUSG00000037747	-304	0.21	0.32	0.11	0.14	0.11	0.16
chr10	79627329	79627607	Cirbp	ENSMUSG00000045193	-1262	0.68	0.35	0.14	0.34	0.31	0.24
chr10	50614048	50615138	Sim1	ENSMUSG00000019913	-864	0.15	0.09	0.12	0.12	0.07	0.16
chr10	98724130	98726815	Dusp6	ENSMUSG00000019960	-393	0.16	0.13	0.1	0.14	0.1	0.15
chr10	60845891	60846436	X99384	ENSMUSG00000020092	108	0.45	0.23	0.16	0.17	0.19	0.16
chr10	126338007	126338510	Xrcc6bp1	ENSMUSG00000025436	169	0.19	0.19	0.1	0.18	0.06	0.15
chr10	93774629	93775220	Tmcc3	ENSMUSG00000020023	230	0.73	0.88	0.14	0.22	0.14	0.1
chr10	122701496	122702845	Fam19a2	ENSMUSG00000044071	1038	0.19	0.13	0.12	0.22	0.12	0.15
chr10	74523129	74524954	Bcr	ENSMUSG00000009681	400	0.16	0.18	0.12	0.16	0.1	0.16
chr10	80630235	80630718	Pias4	ENSMUSG00000004934	-17	0.16	0.17	0.13	0.27	0.71	0.14
chr10	126971166	126971528	Nxph4	ENSMUSG00000040258	268	0.56	0.27	0.23	0.16	0.16	0.15
chr10	127176681	127177096	Zbtb39	ENSMUSG00000044617	294	0.28	0.21	0.09	0.13	0.15	0.1
chr10	62064699	62065184	Ddx21	ENSMUSG00000020075	105	0.43	0.16	0.11	0.21	0.12	0.15
chr10	80812821	80813441	Hmg20b	ENSMUSG00000020232	-195	0.34	0.16	0.16	0.16	0.19	0.19
chr10	19868239	19869155	Mtap7	ENSMUSG00000019996	420	0.13	0.1	0.1	0.16	0.06	0.12
chr10	72561876	72562951	Pcdh15	ENSMUSG00000052613	323	0.1	0.08	0.11	0.12	0.22	0.15
chr10	120414920	120416814	Lemd3	ENSMUSG00000048661	521	0.29	0.23	0.14	0.18	0.17	0.15
chr10	5958412	5959826	Zbtb2	ENSMUSG00000075327	686	0.23	0.19	0.09	0.15	0.14	0.1
chr10	94151041	94151871	4932415G12Rik	ENSMUSG00000086635	-98	0.18	0.11	0.1	0.09	0.08	0.12
chr10	116812876	116814232	Cpsf6	ENSMUSG00000055531	430	0.24	0.13	0.14	0.26	0.14	0.14
chr10	75322417	75323085	Mif	ENSMUSG00000033307	244	0.62	0.39	0.18	0.17	0.4	0.27
chr10	60149335	60150528	Cdh23	ENSMUSG00000012819	74	0.21	0.12	0.08	0.16	0.1	0.15
chr10	45055287	45056029	Bves	ENSMUSG00000071317	90	0.19	0.12	0.08	0.16	0.08	0.1
chr10	66558928	66560220	Jmjd1c	ENSMUSG00000037876	421	0.13	0.18	0.09	0.16	0.06	0.14
chr10	79502245	79502630	Polr2e	ENSMUSG00000004667	-42	0.1	0.17	0.12	0.17	0.2	0.12
chr10	89335763	89336301	Anks1b	ENSMUSG00000058589	-385	0.13	0.24	0.1	0.19	0.06	0.16
chr10	126648274	126648814	Pip4k2c	ENSMUSG00000025417	134	0.19	0.19	0.1	0.18	0.1	0.11

chr10	79282149	79282452	9130017N09Rik	ENSMUSG00000035852	-1466	0.72	0.7	0.73	0.73	0.87	0.91
chr10	80892774	80893984	Nfic	ENSMUSG00000055053	371	0.15	0.16	0.11	0.13	0.08	0.13
chr10	82161727	82162569	Hfcf2	ENSMUSG00000020246	396	0.26	0.42	0.09	0.13	0.11	0.17
chr10	121533687	121534271	Tmem5	ENSMUSG00000034620	203	0.25	0.22	0.08	0.18	0.1	0.14
chr10	76495224	76496222	Slc19a1	ENSMUSG00000001436	294	0.49	0.25	0.15	0.15	0.23	0.13
chr10	17775039	17776091	Reps1	ENSMUSG00000019854	-102	0.12	0.17	0.08	0.1	0.07	0.15
chr10	92623185	92624411	Cdk17	ENSMUSG00000020015	177	0.22	0.17	0.12	0.15	0.14	0.13
chr10	75022594	75023100	Al646023	ENSMUSG00000046807	228	0.16	0.14	0.13	0.11	0.08	0.15
chr10	79610920	79613780	Midn	ENSMUSG00000035621	1333	0.14	0.15	0.11	0.12	0.09	0.1
chr10	87922239	87922736	Sycp3	ENSMUSG00000020059	173	0.88	0.87	0.91	0.93	0.79	0.85
chr10	96079118	96080418	Btg1	ENSMUSG00000036478	133	0.33	0.22	0.13	0.16	0.17	0.16
chr10	21868338	21871497	E030030I06Rik	ENSMUSG00000055657	-1288	0.1	0.06	0.13	0.17	0.07	0.16
chr10	80755542	80756258	Pip5k1c	ENSMUSG00000034902	192	0.42	0.17	0.21	0.27	0.21	0.21
chr10	126949841	126950252	Ndufa4l2	ENSMUSG00000040280	-1949	0.12	0.14	0.14	0.26	0.37	0.13
chr10	80288999	80289982	Oaz1	ENSMUSG00000035242	89	0.6	0.46	0.22	0.26	0.41	0.24
chr10	22450472	22451831	Tbpl1	ENSMUSG00000071359	-57	0.17	0.16	0.09	0.11	0.07	0.15
chr10	59078871	59079483	Ccdc109a	ENSMUSG00000009647	226	0.38	0.41	0.15	0.16	0.22	0.25
chr10	100051584	100051973	4930430F08Rik	ENSMUSG00000046567	115	0.67	0.09	0.11	0.19	0.19	0.22
chr10	77814654	77815270	Agpat3	ENSMUSG00000001211	-164	0.12	0.16	0.08	0.11	0.06	0.12
chr10	84565165	84565983	Fhl4	ENSMUSG00000050035	-334	0.22	0.22	0.13	0.16	0.14	0.14
chr10	42198039	42198464	Lace1	ENSMUSG00000038302	-165	0.22	0.15	0.1	0.14	0.08	0.17
chr10	80783414	80784026	2510012J08Rik	ENSMUSG00000034889	-128	0.33	0.16	0.18	0.18	0.09	0.21
chr10	118676254	118677449	Cand1	ENSMUSG00000020114	-492	0.16	0.09	0.11	0.16	0.11	0.16
chr10	57251824	57252411	Serinc1	ENSMUSG00000019877	98	0.16	0.19	0.09	0.13	0.07	0.11
chr10	42299394	42299697	Nr2e1	ENSMUSG00000019803	606	0.2	0.62	0.18	0.21	0.5	0.36
chr10	75905040	75905836	Pcnt	ENSMUSG00000001151	93	0.11	0.25	0.17	0.15	0.04	0.24
chr10	79316817	79318094	Ptbp1	ENSMUSG00000006498	283	0.26	0.16	0.08	0.15	0.12	0.11
chr10	118890466	118891808	Grip1	ENSMUSG00000034813	47	0.12	0.2	0.11	0.16	0.22	0.14
chr10	127984339	127985074	Zc3h10	ENSMUSG00000039810	-11	0.27	0.31	0.13	0.12	0.11	0.26
chr10	82226107	82227066	Nfyb	ENSMUSG00000020248	-195	0.21	0.09	0.09	0.18	0.15	0.17

chr10	86241760	86242276	Nt5dc3	ENSMUSG00000054027	268	0.15	0.09	0.09	0.12	0.07	0.13
chr10	80164452	80164862	Mob3a	ENSMUSG00000003348	-92	0.09	0.15	0.13	0.11	0.29	0.14
chr10	6372598	6372361	Mthfd1l	ENSMUSG00000040675	418	0.26	0.19	0.14	0.1	0.14	0.2
chr10	117282858	117283447	Rap1b	ENSMUSG00000052681	-161	0.16	0.09	0.07	0.07	0.06	0.12
chr10	59740205	59740695	Psap	ENSMUSG00000004207	75	1	0.4	0.16	0.19	0.33	0.22
chr10	79144438	79145093	Cdc34	ENSMUSG00000020307	-175	0.16	0.1	0.1	0.12	0.1	0.14
chr10	126727416	126727764	Gm4189	ENSMUSG00000092384	190	1	0.23	0.11	0.57	0.4	0.23
chr10	14264771	14265445	Gpr126	ENSMUSG00000039116	-266	0.16	0.15	0.12	0.14	0.1	0.12
chr10	39089352	39090266	Fyn	ENSMUSG00000019843	239	0.2	0.1	0.09	0.13	0.1	0.11
chr10	128242043	128242814	Dnajc14	ENSMUSG00000025354	-262	0.12	0.14	0.13	0.18	0.27	0.18
chr10	117578598	117579352	Mdm1	ENSMUSG00000020212	132	0.67	0.48	0.13	0.15	0.2	0.16
chr10	75495233	75495599	Zfp280b	ENSMUSG00000049764	59	0.32	0.24	0.19	0.36	0.2	0.29
chr10	40068846	40069966	Cdk19	ENSMUSG00000038481	292	0.12	0.14	0.09	0.22	0.19	0.17
chr10	70621770	70622808	Bicc1	ENSMUSG00000014329	149	0.18	0.12	0.1	0.18	0.11	0.13
chr10	62113347	62114460	Ddx50	ENSMUSG00000020076	63	0.24	0.2	0.1	0.14	0.14	0.2
chr10	80645615	80645924	4930442H23Rik	ENSMUSG00000053603	825	0.4	0.7	0.16	0.27	0.89	0.17
chr10	86955190	86956698	Ascl1	ENSMUSG00000020052	461	0.18	0.13	0.12	0.2	0.25	0.17
chr10	79229207	79230511	Rnf126	ENSMUSG00000035890	-193	0.15	0.21	0.07	0.12	0.08	0.15
chr10	5913679	5914395	1700052N19Rik	ENSMUSG00000061759	-136	0.43	0.2	0.15	0.26	0.21	0.19
chr10	126602036	126603314	B4galnt1	ENSMUSG00000006731	428	0.16	0.18	0.08	0.14	0.11	0.14
chr10	117066272	117067046	Cpm	ENSMUSG00000020183	103	0.09	0.11	0.14	0.11	0.31	0.21
chr10	86371484	86371863	Gm16280	ENSMUSG00000089881	167	0.94	0.97	0.94	0.93	0.96	0.97
chr10	127113918	127114465	Tmem194	ENSMUSG00000040195	71	0.19	0.19	0.07	0.15	0.08	0.14
chr10	127669126	127669491	Timeless	ENSMUSG00000039994	172	0.45	0.13	0.14	0.19	0.16	0.18
chr10	126500684	126500895	Cdk4	ENSMUSG00000006728	117	0.84	0.57	0.2	NA	0.64	0.19
chr10	121062971	121063763	Xpot	ENSMUSG00000034667	5	0.26	0.13	0.1	0.15	0.17	0.16
chr10	74429648	74430220	Gnaz	ENSMUSG00000040009	12	0.21	0.16	0.14	0.14	0.13	0.11
chr10	83996512	83997073	Ckap4	ENSMUSG00000046841	-159	0.23	0.23	0.1	0.16	0.14	0.17
chr10	82321736	82322175	Txnrd1	ENSMUSG00000020250	4	0.33	0.12	0.08	0.21	0.12	0.23
chr10	17667032	17668086	Heca	ENSMUSG00000039879	314	0.17	0.18	0.09	0.11	0.12	0.16

chr10	84217584	84217821	Rfx4	ENSMUSG00000020037	-1105	0.58	0.57	0.14	0.31	0.33	0.2
chr10	114752210	114752763	Rab21	ENSMUSG00000020132	161	0.67	0.31	0.12	0.2	0.36	0.13
chr10	106708926	106709663	Lin7a	ENSMUSG00000019906	395	0.5	0.28	0.2	0.19	0.2	0.22
chr10	41529676	41530361	Cep5711	ENSMUSG00000019813	-342	0.24	0.19	0.11	0.15	0.32	0.15
chr10	75807506	75808314	Dip2a	ENSMUSG00000020231	67	0.09	0.14	0.1	0.11	0.12	0.11
chr10	121023762	121024080	Tbk1	ENSMUSG00000020115	-71	0.36	0.17	0.08	0.12	0.11	0.08
chr10	80362880	80363749	Timm13	ENSMUSG00000020219	400	0.23	0.15	0.11	0.19	0.14	0.13
chr10	122115685	122116534	Ppm1h	ENSMUSG00000034613	291	0.11	0.18	0.08	0.1	0.07	0.12
chr10	83111206	83111662	Appl2	ENSMUSG00000020263	-86	1	0.18	0.14	0.19	0.24	0.22
chr10	76721651	76722590	Gm10941	ENSMUSG00000078444	-152	0.13	0.17	0.1	0.16	0.08	0.09
chr10	18734904	18735403	Tnfaip3	ENSMUSG00000019850	29	0.32	0.31	0.11	0.16	0.09	0.13
chr10	41170143	41170496	Zbtb24	ENSMUSG00000019826	130	0.16	0.07	0.08	0.13	0.08	0.13
chr10	116500350	116500952	Cct2	ENSMUSG00000034024	219	0.14	0.15	0.08	0.16	0.09	0.14
chr10	120912559	120913850	Rassf3	ENSMUSG00000025795	102	0.19	0.14	0.14	0.16	0.14	0.19
chr10	7512571	7512861	BC013529	ENSMUSG00000040006	-118	0.08	0.35	0.07	0.17	0.19	0.17
chr10	66589516	66590199	Jmjd1c	ENSMUSG00000037876	-149	0.17	0.21	0.09	0.09	0.12	0.14
chr10	80204548	80204893	Ap3d1	ENSMUSG00000020198	236	0.18	0.18	0.1	0.16	0.08	0.14
chr10	89148480	89149178	Scyl2	ENSMUSG00000069539	179	0.19	0.24	0.1	0.12	0.13	0.16
chr10	99949781	99950444	Tmtc3	ENSMUSG00000036676	-211	0.18	0.12	0.12	0.13	0.1	0.18
chr10	25797953	25798735	Gm9767	ENSMUSG00000039098	283	0.16	0.12	0.11	0.15	0.1	0.12
chr10	57351823	57352026	Pkib	ENSMUSG00000019876	67	1	0.32	0.13	0.23	0.08	0.12
chr10	79379552	79379929	C030046I01Rik	ENSMUSG00000035781	-65	0.2	0.19	0.11	0.14	0.08	0.12
chr10	79389329	79390581	Arid3a	ENSMUSG00000019564	167	0.16	0.12	0.12	0.21	0.09	0.17
chr10	13272754	13273256	Pex3	ENSMUSG00000019809	-79	0.4	0.38	0.15	0.18	0.24	0.17
chr10	21602055	21602375	Sgk1	ENSMUSG00000019970	40	0.5	0.5	0.19	0.24	0.14	0.31
chr10	79202058	79202338	Polrmt	ENSMUSG00000020329	-79	1	0.96	0.79	0.74	0.93	0.91
chr10	87609363	87609942	4930547N16Rik	ENSMUSG00000035365	-29	0.35	0.15	0.1	0.28	0.1	0.09
chr10	125403141	125403977	Lrig3	ENSMUSG00000020105	284	0.13	0.13	0.13	0.15	0.1	0.11
chr10	3134203	3135100	Cnksr3	ENSMUSG00000015202	347	0.21	0.13	0.08	0.11	0.11	0.18
chr10	79565059	79565509	Sbno2	ENSMUSG00000035673	159	0.08	0.15	0.11	0.15	0.13	0.11

chr10	82274701	82275120	170002816Rik	ENSMUSG00000056821	42	0.42	0.22	0.13	0.14	0.18	0.24
chr10	45297572	45298260	Hace1	ENSMUSG00000038822	281	0.24	0.3	0.14	0.21	0.15	0.12
chr10	60914920	60915694	Eif4ebp2	ENSMUSG00000020091	99	0.07	0.1	0.09	0.17	0.12	0.2
chr10	79361920	79362169	Med16	ENSMUSG00000013833	386	0.55	0.32	0.78	0.81	0.75	0.88
chr10	79811764	79812075	Adamts15	ENSMUSG00000043822	-762	0.2	0.49	0.21	0.23	0.32	0.18
chr10	27794324	27794907	Ptprk	ENSMUSG00000019889	-11	0.08	0.28	0.1	0.1	0.16	0.15
chr10	75931420	75931943	Mcm3ap	ENSMUSG00000001150	9	0.2	0.25	0.21	0.24	0.33	0.2
chr10	80961928	80962282	S1pr4	ENSMUSG00000044199	347	0.93	0.77	0.63	0.37	0.69	0.74
chr10	128360160	128360602	Bloc1s1	ENSMUSG00000090247	199	0.38	0.46	0.2	0.2	0.24	0.19
chr10	19653419	19654916	Map3k5	ENSMUSG00000071369	-111	0.12	0.21	0.09	0.13	0.1	0.14
chr10	20067477	20067844	Fam54a	ENSMUSG00000019992	35	0.19	0.15	0.11	0.22	0.1	0.17
chr10	23943392	23943773	Moxd1	ENSMUSG00000020000	231	1	0.36	0.14	0.2	0.3	0.1
chr10	82092450	82093063	Tdg	ENSMUSG00000034674	183	0.27	0.2	0.08	0.1	1	0.19
chr10	121484429	121484956	Srgap1	ENSMUSG00000020121	-321	0.18	0.12	0.1	0.17	0.11	0.1
chr10	17442834	17444022	Cited2	ENSMUSG00000039910	394	0.13	0.23	0.11	0.19	0.09	0.16
chr10	34138020	34138340	Nt5dc1	ENSMUSG00000039480	107	1	0.12	0.09	0.11	0.1	0.16
chr10	76628294	76628927	Col18a1	ENSMUSG0000001435	683	0.2	0.65	0.11	0.28	0.75	0.26
chr10	79433563	79434109	Grin3b	ENSMUSG00000035745	376	0.07	0.11	0.1	0.12	0.11	0.12
chr10	58785774	58786670	P4ha1	ENSMUSG00000019916	178	0.13	0.14	0.1	0.15	0.09	0.12
chr10	69707671	69708278	Slc16a9	ENSMUSG00000037762	126	0.32	0.32	0.14	0.15	0.23	0.12
chr10	77531858	77532585	Icosl	ENSMUSG0000000732	116	0.14	0.17	0.11	0.14	0.1	0.17
chr10	79179006	79180785	Hcn2	ENSMUSG00000020331	516	0.12	0.22	0.1	0.12	0.09	0.14
chr10	80958788	80959246	Ncln	ENSMUSG00000020238	54	0.75	1	0.15	0.45	1	0.3
chr10	81090155	81090392	Sirt6	ENSMUSG00000034748	38	0.15	0.16	0.09	0.23	0.1	0.08
chr10	110446511	110447494	Zdhhc17	ENSMUSG00000035798	57	0.13	0.12	0.09	0.16	0.17	0.12
chr10	110601538	110602732	Osbpl8	ENSMUSG00000020189	277	0.12	0.08	0.1	0.12	0.08	0.09
chr10	32609661	32610161	Nkain2	ENSMUSG00000069670	357	0.38	0.25	0.12	0.63	0.16	0.37
chr10	43176081	43176343	Gm3699	ENSMUSG00000069648	109	0.86	0.95	0.89	0.81	0.95	0.96
chr10	115910049	115911421	4933400F03Rik	ENSMUSG00000085837	516	0.34	0.56	0.13	0.21	0.27	0.17
chr10	53316619	53317663	Asf1a	ENSMUSG00000019857	374	0.14	0.17	0.12	0.17	0.1	0.12

chr10	61142764	61143487	Sar1a	ENSMUSG00000020088	67	0.46	0.21	0.11	0.11	0.36	0.16
chr10	61158188	61159451	Tysnd1	ENSMUSG00000020087	557	0.18	0.11	0.1	0.12	0.15	0.14
chr10	122422280	122423664	Mirlet7i	ENSMUSG00000065406	-192	0.16	0.15	0.13	0.14	0.13	0.13
chr10	59569128	59570546	Spock2	ENSMUSG00000058297	621	0.1	0.15	0.09	0.16	0.16	0.14
chr10	74779627	74780455	Adora2a	ENSMUSG00000020178	353	0.12	0.18	0.11	0.17	0.15	0.19
chr10	79723481	79723842	Gamt	ENSMUSG00000020150	2	0.11	0.1	0.09	0.14	0.06	0.14
chr10	90633446	90634848	Tmpo	ENSMUSG00000019961	180	0.14	0.13	0.12	0.14	0.11	0.15
chr10	7382538	7383427	Pcmt1	ENSMUSG00000019795	77	0.1	0.14	0.09	0.14	0.07	0.1
chr10	30522464	30523259	Ncoa7	ENSMUSG00000039697	52	0.15	0.28	0.08	0.12	0.12	0.13
chr10	51953200	51954145	Dcbld1	ENSMUSG00000019891	247	0.17	0.12	0.17	0.2	0.12	0.18
chr10	52410330	52411428	Slc35f1	ENSMUSG00000038602	540	0.14	0.12	0.11	0.15	0.09	0.14
chr10	76880515	76881279	Adarb1	ENSMUSG00000020262	-298	0.1	0.39	0.07	0.12	0.21	0.1
chr10	77706911	77707588	Trappc10	ENSMUSG00000000374	138	0.08	0.07	0.11	0.13	0.13	0.12
chr10	84380259	84380718	Ric8b	ENSMUSG00000035620	127	0.12	0.05	0.09	0.13	0.07	0.12
chr10	93610544	93611133	Nr2c1	ENSMUSG00000005897	70	0.13	0.26	0.13	0.13	0.17	0.11
chr10	80568470	80569036	Map2k2	ENSMUSG00000035027	93	0.1	0.16	0.1	0.16	0.08	0.13
chr10	9394415	9395345	Samd5	ENSMUSG00000060487	126	0.11	0.16	0.12	0.18	0.14	0.16
chr10	42892964	42894905	Sobp	ENSMUSG00000038248	402	0.12	0.12	0.12	0.13	0.09	0.15
chr10	80039609	80040809	Klf16	ENSMUSG00000035397	-143	0.15	0.16	0.17	0.2	0.12	0.14
chr10	80639201	80639800	Eef2	ENSMUSG00000034994	124	0.75	1	0.12	0.16	0.47	0.22
chr10	102490799	102491296	Alx1	ENSMUSG00000036602	364	0.62	0.76	0.18	0.4	0.4	0.33
chr10	128328121	128328733	Gdf11	ENSMUSG00000025352	347	0.25	0.2	0.08	0.12	0.12	0.14
chr10	74499711	74500045	Rab36	ENSMUSG00000020175	75	0.42	0.36	0.2	0.29	0.24	0.26
chr10	21878247	21878583	H60b	ENSMUSG00000075297	23	0.09	0.08	0.11	0.14	0.06	0.13
chr10	34001863	34002557	Tspyl1	ENSMUSG00000047514	214	0.28	0.17	0.1	0.11	0.17	0.16
chr10	79819135	79819780	Plk5	ENSMUSG00000035486	253	0.14	0.14	0.12	0.12	0.09	0.12
chr10	13193551	13194328	Phactr2	ENSMUSG00000062866	263	0.13	0.12	0.1	0.12	0.1	0.15
chr10	68675335	68676471	Rhobtb1	ENSMUSG00000019944	521	0.22	0.31	0.15	0.19	0.13	0.18
chr10	75700500	75700898	Prmt2	ENSMUSG00000020230	-124	0.29	0.1	0.05	0.22	0.12	0.18
chr10	85334568	85335054	Pwp1	ENSMUSG00000001785	235	0.44	0.5	0.26	0.21	0.75	0.21

chr10	39744659	39745085	Al317395	ENSMUSG00000038522	93	0.06	0.24	0.1	0.15	0.14	0.1
chr10	81050430	81050831	Tle2	ENSMUSG00000034771	-84	0.82	0.8	0.73	0.77	0.74	0.82
chr10	126748548	126749094	Mars	ENSMUSG00000040354	-87	0.16	0.07	0.09	0.13	0.11	0.13
chr10	24431511	24432235	Enpp1	ENSMUSG00000037370	-76	0.23	0.19	0.16	0.3	0.1	0.21
chr10	8237703	8238584	Ust	ENSMUSG00000047712	480	0.29	0.25	0.09	0.15	0.19	0.1
chr10	12642521	12642931	B230208H11Rik	ENSMUSG00000085233	162	0.08	0.25	0.13	0.13	0.12	0.11
chr10	44249234	44249615	Prdm1	ENSMUSG00000038151	-1117	1	0.44	0.19	0.21	0.15	0.28
chr10	82799899	82800722	Slc41a2	ENSMUSG00000034591	-125	0.14	0.41	0.11	0.13	0.25	0.19
chr10	126981493	126981749	Lrp1	ENSMUSG00000040249	-1357	0.88	0.79	0.91	0.9	0.93	0.93
chr10	6079764	6080194	Akap12	ENSMUSG00000038587	182	0.14	0.42	0.13	0.25	0.3	0.17
chr10	43987982	43988552	Atg5	ENSMUSG00000038160	103	0.2	0.11	0.08	0.13	0.16	0.16
chr10	61245869	61247113	H2afy2	ENSMUSG00000020086	203	0.09	0.11	0.11	0.12	0.11	0.13
chr10	82447909	82448621	Chst11	ENSMUSG00000034612	22	0.13	0.1	0.11	0.2	0.09	0.15
chr10	128370671	128371267	Itga7	ENSMUSG00000025348	100	0.15	0.08	0.16	0.2	0.07	0.12
chr10	7309492	7310449	Lrp11	ENSMUSG00000019796	372	0.13	0.16	0.1	0.15	0.15	0.15
chr10	23869096	23869544	Stx7	ENSMUSG00000019998	197	0.37	0.29	0.15	0.38	0.27	0.18
chr10	29081375	29082056	Rnf146	ENSMUSG00000038876	114	0.14	0.17	0.11	0.16	0.11	0.12
chr10	61949036	61950082	Vps26a	ENSMUSG00000020078	-213	0.25	0.24	0.12	0.23	0.17	0.18
chr10	75130049	75130821	Cabin1	ENSMUSG00000020196	-87	0.28	0.31	0.14	0.12	0.19	0.13
chr10	76978304	76978840	1810008A18Rik	ENSMUSG00000032977	-255	0.26	0.51	0.12	0.28	0.19	0.2
chr10	80598764	80600912	Zbtb7a	ENSMUSG00000035011	822	0.17	0.24	0.11	0.15	0.14	0.13
chr10	4423984	4424839	Rgs17	ENSMUSG00000019775	270	0.35	0.29	0.12	0.22	0.23	0.21
chr10	77927252	77927822	Pdxk	ENSMUSG00000032788	61	0.23	0.19	0.09	0.13	0.17	0.16
chr10	114237495	114239257	Trhde	ENSMUSG00000050663	44	0.13	0.11	0.1	0.15	0.09	0.11
chr10	126516659	126517431	Agap2	ENSMUSG00000025422	1082	0.18	0.18	0.13	0.19	0.22	0.17
chr10	12810338	12811105	Plagl1	ENSMUSG00000019817	224	0.43	0.31	0.36	0.49	0.4	0.44
chr10	43621107	43621675	Qrs1l	ENSMUSG00000019863	160	0.24	0.4	0.14	0.32	0.17	0.17
chr10	66998019	67000488	Egr2	ENSMUSG00000037868	1030	0.24	0.64	0.12	0.2	0.18	0.17
chr10	95403194	95403966	Eea1	ENSMUSG00000036499	283	0.18	0.32	0.11	0.18	0.14	0.13
chr10	127813800	127814597	Ankrd52	ENSMUSG00000014498	27	0.15	0.19	0.08	0.12	0.12	0.11

chr10	127895620	127896514	Smarcc2	ENSMUSG00000025369	-225	0.14	0.09	0.1	0.17	0.18	0.16
chr10	61802673	61803182	Hk1	ENSMUSG00000037012	-2	0.1	0.14	0.09	0.16	0.06	0.23
chr10	67739747	67740059	Arid5b	ENSMUSG00000019947	1571	0.25	0.45	0.11	0.21	0.09	0.16
chr10	127472334	127473366	Naca	ENSMUSG00000061315	448	0.14	0.1	0.13	0.31	0.07	0.18
chr10	21993127	21994073	H60b	ENSMUSG00000075297	448	0.17	0.15	0.13	0.14	0.09	0.16
chr10	23069540	23070411	Eya4	ENSMUSG00000010461	-274	0.17	0.17	0.15	0.2	0.27	0.13
chr10	40020576	40022549	Amd1	ENSMUSG00000075232	430	0.15	0.12	0.15	0.17	0.19	0.18
chr10	44178356	44178699	Prdm1	ENSMUSG00000038151	-34	0.08	0.05	0.06	0.16	0.04	0.12
chr10	79895795	79896958	Tcf3	ENSMUSG00000020167	-10	0.21	0.15	0.1	0.18	0.16	0.24
chr10	94964350	94964607	Mrpl42	ENSMUSG00000062981	83	1	0.12	0.06	0.25	0.18	0.2
chr10	126496340	126497516	9-Mar	ENSMUSG00000040502	312	0.18	0.09	0.1	0.16	0.14	0.17
chr10	127759469	127759903	Cnpy2	ENSMUSG00000025381	171	0.36	NA	0.22	0.21	0.14	0.25
chr10	80655104	80655820	2310050B05Rik	ENSMUSG00000085779	-1892	0.13	0.18	0.06	0.18	0.08	0.12
chr10	50312314	50312824	Ascc3	ENSMUSG00000038774	94	0.09	0.07	0.07	0.11	0.12	0.12
chr10	80217630	80218424	Dot1l	ENSMUSG00000061589	76	0.09	0.09	0.09	0.11	0.11	0.1
chr10	42940854	42941840	Pdss2	ENSMUSG00000038240	55	0.12	0.1	0.1	0.19	0.09	0.1
chr10	53470598	53471271	Fam184a	ENSMUSG00000019856	-248	0.22	0.21	0.13	0.15	0.26	0.19
chr10	57785997	57786573	Lims1	ENSMUSG00000019920	71	0.11	0.09	0.11	0.15	0.06	0.13
chr10	67001047	67001857	Egr2	ENSMUSG00000037868	21	0.6	0.2	0.13	0.33	0.32	0.14
chr10	79132051	79132717	Gm16517	ENSMUSG00000020308	229	0.12	0.18	0.11	0.16	0.16	0.15
chr10	88193352	88193895	Gm4925	ENSMUSG00000069540	-162	0.21	0.19	0.13	0.13	0.14	0.19
chr10	25016525	25017028	Akap7	ENSMUSG00000039166	103	0.19	0.22	0.09	0.16	0.23	0.2
chr10	79209216	79209458	Polrmt	ENSMUSG00000020329	-21	0.09	0.18	0.13	0.15	0.24	0.07
chr10	126626893	126627156	Arhgef25	ENSMUSG00000019467	86	0.18	0.25	0.12	0.21	0.14	0.19
chr10	10277623	10277985	Rab32	ENSMUSG00000019832	227	1	0.2	0.43	0.4	0.17	0.17
chr10	57909473	57910197	Ranbp2	ENSMUSG00000003226	235	0.1	0.3	0.08	0.12	0.07	0.15
chr10	60609019	60609424	Sgpl1	ENSMUSG00000020097	425	0.1	0.13	0.08	0.1	0.13	0.15
chr10	33847265	33847533	Fam26f	ENSMUSG00000046031	379	1	0.5	0.07	0.09	0.21	0.16
chr10	61912176	61912754	Supv3l1	ENSMUSG00000020079	-34	0.16	0.15	0.1	0.15	0.22	0.17
chr10	84849491	84851001	Btbd11	ENSMUSG00000020042	687	0.14	0.22	0.14	0.13	0.11	0.14

chr10	38853688	38854092	1700025K23Rik	ENSMUSG000000051736	-184	0.13	0.35	0.09	0.19	0.07	0.15
chr10	66747512	66748245	Nrbf2	ENSMUSG000000075000	50	0.16	0.14	0.07	0.22	0.11	0.15
chr10	79337000	79337458	BC005764	ENSMUSG000000035835	-118	0.4	0.22	0.1	0.19	0.16	0.15
chr10	121176706	121177220	BC048403	ENSMUSG000000053684	-30	0.21	0.2	0.08	0.1	0.12	0.11
chr10	19076689	19077385	Olig3	ENSMUSG000000045591	671	0.18	0.6	0.12	0.41	0.1	0.18
chr10	57718092	57718488	Gcc2	ENSMUSG000000038039	45	0.69	0.44	0.35	0.29	0.5	0.27
chr10	80846933	80847393	Dohh	ENSMUSG000000078440	-10	0.09	0.11	0.13	0.13	0.04	0.13
chr10	79516056	79516957	Gpx4	ENSMUSG000000075706	273	0.07	0.11	0.11	0.1	0.09	0.09
chr10	79727407	79728023	Dazap1	ENSMUSG000000069565	-14	0.13	0.1	0.11	0.14	0.1	0.17
chr10	120335423	120336246	Msr3	ENSMUSG000000051236	323	0.16	0.21	0.09	0.17	0.13	0.13
chr10	128180841	128181211	Dgka	ENSMUSG000000025357	86	0.1	0.12	0.11	0.2	0.15	0.09
chr10	9620194	9621130	Stxbp5	ENSMUSG000000019790	-181	0.14	0.09	0.08	0.12	0.11	0.1
chr10	44786708	44787370	Prep	ENSMUSG000000019849	27	0.09	0.08	0.09	0.14	0.06	0.09
chr10	59465528	59466041	Ascc1	ENSMUSG000000044475	197	0.16	0.52	0.11	0.11	0.1	0.12
chr10	31033233	31033575	Hddc2	ENSMUSG00000000295	126	0.09	0.12	0.08	0.13	0.07	0.2
chr10	70810292	70811292	lpmk	ENSMUSG000000060733	281	0.14	0.16	0.1	0.16	0.12	0.14
chr10	75355971	75356336	Derf3	ENSMUSG000000009092	10	0.16	0.4	0.09	0.2	0.22	0.14
chr10	79099933	79100840	Shc2	ENSMUSG000000020312	277	0.13	0.14	0.08	0.13	0.11	0.13
chr10	80097054	80097298	Csnk1g2	ENSMUSG000000003345	-4	0.94	1	0.91	NA	1	0.96
chr10	120802022	120802704	Gns	ENSMUSG000000034707	217	0.33	0.22	0.2	0.15	0.24	0.17
chr10	80084721	80085855	Csnk1g2	ENSMUSG000000003345	-237	0.36	0.43	0.08	0.28	0.28	0.19
chr10	80826739	80827697	4930404N11Rik	ENSMUSG000000020234	381	0.21	0.18	0.4	0.44	0.17	0.33
chr10	19627175	19627553	Pex7	ENSMUSG000000020003	-13	0.1	0.13	0.08	0.11	0.08	0.09
chr10	40402959	40403463	9030224M15Rik	ENSMUSG000000045555	123	0.17	0.13	0.11	0.15	0.13	0.17
chr10	80306393	80307048	Lingo3	ENSMUSG000000051067	64	0.17	0.08	0.13	0.15	0.11	0.15
chr10	118305038	118306542	Dyrk2	ENSMUSG000000028630	169	0.11	0.21	0.09	0.15	0.09	0.13
chr10	128346937	128347405	Cd63	ENSMUSG000000025351	249	0.39	0.3	0.14	0.21	0.49	0.17
chr10	105278138	105278922	BC067068	ENSMUSG000000036009	-263	0.1	0.14	0.1	0.13	0.14	0.18
chr10	110943193	110943953	Phlda1	ENSMUSG000000020205	231	0.09	0.09	0.1	0.13	0.07	0.11
chr10	83006505	83007097	A230046K03Rik	ENSMUSG000000034560	115	0.13	0.21	0.12	0.15	0.1	0.12

chr10	18564692	18565232	Perp	ENSMUSG00000019851	85	0.18	0.22	0.1	0.15	0.14	0.12
chr10	83902968	83904200	Nuak1	ENSMUSG00000020032	-242	0.15	0.15	0.11	0.15	0.13	0.12
chr10	126817443	126817709	R3hdm2	ENSMUSG00000025404	-142	0.08	0.1	0.11	0.15	0.11	0.14
chr10	20031752	20032959	4933406P04Rik	ENSMUSG00000069713	-255	0.3	0.24	0.14	0.15	0.25	0.15
chr10	43260300	43260932	1700021F05Rik	ENSMUSG00000019797	158	0.12	0.13	0.11	0.16	0.09	0.12
chr10	53349236	53350087	Mcm9	ENSMUSG00000058298	584	0.07	0.25	0.11	0.15	0.1	0.19
chr10	67010788	67012000	Ado	ENSMUSG00000057134	309	0.1	0.16	0.08	0.16	0.12	0.13
chr10	79849371	79850652	Mex3d	ENSMUSG00000048696	154	0.07	0.12	0.1	0.1	0.08	0.12
chr10	79957530	79958927	Onecut3	ENSMUSG00000045518	648	0.17	0.11	0.09	0.15	0.15	0.13
chr10	115550494	115551397	4933416C03Rik	ENSMUSG00000074734	28	0.95	0.94	0.91	0.94	0.93	0.98
chr10	120747287	120748080	Tbc1d30	ENSMUSG00000052302	562	0.13	0.22	0.1	0.08	0.11	0.13
chr10	77364832	77365282	Lrrc3	ENSMUSG00000051652	224	0.19	0.29	0.12	0.42	0.26	0.27
chr10	87819561	87820048	Dram1	ENSMUSG00000020057	-63	0.33	0.08	0.08	0.16	0.08	0.07
chr10	126699875	126700187	Kif5a	ENSMUSG00000074657	96	0.17	0.06	0.09	0.14	0.13	0.08
chr10	93351918	93352610	Metap2	ENSMUSG00000036112	1683	0.5	0.09	0.09	0.25	0.12	0.16
chr10	29920045	29920437	Cenpw	ENSMUSG00000075266	105	0.09	0.19	0.2	0.15	0.14	0.14
chr10	29033048	29033392	Echdc1	ENSMUSG00000019883	133	0.2	0.28	0.6	0.07	0.09	0.12
chr10	59681506	59682210	Chst3	ENSMUSG00000057337	150	0.1	0.09	0.08	0.11	0.12	0.16
chr10	98376467	98378541	Atp2b1	ENSMUSG00000019943	-282	0.1	0.2	0.1	0.15	0.11	0.13
chr10	6979374	6980302	Gm16760	ENSMUSG00000086086	432	0.12	0.28	0.12	0.21	0.1	0.15
chr10	59413979	59415143	Ddit4	ENSMUSG00000020108	-43	0.14	0.26	0.09	0.13	0.17	0.12
chr10	81106036	81106680	Ankrd24	ENSMUSG00000054708	-190	0.08	0.24	0.08	0.11	0.13	0.14
chr10	39861565	39862244	Slc16a10	ENSMUSG00000019838	156	0.43	0.44	0.16	0.68	0.25	0.16
chr10	77632191	77632621	D10Jhu81e	ENSMUSG00000053329	107	0.05	0.05	0.07	0.13	0.07	0.08
chr10	60293294	60294558	Unc5b	ENSMUSG00000020099	403	0.1	0.12	0.11	0.09	0.11	0.17
chr10	81007282	81008120	Gna11	ENSMUSG00000034781	234	0.12	0.07	0.08	0.11	0.11	0.14
chr10	112365784	112366152	Atn7l3b	ENSMUSG00000074748	89	0.06	0.1	0.08	0.16	0.04	0.17
chr10	57960611	57960936	Ccdc138	ENSMUSG00000038010	55	0.1	0.09	0.09	0.1	0.06	0.2
chr10	119645757	119646008	Tmbim4	ENSMUSG00000020225	76	0.14	0.09	0.09	0.16	0.09	0.14
chr10	11000515	11001900	4930432B10Rik	ENSMUSG00000085480	-410	0.17	0.27	0.12	0.15	0.15	0.16

chr10	62188453	62189001	Stox1	ENSMUSG00000036923	-178	0.07	0.12	0.08	0.14	0.06	0.12
chr10	79217753	79218041	Fgf22	ENSMUSG00000020327	76	0.09	0.08	0.06	0.14	0.13	0.1
chr10	79642039	79642421	Efna2	ENSMUSG00000003070	3	0.43	0.33	0.19	0.15	0.29	0.24
chr10	12728107	12728926	Sf3b5	ENSMUSG000000078348	260	0.24	0.25	0.14	0.21	0.3	0.2
chr10	14425081	14425388	Vta1	ENSMUSG000000019868	31	1	1	0.2	1	0.2	0.21
chr10	61573452	61573843	2010107G23Rik	ENSMUSG000000020083	46	0.12	0.17	0.14	0.13	0.1	0.15
chr10	87841817	87842500	Dram1	ENSMUSG000000020057	-333	0.08	0.15	0.09	0.16	0.07	0.11
chr10	88807368	88807880	Gm17277	ENSMUSG000000091581	-117	0.11	0.14	0.1	0.15	0.09	0.12
chr10	95025879	95026991	Nudt4	ENSMUSG000000020029	366	0.12	0.11	0.09	0.17	0.11	0.13
chr10	39646557	39646887	2010001E11Rik	ENSMUSG000000039339	7	0.33	0.23	0.18	0.15	0.22	0.23
chr10	85061390	85061613	Btbd11	ENSMUSG000000020042	345	0.1	0.11	0.08	0.14	0.15	0.07
chr10	79076523	79076835	C2cd4c	ENSMUSG000000045912	84	0.15	0.12	0.1	0.12	0.13	0.14
chr10	128063211	128063610	Rps26	ENSMUSG000000025362	152	0.13	0.43	0.08	0.08	0.1	0.21
chr10	39966535	39966995	Rpf2	ENSMUSG000000038510	20	0.28	0.25	0.07	0.2	0.23	0.18
chr10	79630275	79631087	Cirbp	ENSMUSG000000045193	158	0.18	0.26	0.09	0.1	0.15	0.12
chr10	93002532	93002742	Amdhd1	ENSMUSG000000015890	141	0.5	0.17	0.11	0.29	0.33	0.16
chr10	111708892	111709305	Kcnc2	ENSMUSG000000035681	919	0.17	0.13	0.11	0.17	0.2	0.16
chr10	24589656	24590194	Med23	ENSMUSG000000019984	133	0.14	0.27	0.11	0.2	0.09	0.16
chr10	62706661	62707191	1700120B22Rik	ENSMUSG000000045391	-30	0.11	0.06	0.1	0.15	0.13	0.15
chr10	69559417	69560760	Ccdc6	ENSMUSG000000048701	219	0.1	0.12	0.1	0.16	0.11	0.14
chr10	77888378	77888712	Cstb	ENSMUSG000000005054	130	0.34	0.2	0.12	0.18	0.29	0.18
chr10	90545045	90546125	Apaf1	ENSMUSG000000019979	-411	0.08	0.16	0.09	0.16	0.06	0.13
chr10	117146930	117147988	Mdm2	ENSMUSG000000020184	-381	0.16	0.18	0.11	0.14	0.19	0.15
chr10	127846804	127847008	Obfc2b	ENSMUSG000000025374	24	0.09	0.1	0.08	0.07	0.18	0.08
chr10	40603150	40604332	Wasf1	ENSMUSG000000019831	460	0.12	0.11	0.09	0.17	0.13	0.13
chr10	41209851	41210609	Smpd2	ENSMUSG000000019822	-327	0.2	0.45	0.18	0.24	0.24	0.23
chr10	82822753	82823565	D10Wsu102e	ENSMUSG000000020255	193	0.14	0.14	0.1	0.14	0.12	0.13
chr10	115024454	115024965	Lgr5	ENSMUSG000000020140	-160	0.16	0.21	0.14	0.19	0.14	0.17
chr10	79601514	79602290	Dos	ENSMUSG000000035640	21	0.11	0.29	0.09	0.14	0.09	0.1
chr10	90586172	90586938	Slc25a3	ENSMUSG000000061904	145	0.14	0.26	0.13	0.26	0.2	0.14

chr10	23506763	23507273	Rps12	ENSMUSG00000061983	-3	0.13	0.42	0.08	0.13	0.2	0.14
chr10	70747480	70748341	Ube2d1	ENSMUSG00000019927	56	0.12	0.27	0.11	0.15	0.13	0.14
chr10	70807237	70807854	Cisd1	ENSMUSG00000037710	157	0.19	0.13	0.09	0.12	0.16	0.16
chr10	107769199	107770364	Pawr	ENSMUSG00000035873	536	0.14	0.09	0.11	0.13	0.13	0.11
chr10	89207693	89208554	Uhrf1bp11	ENSMUSG00000019951	387	0.23	0.33	0.1	0.17	0.25	0.17
chr10	79861470	79862811	Mbd3	ENSMUSG00000035478	27	0.11	0.11	0.07	0.08	0.12	0.11
chr10	36226681	36227483	Hs3st5	ENSMUSG00000044499	387	0.16	0.11	0.18	0.15	0.13	0.15
chr10	116386794	116387655	Rab3ip	ENSMUSG00000064181	212	0.11	0.18	0.15	0.13	0.12	0.14
chr10	60735875	60736403	Adamts14	ENSMUSG00000059901	-149	0.14	0.19	0.12	0.13	0.13	0.15
chr10	77472061	77472709	Pfk1	ENSMUSG00000020277	167	0.12	0.1	0.09	0.14	0.09	0.12
chr10	88348562	88349300	Slc5a8	ENSMUSG00000020062	194	0.08	0.3	0.21	0.22	0.12	0.31
chr10	111409686	111410324	Krr1	ENSMUSG00000063334	285	0.16	0.09	0.11	0.19	0.13	0.19
chr10	43298145	43299404	Cd24a	ENSMUSG00000047139	-201	0.1	0.14	0.13	0.17	0.1	0.16
chr10	51742206	51742800	Vgll2	ENSMUSG00000049641	195	0.22	0.14	0.11	0.19	0.18	0.16
chr10	82322964	82323436	Txnrd1	ENSMUSG00000020250	114	0.2	0.09	0.13	0.15	0.08	0.1
chr10	29255297	29255656	Rspo3	ENSMUSG00000019880	197	0.17	0.22	0.13	0.23	0.12	0.22
chr10	79166983	79167419	Bsg	ENSMUSG00000023175	98	0.05	0.08	0.07	0.22	0.1	0.1
chr10	79371462	79371665	Med16	ENSMUSG00000013833	0	0.07	0.31	0.07	0.23	0.12	0.07
chr10	77647731	77648039	Pwp2	ENSMUSG00000032834	9	0.15	0.11	0.13	0.21	0.17	0.2
chr10	92772857	92773308	Eik3	ENSMUSG00000008398	474	0.11	0.13	0.12	0.17	0.1	0.18
chr10	41238663	41239776	Cd164	ENSMUSG00000019818	-87	0.22	0.23	0.17	0.19	0.2	0.17
chr10	61057878	61058143	Npffr1	ENSMUSG00000020090	-222	0.11	0.1	0.09	0.16	0.09	0.18
chr10	75383884	75384688	Smarcb1	ENSMUSG00000000902	35	0.32	NA	0.09	0.18	0.38	0.1
chr10	110910024	110910882	Nap111	ENSMUSG000000058799	205	0.1	0.13	0.09	0.13	0.11	0.1
chr10	62800923	62802173	Sirt1	ENSMUSG00000020063	232	0.16	0.17	0.13	0.12	0.17	0.14
chr10	85391170	85391663	Ascl4	ENSMUSG000000085111	180	0.06	0.1	0.08	0.09	0.1	0.09
chr10	121885654	121886377	Avpr1a	ENSMUSG00000020123	460	0.15	0.1	0.16	0.17	0.25	0.16
chr10	80138522	80139608	Mknk2	ENSMUSG00000020190	-27	0.2	0.44	0.12	0.2	0.24	0.15
chr10	127896707	127896916	Smarcc2	ENSMUSG00000025369	519	0.12	0.24	0.13	0.16	0.1	0.14
chr10	8605535	8606501	Sash1	ENSMUSG00000015305	-150	0.07	0.14	0.09	0.12	0.08	0.17

chr10	19570315	19571516	Slc35d3	ENSMUSG00000050473	350	0.11	0.24	0.12	0.14	0.12	0.1
chr10	41737839	41738316	Armc2	ENSMUSG00000071324	109	0.18	1	0.2	0.22	0.2	0.22
chr10	68815533	68815834	Cdk1	ENSMUSG00000019942	-32	0.18	0.17	0.2	0.21	0.16	0.3
chr10	128002339	128003508	Pa2g4	ENSMUSG00000025364	-40	0.12	0.21	0.09	0.17	0.13	0.12
chr10	77875374	77875866	Rrp1	ENSMUSG00000061032	92	0.12	0.25	0.08	0.12	0.14	0.12
chr10	85763009	85763582	Timp3	ENSMUSG00000020044	178	0.1	0.11	0.12	0.11	0.11	0.15
chr10	13043675	13043919	Phactr2	ENSMUSG00000062866	169	0.24	0.14	0.17	0.15	0.29	0.13
chr10	60881105	60881430	Nodal	ENSMUSG00000037171	547	0.22	0.17	0.15	0.04	0.14	0.27
chr10	99478090	99479274	Kitl	ENSMUSG00000019966	418	0.1	0.19	0.1	0.15	0.09	0.14
chr10	59342097	59342729	Dnajb12	ENSMUSG00000020109	109	0.39	0.4	0.23	0.27	0.42	0.23
chr10	62040656	62041323	2510003E04Rik	ENSMUSG00000036955	153	0.12	0.13	0.09	0.14	0.11	0.1
chr10	126632437	126632773	Dtx3	ENSMUSG00000040415	160	0.14	0.16	0.14	0.19	0.13	0.14
chr10	79239878	79240203	Fstl3	ENSMUSG00000020325	23	0.07	0.12	0.13	0.1	0.1	0.16
chr10	117229350	117230110	Nup107	ENSMUSG00000052798	24	0.09	0.25	0.19	0.13	0.12	0.16
chr10	5633618	5634270	Esr1	ENSMUSG00000019768	-54	0.1	0.08	0.14	0.08	0.11	0.33
chr10	7400706	7401658	Pcmt1	ENSMUSG00000019795	-254	0.1	0.1	0.09	0.17	0.1	0.14
chr10	7445674	7446017	Katna1	ENSMUSG00000019794	47	0.43	0.17	0.18	0.11	0.47	0.23
chr10	17742363	17742944	3110003A17Rik	ENSMUSG00000078453	405	0.16	0.29	0.14	0.2	0.15	0.11
chr10	19569788	19570051	Slc35d3	ENSMUSG00000050473	1346	0.13	0.17	0.15	0.19	0.11	0.17
chr10	21015720	21016453	Hbs1l	ENSMUSG00000019977	301	0.17	0.09	0.13	0.2	0.17	0.26
chr10	22365062	22365311	Slc2a12	ENSMUSG00000037490	369	0.33	0.25	0.13	0.11	0.19	0.07
chr10	23516740	23517014	1110021L09Rik	ENSMUSG00000037455	85	0.2	0.2	0.08	0.13	0.2	0.22
chr10	30320172	30320593	Trmt11	ENSMUSG00000019792	89	0.09	0.2	0.11	0.16	0.08	0.13
chr10	31165380	31165805	Tpd521l	ENSMUSG00000000296	135	0.33	0.35	0.1	0.23	0.3	0.15
chr10	33926633	33927257	Dse	ENSMUSG00000039497	412	0.1	0.15	0.1	0.17	0.09	0.11
chr10	42301813	42304545	Nr2e1	ENSMUSG00000019803	259	0.11	0.18	0.13	0.19	0.1	0.16
chr10	45009107	45009602	Popdc3	ENSMUSG00000019848	243	0.1	0.08	0.16	0.14	0.09	0.19
chr10	49502823	49503174	Grik2	ENSMUSG00000056073	67	0.07	NA	0.14	0.17	0.03	0.16
chr10	52101521	52102095	Gopc	ENSMUSG00000019861	73	0.15	0.16	0.13	0.16	0.15	0.15
chr10	52137189	52138095	Nus1	ENSMUSG00000023068	289	0.13	0.18	0.15	0.1	0.13	0.12

chr10	52265423	52265724	Zfa	ENSMUSG00000049576	-28	0.96	0.97	0.93	NA	1	0.85
chr10	55948459	55948785	D630037F22Rik	ENSMUSG00000038122	-127	0.65	NA	0.21	0.3	0.61	0.34
chr10	60610095	60610715	Sgpl1	ENSMUSG00000020097	-53	0.09	0.13	0.11	0.18	0.08	0.12
chr10	61178022	61178326	Aifm2	ENSMUSG00000020085	139	0.11	0.17	0.08	0.1	0.1	0.31
chr10	61596372	61596636	Neurog3	ENSMUSG00000044312	666	0.13	0.25	0.09	0.31	0.13	0.16
chr10	61693397	61694235	Tspan15	ENSMUSG00000037031	158	0.11	0.16	0.15	0.11	0.11	0.13
chr10	62383267	62383767	Slc25a16	ENSMUSG00000071253	136	0.06	0.2	0.09	0.26	0.06	0.21
chr10	62409599	62409994	Dna2	ENSMUSG00000036875	22	0.27	0.25	0.12	0.3	0.27	0.11
chr10	62563016	62563246	Atoh7	ENSMUSG00000036816	227	0.2	0.09	0.15	0.12	0.12	0.12
chr10	62892307	62892915	Ctnna3	ENSMUSG00000060843	-235	0.4	0.83	0.1	0.21	0.31	0.22
chr10	67374924	67375310	Zfp365	ENSMUSG00000037855	66	0.09	0.09	0.12	0.13	0.09	0.14
chr10	67442190	67442854	Rtkn2	ENSMUSG00000037846	204	0.07	0.14	0.1	0.22	0.08	0.12
chr10	74980772	74981091	Snrpd3	ENSMUSG00000020180	144	0.08	0.08	0.04	0.17	0.06	0.18
chr10	75226822	75227261	Cabin1	ENSMUSG00000020196	-11	0.15	0.44	0.15	0.12	0.15	0.14
chr10	75398568	75399098	Chchd10	ENSMUSG00000049422	515	0.1	0.1	0.1	0.09	0.15	0.12
chr10	76086025	76086241	Col6a2	ENSMUSG00000020241	-63	0.15	0.28	0.15	0.3	0.15	0.12
chr10	76424375	76424877	Pcbp3	ENSMUSG0000001120	-93	0.21	0.45	0.1	0.2	0.2	0.2
chr10	77441017	77441571	1810043G02Rik	ENSMUSG00000020284	25	0.08	0.09	0.11	0.22	0.09	0.21
chr10	78037446	78037784	Iivbl	ENSMUSG00000032763	-177	1	NA	0.8	NA	1	1
chr10	78243093	78243420	Slc1a6	ENSMUSG00000005357	15	0.22	0.55	0.11	0.13	0.23	0.2
chr10	79017199	79018000	Mier2	ENSMUSG00000042570	-249	0.09	0.11	0.11	0.16	0.09	0.2
chr10	79605040	79605356	Atp5d	ENSMUSG00000003072	138	0.1	0.14	0.06	0.08	0.08	0.11
chr10	79689081	79689677	Mum1	ENSMUSG00000020156	200	0.04	0.1	0.1	0.36	0.08	0.08
chr10	79811125	79811456	Adamts15	ENSMUSG00000043822	-133	0.13	0.14	0.11	0.1	0.12	0.18
chr10	79858041	79858366	Mbd3	ENSMUSG00000035478	-132	1	1	0.84	0.96	0.98	0.92
chr10	79869458	79869659	Uqcr11	ENSMUSG00000020163	-47	0.16	0.13	0.14	0.27	0.09	0.14
chr10	80317711	80318488	Lsm7	ENSMUSG00000035215	-145	0.12	0.15	0.09	0.13	0.1	0.16
chr10	80380618	80381048	Lmnb2	ENSMUSG00000062075	157	0.1	0.07	0.07	0.14	0.07	0.17
chr10	80391424	80393406	Gadd45b	ENSMUSG00000015312	-421	0.14	0.26	0.12	0.22	0.15	0.13
chr10	80695768	80696047	Zfr2	ENSMUSG00000034949	7	0.12	0.06	0.09	0.14	0.11	0.12

chr10	80820120	80820699	Mfsd12	ENSMUSG00000034854	173	0.07	0.1	0.08	0.13	0.07	0.11
chr10	80840892	80841801	Fzr1	ENSMUSG00000020235	-221	0.18	0.43	0.11	0.11	0.14	0.13
chr10	80945103	80945541	Cellf5	ENSMUSG00000034818	95	0.07	0.04	0.09	0.09	0.06	0.1
chr10	81037917	81038142	Tle2	ENSMUSG00000034771	24	0.06	0.09	0.06	0.16	0.04	0.11
chr10	81111778	81112132	Gm10778	ENSMUSG00000074860	139	0.17	0.33	0.14	0.12	0.12	0.12
chr10	83185419	83185974	150009L16Rik	ENSMUSG00000087651	86	0.25	0.08	0.22	0.2	0.27	0.13
chr10	84039018	84040205	Tcp11l2	ENSMUSG00000020034	240	0.09	0.08	0.12	0.14	0.08	0.2
chr10	84084975	84085421	Poir3b	ENSMUSG00000034453	16	0.15	0.21	0.08	0.26	0.16	0.19
chr10	86167606	86168711	AC152453.1	ENSMUSG00000092686	35	0.11	0.28	0.1	0.15	0.12	0.14
chr10	88289226	88289637	Utp20	ENSMUSG0000004356	128	0.17	0.05	0.14	0.13	0.14	0.23
chr10	92184814	92185217	Nedd1	ENSMUSG00000019988	150	0.12	0.07	0.12	0.17	0.09	0.12
chr10	92916115	92916633	Lta4h	ENSMUSG00000015889	233	0.14	0.14	0.17	0.1	0.22	0.21
chr10	93661643	93661863	Ndufa12	ENSMUSG00000020022	53	0.11	0.08	0.11	0.2	0.14	0.09
chr10	94877020	94879729	Socs2	ENSMUSG00000020027	-913	0.15	0.16	0.12	0.16	0.16	0.14
chr10	110356808	110357339	Csrp2	ENSMUSG00000020186	-159	0.12	0.19	0.1	0.23	0.11	0.15
chr10	114688114	114688741	Tbc1d15	ENSMUSG00000020130	122	0.21	0.42	0.07	0.18	0.2	0.13
chr10	114799120	114799649	Tmem19	ENSMUSG00000069520	-66	0.16	0.15	0.11	0.11	0.16	0.09
chr10	115738432	115738635	Ptprb	ENSMUSG00000020154	103	0.15	0.05	0.15	0.11	0.17	0.19
chr10	115855156	115855453	1700058G18Rik	ENSMUSG00000020164	196	0.83	1	0.71	NA	1	0.75
chr10	119638346	119639024	Irak3	ENSMUSG00000020227	-131	0.1	0.12	0.18	0.13	0.09	0.11
chr10	120470926	120471199	Wif1	ENSMUSG00000020218	46	0.14	0.05	0.05	0.17	0.08	0.14
chr10	121023298	121023566	Tbk1	ENSMUSG00000020115	418	0.09	0.07	0.09	0.19	0.09	0.15
chr10	126467632	126467945	Tsfm	ENSMUSG00000040521	27	0.14	0.14	0.12	0.12	0.13	0.16
chr10	126625568	126625913	Arhgef25	ENSMUSG00000019467	1139	0.15	0.15	0.12	0.16	0.18	0.16
chr10	126703294	126703932	Dctn2	ENSMUSG00000025410	171	0.12	0.17	0.09	0.14	0.11	0.11
chr10	126725748	126726230	Mbd6	ENSMUSG00000025409	-80	1	1	0.13	0.17	0.67	0.21
chr10	126972066	126972275	Nxph4	ENSMUSG00000040258	-555	1	NA	0.62	1	1	NA
chr10	127103546	127104241	Nab2	ENSMUSG00000025402	-205	0.09	0.11	0.08	0.15	0.09	0.11
chr10	127529914	127530528	Baz2a	ENSMUSG00000040054	1530	0.5	0.75	0.15	0.29	0.46	0.21
chr10	127707415	127707827	Stat2	ENSMUSG00000040033	-8	0.31	0.46	0.14	0.24	0.3	0.17

chr10	127774658	127775151	Cs	ENSMUSG00000005683	16	0.1	0.07	0.09	0.16	0.11	0.13
chr10	127848401	127848901	Obfc2b	ENSMUSG000000025374	-103	0.05	0.08	0.09	0.09	0.06	0.18
chr10	127986279	127986279	Rpl41	ENSMUSG000000093674	60	0.12	1	0.16	0.31	0.19	0.08
chr10	128026651	128027625	Erbp3	ENSMUSG000000018166	-430	0.2	0.11	0.13	0.17	0.21	0.18
chr10	128141585	128142274	Cdk2	ENSMUSG000000025358	178	0.18	0.56	0.1	0.2	0.17	0.14
chr10	128184839	128185741	Wibg	ENSMUSG000000064030	355	0.14	0.17	0.15	0.19	0.14	0.1
chr10	4522154	4523054	Mtrf1l	ENSMUSG000000019774	-27	NA	NA	0.14	0.21	0.18	0.27
chr10	10408975	10409196	Gm10828	ENSMUSG000000075319	-1650	NA	0.33	0.18	0.23	0.3	0.44
chr10	10869003	10869667	Shprh	ENSMUSG000000090112	110	NA	0.3	0.07	0.17	0.09	0.14
chr10	19311786	19312162	Ifngr1	ENSMUSG000000020009	137	NA	0.1	0.12	0.09	0.06	0.13
chr10	21879734	21879953	H60b	ENSMUSG000000075297	1451	NA	NA	NA	NA	0.25	NA
chr10	23068271	23068476	Eya4	ENSMUSG000000010461	1328	1	NA	0.13	0.12	NA	0.12
chr10	24315257	24315892	Ctgf	ENSMUSG000000019997	42	NA	0.33	0.16	0.39	0.5	0.2
chr10	29418966	29419173	Gm10275	ENSMUSG000000069682	27	1	NA	NA	NA	NA	NA
chr10	30338044	30338414	Hint3	ENSMUSG000000019791	-90	NA	0.25	0.18	0.2	NA	0.22
chr10	33344168	33344373	Clvs2	ENSMUSG000000019785	155	NA	0.17	0.19	0.35	0.1	0.08
chr10	33670729	33670958	Zufsp	ENSMUSG000000039531	175	NA	NA	0.2	0.31	0.17	0.11
chr10	34017324	34017626	Tspyl4	ENSMUSG000000039485	248	NA	1	0.45	0.28	0.69	1
chr10	39618733	39619093	4930547M16Rik	ENSMUSG000000075243	-222	NA	0.35	0.26	0.31	0.5	0.31
chr10	39977245	39977599	Gtf3c6	ENSMUSG000000019837	49	0.08	0.08	0.12	0.16	NA	0.23
chr10	40791968	40792171	Gpr6	ENSMUSG000000046922	22	NA	NA	0.21	NA	NA	0.33
chr10	41607095	41607504	Sesn1	ENSMUSG000000038332	54	NA	0.26	0.12	0.14	0.1	0.12
chr10	49508289	49508673	Grik2	ENSMUSG000000056073	79	NA	0.17	0.08	0.17	0.11	0.2
chr10	51397581	51397811	Rfx6	ENSMUSG000000019900	80	NA	0.45	0.2	0.33	NA	0.31
chr10	59165094	59165547	Micu1	ENSMUSG000000020111	95	NA	0.13	0.06	0.07	0.12	0.22
chr10	59809575	59809807	4632428N05Rik	ENSMUSG000000020101	92	NA	NA	0.25	NA	NA	0.25
chr10	60148695	60149089	Cdh23	ENSMUSG000000012819	1113	1	NA	0.17	0.54	NA	0.23
chr10	60215335	60215693	Slc29a3	ENSMUSG000000020100	16	NA	0.08	0.11	0.2	0.06	0.09
chr10	60938356	60938985	Lrrc20	ENSMUSG000000037151	89	NA	0.62	0.11	0.2	0.29	0.23
chr10	61595526	61595795	Neurog3	ENSMUSG000000044312	-178	NA	1	0.08	0.21	NA	0.12

chr10	62442925	62443558	Rufy2	ENSMUSG00000020070	270	NA	0.34	0.1	0.12	0.22	0.19
chr10	72117505	72117789	Zwint	ENSMUSG00000019923	54	NA	NA	0.33	0.2	0.2	0.11
chr10	75994074	75994473	Lss	ENSMUSG000000033105	-60	1	0.12	0.13	0.1	NA	0.18
chr10	77044322	77044870	Pttg1ip	ENSMUSG00000009291	131	NA	0.13	0.08	0.38	NA	0.07
chr10	77506156	77506428	Aire	ENSMUSG00000000731	25	NA	1	0.32	NA	NA	0.25
chr10	78036984	78037207	Ilvbl	ENSMUSG000000032763	-150	NA	NA	NA	NA	1	NA
chr10	78215134	78215696	Ccdc105	ENSMUSG000000078442	397	NA	1	0.07	0.29	0.19	0.25
chr10	79075026	79075237	C2cd4c	ENSMUSG000000045912	1632	0.11	0.13	0.12	0.13	NA	0.14
chr10	79242681	79242964	Fstl3	ENSMUSG000000020325	-504	NA	NA	0.09	0.15	0.25	0.17
chr10	79281732	79281955	9130017N09Rik	ENSMUSG000000035852	-1923	NA	NA	1	NA	NA	1
chr10	79344806	79345034	Prtn3	ENSMUSG000000057729	392	NA	NA	0.21	NA	0.5	NA
chr10	79422613	79423302	Wdr18	ENSMUSG000000035754	60	NA	NA	0.1	0.29	NA	0.11
chr10	79441068	79441342	ORF61	ENSMUSG000000013858	313	NA	0.88	0.59	0.67	1	1
chr10	79579929	79580137	Stk11	ENSMUSG000000003068	934	0.5	0.5	0.15	0.33	NA	0.12
chr10	79604098	79604359	Atp5d	ENSMUSG000000003072	26	NA	NA	0.25	0.5	NA	0.39
chr10	80065550	80065943	Adat3	ENSMUSG000000035370	121	NA	NA	0.09	0.24	0.14	0.14
chr10	80118852	80119075	Btbd2	ENSMUSG000000003344	-80	NA	NA	0.12	0.2	0.67	0.12
chr10	80165285	80165607	Izumo4	ENSMUSG000000055862	8	0.15	0.1	0.1	0.09	NA	0.15
chr10	80477626	80477887	Gng7	ENSMUSG000000048240	-98	NA	NA	0.17	NA	1	0.09
chr10	80522620	80523050	Sgta	ENSMUSG000000004937	88	NA	NA	0.15	0.25	NA	0.19
chr10	80532646	80533040	Thop1	ENSMUSG000000004929	63	NA	0.33	0.08	0.11	0.11	0.1
chr10	80542656	80542969	Thop1	ENSMUSG000000004929	1199	NA	NA	0.2	0.33	0.5	0.53
chr10	80598052	80598305	Zbtb7a	ENSMUSG000000035011	213	NA	0.06	0.16	0.1	0.06	0.11
chr10	80782991	80783303	2510012J08Rik	ENSMUSG000000034889	-701	NA	0.1	0.14	0.17	0.07	0.12
chr10	80965555	80965845	Gm16106	ENSMUSG000000082828	-1518	NA	NA	0.23	0.3	NA	0.29
chr10	81063707	81063928	Tle6	ENSMUSG000000034758	1	NA	NA	0.29	NA	0.25	0.14
chr10	81641037	81641285	Gm15608	ENSMUSG000000087481	181	NA	0.09	0.13	0.17	0.17	0.13
chr10	82085405	82085993	1190007I07Rik	ENSMUSG000000063320	-28	NA	NA	0.11	0.12	0.11	0.22
chr10	86148208	86148543	1810014B01Rik	ENSMUSG000000085814	29	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr10	86521128	86521356	1700113H08Rik	ENSMUSG000000047129	451	NA	NA	0.15	0.12	NA	0.07

chr10	89194777	89195207	Actr6	ENSMUSG00000019948	48	NA	0.09	0.09	0.23	0.19	0.18
chr10	93051988	93052443	493340&J17Rik	ENSMUSG000000086419	57	NA	1	0.1	0.12	NA	0.3
chr10	94786122	94786636	Cradd	ENSMUSG000000045867	-58	NA	NA	0.1	0.33	NA	0.25
chr10	96080669	96080873	Btg1	ENSMUSG000000036478	1136	NA	0.16	0.06	0.15	NA	0.1
chr10	110735490	110735896	Bbs10	ENSMUSG000000035759	-42	NA	0.2	0.12	0.13	0.25	0.19
chr10	117183193	117183542	Slc35e3	ENSMUSG000000060181	47	0.75	1	1	1	NA	1
chr10	119549664	119550387	Helb	ENSMUSG000000020228	-104	NA	1	0.24	0.33	0.73	0.47
chr10	119664054	119664630	Llph	ENSMUSG000000020224	216	NA	0.12	0.15	0.15	0.15	0.18
chr10	126558089	126558339	Os9	ENSMUSG000000040462	2	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr10	126617295	126617531	Slc26a10	ENSMUSG000000040441	225	0.5	0.12	0.1	0.15	NA	0.38
chr10	127058704	127058958	Lrp1	ENSMUSG000000040249	-627	NA	NA	0.17	0.12	0.33	0.3
chr10	127648796	127649002	Spryd4	ENSMUSG000000051346	-49	NA	0.21	NA	0.4	NA	0.09
chr10	127740189	127740511	Pan2	ENSMUSG000000005682	-41	NA	NA	NA	NA	NA	0.18
chr10	127962116	127962856	Esyt1	ENSMUSG000000025366	429	0.17	0.11	0.07	0.12	NA	0.19
chr10	128258500	128259129	Ormdl2	ENSMUSG000000025353	-167	NA	NA	0.19	0.23	0.5	0.18
chr11	11708713	11709134	Figl1	ENSMUSG000000035455	5	0.59	0.37	0.28	0.18	0.15	0.19
chr11	75161588	75162101	Rpa1	ENSMUSG000000000751	-49	0.33	0.09	0.12	0.22	0.08	0.2
chr11	35647780	35648143	Rars	ENSMUSG000000018848	2	1	0.21	0.1	0.14	0.11	0.16
chr11	88725249	88726149	Akap1	ENSMUSG000000018428	201	0.08	0.07	0.1	0.15	0.47	0.17
chr11	22186519	22187127	Ehbp1	ENSMUSG000000042302	-948	0.28	0.68	0.27	0.67	0.7	0.22
chr11	75401474	75402111	Pitpna	ENSMUSG000000017781	193	0.35	0.09	0.07	0.17	0.1	0.19
chr11	57614987	57615936	Sap30l	ENSMUSG000000020519	322	0.25	0.07	0.11	0.12	0.08	0.12
chr11	99793342	99793617	Gm11560	ENSMUSG000000086688	3	0.87	0.87	0.69	0.56	0.64	0.58
chr11	104546924	104547197	Gm11639	ENSMUSG000000040838	39	0.24	0.52	0.24	0.26	0.63	0.45
chr11	4494215	4494955	Mttr3	ENSMUSG000000034354	233	0.29	0.16	0.14	0.25	0.07	0.14
chr11	94071557	94073407	Tob1	ENSMUSG000000037573	-286	0.11	0.17	0.09	0.16	0.3	0.12
chr11	60350630	60352684	Alkbh5	ENSMUSG000000042650	177	0.2	0.11	0.11	0.14	0.1	0.13
chr11	100575177	100575592	Hspb9	ENSMUSG000000017832	148	0.63	0.65	0.52	0.63	0.36	0.57
chr11	84642199	84642807	Dhrs11	ENSMUSG000000034449	-37	0.06	0.1	0.12	0.15	0.22	0.16
chr11	57644909	57645236	Hand1	ENSMUSG000000037335	577	0.85	0.89	0.13	0.15	0.46	0.16

chr11	5441746	5442352	Ccdc117	ENSMUSG00000020482	141	0.18	0.28	0.11	0.13	0.27	0.18
chr11	49063980	49064361	Mgat1	ENSMUSG00000020346	156	0.08	0.53	0.09	0.18	0.71	0.13
chr11	37049774	37050437	Odz2	ENSMUSG00000049336	-639	0.23	0.18	0.09	0.15	0.05	0.09
chr11	96975880	96976654	Tbx21	ENSMUSG00000001444	378	0.28	0.17	0.08	0.15	0.12	0.16
chr11	6174194	6174453	Tmed4	ENSMUSG00000004394	545	1	0.09	0.12	0.14	0.1	0.16
chr11	76030636	76031220	Gemin4	ENSMUSG000000049396	91	0.1	0.13	0.13	0.27	1	0.21
chr11	109511554	109512601	Prkar1a	ENSMUSG000000020612	188	0.18	0.13	0.09	0.1	0.04	0.11
chr11	102181200	102181551	Ubf	ENSMUSG000000020923	-319	0.41	0.27	0.1	0.2	0.12	0.13
chr11	115396768	115397920	Sumo2	ENSMUSG000000020738	-213	0.09	0.13	0.09	0.18	0.23	0.14
chr11	98670876	98671451	Casc3	ENSMUSG000000078676	41	0.24	0.1	0.1	0.17	0.07	0.13
chr11	82684306	82684864	Rffi	ENSMUSG000000020696	127	0.53	0.13	0.1	0.13	0.09	0.17
chr11	62461523	62462445	BC046404	ENSMUSG000000046417	-442	0.2	0.11	0.08	0.1	0.11	0.09
chr11	84326800	84327289	Aatf	ENSMUSG000000018697	-41	0.26	0.14	0.06	0.12	0.11	0.14
chr11	102308441	102309090	Fam171a2	ENSMUSG000000034685	143	0.22	0.13	0.09	0.14	0.1	0.12
chr11	109223834	109224862	Gna13	ENSMUSG000000020611	203	0.19	0.18	0.09	0.1	0.08	0.16
chr11	105829124	105829666	Ace	ENSMUSG000000020681	136	0.51	0.14	0.11	0.11	0.1	0.15
chr11	74738947	74739906	Srr	ENSMUSG00000001323	-266	0.44	0.11	0.11	0.13	0.11	0.14
chr11	59102415	59104319	Wnt3a	ENSMUSG000000009900	887	0.16	0.11	0.11	0.16	0.07	0.14
chr11	49944771	49945223	Tbc1d9b	ENSMUSG000000036644	99	0.24	0.23	0.09	0.11	0.07	0.17
chr11	69373510	69373896	Efnb3	ENSMUSG000000003934	4	0.17	0.13	0.1	0.17	0.03	0.15
chr11	93746160	93747904	Utp18	ENSMUSG000000054079	44	0.15	0.13	0.1	0.15	0.25	0.12
chr11	60166157	60166622	Tom1l2	ENSMUSG000000000538	-16	0.88	0.21	0.12	0.21	0.2	0.26
chr11	76211944	76212794	Nxn	ENSMUSG000000020844	201	0.29	0.15	0.11	0.18	0.13	0.16
chr11	94981320	94983177	Dlx3	ENSMUSG000000001510	845	0.15	0.15	0.14	0.18	0.08	0.15
chr11	115999676	116000206	Mrpl38	ENSMUSG000000020775	148	0.06	0.07	0.09	0.14	0.14	0.13
chr11	64975886	64976485	Arhgap44	ENSMUSG0000000033389	-116	0.23	0.15	0.08	0.12	0.07	0.1
chr11	120458905	120460138	Alyref	ENSMUSG000000025134	24	0.07	0.1	0.14	0.14	0.14	0.11
chr11	77991715	77992512	Tlcd1	ENSMUSG000000019437	-40	1	1	0.13	0.1	0.11	0.16
chr11	100711399	100712274	Stat5b	ENSMUSG000000020919	16	0.07	0.16	0.09	0.12	0.17	0.14
chr11	4963955	4964261	Gas2l1	ENSMUSG000000034201	746	0.26	0.23	0.31	0.32	0.43	0.4

chr11	69617127	69617930	Tmem102	ENSMUSG00000089876	1598	0.46	0.17	0.12	0.18	0.07	0.12
chr11	101163173	101163714	Becn1	ENSMUSG00000035086	77	0.26	0.1	0.1	0.1	0.1	0.1
chr11	87408989	87409352	Mtmr4	ENSMUSG00000018401	16	1	1	0.56	0.61	0.36	1
chr11	18918887	18919292	Meis1	ENSMUSG00000020160	-164	0.61	0.12	0.08	0.28	0.16	0.16
chr11	104987734	104988309	Mettl2	ENSMUSG00000020691	282	0.18	0.13	0.11	0.18	0.08	0.13
chr11	3548599	3549554	Tug1	ENSMUSG00000056579	-261	0.15	0.17	0.12	0.18	0.08	0.16
chr11	74992114	74992366	Ovca2	ENSMUSG00000038268	49	0.21	0.13	0.07	0.14	0.08	0.1
chr11	74643401	74645915	Mnt	ENSMUSG00000000282	236	0.28	0.24	0.12	0.15	0.15	0.2
chr11	120319171	120319589	1810049H13Rik	ENSMUSG00000039670	-130	0.31	0.12	0.09	0.17	0.13	0.14
chr11	53380751	53381354	A430108G06Rik	ENSMUSG00000086851	-245	0.04	0.15	0.12	0.18	0.18	0.17
chr11	75546139	75547174	Ywhae	ENSMUSG00000020849	285	0.2	0.34	0.16	0.27	0.36	0.27
chr11	97605477	97606700	Pip4k2b	ENSMUSG00000018547	-70	0.26	0.31	0.15	0.15	0.16	0.18
chr11	95004452	95004702	A730090H04Rik	ENSMUSG00000086552	-1790	0.1	0.29	0.31	0.21	1	0.17
chr11	49838410	49839256	Rnf130	ENSMUSG00000020376	-15	0.19	0.36	0.21	0.29	0.36	0.16
chr11	51103269	51103966	Col23a1	ENSMUSG00000063564	195	0.1	0.09	0.13	0.14	0.19	0.18
chr11	75444188	75444735	Inpp5k	ENSMUSG00000006127	-29	0.07	0.23	0.1	0.2	0.29	0.2
chr11	94490917	94491481	Lrrc59	ENSMUSG00000020869	118	0.08	0.3	0.12	0.17	0.25	0.18
chr11	70817373	70818121	Dhx33	ENSMUSG00000040620	175	0.08	0.11	0.12	0.11	0.27	0.15
chr11	97643090	97643915	Rpl23	ENSMUSG00000071415	88	0.5	0.36	0.18	0.23	0.23	0.18
chr11	108781504	108783484	Axin2	ENSMUSG00000000142	831	0.15	0.1	0.11	0.16	0.08	0.12
chr11	6191323	6192278	Ogdh	ENSMUSG00000020456	164	0.26	0.24	0.09	0.14	0.14	0.12
chr11	59319510	59320307	4933439C10Rik	ENSMUSG000000072893	309	0.21	0.16	0.11	0.15	0.1	0.16
chr11	51813650	51814311	Ube2b	ENSMUSG00000020390	1	0.39	0.1	0.07	0.15	0.14	0.21
chr11	53292105	53293561	Sowaha	ENSMUSG00000044352	201	0.15	0.1	0.12	0.12	0.08	0.12
chr11	62270287	62271299	Ncor1	ENSMUSG00000018501	32	0.12	0.2	0.12	0.15	0.22	0.13
chr11	70223093	70223780	Peip1	ENSMUSG00000018921	94	0.18	0.24	0.08	0.14	0.07	0.16
chr11	118216247	118216922	Timp2	ENSMUSG00000017466	236	0.14	0.06	0.09	0.1	0.07	0.15
chr11	119216600	119217215	Sgsh	ENSMUSG00000005043	-91	0.17	0.31	0.19	0.32	0.5	0.19
chr11	49016885	49017340	Zfp62	ENSMUSG00000046311	125	0.4	0.27	0.11	0.13	0.23	0.14
chr11	95374722	95376307	Nxph3	ENSMUSG00000046719	370	0.11	0.1	0.1	0.14	0.05	0.13

chr11	40508232	40508459	Mat2b	ENSMUSG00000042032	144	0.33	0.14	0.12	0.18	0.07	0.1
chr11	79775641	79776184	Utp6	ENSMUSG00000035575	-43	0.14	0.17	0.13	0.23	0.8	0.11
chr11	23533135	23533766	0610010F05Rik	ENSMUSG00000042208	99	0.14	0.13	0.08	0.14	0.07	0.11
chr11	76891711	76892189	Ccdc55	ENSMUSG00000037958	-13	0.06	0.13	0.11	0.14	0.21	0.11
chr11	82200564	82203307	Tmem132e	ENSMUSG00000020701	-467	0.16	0.11	0.1	0.13	0.09	0.13
chr11	96690689	96691785	Nfe2l1	ENSMUSG00000038615	-422	0.31	0.12	0.11	0.14	0.09	0.17
chr11	94937390	94938467	Itga3	ENSMUSG00000001507	100	0.26	0.15	0.12	0.16	0.1	0.14
chr11	80022569	80023056	Rhot1	ENSMUSG00000017686	226	0.16	0.33	0.13	0.23	0.35	0.13
chr11	84952957	84953985	Usp32	ENSMUSG00000000804	-40	0.2	0.17	0.1	0.2	0.09	0.18
chr11	6099828	6100404	Nudcd3	ENSMUSG00000053838	69	0.46	0.55	0.1	0.19	0.21	0.16
chr11	69181964	69182741	Chd3	ENSMUSG00000018474	556	0.42	0.1	0.11	0.2	0.16	0.11
chr11	85645591	85647098	2610027K06Rik	ENSMUSG00000087013	-633	0.11	0.23	0.12	0.24	0.19	0.16
chr11	76759022	76759601	Blmh	ENSMUSG00000020840	80	0.35	0.14	0.11	0.24	0.11	0.17
chr11	102742015	102742566	Eftud2	ENSMUSG00000020929	-41	0.17	0.1	0.09	0.14	0.08	0.13
chr11	117060654	117061195	9-Sep	ENSMUSG000000059248	-51	0.19	0.17	0.13	0.19	0.09	0.11
chr11	113927283	113928600	Sdk2	ENSMUSG00000041592	-652	0.15	0.14	0.08	0.17	0.09	0.13
chr11	116392844	116395467	Sphk1	ENSMUSG00000061878	1097	0.08	0.11	0.1	0.16	0.15	0.15
chr11	71564124	71565174	Wscd1	ENSMUSG00000020811	462	0.15	0.25	0.11	0.18	0.04	0.2
chr11	53276822	53277462	Gm12212	ENSMUSG00000085707	-27	0.4	0.1	0.13	0.1	0.25	0.2
chr11	50664508	50665173	Grm6	ENSMUSG00000000617	352	0.16	0.08	0.08	0.12	0.06	0.12
chr11	102157235	102158705	Atxn7l3	ENSMUSG00000059995	-27	0.32	0.21	0.12	0.17	0.21	0.16
chr11	72302347	72303711	Spns2	ENSMUSG00000040447	377	0.29	0.28	0.12	0.14	0.14	0.14
chr11	43495372	43496200	Pwwp2a	ENSMUSG00000044950	286	0.13	0.09	0.13	0.11	0.07	0.12
chr11	94902410	94902821	Pdk2	ENSMUSG00000038967	53	0.17	0.13	0.11	0.14	0.07	0.19
chr11	98724803	98725384	Wipf2	ENSMUSG00000038013	141	0.5	0.06	0.12	0.14	0.07	0.17
chr11	32121590	32122474	Rhbdf1	ENSMUSG00000020282	212	0.13	0.11	0.11	0.11	0.06	0.13
chr11	112642672	112644468	BC006965	ENSMUSG00000041674	-280	0.15	0.16	0.1	0.15	0.08	0.16
chr11	76810918	76811219	Slc6a4	ENSMUSG00000020838	-1037	0.22	0.17	0.12	0.24	0.06	0.14
chr11	118151174	118151865	Usp36	ENSMUSG00000033909	-133	0.18	0.09	0.12	0.2	0.06	0.17
chr11	115473700	115474337	Mif4gd	ENSMUSG00000020743	-201	0.16	0.13	0.11	0.16	0.08	0.09

chr11	96902665	96903065	Lrrc46	ENSMUSG00000020878	-144	0.11	0.89	0.22	0.24	0.48	0.3
chr11	60835707	60836756	Kcnj12	ENSMUSG00000042529	165	0.07	0.08	0.1	0.13	0.13	0.12
chr11	7113337	7114113	Igfbp3	ENSMUSG00000020427	175	0.21	0.16	0.08	0.16	0.11	0.09
chr11	97887790	97888727	Rpl19	ENSMUSG00000017404	234	0.08	0.17	0.13	0.22	0.23	0.15
chr11	70501156	70501679	Camta2	ENSMUSG00000040712	19	0.09	0.09	0.1	0.1	0.24	0.15
chr11	53163834	53164797	Aff4	ENSMUSG00000049470	-20	0.08	0.08	0.08	0.11	0.15	0.11
chr11	50190401	50192099	Hnrnp1	ENSMUSG00000007850	758	0.08	0.09	0.14	0.18	0.19	0.14
chr11	79517585	79518104	Gm11205	ENSMUSG00000084969	-288	0.33	0.12	0.11	0.22	0.13	0.15
chr11	3813420	3813973	Slc35e4	ENSMUSG00000048807	971	0.21	0.17	0.1	0.22	0.08	0.17
chr11	69727332	69728066	Gps2	ENSMUSG00000023170	309	0.07	0.04	0.07	0.13	0.26	0.2
chr11	33046776	33048198	Fgf18	ENSMUSG00000057967	-692	0.18	0.09	0.15	0.16	0.11	0.17
chr11	78310523	78310965	Sarm1	ENSMUSG00000050132	216	0.17	0.22	0.08	0.16	0.08	0.15
chr11	102317133	102317386	Itga2b	ENSMUSG00000034664	245	0.64	0.08	0.1	0.12	0.28	0.11
chr11	77744388	77745140	Sez6	ENSMUSG0000000632	345	0.07	0.11	0.08	0.13	0.13	0.13
chr11	16407846	16408366	Sec61g	ENSMUSG00000078974	-34	0.08	0.19	0.14	0.14	0.24	0.18
chr11	113510768	113511418	Cog1	ENSMUSG00000018661	245	0.08	0.09	0.08	0.14	0.13	0.14
chr11	99091486	99092409	Smarce1	ENSMUSG00000037935	-220	0.11	0.12	0.1	0.16	0.07	0.19
chr11	101303802	101304167	Rpl27	ENSMUSG00000063316	224	0.08	0.11	0.12	0.14	0.15	0.14
chr11	67509040	67509255	Rcvrn	ENSMUSG00000020907	319	0.84	0.96	0.77	0.77	0.71	0.83
chr11	90499083	90499987	Stxbp4	ENSMUSG00000020546	-159	0.22	0.2	0.16	0.15	0.13	0.13
chr11	4645941	4646990	Cabp7	ENSMUSG00000009075	316	0.1	0.11	0.08	0.1	0.06	0.11
chr11	104330113	104330861	1700081L11Rik	ENSMUSG00000018412	-312	0.15	0.14	0.17	0.11	0.3	0.17
chr11	31268610	31270299	Stc2	ENSMUSG00000020303	-398	0.24	0.14	0.12	0.16	0.15	0.19
chr11	98412250	98412706	Zbp2	ENSMUSG00000017195	67	0.22	0.04	0.04	0.11	0.06	0.07
chr11	45768665	45769038	Thg1l	ENSMUSG00000011254	-161	0.42	0.19	0.15	0.26	0.18	0.18
chr11	69213227	69213567	1700064E03Rik	ENSMUSG000000085178	-1618	0.4	0.51	0.45	0.57	0.29	0.53
chr11	86940297	86941208	Gm11491	ENSMUSG00000085310	-345	0.14	0.21	0.09	0.15	0.23	0.14
chr11	90252049	90252500	Hlf	ENSMUSG00000003949	-65	1	NA	0.13	0.5	0.18	0.11
chr11	77797438	77797894	Phf12	ENSMUSG00000037791	1252	0.6	0.3	0.08	0.21	0.12	0.21
chr11	96202116	96202416	Hoxb3	ENSMUSG00000048763	7	0.17	0.5	0.35	0.51	1	0.61

chr11	30167515	30168545	Spnb2	ENSMUSG00000020315	139	0.15	0.13	0.1	0.16	0.09	0.15
chr11	98188358	98190092	Neurod2	ENSMUSG00000038255	1737	0.16	0.16	0.11	0.16	0.1	0.15
chr11	102465815	102467812	Fzd2	ENSMUSG00000050288	1068	0.1	0.16	0.1	0.17	0.17	0.19
chr11	53449742	53450000	Il13	ENSMUSG00000020383	-1667	0.19	0.07	0.08	0.17	0.09	0.16
chr11	102017476	102017761	Tmem101	ENSMUSG00000020921	43	0.48	0.24	0.16	0.29	0.23	0.22
chr11	116555552	116556243	St6galnac2	ENSMUSG00000057286	26	0.25	0.1	0.15	0.16	0.13	0.17
chr11	5662031	5662463	2210015D19Rik	ENSMUSG00000083844	115	0.04	0.06	0.05	0.13	0.2	0.08
chr11	18919694	18920075	Meis1	ENSMUSG00000020160	-923	0.29	0.37	0.19	0.3	0.77	0.25
chr11	107655161	107656016	Gm11650	ENSMUSG00000087184	408	0.1	0.09	0.07	0.11	0.18	0.14
chr11	20991240	20991963	Peli1	ENSMUSG00000020134	307	0.08	0.31	0.09	0.16	0.14	0.11
chr11	73012836	73013263	Shpk	ENSMUSG00000005951	87	0.3	0.33	0.13	0.16	0.17	0.13
chr11	80593064	80593734	Myo1d	ENSMUSG00000035441	106	0.07	0.24	0.1	0.14	0.13	0.15
chr11	23155140	23156357	Xpo1	ENSMUSG00000020290	-293	0.1	0.24	0.1	0.22	0.32	0.16
chr11	49423234	49423831	Flt4	ENSMUSG00000020357	767	0.05	0.1	0.11	0.14	0.11	0.17
chr11	70796141	70796618	C1qbp	ENSMUSG00000018446	149	0.2	0.25	0.12	0.27	0.32	0.15
chr11	77302925	77303636	Ankrd13b	ENSMUSG00000037907	-112	0.1	0.18	0.11	0.13	0.19	0.08
chr11	120521168	120522702	Notum	ENSMUSG00000042988	-15	0.11	0.13	0.12	0.14	0.16	0.14
chr11	96879959	96880514	Sp6	ENSMUSG00000038560	189	0.25	0.25	0.12	0.11	0.43	0.18
chr11	102046217	102046656	Lsm12	ENSMUSG00000020922	107	0.16	0.22	0.12	0.17	0.07	0.11
chr11	5964999	5966088	Camk2b	ENSMUSG00000057897	-2	0.12	0.07	0.09	0.1	0.07	0.09
chr11	22871974	22872993	Comm1	ENSMUSG00000051355	376	0.3	0.4	0.51	0.54	0.37	0.44
chr11	120442308	120443122	Arhgdia	ENSMUSG00000025132	-21	0.11	0.08	0.08	0.12	0.17	0.1
chr11	4846999	4848244	Nefn	ENSMUSG00000020396	446	0.07	0.12	0.11	0.17	0.12	0.18
chr11	98821748	98822315	Rara	ENSMUSG00000037992	305	0.09	0.16	0.13	0.15	0.19	0.28
chr11	120657343	120657862	Dus1l	ENSMUSG00000025155	89	0.26	0.08	0.08	0.15	0.07	0.14
chr11	74709914	74711706	Sgsm2	ENSMUSG00000038351	-248	0.08	0.07	0.11	0.15	0.18	0.16
chr11	83755429	83755876	Ddx52	ENSMUSG00000020677	88	0.41	0.21	0.11	0.24	0.22	0.13
chr11	114712572	114713915	Gprc5c	ENSMUSG00000051043	87	0.07	0.11	0.13	0.15	0.13	0.1
chr11	121120980	121121846	Foxk2	ENSMUSG00000039275	109	0.11	0.08	0.09	0.11	0.15	0.1
chr11	54251488	54252159	Fnip1	ENSMUSG00000035992	122	0.16	0.64	0.25	0.8	0.8	0.39

chr11	95170865	95171572	Myst2	ENSMUSG00000038909	-335	0.08	0.07	0.12	0.18	0.14	0.19
chr11	103993838	103995176	Crhr1	ENSMUSG00000018634	338	0.21	0.13	0.11	0.14	0.15	0.14
chr11	117848105	117848672	Pgs1	ENSMUSG00000017715	189	0.16	0.18	0.1	0.14	0.11	0.17
chr11	106473496	106474522	Tex2	ENSMUSG00000040548	235	0.12	0.12	0.1	0.16	0.07	0.14
chr11	116142518	116142976	Galr2	ENSMUSG00000020793	-53	1	0.35	0.06	0.14	0.15	0.08
chr11	48567175	48567380	Gm12183	ENSMUSG00000082454	-61	0.68	0.97	0.98	1	0.88	0.95
chr11	70333535	70334032	Gltpd2	ENSMUSG00000046811	1085	0.21	0.36	0.27	0.21	0.36	0.27
chr11	119464185	119465028	Rptor	ENSMUSG00000025583	387	0.17	0.17	0.14	0.21	0.29	0.19
chr11	97176910	97177207	Mrpl45	ENSMUSG00000018882	28	0.24	NA	0.14	1	1	0.1
chr11	49715084	49715762	Rasgef1c	ENSMUSG00000020374	86	0.11	0.09	0.08	0.11	0.18	0.12
chr11	101177134	101177546	Psme3	ENSMUSG00000078652	-187	0.18	0.19	0.11	0.13	0.09	0.1
chr11	104303282	104304387	1700081L11Rik	ENSMUSG00000018412	-229	0.1	0.16	0.09	0.15	0.22	0.17
chr11	51817638	51817948	Cdkl3	ENSMUSG00000020389	70	0.71	0.4	0.17	0.11	0.18	0.21
chr11	70245936	70246393	Arrb2	ENSMUSG00000060216	27	0.07	0.24	0.1	0.19	0.14	0.1
chr11	86297705	86298682	Rnft1	ENSMUSG00000020521	34	0.27	0.11	0.13	0.24	0.05	0.14
chr11	75608464	75609760	Gm12339	ENSMUSG00000087059	390	0.07	0.18	0.12	0.13	0.11	0.15
chr11	5343963	5345418	Znrf3	ENSMUSG00000041961	160	0.15	0.11	0.09	0.12	0.09	0.12
chr11	118884059	118884892	Cbx2	ENSMUSG00000025577	199	0.13	0.11	0.12	0.13	0.07	0.19
chr11	3231819	3232499	Pik3ip1	ENSMUSG00000034614	84	0.28	0.11	0.12	0.25	0.15	0.14
chr11	32432758	32433545	Stk10	ENSMUSG00000020272	-154	0.18	0.54	0.12	0.14	0.34	0.13
chr11	55274436	55274791	Atox1	ENSMUSG00000018585	86	0.08	0.13	0.1	0.14	0.16	0.15
chr11	118338053	118338557	Engase	ENSMUSG00000033857	162	0.33	0.19	0.12	0.2	0.15	0.13
chr11	105805029	105805766	Cyb561	ENSMUSG00000019590	329	0.2	0.29	0.09	0.17	0.29	0.1
chr11	103610688	103611256	Wnt9b	ENSMUSG00000018486	163	0.27	0.11	0.14	0.14	0.15	0.16
chr11	113544737	113546051	D11Wsu99e	ENSMUSG00000041629	-158	0.39	0.17	0.18	0.21	0.22	0.17
chr11	68901915	68902651	Vamp2	ENSMUSG00000020894	291	0.15	0.15	0.09	0.14	0.08	0.11
chr11	74462743	74463515	1300001101Rik	ENSMUSG00000020741	132	0.14	0.15	0.08	0.1	0.07	0.13
chr11	115569220	115569573	Grb2	ENSMUSG00000059923	489	0.06	0.21	0.14	0.13	0.15	0.21
chr11	78325368	78325984	Tmem199	ENSMUSG00000051232	-129	0.09	0.08	0.09	0.12	0.17	0.14
chr11	109582634	109583047	Fam20a	ENSMUSG00000020614	730	0.24	0.12	0.18	0.36	0.09	0.25

chr11	45665203	45666046	Clint1	ENSMUSG00000006169	117	0.13	0.15	0.08	0.19	0.09	0.1
chr11	53270555	53271049	Gm10447	ENSMUSG000000072963	-190	0.24	0.11	0.12	0.18	0.13	0.21
chr11	103558746	103559407	Gosr2	ENSMUSG000000020946	-68	0.32	0.17	0.12	0.13	0.14	0.16
chr11	103195113	103195627	Arhgap27	ENSMUSG000000034255	33	0.43	0.35	0.2	0.39	0.29	0.2
chr11	5761776	5762360	Aebp1	ENSMUSG000000020473	118	0.11	0.23	0.15	0.24	0.26	0.12
chr11	59600692	59601240	Pld6	ENSMUSG000000043648	178	0.5	0.17	0.17	0.18	0.15	0.19
chr11	78002108	78002980	Rab34	ENSMUSG000000002059	263	0.15	0.21	0.08	0.17	0.1	0.13
chr11	96838541	96839047	Sp2	ENSMUSG000000018678	208	0.4	0.27	0.1	0.18	0.23	0.07
chr11	117734333	117734810	Tha1	ENSMUSG000000017713	142	0.4	0.23	0.15	0.18	0.24	0.17
chr11	45793559	45794446	Sox30	ENSMUSG000000040489	190	0.22	0.15	0.23	0.29	0.16	0.27
chr11	96175853	96176303	Hoxb4	ENSMUSG000000038692	-1920	0.15	0.15	0.15	0.15	0.09	0.13
chr11	100956506	100957030	Psmc3ip	ENSMUSG000000019303	-78	0.2	0.21	0.1	0.12	0.11	0.12
chr11	102086048	102086353	Hdac5	ENSMUSG000000008855	-131	0.21	0.13	0.21	0.17	0.08	0.23
chr11	120050724	120051437	2810410L24Rik	ENSMUSG000000075389	86	0.07	0.08	0.14	0.14	0.21	0.11
chr11	66866036	66866452	2310004I24Rik	ENSMUSG000000020910	-172	0.07	0.2	0.16	0.23	0.18	0.19
chr11	60540343	60540766	Flii	ENSMUSG000000002812	171	0.14	0.11	0.1	0.13	0.09	0.14
chr11	95198273	95198926	Fam117a	ENSMUSG000000038893	267	0.09	0.16	0.12	0.14	0.15	0.19
chr11	58717541	58717806	Zfp39	ENSMUSG000000037001	54	0.4	0.15	0.12	0.18	0.12	0.19
chr11	52578020	52578775	Fstl4	ENSMUSG000000036264	261	0.15	0.11	0.07	0.18	0.11	0.14
chr11	95925917	95926841	Ube2z	ENSMUSG000000014349	323	0.15	0.2	0.14	0.13	0.1	0.18
chr11	5161165	5162090	Kremen1	ENSMUSG000000020393	-66	0.14	0.18	0.11	0.15	0.08	0.14
chr11	69160057	69160302	Chd3	ENSMUSG000000018474	457	0.89	0.92	0.88	0.91	0.97	0.98
chr11	70577581	70578104	Zfp3	ENSMUSG000000043602	131	0.09	0.14	0.1	0.17	0.16	0.15
chr11	109334435	109335417	Slc16a6	ENSMUSG000000041920	-413	0.18	0.2	0.1	0.22	0.11	0.14
chr11	105927206	105927726	Taco1	ENSMUSG00000001983	91	0.16	0.34	0.17	0.18	0.27	0.17
chr11	69579516	69580080	Zbtb4	ENSMUSG000000018750	280	0.14	0.11	0.16	0.2	0.29	0.17
chr11	103221534	103222227	Arhgap27	ENSMUSG000000034255	334	0.09	0.13	0.08	0.1	0.06	0.14
chr11	116442015	116442966	Ube2o	ENSMUSG000000020802	271	0.17	0.14	0.11	0.11	0.11	0.11
chr11	58791397	58792198	2310058D17Rik	ENSMUSG000000085379	-245	0.11	0.22	0.09	0.17	0.2	0.13
chr11	51577105	51577348	Sec24a	ENSMUSG000000036391	-90	0.17	NA	0.08	0.19	0.04	0.17

chr11	82721492	82722011	Nle1	ENSMUSG00000020692	93	0.21	0.13	0.12	0.16	0.12	0.2
chr11	32542317	32543180	Fbxw11	ENSMUSG00000020271	24	0.07	0.11	0.08	0.18	0.1	0.1
chr11	115464878	115465945	Gga3	ENSMUSG00000020740	-373	0.09	0.24	0.13	0.12	0.16	0.14
chr11	119089407	119089801	Tbc1d16	ENSMUSG00000039976	209	0.37	0.22	0.12	0.27	0.26	0.13
chr11	59623211	59623561	Ficn	ENSMUSG00000032633	-173	0.55	0.33	0.1	0.29	0.3	0.11
chr11	118768614	118768956	Rbfox3	ENSMUSG00000025576	534	1	0.31	0.19	0.3	0.38	0.12
chr11	118902064	118904427	Cbx8	ENSMUSG00000025578	-1100	0.24	0.49	0.13	0.18	0.14	0.19
chr11	72951373	72951892	Gsg2	ENSMUSG00000050107	164	0.1	0.14	0.11	0.16	0.16	0.12
chr11	100480398	100481154	Nkiras2	ENSMUSG00000017837	218	0.56	0.64	0.13	0.21	0.31	0.14
chr11	65601118	65601899	Map2k4	ENSMUSG00000033352	279	0.13	0.09	0.11	0.13	0.09	0.08
chr11	79067521	79068414	Wsb1	ENSMUSG00000017677	5	0.1	0.1	0.11	0.18	0.15	0.16
chr11	119947710	119948400	Azi1	ENSMUSG00000039781	86	0.11	0.12	0.13	0.15	0.06	0.14
chr11	101121810	101122181	Wnk4	ENSMUSG00000035112	114	0.21	0.19	0.14	0.15	0.12	0.17
chr11	107330378	107332129	Pitpnc1	ENSMUSG00000040430	760	0.34	0.34	0.14	0.19	0.23	0.2
chr11	120391865	120392313	Gm11789	ENSMUSG00000084983	-221	0.47	0.55	0.23	0.45	0.24	0.23
chr11	103634856	103635736	Wnt3	ENSMUSG00000000125	-168	0.41	0.21	0.12	0.2	0.28	0.15
chr11	80623675	80624122	Tmem98	ENSMUSG00000035413	221	0.12	0.1	0.08	0.12	0.27	0.12
chr11	100216627	100217488	Hap1	ENSMUSG00000006930	-360	0.21	0.29	0.19	0.18	0.12	0.2
chr11	97560211	97562030	Pcgf2	ENSMUSG00000018537	-225	0.09	0.1	0.11	0.17	0.12	0.13
chr11	102635347	102636166	Adam11	ENSMUSG00000020926	361	0.13	NA	0.1	0.26	0.27	0.32
chr11	94334631	94335946	Cacna1g	ENSMUSG00000020866	-357	0.17	0.2	0.15	0.2	0.2	0.18
chr11	113479996	113481071	Sstr2	ENSMUSG00000047904	-123	0.12	0.14	0.12	0.17	0.2	0.17
chr11	72420527	72422003	Ube2g1	ENSMUSG00000020794	480	0.16	0.1	0.09	0.15	0.12	0.14
chr11	115891590	115892043	Unk	ENSMUSG00000020770	180	0.45	0.37	0.49	1	0.9	0.34
chr11	32354567	32356177	Ubtg2	ENSMUSG00000044949	2	0.21	0.17	0.07	0.15	0.12	0.13
chr11	17853291	17853987	Etaa1	ENSMUSG00000016984	239	0.05	0.13	0.1	0.13	0.08	0.14
chr11	120493964	120495080	Mafg	ENSMUSG00000051510	348	0.17	0.14	0.12	0.12	0.11	0.13
chr11	79152694	79153731	Nf1	ENSMUSG00000020716	17	0.31	0.24	0.18	0.19	0.22	0.16
chr11	95006365	95007620	A730090H04Rik	ENSMUSG00000086552	625	0.08	0.16	0.11	0.16	0.14	0.13
chr11	101034982	101035612	Ccr10	ENSMUSG00000044052	1460	0.17	0.18	0.17	0.13	0.1	0.18

chr11	59928626	59929055	4930412M03Rik	ENSMUSG00000051008	-108	0.56	0.21	0.12	0.22	0.24	0.1
chr11	34646864	34647412	Ccdc99	ENSMUSG00000069910	-44	0.12	0.14	0.14	0.23	0.03	0.14
chr11	35611013	35612177	Fbl1	ENSMUSG00000051062	791	0.08	0.1	0.08	0.19	0.15	0.09
chr11	65620683	65621000	Zkscan6	ENSMUSG00000018347	95	0.13	0.06	0.05	0.11	0.07	0.08
chr11	66338727	66340388	Shisa6	ENSMUSG00000053930	-260	0.18	0.09	0.11	0.15	0.14	0.13
chr11	67734984	67736044	9130017K11Rik	ENSMUSG00000055134	508	0.11	0.17	0.1	0.17	0.17	0.17
chr11	70832568	70833478	Derl2	ENSMUSG00000018442	-309	0.29	0.5	0.16	0.24	0.47	0.14
chr11	114952764	114953138	Rab37	ENSMUSG00000020732	206	0.25	0.24	0.18	0.36	0.55	0.24
chr11	115281033	115281608	Atp5h	ENSMUSG00000034566	-89	0.04	0.18	0.2	0.23	0.08	0.18
chr11	6447037	6447255	Ccm2	ENSMUSG00000000378	233	0.21	0.34	0.18	0.18	0.08	0.13
chr11	43518782	43519033	Pwwp2a	ENSMUSG00000044950	162	0.71	0.67	0.66	0.89	0.89	0.79
chr11	54679837	54680486	Hint1	ENSMUSG00000020267	276	0.1	0.09	0.09	0.1	0.07	0.13
chr11	54335926	54336673	Rapgef6	ENSMUSG00000037533	-50	0.15	0.21	0.09	0.14	0.07	0.17
chr11	57981659	57982114	Gemin5	ENSMUSG00000037275	155	0.06	0.1	0.08	0.09	0.1	0.11
chr11	70513469	70514392	Inca1	ENSMUSG00000057054	-347	0.21	0.17	0.12	0.2	0.17	0.14
chr11	79902823	79903180	Atad5	ENSMUSG00000017550	99	0.16	0.2	0.1	0.18	0.08	0.13
chr11	79967533	79968187	Adap2	ENSMUSG00000020709	253	0.08	0.14	0.17	0.19	0.17	0.14
chr11	86170781	86171926	Med13	ENSMUSG00000034297	-249	0.2	0.11	0.18	0.16	0.14	0.16
chr11	102254588	102255116	Rundc3a	ENSMUSG00000006575	135	0.22	0.17	0.13	0.18	0.15	0.13
chr11	103510827	103511652	Rprml	ENSMUSG00000046215	416	0.07	0.06	0.14	0.09	0.11	0.16
chr11	106992941	106993537	Bptf	ENSMUSG00000040481	-3	0.08	0.08	0.09	0.19	0.13	0.14
chr11	121098016	121098851	Narf	ENSMUSG00000000056	-134	0.07	0.1	0.07	0.13	0.16	0.09
chr11	29724791	29725496	4931440F15Rik	ENSMUSG00000078157	525	0.71	0.83	0.29	0.63	0.52	0.38
chr11	33100452	33104334	Tlx3	ENSMUSG00000040610	1195	0.09	0.1	0.14	0.22	0.07	0.16
chr11	51419494	51420600	Hnrnpab	ENSMUSG00000020358	302	0.12	0.1	0.12	0.16	0.07	0.19
chr11	58989926	58990856	Gjc2	ENSMUSG00000043448	792	0.08	0.16	0.14	0.14	0.13	0.28
chr11	69714815	69715811	Neur14	ENSMUSG00000047284	-5	0.06	0.06	0.09	0.15	0.08	0.15
chr11	95447608	95448088	Ngfr	ENSMUSG00000000120	1201	0.42	0.48	0.13	0.44	1	0.18
chr11	118109001	118110292	Cyth1	ENSMUSG00000017132	170	0.12	0.15	0.09	0.14	0.15	0.13
chr11	120092236	120092908	2900052L18Rik	ENSMUSG00000043993	327	0.1	0.09	0.13	0.12	0.14	0.13

chr11	44332190	44332804	Rnf145	ENSMUSG00000019189	31	0.12	0.16	0.1	0.17	0.17	0.11
chr11	47801910	47802674	Sgcd	ENSMUSG00000020354	179	0.17	0.36	0.1	0.14	0.24	0.1
chr11	49057373	49057955	Mgat1	ENSMUSG00000020346	-29	0.3	0.27	0.17	0.12	0.14	0.12
chr11	69659807	69660173	Plscr3	ENSMUSG00000019461	112	0.26	0.11	0.11	0.11	0.16	0.12
chr11	70658223	70658556	Rabep1	ENSMUSG00000020817	124	0.05	0.07	0.08	0.11	0.08	0.12
chr11	74985840	74987357	1700016P03Rik	ENSMUSG000000085609	536	0.18	0.21	0.14	0.21	0.29	0.18
chr11	78510568	78511074	Nik	ENSMUSG00000017376	54	0.1	0.08	0.1	0.14	0.06	0.09
chr11	90110538	90111136	Mmd	ENSMUSG00000003948	67	0.17	0.09	0.13	0.15	0.12	0.12
chr11	98299969	98300375	1810046J19Rik	ENSMUSG00000002580	133	0.06	0.09	0.07	0.12	0.11	0.15
chr11	105153517	105154251	Mrc2	ENSMUSG00000020695	-73	1	0.88	0.15	0.43	0.38	0.17
chr11	119959778	119960624	2410002I01Rik	ENSMUSG000000025377	-187	0.6	0.36	0.14	0.33	0.19	0.21
chr11	22412239	22412876	Tmem17	ENSMUSG00000049904	466	0.13	0.15	0.11	0.19	0.1	0.15
chr11	64248574	64250137	Hs3st3a1	ENSMUSG00000047759	521	0.15	0.36	0.17	0.33	0.26	0.2
chr11	98273621	98274449	Erb2	ENSMUSG00000062312	251	0.1	0.14	0.14	0.13	0.15	0.16
chr11	100126857	100127060	Krt42	ENSMUSG00000053654	334	0.98	0.9	0.92	1	0.88	0.92
chr11	100484118	100484364	Nkiras2	ENSMUSG00000017837	51	0.17	0.12	0.08	0.15	0.05	0.16
chr11	102260883	102261334	Rundc3a	ENSMUSG00000006575	38	0.4	0.28	0.45	0.51	0.31	0.39
chr11	118430393	118431723	Rbfox3	ENSMUSG00000025576	166	0.11	0.11	0.09	0.13	0.08	0.12
chr11	121534062	121534760	B3gnt11	ENSMUSG00000046605	56	0.15	0.13	0.21	0.22	0.09	0.12
chr11	50872774	50872998	Zfp354a	ENSMUSG00000020364	90	0.11	0.35	0.12	0.18	0.33	0.1
chr11	60023861	60024273	Sreb1	ENSMUSG00000020538	-173	0.38	0.71	0.18	0.13	0.73	0.19
chr11	101326950	101327676	Vat1	ENSMUSG00000034993	231	0.1	0.14	0.07	0.18	0.16	0.13
chr11	31571346	31572009	Bod1	ENSMUSG00000044502	50	0.2	0.14	0.14	0.18	0.15	0.13
chr11	61575343	61575637	Prpsap2	ENSMUSG00000020528	24	0.23	0.2	0.07	0.08	0.33	0.14
chr11	103273570	103274329	Plekhm1	ENSMUSG00000034247	29	0.21	0.21	0.08	0.2	0.11	0.14
chr11	21900855	21902263	Otx1	ENSMUSG00000005917	17	0.14	0.21	0.14	0.16	0.18	0.14
chr11	43276802	43277061	Gm12151	ENSMUSG000000084307	56	0.8	0.84	0.89	0.84	0.9	0.97
chr11	59953242	59954048	Rai1	ENSMUSG00000062115	61	0.12	0.08	0.11	0.13	0.21	0.16
chr11	72973740	72974076	P2rx5	ENSMUSG00000005950	-15	0.06	0.06	0.11	0.14	0.09	0.15
chr11	72990054	72991220	Tmem93	ENSMUSG00000047260	-133	0.43	0.23	0.12	0.27	0.24	0.12

chr11	84339454	84339695	Lhx1	ENSMUSG00000018698	-57	0.1	0.14	0.13	0.2	0.22	0.14
chr11	98843482	98844343	Gjd3	ENSMUSG00000047197	418	0.09	0.07	0.09	0.11	0.13	0.18
chr11	106648776	106650821	Ddx5	ENSMUSG00000020719	-17	0.15	0.16	0.11	0.15	0.18	0.13
chr11	106889059	106889908	1810010H24Rik	ENSMUSG00000078607	51	0.16	0.14	0.12	0.16	0.11	0.13
chr11	115352908	115353193	Nt5c	ENSMUSG00000020736	79	0.08	0.05	0.12	0.13	0.13	0.08
chr11	18771462	18771948	8430419K02Rik	ENSMUSG00000085743	453	0.04	0.24	0.1	0.11	0.09	0.13
chr11	30785287	30785607	Gpr75	ENSMUSG00000043999	89	0.12	0.12	0.13	0.13	0.2	0.12
chr11	53793052	53793998	Slc22a21	ENSMUSG00000063652	-153	0.2	0.14	0.1	0.1	0.12	0.16
chr11	53841196	53842078	Slc22a4	ENSMUSG00000020334	-183	0.09	0.13	0.1	0.15	0.13	0.12
chr11	69153815	69154547	A030009H04Rik	ENSMUSG00000043419	218	0.07	NA	0.13	0.14	1	0.14
chr11	96777430	96778117	D030028A08Rik	ENSMUSG00000078700	189	0.38	0.1	0.16	0.14	0.12	0.14
chr11	102807216	102808181	C1q1	ENSMUSG00000045532	304	0.1	0.12	0.08	0.14	0.14	0.15
chr11	116099359	116099592	Evpl	ENSMUSG00000034282	-84	0.34	0.59	0.06	0.13	0.19	0.19
chr11	120298481	120299108	Nploc4	ENSMUSG00000039703	228	0.08	0.14	0.1	0.2	0.11	0.15
chr11	44431735	44432128	Ebf1	ENSMUSG00000057098	250	0.11	0.1	0.09	0.16	0.17	0.14
chr11	49525524	49526459	Cnot6	ENSMUSG00000020362	221	0.16	0.11	0.1	0.2	0.12	0.1
chr11	80241970	80242784	Psmc11	ENSMUSG00000017428	260	0.11	0.1	0.11	0.14	0.09	0.11
chr11	93816714	93817376	Nme2	ENSMUSG00000020857	52	0.18	0.21	0.13	0.17	0.13	0.15
chr11	96205403	96205743	Hoxb3	ENSMUSG00000048763	490	0.07	0.14	0.11	0.18	0.14	0.12
chr11	101887780	101888264	Mpp3	ENSMUSG00000052373	47	0.08	0.11	0.12	0.19	0.14	0.15
chr11	4886843	4887277	Ap1b1	ENSMUSG00000009090	152	0.16	0.1	0.08	0.15	0.09	0.13
chr11	16157542	16157945	Vstm2a	ENSMUSG00000048834	16	1	NA	0.11	0.36	0.1	0.19
chr11	20012373	20013196	Actr2	ENSMUSG00000020152	86	0.17	0.15	0.12	0.15	0.12	0.1
chr11	30549110	30549612	Acyp2	ENSMUSG00000060923	226	0.14	0.1	0.09	0.13	0.05	0.1
chr11	30854309	30854643	Erlec1	ENSMUSG00000020311	-141	0.19	0.15	0.1	0.17	0.29	0.15
chr11	62352003	62352939	Cenpv	ENSMUSG00000018509	-340	0.09	0.08	0.12	0.14	0.12	0.13
chr11	62692832	62693190	Fam18b	ENSMUSG00000014177	54	0.06	0.12	0.33	0.08	0.1	0.23
chr11	68859142	68859612	Aurkb	ENSMUSG00000020897	228	0.06	0.11	0.1	0.14	0.24	0.19
chr11	70376204	70376698	Mink1	ENSMUSG00000020827	68	0.07	0.07	0.06	0.1	0.05	0.07
chr11	75344603	75345673	Slc43a2	ENSMUSG00000038178	-58	0.21	0.11	0.11	0.19	0.14	0.2

chr11	77328407	77329490	Abhd15	ENSMUSG00000000686	325	0.17	0.09	0.11	0.16	0.12	0.15
chr11	77795924	77796864	Phf12	ENSMUSG000000037791	138	0.22	0.23	0.11	0.15	0.18	0.13
chr11	86357702	86358488	Rps6kb1	ENSMUSG000000020516	172	0.18	0.14	0.12	0.13	0.14	0.15
chr11	32105054	32105668	Snrnp25	ENSMUSG000000040767	-54	1	0.07	0.09	0.31	0.1	0.14
chr11	53113120	53114264	Hspa4	ENSMUSG000000020361	221	0.12	0.15	0.11	0.22	0.16	0.16
chr11	58143631	58144390	Gm9900	ENSMUSG000000053218	-169	0.24	0.11	0.11	0.13	0.07	0.21
chr11	76486206	76486712	Bhlha9	ENSMUSG000000044243	487	0.1	0.15	0.12	0.13	0.17	0.16
chr11	101031657	101032648	Plekhh3	ENSMUSG000000035172	-484	0.15	0.32	0.12	0.27	0.1	0.14
chr11	105945219	105946566	Map3k3	ENSMUSG000000020700	-35	0.32	0.15	0.12	0.19	0.26	0.17
chr11	117127393	117128050	9-Sep	ENSMUSG000000059248	161	0.29	0.43	0.12	0.38	0.44	0.2
chr11	118947266	118947690	Cbx4	ENSMUSG000000039989	57	0.06	0.08	0.1	0.15	0.09	0.12
chr11	119251268	119252124	Mir1932	ENSMUSG000000088015	-90	0.09	0.11	0.13	0.16	0.06	0.13
chr11	46125166	46125960	Cyfp2	ENSMUSG000000020340	159	0.1	0.19	0.1	0.14	0.14	0.11
chr11	75300152	75300740	Prpf8	ENSMUSG000000020850	167	0.12	0.16	0.19	0.26	0.25	0.14
chr11	95573912	95574839	Zfp652	ENSMUSG000000075595	388	0.14	0.22	0.11	0.16	0.19	0.16
chr11	102558889	102559266	Ccdc43	ENSMUSG000000020925	-93	0.57	0.15	0.08	0.16	0.26	0.22
chr11	115375017	115375868	Hn1	ENSMUSG000000020737	-12	0.17	0.37	0.11	0.19	0.11	0.16
chr11	117515373	117517329	Tnrc6c	ENSMUSG000000025571	748	0.1	0.11	0.11	0.14	0.12	0.16
chr11	58976812	58977272	A230051G13Rik	ENSMUSG000000049287	-223	0.28	0.43	0.11	0.17	0.37	0.09
chr11	59652664	59653360	Nt5m	ENSMUSG000000032615	63	0.27	0.15	0.15	0.12	0.16	0.18
chr11	82577358	82578293	Cct6b	ENSMUSG000000020698	-17	0.16	0.11	0.12	0.16	0.09	0.19
chr11	98543890	98544312	Psmc3	ENSMUSG000000017221	196	0.09	0.16	0.1	0.16	0.13	0.18
chr11	116295195	116296132	Fam100b	ENSMUSG000000050628	255	0.12	0.28	0.12	0.17	0.19	0.21
chr11	116937939	116938376	2810008D09Rik	ENSMUSG000000086859	53	0.47	1	0.13	0.27	0.14	0.13
chr11	60726953	60727451	Gm16515	ENSMUSG000000018931	112	0.27	0.2	0.12	0.17	0.16	0.12
chr11	75275009	75275818	2210403K04Rik	ENSMUSG000000085148	372	0.15	0.13	0.16	0.2	0.08	0.18
chr11	105317831	105318180	10-Mar	ENSMUSG000000078627	44	0.24	0.36	0.21	0.52	0.36	0.28
chr11	107408112	107409767	Helz	ENSMUSG000000020721	-305	0.57	0.53	0.2	0.26	0.47	0.19
chr11	109286798	109287671	Amz2	ENSMUSG000000020610	-26	0.36	0.12	0.1	0.12	0.26	0.16
chr11	116167741	116168170	Exoc7	ENSMUSG000000020792	11	0.11	0.11	0.12	0.24	0.3	0.19

chr11	120345810	120346298	Mrpl12	ENSMUSG00000039640	127	0.12	0.07	0.09	0.16	0.06	0.11
chr11	62271778	62272115	Pigl	ENSMUSG00000014245	159	0.16	0.33	0.19	0.23	0.28	0.17
chr11	74536911	74538205	Pafah1b1	ENSMUSG00000020745	-198	0.09	0.1	0.12	0.12	0.14	0.13
chr11	75993003	75993423	Vps53	ENSMUSG00000017288	-195	0.08	NA	0.21	0.32	0.3	0.11
chr11	83276195	83276643	Mmp28	ENSMUSG00000020682	44	0.08	0.15	0.11	0.15	0.11	0.21
chr11	96132369	96134109	Hoxb9	ENSMUSG00000020875	468	0.12	0.13	0.13	0.15	0.15	0.15
chr11	97521352	97521867	AL596123.1	ENSMUSG00000093004	32	0.05	0.06	0.1	0.13	0.08	0.13
chr11	115835976	115836523	Itgb4	ENSMUSG00000020758	226	0.09	0.16	0.11	0.13	0.15	0.16
chr11	116135066	116135539	Srp68	ENSMUSG00000020780	147	0.07	0.13	0.14	0.19	0.1	0.18
chr11	22758860	22759999	9130230N09Rik	ENSMUSG00000092626	498	0.13	0.12	0.08	0.15	0.1	0.14
chr11	74584266	74584636	Mettl16	ENSMUSG00000010554	119	0.15	0.27	0.1	0.18	0.08	0.15
chr11	75006758	75008884	Rtn4r1	ENSMUSG00000045287	536	0.09	0.17	0.1	0.13	0.11	0.15
chr11	97011912	97013116	Tbkbp1	ENSMUSG00000038517	-164	0.2	0.1	0.09	0.16	0.16	0.15
chr11	3528954	3529567	Gm11950	ENSMUSG00000084310	433	0.22	0.16	0.13	0.17	0.15	0.13
chr11	20148924	20149715	Cep68	ENSMUSG00000044066	67	0.25	0.16	0.14	0.13	0.37	0.18
chr11	35793424	35794214	Wwc1	ENSMUSG00000018849	210	0.17	0.21	0.13	0.17	0.23	0.22
chr11	68245520	68245754	Pik3r5	ENSMUSG00000020901	14	0.43	0.36	0.16	0.3	0.27	0.16
chr11	69778887	69780366	Cldn7	ENSMUSG00000018569	728	0.1	0.16	0.14	0.13	0.13	0.18
chr11	86070627	86070899	Ints2	ENSMUSG00000018068	79	1	0.06	0.11	0.1	0.11	0.32
chr11	89864071	89864333	Pctp	ENSMUSG00000020553	6	0.09	0.18	0.09	0.22	0.18	0.18
chr11	115970824	115971782	Trim47	ENSMUSG00000020773	248	0.21	0.16	0.12	0.18	0.16	0.25
chr11	116351077	116351799	Prpsap1	ENSMUSG00000015869	165	0.13	0.1	0.1	0.12	0.07	0.11
chr11	118280100	118280571	Cant1	ENSMUSG00000025575	2	0.07	0.08	0.07	0.11	0.09	0.11
chr11	120239582	120240206	2310003H01Rik	ENSMUSG00000025384	-106	0.07	0.13	0.11	0.15	0.13	0.14
chr11	3308805	3309342	Limk2	ENSMUSG00000020451	104	0.09	0.08	0.08	0.12	0.14	0.15
chr11	22760385	22760709	B3gnt2	ENSMUSG00000051650	-59	0.23	0.5	0.31	0.25	0.15	0.11
chr11	31865601	31866053	4930524B15Rik	ENSMUSG00000020299	235	0.52	0.53	0.75	0.75	0.58	0.47
chr11	76384547	76385068	Abr	ENSMUSG00000017631	60	0.15	0.24	0.12	0.17	0.23	0.16
chr11	78074919	78075865	2610507B11Rik	ENSMUSG00000010277	138	0.07	0.31	0.13	0.07	0.1	0.15
chr11	94871129	94871880	Samd14	ENSMUSG00000047181	311	0.14	0.23	0.12	0.17	0.1	0.11

chr11	32167338	32167732	Npri3	ENSMUSG00000020289	12	0.05	0.09	0.07	0.14	0.08	0.15
chr11	51912038	51913149	Ppp2ca	ENSMUSG00000020349	410	0.1	0.12	0.1	0.16	0.08	0.12
chr11	102170270	102170785	Ubf	ENSMUSG00000020923	227	0.15	0.35	0.2	0.19	0.29	0.2
chr11	4795285	4795836	Thoc5	ENSMUSG00000034274	237	0.14	0.1	0.1	0.14	0.08	0.11
chr11	60988042	60988968	Usp22	ENSMUSG00000042506	26	0.3	0.41	0.12	0.18	0.23	0.22
chr11	78363934	78364578	Tmem97	ENSMUSG00000037278	23	0.15	0.14	0.13	0.15	0.09	0.18
chr11	87171633	87172776	Ppm1e	ENSMUSG00000046442	-65	0.11	0.17	0.09	0.15	0.08	0.14
chr11	96145303	96145965	Hoxb7	ENSMUSG00000038721	63	0.42	NA	0.13	0.13	0.28	0.18
chr11	96147991	96148763	Hoxb7	ENSMUSG00000038721	-1652	0.07	0.11	0.12	0.19	0.09	0.17
chr11	104469141	104469663	Itgb3	ENSMUSG00000020689	88	0.07	0.15	0.11	0.12	0.11	0.14
chr11	116976073	116977263	Sec14l1	ENSMUSG00000020823	186	0.09	0.19	0.1	0.13	0.1	0.12
chr11	120353202	120353653	Slc25a10	ENSMUSG00000025792	225	0.13	0.11	0.17	0.17	0.1	0.12
chr11	3794620	3795480	4921536K21Rik	ENSMUSG00000020434	51	0.31	0.3	0.15	0.27	0.18	0.27
chr11	16652217	16653083	Egfr	ENSMUSG00000020122	417	0.15	0.2	0.13	0.14	0.08	0.12
chr11	26493361	26493788	Vrk2	ENSMUSG00000064090	29	0.49	0.48	0.23	0.26	0.41	0.26
chr11	33413021	33413849	Ranbp17	ENSMUSG00000040594	-341	0.07	0.08	0.09	0.13	0.06	0.11
chr11	69647525	69647842	Nlgn2	ENSMUSG00000051790	78	0.18	0.16	0.15	0.23	0.22	0.22
chr11	76307994	76308723	Abr	ENSMUSG00000017631	128	0.09	0.13	0.11	0.13	0.13	0.11
chr11	87550753	87551409	Supt4h1	ENSMUSG00000020485	27	1	NA	0.14	NA	0.5	NA
chr11	105042098	105043746	Tik2	ENSMUSG00000020694	81	0.15	0.18	0.13	0.22	0.18	0.18
chr11	69614379	69615136	Fgf11	ENSMUSG00000042826	461	0.07	0.08	0.13	0.15	0.09	0.09
chr11	115674594	115675211	Caskin2	ENSMUSG00000034471	42	0.25	0.11	0.27	0.41	0.15	0.32
chr11	50729217	50729747	Zfp2	ENSMUSG00000049321	151	0.32	0.32	0.1	0.25	0.09	0.19
chr11	52174006	52175368	Vdac1	ENSMUSG00000020402	325	0.11	0.15	0.13	0.16	0.15	0.1
chr11	58762528	58762837	Hist3h2ba	ENSMUSG00000056895	269	0.07	0.09	0.27	0.24	0.05	0.25
chr11	77500452	77501335	Nufip2	ENSMUSG00000037857	-68	0.2	0.23	0.11	0.15	0.16	0.16
chr11	87800274	87801156	Dynll2	ENSMUSG00000020483	143	0.11	0.18	0.09	0.13	0.14	0.11
chr11	119803598	119804952	Gm11767	ENSMUSG00000085207	-263	0.15	0.13	0.11	0.2	0.12	0.13
chr11	121215093	121215914	Wdr45l	ENSMUSG00000025173	152	0.17	0.28	0.14	0.22	0.22	0.19
chr11	68198430	68200228	Ntn1	ENSMUSG00000020902	999	0.11	0.16	0.1	0.16	0.09	0.13

chr11	74432745	74433536	E130309D14Rik	ENSMUSG00000069814	33	0.12	0.09	0.11	0.17	0.17	0.11
chr11	76659683	76660549	Cpd	ENSMUSG00000020841	404	0.11	0.08	0.11	0.15	0.08	0.12
chr11	85124537	85125540	Ppm1d	ENSMUSG00000020525	292	0.41	0.23	0.11	0.25	0.32	0.2
chr11	116713393	116715217	Srsf2	ENSMUSG00000093603	-905	0.09	0.07	0.09	0.12	0.08	0.1
chr11	5737358	5738082	Polm	ENSMUSG00000020474	35	0.41	0.33	0.1	0.14	0.14	0.12
chr11	62094746	62095436	Zswim7	ENSMUSG00000014243	-214	0.08	0.09	0.08	0.14	0.09	0.09
chr11	77990085	77990798	Nek8	ENSMUSG00000017405	-328	0.09	0.08	0.11	0.14	0.15	0.12
chr11	79805977	79807356	Suz12	ENSMUSG00000017548	58	0.27	0.31	0.16	0.14	0.22	0.14
chr11	87405099	87405880	Mtmr4	ENSMUSG00000018401	-175	0.15	0.39	0.11	0.17	0.29	0.15
chr11	95865884	95869132	Igf2bp1	ENSMUSG00000013415	-254	0.16	0.12	0.13	0.16	0.13	0.16
chr11	100258508	100259260	Jup	ENSMUSG0000001552	179	0.09	0.07	0.08	0.12	0.07	0.11
chr11	115885029	115885988	H3f3b	ENSMUSG00000016559	279	0.11	0.11	0.11	0.11	0.08	0.13
chr11	116514966	116515265	Gm11744	ENSMUSG00000075410	-54	0.21	0.2	0.07	0.13	0.1	0.1
chr11	121313192	121313559	Tbcd	ENSMUSG00000039230	112	0.15	0.2	0.15	0.2	1	0.11
chr11	22890520	22891100	Cct4	ENSMUSG00000007739	184	0.16	0.1	0.11	0.11	0.23	0.1
chr11	75492623	75493210	Crk	ENSMUSG00000017776	155	0.11	0.15	0.08	0.13	0.14	0.11
chr11	79404384	79405055	Rab11fip4	ENSMUSG00000017639	5	0.08	0.1	0.08	0.15	0.13	0.09
chr11	94515041	94515317	Mrpl27	ENSMUSG00000024414	98	0.42	0.13	0.22	0.22	0.7	0.24
chr11	116779935	116780771	Mgat5b	ENSMUSG00000043857	176	0.14	0.12	0.1	0.17	0.2	0.15
chr11	54117411	54117970	Acsi6	ENSMUSG00000020333	183	0.14	0.07	0.09	0.13	0.09	0.14
chr11	61392446	61393306	Epn2	ENSMUSG0000001036	284	0.15	0.21	0.13	0.15	0.13	0.12
chr11	77284992	77285228	Ankrd13b	ENSMUSG00000037907	462	0.79	0.46	0.56	1	0.89	0.77
chr11	100275363	100276170	Leprel4	ENSMUSG00000006931	244	0.18	0.1	0.13	0.16	0.14	0.15
chr11	20730503	20731352	1110067D22Rik	ENSMUSG00000042363	-169	0.13	0.11	0.09	0.12	0.15	0.1
chr11	29592881	29593945	Rtn4	ENSMUSG00000020458	466	0.17	0.14	0.09	0.12	0.12	0.13
chr11	57822713	57823594	Larp1	ENSMUSG00000037331	587	0.09	0.06	0.08	0.15	0.07	0.15
chr11	59119913	59121173	Wnt9a	ENSMUSG00000000126	113	0.11	0.09	0.09	0.14	0.08	0.11
chr11	61080370	61080995	Aldh3a2	ENSMUSG00000010025	-53	0.14	0.12	0.16	0.2	0.09	0.14
chr11	68781219	68781785	Slc25a35	ENSMUSG00000018740	-131	0.29	0.18	0.19	0.27	0.24	0.2
chr11	115243128	115243651	Cdr2l	ENSMUSG00000050910	159	0.16	0.19	0.1	0.13	0.13	0.21

chr11	6428551	6428935	Gm11974	ENSMUSG00000085156	6	0.25	0.1	0.16	0.17	0.1	0.18
chr11	29273357	29274184	Ccdc88a	ENSMUSG00000032740	112	0.14	0.12	0.11	0.14	0.11	0.15
chr11	61890425	61890857	Specc1	ENSMUSG00000042331	115	0.67	0.33	0.12	0.1	0.24	0.19
chr11	96180121	96180576	Mir10a	ENSMUSG00000092205	1869	0.08	0.13	0.13	0.15	0.11	0.15
chr11	115264973	115265527	Ict1	ENSMUSG00000018858	184	0.2	0.14	0.09	0.2	0.15	0.17
chr11	23565437	23566438	Pex13	ENSMUSG00000020283	-264	0.1	0.21	0.07	0.14	0.06	0.16
chr11	69840356	69840637	Dlg4	ENSMUSG00000020886	170	0.5	0.16	0.15	0.15	0.14	0.19
chr11	95896177	95896400	Snf8	ENSMUSG0000006058	89	0.15	0.27	0.14	0.17	0.22	0.1
chr11	120209185	120211752	Actg1	ENSMUSG00000062825	-685	0.12	0.18	0.15	0.17	0.15	0.17
chr11	120684887	120686309	Fasn	ENSMUSG00000025153	-106	0.13	0.15	0.1	0.14	0.16	0.13
chr11	4957948	4958538	Ras10a	ENSMUSG00000034209	112	0.08	0.09	0.11	0.18	0.07	0.11
chr11	6167410	6167899	Ddx56	ENSMUSG0000004393	95	0.07	NA	0.2	0.16	0.2	0.2
chr11	29925815	29926104	Eml6	ENSMUSG00000044072	74	0.15	NA	0.08	0.15	0.07	0.17
chr11	50023779	50024443	Sqstm1	ENSMUSG00000015837	156	0.54	0.6	0.21	0.24	0.75	0.1
chr11	72503304	72503834	Ankfy1	ENSMUSG00000020790	61	0.18	0.18	0.09	0.23	0.13	0.17
chr11	80965217	80967224	Accn1	ENSMUSG00000020704	603	0.09	0.15	0.1	0.17	0.11	0.13
chr11	83992825	83993920	Acaca	ENSMUSG00000020532	59	0.13	0.24	0.1	0.16	0.16	0.18
chr11	115228350	115229156	C630004H02Rik	ENSMUSG00000034586	170	0.24	0.2	0.15	0.26	0.19	0.15
chr11	115336824	115337410	Armc7	ENSMUSG00000057219	136	0.25	0.48	0.07	0.18	0.42	0.15
chr11	77845510	77846270	Dhrs13	ENSMUSG00000020834	108	0.26	0.28	0.16	0.18	0.22	0.17
chr11	77851474	77851727	Flot2	ENSMUSG00000061981	114	0.17	0.22	0.06	0.09	0.11	0.19
chr11	84455863	84456429	AL603708.1	ENSMUSG00000078015	-1642	0.18	0.12	0.17	0.2	0.13	0.26
chr11	88835140	88835650	Coil	ENSMUSG00000033983	146	0.09	0.09	0.11	0.14	0.12	0.1
chr11	89162688	89164156	Nog	ENSMUSG00000048616	451	0.13	0.11	0.08	0.13	0.11	0.13
chr11	94361122	94361355	Epn3	ENSMUSG00000010080	-15	0.33	0.15	0.1	0.16	0.05	0.14
chr11	120469828	120470234	Npb	ENSMUSG00000044034	212	0.09	0.04	0.11	0.19	0.13	0.14
chr11	17059073	17059986	Ppp3r1	ENSMUSG00000033953	263	0.12	0.12	0.12	0.15	0.14	0.1
chr11	69571615	69572821	Polr2a	ENSMUSG00000005198	-493	0.15	0.11	0.09	0.18	0.12	0.14
chr11	70467227	70469738	Pfn1	ENSMUSG00000018293	-382	0.13	0.13	0.12	0.19	0.14	0.13
chr11	75840530	75841546	Fam101b	ENSMUSG00000020846	246	0.11	0.18	0.09	0.15	0.1	0.12

chr11	116688998	116689470	Mxra7	ENSMUSG00000020814	83	0.15	0.14	0.09	0.18	0.13	0.12
chr11	70068646	70068849	Alox12	ENSMUSG00000000320	96	0.15	0.19	0.14	0.11	0.23	0.14
chr11	96206967	96207587	Hoxb3os	ENSMUSG000000084844	1960	0.16	0.15	0.14	0.2	0.1	0.18
chr11	104092377	104094260	Mapt	ENSMUSG00000018411	614	0.12	0.11	0.08	0.1	0.09	0.14
chr11	51669829	51671991	Phf15	ENSMUSG00000020387	-283	0.13	0.09	0.12	0.15	0.11	0.13
chr11	53243972	53244764	Uqcrq	ENSMUSG00000044894	-39	0.2	0.15	0.16	0.26	0.12	0.11
chr11	69484736	69486126	Eif4a1	ENSMUSG000000059796	-479	0.1	0.16	0.13	0.17	0.13	0.18
chr11	102978534	102979301	Hexim1	ENSMUSG00000048878	1278	0.21	0.1	0.19	0.23	0.16	0.22
chr11	115024337	115025517	Slc9a3r1	ENSMUSG00000020733	272	0.09	0.17	0.08	0.17	0.12	0.11
chr11	46250417	46251156	Med7	ENSMUSG00000020397	359	0.3	0.29	0.23	0.25	0.39	0.15
chr11	54600534	54601450	Cdc42se2	ENSMUSG000000052298	135	0.12	0.09	0.1	0.14	0.09	0.14
chr11	77307064	77307495	Git1	ENSMUSG00000011877	215	0.08	0.07	0.13	0.14	0.1	0.15
chr11	100501363	100501922	Zfp385c	ENSMUSG00000014198	-559	0.14	0.18	0.13	0.16	0.11	0.13
chr11	116273605	116274743	Rnf157	ENSMUSG000000052949	144	0.09	0.08	0.08	0.11	0.11	0.11
chr11	29414876	29415194	Prorsd1	ENSMUSG000000032673	-29	0.38	NA	0.13	0.12	0.14	0.41
chr11	100599391	100599892	Rab5c	ENSMUSG00000019173	-151	0.35	0.23	0.32	0.35	0.43	0.21
chr11	100620830	100621431	Kcnh4	ENSMUSG000000035355	-113	0.11	0.19	0.1	0.19	0.16	0.1
chr11	101286286	101287031	Rundc1	ENSMUSG000000035007	259	0.1	0.18	0.13	0.15	0.08	0.17
chr11	102006843	102007328	Nags	ENSMUSG000000048217	222	0.06	0.09	0.09	0.13	0.08	0.12
chr11	108286308	108287055	Ccdc46	ENSMUSG000000020728	175	0.16	0.39	0.14	0.14	0.19	0.19
chr11	116485002	116485695	Rhbdf2	ENSMUSG000000020806	166	0.33	0.17	NA	NA	0.12	0.4
chr11	121691489	121691895	Ptchd3	ENSMUSG000000039198	160	0.61	0.87	0.51	0.83	0.77	0.46
chr11	70027315	70028263	Slc16a11	ENSMUSG000000040938	377	0.19	0.08	0.15	0.16	0.3	0.17
chr11	90548662	90549133	Tom1l1	ENSMUSG000000020541	-4	0.11	0.36	0.11	0.18	0.19	0.12
chr11	5778006	5778496	Pold2	ENSMUSG000000020471	-36	0.07	0.08	0.06	0.16	0.16	0.11
chr11	23976383	23977912	Gm12063	ENSMUSG000000085167	588	0.19	0.12	0.1	0.17	0.15	0.15
chr11	52045244	52045975	Skp1a	ENSMUSG000000036309	112	0.13	0.26	0.12	0.16	0.1	0.25
chr11	53914297	53914874	P4ha2	ENSMUSG000000018906	159	0.12	0.16	0.14	0.17	0.11	0.16
chr11	68504801	68505736	Myh10	ENSMUSG000000020900	207	0.14	0.08	0.12	0.18	0.12	0.19
chr11	87666634	87666842	Mks1	ENSMUSG000000034121	21	0.22	0.21	0.21	0.11	0.15	0.16

chr11	98768927	98769402	Cdc6	ENSMUSG00000017499	49	0.13	0.24	0.05	0.14	0.09	0.15
chr11	8910917	8911326	Hus1	ENSMUSG00000020413	10	0.17	0.13	0.09	0.1	0.07	0.08
chr11	12364571	12364927	Cobl	ENSMUSG00000020173	6	0.07	0.06	0.15	0.13	0.33	0.13
chr11	76435739	76437352	Abr	ENSMUSG00000017631	-729	0.13	0.14	0.11	0.13	0.16	0.14
chr11	79524380	79525726	Mir193	ENSMUSG000000065395	-418	0.09	0.11	0.07	0.14	0.1	0.13
chr11	92959613	92961510	Car10	ENSMUSG000000056158	843	0.22	0.12	0.13	0.22	0.27	0.13
chr11	108204271	108205456	Apoh	ENSMUSG00000000049	195	0.1	0.11	0.09	0.13	0.11	0.12
chr11	118898520	118899040	Cbx8	ENSMUSG00000025578	1330	0.08	0.14	0.11	0.1	0.13	0.23
chr11	21138587	21139666	Vps54	ENSMUSG00000020128	234	0.11	0.12	0.1	0.12	0.1	0.15
chr11	74403233	74403919	Rap1gap2	ENSMUSG000000038807	50	0.13	0.11	0.1	0.19	0.11	0.14
chr11	96228115	96228335	Hoxb1	ENSMUSG000000018973	653	0.2	0.2	0.21	0.43	0.13	0.14
chr11	98798668	98799452	Rara	ENSMUSG000000037992	48	0.07	0.1	0.1	0.14	0.1	0.14
chr11	20531788	20532573	Sertad2	ENSMUSG000000049800	198	0.13	0.25	0.11	0.21	0.1	0.12
chr11	26110158	26110727	5730522E02Rik	ENSMUSG000000073101	124	0.05	0.05	0.11	0.12	0.08	0.14
chr11	34934498	34935508	Slit3	ENSMUSG000000056427	277	0.07	0.23	0.1	0.15	0.09	0.16
chr11	43341964	43342989	Ccnj1	ENSMUSG000000044707	190	0.1	0.14	0.09	0.12	0.08	0.1
chr11	62061999	62062946	Adora2b	ENSMUSG000000018500	-14	0.14	0.1	0.07	0.14	0.09	0.1
chr11	69139781	69140344	Kcnab3	ENSMUSG000000018470	302	0.21	0.35	0.15	0.31	0.24	0.23
chr11	77420714	77421657	Taok1	ENSMUSG000000017291	132	0.17	0.12	0.11	0.21	0.14	0.17
chr11	83286123	83287265	Taf15	ENSMUSG000000020680	106	0.18	0.23	0.1	0.16	0.22	0.15
chr11	100333234	100334200	Klhl11	ENSMUSG000000048732	338	0.17	0.24	0.12	0.18	0.12	0.14
chr11	116059793	116060454	Acox1	ENSMUSG000000020777	-80	0.18	0.28	0.16	0.24	0.13	0.21
chr11	120534214	120534851	Aspscr1	ENSMUSG000000025142	245	0.11	0.12	0.08	0.17	0.09	0.12
chr11	3435669	3435987	Smtn	ENSMUSG000000020439	1573	0.16	0.18	0.07	0.16	0.12	0.17
chr11	5607310	5607802	Mrps24	ENSMUSG000000020477	89	0.14	0.2	0.1	0.16	0.11	0.13
chr11	8564112	8564652	Tns3	ENSMUSG000000020422	156	0.23	0.45	0.13	0.15	0.19	0.13
chr11	43247184	43247481	Slu7	ENSMUSG000000020409	86	0.11	0.05	0.09	0.14	0.16	0.17
chr11	53672526	53672920	Gm12216	ENSMUSG000000081769	-77	0.23	0.12	0.12	0.18	0.33	0.18
chr11	60691758	60692671	Tmem11	ENSMUSG000000043284	75	0.08	0.1	0.09	0.18	0.1	0.15
chr11	97223321	97224732	Socs7	ENSMUSG000000038485	161	0.14	0.15	0.08	0.13	0.16	0.12

chr11	101502746	101503059	U2	ENSMUSG00000064702	-160	0.1	0.31	0.39	0.39	0.05	0.28
chr11	102268571	102269170	Slc25a39	ENSMUSG00000018677	-241	0.1	0.1	0.09	0.11	0.08	0.08
chr11	4118126	4118617	Gatsl3	ENSMUSG00000020424	143	0.18	0.13	0.11	0.1	0.2	0.12
chr11	4965021	4965400	Gas2l1	ENSMUSG00000034201	70	0.17	0.16	0.1	0.17	0.22	0.14
chr11	5051987	5052562	Emid1	ENSMUSG00000034164	-49	0.2	0.37	0.18	0.21	0.12	0.23
chr11	16851079	16851427	2810442l2lRik	ENSMUSG00000087060	-168	0.6	0.67	0.29	1	1	0.12
chr11	49607663	49608494	Gfpt2	ENSMUSG00000020363	398	0.26	0.42	0.22	0.2	0.35	0.13
chr11	53333248	53333772	8-Sep	ENSMUSG00000018398	262	0.42	0.64	0.17	0.25	0.5	0.17
chr11	100721598	100721924	Stat5a	ENSMUSG00000004043	102	0.67	0.42	0.14	0.13	0.4	0.16
chr11	115309210	115309547	Mir3968	ENSMUSG00000093096	-4	1	0.93	0.68	0.64	0.9	0.78
chr11	70428854	70429229	Chrne	ENSMUSG00000014609	134	0.07	0.05	0.09	0.12	0.13	0.13
chr11	71855700	71855907	Fam64a	ENSMUSG00000020808	-154	0.71	0.17	0.07	0.22	0.59	0.2
chr11	72254529	72255041	Mybbp1a	ENSMUSG00000040463	-72	1	NA	0.18	0.29	0.22	0.18
chr11	77326329	77327123	Trp53i13	ENSMUSG00000044328	-189	0.5	1	0.13	0.16	0.11	0.17
chr11	84683070	84684496	Ggnbp2	ENSMUSG00000020530	-79	0.13	0.23	0.13	0.19	0.16	0.21
chr11	88579154	88580441	Msi2	ENSMUSG00000069769	-382	0.24	0.49	0.11	0.17	0.38	0.16
chr11	120095101	120099415	Gm11772	ENSMUSG00000085501	178	0.13	0.1	0.1	0.14	0.14	0.13
chr11	6315428	6316454	Ppia	ENSMUSG00000071866	495	0.1	0.13	0.09	0.13	0.12	0.12
chr11	21903783	21904054	Otx1	ENSMUSG00000005917	-1018	0.27	NA	0.14	0.29	0.42	0.24
chr11	61318284	61318829	3110043A19Rik	ENSMUSG00000060808	5	0.15	0.12	0.13	0.17	0.09	0.16
chr11	75813442	75813712	1700016K19Rik	ENSMUSG00000053783	163	0.05	0.1	0.2	0.16	0.12	0.11
chr11	101968455	101968659	Pyy	ENSMUSG00000017311	173	0.15	0.19	0.11	0.17	0.12	0.1
chr11	109472397	109473432	Wipi1	ENSMUSG00000041895	-183	0.16	0.22	0.12	0.15	0.21	0.24
chr11	121282927	121283160	Fn3krp	ENSMUSG00000039253	328	0.16	0.17	0.11	0.15	0.11	0.12
chr11	51569469	51570324	Sec24a	ENSMUSG00000036391	-296	0.19	0.15	0.12	0.15	0.17	0.18
chr11	98054138	98054718	Med1	ENSMUSG00000018160	-159	0.11	0.21	0.15	0.2	0.15	0.17
chr11	100941030	100941364	Hsd17b1	ENSMUSG00000019301	1472	0.06	0.25	0.19	0.49	0.17	0.1
chr11	113612171	113613390	Cdc42ep4	ENSMUSG00000041598	-312	0.45	0.47	0.17	0.22	0.57	0.2
chr11	120485765	120486383	Sirt7	ENSMUSG00000025138	209	0.14	0.17	0.11	0.19	0.12	0.14
chr11	69809074	69811029	Phf23	ENSMUSG00000018572	772	0.25	0.2	0.14	0.17	0.28	0.15

chr11	86014438	86015294	Brip1	ENSMUSG00000034329	-200	0.2	0.54	0.17	0.13	0.34	0.18
chr11	95775795	95776383	B4galnt2	ENSMUSG00000013418	116	0.1	0.1	0.16	0.2	0.07	0.13
chr11	106054705	106054998	Strada	ENSMUSG00000069631	-1	0.21	0.5	0.08	0.2	0.12	0.11
chr11	5420601	5421785	Xbp1	ENSMUSG00000020484	531	0.29	0.37	0.1	0.18	0.21	0.17
chr11	23981328	23982155	Bcl11a	ENSMUSG00000000861	1071	0.1	0.3	0.14	0.24	0.14	0.17
chr11	26287147	26287495	Fanc1	ENSMUSG00000004018	119	0.25	0.21	0.11	0.29	1	0.25
chr11	50038677	50038952	Mgat4b	ENSMUSG00000036620	-23	0.13	0.19	0.09	0.13	0.16	0.16
chr11	57458455	57459237	Galnt10	ENSMUSG00000020520	-98	0.1	0.1	0.08	0.14	0.12	0.12
chr11	74651150	74652254	Mnt	ENSMUSG00000000282	732	0.38	0.1	0.14	0.18	0.26	0.15
chr11	87912581	87913459	Cuedc1	ENSMUSG00000018378	372	0.1	0.11	0.13	0.18	0.09	0.2
chr11	88921314	88922253	Dgke	ENSMUSG00000000276	279	0.19	0.28	0.09	0.17	0.14	0.13
chr11	98219562	98220050	1700003D09Rik	ENSMUSG00000085944	-209	0.08	0.21	0.12	0.2	0.1	0.11
chr11	98698074	98698708	Rapgef1	ENSMUSG00000038020	292	0.09	0.13	0.1	0.11	0.1	0.14
chr11	104411323	104412152	Cdc27	ENSMUSG00000020687	-31	0.08	0.12	0.14	0.18	0.1	0.1
chr11	114626265	114626800	Kif19a	ENSMUSG00000010021	-170	0.12	0.09	0.1	0.18	0.09	0.12
chr11	120433790	120434999	P4hb	ENSMUSG00000025130	-239	0.11	0.18	0.1	0.14	0.09	0.14
chr11	50172593	50173367	Mir804	ENSMUSG00000076450	-1599	0.5	0.5	0.19	0.75	0.22	0.26
chr11	58790775	58791100	2310058D17Rik	ENSMUSG00000085379	615	0.08	0.08	0.1	0.13	0.1	0.19
chr11	63736892	63737172	Hs3st3b1	ENSMUSG00000070407	-1240	0.19	NA	0.26	0.27	0.33	0.09
chr11	68908658	68908862	Per1	ENSMUSG00000020893	41	0.2	0.17	0.1	0.13	0.36	0.22
chr11	76015359	76015963	Fam57a	ENSMUSG00000069808	144	0.08	0.13	0.07	0.14	0.1	0.13
chr11	29924479	29924998	Eml6	ENSMUSG00000044072	1295	0.13	0.25	0.1	0.15	0.11	0.12
chr11	115685131	115686003	Llg12	ENSMUSG00000020782	204	0.1	0.06	0.09	0.17	0.12	0.17
chr11	6289597	6289973	Zmiz2	ENSMUSG00000041164	311	0.39	0.24	0.29	0.64	0.5	0.23
chr11	52096136	52096891	Tcf7	ENSMUSG00000000782	3	0.1	0.15	0.13	0.18	0.12	0.13
chr11	53138106	53138319	Zcchc10	ENSMUSG00000018239	31	0.2	0.2	0.12	0.23	0.43	0.19
chr11	96164515	96165435	Hoxb5	ENSMUSG00000038700	1066	0.36	0.12	0.13	0.16	0.14	0.16
chr11	101645823	101646562	Etv4	ENSMUSG00000017724	-30	0.17	0.12	0.13	0.29	0.2	0.19
chr11	102090965	102091597	Hdac5	ENSMUSG00000008855	157	0.07	0.13	0.08	0.13	0.08	0.11
chr11	119160934	119161733	Eif4a3	ENSMUSG00000025580	-5	0.16	0.14	0.1	0.17	0.19	0.15

chr11	3763609	3763860	Osbp2	ENSMUSG00000020435	172	0.31	0.14	0.2	0.16	0.44	0.21
chr11	23205844	23207266	Usp34	ENSMUSG00000056342	-361	0.29	0.18	0.1	0.13	0.22	0.15
chr11	50244138	50244673	Rufy1	ENSMUSG00000020375	222	0.11	0.14	0.13	0.12	0.13	0.17
chr11	78349508	78350250	Tnfaip1	ENSMUSG00000017615	-202	0.11	0.09	0.07	0.27	0.19	0.18
chr11	35582797	35583594	Pank3	ENSMUSG00000018846	209	0.2	0.45	0.14	0.18	0.26	0.2
chr11	61155939	61156443	Slc47a2	ENSMUSG00000069855	-105	0.12	0.07	0.11	0.11	0.13	0.17
chr11	69049104	69050124	Gucy2e	ENSMUSG00000020890	910	0.14	0.13	0.12	0.21	0.12	0.18
chr11	70273045	70273271	Zmynd15	ENSMUSG00000040829	34	0.32	0.16	0.12	0.17	0.41	0.13
chr11	94852212	94854304	Ppp1r9b	ENSMUSG00000038976	909	0.15	0.1	0.11	0.19	0.13	0.16
chr11	108783859	108784328	Axin2	ENSMUSG00000000142	-402	0.19	0.06	0.16	0.2	0.13	0.3
chr11	113926227	113926641	Sdk2	ENSMUSG00000041592	855	0.08	0.05	0.06	0.11	0.14	0.09
chr11	117641214	117641454	Tmc6	ENSMUSG00000025572	-370	0.14	0.19	0.12	0.08	0.11	0.11
chr11	9050403	9050649	Gm11993	ENSMUSG00000043177	65	0.75	NA	0.91	1	1	0.95
chr11	69609001	69609541	Chrb1	ENSMUSG00000041189	136	0.09	NA	0.14	0.24	0.2	0.19
chr11	102993615	102994425	Hexim2	ENSMUSG00000043372	277	0.14	0.16	0.1	0.14	0.16	0.19
chr11	57911230	57911644	Gm12247	ENSMUSG00000081223	-162	0.06	0.19	0.07	0.12	0.09	0.1
chr11	62545083	62545469	Zfp287	ENSMUSG00000005267	111	0.17	0.09	0.1	0.16	0.14	0.15
chr11	17157530	17157811	C1d	ENSMUSG00000000581	88	0.11	0.06	0.09	0.16	0.08	0.15
chr11	60513196	60513573	Lgl1	ENSMUSG00000020536	159	0.05	0.13	0.1	0.1	0.08	0.09
chr11	100800499	100800737	Stat3	ENSMUSG00000004040	76	0.21	0.43	0.08	0.22	0.32	0.15
chr11	106860378	106860991	Kpna2	ENSMUSG00000018362	-1	0.1	0.06	0.13	0.17	0.08	0.08
chr11	6374941	6375780	Gm11973	ENSMUSG00000086839	-68	0.11	0.3	0.17	0.17	0.12	0.15
chr11	23670520	23671541	Rel	ENSMUSG00000020275	-60	0.12	0.1	0.12	0.17	0.14	0.14
chr11	29030675	29030955	Pnpt1	ENSMUSG00000020464	71	0.06	0.07	0.07	0.12	0.12	0.07
chr11	63734011	63735952	Hs3st3b1	ENSMUSG00000070407	811	0.14	0.17	0.09	0.17	0.15	0.13
chr11	70051027	70051915	0610010K14Rik	ENSMUSG00000020831	-291	0.14	0.13	0.1	0.21	0.11	0.1
chr11	96650359	96651116	Cbx1	ENSMUSG00000018666	296	0.12	0.06	0.1	0.29	0.25	0.14
chr11	97913546	97914736	Stac2	ENSMUSG00000017400	635	0.09	0.08	0.07	0.12	0.1	0.12
chr11	101087205	101087864	Ezh1	ENSMUSG00000006920	206	0.09	0.15	0.09	0.14	0.08	0.1
chr11	115158581	115159002	Fads6	ENSMUSG00000044788	37	0.09	0.2	0.11	0.26	0.14	0.15

chr11	118769823	118771101	Rbfox3	ENSMUSG00000025576	402	0.14	0.16	0.14	0.15	0.13	0.16
chr11	5640731	5641335	Urgcp	ENSMUSG00000049680	116	0.08	0.17	0.09	0.08	0.1	0.09
chr11	59263371	59264193	Snap47	ENSMUSG00000009894	-367	0.17	0.15	0.15	0.17	0.15	0.16
chr11	59859642	59860033	Pemt	ENSMUSG00000000301	142	0.08	0.18	0.1	0.13	0.1	0.1
chr11	69137098	69137510	Cntrob	ENSMUSG000000032782	-27	0.2	NA	0.19	NA	1	0.3
chr11	75323705	75324310	Rilp	ENSMUSG000000038195	38	0.57	NA	0.13	0.36	0.67	0.28
chr11	83116097	83116780	Ap2b1	ENSMUSG000000035152	233	0.1	0.07	0.11	0.1	0.07	0.14
chr11	94182713	94183458	Luc7l3	ENSMUSG00000020863	124	0.1	0.13	0.13	0.17	0.09	0.19
chr11	121563528	121564304	Metrl	ENSMUSG000000039208	191	0.17	0.22	0.09	0.13	0.15	0.13
chr11	23979023	23979963	Bcl11a	ENSMUSG00000000861	-1177	0.08	0.2	0.23	0.13	0.12	0.17
chr11	58751889	58752251	Rnf187	ENSMUSG000000020496	348	0.11	0.23	0.11	0.12	0.08	0.13
chr11	30654898	30655478	Gm12101	ENSMUSG000000083990	-227	0.1	0.06	0.12	0.11	0.12	0.07
chr11	88860548	88861316	Trim25	ENSMUSG00000000275	242	0.16	0.62	0.6	0.35	0.13	0.24
chr11	45757812	45758627	Lsm11	ENSMUSG000000044847	218	0.14	0.15	0.11	0.15	0.15	0.13
chr11	45979696	45980103	Nipal4	ENSMUSG000000020411	111	0.2	0.07	0.12	0.18	0.12	0.3
chr11	53583398	53584159	Irf1	ENSMUSG000000018899	262	0.08	0.18	0.11	0.16	0.09	0.18
chr11	69494903	69495649	Senp3	ENSMUSG000000005204	72	0.06	0.06	0.09	0.17	0.08	0.15
chr11	69804974	69805350	Gabarap	ENSMUSG000000018567	21	0.12	0.1	0.13	0.26	0.14	0.19
chr11	96064577	96065034	Gm11538	ENSMUSG000000085983	37	0.11	0.5	0.17	0.14	0.14	0.17
chr11	103224451	103224725	Gm11641	ENSMUSG000000085733	61	0.17	0.16	0.19	0.24	0.19	0.14
chr11	11015681	11016520	Vwc2	ENSMUSG000000050830	243	0.11	0.21	0.12	0.18	0.12	0.11
chr11	50138771	50139492	Canx	ENSMUSG000000020368	44	0.11	0.14	0.1	0.15	0.09	0.13
chr11	102177974	102180917	Ubtf	ENSMUSG000000020923	-1456	0.1	0.13	0.12	0.14	0.1	0.15
chr11	6525743	6526397	Tbrg4	ENSMUSG000000000384	-45	0.12	0.13	0.09	0.17	0.14	0.15
chr11	53520214	53520913	Rad50	ENSMUSG000000020380	234	0.3	0.27	0.1	0.21	0.33	0.14
chr11	54769245	54769806	Tnip1	ENSMUSG000000020400	22	0.1	0.14	0.1	0.18	0.09	0.15
chr11	69748841	69749939	Ybx2	ENSMUSG000000018554	92	0.08	0.17	0.1	0.17	0.1	0.13
chr11	72020214	72021171	4933427D14Rik	ENSMUSG000000020807	30	0.15	0.21	0.11	0.18	0.18	0.12
chr11	102962617	102963110	Plcd3	ENSMUSG000000020937	42	0.14	0.1	0.12	0.22	0.11	0.12
chr11	120049363	120049721	2810410L24Rik	ENSMUSG000000075389	523	0.48	0.61	0.22	0.33	0.25	0.2

chr11	120645072	120646132	Rfng	ENSMUSG00000025158	-103	0.14	0.12	0.09	0.14	0.13	0.13
chr11	3674667	3675011	Osbp2	ENSMUSG00000020435	-104	0.28	0.13	0.11	0.13	0.26	0.18
chr11	55283139	55283664	G3bp1	ENSMUSG00000018583	214	0.06	0.1	0.08	0.1	0.08	0.11
chr11	59040899	59042038	Arf1	ENSMUSG00000048076	196	0.08	0.11	0.1	0.12	0.07	0.14
chr11	61667576	61668892	Ulk2	ENSMUSG00000004798	-230	0.11	0.13	0.1	0.13	0.11	0.15
chr11	62416124	62416673	2410006H16Rik	ENSMUSG00000086841	19	0.12	0.06	0.08	0.2	0.07	0.32
chr11	69418448	69419349	Atp1b2	ENSMUSG00000041329	433	0.22	0.4	0.11	0.29	0.16	0.16
chr11	83664653	83664959	Hnf1b	ENSMUSG00000020679	430	0.1	0.16	0.14	0.15	0.12	0.13
chr11	94538284	94538895	Xyll2	ENSMUSG00000020868	132	0.09	0.16	0.08	0.12	0.1	0.09
chr11	95720077	95721157	4833417C18Rik	ENSMUSG00000086015	438	0.14	0.19	0.13	0.23	0.17	0.22
chr11	117829192	117830879	Socs3	ENSMUSG00000053113	465	0.14	0.16	0.1	0.15	0.12	0.19
chr11	69734027	69735297	Eif5a	ENSMUSG00000078812	-530	0.11	0.12	0.1	0.15	0.12	0.11
chr11	87860691	87862155	2010015M23Rik	ENSMUSG00000091914	-561	0.23	0.24	0.11	0.14	0.24	0.16
chr11	96130902	96131128	Hoxb9	ENSMUSG00000020875	-1756	0.06	0.13	0.12	0.16	0.11	0.25
chr11	96638738	96639144	Snx11	ENSMUSG00000020876	-135	0.05	0.09	0.1	0.13	0.08	0.12
chr11	98209697	98210513	Ppp1r1b	ENSMUSG00000061718	387	0.1	0.16	0.12	0.22	0.09	0.17
chr11	119352310	119353310	A730011L01Rik	ENSMUSG00000039850	149	0.31	0.24	0.12	0.14	0.27	0.13
chr11	120793926	120794308	Ccdc57	ENSMUSG00000048445	69	0.06	1	0.11	0.18	0.1	0.13
chr11	78156883	78157350	Unc119	ENSMUSG0000002058	132	0.08	0.1	0.18	0.14	0.1	0.14
chr11	95245736	95246368	Slc35b1	ENSMUSG00000020873	46	0.17	0.1	0.16	0.13	0.32	0.19
chr11	106133764	106134727	Smarcd2	ENSMUSG00000078619	34	0.09	0.09	0.07	0.17	0.08	0.13
chr11	106362173	106362726	Snord104	ENSMUSG00000065126	142	0.12	0.08	0.1	0.18	0.15	0.16
chr11	50105136	50106120	Maml1	ENSMUSG00000050567	-322	0.1	0.17	0.14	0.15	0.1	0.15
chr11	98010397	98011961	Fbxl20	ENSMUSG00000020883	-259	0.12	0.17	0.1	0.13	0.11	0.14
chr11	101017155	101017507	Tubg2	ENSMUSG00000045007	110	0.11	0.13	0.08	0.09	0.09	0.12
chr11	3189168	3191064	Patz1	ENSMUSG00000020453	946	0.13	0.18	0.1	0.2	0.14	0.14
chr11	48650892	48651532	Trim7	ENSMUSG00000040350	245	0.09	0.11	0.1	0.13	0.08	0.14
chr11	51433252	51433610	Nhp2	ENSMUSG00000001056	158	0.1	0.1	0.11	0.12	0.07	0.21
chr11	51449117	51449549	Rmnd5b	ENSMUSG00000001054	-184	0.15	0.18	0.11	0.17	0.16	0.15
chr11	58120533	58121181	Zfp692	ENSMUSG00000037243	286	0.42	0.45	0.14	0.13	0.47	0.24

chr11	98820918	98821426	Rara	ENSMUSG00000037992	-554	0.18	0.16	0.11	0.2	0.27	0.2
chr11	115183145	115183361	Ush1g	ENSMUSG00000045288	102	0.33	0.31	0.21	0.3	0.3	0.39
chr11	115195916	115196206	Otop3	ENSMUSG00000018862	16	0.12	0.15	0.15	0.15	0.07	0.15
chr11	119775017	119775421	Chmp6	ENSMUSG00000025371	95	0.08	0.07	0.06	0.17	0.09	0.1
chr11	6344024	6344765	H2afv	ENSMUSG00000041126	-39	0.06	0.1	0.09	0.15	0.07	0.11
chr11	44283613	44284313	Ublcp1	ENSMUSG00000041231	37	0.12	0.13	0.16	0.2	0.11	0.13
chr11	69208701	69209722	Cyb5d1	ENSMUSG00000044795	-376	0.11	0.09	0.1	0.13	0.06	0.11
chr11	77306530	77306838	Git1	ENSMUSG00000011877	-380	1	0.33	1	1	0.37	0.29
chr11	82744734	82745624	Gm12575	ENSMUSG00000086058	1705	0.1	0.07	0.11	0.14	0.1	0.11
chr11	45869521	45869852	Adam19	ENSMUSG00000011256	126	0.1	0.08	0.07	0.11	0.09	0.11
chr11	93857622	93858041	Spag9	ENSMUSG00000020859	414	0.13	0.42	0.11	0.17	0.15	0.16
chr11	100180981	100181845	Eif1	ENSMUSG00000035530	214	0.34	0.25	0.12	0.28	0.37	0.25
chr11	102679805	102680972	Gjc1	ENSMUSG00000034520	105	0.14	0.15	0.1	0.21	0.15	0.15
chr11	120328485	120329326	Arl16	ENSMUSG00000057594	-317	0.14	0.09	0.1	0.16	0.13	0.12
chr11	40505831	40506249	Mat2b	ENSMUSG00000042032	83	0.24	0.15	0.11	0.11	0.28	0.14
chr11	58453976	58454264	Trim58	ENSMUSG00000037124	153	0.12	0.1	0.12	NA	0.25	0.18
chr11	59005116	59005636	Guk1	ENSMUSG00000020444	-62	0.05	0.08	0.09	0.16	0.06	0.1
chr11	69813907	69814491	Dvl2	ENSMUSG00000020888	102	0.38	0.25	0.13	0.15	0.49	0.33
chr11	77029506	77030194	Ssh2	ENSMUSG00000037926	61	0.12	0.07	0.1	0.08	0.1	0.1
chr11	77161602	77162166	Ssh2	ENSMUSG00000037926	100	0.21	0.45	0.13	0.23	0.19	0.19
chr11	85699769	85700105	Tbx4	ENSMUSG00000000094	13	0.43	0.56	0.39	0.52	0.38	0.32
chr11	106348432	106349226	Ern1	ENSMUSG00000020715	281	0.14	0.18	0.09	0.16	0.15	0.15
chr11	121065694	121066241	Hexdc	ENSMUSG00000039307	220	0.11	0.08	0.13	0.15	0.1	0.19
chr11	30853846	30854096	Erlec1	ENSMUSG00000020311	151	0.13	0.05	0.07	0.13	0.11	0.13
chr11	54846752	54847009	Anxa6	ENSMUSG00000018340	37	0.39	0.31	0.41	0.34	1	0.24
chr11	60541754	60542164	Smcr7	ENSMUSG00000018599	59	0.13	0.32	0.12	0.16	0.16	0.14
chr11	69392521	69392851	Wrap53	ENSMUSG00000041346	140	0.1	0.1	0.1	0.21	0.08	0.1
chr11	76250457	76250715	Abr	ENSMUSG00000017631	136	0.13	0.24	0.1	0.16	0.11	0.15
chr11	87881347	87882802	Vezf1	ENSMUSG00000018377	293	0.19	0.21	0.11	0.12	0.18	0.16
chr11	97048442	97049925	Kpnb1	ENSMUSG0000001440	12	0.14	0.19	0.11	0.2	0.14	0.15

chr11	102417078	102417773	Gpatch8	ENSMUSG00000034621	65	0.1	0.1	0.11	0.14	0.11	0.18
chr11	102878175	102878556	Dcakd	ENSMUSG00000020935	117	0.22	0.22	0.11	0.27	0.21	0.14
chr11	59918380	59919970	Rai1	ENSMUSG00000062115	660	0.16	0.11	0.1	0.12	0.16	0.13
chr11	72861169	72861898	1200014J11Rik	ENSMUSG00000020783	248	0.08	0.11	0.09	0.17	0.08	0.13
chr11	78279160	78279610	Slc46a1	ENSMUSG00000020829	186	0.17	0.57	0.06	0.2	0.13	0.06
chr11	82594517	82595179	Gm11423	ENSMUSG00000085175	-304	0.11	0.09	0.08	0.13	0.1	0.15
chr11	101798750	101798962	Rpl27-ps2	ENSMUSG00000082171	-1959	0.15	0.55	0.12	0.24	0.18	0.16
chr11	102269660	102269887	Slc25a39	ENSMUSG00000018677	-513	0.05	0.07	0.08	0.09	0.08	0.11
chr11	109333567	109333919	Slc16a6	ENSMUSG00000041920	259	0.08	0.09	0.1	0.08	0.09	0.17
chr11	112645813	112646779	Sox9	ENSMUSG00000000567	254	0.2	0.09	0.1	0.16	0.19	0.16
chr11	115569891	115570118	Grb2	ENSMUSG000000059923	-93	0.12	0.07	0.14	0.13	0.07	0.12
chr11	40547150	40547645	Nudcd2	ENSMUSG00000020328	228	0.15	0.06	0.12	0.2	0.11	0.2
chr11	83222896	83223604	Ras10b	ENSMUSG00000020684	60	0.09	0.14	0.09	0.14	0.09	0.11
chr11	97744909	97745736	Fbxo47	ENSMUSG00000070336	146	0.15	0.43	0.1	0.13	0.2	0.2
chr11	100948502	100948934	Mix	ENSMUSG00000017801	127	0.17	0.23	0.15	0.15	0.16	0.12
chr11	101845717	101846283	Dusp3	ENSMUSG00000003518	65	0.22	0.14	0.12	0.15	0.25	0.18
chr11	115489495	115489756	Slc25a19	ENSMUSG00000020744	-30	0.2	0.2	0.18	0.4	0.14	0.23
chr11	116703787	116705162	Jmjd6	ENSMUSG000000056962	-455	0.14	0.08	0.09	0.17	0.15	0.1
chr11	60745010	60745864	Gm16516	ENSMUSG00000042549	-68	0.08	0.18	0.13	0.13	0.06	0.16
chr11	68872795	68874352	2310047M10Rik	ENSMUSG00000045176	296	0.12	0.15	0.12	0.12	0.13	0.17
chr11	97276685	97277421	Arhgap23	ENSMUSG00000049807	206	0.17	0.24	0.15	0.3	0.18	0.18
chr11	117670976	117671474	Syngn2	ENSMUSG00000048277	243	0.1	0.13	0.08	0.14	0.12	0.09
chr11	20640860	20641951	Aftph	ENSMUSG00000049659	53	0.1	0.21	0.11	0.18	0.11	0.12
chr11	59661477	59661909	Nt5m	ENSMUSG000000032615	118	0.07	0.06	0.08	0.12	0.07	0.08
chr11	68935650	68936604	9130213A22Rik	ENSMUSG00000090920	-36	0.07	0.08	0.08	0.13	0.08	0.11
chr11	97141096	97141839	Gm11592	ENSMUSG000000086680	25	0.15	0.1	0.08	0.12	0.14	0.11
chr11	3102285	3103196	Eif4enif1	ENSMUSG00000020454	345	0.08	0.1	0.09	0.1	0.09	0.14
chr11	4060222	4060620	Ccdc157	ENSMUSG000000051427	-166	0.04	0.09	0.14	0.12	0.06	0.12
chr11	4748799	4749790	Nf2	ENSMUSG00000009073	-306	0.07	0.3	0.11	0.21	0.08	0.18
chr11	33743429	33743784	Kcnip1	ENSMUSG000000053519	-145	0.15	0.07	0.11	0.18	0.18	0.19

chr11	75469166	75469867	Myo1c	ENSMUSG00000017774	141	0.11	0.16	0.1	0.23	0.12	0.15
chr11	77580111	77580338	Myo18a	ENSMUSG00000000631	-14	0.1	0.11	0.24	0.28	0.13	0.17
chr11	115675882	115676576	Tsen54	ENSMUSG000000020781	191	0.09	0.21	0.08	0.13	0.1	0.14
chr11	51463914	51464641	N4bp3	ENSMUSG00000001053	45	0.1	0.16	0.09	0.13	0.11	0.13
chr11	59475649	59476518	Mprip	ENSMUSG000000005417	86	0.14	0.22	0.07	0.13	0.13	0.09
chr11	63892761	63893190	Cox10	ENSMUSG000000042148	-7	0.12	0.25	0.11	0.17	0.09	0.16
chr11	68665995	68666785	Ndel1	ENSMUSG000000018736	153	0.2	0.32	0.19	0.26	0.22	0.18
chr11	85048013	85048776	D630032N06Rik	ENSMUSG000000048248	117	0.09	0.17	0.13	0.15	0.08	0.14
chr11	87577583	87578341	Bzrap1	ENSMUSG000000034156	-271	0.08	0.13	0.15	0.19	0.09	0.09
chr11	20232040	20233107	Slc1a4	ENSMUSG000000020142	114	0.14	0.22	0.11	0.19	0.24	0.23
chr11	60590290	60591269	Top3a	ENSMUSG000000002814	-13	0.6	1	0.16	0.1	0.5	0.11
chr11	68200552	68200796	Ntn1	ENSMUSG000000020902	-160	0.08	0.1	0.11	0.19	0.07	0.11
chr11	101526796	101527165	Arl4d	ENSMUSG000000034936	125	0.26	0.11	0.09	0.12	0.22	0.13
chr11	59015790	59016302	2610507I01Rik	ENSMUSG000000085882	-159	0.11	0.19	0.12	0.23	0.14	0.15
chr11	61743288	61743949	Akap10	ENSMUSG000000047804	91	0.11	0.11	0.09	0.14	0.11	0.13
chr11	67268459	67269474	Gas7	ENSMUSG000000033066	27	0.14	0.16	0.13	0.13	0.14	0.15
chr11	76220607	76220875	Timm22	ENSMUSG000000020843	96	0.14	0.09	0.09	0.11	0.05	0.18
chr11	88017662	88018105	Mtps23	ENSMUSG000000023723	-7	0.13	0.15	0.11	0.21	0.12	0.16
chr11	96166219	96166538	0610040B09Rik	ENSMUSG000000085645	17	0.14	0.2	0.28	0.24	0.15	0.16
chr11	97436348	97436769	Srcin1	ENSMUSG000000038453	-118	0.08	0.1	0.09	0.12	0.09	0.15
chr11	97883258	97884119	Cacnb1	ENSMUSG000000020882	249	0.13	0.13	0.09	0.14	0.12	0.15
chr11	114529860	114530434	Rpl38	ENSMUSG000000057322	285	0.13	0.42	0.14	0.19	0.12	0.18
chr11	68884208	68884564	Tmem107	ENSMUSG000000020895	78	0.5	0.18	0.2	0.38	0.21	0.16
chr11	102622684	102623224	Adam11	ENSMUSG000000020926	201	0.17	0.23	0.09	0.19	0.18	0.15
chr11	30671621	30672484	Psme4	ENSMUSG000000040850	326	0.13	0.19	0.09	0.17	0.12	0.13
chr11	31770662	31771460	Cpeb4	ENSMUSG000000020300	-1150	0.1	0.28	0.12	0.3	0.09	0.19
chr11	87391875	87392197	4-Sep	ENSMUSG000000020486	133	0.09	0.06	0.1	0.11	0.07	0.13
chr11	100388519	100389286	Acly	ENSMUSG000000020917	281	0.13	0.12	0.11	0.13	0.11	0.2
chr11	107340713	107341177	Psmd12	ENSMUSG000000020720	147	0.27	0.6	0.19	0.2	0.29	0.12
chr11	116515536	116515747	Cygb	ENSMUSG000000020810	-14	0.08	0.07	0.09	0.18	0.09	0.18

chr11	68714916	68715400	Rpl26	ENSMUSG00000060938	73	0.5	0.79	0.16	0.28	0.44	0.19
chr11	78115000	78115361	Spag5	ENSMUSG0000002055	149	0.39	0.64	0.15	0.26	0.37	0.13
chr11	86899875	86900296	1200011M11Rik	ENSMUSG00000020495	191	0.14	0.33	0.25	0.3	0.13	0.17
chr11	112645131	112645390	Sox9	ENSMUSG0000000567	-782	0.5	1	0.3	0.27	0.4	0.29
chr11	4166615	4167109	Lif	ENSMUSG00000034394	63	0.21	0.28	0.16	0.29	0.2	0.16
chr11	70353613	70354009	Pld2	ENSMUSG00000020828	3	0.22	0.28	0.16	0.15	0.24	0.24
chr11	98635119	98635440	Nr1d1	ENSMUSG00000020889	1274	0.13	0.13	0.08	0.12	0.12	0.16
chr11	100830471	100831986	Ptrf	ENSMUSG0000004044	637	0.12	0.11	0.11	0.16	0.13	0.17
chr11	23794646	23795356	Pap0lg	ENSMUSG00000020273	235	0.21	0.2	0.13	0.24	0.24	0.17
chr11	50415201	50417039	Adams2	ENSMUSG00000036545	534	0.13	0.12	0.09	0.14	0.13	0.12
chr11	70042477	70042959	Bcl6b	ENSMUSG00000000317	461	0.98	0.98	0.56	0.52	0.95	0.57
chr11	72774577	72775098	Atp2a3	ENSMUSG00000020788	166	0.19	0.12	0.11	0.2	0.18	0.14
chr11	74983761	74984117	Hic1	ENSMUSG00000043099	-918	0.11	0.14	0.1	0.19	0.06	0.13
chr11	94462936	94463178	Acsf2	ENSMUSG00000076435	26	0.14	0.29	0.22	0.14	0.12	0.23
chr11	94979537	94979802	Dlx3	ENSMUSG0000001510	-1734	0.29	0.2	0.37	0.44	0.27	0.36
chr11	97847512	97847887	Plxdc1	ENSMUSG00000017417	14	0.08	0.13	0.08	0.1	0.09	0.16
chr11	100437670	100437932	Cnp	ENSMUSG00000006782	596	0.57	0.77	0.39	NA	0.52	0.63
chr11	106021102	106022011	Limd2	ENSMUSG00000040699	-315	0.24	0.21	0.12	0.19	0.23	0.11
chr11	115991872	115992515	Trim65	ENSMUSG00000054517	245	0.1	0.21	0.11	0.16	0.09	0.21
chr11	120094648	120094956	Bahcc1	ENSMUSG00000039741	541	0.03	0.08	0.11	0.09	0.07	0.14
chr11	79473917	79474571	Rab11fip4	ENSMUSG00000017639	180	0.12	0.13	0.13	0.18	0.12	0.15
chr11	84338415	84339315	1500016L03Rik	ENSMUSG000000087211	-297	0.06	0.07	0.11	0.21	0.06	0.08
chr11	95275124	95275445	Spop	ENSMUSG00000057522	-110	0.28	0.85	0.34	0.62	0.25	0.24
chr11	32126389	32126811	Mpg	ENSMUSG00000020287	95	0.07	0.1	0.13	0.12	0.06	0.13
chr11	69694512	69694933	Kctd11	ENSMUSG00000046731	-235	0.08	0.14	0.12	0.17	0.09	0.17
chr11	83567181	83567520	Heatr6	ENSMUSG00000000976	152	0.12	0.11	0.13	0.15	0.13	0.14
chr11	101126462	101126756	Wnk4	ENSMUSG00000035112	-13	0.17	0.09	0.13	0.2	0.16	0.11
chr11	114536686	114537319	Tyh2	ENSMUSG00000034714	257	0.17	0.08	0.09	0.12	0.13	0.22
chr11	3165992	3166689	Drg1	ENSMUSG00000020457	55	0.19	0.09	0.1	0.14	0.18	0.2
chr11	3352182	3352686	Rnf185	ENSMUSG00000020448	-97	0.13	0.1	0.12	0.15	0.13	0.13

chr11	4086645	4087206	Tbc1d10a	ENSMUSG00000034412	133	0.06	0.12	0.09	0.14	0.12	0.13
chr11	4998463	4999699	Rhbdd3	ENSMUSG00000034175	152	0.31	0.38	0.13	0.16	0.31	0.24
chr11	5855548	5856096	Ykt6	ENSMUSG00000002741	126	0.12	0.19	0.11	0.11	0.11	0.12
chr11	6174676	6175012	Tmed4	ENSMUSG00000004394	24	0.33	1	0.14	0.25	0.5	0.09
chr11	11013911	11014585	Vwc2	ENSMUSG000000050830	22	0.12	0.08	0.09	0.24	0.13	0.1
chr11	18920495	18920769	Meis1	ENSMUSG000000020160	-1671	0.33	0.6	0.1	0.59	0.35	0.16
chr11	20101021	20101924	Rab1	ENSMUSG000000020149	37	0.36	0.54	0.11	0.14	0.37	0.12
chr11	20442502	20443773	Sertad2	ENSMUSG000000049800	-119	0.09	0.21	0.12	0.08	0.1	0.15
chr11	22881956	22882373	Commd1	ENSMUSG000000051355	-74	0.08	0.14	0.06	0.2	0.07	0.09
chr11	22967721	22968189	Gm12059	ENSMUSG000000085665	-43	0.09	0.12	0.08	0.21	0.07	0.09
chr11	29072125	29073524	Smek2	ENSMUSG000000020463	-66	0.31	0.15	0.15	0.17	0.31	0.18
chr11	29426389	29426598	Mtif2	ENSMUSG000000020459	85	0.17	0.12	0.15	0.09	0.08	0.06
chr11	30098340	30098612	Spnb2	ENSMUSG000000020315	-219	0.33	0.25	0.11	0.23	0.43	0.16
chr11	40568409	40568895	Ccng1	ENSMUSG000000020326	161	0.15	0.13	0.14	0.17	0.16	0.15
chr11	43649938	43650175	Adra1b	ENSMUSG000000050541	-222	0.2	0.08	0.11	0.21	0.11	0.09
chr11	48613815	48614265	Gnb2l1	ENSMUSG000000020372	206	0.75	NA	0.16	0.17	1	0.17
chr11	48630187	48631053	Trim41	ENSMUSG000000040365	-165	0.09	0.12	0.08	0.17	0.09	0.11
chr11	48982620	48983138	Btnl9	ENSMUSG000000040283	1298	0.11	0.15	0.11	0.24	0.1	0.15
chr11	50048257	50048480	Mgat4b	ENSMUSG000000036620	843	0.85	0.88	0.85	0.81	0.85	0.93
chr11	50640948	50641322	Zfp354c	ENSMUSG000000044807	53	0.17	0.41	0.16	0.3	0.19	0.13
chr11	51076372	51077232	BC049762	ENSMUSG000000045942	-349	0.08	0.12	0.11	0.18	0.07	0.13
chr11	51502128	51502668	0610009B22Rik	ENSMUSG000000007777	-243	0.13	0.29	0.13	0.18	0.13	0.16
chr11	52209835	52210325	9530068E07Rik	ENSMUSG000000036275	150	0.08	0.1	0.07	0.1	0.07	0.12
chr11	53704581	53705563	Slc22a5	ENSMUSG000000018900	25	0.1	0.13	0.11	0.14	0.1	0.13
chr11	55017744	55018020	Slc36a1	ENSMUSG000000020261	30	0.1	0.2	0.09	0.18	0.1	0.24
chr11	56272837	56273100	Gm12241	ENSMUSG000000081749	117	0.94	0.87	0.79	0.98	0.93	0.96
chr11	57331737	57332375	Fam114a2	ENSMUSG000000020523	48	0.09	0.1	0.12	0.14	0.09	0.13
chr11	57650467	57650757	Gm11003	ENSMUSG000000078855	-654	0.27	0.5	0.14	0.2	0.31	0.25
chr11	58136404	58136942	1700047K16Rik	ENSMUSG000000087347	183	0.09	0.09	0.11	0.12	0.1	0.14
chr11	59285656	59285908	Zfp867	ENSMUSG000000054519	194	0.11	0.16	0.08	0.11	0.2	0.16

chr11	59777988	59778672	Rasd1	ENSMUSG00000049892	116	0.13	0.12	0.11	0.21	0.13	0.13
chr11	59989203	59990818	Rai1	ENSMUSG00000062115	629	0.15	0.07	0.08	0.11	0.14	0.16
chr11	60033823	60034142	Srebf1	ENSMUSG00000020538	124	0.11	0.3	0.1	0.17	0.11	0.16
chr11	60230242	60231487	Atpaf2	ENSMUSG00000042709	-344	0.16	0.2	0.14	0.22	0.16	0.15
chr11	60267970	60268397	Drg2	ENSMUSG00000020537	90	0.1	0.05	0.19	0.12	0.09	0.18
chr11	61191378	61191657	Slc47a1	ENSMUSG00000010122	49	0.12	0.17	0.08	0.11	0.14	0.13
chr11	61307031	61307994	Mapk7	ENSMUSG00000001034	-389	0.09	0.12	0.09	0.13	0.09	0.14
chr11	62364414	62365321	Gm12279	ENSMUSG00000087120	-324	0.23	0.08	0.15	0.25	0.19	0.19
chr11	64792327	64792884	Elac2	ENSMUSG00000020549	65	0.07	0.07	0.09	0.17	0.07	0.17
chr11	65083337	65083765	Myocd	ENSMUSG00000020542	-195	0.33	0.5	0.17	NA	0.5	0.19
chr11	65981594	65982008	Dnahc9	ENSMUSG000000056752	145	0.27	0.24	0.13	0.22	0.25	0.26
chr11	69394909	69395197	Trp53	ENSMUSG00000059552	1146	0.09	0.24	0.21	0.37	0.15	0.17
chr11	69446277	69447068	Fxr2	ENSMUSG00000018765	180	0.18	0.46	0.12	0.16	0.18	0.2
chr11	69650590	69651361	Nlgn2	ENSMUSG00000051790	311	0.14	0.16	0.09	0.16	0.14	0.17
chr11	69761427	69761738	Slc2a4	ENSMUSG00000018566	-106	0.07	0.06	0.15	0.09	0.07	0.13
chr11	69794704	69795141	Rai12	ENSMUSG00000018565	-168	0.1	0.24	0.12	0.24	0.12	0.33
chr11	70043219	70043434	Bcl6b	ENSMUSG00000000317	-85	0.31	0.05	0.09	0.15	0.25	0.19
chr11	70460314	70460807	Slc25a11	ENSMUSG00000014606	-159	0.38	0.23	0.14	0.16	0.33	0.14
chr11	70482660	70483348	Spag7	ENSMUSG00000018287	-284	0.09	0.17	0.14	0.1	0.08	0.14
chr11	71948802	71949262	Pitpnm3	ENSMUSG00000040543	191	0.46	0.29	0.28	0.56	0.47	0.34
chr11	72079701	72080822	1700051A21Rik	ENSMUSG00000086951	338	0.18	0.1	0.18	0.21	0.17	0.17
chr11	72127890	72128134	Fbxo39	ENSMUSG00000070388	66	0.5	NA	0.12	NA	0.33	0.16
chr11	72224633	72225396	Smtnl2	ENSMUSG00000045667	69	0.1	0.14	0.1	0.13	0.08	0.18
chr11	72608925	72610350	Cyb5d2	ENSMUSG000000057778	-296	0.09	0.14	0.08	0.12	0.09	0.16
chr11	72832208	72833229	4732414G09Rik	ENSMUSG00000086943	-375	0.11	0.12	0.11	0.17	0.11	0.12
chr11	75464987	75465528	Myo1c	ENSMUSG00000017774	245	0.16	0.09	0.12	0.19	0.15	0.11
chr11	76056893	76057457	Glod4	ENSMUSG00000017286	-214	0.12	0.14	0.09	0.12	0.12	0.18
chr11	77275760	77276301	Coro6	ENSMUSG00000020836	117	0.08	0.07	0.06	0.11	0.08	0.11
chr11	77576554	77577138	Myo18a	ENSMUSG00000000631	98	0.11	0.18	0.13	0.11	0.11	0.14
chr11	78059273	78059801	Supt6h	ENSMUSG00000002052	-48	0.12	NA	0.12	0.26	0.16	0.15

chr11	78141804	78142327	Pigs	ENSMUSG00000041958	148	0.18	0.06	0.14	0.2	0.17	0.13
chr11	78564867	78565297	Fam58b	ENSMUSG00000049489	149	0.12	0.11	0.1	0.18	0.11	0.11
chr11	78959141	78960168	Ksr1	ENSMUSG00000018334	202	0.33	0.18	0.1	0.21	0.36	0.14
chr11	79894268	79894555	Crif3	ENSMUSG00000017561	27	0.1	0.09	0.07	0.12	0.11	0.1
chr11	80114349	80115264	Rhbd13	ENSMUSG00000017692	392	0.06	0.11	0.08	0.13	0.06	0.15
chr11	80290022	80291558	Cdk5r1	ENSMUSG00000048895	242	0.11	0.13	0.11	0.16	0.11	0.12
chr11	81782041	81782378	Accn1	ENSMUSG00000020704	-250	0.06	0.11	0.08	0.26	0.06	0.13
chr11	83665538	83665842	Hnf1b	ENSMUSG00000020679	-54	0.22	NA	0.12	0.17	0.2	0.15
chr11	83777827	83778294	Synrg	ENSMUSG00000034940	130	0.13	0.12	0.11	0.14	0.11	0.13
chr11	83881609	83882054	Dusp14	ENSMUSG00000018648	28	0.11	0.08	0.07	0.14	0.11	0.12
chr11	83943318	83943334	Acaca	ENSMUSG00000020532	52	0.1	0.11	0.06	0.11	0.11	0.16
chr11	84336180	84336400	Lhx1	ENSMUSG00000018698	-77	0.09	0.22	0.1	0.12	0.1	0.1
chr11	84632211	84633138	Mrm1	ENSMUSG00000018405	-438	0.13	0.15	0.07	0.13	0.13	0.16
chr11	84693282	84694013	Myo19	ENSMUSG00000020527	-3	0.11	0.27	0.11	0.14	0.12	0.15
chr11	86497139	86497650	Vmp1	ENSMUSG00000018171	-71	0.25	0.09	0.13	0.2	0.3	0.13
chr11	86570916	86571723	Cltc	ENSMUSG00000047126	-325	0.2	0.16	0.1	0.19	0.24	0.15
chr11	86806525	86807453	Ypel2	ENSMUSG00000018427	220	0.19	0.18	0.1	0.13	0.19	0.18
chr11	94382569	94382871	Mycbpap	ENSMUSG00000039110	336	0.05	0.04	0.13	0.18	0.04	0.16
chr11	94410172	94410602	Rsad1	ENSMUSG00000039096	126	0.09	0.11	0.11	0.13	0.06	0.19
chr11	95685311	95686024	Phospho1	ENSMUSG00000050860	-146	0.05	0.06	0.12	0.11	0.05	0.16
chr11	95937108	95937358	Atp5g1	ENSMUSG00000006057	-249	1	NA	0.09	0.17	0.33	0.21
chr11	96112849	96113347	Gm53	ENSMUSG000000078706	140	0.17	0.27	0.16	0.26	0.17	0.12
chr11	96214258	96214803	Hoxb3os	ENSMUSG000000084844	1475	0.09	0.08	0.12	0.16	0.09	0.15
chr11	96711200	96711739	Mir152	ENSMUSG000000065515	-238	0.32	0.17	0.11	0.33	0.32	0.18
chr11	97547015	97547319	Cisd3	ENSMUSG000000078695	27	0.08	0.09	0.07	0.09	0.08	0.19
chr11	97660659	97661550	Lasp1	ENSMUSG000000038366	225	0.18	0.13	0.15	0.2	0.18	0.2
chr11	98063925	98065040	Cdk12	ENSMUSG00000003119	109	0.22	0.46	0.1	0.14	0.23	0.2
chr11	98406993	98407432	Ikzf3	ENSMUSG00000018168	-98	0.21	0.17	0.39	0.13	0.15	0.13
chr11	98448346	98448748	Ormdl3	ENSMUSG000000038150	135	0.14	0.22	0.11	0.07	0.15	0.12
chr11	98603031	98603650	Thra	ENSMUSG000000058756	215	0.15	0.37	0.11	0.15	0.15	0.15

chr11	98885243	98885496	Top2a	ENSMUSG00000020914	123	0.07	0.28	0.06	0.12	0.08	0.11
chr11	98902325	98903129	Igfbp4	ENSMUSG00000017493	169	0.15	0.21	0.1	0.13	0.15	0.19
chr11	100302060	100302456	Nt5c3l	ENSMUSG00000017176	-28	0.07	0.08	0.15	0.12	0.09	0.1
chr11	100436194	100436414	Cnp	ENSMUSG00000006782	86	0.29	0.48	0.07	0.13	0.26	0.14
chr11	100870745	100870952	Atp6v0a1	ENSMUSG00000019302	82	0.06	0.07	0.1	0.13	0.06	0.22
chr11	100980842	100981513	Fam134c	ENSMUSG00000017802	-98	0.11	0.11	0.11	0.13	0.11	0.1
chr11	101107541	101107996	Ramp2	ENSMUSG00000001240	142	0.14	0.11	0.09	0.16	0.14	0.14
chr11	101114942	101115385	Vps25	ENSMUSG00000078656	142	0.27	0.34	0.16	0.15	0.29	0.14
chr11	101278340	101278805	Aarsd1	ENSMUSG00000075528	124	0.07	0.35	0.08	0.14	0.08	0.11
chr11	101594036	101594421	Dhx8	ENSMUSG00000034931	-5	0.1	0.04	0.19	0.18	0.13	0.19
chr11	101948492	101949049	Mpp2	ENSMUSG00000017314	999	0.1	0.16	0.14	0.19	0.09	0.15
chr11	102110035	102110578	BC030867	ENSMUSG00000034773	110	0.15	0.1	0.15	0.2	0.16	0.11
chr11	102328404	102328708	Itga2b	ENSMUSG00000034664	-43	0.15	NA	0.12	0.09	0.11	0.14
chr11	103031916	103032816	Fmn1	ENSMUSG00000055805	-55	0.09	0.08	0.08	0.13	0.09	0.13
chr11	103128348	103129164	Map3k14	ENSMUSG00000020941	-75	0.09	0.08	0.08	0.19	0.09	0.13
chr11	105224301	105224568	Gm11638	ENSMUSG00000086487	-132	0.1	0.2	0.1	0.27	0.11	0.14
chr11	105451297	105451764	Tanc2	ENSMUSG00000053580	230	0.14	0.14	0.09	0.1	0.11	0.17
chr11	106077409	106078679	Ccdc47	ENSMUSG00000078622	-386	1	0.61	0.14	0.21	1	0.11
chr11	106781407	106782269	Smurf2	ENSMUSG00000018363	-249	0.16	0.51	0.11	0.13	0.16	0.12
chr11	107050224	107050800	Nol11	ENSMUSG00000018433	154	0.18	0.19	0.12	0.21	0.18	0.2
chr11	110198679	110199262	Abca5	ENSMUSG00000018800	-34	0.13	0.15	0.07	0.19	0.14	0.15
chr11	114647671	114647995	Kif19a	ENSMUSG00000010021	-1384	0.15	0.18	0.24	0.36	0.16	0.18
chr11	115015333	115015600	Rab37	ENSMUSG00000020732	-5	0.06	0.12	0.13	0.18	0.07	0.13
chr11	115048541	115048852	Nat9	ENSMUSG00000015542	-120	0.17	0.33	0.09	0.13	0.15	0.14
chr11	115126618	115126824	Grin2c	ENSMUSG00000020734	22	0.12	0.06	0.11	0.2	0.16	0.17
chr11	115127921	115128583	Grin2c	ENSMUSG00000020734	305	0.12	0.15	0.12	0.19	0.12	0.15
chr11	115184676	115185013	Otop2	ENSMUSG00000050201	605	1	1	0.25	NA	1	0.36
chr11	115626512	115627374	2310067B10Rik	ENSMUSG00000020747	196	0.07	0.12	0.09	0.16	0.07	0.18
chr11	115873661	115874162	Galk1	ENSMUSG00000020766	122	0.29	0.21	0.17	0.24	0.29	0.3
chr11	116144179	116144834	Galr2	ENSMUSG00000020793	1706	0.09	0.08	0.13	0.21	0.1	0.22

chr11	117193472	117193997	9-Sep	ENSMUSG00000059248	75	0.22	0.31	0.12	0.18	0.25	0.25
chr11	117710351	117710869	Birc5	ENSMUSG00000017716	45	0.19	0.15	0.15	0.16	0.19	0.16
chr11	119129194	119129635	Gaa	ENSMUSG00000025579	213	0.14	0.09	0.18	0.09	0.15	0.15
chr11	120012037	120012836	Slc38a10	ENSMUSG00000061306	157	0.33	NA	0.13	0.08	0.18	0.09
chr11	120094098	120094307	Bahcc1	ENSMUSG00000039741	-59	0.08	0.33	0.06	0.14	0.08	0.09
chr11	120410696	120411249	Fam195b	ENSMUSG00000061111	43	0.17	0.17	0.15	0.13	0.16	0.09
chr11	120582607	120583097	Rac3	ENSMUSG00000018012	68	0.06	0.07	0.06	0.12	0.06	0.09
chr11	120588266	120588522	Dcxr	ENSMUSG00000039450	149	0.07	0.11	0.18	0.18	0.05	0.16
chr11	120810262	120810968	Slc16a3	ENSMUSG00000025161	248	0.22	0.31	0.19	0.17	0.24	0.13
chr11	120852080	120852722	Csnk1d	ENSMUSG00000025162	-216	0.12	0.13	0.1	0.11	0.12	0.13
chr11	3188699	3188940	Patz1	ENSMUSG00000020453	-58	NA	0.07	0.12	0.22	0.08	0.08
chr11	3996557	3996908	Mtfp1	ENSMUSG00000004748	-1284	NA	0.75	0.11	0.36	NA	0.18
chr11	4018467	4018845	Sec14l2	ENSMUSG00000003585	43	NA	NA	0.33	NA	NA	NA
chr11	4959846	4960052	Rasl10a	ENSMUSG00000034209	980	NA	1	0.1	0.2	NA	0.25
chr11	5802024	5802330	Gck	ENSMUSG00000041798	-87	NA	1	0.11	0.4	NA	0.33
chr11	6347284	6347512	Gm11970	ENSMUSG00000079988	1177	NA	NA	1	1	1	NA
chr11	6505466	6505771	Nacad	ENSMUSG00000041073	438	NA	1	1	NA	1	0.33
chr11	6963698	6964253	Adcy1	ENSMUSG00000020431	483	NA	NA	0.18	NA	0.11	0.16
chr11	11361982	11362329	4930415F15Rik	ENSMUSG00000020191	58	NA	0.28	0.12	0.35	0.25	0.13
chr11	17111329	17111729	Wdr92	ENSMUSG00000078970	103	NA	0.21	0.09	0.14	0.12	0.18
chr11	21471827	21472473	Mdh1	ENSMUSG00000020321	46	NA	0.54	0.11	0.29	0.15	0.19
chr11	22908253	22908693	Fam161a	ENSMUSG00000049811	126	NA	0.25	0.12	0.17	0.5	0.17
chr11	23397515	23397931	Ahsa2	ENSMUSG00000020288	-185	0.14	0.13	0.13	0.13	NA	0.15
chr11	23398117	23398359	Ahsa2	ENSMUSG00000020288	-208	NA	NA	0.33	NA	NA	0.31
chr11	28483291	28483837	Ccdc85a	ENSMUSG00000032878	431	0.33	NA	0.25	NA	NA	0.19
chr11	29147060	29147529	Ccdc104	ENSMUSG00000020462	-226	NA	0.24	0.09	0.14	0.12	0.16
chr11	29447429	29448012	Rps27a	ENSMUSG00000020460	140	NA	0.14	1	0.18	0.22	0.48
chr11	32247832	32248181	Sh3pxd2b	ENSMUSG00000040711	166	NA	NA	0.2	0.25	NA	0.17
chr11	33062421	33063415	Npm1	ENSMUSG00000057113	154	NA	0.21	0.17	0.49	1	0.28
chr11	43561221	43561547	Ttc1	ENSMUSG00000041278	100	NA	0.12	0.19	0.14	0.06	0.21

chr11	44433837	44434148	Ebf1	ENSMUSG00000057098	-1271	NA	1	NA	1	0.5	0.6
chr11	48663043	48663249	Trim7	ENSMUSG00000040350	1742	NA	NA	1	1	NA	1
chr11	49988164	49988518	3010026O09Rik	ENSMUSG00000020381	-10	0.1	0.14	0.08	0.14	NA	0.11
chr11	50039194	50039448	Mgat4b	ENSMUSG00000036620	484	NA	NA	0.06	NA	NA	0.12
chr11	50044468	50044824	Mgat4b	ENSMUSG00000036620	396	NA	NA	NA	NA	1	1
chr11	51397998	51398512	Agxt2l2	ENSMUSG00000020359	-4	NA	0.33	0.1	0.12	0.29	0.14
chr11	51781068	51781399	Cdkn2aipnl	ENSMUSG00000020392	70	NA	NA	NA	1	NA	NA
chr11	53279923	53280398	Shroom1	ENSMUSG00000018387	1162	NA	0.2	0.15	0.21	0.19	0.3
chr11	54674080	54674425	Lym7	ENSMUSG00000020268	-165	0.14	NA	0.12	0.08	NA	NA
chr11	54716274	54716535	Gpx3	ENSMUSG00000018339	130	NA	1	0.1	0.08	0.1	0.12
chr11	54911518	54911789	Gm2a	ENSMUSG00000000594	36	NA	1	NA	0.1	NA	0.24
chr11	57917281	57918207	Cnot8	ENSMUSG00000020515	89	0.25	0.6	0.41	0.64	NA	0.23
chr11	57985331	57985545	Mrpl22	ENSMUSG00000020514	247	NA	1	0.15	0.11	0.08	0.15
chr11	58660639	58660877	Gm12258	ENSMUSG00000068869	98	NA	0.1	NA	0.17	0.12	0.21
chr11	58680675	58680919	2810021J22Rik	ENSMUSG00000020491	79	NA	0.2	0.24	0.19	0.19	0.18
chr11	58767396	58768561	Hist3h2bb-ps	ENSMUSG00000080712	36	NA	NA	0.07	0.11	NA	0.19
chr11	59021691	59022217	2310033P09Rik	ENSMUSG00000020441	131	NA	NA	1	NA	NA	0.25
chr11	59777352	59777744	Rasd1	ENSMUSG00000049892	898	0.04	0.05	0.15	0.21	NA	0.08
chr11	59954210	59954415	Rai1	ENSMUSG00000062115	551	NA	0.24	0.18	0.23	0.12	0.36
chr11	60036256	60036465	Srebf1	ENSMUSG00000020538	-277	NA	0.2	0.09	0.19	0.5	0.16
chr11	60497497	60497784	Gm12620	ENSMUSG00000081472	26	NA	NA	0.96	0.98	1	0.96
chr11	62944886	62945102	Pmp22	ENSMUSG00000018217	-20	NA	0.2	0.07	0.09	0.25	0.14
chr11	68369509	68369777	Mfsd6l	ENSMUSG00000048329	-45	0.25	0.24	0.24	1	NA	0.19
chr11	68821799	68822035	Pfas	ENSMUSG00000020899	36	NA	0.5	0.44	0.62	NA	0.73
chr11	68947741	68948078	Aloxe3	ENSMUSG00000020892	90	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr11	69145583	69145821	Gm16040	ENSMUSG00000086900	-78	NA	NA	0.33	0.5	NA	NA
chr11	69468969	69469256	Sox15	ENSMUSG00000041287	296	1	NA	0.33	1	NA	0.29
chr11	69476049	69476299	Mpdu1	ENSMUSG00000018761	-112	NA	NA	NA	NA	NA	0.3
chr11	70053134	70053352	Rnasek	ENSMUSG00000040904	39	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr11	70265337	70265771	Med11	ENSMUSG00000018923	133	NA	0.45	0.12	0.17	0.5	0.12

chr11	70783066	70783523	Nup88	ENSMUSG00000040667	162	NA	0.08	0.09	0.1	0.09	0.18
chr11	70846683	70846986	6330403K07Rik	ENSMUSG00000018451	181	NA	0.25	0.15	0.18	0.4	0.13
chr11	71864517	71864854	Pitpnm3	ENSMUSG00000040543	866	NA	0.5	0.17	0.24	0.25	0.17
chr11	72028406	72029147	Med31	ENSMUSG00000020801	-221	NA	0.35	0.11	0.16	0.16	0.11
chr11	72175372	72175680	Tekt1	ENSMUSG00000020799	-151	NA	NA	0.11	1	NA	NA
chr11	73142996	73143253	Spata22	ENSMUSG00000069825	-119	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr11	75267952	75268269	Wdr81	ENSMUSG00000045374	109	0.5	0.5	0.09	0.28	NA	0.14
chr11	76414780	76415113	Rpl36-ps2	ENSMUSG00000024205	125	NA	NA	0.86	1	NA	0.96
chr11	76811904	76812342	Slc6a4	ENSMUSG00000020838	18	0.07	0.71	0.12	0.13	NA	0.15
chr11	77305212	77305416	Git1	ENSMUSG00000011877	-1750	0.14	0.38	0.13	0.33	NA	0.25
chr11	77996805	77997041	Rpl23a	ENSMUSG00000058546	163	NA	0.7	0.17	0.4	0.25	0.35
chr11	78639948	78640357	1810012P15Rik	ENSMUSG00000072640	66	NA	0.49	0.13	0.14	0.17	0.15
chr11	80191387	80191604	5730455P16Rik	ENSMUSG00000057181	41	NA	0.11	0.08	1	0.16	0.12
chr11	82704026	82704235	Rad51l3	ENSMUSG00000018841	-39	NA	0.14	0.11	0.18	0.12	0.09
chr11	83112227	83112659	Pex12	ENSMUSG00000018733	-46	NA	0.14	0.08	0.17	0.06	0.14
chr11	83666732	83666961	Hnf1b	ENSMUSG00000020679	384	0.12	0.25	0.21	NA	NA	0.2
chr11	84729663	84729865	Znhit3	ENSMUSG00000020526	43	NA	NA	0.15	NA	NA	0.31
chr11	84771221	84771750	Car4	ENSMUSG00000000805	197	1	NA	0.56	NA	NA	0.33
chr11	85166149	85166750	Bcas3	ENSMUSG00000059439	-220	NA	0.36	0.07	0.43	0.33	0.16
chr11	86071044	86071275	Ints2	ENSMUSG00000018068	-107	NA	NA	NA	1	0.33	1
chr11	86620804	86621297	Dhx40	ENSMUSG00000018425	112	0.17	0.8	0.12	0.28	NA	0.13
chr11	86887464	86887746	Gdpd1	ENSMUSG00000061666	-41	NA	0.24	0.12	0.3	0.2	0.24
chr11	87256288	87256731	U3	ENSMUSG00000070251	-230	NA	0.38	0.14	0.1	0.04	0.08
chr11	87261678	87262121	U3	ENSMUSG00000070243	-230	0.12	0.24	0.09	0.25	NA	0.1
chr11	87275395	87275780	U3	ENSMUSG00000070190	-201	0.83	NA	NA	NA	NA	NA
chr11	87550197	87550503	Supt4h1	ENSMUSG00000020485	-704	NA	0.11	0.15	0.21	0.05	0.16
chr11	87630644	87630918	Lpo	ENSMUSG00000009356	226	NA	NA	0.08	0.11	0.05	0.13
chr11	87684885	87685115	Epx	ENSMUSG00000052234	270	NA	NA	0.68	1	1	0.85
chr11	88107877	88108090	1700106J16Rik	ENSMUSG00000034031	438	NA	1	0.25	NA	NA	0.33
chr11	88816541	88816827	Scpep1	ENSMUSG00000000278	16	1	NA	0.21	0.18	NA	1

chr11	94347299	94347620	Spata20	ENSMUSG00000020867	34	1	NA	0.2	0.67	NA	0.5
chr11	96144242	96144715	Hoxb8	ENSMUSG00000056648	439	NA	NA	0.12	1	NA	0.4
chr11	96160413	96160930	Hoxb6	ENSMUSG00000000690	402	NA	0.6	0.22	0.24	0.21	0.2
chr11	96203251	96203634	Gm11536	ENSMUSG00000075589	-20	0.13	0.14	0.18	0.34	NA	0.25
chr11	96227188	96227579	Hoxb1	ENSMUSG00000018973	-189	NA	0.39	0.16	0.11	0.05	0.09
chr11	96805019	96805228	Pnpo	ENSMUSG00000018659	-30	0.44	NA	0.38	NA	NA	NA
chr11	98245530	98245752	Tcap	ENSMUSG00000007877	516	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr11	98261480	98261819	Pgap3	ENSMUSG00000038208	79	NA	NA	0.1	0.13	0.08	0.18
chr11	98797485	98797753	Rara	ENSMUSG00000037992	-1393	NA	NA	0.2	NA	NA	0.87
chr11	99793859	99794060	Gm11560	ENSMUSG00000086688	483	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr11	100217745	100217977	Hap1	ENSMUSG00000006930	-406	0.15	NA	0.18	0.2	NA	0.24
chr11	100931197	100931807	Naglu	ENSMUSG00000001751	176	NA	0.17	0.11	0.1	0.69	0.22
chr11	100943768	100944104	Coasy	ENSMUSG00000001755	57	NA	1	0.1	0.17	1	0.15
chr11	101329129	101329473	Rnd2	ENSMUSG00000001313	-188	NA	NA	1	1	1	1
chr11	101413090	101413291	Brca1	ENSMUSG000000017146	3	NA	NA	1	NA	NA	0.46
chr11	101507246	101507560	U2	ENSMUSG000000065251	-159	NA	0.25	0.16	0.2	NA	0.13
chr11	101519283	101519549	U2	ENSMUSG000000065944	-136	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr11	101949762	101950143	Mpp2	ENSMUSG000000017314	-183	NA	NA	0.09	NA	0.5	0.11
chr11	102146054	102146295	Tmub2	ENSMUSG000000034757	-71	0.5	NA	0.33	0.67	NA	0.14
chr11	102809873	102810101	C1ql1	ENSMUSG000000045532	-1985	NA	0.18	0.16	0.44	0.22	0.22
chr11	102977328	102977531	Hexim1	ENSMUSG000000048878	-210	NA	NA	0.23	0.3	NA	0.1
chr11	102977711	102977971	Hexim1	ENSMUSG000000048878	202	1	0.08	NA	0.28	NA	0.15
chr11	103079602	103079814	4933400C05Rik	ENSMUSG000000044787	38	NA	NA	0.08	0.18	NA	0.1
chr11	103827788	103828426	Arf2	ENSMUSG000000062421	54	0.24	0.33	0.16	0.17	NA	0.14
chr11	106116627	106116887	Ftsj3	ENSMUSG000000020706	353	NA	NA	0.11	0.68	0.33	0.15
chr11	106640541	106640946	Polg2	ENSMUSG000000020718	44	NA	0.06	0.09	0.14	0.08	0.11
chr11	109583332	109583642	Fam20a	ENSMUSG000000020614	83	NA	0.33	0.16	0.16	0.5	0.22
chr11	113062747	113063242	2610035D17Rik	ENSMUSG000000087259	142	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr11	115489075	115489348	Slc25a19	ENSMUSG000000020744	51	0.04	0.33	0.16	0.18	NA	0.14
chr11	115794763	115795091	Recq15	ENSMUSG000000020752	-136	NA	0.5	NA	NA	NA	0.18

chr11	116029201	116029687	Fbf1	ENSMUSG00000020776	18	0.56	NA	0.16	NA	NA	0.21
chr11	117644408	117644824	Tmc8	ENSMUSG00000050106	252	NA	0.05	0.13	0.11	0.1	0.19
chr11	119873301	119873619	Aatk	ENSMUSG00000025375	262	NA	NA	0.2	0.3	0.62	0.47
chr11	119908110	119908501	Aatk	ENSMUSG00000025375	79	NA	NA	0.08	0.32	NA	0.23
chr11	120574536	120575340	Stra13	ENSMUSG00000025144	108	NA	0.17	0.12	0.15	0.26	0.21
chr12	112509272	112510208	Amn	ENSMUSG00000021278	418	0.55	0.25	0.26	0.26	0.22	0.32
chr12	86560096	86560856	Eif2b2	ENSMUSG00000004788	45	0.36	0.13	0.09	0.2	0.07	0.13
chr12	27099327	27100213	Rnf144a	ENSMUSG00000020642	351	0.55	0.1	0.12	0.16	0.08	0.13
chr12	66018773	66019340	Gm527	ENSMUSG000000047227	158	0.3	0.06	0.07	0.13	0.08	0.09
chr12	111975740	111977085	Wdr20a	ENSMUSG00000037957	258	0.29	0.14	0.14	0.18	0.09	0.17
chr12	99497014	99497664	Galc	ENSMUSG00000021003	330	0.31	0.27	0.12	0.2	0.11	0.17
chr12	101437456	101439070	Calm1	ENSMUSG00000001175	618	0.28	0.18	0.11	0.14	0.11	0.16
chr12	117643653	117644249	Ncapg2	ENSMUSG000000042029	76	0.18	0.12	0.08	0.17	0.04	0.11
chr12	81233413	81233937	2310015A10Rik	ENSMUSG000000085644	156	0.32	0.28	0.09	0.16	0.12	0.11
chr12	86611326	86611645	Mlh3	ENSMUSG000000021245	29	0.32	0.09	0.1	0.19	0.07	0.14
chr12	76277630	76277957	Kcnh5	ENSMUSG000000034402	526	0.2	0.13	0.07	0.08	0.06	0.1
chr12	4913793	4914631	Ubxn2a	ENSMUSG000000020634	-142	0.17	0.18	0.07	0.13	0.09	0.14
chr12	112950753	112951761	Bag5	ENSMUSG000000049792	-119	0.17	0.08	0.1	0.16	0.07	0.12
chr12	45322662	45323266	Pnpla8	ENSMUSG000000036257	607	0.17	0.14	0.12	0.09	0.09	0.1
chr12	76836228	76836921	Sgpp1	ENSMUSG000000021054	103	0.19	0.11	0.11	0.14	0.06	0.16
chr12	45310452	45311417	Dnajb9	ENSMUSG000000014905	121	0.54	0.21	0.14	0.15	0.11	0.13
chr12	68321617	68323878	Mdga2	ENSMUSG000000034912	-511	0.26	0.24	0.13	0.18	0.13	0.13
chr12	57712769	57713295	Nkx2-9	ENSMUSG000000058669	1239	0.38	0.29	0.14	0.2	0.08	0.15
chr12	102266651	102267625	Ccdc88c	ENSMUSG000000021182	-19	0.48	0.14	0.09	0.16	0.13	0.12
chr12	88222717	88225884	6430527G18Rik	ENSMUSG000000034168	1464	0.21	0.18	0.13	0.16	0.12	0.16
chr12	47920426	47920660	Nova1	ENSMUSG000000021047	-781	0.67	0.26	0.09	0.19	0.08	0.12
chr12	73171092	73172167	Gpr135	ENSMUSG000000043398	349	0.34	0.11	0.16	0.14	0.1	0.17
chr12	82127691	82128189	Smoc1	ENSMUSG000000021136	145	0.39	0.5	0.15	0.3	0.13	0.19
chr12	50502280	50502739	Gm9804	ENSMUSG000000045946	245	0.31	0.19	0.11	0.14	0.13	0.15
chr12	113911882	113912644	Akt1	ENSMUSG000000001729	-108	0.37	0.24	0.07	0.18	0.22	0.14

chr12	114394188	114394822	4930427A07Rik	ENSMUSG000000037466	-127	0.24	0.2	0.1	0.11	0.07	0.2
chr12	120085201	120085696	Sp8	ENSMUSG000000048562	-216	0.07	0.07	0.24	0.33	0.18	0.23
chr12	75065382	75065959	Snopc1	ENSMUSG000000021113	153	0.1	0.19	0.1	0.11	0.37	0.17
chr12	83270215	83271397	Sipa111	ENSMUSG000000042700	399	0.18	0.29	0.13	0.16	0.07	0.13
chr12	105989685	105990579	Dicer1	ENSMUSG000000041415	30	0.3	0.33	0.11	0.19	0.14	0.16
chr12	29334390	29334699	Rnaseh1	ENSMUSG000000020630	77	1	0.25	0.11	NA	0.05	0.35
chr12	77810463	77811677	Spnb1	ENSMUSG000000021061	-60	0.17	0.32	0.1	0.15	0.07	0.1
chr12	31569067	31569753	Fam150b	ENSMUSG000000054204	223	0.19	0.09	0.12	0.11	0.07	0.13
chr12	113960055	113960976	AW555464	ENSMUSG000000072825	130	0.12	0.11	0.1	0.11	0.07	0.08
chr12	101758521	101758897	Ttc7b	ENSMUSG000000033530	323	0.31	0.09	0.08	0.1	0.1	0.11
chr12	45370121	45370559	Pnpla8	ENSMUSG000000036257	167	0.07	0.25	0.09	0.15	0.18	0.12
chr12	13255601	13256083	Ddx1	ENSMUSG000000037149	177	0.14	0.14	0.12	0.16	0.06	0.16
chr12	8777792	8779747	Gm4755	ENSMUSG000000087567	-782	0.26	0.34	0.11	0.16	0.14	0.16
chr12	77504449	77507152	4930426124Rik	ENSMUSG000000091710	-1159	0.19	0.2	0.15	0.22	0.13	0.15
chr12	5380506	5382865	Klhl29	ENSMUSG000000020627	803	0.16	0.2	0.11	0.15	0.1	0.17
chr12	82046321	82047316	Srsf5	ENSMUSG000000021134	327	0.08	0.13	0.11	0.17	0.18	0.21
chr12	32319287	32319698	Bcap29	ENSMUSG000000020650	-30	0.27	0.26	0.09	0.14	0.11	0.23
chr12	56921499	56922224	Gm9812	ENSMUSG000000046747	263	0.29	0.07	0.12	0.13	0.08	0.08
chr12	55304098	55304925	Egln3	ENSMUSG000000035105	336	0.5	0.16	0.12	0.15	0.16	0.18
chr12	59313379	59314249	Sstr1	ENSMUSG000000035431	1023	0.28	0.07	0.07	0.16	0.06	0.1
chr12	60320022	60321162	Fbxo33	ENSMUSG000000035329	120	0.23	0.12	0.1	0.12	0.12	0.16
chr12	79962339	79963366	Atp6v1d	ENSMUSG000000021114	-311	0.33	0.11	0.1	0.16	0.17	0.16
chr12	4824059	4824712	0610009D07Rik	ENSMUSG000000037361	-29	0.25	0.22	0.17	0.14	0.12	0.18
chr12	19495837	19496693	Gm6802	ENSMUSG000000059229	102	0.55	0.67	0.75	0.81	0.37	0.6
chr12	86679893	86680485	Nek9	ENSMUSG000000034290	123	0.62	0.33	0.12	0.27	0.28	0.14
chr12	87582685	87583163	1700020O03Rik	ENSMUSG000000021254	105	0.89	0.09	0.12	0.18	0.48	0.25
chr12	111839460	111840216	Dync1h1	ENSMUSG000000018707	176	0.29	0.19	0.09	0.19	0.16	0.16
chr12	70683632	70684088	Mettl21d	ENSMUSG000000049882	155	0.41	0.27	0.1	0.08	0.34	0.15
chr12	113204826	113205324	2010107E04Rik	ENSMUSG000000021290	113	0.25	0.1	0.15	0.21	0.09	0.16
chr12	109572588	109573003	Cyp46a1	ENSMUSG000000021259	208	0.38	0.1	0.12	0.15	0.2	0.13

chr12	33063599	33064830	2010109K11Rik	ENSMUSG00000078373	-297	0.23	0.19	0.11	0.17	0.16	0.13
chr12	53071772	53072432	Heatr5a	ENSMUSG00000035181	206	0.41	0.22	0.14	0.2	0.21	0.17
chr12	23786837	23787537	Gm20486	ENSMUSG00000092597	249	0.37	0.42	0.69	0.58	1	0.34
chr12	85262149	85263005	Numb	ENSMUSG00000021224	217	0.2	0.11	0.09	0.15	0.12	0.16
chr12	113368516	113369320	Mir203	ENSMUSG00000065574	-173	0.17	0.17	0.14	0.18	0.1	0.14
chr12	57636818	57637678	Nkx2-1	ENSMUSG00000001496	647	0.14	0.1	0.12	0.17	0.07	0.15
chr12	119081907	119082730	Cdca7l	ENSMUSG00000021175	330	0.36	0.2	0.18	0.24	0.2	0.15
chr12	79326807	79328424	Gphn	ENSMUSG00000047454	-27	0.14	0.16	0.11	0.15	0.08	0.11
chr12	16596359	16596652	Lpin1	ENSMUSG00000020593	71	0.5	0.35	0.09	0.15	0.06	0.12
chr12	21322096	21322581	Iah1	ENSMUSG00000062054	85	0.58	0.56	0.15	0.12	0.25	0.09
chr12	81891380	81892206	4933426M11Rik	ENSMUSG00000021133	247	0.06	0.27	0.16	0.2	0.16	0.2
chr12	85489065	85489519	Pnma1	ENSMUSG00000054383	147	0.26	0.19	0.11	0.16	0.14	0.12
chr12	79849518	79850526	Mpp5	ENSMUSG00000021112	88	0.22	0.31	0.13	0.13	0.13	0.14
chr12	112404567	112405142	Traf3	ENSMUSG00000021277	273	0.12	0.1	0.1	0.12	0.21	0.11
chr12	74018425	74018991	4930447C04Rik	ENSMUSG00000021098	39	0.24	0.19	0.15	0.15	0.1	0.17
chr12	112216845	112217492	Ankrd9	ENSMUSG00000037904	-15	0.1	0.07	0.09	0.11	0.06	0.1
chr12	86715209	86715709	Tmed10	ENSMUSG00000021248	208	1	1	0.16	0.48	0.25	0.17
chr12	56937211	56937862	Brms1l	ENSMUSG00000012076	183	0.07	0.11	0.11	0.14	0.04	0.1
chr12	73509252	73509728	Rtn1	ENSMUSG00000021087	48	0.16	0.2	0.07	0.15	0.07	0.12
chr12	110073618	110074587	Slc25a29	ENSMUSG00000021265	-72	0.07	0.16	0.09	0.16	0.17	0.13
chr12	88066896	88067509	Angel1	ENSMUSG00000021257	208	0.18	0.09	0.12	0.15	0.07	0.17
chr12	80107757	80108439	Tmem229b	ENSMUSG00000046157	166	0.17	0.18	0.11	0.11	0.3	0.21
chr12	113748983	113749482	Tmem179	ENSMUSG00000054013	139	0.83	1	0.6	NA	0.28	0.25
chr12	32745481	32746123	Prkar2b	ENSMUSG0000002997	298	0.27	0.21	0.2	0.12	0.17	0.16
chr12	76918990	76920111	Syne2	ENSMUSG00000063450	429	0.15	0.21	0.19	0.17	0.25	0.14
chr12	77470018	77472296	Zbtb25	ENSMUSG00000056459	-777	0.12	0.18	0.12	0.14	0.17	0.15
chr12	89592834	89593135	Gm6190	ENSMUSG00000091139	-302	0.27	0.17	0.22	0.31	0.13	0.27
chr12	52791906	52793295	Ap4s1	ENSMUSG00000020955	647	0.34	0.4	0.15	0.17	0.23	0.19
chr12	12948358	12949595	Mycn	ENSMUSG00000037169	-345	0.23	0.18	0.1	0.1	0.08	0.19
chr12	106574862	106575791	2810011L19Rik	ENSMUSG00000086023	123	0.21	0.13	0.1	0.16	0.06	0.17

chr12	25256822	25257614	Grhl1	ENSMUSG00000020656	66	0.11	0.11	0.08	0.11	0.07	0.11
chr12	110290537	110292092	Begain	ENSMUSG00000040867	275	0.17	0.15	0.12	0.12	0.13	0.13
chr12	113916810	113917907	Zbtb42	ENSMUSG00000037638	319	0.13	0.09	0.08	0.14	0.1	0.09
chr12	56085947	56087313	Baz1a	ENSMUSG00000035021	293	0.17	0.18	0.11	0.16	0.13	0.14
chr12	102137099	102137718	Gm10431	ENSMUSG00000072880	206	1	1	0.67	0.11	0.15	0.11
chr12	114067063	114067958	Cdca4	ENSMUSG00000047832	90	0.26	0.1	0.09	0.1	0.11	0.11
chr12	62623887	62624356	Lfn5	ENSMUSG00000035653	-16	0.33	0.08	0.1	0.07	0.05	0.15
chr12	112276613	112278558	Rcor1	ENSMUSG00000037896	24	0.28	0.21	0.12	0.18	0.18	0.18
chr12	46174989	46175621	Sbxp6	ENSMUSG00000046314	-206	0.44	0.76	0.16	0.3	0.14	0.24
chr12	51749953	51750433	Prkd1	ENSMUSG00000002688	17	0.09	0.29	0.09	0.15	0.16	0.19
chr12	31949810	31951228	Lamb1	ENSMUSG00000002900	420	0.83	0.62	0.23	0.16	0.35	0.18
chr12	55757143	55757793	1110002B05Rik	ENSMUSG00000044408	91	0.5	0.2	0.12	0.11	0.12	0.14
chr12	17006526	17006884	Pqlc3	ENSMUSG00000045679	126	0.44	0.2	0.19	0.2	0.2	0.13
chr12	85028869	85029515	Psen1	ENSMUSG00000019969	40	0.07	0.15	0.09	0.18	0.12	0.17
chr12	103995522	103996544	Moap1	ENSMUSG00000091931	-23	0.15	0.15	0.1	0.13	0.11	0.19
chr12	87762609	87763852	Esrrb	ENSMUSG00000021255	397	0.15	0.11	0.15	0.17	0.09	0.2
chr12	86814388	86815702	Fos	ENSMUSG00000021250	205	0.23	0.14	0.1	0.18	0.09	0.19
chr12	4775704	4776249	A830093124Rik	ENSMUSG00000050545	97	0.89	0.31	0.3	0.24	0.42	0.24
chr12	8680761	8681716	Pum2	ENSMUSG00000020594	298	0.25	0.15	0.12	0.12	0.16	0.13
chr12	86039428	86040043	Tmem90a	ENSMUSG00000071234	22	0.24	0.12	0.08	0.12	0.15	0.11
chr12	99975516	99975932	Ptprn21	ENSMUSG00000021009	-109	0.33	0.33	0.05	0.11	0.15	0.12
chr12	37108215	37108808	D630036H23Rik	ENSMUSG00000091007	257	0.1	0.13	0.11	0.14	0.06	0.14
chr12	100138803	100139780	Eml5	ENSMUSG00000051166	16	0.29	0.45	0.18	0.11	0.14	0.12
chr12	112680563	112681124	Tnfrsf2	ENSMUSG00000021281	163	0.16	0.2	0.13	0.18	0.28	0.23
chr12	17182297	17183532	Kcnf1	ENSMUSG00000051726	74	0.1	0.12	0.09	0.12	0.15	0.15
chr12	103521156	103521686	Rin3	ENSMUSG00000044456	163	0.21	0.13	0.15	0.14	0.32	0.1
chr12	3235440	3235920	1700012B15Rik	ENSMUSG00000079179	-931	0.16	0.07	0.17	0.19	0.08	0.18
chr12	74685438	74686690	Prkch	ENSMUSG00000021108	281	0.11	0.21	0.12	0.15	0.18	0.15
chr12	104187067	104187854	Unc97	ENSMUSG00000021198	391	0.32	0.12	0.14	0.23	0.19	0.14
chr12	17273202	17273667	Pdia6	ENSMUSG00000020571	83	0.33	0.14	0.09	0.14	0.18	0.11

chr12	70993470	70994454	Map4k5	ENSMUSG00000034761	34	0.17	0.08	0.09	0.14	0.12	0.14
chr12	72116207	72117543	3110056K07Rik	ENSMUSG00000085622	-292	0.24	0.13	0.1	0.15	0.18	0.14
chr12	81861290	81861575	Gm1568	ENSMUSG00000062961	96	0.28	0.28	0.17	0.17	0.11	0.19
chr12	110691195	110692057	Dlk1	ENSMUSG00000040856	-39	0.26	0.29	0.08	0.09	0.15	0.1
chr12	66273280	66273868	Mis18bp1	ENSMUSG00000047534	-21	0.12	0.1	0.12	0.13	0.06	0.11
chr12	109661140	109661779	Eml1	ENSMUSG00000058070	171	0.07	0.09	0.07	0.1	0.09	0.09
chr12	12946480	12947111	Mycn	ENSMUSG00000037169	627	0.05	0.11	0.13	0.18	0.06	0.19
chr12	70457759	70458191	Nemf	ENSMUSG00000020982	178	0.2	0.11	0.06	0.19	0.37	0.09
chr12	81360324	81361786	Actn1	ENSMUSG00000015143	23	0.18	0.18	0.12	0.19	0.13	0.13
chr12	86451587	86452364	Dist	ENSMUSG00000004789	192	0.11	0.09	0.09	0.18	0.07	0.12
chr12	112126900	112127824	Cinp	ENSMUSG00000021276	-55	0.37	0.26	0.1	0.21	0.27	0.13
chr12	112615178	112616434	Cdc42bpb	ENSMUSG00000021279	123	0.27	0.33	0.11	0.17	0.34	0.16
chr12	10397532	10398007	Rdh14	ENSMUSG00000020621	183	0.27	0.35	0.15	0.2	0.18	0.13
chr12	58646256	58647136	Foxa1	ENSMUSG00000035451	412	0.1	0.17	0.09	0.13	0.16	0.13
chr12	76696497	76697705	Ppp2r5e	ENSMUSG00000021051	86	0.2	0.1	0.1	0.14	0.14	0.15
chr12	112996837	112997559	Klc1	ENSMUSG00000021288	138	0.15	0.09	0.13	0.13	0.08	0.1
chr12	25335845	25336771	Klf11	ENSMUSG00000020653	72	0.07	0.1	0.09	0.11	0.04	0.11
chr12	77518478	77518886	Ppp1r36	ENSMUSG00000052221	96	0.07	0.17	0.18	0.28	0.14	0.15
chr12	81744316	81744876	Erh	ENSMUSG00000021131	223	0.47	0.83	0.15	0.21	0.27	0.16
chr12	104626810	104627199	Otub2	ENSMUSG00000021203	112	0.14	0.18	0.09	0.11	0.04	0.12
chr12	85291572	85292622	2410016O06Rik	ENSMUSG00000046791	539	0.1	0.11	0.09	0.11	0.08	0.11
chr12	21422613	21423799	Ywhaq	ENSMUSG00000076432	-215	0.13	0.11	0.13	0.12	0.1	0.11
chr12	85394426	85394875	4732463B04Rik	ENSMUSG00000086299	107	0.28	0.31	0.13	0.12	0.15	0.14
chr12	114040521	114041032	Ahnak2	ENSMUSG00000072812	92	0.19	0.16	0.11	0.14	0.05	0.12
chr12	4133130	4133736	Adcy3	ENSMUSG00000020654	36	0.2	0.39	0.1	0.21	0.27	0.15
chr12	36768617	36769133	Tspan13	ENSMUSG00000020577	201	0.08	0.17	0.09	0.13	0.2	0.08
chr12	41172270	41173247	Zfp277	ENSMUSG00000055917	-381	0.17	0.08	0.11	0.11	0.11	0.13
chr12	81793617	81794033	3830431G21Rik	ENSMUSG00000066438	247	0.39	0.43	0.17	0.14	0.19	0.23
chr12	32243928	32244788	Slc26a4	ENSMUSG00000020651	476	0.08	0.07	0.08	0.1	0.11	0.14
chr12	54349338	54349775	Npas3	ENSMUSG00000021010	-108	0.17	0.6	0.16	0.22	0.09	0.14

chr12	60114362	60114666	Sip1	ENSMUSG00000060121	134	0.22	0.17	0.17	0.21	0.11	0.22
chr12	57793431	57793681	Pax9	ENSMUSG00000001497	802	0.5	0.31	0.11	0.22	0.13	0.23
chr12	81215362	81215585	Zfp361	ENSMUSG000000021127	-1473	0.24	0.3	0.2	0.17	0.14	0.3
chr12	3572055	3572883	Dtnb	ENSMUSG000000071454	88	0.19	0.24	0.12	0.16	0.16	0.18
chr12	58297698	58298149	Slc25a21	ENSMUSG000000035472	536	0.11	0.12	0.1	0.21	0.08	0.14
chr12	74154654	74155174	Six1	ENSMUSG000000051367	-40	0.26	0.13	0.15	0.17	0.1	0.25
chr12	114252306	114253271	Pacs2	ENSMUSG000000021143	69	0.14	0.12	0.09	0.13	0.1	0.14
chr12	32183772	32185026	Cbll1	ENSMUSG000000020659	20	0.33	0.29	0.14	0.19	0.2	0.2
chr12	70891513	70891786	Cdkl1	ENSMUSG000000020990	45	0.2	0.1	0.09	0.14	0.09	0.14
chr12	71328310	71328858	Pygl	ENSMUSG000000021069	-252	0.36	NA	0.12	0.15	0.13	0.09
chr12	74387467	74388062	Trmt5	ENSMUSG000000034442	-66	0.18	0.22	0.1	0.15	0.12	0.15
chr12	70462471	70462718	AC157822.1	ENSMUSG000000092773	-126	0.15	0.08	0.1	0.11	0.06	0.12
chr12	80231651	80232094	Arg2	ENSMUSG000000021125	108	0.17	0.31	0.17	0.24	0.09	0.3
chr12	114336934	114337212	Mta1	ENSMUSG000000021144	461	0.11	0.13	0.06	0.1	0.05	0.05
chr12	33504685	33505876	Nampt	ENSMUSG000000020572	80	0.13	0.11	0.11	0.12	0.1	0.11
chr12	58331265	58331911	Prps113	ENSMUSG000000079104	189	0.15	0.13	0.09	0.2	0.09	0.13
chr12	86311528	86311922	1110018G07Rik	ENSMUSG000000042350	49	0.14	0.21	0.1	0.2	0.08	0.14
chr12	8214879	8215173	1110057K04Rik	ENSMUSG000000037669	113	0.14	0.33	0.14	0.27	0.3	0.17
chr12	81619425	81620848	Galnt1	ENSMUSG000000021130	678	0.12	0.11	0.1	0.14	0.09	0.1
chr12	21379093	21379920	Adam17	ENSMUSG000000052593	-111	0.17	0.1	0.12	0.16	0.09	0.16
chr12	50492288	50492683	3110039M20Rik	ENSMUSG000000089922	839	0.14	0.12	0.11	0.17	0.08	0.17
chr12	77634052	77634962	Mir5135	ENSMUSG000000092738	-308	0.11	0.17	0.09	0.15	0.08	0.14
chr12	114180047	114180334	Nudt14	ENSMUSG000000002804	139	1	0.12	0.06	0.2	0.13	0.11
chr12	77356056	77356436	Mthfd1	ENSMUSG000000021048	27	0.12	0.07	0.09	0.12	0.06	0.09
chr12	83717734	83718715	Rgs6	ENSMUSG000000021219	312	0.22	0.28	0.15	0.21	0.14	0.19
chr12	87423476	87423797	1700019E19Rik	ENSMUSG000000007867	123	0.07	0.1	0.1	0.2	0.18	0.12
chr12	100630226	100631609	Foxn3	ENSMUSG000000033713	365	0.11	0.13	0.1	0.19	0.07	0.13
chr12	106270307	106271314	Glrx5	ENSMUSG000000021102	-89	0.12	0.09	0.12	0.14	0.08	0.17
chr12	109565885	109566619	4930478K11Rik	ENSMUSG000000085954	-12	0.22	0.18	0.16	0.31	0.17	0.21
chr12	72932082	72932847	Daam1	ENSMUSG000000034574	399	0.13	0.18	0.18	0.34	0.09	0.14

chr12	82960880	82962097	Pcnx	ENSMUSG00000021140	471	0.16	0.17	0.11	0.13	0.13	0.15
chr12	16901214	16902320	Rock2	ENSMUSG00000020580	-17	0.15	0.4	0.1	0.17	0.19	0.17
chr12	103981568	103982260	Moap1	ENSMUSG00000091931	-73	0.09	0.19	0.09	0.15	0.13	0.12
chr12	104115648	104116865	Btbd7	ENSMUSG00000041702	360	0.08	0.07	0.07	0.09	0.06	0.12
chr12	109544471	109544951	Hhipl1	ENSMUSG00000021260	231	0.16	0.24	0.09	0.16	0.09	0.15
chr12	75098618	75098987	Syt16	ENSMUSG00000044912	54	0.09	0.1	0.09	0.13	0.19	0.14
chr12	84961851	84962112	Gm17284	ENSMUSG00000091015	821	1	0.89	0.44	0.82	0.8	0.59
chr12	93016908	93017652	Ston2	ENSMUSG00000020961	297	0.19	0.1	0.08	0.13	0.11	0.11
chr12	104480028	104481003	Prima1	ENSMUSG00000041669	-179	0.08	0.09	0.08	0.17	0.13	0.11
chr12	113382144	113385166	Kif26a	ENSMUSG00000021294	-791	0.15	0.17	0.14	0.21	0.13	0.16
chr12	99985014	99985633	Zc3h14	ENSMUSG00000021012	145	0.35	0.23	0.13	0.13	0.22	0.16
chr12	111684729	111685838	Ppp2r5c	ENSMUSG00000017843	-235	0.11	0.16	0.11	0.2	0.16	0.17
chr12	101962849	101963791	Rps6ka5	ENSMUSG00000021180	-82	0.27	0.22	0.14	0.18	0.38	0.1
chr12	8928386	8929442	Laptm4a	ENSMUSG00000020585	558	0.28	0.19	0.11	0.12	0.21	0.14
chr12	17551379	17552234	Odc1	ENSMUSG00000011179	127	0.14	0.22	0.21	0.23	0.24	0.17
chr12	73185659	73187274	2810055F11Rik	ENSMUSG00000019718	-461	0.22	0.16	0.12	0.14	0.18	0.15
chr12	74145602	74147861	Six1	ENSMUSG00000051367	-453	0.18	0.14	0.12	0.17	0.15	0.16
chr12	85533618	85535109	C130039O16Rik	ENSMUSG00000042507	602	0.09	0.13	0.13	0.16	0.11	0.12
chr12	4599636	4600393	Gm3625	ENSMUSG00000091619	-281	0.11	0.09	0.1	0.09	0.1	0.11
chr12	8980594	8981068	Wdr35	ENSMUSG00000066643	133	1	1	0.14	0.37	0.25	0.27
chr12	66174458	66175208	Fkbp3	ENSMUSG00000020949	98	0.5	0.36	0.21	0.2	0.21	0.14
chr12	110132077	110132623	Wars	ENSMUSG00000021266	-39	0.22	0.3	0.12	0.21	0.16	0.11
chr12	31058023	31058336	Sntg2	ENSMUSG00000020672	-49	0.2	0.17	0.09	0.12	0.07	0.16
chr12	81213787	81214013	Zfp361l	ENSMUSG00000021127	85	0.61	1	0.15	0.67	0.41	0.27
chr12	102956223	102956818	Tc2n	ENSMUSG00000021187	213	0.1	0.09	0.08	0.09	0.07	0.16
chr12	103707173	103707796	Golga5	ENSMUSG00000021192	-636	0.18	0.25	0.11	0.17	0.14	0.12
chr12	109792870	109793633	Evl	ENSMUSG00000021262	321	0.17	0.12	0.12	0.15	0.13	0.17
chr12	85758119	85758619	Rnf113a2	ENSMUSG00000045546	225	0.18	0.13	0.18	0.27	0.14	0.14
chr12	86337136	86337769	Ylpm1	ENSMUSG00000021244	181	0.05	0.09	0.06	0.18	0.06	0.13
chr12	3309324	3310176	Rab10	ENSMUSG00000020671	219	0.19	0.22	0.15	0.16	0.16	0.15

chr12	25515707	25517039	Mboat2	ENSMUSG00000020646	-91	0.13	0.19	0.12	0.12	0.1	0.18
chr12	85410463	85410857	Acot5	ENSMUSG00000042540	385	0.33	0.12	0.13	NA	0.17	0.21
chr12	85559327	85559887	C130039O16Rik	ENSMUSG00000042507	224	0.11	0.18	0.11	0.16	0.09	0.1
chr12	35731434	35732542	Snx13	ENSMUSG00000020590	127	0.14	0.11	0.08	0.14	0.12	0.14
chr12	32035768	32036391	Dld	ENSMUSG00000020664	201	0.17	0.09	0.14	0.18	0.12	0.19
chr12	80273087	80273802	Vti1b	ENSMUSG00000021124	-123	0.12	0.12	0.12	0.17	0.1	0.14
chr12	106923052	106924034	Atg2b	ENSMUSG00000041341	-92	0.22	0.3	0.12	0.18	0.18	0.16
chr12	112078684	112079286	Stk30	ENSMUSG00000056458	152	0.17	0.08	0.09	0.13	0.12	0.15
chr12	86216551	86217620	D030025P21Rik	ENSMUSG00000092130	366	0.13	0.45	0.1	0.16	0.18	0.16
chr12	87087164	87087700	Mfsd7c	ENSMUSG00000034258	-57	0.18	0.09	0.17	0.12	0.25	0.23
chr12	109240816	109241453	Bcl11b	ENSMUSG00000048251	490	0.22	0.12	0.13	0.14	0.17	0.14
chr12	25365494	25365981	Cys1	ENSMUSG00000062563	-153	0.12	0.12	0.07	0.09	0.07	0.13
chr12	55963284	55964187	Cfl2	ENSMUSG00000062929	129	0.1	0.1	0.1	0.13	0.15	0.13
chr12	34114411	34114917	Twistnb	ENSMUSG00000020561	175	0.1	0.25	0.09	0.08	0.06	0.22
chr12	73765658	73765924	Dhrs7	ENSMUSG00000021094	24	0.11	0.06	0.05	0.08	0.07	0.14
chr12	84973108	84973879	Rbm25	ENSMUSG00000010608	309	0.31	0.29	0.22	0.19	0.17	0.23
chr12	3426605	3427706	1110002L01Rik	ENSMUSG00000071456	-511	0.27	0.13	0.1	0.12	0.22	0.2
chr12	85626112	85626471	Ptgr2	ENSMUSG00000072946	109	1	0.27	0.24	0.33	0.2	0.12
chr12	104663705	104664287	Ddx24	ENSMUSG00000041645	-6	0.29	0.2	0.22	0.18	0.19	0.16
chr12	80190321	80190721	Pigh	ENSMUSG00000021120	99	0.18	1	0.13	0.18	0.23	0.28
chr12	88487999	88489107	Gstz1	ENSMUSG00000021033	-115	0.22	0.27	0.11	0.17	0.16	0.14
chr12	25659761	25660136	Kidins220	ENSMUSG00000036333	151	0.53	1	0.11	0.1	0.39	0.1
chr12	55796575	55797021	Eapp	ENSMUSG00000054302	10	0.14	0.24	0.11	0.18	0.08	0.12
chr12	99812741	99813589	Kcnk10	ENSMUSG00000033854	-243	0.11	0.13	0.07	0.11	0.08	0.13
chr12	114378261	114379213	Crip2	ENSMUSG00000006356	290	0.43	0.2	0.11	0.14	0.28	0.19
chr12	113882637	113883659	Siva1	ENSMUSG00000064326	109	0.18	0.09	0.1	0.1	0.11	0.12
chr12	66066656	66067560	Fam179b	ENSMUSG00000035614	379	0.11	0.15	0.08	0.12	0.08	0.13
chr12	82433651	82434152	Slc8a3	ENSMUSG00000079055	266	0.1	0.09	0.07	0.18	0.07	0.1
chr12	27154036	27154715	Cmpk2	ENSMUSG00000020638	306	0.12	0.2	0.15	0.19	0.08	0.12
chr12	52448978	52449498	G2e3	ENSMUSG00000035293	190	0.17	0.31	0.12	0.17	0.14	0.15

chr12	96933397	96934086	Flrt2	ENSMUSG00000047414	174	0.17	0.14	0.1	0.12	0.11	0.16
chr12	112908748	112910720	Ckb	ENSMUSG00000001270	815	0.16	0.2	0.15	0.2	0.18	0.18
chr12	15821667	15824023	Trib2	ENSMUSG00000020601	746	0.14	0.13	0.1	0.18	0.12	0.15
chr12	110030385	110032981	Yy1	ENSMUSG00000021264	500	0.16	0.12	0.1	0.11	0.14	0.13
chr12	73861465	73862914	Ppm1a	ENSMUSG00000021096	-9	0.17	0.21	0.1	0.21	0.15	0.13
chr12	101203413	101204466	Kcnk13	ENSMUSG00000045404	1204	0.17	0.24	0.1	0.13	0.11	0.2
chr12	117285952	117286216	Zfp386	ENSMUSG00000042063	149	0.09	0.13	0.08	0.12	0.07	0.12
chr12	16807168	16807767	Greb1	ENSMUSG00000036523	23	0.15	0.65	0.15	0.15	0.1	0.13
chr12	25392747	25393567	Rrm2	ENSMUSG00000020649	51	0.28	0.31	0.13	0.18	0.35	0.25
chr12	36882920	36883501	Bzw2	ENSMUSG00000020547	202	0.16	0.06	0.06	0.09	0.1	0.13
chr12	107022550	107023516	Papola	ENSMUSG00000021111	129	0.16	0.17	0.15	0.22	0.2	0.14
chr12	114188396	114188901	Gm17274	ENSMUSG00000090980	75	0.07	0.17	0.1	0.15	0.13	0.11
chr12	105710127	105711621	Gsc	ENSMUSG00000021095	663	0.14	0.19	0.13	0.17	0.12	0.14
chr12	75050636	75050979	Gm15283	ENSMUSG00000087700	-35	0.15	0.13	0.06	0.08	0.08	0.17
chr12	3365111	3365428	Kif3c	ENSMUSG00000020668	137	0.31	0.12	0.1	0.21	0.17	0.15
chr12	12268949	12269237	Fam49a	ENSMUSG00000020589	148	0.2	0.09	0.11	0.21	0.16	0.14
chr12	70284570	70285971	Rpl36al	ENSMUSG00000049751	-297	0.12	0.07	0.11	0.14	0.11	0.11
chr12	72237292	72237661	Timm9	ENSMUSG00000021079	145	0.08	0.07	0.08	0.12	0.06	0.1
chr12	52929642	52931102	Hectd1	ENSMUSG00000035247	151	0.17	0.23	0.1	0.14	0.18	0.14
chr12	77923072	77923752	Rab15	ENSMUSG00000021062	37	0.21	0.28	0.14	0.41	0.16	0.15
chr12	85350455	85350900	Acot1	ENSMUSG00000072949	225	0.19	0.18	0.1	0.18	0.1	0.17
chr12	87420319	87420638	Tgfb3	ENSMUSG00000021253	-487	0.5	0.14	0.18	0.16	0.11	0.13
chr12	119539604	119541105	Sp4	ENSMUSG00000025323	-441	0.12	0.07	0.11	0.12	0.11	0.11
chr12	34641816	34643566	Twist1	ENSMUSG00000035799	155	0.08	0.09	0.11	0.11	0.07	0.09
chr12	112683745	112684290	Tnfaip2	ENSMUSG00000021281	-278	0.2	0.32	0.11	0.1	0.11	0.18
chr12	113051861	113052872	Xrcc3	ENSMUSG00000021287	-314	0.15	0.13	0.1	0.15	0.13	0.15
chr12	30622804	30623499	Pxdn	ENSMUSG00000020674	250	0.1	0.1	0.14	0.14	0.12	0.13
chr12	117724204	117724977	Ptprn2	ENSMUSG00000056553	381	0.5	0.18	0.08	0.22	0.12	0.13
chr12	70782312	70783384	Sos2	ENSMUSG00000034801	-9	0.13	0.17	0.13	0.18	0.11	0.16
chr12	88287796	88288435	2310044G17Rik	ENSMUSG00000034157	-249	0.23	0.25	0.15	0.13	0.2	0.19

chr12	101203014	101203294	Kcnk13	ENSMUSG00000045404	419	0.23	0.22	0.21	0.17	0.29	0.14
chr12	112812540	112813587	2810029C07Rik	ENSMUSG00000091750	-450	0.35	0.3	0.16	0.15	0.4	0.21
chr12	88728670	88729363	Sptlc2	ENSMUSG00000021036	175	0.26	0.19	0.19	0.14	0.29	0.14
chr12	112723361	112724212	Gm266	ENSMUSG00000010529	248	0.14	0.13	0.09	0.1	0.11	0.14
chr12	8304792	8305763	AC122860.1	ENSMUSG00000093208	-132	0.08	0.12	0.15	0.15	0.09	0.14
chr12	71553877	71554354	Tmx1	ENSMUSG00000021072	33	0.27	0.25	0.11	0.13	1	0.13
chr12	88232938	88233232	Gm17422	ENSMUSG00000091891	432	0.19	NA	0.09	0.21	0.13	0.13
chr12	77425692	77426156	Akap5	ENSMUSG00000021057	46	0.16	0.33	0.08	0.25	0.24	0.12
chr12	78338953	78340581	Fut8	ENSMUSG00000021065	-285	0.15	0.15	0.1	0.16	0.18	0.12
chr12	88540648	88541486	Tmed8	ENSMUSG00000034111	112	0.14	0.15	0.12	0.16	0.15	0.14
chr12	111516032	111518128	Dio3os	ENSMUSG00000090962	-802	0.26	0.28	0.17	0.15	0.24	0.14
chr12	52694074	52695017	Coch	ENSMUSG00000020953	184	0.21	0.16	0.13	0.18	0.23	0.2
chr12	85749347	85750140	Entpd5	ENSMUSG00000021236	191	0.5	0.33	0.1	0.11	0.15	0.16
chr12	70397604	70398422	Klhdc2	ENSMUSG00000020978	345	0.12	0.15	0.12	0.12	0.11	0.15
chr12	107248381	107249134	Vrk1	ENSMUSG00000021115	284	0.16	0.16	0.08	0.16	0.14	0.1
chr12	87165644	87166185	Ttll5	ENSMUSG00000012609	257	0.12	0.09	0.07	0.1	0.07	0.19
chr12	109416555	109418440	Setd3	ENSMUSG00000056770	-74	0.11	0.08	0.09	0.18	0.09	0.12
chr12	112775718	112777394	Eif5	ENSMUSG00000021282	244	0.12	0.13	0.1	0.12	0.13	0.13
chr12	3891226	3891634	Dnmt3a	ENSMUSG00000020661	-298	0.36	0.5	0.1	0.25	1	0.33
chr12	71087448	71088390	Sav1	ENSMUSG00000021067	70	0.06	0.1	0.08	0.14	0.06	0.13
chr12	78062689	78063840	Max	ENSMUSG00000059436	-252	0.13	0.24	0.11	0.13	0.12	0.17
chr12	81535941	81536724	Dcaf5	ENSMUSG00000049106	1256	0.07	0.12	0.11	0.13	0.14	0.16
chr12	101348254	101348783	Psmc1	ENSMUSG00000021178	122	0.19	0.14	0.1	0.12	0.15	0.12
chr12	114047060	114047504	BC022687	ENSMUSG00000037594	96	0.52	0.66	0.15	0.17	0.47	0.14
chr12	4038394	4039169	Efr3b	ENSMUSG00000020658	134	0.1	0.17	0.09	0.21	0.09	0.12
chr12	17888500	17889309	Gm9222	ENSMUSG00000091094	-99	0.11	0.06	0.14	0.25	0.09	0.11
chr12	4923822	4924907	Atad2b	ENSMUSG00000052812	154	0.15	0.2	0.11	0.16	0.14	0.16
chr12	60167718	60168461	Pnn	ENSMUSG00000020994	183	0.08	0.1	0.09	0.14	0.09	0.15
chr12	85657690	85658536	Zfp410	ENSMUSG00000042472	49	0.4	0.4	0.16	0.14	0.56	0.13
chr12	16660366	16660911	Ntsr2	ENSMUSG00000020591	358	0.06	0.08	0.06	0.08	0.04	0.07

chr12	74212827	74214151	Six4	ENSMUSG00000034460	912	0.16	0.16	0.1	0.16	0.14	0.15
chr12	103213566	103214545	Cpsf2	ENSMUSG00000041781	-129	0.13	0.27	0.14	0.18	0.09	0.14
chr12	50484064	50486795	3110039M20Rik	ENSMUSG00000089922	-732	0.33	0.22	0.12	0.18	0.32	0.17
chr12	102320653	102322284	D130020L05Rik	ENSMUSG00000042922	777	0.1	0.1	0.13	0.14	0.09	0.17
chr12	72075515	72076211	Psm3	ENSMUSG00000060073	255	0.14	0.24	0.12	0.17	0.13	0.1
chr12	82585645	82586182	Cox16	ENSMUSG00000091803	-97	1	0.1	0.18	0.12	0.33	0.14
chr12	85441815	85442362	Acot6	ENSMUSG00000043487	484	0.12	0.14	0.11	0.12	0.07	0.11
chr12	109571964	109572301	Cyp46a1	ENSMUSG00000021259	-455	0.14	0.06	0.09	0.13	0.04	0.14
chr12	70472758	70474123	Arf6	ENSMUSG00000044147	303	0.14	0.16	0.12	0.18	0.15	0.13
chr12	81537437	81537943	Dcaf5	ENSMUSG00000049106	-102	0.09	0.08	0.1	0.07	0.08	0.09
chr12	82881384	82882567	Map3k9	ENSMUSG00000042724	182	0.1	0.11	0.06	0.12	0.1	0.13
chr12	101122644	101123065	Tdp1	ENSMUSG00000021177	127	0.11	0.41	0.09	0.14	0.25	0.11
chr12	117501285	117501570	Wdr60	ENSMUSG00000042050	71	0.03	0.05	0.1	0.07	0.05	0.08
chr12	117519112	117520324	Esyt2	ENSMUSG00000021171	23	0.15	0.14	0.12	0.18	0.16	0.14
chr12	4082493	4082922	Dnajc27	ENSMUSG00000020657	95	0.17	0.16	0.17	0.15	0.21	0.13
chr12	71212215	71213200	Nin	ENSMUSG00000021068	200	0.1	0.08	0.14	0.13	0.11	0.13
chr12	103366917	103367681	Slc24a4	ENSMUSG00000041771	356	0.13	0.13	0.09	0.15	0.19	0.22
chr12	17331261	17331650	Atp6v1c2	ENSMUSG00000020566	16	0.19	0.11	0.13	0.2	0.22	0.15
chr12	33638669	33639663	Sypl	ENSMUSG00000020570	410	0.27	0.28	0.12	0.18	0.26	0.16
chr12	71926455	71927018	Frmf6	ENSMUSG00000048285	235	0.24	0.09	0.11	0.18	0.22	0.11
chr12	109241987	109242560	Bcl11b	ENSMUSG00000048251	-461	0.13	0.12	0.12	0.12	0.12	0.11
chr12	32634104	32635229	Hbp1	ENSMUSG00000002996	-193	0.36	0.31	0.11	0.27	0.35	0.15
chr12	70328858	70329183	Pole2	ENSMUSG00000020974	157	0.06	0.08	0.11	0.17	0.08	0.13
chr12	28026051	28028326	Sox11	ENSMUSG00000063632	386	0.1	0.11	0.11	0.11	0.1	0.15
chr12	45429627	45430676	Nrcam	ENSMUSG00000020598	279	0.11	0.09	0.11	0.16	0.11	0.13
chr12	101425217	101425830	Gm10433	ENSMUSG00000072884	-655	0.14	0.2	0.18	0.2	0.12	0.2
chr12	4850019	4850239	BC068281	ENSMUSG00000051721	20	1	NA	0.25	0.5	1	0.48
chr12	8505779	8507252	Rhob	ENSMUSG00000054364	276	0.14	0.1	0.08	0.17	0.14	0.14
chr12	9581251	9581594	Osr1	ENSMUSG00000048387	174	0.11	NA	0.17	0.34	0.13	0.19
chr12	16817643	16818210	E2f6	ENSMUSG00000057469	155	0.11	0.35	0.16	0.12	0.11	0.12

chr12	17355107	17355461	Nof10	ENSMUSG00000061458	-1	0.12	0.06	0.07	0.13	0.07	0.09
chr12	17697436	17698342	Hpcal1	ENSMUSG00000071379	269	0.21	0.2	0.12	0.2	0.2	0.15
chr12	21291752	21292487	Itgb1bp1	ENSMUSG00000062352	-161	0.1	0.21	0.08	0.15	0.11	0.11
chr12	29360011	29360454	Adi1	ENSMUSG00000020629	136	0.08	0.08	0.07	0.06	0.1	0.09
chr12	31758760	31759237	Fam110c	ENSMUSG00000036136	165	0.1	0.23	0.13	0.21	0.1	0.21
chr12	32339479	32340143	Dus4l	ENSMUSG00000020648	-120	0.07	0.24	0.11	0.17	0.07	0.12
chr12	36219177	36219670	Ahr	ENSMUSG00000019256	-128	0.15	0.15	0.08	0.1	0.15	0.12
chr12	39505227	39505701	Etv1	ENSMUSG00000004151	-503	1	0.23	0.11	0.42	0.5	0.21
chr12	53198688	53198926	Nubpl	ENSMUSG00000035142	83	0.25	0.42	0.13	0.19	0.12	0.12
chr12	56593123	56593653	Nfkbia	ENSMUSG00000021025	246	0.1	0.08	0.07	0.11	0.11	0.13
chr12	57446464	57446884	Mbip	ENSMUSG00000021028	207	0.17	0.33	0.33	0.09	0.14	0.08
chr12	57792481	57792790	Pax9	ENSMUSG00000001497	-119	0.05	0.07	0.08	0.14	0.07	0.09
chr12	60162049	60162379	Trappc6b	ENSMUSG00000020993	234	0.1	0.09	0.08	0.1	0.11	0.14
chr12	66326680	66327007	Wdr20b	ENSMUSG00000035560	339	1	1	0.99	0.94	1	0.99
chr12	67384859	67385387	Rpl10l	ENSMUSG00000060499	265	0.97	0.97	0.97	1	0.97	0.98
chr12	70342744	70343215	Klhdc1	ENSMUSG00000051890	160	0.67	NA	0.13	0.15	1	0.3
chr12	70825466	70826193	L2hgdh	ENSMUSG00000020988	32	0.15	0.12	0.14	0.21	0.15	0.15
chr12	71447484	71448707	Trim9	ENSMUSG00000021071	506	0.15	0.35	0.15	0.15	0.14	0.21
chr12	72038723	72039144	Actr10	ENSMUSG00000021076	89	0.08	0.11	0.11	0.15	0.08	0.21
chr12	72410555	72411443	Dact1	ENSMUSG00000044548	128	0.16	0.12	0.11	0.15	0.16	0.14
chr12	73337454	73337954	Rtn1	ENSMUSG00000021087	-31	0.08	0.06	0.07	0.09	0.1	0.09
chr12	73637057	73637516	1810048J11Rik	ENSMUSG00000034501	-58	0.09	0.16	0.15	0.12	0.06	0.2
chr12	74040648	74041473	Six6	ENSMUSG00000021099	349	0.33	0.29	0.15	0.15	0.31	0.18
chr12	74646275	74647543	Tmem30b	ENSMUSG00000034435	473	0.08	0.12	0.13	0.18	0.08	0.15
chr12	80007796	80008147	Plek2	ENSMUSG00000021118	-20	0.1	0.14	0.06	0.11	0.1	0.08
chr12	80129995	80130548	Plekhh1	ENSMUSG00000060716	121	0.13	0.12	0.09	0.17	0.12	0.12
chr12	81564080	81564698	Exd2	ENSMUSG00000032705	307	0.17	0.3	0.13	0.22	0.17	0.19
chr12	82732244	82732938	Ttc9	ENSMUSG00000042734	235	0.09	0.11	0.08	0.18	0.1	0.16
chr12	84937779	84938385	Zfyve1	ENSMUSG00000042628	15	0.06	0.13	0.1	0.18	0.07	0.1
chr12	85328820	85329415	Acot2	ENSMUSG00000021226	306	0.15	1	0.12	0.64	0.14	0.14

chr12	85379384	85379901	Acot4	ENSMUSG00000052392	-15	0.5	0.17	0.14	0.11	0.23	0.15
chr12	85455191	85455549	Dnalc1	ENSMUSG00000042523	92	0.14	0.11	0.15	0.18	0.16	0.18
chr12	86113985	86114704	Npc2	ENSMUSG00000021242	-282	0.27	0.5	0.14	0.41	0.23	0.25
chr12	86813006	86813324	Fos	ENSMUSG00000021250	-1675	0.33	0.67	0.08	0.15	0.5	0.09
chr12	88330907	88331503	Zdhhc22	ENSMUSG00000048483	-1579	0.16	0.25	0.12	0.14	0.16	0.13
chr12	88640348	88641280	Ism2	ENSMUSG00000050671	-159	0.11	0.18	0.12	0.21	0.1	0.15
chr12	88784343	88784975	Alkbh1	ENSMUSG00000079036	117	0.13	0.2	0.11	0.24	0.15	0.14
chr12	92826676	92827066	Gtf2a1	ENSMUSG00000020962	1208	0.13	0.2	0.13	0.15	0.11	0.16
chr12	99866247	99866559	Spata7	ENSMUSG00000021007	36	0.11	NA	0.09	0.16	0.14	0.16
chr12	100801609	100802001	Gm16956	ENSMUSG00000085349	-246	0.13	0.08	0.11	0.14	0.13	0.14
chr12	103056970	103057514	Fbln5	ENSMUSG00000021186	23	0.24	1	0.18	0.3	0.23	0.14
chr12	103196088	103196622	Atxn3	ENSMUSG00000021189	3	0.12	0.13	0.1	0.15	0.07	0.18
chr12	103677811	103678106	Lgmn	ENSMUSG00000021190	65	0.11	0.09	0.06	0.1	0.09	0.18
chr12	104770383	104771044	Ppp4r4	ENSMUSG00000021209	-62	0.1	0.11	0.09	0.14	0.11	0.08
chr12	105712635	105712876	Gm10000	ENSMUSG00000056606	57	0.5	0.17	0.15	0.24	0.33	0.15
chr12	106247763	106248404	4831426119Rik	ENSMUSG00000054150	-64	0.2	0.3	0.16	0.18	0.2	0.12
chr12	109512526	109514792	Ccdc85c	ENSMUSG00000084883	-32	0.09	0.14	0.09	0.13	0.09	0.12
chr12	112215195	112215720	Ankrd9	ENSMUSG00000037904	1008	0.94	0.95	0.91	0.94	0.94	0.96
chr12	113826993	113827255	Inf2	ENSMUSG00000037679	129	0.14	0.19	0.09	0.12	0.11	0.12
chr12	114238077	114239147	Brf1	ENSMUSG00000011158	220	0.1	0.08	0.12	0.12	0.1	0.12
chr12	117316155	117316454	Vipr2	ENSMUSG00000011171	108	0.07	0.04	0.06	0.07	0.09	0.08
chr12	119436977	119437498	Dnahc11	ENSMUSG00000018581	279	0.1	0.13	0.06	0.09	0.1	0.1
chr12	4881034	4881264	Mfsd2b	ENSMUSG00000037336	2	NA	NA	0.08	0.11	0.06	0.1
chr12	9036727	9037309	Ttc32	ENSMUSG00000066637	215	NA	NA	0.04	0.2	NA	0.21
chr12	11156938	11157346	Kcns3	ENSMUSG00000043673	37	NA	0.38	0.1	0.23	0.2	0.14
chr12	11443248	11443546	Vsnl1	ENSMUSG00000054459	58	NA	NA	NA	1	NA	NA
chr12	11462566	11463051	Rad51ap2	ENSMUSG00000086022	-77	NA	NA	0.26	NA	0.33	0.26
chr12	12918802	12919130	Rpl36-ps3	ENSMUSG00000066629	174	NA	NA	0.97	1	NA	0.97
chr12	14158613	14159159	Fam84a	ENSMUSG00000020607	-42	NA	NA	0.19	1	0.2	0.1
chr12	22323811	22324511	Gm9285	ENSMUSG00000092378	249	NA	NA	0.83	1	NA	NA

chr12	23377291	23378410	Gm17391	ENSMUSG00000090923	-3	1	1	0.56	0.71	NA	0.29
chr12	23533719	23534530	Gm20533	ENSMUSG00000090370	190	NA	1	0.86	0.94	1	NA
chr12	23979043	23979854	Gm10476	ENSMUSG00000078374	-98	NA	NA	0.81	NA	0.38	NA
chr12	24111634	24112334	Gm4437	ENSMUSG00000092445	250	1	NA	1	1	NA	1
chr12	25183420	25183710	Taf1b	ENSMUSG00000059669	119	NA	0.43	0.1	0.18	0.14	0.12
chr12	25780779	25781392	Id2	ENSMUSG00000020644	-128	NA	0.14	0.11	0.14	0.09	0.11
chr12	29435068	29435389	Ttc15	ENSMUSG00000020628	90	NA	0.07	0.15	0.17	0.06	0.19
chr12	29436656	29436898	Tssc1	ENSMUSG00000036613	84	NA	0.83	0.11	0.12	0.17	0.19
chr12	31269256	31269612	Tmem18	ENSMUSG00000043061	126	NA	NA	0.14	0.23	0.34	0.17
chr12	31596340	31597158	Acp1	ENSMUSG00000044573	-272	1	NA	NA	NA	NA	1
chr12	40860658	40860863	Scin	ENSMUSG00000002565	10	NA	0.33	0.14	0.21	0.24	0.23
chr12	41750724	41751056	Immp2l	ENSMUSG00000056899	-26	NA	0.52	0.09	0.08	0.08	0.18
chr12	52478333	52478609	Scfd1	ENSMUSG00000020952	-96	NA	0.08	0.08	0.06	0.22	0.13
chr12	53107328	53107570	6530401N04Rik	ENSMUSG00000020956	39	0.24	0.15	0.07	0.08	NA	0.18
chr12	55896239	55896687	Snx6	ENSMUSG00000005656	227	NA	1	NA	NA	NA	0.5
chr12	56180995	56181822	2700097O09Rik	ENSMUSG00000062198	-313	1	0.2	0.11	0.17	NA	0.13
chr12	56403590	56404115	1110008L16Rik	ENSMUSG00000021023	228	NA	NA	0.14	0.12	NA	0.14
chr12	57797481	57798268	Pax9	ENSMUSG00000001497	1158	NA	0.24	0.18	0.24	0.26	0.15
chr12	59314460	59314770	Sstr1	ENSMUSG00000035431	1824	NA	0.54	0.17	0.18	0.25	0.21
chr12	70259606	70260278	Rps29	ENSMUSG00000034892	99	NA	NA	NA	1	NA	NA
chr12	70269481	70270154	Lrr1	ENSMUSG00000034883	16	NA	0.56	0.17	0.27	NA	0.18
chr12	72212358	72212644	Tomm20l	ENSMUSG00000021078	86	NA	0.67	0.28	NA	1	1
chr12	76770320	76770885	Wdr89	ENSMUSG00000045690	-113	NA	0.62	0.12	0.16	0.29	0.11
chr12	77253494	77253749	Gm7862	ENSMUSG00000046580	-7	NA	1	NA	NA	NA	1
chr12	77866436	77866673	Churc1	ENSMUSG00000090258	29	NA	0.11	0.13	0.27	0.29	0.17
chr12	77938874	77938814	Fntb	ENSMUSG00000033373	193	NA	0.19	0.09	0.23	0.23	0.1
chr12	82633326	82633914	Gm20498	ENSMUSG00000021139	128	NA	1	0.11	0.07	0.27	0.16
chr12	82695928	82696242	Med6	ENSMUSG00000002679	-140	NA	0.22	0.1	0.08	0.05	0.14
chr12	84861300	84861726	Dcaf4	ENSMUSG00000021222	97	NA	0.38	0.13	0.17	0.06	0.28
chr12	85791644	85791979	Aldh6a1	ENSMUSG00000021238	89	NA	0.25	0.11	0.17	1	0.19

chr12	85958192	85958439	Abcd4	ENSMUSG00000021240	48	NA	0.11	0.11	0.13	0.24	0.12
chr12	86621152	86621424	Acyp1	ENSMUSG00000008822	-32	0.5	1	0.16	0.06	NA	0.26
chr12	86629528	86629743	Fam164c	ENSMUSG00000045064	94	NA	NA	0.16	0.33	NA	0.24
chr12	88019400	88020130	Vash1	ENSMUSG00000021256	115	0.95	0.4	0.06	0.11	NA	0.19
chr12	88288820	88289030	2310044G17Rik	ENSMUSG000000034157	561	NA	0.2	0.11	0.11	0.23	0.16
chr12	88443063	88443537	Ngb	ENSMUSG00000021032	0	NA	0.3	0.12	0.26	0.12	0.14
chr12	88607557	88607855	Ahsa1	ENSMUSG00000021037	10	NA	NA	0.07	1	NA	NA
chr12	88812822	88813319	Snw1	ENSMUSG00000021039	179	NA	0.5	0.23	0.18	0.11	0.16
chr12	93087254	93087488	Sel1l	ENSMUSG00000020964	198	NA	NA	0.09	0.12	0.1	0.12
chr12	101121469	101121809	2610021K21Rik	ENSMUSG00000021176	13	NA	NA	NA	NA	1	NA
chr12	102146258	102146461	Gpr68	ENSMUSG000000047415	32	NA	0.33	0.11	0.33	0.75	0.17
chr12	103150797	103151518	Trip11	ENSMUSG00000021188	176	NA	0.12	0.13	0.14	0.08	0.15
chr12	109940058	109940808	Degs2	ENSMUSG00000021263	83	NA	1	0.23	0.15	NA	0.25
chr12	111933936	111935020	Hsp90aa1	ENSMUSG00000021270	-317	NA	0.08	0.12	0.17	0.1	0.13
chr12	112082042	112082289	Gm17712	ENSMUSG00000092102	1261	NA	0.18	0.15	0.2	0.25	0.2
chr12	112083109	112083313	Gm17712	ENSMUSG00000092102	215	NA	0.5	0.08	0.63	NA	0.28
chr12	112667800	112668007	Gm10425	ENSMUSG00000072830	1254	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr12	112916071	112916508	Trmt61a	ENSMUSG00000060950	-27	0.08	1	0.12	0.15	NA	0.13
chr12	113858114	113858591	Adssl1	ENSMUSG00000011148	94	NA	1	0.13	0.5	0.5	0.21
chr12	114214625	114215189	Btbd6	ENSMUSG00000002803	214	NA	0.25	0.15	0.14	0.16	0.16
chr12	114390141	114390448	Crip1	ENSMUSG00000006360	71	NA	0.27	0.08	0.11	NA	0.17
chr12	120476259	120476575	Itgb8	ENSMUSG00000025321	826	0.5	0.5	0.15	0.21	NA	0.08
chr13	91363398	91363894	Atg10	ENSMUSG00000021619	-54	0.74	0.2	0.11	0.18	0.15	0.14
chr13	35085601	35086025	Eci2	ENSMUSG00000021417	178	0.39	0.19	0.14	0.18	0.08	0.13
chr13	55614142	55614896	Pdlim7	ENSMUSG00000021493	263	0.12	0.07	0.11	0.15	0.61	0.11
chr13	113590889	113591617	Ppap2a	ENSMUSG00000021759	151	0.39	0.18	0.1	0.19	0.11	0.15
chr13	23775464	23776455	Hist1h2ac	ENSMUSG00000069270	-142	0.13	1	0.06	0.06	1	0.11
chr13	78337499	78339015	Gm8327	ENSMUSG00000086982	-742	0.42	0.27	0.11	0.15	0.19	0.13
chr13	101321587	101322794	Ocln	ENSMUSG00000021638	225	0.35	0.22	0.14	0.23	0.09	0.18
chr13	59657998	59659065	Agtppb1	ENSMUSG00000021557	-251	0.17	0.14	0.11	0.14	0.06	0.14

chr13	56236114	56237144	H2afy	ENSMUSG00000015937	-443	0.21	0.17	0.12	0.12	0.09	0.13
chr13	51195786	51196957	Spin1	ENSMUSG00000021395	104	0.18	0.2	0.08	0.19	0.07	0.12
chr13	58909273	58910130	Ntrk2	ENSMUSG00000055254	-351	0.68	1	0.08	0.11	0.13	0.13
chr13	52678199	52678934	Syk	ENSMUSG00000021457	24	0.25	0.14	0.12	0.2	0.12	0.17
chr13	47024717	47025984	Kif13a	ENSMUSG00000021375	-263	0.32	0.29	0.14	0.16	0.13	0.18
chr13	47217888	47218564	Rnf144b	ENSMUSG00000038068	137	1	0.14	0.13	0.17	0.05	0.11
chr13	34129439	34129754	Bphl	ENSMUSG00000038286	94	0.31	0.16	0.07	0.15	0.07	0.09
chr13	73901020	73901414	Slc12a7	ENSMUSG00000017756	72	0.66	0.14	0.15	0.19	0.32	0.18
chr13	96094929	96095587	Zbed3	ENSMUSG00000041995	66	0.69	0.55	0.11	0.14	0.15	0.16
chr13	3536822	3537842	Gdi2	ENSMUSG00000021218	11	0.41	0.14	0.08	0.18	0.07	0.2
chr13	24730603	24730818	Fam65b	ENSMUSG00000036006	128	0.33	0.08	0.11	0.12	0.05	0.13
chr13	53380723	53381675	Ror2	ENSMUSG00000021464	-281	0.35	0.16	0.1	0.12	0.16	0.12
chr13	94268218	94269744	Jmy	ENSMUSG00000021690	663	0.17	0.19	0.1	0.18	0.09	0.13
chr13	41345026	41345854	BC024659	ENSMUSG00000091264	211	0.28	0.19	0.1	0.17	0.09	0.11
chr13	112476018	112477969	Mier3	ENSMUSG00000032727	607	0.17	0.13	0.12	0.14	0.09	0.15
chr13	75844694	75846067	Eil2	ENSMUSG00000001542	448	0.2	0.16	0.09	0.16	0.05	0.17
chr13	60703122	60704014	Dapk1	ENSMUSG00000021559	260	0.27	0.2	0.09	0.14	0.1	0.13
chr13	37917782	37919735	Rreb1	ENSMUSG00000039087	914	0.18	0.14	0.12	0.21	0.11	0.19
chr13	31899051	31900642	Foxc1	ENSMUSG00000050295	1331	0.28	0.13	0.13	0.19	0.14	0.14
chr13	13682515	13683271	Lyst	ENSMUSG00000019726	217	0.6	0.28	0.14	0.17	0.21	0.11
chr13	54794940	54795760	Rnf44	ENSMUSG00000034928	-177	0.28	0.14	0.1	0.15	0.1	0.16
chr13	107737078	107737618	Dimt1	ENSMUSG00000021692	139	0.69	0.38	0.17	0.23	0.21	0.23
chr13	38296697	38297272	Snrnp48	ENSMUSG00000021431	176	0.2	0.06	0.14	0.17	0.06	0.18
chr13	91599989	91601824	Ssbp2	ENSMUSG00000003992	251	0.17	0.12	0.1	0.14	0.09	0.16
chr13	54850674	54851396	Gprin1	ENSMUSG00000069227	-5	0.21	0.11	0.09	0.15	0.09	0.12
chr13	51662360	51663105	Shc3	ENSMUSG00000021448	-279	0.21	0.2	0.1	0.15	0.08	0.12
chr13	90229140	90229637	Xrcc4	ENSMUSG00000021615	-247	0.32	0.38	0.09	0.16	0.06	0.13
chr13	107811763	107812795	Kif2a	ENSMUSG00000021693	-450	0.32	0.23	0.13	0.15	0.16	0.18
chr13	51941026	51943111	Gadd45g	ENSMUSG00000021453	21	0.43	0.17	0.11	0.14	0.2	0.2
chr13	23852719	23854216	Hist1h4a	ENSMUSG00000060093	-368	0.33	0.28	0.09	0.11	0.12	0.13

chr13	117099768	117100473	Isl1	ENSMUSG00000042258	-238	0.23	0.25	0.1	0.16	0.08	0.12
chr13	104123960	104124996	Mast4	ENSMUSG00000034751	-206	0.14	0.12	0.15	0.15	0.28	0.14
chr13	100670409	100670850	Cartpt	ENSMUSG00000021647	9	0.33	0.07	0.07	0.17	0.05	0.17
chr13	5860297	5861148	Klf6	ENSMUSG00000000078	-13	0.24	0.14	0.11	0.24	0.06	0.17
chr13	38128729	38129440	Cage1	ENSMUSG00000044566	-292	0.3	0.12	0.11	0.12	0.09	0.17
chr13	96387941	96388753	F2r	ENSMUSG00000048376	67	0.1	0.13	0.14	0.23	0.39	0.09
chr13	53567658	53568268	Msx2	ENSMUSG00000021469	480	0.24	0.08	0.08	0.16	0.06	0.14
chr13	55546015	55547136	Grk6	ENSMUSG00000074886	-120	0.13	0.14	0.12	0.15	0.24	0.17
chr13	113777684	113778530	Ccno	ENSMUSG00000042417	97	0.2	0.13	0.1	0.12	0.09	0.1
chr13	34169557	34170021	Tubb2a	ENSMUSG00000058672	88	0.28	0.31	0.08	0.11	0.1	0.13
chr13	41315524	41315762	Elovl2	ENSMUSG00000021364	-112	0.16	0.22	0.16	0.19	0.29	0.17
chr13	64375224	64376927	Cdc14b	ENSMUSG00000033102	112	0.16	0.21	0.1	0.16	0.28	0.17
chr13	23460763	23461286	Zfp322a	ENSMUSG00000046351	-155	0.36	0.57	0.11	0.19	0.07	0.11
chr13	110692707	110693566	Pde4d	ENSMUSG00000021699	-174	0.09	0.18	0.1	0.18	0.21	0.17
chr13	17895176	17897641	Cdk13	ENSMUSG00000041297	523	0.16	0.11	0.1	0.18	0.11	0.12
chr13	36209194	36209870	Lym4	ENSMUSG00000046573	-306	0.67	0.32	0.11	0.26	0.25	0.23
chr13	55431274	55431693	Mxd3	ENSMUSG00000021485	-364	0.07	0.06	0.08	0.18	0.22	0.12
chr13	73604598	73605126	Lpcat1	ENSMUSG00000021608	217	1	0.29	0.11	1	0.22	0.2
chr13	18035551	18036291	Rala	ENSMUSG00000008859	152	0.18	0.22	0.1	0.21	0.09	0.14
chr13	39052118	39052615	Slc35b3	ENSMUSG00000021432	40	0.3	0.29	0.06	0.08	0.13	0.1
chr13	97694452	97695401	Gcnt4	ENSMUSG00000091387	282	0.38	0.31	0.12	0.15	0.15	0.15
chr13	34743820	34745079	1300014106Rik	ENSMUSG00000021411	91	0.18	0.15	0.09	0.12	0.11	0.17
chr13	101602930	101603508	Slc30a5	ENSMUSG00000021629	76	0.33	0.32	0.19	0.18	0.12	0.15
chr13	51888129	51889072	Sema4d	ENSMUSG00000021451	433	0.32	0.31	0.11	0.18	0.23	0.16
chr13	45602755	45603138	Gmpr	ENSMUSG00000000253	133	0.31	0.21	0.14	0.22	0.15	0.16
chr13	45484833	45485816	Mylip	ENSMUSG00000038175	213	0.18	0.22	0.13	0.16	0.07	0.12
chr13	22098666	22099126	Prss16	ENSMUSG00000006179	-612	0.19	0.3	0.22	0.3	0.08	0.22
chr13	54867224	54867750	Sncb	ENSMUSG00000034891	-29	0.4	0.14	0.2	0.22	0.19	0.21
chr13	12612437	12612790	Edaradd	ENSMUSG00000039309	66	0.24	NA	0.11	0.15	0.05	0.16
chr13	36826933	36827155	Nrn1	ENSMUSG00000039114	-698	0.17	0.09	0.09	0.13	0.04	0.14

chr13	47138552	47139373	Tpmt	ENSMUSG00000021376	-383	0.1	0.09	0.08	0.1	0.06	0.12
chr13	43493582	43494202	Nol7	ENSMUSG00000063200	147	0.28	0.25	0.11	0.15	0.14	0.13
chr13	34027417	34027713	1110046J04Rik	ENSMUSG00000085457	-124	0.82	1	0.46	0.31	0.42	0.41
chr13	29043615	29045334	Sox4	ENSMUSG00000076431	416	0.17	0.11	0.14	0.17	0.1	0.15
chr13	44825029	44826728	Jarid2	ENSMUSG00000038518	714	0.25	0.16	0.12	0.12	0.18	0.17
chr13	118391090	118391743	Hcn1	ENSMUSG00000021730	129	0.24	0.37	0.12	0.19	0.1	0.15
chr13	9092685	9093517	Larp4b	ENSMUSG00000033499	-50	0.31	0.34	0.11	0.16	0.15	0.16
chr13	25147743	25148363	Dcdc2a	ENSMUSG00000035910	180	0.12	0.14	0.11	0.12	0.06	0.19
chr13	54890434	54891384	Tspan17	ENSMUSG00000025875	171	0.25	0.1	0.11	0.11	0.15	0.09
chr13	67033636	67034456	Mterfd1	ENSMUSG00000021519	-402	0.26	0.2	0.14	0.15	0.16	0.18
chr13	60277198	60278952	Gas1	ENSMUSG00000052957	553	0.16	0.12	0.11	0.13	0.11	0.12
chr13	40825532	40827213	Tfap2a	ENSMUSG00000021359	-585	0.16	0.21	0.1	0.13	0.08	0.15
chr13	49062700	49063978	Fam120a	ENSMUSG00000038014	47	0.13	0.12	0.07	0.1	0.09	0.09
chr13	54167087	54167681	Sfxn1	ENSMUSG00000021474	170	0.09	0.04	0.08	0.15	0.05	0.08
chr13	53472563	53472863	Sptlc1	ENSMUSG00000021468	21	0.16	0.15	0.09	0.13	0.08	0.11
chr13	55253991	55254628	Fgfr4	ENSMUSG0000005320	308	0.19	0.14	0.13	0.14	0.11	0.15
chr13	69749803	69751148	Srd5a1	ENSMUSG00000021594	-277	0.1	0.11	0.09	0.16	0.27	0.2
chr13	95558772	95559328	Tbca	ENSMUSG00000042043	152	0.16	0.12	0.07	0.17	0.07	0.15
chr13	95746202	95746542	Wdr41	ENSMUSG00000042015	73	0.25	NA	0.04	0.06	0.03	0.09
chr13	81024689	81025672	1700023H06Rik	ENSMUSG00000089827	-395	0.27	0.12	0.12	0.14	0.18	0.15
chr13	12742097	12743040	Gpr137b-ps	ENSMUSG00000075118	-4	0.28	0.19	0.08	0.14	0.14	0.13
chr13	54712359	54712839	Cltb	ENSMUSG00000047547	54	0.14	0.09	0.1	0.18	0.09	0.13
chr13	113717514	113718170	Skiv2l2	ENSMUSG00000016018	-254	0.19	0.27	0.1	0.14	0.08	0.13
chr13	91881044	91881300	Acot12	ENSMUSG00000021620	55	0.13	0.09	0.13	0.14	0.24	0.12
chr13	15554666	15556331	Gli3	ENSMUSG00000021318	430	0.2	0.14	0.1	0.21	0.14	0.14
chr13	59923886	59924728	Zcchc6	ENSMUSG00000035248	201	0.14	0.12	0.1	0.19	0.09	0.11
chr13	84361650	84361957	A230107N01Rik	ENSMUSG00000092067	-23	0.23	0.15	0.14	0.22	0.48	0.17
chr13	102464452	102464693	Pik3r1	ENSMUSG00000041417	-226	0.11	0.56	0.15	0.18	0.22	0.17
chr13	102537208	102538471	Pik3r1	ENSMUSG00000041417	333	0.09	0.09	0.11	0.17	0.14	0.14
chr13	115879904	115880542	Pelo	ENSMUSG00000042275	173	0.33	0.22	0.1	0.21	0.21	0.19

chr13	47201015	47202072	Dek	ENSMUSG00000021377	-345	0.15	0.12	0.11	0.18	0.09	0.12
chr13	59686518	59687230	Agtpbp1	ENSMUSG00000021557	-302	0.11	0.12	0.1	0.13	0.08	0.11
chr13	55931958	55932846	Pitx1	ENSMUSG00000021506	384	0.15	0.15	0.1	0.16	0.09	0.16
chr13	19487324	19487826	Stard3nl	ENSMUSG0000003062	46	0.47	0.18	0.08	0.16	0.25	0.1
chr13	67914780	67915035	Zfp273	ENSMUSG00000030446	154	0.29	0.25	0.08	0.24	0.06	0.09
chr13	97312828	97313372	Col4a3bp	ENSMUSG00000021669	410	0.17	0.14	0.1	0.13	0.09	0.12
chr13	36060125	36061434	Ppp1r3g	ENSMUSG00000050423	1057	0.15	0.29	0.11	0.21	0.22	0.14
chr13	74258560	74258973	Slc9a3	ENSMUSG00000036123	-197	0.18	0.18	0.1	0.2	0.08	0.13
chr13	77274297	77274884	Ankrd32	ENSMUSG00000021597	109	0.4	0.2	0.12	0.16	0.14	0.15
chr13	32430128	32430676	Gmrs	ENSMUSG00000038372	81	0.21	0.12	0.1	0.14	0.1	0.11
chr13	53075555	53077209	Nfil3	ENSMUSG00000056749	60	0.15	0.11	0.11	0.14	0.09	0.12
chr13	56804217	56805303	Smad5	ENSMUSG00000021540	389	0.22	0.07	0.1	0.15	0.14	0.12
chr13	43398628	43399816	Gfod1	ENSMUSG00000051335	319	0.15	0.2	0.1	0.13	0.1	0.12
chr13	43655010	43655678	Ccdc90a	ENSMUSG00000021371	151	0.19	0.15	0.1	0.17	0.14	0.14
chr13	34093984	34094830	Ripk1	ENSMUSG00000021408	175	0.22	0.22	0.11	0.12	0.13	0.13
chr13	23653786	23654392	Hist1h3e	ENSMUSG00000069273	149	0.44	1	0.31	0.4	0.22	0.2
chr13	96661521	96662072	Iqgap2	ENSMUSG00000021676	81	0.11	0.13	0.07	0.11	0.06	0.1
chr13	30228190	30228649	Mboat1	ENSMUSG00000038732	52	0.2	0.54	0.15	0.18	0.11	0.13
chr13	45173919	45174487	Gm9817	ENSMUSG00000047061	142	0.86	0.87	0.48	0.61	0.56	0.43
chr13	118009371	118009991	Emb	ENSMUSG00000021728	249	0.09	0.14	0.11	0.12	0.18	0.12
chr13	55794277	55795078	B230219D22Rik	ENSMUSG00000045767	192	0.17	0.1	0.1	0.11	0.11	0.1
chr13	65380022	65380370	Zfp369	ENSMUSG00000021514	74	0.11	0.38	0.18	0.19	0.2	0.17
chr13	115608362	115608679	Mocs2	ENSMUSG00000015536	68	0.56	0.45	0.16	0.31	0.34	0.18
chr13	32893664	32895052	Wrnip1	ENSMUSG00000021400	451	0.17	0.15	0.09	0.13	0.09	0.11
chr13	34222198	34222425	Tubb2b	ENSMUSG00000045136	-88	0.11	0.33	0.1	0.23	0.23	0.23
chr13	64263056	64263717	Habp4	ENSMUSG00000021476	212	0.11	0.1	0.12	0.14	0.15	0.18
chr13	94541669	94542111	Arsb	ENSMUSG00000042082	213	0.15	0.1	0.12	0.08	0.08	0.11
chr13	48356409	48357836	Id4	ENSMUSG00000021379	326	0.07	0.14	0.1	0.16	0.11	0.13
chr13	97312238	97312580	Polk	ENSMUSG00000021668	31	0.18	0.09	0.11	0.13	0.05	0.12
chr13	109004384	109005223	Elovl7	ENSMUSG00000021696	205	0.08	0.11	0.11	0.12	0.14	0.13

chr13	8870023	8870717	Wdr37	ENSMUSG00000021147	-145	0.24	0.8	0.17	0.29	0.38	0.19
chr13	19040241	19040896	Amph	ENSMUSG00000021314	328	0.19	0.17	0.1	0.22	0.11	0.11
chr13	54723013	54723567	Faf2	ENSMUSG00000025873	145	0.08	0.17	0.11	0.24	0.15	0.19
chr13	73468405	73469006	Mrpl36	ENSMUSG00000021607	248	0.2	0.43	0.23	0.28	0.6	0.32
chr13	100873649	100874123	Bdp1	ENSMUSG00000049658	-93	0.1	0.16	0.1	0.13	0.04	0.13
chr13	101386470	101386971	Marveld2	ENSMUSG00000021636	146	0.16	0.14	0.11	0.26	0.09	0.19
chr13	12198201	12199293	Ryr2	ENSMUSG00000021313	465	0.15	0.15	0.1	0.16	0.25	0.13
chr13	41174698	41175129	Mak	ENSMUSG00000021363	162	0.25	0.17	0.13	0.13	0.06	0.15
chr13	43266652	43267156	Tbc1d7	ENSMUSG00000021368	-176	0.23	0.18	0.11	0.19	0.14	0.17
chr13	73984330	73985146	Nkd2	ENSMUSG00000021567	322	0.3	0.39	0.22	0.29	0.18	0.18
chr13	23515373	23515795	Abt1	ENSMUSG00000036376	151	0.28	0.35	0.1	0.09	0.43	0.09
chr13	54676322	54676835	Arl10	ENSMUSG00000025870	202	0.41	0.14	0.11	0.15	0.25	0.09
chr13	55422923	55423699	Rab24	ENSMUSG00000034789	30	0.33	0.25	0.16	0.18	0.19	0.17
chr13	9763038	9764596	Zmynd11	ENSMUSG00000021156	-153	0.14	0.22	0.13	0.14	0.11	0.12
chr13	52625730	52626172	Diras2	ENSMUSG00000047842	254	0.27	0.13	0.05	0.21	0.1	0.11
chr13	54788435	54789722	Rnf44	ENSMUSG00000034928	-464	0.19	0.32	0.11	0.13	0.26	0.17
chr13	55206544	55207076	Zfp346	ENSMUSG00000021481	138	0.1	0.23	0.07	0.13	0.17	0.12
chr13	85428122	85429280	Rasa1	ENSMUSG00000021549	-67	0.17	0.12	0.11	0.12	0.13	0.14
chr13	93614661	93615053	Mtx3	ENSMUSG00000021704	115	0.22	0.38	0.35	1	0.51	0.51
chr13	120217183	120218521	Paip1	ENSMUSG00000025451	444	0.12	0.14	0.13	0.18	0.15	0.18
chr13	41096309	41096846	Pak1ip1	ENSMUSG00000038683	185	0.29	0.32	0.12	0.18	0.21	0.18
chr13	99660793	99661192	Tnpo1	ENSMUSG00000009470	5	0.57	0.55	0.2	0.19	0.33	0.12
chr13	45096982	45097600	Dtnbp1	ENSMUSG00000057531	218	0.11	0.28	0.08	0.15	0.19	0.13
chr13	56397241	56398004	Cxcl14	ENSMUSG00000021508	44	0.06	0.15	0.08	0.16	0.11	0.1
chr13	51740245	51741130	Cks2	ENSMUSG00000062248	86	0.25	0.09	0.11	0.21	0.15	0.18
chr13	58228636	58230836	Hnrmpa0	ENSMUSG00000007836	181	0.13	0.17	0.1	0.15	0.15	0.14
chr13	74487355	74487812	Sdha	ENSMUSG00000021577	22	0.14	0.15	0.14	0.21	0.03	0.17
chr13	93380554	93381469	Serinc5	ENSMUSG00000021703	-82	0.35	0.38	0.16	0.21	0.24	0.17
chr13	14046246	14047484	B3galnt2	ENSMUSG00000039242	-76	0.6	0.6	0.11	0.21	0.43	0.19
chr13	51746908	51747407	Secisbp2	ENSMUSG00000035139	91	0.33	0.11	0.12	0.06	0.1	0.16

chr13	54569874	54570313	Thoc3	ENSMUSG00000025872	56	0.08	0.27	0.1	0.15	0.2	0.1
chr13	51298010	51298416	Hist1h2al	ENSMUSG00000091383	221	0.15	0.06	0.09	0.06	0.12	0.13
chr13	73465699	73466056	Ndufs6	ENSMUSG00000021606	23	0.27	0.36	0.1	0.18	0.12	0.07
chr13	55937380	55937719	Pitx1	ENSMUSG00000021506	4	0.12	0.12	0.13	0.15	0.08	0.25
chr13	77847897	77848232	Fam172a	ENSMUSG00000064138	113	0.2	0.11	0.05	0.08	1	0.07
chr13	54666344	54666812	4833439L19Rik	ENSMUSG00000025871	74	0.22	0.22	0.11	0.17	0.12	0.18
chr13	83662647	83662956	Mef2c	ENSMUSG00000005583	-1175	0.16	0.12	0.07	0.15	0.07	0.15
chr13	17786406	17787600	5033411D12Rik	ENSMUSG00000055137	-437	0.13	0.13	0.2	0.2	0.17	0.17
chr13	21271847	21273017	Trim27	ENSMUSG00000021326	350	0.16	0.25	0.16	0.19	0.2	0.15
chr13	100284885	100286650	Mtap1b	ENSMUSG00000052727	790	0.15	0.27	0.11	0.13	0.21	0.12
chr13	3892695	3892928	Net1	ENSMUSG00000021215	13	0.17	0.13	0.09	0.18	0.48	0.19
chr13	95643621	95643879	Otp	ENSMUSG00000021685	-1832	0.12	0.07	0.09	0.16	0.08	0.11
chr13	97967980	97968435	Hexb	ENSMUSG00000021665	105	0.08	0.16	0.09	0.14	0.05	0.09
chr13	48720568	48721376	Ptpdc1	ENSMUSG00000038042	-19	0.11	0.14	0.09	0.17	0.08	0.09
chr13	23713966	23714512	Hist1h1e	ENSMUSG00000051627	132	0.33	0.13	0.11	0.11	0.11	0.22
chr13	31898060	31898860	Foxc1	ENSMUSG00000050295	-55	0.12	0.32	0.14	0.16	0.08	0.14
chr13	38242982	38243818	Dsp	ENSMUSG00000054889	203	0.2	0.13	0.17	0.18	0.28	0.12
chr13	38436931	38438624	Bmp6	ENSMUSG00000039004	782	0.2	0.3	0.11	0.12	0.15	0.16
chr13	49436464	49437312	Bicd2	ENSMUSG00000037933	-30	0.25	0.29	0.1	0.05	0.08	0.14
chr13	58008842	58009812	Spock1	ENSMUSG00000056222	-379	0.32	0.22	0.08	0.15	0.25	0.11
chr13	74074792	74075485	Trip13	ENSMUSG00000021569	77	0.11	0.3	0.1	0.13	0.16	0.12
chr13	40799318	40799560	Gm9979	ENSMUSG00000055732	65	0.19	0.18	0.11	0.12	0.1	0.14
chr13	46822180	46823581	Nup153	ENSMUSG00000021374	338	0.2	0.13	0.09	0.15	0.17	0.13
chr13	49241879	49243535	Wnk2	ENSMUSG00000037989	-106	0.16	0.17	0.1	0.14	0.13	0.13
chr13	22073058	22073640	Pom121l2	ENSMUSG00000016982	286	0.8	0.3	0.1	1	0.46	0.25
chr13	35832554	35834248	Cdyl	ENSMUSG00000059288	130	0.17	0.16	0.1	0.15	0.15	0.16
chr13	58374710	58376214	Gkap1	ENSMUSG00000021552	87	0.11	0.07	0.07	0.12	0.08	0.12
chr13	63664548	63667490	Ptch1	ENSMUSG00000021466	-385	0.1	0.11	0.12	0.12	0.11	0.13
chr13	30075782	30078056	E2f3	ENSMUSG00000016477	-831	0.24	0.22	0.11	0.15	0.21	0.18
chr13	95992354	95993031	Pde8b	ENSMUSG00000021684	76	0.19	0.17	0.09	0.16	0.13	0.12

chr13	101439673	101439907	Ccdc125	ENSMUSG00000048924	354	0.11	0.08	0.06	0.12	0.05	0.1
chr13	114407510	114408956	Snx18	ENSMUSG00000042364	520	0.25	0.2	0.18	0.21	0.28	0.19
chr13	23662655	23663640	Hist1h2ae	ENSMUSG00000069272	-58	0.67	0.25	NA	NA	1	1
chr13	76521537	76522723	Mctp1	ENSMUSG00000021596	147	0.11	0.18	0.13	0.17	0.14	0.15
chr13	25111816	25112308	Mrs2	ENSMUSG00000021339	186	0.09	0.1	0.1	0.1	0.07	0.12
chr13	59870674	59871770	Isca1	ENSMUSG00000044792	-85	0.27	0.13	0.1	0.16	0.23	0.19
chr13	99695696	99696781	Tnpo1	ENSMUSG00000009470	101	0.18	0.26	0.12	0.16	0.2	0.1
chr13	120251442	120251926	4833420G17Rik	ENSMUSG00000062822	118	1	1	0.19	0.23	0.43	0.36
chr13	24923271	24924064	Acot13	ENSMUSG00000006717	-281	0.08	0.13	0.15	0.09	0.07	0.12
chr13	31065616	31066005	Exoc2	ENSMUSG00000021357	106	0.1	0.07	0.09	0.11	0.06	0.09
chr13	31649692	31651967	Foxq1	ENSMUSG00000038415	790	0.12	0.2	0.11	0.14	0.1	0.13
chr13	93300390	93301350	Zfyve16	ENSMUSG00000021706	-47	0.13	0.08	0.09	0.13	0.1	0.12
chr13	3633190	3633662	Asb13	ENSMUSG00000033781	148	0.22	0.15	0.13	0.12	0.17	0.17
chr13	41700816	41701895	Tmem170b	ENSMUSG00000087370	-230	0.08	0.09	0.08	0.18	0.07	0.15
chr13	76080633	76081431	Rhobtb3	ENSMUSG00000021589	283	0.13	0.1	0.09	0.13	0.1	0.09
chr13	93195808	93196997	Ankrd34b	ENSMUSG00000045034	551	0.13	0.17	0.1	0.13	0.16	0.12
chr13	97841189	97842282	Fam169a	ENSMUSG00000041817	137	0.24	0.16	0.11	0.08	0.2	0.12
chr13	13876248	13877211	Gng4	ENSMUSG00000021303	403	0.13	0.12	0.11	0.16	0.15	0.12
chr13	70776195	70776783	BC018507	ENSMUSG00000034525	23	0.11	0.11	0.08	0.15	0.07	0.14
chr13	35997959	35998188	Rpp40	ENSMUSG00000021418	124	0.17	0.25	0.3	0.11	1	0.11
chr13	24372289	24373267	Lrrc16a	ENSMUSG00000021338	-423	0.11	0.11	0.11	0.13	0.08	0.16
chr13	101420883	101421746	Rad17	ENSMUSG00000021635	-300	0.11	0.11	0.08	0.13	0.13	0.1
chr13	74397388	74397686	Ahrr	ENSMUSG00000021575	583	0.12	0.28	0.16	0.15	0.23	0.14
chr13	108948351	108949194	Ndufaf2	ENSMUSG00000068184	13	0.16	0.22	0.1	0.16	0.13	0.15
chr13	115247477	115247754	Fst	ENSMUSG00000021765	1323	0.15	0.12	0.11	0.13	0.1	0.16
chr13	117813195	117814735	Parp8	ENSMUSG00000021725	358	0.1	0.09	0.11	0.12	0.08	0.11
chr13	56352704	56353897	Neurog1	ENSMUSG00000048904	224	0.18	0.15	0.13	0.16	0.16	0.15
chr13	86185882	86186500	Cox7c	ENSMUSG00000017778	-239	0.08	0.06	0.1	0.16	0.13	0.14
chr13	94073481	94074592	Homer1	ENSMUSG00000007617	324	0.15	0.14	0.09	0.13	0.12	0.16
chr13	114584363	114585168	Arl15	ENSMUSG00000042348	52	0.07	0.09	0.08	0.12	0.1	0.13

chr13	8995031	8995665	Gtpbp4	ENSMUSG00000021149	-85	0.33	0.18	0.1	0.13	0.24	0.15
chr13	14131653	14132051	Tbce	ENSMUSG00000039233	-6	1	0.16	0.14	0.35	0.22	0.14
chr13	120197593	120197945	Nnt	ENSMUSG00000025453	35	0.33	0.33	0.13	0.08	0.26	0.13
chr13	99086571	99087128	Btf3	ENSMUSG00000021660	73	0.29	0.1	0.1	0.22	0.37	0.2
chr13	101261972	101262609	Gtf2h2	ENSMUSG00000021639	3	0.1	0.17	0.07	0.12	0.24	0.1
chr13	55588682	55589515	Dbn1	ENSMUSG00000034675	-104	0.08	0.13	0.08	0.14	0.07	0.1
chr13	83860471	83860849	C130071C03Rik	ENSMUSG00000050334	-500	0.29	NA	0.14	NA	0.67	0.3
chr13	99584387	99585430	Fcho2	ENSMUSG00000041685	496	0.18	0.17	0.15	0.15	0.15	0.18
chr13	42147131	42148163	Hivep1	ENSMUSG00000021366	257	0.13	0.14	0.09	0.14	0.12	0.12
chr13	13485306	13486247	Gpr137b	ENSMUSG00000021306	55	0.33	0.12	0.1	0.15	0.15	0.11
chr13	72100227	72101480	Irx1	ENSMUSG00000060969	318	0.09	0.1	0.12	0.12	0.11	0.1
chr13	112597980	112599677	Map3k1	ENSMUSG00000021754	-305	0.1	0.08	0.09	0.13	0.08	0.11
chr13	54150475	54151149	Drd1a	ENSMUSG00000021478	215	1	NA	0.19	0.14	0.2	0.19
chr13	20182248	20183527	Elmo1	ENSMUSG00000041112	399	0.15	0.19	0.11	0.11	0.12	0.11
chr13	30636759	30637446	Uqcrrf1	ENSMUSG00000038462	129	0.15	0.22	0.08	0.12	0.11	0.1
chr13	64471164	64471751	Ctst	ENSMUSG00000021477	157	0.29	0.17	0.21	0.17	0.22	0.12
chr13	96144786	96145396	Aggf1	ENSMUSG00000021681	198	0.15	0.41	0.08	0.22	0.11	0.15
chr13	112278977	112280953	Gpbp1	ENSMUSG00000032745	271	0.12	0.1	0.1	0.15	0.11	0.13
chr13	38085472	38086191	Ssr1	ENSMUSG00000021427	163	0.13	0.13	0.07	0.15	0.11	0.11
chr13	9093706	9093971	Larp4b	ENSMUSG00000033499	687	0.24	0.19	0.16	0.21	0.2	0.19
chr13	55565493	55566237	Prr7	ENSMUSG00000034686	237	0.1	0.14	0.1	0.12	0.11	0.14
chr13	109106282	109106926	Gm2822	ENSMUSG00000090358	-137	0.11	0.2	0.09	0.14	0.09	0.14
chr13	55736220	55736892	Ddx46	ENSMUSG00000021500	168	0.5	0.16	0.11	0.12	0.14	0.11
chr13	46061305	46061564	5033430I15Rik	ENSMUSG00000038152	812	0.25	0.24	0.13	0.16	0.1	0.13
chr13	73741236	73741886	Ciptm1l	ENSMUSG00000021610	7	0.08	0.12	0.1	0.14	0.1	0.12
chr13	34967309	34968011	Prpf4b	ENSMUSG00000021413	297	0.36	0.39	0.22	0.39	0.31	0.14
chr13	113783725	113784653	Gm6320	ENSMUSG00000074651	113	0.22	0.19	0.16	0.17	0.25	0.18
chr13	48965436	48965916	Phf2	ENSMUSG00000038025	578	0.15	0.15	0.13	0.11	0.13	0.13
chr13	46513493	46514577	Rbm24	ENSMUSG00000038132	366	0.15	0.11	0.15	0.2	0.13	0.17
chr13	49747939	49748487	Cenpp	ENSMUSG00000021391	-89	0.18	0.19	0.15	0.11	0.13	0.11

chr13	68720736	68721485	Mtrr	ENSMUSG00000034617	-127	0.16	0.18	0.1	0.16	0.15	0.15
chr13	74345913	74346227	Exoc3	ENSMUSG00000034152	78	0.35	0.52	0.17	0.18	0.28	0.14
chr13	81849935	81850911	Polr3g	ENSMUSG00000035834	-479	0.19	0.15	0.12	0.18	0.22	0.12
chr13	95128322	95129369	Gm9776	ENSMUSG00000042857	-72	0.25	0.2	0.17	0.21	0.21	0.2
chr13	109906620	109907221	Pde4d	ENSMUSG00000021699	85	0.09	0.11	0.14	0.14	0.06	0.26
chr13	113778911	113779218	Ccno	ENSMUSG00000042417	1054	0.33	0.12	0.18	0.19	0.23	0.13
chr13	46764632	46765644	C78339	ENSMUSG00000069237	279	0.12	0.22	0.13	0.19	0.13	0.16
chr13	55201179	55201614	Uimc1	ENSMUSG00000025878	219	0.1	0.1	0.06	0.23	0.08	0.17
chr13	64413703	64414160	1110018J18Rik	ENSMUSG00000021482	82	0.08	0.29	0.15	0.15	0.17	0.06
chr13	12553486	12553838	Lgals8	ENSMUSG00000057554	95	0.26	0.08	0.09	0.17	0.12	0.25
chr13	48608634	48608856	Zfp169	ENSMUSG00000050954	18	0.13	0.17	0.13	0.19	0.21	0.14
chr13	95645315	95645517	Otp	ENSMUSG00000021685	-166	0.2	0.14	0.19	0.17	0.14	0.23
chr13	12658093	12658649	Ero1lb	ENSMUSG00000057069	221	0.14	0.09	0.09	0.12	0.09	0.11
chr13	18084886	18085257	1600012F09Rik	ENSMUSG00000075054	114	0.22	0.14	0.13	0.2	0.12	0.11
chr13	100114381	100114827	Ptcd2	ENSMUSG00000021650	29	0.33	0.21	0.14	0.14	0.07	0.2
chr13	23646821	23647460	Hist1h1d	ENSMUSG00000052565	239	0.39	0.73	0.12	0.63	0.34	0.24
chr13	38619744	38620414	Txndc5	ENSMUSG00000038991	-296	0.12	0.1	0.11	0.12	0.1	0.16
chr13	55672063	55672647	Fam193b	ENSMUSG00000021495	-7	0.14	0.35	0.17	0.22	0.28	0.14
chr13	83870384	83871126	Gm17547	ENSMUSG00000091547	-1568	0.07	0.11	0.12	0.11	0.1	0.1
chr13	49282892	49283489	Ninj1	ENSMUSG00000037966	296	0.09	0.11	0.13	0.27	0.08	0.15
chr13	49516299	49517134	lppk	ENSMUSG00000021385	69	0.17	0.2	0.1	0.2	0.14	0.19
chr13	94444227	94444508	Bhmt2	ENSMUSG00000042118	-110	0.12	0.11	0.14	0.18	0.11	0.19
chr13	69137625	69138341	Adcy2	ENSMUSG00000021536	436	0.1	0.1	0.07	0.12	0.08	0.11
chr13	48758443	48759000	Barx1	ENSMUSG00000021381	354	0.11	0.21	0.1	0.17	0.09	0.09
chr13	100894763	100895042	Smn1	ENSMUSG00000021645	95	0.11	0.23	0.08	0.13	0.17	0.14
chr13	81796635	81797146	Lysmd3	ENSMUSG00000035840	85	0.32	0.27	0.12	0.14	0.37	0.2
chr13	58502605	58504703	Hnmpk	ENSMUSG00000021546	-190	0.12	0.16	0.12	0.12	0.11	0.15
chr13	73397806	73398595	Irx4	ENSMUSG00000021604	255	0.13	0.09	0.09	0.12	0.12	0.1
chr13	100877912	100878433	Serf1	ENSMUSG00000021643	220	0.13	0.38	0.12	0.2	0.09	0.14
chr13	44828787	44829476	Jarid2	ENSMUSG00000038518	-278	0.07	0.2	0.06	0.09	0.09	0.19

chr13	54605016	54605837	4732471D19Rik	ENSMUSG00000043183	286	0.11	0.12	0.1	0.14	0.12	0.09
chr13	14155263	14157126	Arid4b	ENSMUSG00000039219	695	0.14	0.16	0.09	0.16	0.14	0.15
chr13	22036913	22037203	Zfp184	ENSMUSG00000006720	95	0.17	0.14	0.13	0.29	0.1	0.17
chr13	104709736	104711889	Erb2ip	ENSMUSG00000021709	-437	0.13	0.2	0.1	0.14	0.13	0.13
chr13	74146555	74147851	Gm15912	ENSMUSG00000085881	-401	0.11	0.17	0.15	0.16	0.12	0.13
chr13	104563913	104564805	Srek1	ENSMUSG00000032621	180	0.1	0.21	0.11	0.19	0.09	0.17
chr13	105844140	105844958	Rgs7bp	ENSMUSG00000021719	461	0.07	0.26	0.09	0.19	0.09	0.14
chr13	63673732	63674457	Ptch1	ENSMUSG00000021466	380	0.14	0.13	0.08	0.13	0.14	0.14
chr13	95054841	95055798	Scamp1	ENSMUSG00000021687	465	0.15	0.29	0.11	0.11	0.16	0.13
chr13	101545400	101545927	Cenph	ENSMUSG00000045273	75	0.17	0.2	0.17	0.24	0.2	0.13
chr13	58316612	58317428	Ubqln1	ENSMUSG00000005312	-23	0.07	0.15	0.08	0.12	0.08	0.14
chr13	98010771	98011847	Enc1	ENSMUSG00000041773	249	0.1	0.11	0.09	0.16	0.11	0.14
chr13	55050051	55051422	Unc5a	ENSMUSG00000025876	-36	0.1	0.14	0.1	0.14	0.1	0.1
chr13	81921995	81922975	Cetn3	ENSMUSG00000021537	194	0.09	0.18	0.2	0.08	0.1	0.19
chr13	92901175	92901935	Rasgrf2	ENSMUSG00000021708	-106	0.1	0.16	0.11	0.14	0.09	0.18
chr13	94944059	94944637	Lhfp12	ENSMUSG00000045312	401	0.15	0.5	0.19	0.17	0.12	0.15
chr13	12349927	12350550	Mtr	ENSMUSG00000021311	29	0.22	0.19	0.21	0.11	0.19	0.17
chr13	25029091	25029511	9330162012Rik	ENSMUSG00000086448	31	0.1	0.07	0.07	0.13	0.09	0.14
chr13	37949211	37949819	Rreb1	ENSMUSG00000039087	-288	0.21	0.31	0.11	0.09	0.19	0.18
chr13	91946854	91947324	Zcchc9	ENSMUSG00000021621	212	0.18	0.21	0.14	0.13	0.18	0.17
chr13	115248766	115249922	Fst	ENSMUSG00000021765	-406	0.11	0.1	0.12	0.18	0.1	0.12
chr13	24892962	24893819	BC005537	ENSMUSG00000019132	-136	0.08	0.12	0.08	0.18	0.09	0.13
chr13	74199440	74199820	Cep72	ENSMUSG00000021572	103	0.08	0.17	0.07	0.19	0.03	0.13
chr13	19714894	19715152	Sfrp4	ENSMUSG00000021319	50	0.17	0.5	0.08	0.14	0.07	0.21
chr13	69877466	69878948	Ube2ql1	ENSMUSG00000052981	568	0.1	0.12	0.12	0.18	0.1	0.11
chr13	81102147	81102407	9330111N05Rik	ENSMUSG00000085266	128	0.11	0.08	0.11	0.08	0.06	0.1
chr13	51503937	51504459	S1pr3	ENSMUSG00000067586	211	0.25	NA	0.18	0.1	0.33	0.19
chr13	3916969	3917520	Net1	ENSMUSG00000021215	222	0.27	0.33	0.15	0.11	0.25	0.15
chr13	10359448	10359905	Gm16950	ENSMUSG00000086178	951	0.15	0.24	0.1	0.19	0.11	0.17
chr13	12487750	12488072	Heatr1	ENSMUSG00000050244	246	0.33	NA	0.08	0.21	1	0.23

chr13	19711110	19711634	Epdr1	ENSMUSG00000002808	327	0.6	1	0.41	0.14	0.67	0.38
chr13	20087580	20087789	Gm5446	ENSMUSG000000050243	-12	1	1	1	1	0.96	0.85
chr13	21494321	21494607	Zkscan3	ENSMUSG000000021327	75	1	0.11	1	1	0.86	0.42
chr13	23555993	23556363	Btn1a1	ENSMUSG00000000706	1566	0.07	0.05	0.1	0.13	0.08	0.16
chr13	24893948	24894218	BC005537	ENSMUSG000000019132	194	0.11	0.14	0.15	0.19	0.13	0.27
chr13	24936923	24937209	D130043K22Rik	ENSMUSG000000006711	62	1	NA	1	NA	0.5	1
chr13	37869851	37870856	Rreb1	ENSMUSG000000039087	84	1	NA	0.07	0.16	1	0.27
chr13	38726631	38727169	Muted	ENSMUSG000000038982	61	0.25	0.33	0.09	0.19	0.25	0.11
chr13	41095839	41096055	Pak1ip1	ENSMUSG000000038683	-445	1	1	0.19	0.23	1	0.26
chr13	41111614	41112004	Tmem14c	ENSMUSG000000021361	190	0.1	0.06	0.07	0.12	0.09	0.15
chr13	49343093	49343648	Susd3	ENSMUSG000000021384	153	0.35	0.25	0.5	0.71	0.36	0.27
chr13	50513165	50513490	Fbxw17	ENSMUSG000000037816	94	0.25	0.3	0.12	0.19	0.26	0.14
chr13	51266675	51266953	Nxn12	ENSMUSG000000021396	420	0.2	0.11	0.13	0.13	0.1	0.13
chr13	51943393	51943621	Gadd45g	ENSMUSG000000021453	1394	0.09	0.07	0.13	0.12	0.07	0.14
chr13	54472745	54473296	Cplx2	ENSMUSG000000025867	307	0.07	0.13	0.1	0.14	0.07	0.16
chr13	55516181	55516491	Pfn3	ENSMUSG000000044444	191	0.44	0.73	0.14	0.14	0.43	0.28
chr13	55637605	55638247	Ddx41	ENSMUSG000000021494	93	0.11	0.09	0.1	0.24	0.06	0.17
chr13	55694402	55694875	Tmed9	ENSMUSG000000058569	142	0.32	0.17	0.09	0.17	0.3	0.23
chr13	55701375	55701582	B4galt7	ENSMUSG000000021504	52	0.08	0.16	0.1	0.07	0.09	0.09
chr13	55828533	55828909	Pcbd2	ENSMUSG000000021496	-8	0.12	0.2	0.1	0.12	0.13	0.12
chr13	56623588	56624177	Fbxl21	ENSMUSG000000035509	49	0.21	0.38	0.11	0.25	0.23	0.22
chr13	63066092	63066597	2010111101Rik	ENSMUSG000000021458	91	0.05	0.03	0.07	0.06	0.06	0.12
chr13	63532789	63533151	Fancc	ENSMUSG000000021461	21	0.29	0.1	0.06	0.14	0.2	0.24
chr13	63916417	63916977	0610007P08Rik	ENSMUSG000000021470	149	0.14	0.07	0.11	0.07	0.09	0.13
chr13	67653875	67654135	Zfp748	ENSMUSG000000069204	-33	0.1	NA	0.15	0.27	0.11	0.32
chr13	74777272	74777619	Erap1	ENSMUSG000000021583	125	0.19	0.1	0.07	0.2	0.16	0.12
chr13	76193015	76194157	Gpr150	ENSMUSG000000045509	858	0.14	0.5	0.11	0.2	0.13	0.22
chr13	81022290	81022613	Arrdc3	ENSMUSG000000074794	-194	0.09	0.15	0.11	0.11	0.1	0.08
chr13	91062679	91063240	Rps23	ENSMUSG000000049517	232	0.19	0.2	0.12	0.17	0.16	0.16
chr13	93124659	93125433	Dhfr	ENSMUSG000000021707	308	0.15	0.15	0.11	0.14	0.13	0.14

chr13	93564661	93564941	Thbs4	ENSMUSG00000021702	-28	0.14	0.12	0.07	0.16	0.1	0.12
chr13	93961895	93962584	Papd4	ENSMUSG00000042167	-1	0.16	0.17	0.08	0.17	0.16	0.11
chr13	95646943	95647485	Otp	ENSMUSG00000021685	1632	0.1	0.34	0.17	0.2	0.11	0.16
chr13	96901071	96901357	Sv2c	ENSMUSG00000051111	1318	0.17	NA	0.11	0.21	0.07	0.08
chr13	96902324	96902768	Sv2c	ENSMUSG00000051111	-14	0.12	0.11	0.14	0.21	0.14	0.12
chr13	99032803	99033446	Utp15	ENSMUSG00000041747	-177	0.18	0.08	0.11	0.23	0.18	0.12
chr13	99464804	99465141	Tmem171	ENSMUSG00000052485	-183	0.11	0.4	0.1	0.17	0.11	0.14
chr13	101500667	101501010	Cdk7	ENSMUSG00000069089	46	0.14	0.24	0.14	0.15	0.11	0.14
chr13	101514093	101514562	Mrps36	ENSMUSG00000061474	216	0.13	0.19	0.1	0.11	0.11	0.16
chr13	104899430	104900112	Nln	ENSMUSG00000021710	-77	0.08	0.18	0.16	0.19	0.06	0.13
chr13	104968779	104969200	Trim23	ENSMUSG00000021712	112	0.67	1	0.07	0.18	0.69	0.15
chr13	105018604	105019280	Ppwd1	ENSMUSG00000021713	-19	0.14	0.4	0.13	0.15	0.12	0.26
chr13	105607108	105607414	Cwc27	ENSMUSG00000021715	-39	0.09	0.08	0.15	0.22	0.2	0.22
chr13	105653646	105653886	Fam159b	ENSMUSG00000042655	207	0.22	1	0.13	1	0.17	0.12
chr13	106234716	106235223	Htr1a	ENSMUSG00000021721	1196	0.12	0.25	0.13	0.2	0.11	0.11
chr13	107726633	107727244	Ipo11	ENSMUSG00000042590	57	0.12	0.21	0.13	0.14	0.11	0.2
chr13	111184816	111185824	Plk2	ENSMUSG00000021701	68	0.12	0.11	0.12	0.14	0.13	0.12
chr13	112515085	112516147	Gm15287	ENSMUSG00000086480	-109	0.2	0.19	0.19	0.19	0.22	0.19
chr13	113779823	113780123	Ccno	ENSMUSG00000042417	1963	0.11	0.19	0.21	0.14	0.12	0.17
chr13	115177954	115178345	Ndufs4	ENSMUSG00000021764	153	0.12	0.14	0.09	0.2	0.08	0.11
chr13	119175410	119176130	Mrps30	ENSMUSG00000021731	289	0.07	0.06	0.08	0.08	0.06	0.09
chr13	119503107	119503320	Fgf10	ENSMUSG00000021732	-293	0.15	0.29	0.13	0.1	0.12	0.11
chr13	6547187	6547521	Pitrm1	ENSMUSG00000021193	-49	NA	1	0.5	0.2	NA	0.46
chr13	6647759	6648092	Pfkip	ENSMUSG00000021196	46	NA	0.08	0.08	0.43	0.52	0.18
chr13	12794348	12795145	Gm2399	ENSMUSG00000078141	117	NA	0.5	0.12	0.13	NA	0.19
chr13	13324973	13325228	Gm2423	ENSMUSG00000061724	62	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr13	13529688	13530485	Nid1	ENSMUSG0000005397	217	NA	0.33	0.04	0.15	NA	0.34
chr13	14705231	14705776	Mrpl32	ENSMUSG00000015672	-199	NA	NA	0.21	0.5	0.14	0.4
chr13	21454659	21454900	Zscan12	ENSMUSG00000036721	83	NA	0.32	0.13	0.28	0.09	0.16
chr13	21532616	21532908	Pgbd1	ENSMUSG00000055313	8	NA	0.33	0.09	0.5	0.14	0.17

chr13	21560064	21560501	Nkapl	ENSMUSG00000059395	88	NA	0.11	NA	NA	NA	NA
chr13	21622625	21622960	Zfp192	ENSMUSG00000063894	109	NA	NA	0.11	0.18	NA	0.11
chr13	21807673	21808612	Hist1h2bl	ENSMUSG00000069314	-130	NA	NA	NA	1	NA	NA
chr13	21809516	21809924	Hist1h3h	ENSMUSG00000069312	223	NA	NA	0.25	NA	0.25	1
chr13	21813366	21814320	Hist1h2aj	ENSMUSG00000080076	-166	1	NA	1	NA	NA	1
chr13	21826837	21827284	Hist1h4j	ENSMUSG00000067455	157	NA	NA	0.26	NA	NA	0.09
chr13	21845374	21845663	Hist1h2ak	ENSMUSG00000063021	258	NA	0.5	NA	1	NA	NA
chr13	21872254	21872582	Hist1h1b	ENSMUSG00000058773	76	0.67	NA	0.15	0.11	NA	0.12
chr13	21874831	21875233	Hist1h3i	ENSMUSG00000075032	234	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr13	21878723	21879722	Hist1h2an	ENSMUSG00000069309	-135	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr13	21923720	21923986	Hist1h4n	ENSMUSG00000069305	212	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr13	22097769	22098169	Prss16	ENSMUSG00000006179	315	NA	1	0.62	1	NA	0.08
chr13	22127099	22128094	Hist1h2ah	ENSMUSG00000069302	-84	1	1	NA	NA	NA	0.25
chr13	22132885	22133329	Hist1h4i	ENSMUSG00000060639	114	0.5	0.75	0.35	NA	NA	0.5
chr13	22134474	22135453	Hist1h2ag	ENSMUSG00000069301	-145	NA	0.07	0.19	0.5	0.04	0.23
chr13	23622992	23623681	Hist1h4h	ENSMUSG00000060981	417	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr13	23627154	23627711	Hist1h3g	ENSMUSG00000062417	141	NA	NA	0.37	1	1	0.18
chr13	23634882	23635144	Hist1h2bh	ENSMUSG00000064168	215	NA	0.21	0.15	0.09	NA	0.24
chr13	23636359	23636801	Hist1h3f	ENSMUSG00000059309	659	NA	NA	0.61	0.33	NA	NA
chr13	23665720	23666661	Hist1h2bf	ENSMUSG00000069268	-125	NA	NA	NA	0.21	0.07	0.18
chr13	23667676	23668078	Hist1h3d	ENSMUSG00000062808	245	NA	0.11	0.1	NA	0.09	0.23
chr13	23673479	23673785	Hist1h4d	ENSMUSG00000061482	165	0.06	NA	NA	NA	NA	1
chr13	23789992	23790277	Hist1h4c	ENSMUSG00000060678	189	0.75	0.5	0.2	0.6	NA	0.24
chr13	23830577	23831209	Hist1h1c	ENSMUSG00000036181	217	NA	0.6	0.22	1	0.57	0.3
chr13	23836969	23837360	Hist1h3c	ENSMUSG00000069310	307	NA	NA	0.12	0.19	NA	0.09
chr13	23838104	23838345	Gm11336	ENSMUSG00000080999	144	NA	NA	NA	NA	1	NA
chr13	23842994	23843323	Hist1h2ab	ENSMUSG00000061615	201	NA	NA	NA	NA	NA	0.33
chr13	23844254	23844643	Hist1h3b	ENSMUSG00000069267	312	1	NA	NA	NA	NA	NA
chr13	23855589	23855805	Hist1h1a	ENSMUSG00000049539	160	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr13	25147052	25147391	Dcdc2a	ENSMUSG00000035910	-652	NA	0.11	0.07	0.15	0.12	0.22

chr13	30842438	30842650	Irf4	ENSMUSG00000021356	1449	0.2	0.06	0.12	0.31	NA	0.16
chr13	34254804	34255173	Psmg4	ENSMUSG00000071451	155	NA	NA	NA	1	NA	0.56
chr13	34966065	34966433	Prpf4b	ENSMUSG00000021413	-1114	NA	NA	1	NA	NA	0.48
chr13	36827887	36828090	Nrn1	ENSMUSG00000039114	-1642	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr13	38750418	38751054	Eef1e1	ENSMUSG00000001707	161	NA	1	0.1	0.2	0.13	0.16
chr13	40823678	40824142	Gm16989	ENSMUSG00000087310	733	NA	0.4	0.1	0.21	0.11	0.15
chr13	40828895	40829176	Tfap2a	ENSMUSG00000021359	157	NA	NA	0.5	NA	1	0.75
chr13	41454163	41454544	Nedd9	ENSMUSG00000021365	17	NA	NA	0.17	0.19	0.25	0.26
chr13	43460804	43461012	Sirt5	ENSMUSG00000054021	26	NA	NA	0.15	0.1	NA	0.14
chr13	43880339	43880806	Cd83	ENSMUSG00000015396	96	NA	NA	0.5	NA	NA	0.25
chr13	49777415	49777665	Iars	ENSMUSG00000037851	71	NA	NA	NA	NA	NA	0.33
chr13	53024676	53025150	Auh	ENSMUSG00000021460	-86	0.72	0.47	0.07	0.16	NA	0.1
chr13	54287396	54287714	Hrh2	ENSMUSG00000034987	57	NA	0.33	0.25	NA	NA	0.15
chr13	54691230	54691434	Nop16	ENSMUSG00000025869	5	NA	0.5	0.06	0.18	0.17	0.22
chr13	55097727	55097933	Unc5a	ENSMUSG00000025876	-70	NA	NA	1	NA	NA	0.93
chr13	55430844	55431052	Mxd3	ENSMUSG00000021485	146	NA	NA	0.2	NA	NA	NA
chr13	55463496	55464326	Lman2	ENSMUSG00000021484	233	NA	0.86	0.13	0.15	0.29	0.26
chr13	55724296	55724644	Cam1	ENSMUSG00000021501	104	0.38	0.33	0.2	0.22	NA	0.17
chr13	55815951	55816389	Txndc15	ENSMUSG00000021497	159	NA	0.7	0.11	0.23	0.46	0.15
chr13	55936853	55937100	Pitx1	ENSMUSG00000021506	577	NA	NA	NA	NA	NA	0.78
chr13	56710825	56711278	Tgfb1	ENSMUSG00000035493	131	NA	1	0.33	NA	NA	1
chr13	58907778	58908441	Ntrk2	ENSMUSG000000055254	152	NA	0.31	0.16	0.15	0.1	0.19
chr13	65213819	65214309	Hiatl1	ENSMUSG00000038212	219	NA	0.26	0.11	NA	NA	0.24
chr13	66108543	66108779	Gm6910	ENSMUSG000000055763	-10	NA	NA	0.5	0.5	NA	NA
chr13	74454752	74455105	Pdcd6	ENSMUSG00000021576	-154	NA	NA	NA	NA	NA	0.14
chr13	74945802	74946060	Cast	ENSMUSG00000021585	27	NA	NA	0.13	0.14	0.11	0.14
chr13	76155736	76156207	Rfesd	ENSMUSG00000043190	39	NA	0.33	0.25	NA	NA	0.21
chr13	78342399	78342952	A830082K12Rik	ENSMUSG00000087143	861	NA	1	0.1	0.18	0.15	0.36
chr13	81771822	81772144	Gpr98	ENSMUSG00000069170	155	NA	NA	NA	0.3	0.08	0.33
chr13	85328935	85329271	Ccnh	ENSMUSG00000021548	90	NA	1	0.25	0.53	0.21	0.38

chr13	89878971	89879422	Gm4117	ENSMUSG00000089940	131	NA	0.82	0.34	0.2	0.73	0.18
chr13	97907624	97908221	Nsa2	ENSMUSG00000060739	-41	NA	0.15	0.16	0.2	0.5	0.19
chr13	98975742	98976433	Rgnef	ENSMUSG00000021662	33	NA	0.37	0.15	0.11	0.11	0.15
chr13	101556243	101556690	Ccnb1	ENSMUSG00000041431	-109	0.2	0.12	0.19	0.27	NA	0.15
chr14	75346657	75347745	Lrch1	ENSMUSG00000068015	483	0.38	0.27	0.11	0.14	0.1	0.15
chr14	33669821	33670521	E130203B14Rik	ENSMUSG00000050666	229	1	0.16	0.21	0.28	0.29	0.2
chr14	87815722	87817215	Tdrd3	ENSMUSG00000022019	78	0.16	0.14	0.08	0.08	0.06	0.11
chr14	67854240	67855313	Ebf2	ENSMUSG00000022053	1295	0.39	0.23	0.13	0.1	0.1	0.18
chr14	17197139	17198691	Top2b	ENSMUSG00000017485	222	0.19	0.17	0.1	0.13	0.06	0.16
chr14	35486555	35487966	Wapal	ENSMUSG00000041408	146	0.18	0.12	0.09	0.12	0.06	0.15
chr14	76903954	76904402	Tsc22d1	ENSMUSG00000022010	157	0.47	0.17	0.12	0.08	0.1	0.17
chr14	47501659	47504725	Samd4	ENSMUSG00000021838	663	0.42	0.45	0.14	0.17	0.2	0.17
chr14	30534709	30536350	Cacna2d3	ENSMUSG00000021991	-479	0.22	0.2	0.12	0.14	0.09	0.14
chr14	62950739	62951273	Rnaseh2b	ENSMUSG00000021932	101	0.5	0.42	0.12	0.22	0.15	0.14
chr14	61253442	61254053	Spata13	ENSMUSG00000021990	181	0.71	0.17	0.1	0.17	0.06	0.2
chr14	73109019	73110477	Fndc3a	ENSMUSG00000033487	-399	0.17	0.12	0.1	0.13	0.08	0.14
chr14	69902256	69903270	Slc25a37	ENSMUSG00000034248	397	0.28	0.16	0.11	0.13	0.1	0.13
chr14	77556099	77557644	Enox1	ENSMUSG00000022012	248	0.24	0.15	0.09	0.13	0.09	0.15
chr14	21365068	21365823	1810062O18Rik	ENSMUSG00000084925	144	0.18	0.08	0.07	0.1	0.03	0.12
chr14	80168260	80171226	Pcdh8	ENSMUSG00000036422	1376	0.19	0.19	0.11	0.13	0.1	0.17
chr14	14793339	14794234	Thoc7	ENSMUSG00000053453	-47	0.27	0.2	0.13	0.09	0.09	0.15
chr14	52816309	52817334	Supt16h	ENSMUSG00000035726	93	0.37	0.27	0.15	0.2	0.16	0.21
chr14	67487492	67488097	Dpysl2	ENSMUSG00000022048	-269	0.62	0.22	0.16	0.13	0.06	0.13
chr14	55050573	55051478	Mmp14	ENSMUSG00000000957	584	0.18	0.5	0.18	0.26	1	0.19
chr14	32643056	32644347	Ankrd28	ENSMUSG00000014496	-100	0.17	0.13	0.09	0.1	0.08	0.13
chr14	57504294	57506156	Zmym2	ENSMUSG00000021945	-265	0.28	0.24	0.09	0.15	0.12	0.14
chr14	55732251	55734264	Jph4	ENSMUSG00000022208	1132	0.62	0.54	0.32	0.29	0.47	0.37
chr14	33135109	33135334	Ogdhl	ENSMUSG00000021913	16	1	0.08	NA	0.08	0.05	0.12
chr14	15535221	15536295	Slc4a7	ENSMUSG00000021733	219	0.22	0.21	0.09	0.13	0.08	0.14
chr14	33014585	33015656	Timm23	ENSMUSG00000013701	-106	0.31	0.15	0.09	0.15	0.14	0.13

chr14	122506122	122506926	A330035P11Rik	ENSMUSG00000085615	-349	0.15	0.2	0.09	0.13	0.07	0.14
chr14	56445379	56445754	Nfatc4	ENSMUSG00000023411	1934	0.81	0.83	0.23	0.37	0.3	0.34
chr14	22318652	22320567	Myst4	ENSMUSG000000021767	533	0.16	0.21	0.11	0.17	0.09	0.13
chr14	79248839	79249318	1300010F03Rik	ENSMUSG000000058997	93	0.15	0.18	0.11	0.1	0.06	0.11
chr14	57021455	57021746	Rnf17	ENSMUSG000000000365	66	0.91	0.91	0.73	0.76	0.74	0.74
chr14	77436146	77436708	9030625A04Rik	ENSMUSG000000044350	21	0.36	0.17	0.15	0.2	0.14	0.16
chr14	27487903	27489625	Pde12	ENSMUSG000000043702	568	0.28	0.24	0.12	0.19	0.15	0.16
chr14	68701738	68703001	Nefl	ENSMUSG00000022055	449	0.18	0.07	0.09	0.14	0.06	0.13
chr14	78707556	78707837	Tnfsf11	ENSMUSG000000022015	0	0.36	0.19	0.1	0.13	0.13	0.17
chr14	87540763	87541168	Diap3	ENSMUSG000000022021	-44	0.22	0.13	0.11	0.1	0.06	0.11
chr14	33412539	33412853	Prrxl1	ENSMUSG000000041730	102	0.2	0.1	0.09	0.06	0.06	0.1
chr14	47000182	47000388	Gm15217	ENSMUSG000000079261	-517	0.12	1	0.73	1	0.9	1
chr14	29318930	29319923	Wnt5a	ENSMUSG000000021994	340	0.44	0.35	0.13	0.17	0.16	0.23
chr14	99444723	99445715	Mzt1	ENSMUSG000000033186	136	0.22	0.17	0.13	0.11	0.1	0.12
chr14	32898425	32898994	Dph3	ENSMUSG000000021905	-237	0.22	0.22	0.1	0.12	0.08	0.2
chr14	28241743	28242859	D14Abb1e	ENSMUSG000000040651	268	0.23	0.1	0.11	0.13	0.08	0.13
chr14	71165718	71166809	Dok2	ENSMUSG000000022102	420	0.34	0.21	0.1	0.16	0.15	0.17
chr14	27457376	27458105	Arf4	ENSMUSG000000021877	180	0.29	0.19	0.11	0.15	0.06	0.13
chr14	122277533	122278385	Ubac2	ENSMUSG000000041765	131	0.34	0.38	0.17	0.16	0.16	0.22
chr14	49065914	49066379	6720456H20Rik	ENSMUSG000000036339	119	0.52	0.24	0.2	0.17	0.19	0.18
chr14	62058145	62059193	Kpna3	ENSMUSG000000021929	115	0.15	0.19	0.08	0.12	0.09	0.09
chr14	124025948	124026315	Nalcn	ENSMUSG000000000197	235	0.17	NA	0.08	0.42	0.67	0.1
chr14	52533421	52533639	Ndrp2	ENSMUSG000000004558	-367	0.36	0.06	0.11	0.18	0.04	0.11
chr14	26426218	26427681	Zmiz1	ENSMUSG000000007817	106	0.16	0.12	0.08	0.11	0.08	0.1
chr14	35123453	35124646	Fam35a	ENSMUSG000000041471	-360	0.17	0.14	0.11	0.16	0.09	0.13
chr14	99697653	99698663	Klf5	ENSMUSG000000005148	248	0.36	0.42	0.13	0.14	0.19	0.14
chr14	76153844	76154447	Cog3	ENSMUSG000000034893	155	0.19	0.11	0.1	0.1	0.06	0.17
chr14	105657873	105658371	Ndfip2	ENSMUSG000000053253	194	0.07	0.22	0.08	0.1	0.23	0.12
chr14	103469383	103469775	Cln5	ENSMUSG000000022125	146	0.13	0.08	0.1	0.13	0.06	0.14
chr14	48740511	48741399	Peli2	ENSMUSG000000021846	411	0.1	0.14	0.13	0.13	0.18	0.18

chr14	49792227	49792947	Naa30	ENSMUSG00000036282	314	0.2	0.12	0.12	0.15	0.07	0.11
chr14	70552983	70553684	2610301G19Rik	ENSMUSG00000033712	285	0.16	0.17	0.09	0.15	0.08	0.15
chr14	57429920	57431643	Zmym5	ENSMUSG00000040123	-480	0.2	0.31	0.09	0.1	0.11	0.16
chr14	26587898	26588860	Zcchc24	ENSMUSG00000055538	-37	0.39	0.31	0.1	0.13	0.24	0.15
chr14	31292500	31293180	Dcp1a	ENSMUSG00000021962	89	0.32	0.11	0.1	0.12	0.11	0.14
chr14	52604247	52604771	Arhgef40	ENSMUSG0000004562	1	0.12	0.31	0.11	0.2	0.27	0.17
chr14	56340688	56341142	Rabggta	ENSMUSG00000040472	98	1	0.37	0.09	0.16	0.24	0.26
chr14	60705472	60705740	Atp8a2	ENSMUSG00000021983	65	0.72	0.59	0.32	0.42	0.57	0.3
chr14	58364221	58365282	Lats2	ENSMUSG00000021959	189	0.18	0.13	0.1	0.13	0.11	0.17
chr14	103380644	103382249	Kctd12	ENSMUSG00000048107	299	0.15	0.14	0.09	0.12	0.09	0.1
chr14	37781473	37782080	Gcap14	ENSMUSG00000058690	174	0.14	0.11	0.09	0.11	0.08	0.1
chr14	45970692	45971406	Styx	ENSMUSG00000053205	195	1	0.6	0.1	0.23	0.36	0.16
chr14	47993393	47993877	Lgals3	ENSMUSG00000050335	147	0.28	0.29	0.08	0.22	0.1	0.12
chr14	104921367	104921984	Rnf219	ENSMUSG00000022120	208	0.21	0.13	0.15	0.17	0.11	0.18
chr14	49284617	49285247	Otx2	ENSMUSG00000021848	-11	0.06	0.13	0.12	0.16	0.16	0.27
chr14	70204936	70205320	Rhobtb2	ENSMUSG00000022075	209	0.22	0.16	0.09	0.16	0.11	0.23
chr14	34791843	34792062	Zfp488	ENSMUSG00000044519	-2	0.44	0.15	0.08	0.12	0.12	0.12
chr14	119498175	119498814	Gm16835	ENSMUSG00000087479	307	0.38	0.1	0.09	0.13	0.18	0.14
chr14	28435441	28436045	Erc2	ENSMUSG00000040640	129	0.16	0.09	0.08	0.12	0.05	0.13
chr14	56178789	56179567	Dcaf11	ENSMUSG00000022214	335	0.29	0.11	0.08	0.1	0.08	0.18
chr14	62266722	62268224	Dleu2	ENSMUSG00000087313	177	0.21	0.13	0.11	0.19	0.12	0.12
chr14	115439551	115441625	Mir17hg	ENSMUSG00000089726	-1513	0.2	0.27	0.1	0.13	0.15	0.12
chr14	122862651	122864508	Zic5	ENSMUSG00000041703	1320	0.23	0.28	0.12	0.16	0.16	0.17
chr14	55236368	55236959	Psmb5	ENSMUSG00000022193	169	0.21	0.11	0.14	0.18	0.09	0.21
chr14	47808549	47809203	Gch1	ENSMUSG00000037580	212	0.18	0.16	0.06	0.12	0.11	0.14
chr14	56983532	56984178	Atp12a	ENSMUSG00000022229	-50	0.2	0.08	0.09	0.13	0.1	0.14
chr14	19163567	19164489	Ube2e1	ENSMUSG00000021774	-417	0.15	0.14	0.08	0.11	0.09	0.11
chr14	112074447	112075364	Slitrk5	ENSMUSG00000033214	568	0.14	0.12	0.13	0.2	0.07	0.15
chr14	76410388	76410840	Gtf2f2	ENSMUSG00000067995	58	0.15	0.21	0.1	0.19	0.31	0.17
chr14	31528155	31529970	Sfmbt1	ENSMUSG0000006527	709	0.17	0.15	0.1	0.13	0.11	0.13

chr14	41779595	41780719	Tspan14	ENSMUSG00000037824	-61	0.2	0.2	0.14	0.23	0.13	0.17
chr14	60996943	60998112	Fam123a	ENSMUSG00000021986	443	0.19	0.11	0.12	0.12	0.08	0.2
chr14	47007029	47008840	Gm15222	ENSMUSG00000086746	740	0.24	0.29	0.18	0.18	0.1	0.21
chr14	70167287	70167743	Tnfrsf10b	ENSMUSG00000022074	236	0.52	0.49	0.09	0.19	0.26	0.15
chr14	55194524	55196487	Jub	ENSMUSG00000022178	748	0.19	0.18	0.11	0.16	0.14	0.14
chr14	70944935	70945414	Reep4	ENSMUSG00000033589	-256	0.41	0.44	0.11	0.18	0.2	0.17
chr14	33410725	33411437	Prrxl1	ENSMUSG00000041730	-1513	0.14	0.12	0.1	0.15	0.08	0.14
chr14	26276855	26277308	Zmiz1	ENSMUSG00000007817	-1590	0.3	0.24	0.33	0.26	0.57	0.34
chr14	63865202	63865567	Gata4	ENSMUSG00000021944	-1276	1	0.46	0.12	0.34	0.29	0.2
chr14	58283698	58284331	Xpo4	ENSMUSG00000021952	-221	0.22	0.31	0.12	0.13	0.35	0.16
chr14	27852062	27852807	Il17rd	ENSMUSG00000040717	247	0.18	0.07	0.09	0.1	0.08	0.1
chr14	71289507	71289856	Gfra2	ENSMUSG00000022103	-246	0.56	0.17	0.09	0.13	0.25	0.18
chr14	119321805	119322380	Dzip1	ENSMUSG00000042156	297	0.27	0.28	0.31	0.38	0.2	0.37
chr14	17075659	17075942	Oxsm	ENSMUSG00000021786	45	0.36	0.41	0.11	0.14	0.12	0.16
chr14	119336771	119337764	Dnajc3	ENSMUSG00000022136	113	0.17	0.09	0.12	0.1	0.12	0.13
chr14	49685508	49686215	Exoc5	ENSMUSG00000061244	210	0.22	0.3	0.13	0.16	0.15	0.18
chr14	26661470	26662038	Anxa11	ENSMUSG00000021866	85	0.38	0.37	0.15	0.16	0.22	0.23
chr14	40285404	40285685	Nrg3	ENSMUSG00000041014	410	0.21	0.1	0.09	0.24	0.1	0.09
chr14	65880570	65881716	Fzd3	ENSMUSG00000007989	85	0.24	0.2	0.1	0.11	0.16	0.16
chr14	51550036	51550988	Tmem55b	ENSMUSG00000035953	-37	0.19	0.22	0.09	0.18	0.12	0.15
chr14	62175136	62176232	6330409N04Rik	ENSMUSG00000021930	-89	0.25	0.41	0.1	0.17	0.13	0.13
chr14	70605482	70606041	Gm16600	ENSMUSG00000085557	630	0.17	0.31	0.19	0.17	0.1	0.17
chr14	34132709	34133694	Arhgap22	ENSMUSG00000063506	312	0.15	0.12	0.08	0.11	0.11	0.11
chr14	70499787	70500150	Bin3	ENSMUSG00000022089	16	0.09	0.16	0.12	0.15	0.17	0.18
chr14	48092140	48092852	Fbxo34	ENSMUSG00000037536	260	0.21	0.09	0.14	0.11	0.09	0.2
chr14	99498542	99499232	Pibf1	ENSMUSG00000022064	235	0.2	0.14	0.1	0.11	0.08	0.14
chr14	21748188	21748995	Vcl	ENSMUSG00000021823	-64	0.21	0.21	0.12	0.11	0.11	0.21
chr14	46149170	46150141	Fermt2	ENSMUSG00000037712	-194	0.28	0.13	0.1	0.17	0.18	0.12
chr14	34164280	34164706	Arhgap22	ENSMUSG00000063506	-5	0.14	0.2	0.1	0.14	0.09	0.13
chr14	32149733	32150307	Capn7	ENSMUSG00000021893	196	0.14	0.21	0.07	0.13	0.09	0.12

chr14	65205869	65206695	A930011O12Rik	ENSMUSG00000091456	-670	0.25	0.1	0.13	0.12	1	0.18
chr14	18492841	18493668	Thrb	ENSMUSG00000021779	-220	0.19	0.1	0.09	0.13	0.14	0.14
chr14	66456073	66456666	Ccdc25	ENSMUSG00000022035	230	0.25	0.27	0.16	0.11	0.41	0.19
chr14	119324281	119324782	Dzip1	ENSMUSG00000042156	5	0.17	0.33	0.1	0.16	0.06	0.13
chr14	60244050	60245244	Shisa2	ENSMUSG00000044461	529	0.12	0.12	0.1	0.11	0.08	0.1
chr14	58042805	58043249	Ift88	ENSMUSG00000040040	128	0.33	0.16	0.1	0.13	0.09	0.13
chr14	58690753	58691269	Fgf9	ENSMUSG00000021974	-512	0.23	0.14	0.15	0.15	0.1	0.14
chr14	117324599	117326149	Gpc6	ENSMUSG00000058571	722	0.13	0.14	0.17	0.2	0.18	0.17
chr14	70930638	70930906	Lgi3	ENSMUSG00000033595	144	0.07	0.07	0.07	0.1	0.13	0.16
chr14	79987035	79987581	Sugt1	ENSMUSG00000022024	-190	0.19	0.15	0.15	0.15	0.11	0.08
chr14	80061102	80061421	Lect1	ENSMUSG00000022025	630	0.5	0.26	0.26	0.44	0.25	0.4
chr14	37948045	37948710	Ghitm	ENSMUSG00000041028	-125	0.3	0.15	0.1	0.13	0.15	0.19
chr14	56300251	56300955	Tinf2	ENSMUSG00000007589	-21	0.06	0.14	0.13	0.22	0.27	0.21
chr14	70688778	70689410	Ppp3cc	ENSMUSG00000022092	162	0.16	0.09	0.11	0.13	0.09	0.1
chr14	56210378	56210931	Rnf31	ENSMUSG00000047098	109	0.18	0.22	0.11	0.14	0.08	0.14
chr14	65695100	65695488	Extl3	ENSMUSG00000021978	1731	0.8	0.92	0.82	0.83	0.9	0.95
chr14	19102996	19103976	Rpl15	ENSMUSG00000012405	-346	0.16	0.22	0.09	0.16	0.11	0.13
chr14	56109680	56110229	Lrrc16b	ENSMUSG00000022211	24	0.15	0.19	0.08	0.14	0.07	0.16
chr14	104049237	104050190	Slain1	ENSMUSG00000055717	268	0.23	0.13	0.09	0.15	0.17	0.13
chr14	21871158	21872274	Ap3m1	ENSMUSG00000021824	-417	0.17	0.14	0.09	0.14	0.09	0.14
chr14	22667719	22668299	Comtd1	ENSMUSG00000021773	-100	0.29	0.27	0.09	0.13	0.16	0.16
chr14	27398919	27399489	Fam116a	ENSMUSG00000040818	140	0.14	0.12	0.16	0.09	0.08	0.12
chr14	71290744	71291037	Gfra2	ENSMUSG00000022103	555	0.3	1	0.31	0.62	0.09	0.09
chr14	103745329	103746229	Mycbp2	ENSMUSG00000033004	-144	0.18	0.21	0.15	0.17	0.11	0.15
chr14	122196624	122197844	Dock9	ENSMUSG00000025558	-278	0.22	0.26	0.12	0.12	0.28	0.13
chr14	20642569	20643178	2700060E02Rik	ENSMUSG00000021807	172	0.11	0.14	0.07	0.14	0.3	0.13
chr14	22650424	22651158	Vdac2	ENSMUSG00000021771	300	0.12	0.07	0.09	0.13	0.08	0.14
chr14	8650375	8651395	Flnb	ENSMUSG00000025278	414	0.27	0.21	0.11	0.17	0.13	0.17
chr14	67853246	67853517	Ebf2	ENSMUSG00000022053	-100	0.17	0.06	0.09	0.1	0.1	0.08
chr14	79790034	79790738	Naa16	ENSMUSG00000022020	111	0.28	0.13	0.08	0.18	0.12	0.11

chr14	119536820	119538417	Hs6st3	ENSMUSG00000053465	-19	0.11	0.16	0.1	0.14	0.08	0.12
chr14	16271217	16271579	Lrrc3b	ENSMUSG00000045201	103	0.14	0.19	0.1	0.1	0.06	0.08
chr14	20570390	20570813	Nid2	ENSMUSG00000021806	122	0.44	NA	0.2	0.38	0.17	0.12
chr14	70977273	70978017	Nudt18	ENSMUSG00000045211	-9	0.15	0.1	0.09	0.1	0.1	0.14
chr14	32063992	32064895	Phf7	ENSMUSG00000021902	-249	0.16	0.15	0.07	0.1	0.06	0.12
chr14	47917807	47918368	Mapk1ip1l	ENSMUSG00000021840	121	0.24	0.28	0.1	0.12	0.19	0.12
chr14	61656579	61656879	Tnfrsf19	ENSMUSG00000060548	95	0.34	0.64	0.12	0.14	0.22	0.17
chr14	73542869	73543431	Rcbtb2	ENSMUSG00000022106	281	0.11	0.16	0.1	0.1	0.08	0.12
chr14	62300266	62301973	Dleu2	ENSMUSG00000087313	-66	0.17	0.16	0.09	0.13	0.12	0.13
chr14	34259780	34260622	Mapk8	ENSMUSG00000021936	127	0.08	0.09	0.14	0.14	0.12	0.12
chr14	22808265	22808947	Zfp503	ENSMUSG00000039081	217	0.14	0.19	0.1	0.16	0.07	0.16
chr14	27353400	27354470	Slmap	ENSMUSG00000021870	446	0.12	0.22	0.13	0.15	0.15	0.12
chr14	64224982	64225213	Xkr6	ENSMUSG00000035067	-243	0.25	0.1	0.08	0.09	0.07	0.22
chr14	30781615	30782021	Selk	ENSMUSG00000042682	196	0.25	0.35	0.12	0.11	0.18	0.14
chr14	58508647	58509374	Zdhhc20	ENSMUSG00000021969	7	0.13	0.12	0.09	0.13	0.09	0.1
chr14	71041763	71041982	Fgf17	ENSMUSG00000022101	203	0.3	0.27	0.16	0.15	0.2	0.36
chr14	122933361	122933908	Pcca	ENSMUSG00000041650	88	0.56	0.27	0.13	0.17	0.4	0.17
chr14	4213233	4214092	Gm8108	ENSMUSG00000091563	97	0.1	0.19	0.2	0.3	0.04	0.23
chr14	118535919	118536781	Gpr180	ENSMUSG00000022131	1	0.11	0.18	0.08	0.11	0.07	0.1
chr14	21000777	21001266	Kcnk5	ENSMUSG00000023243	-17	0.5	0.17	0.23	0.25	0.23	0.29
chr14	21493399	21493827	Sec24c	ENSMUSG00000039367	70	0.5	0.16	0.12	0.2	0.16	0.13
chr14	56159110	56159406	Pck2	ENSMUSG00000040618	8	0.25	0.44	0.17	0.18	0.17	0.21
chr14	56261997	56262695	Tm9sf1	ENSMUSG0000002320	-258	0.1	0.13	0.11	0.12	0.07	0.13
chr14	69955051	69955622	Gm16677	ENSMUSG00000086274	-197	0.11	0.11	0.09	0.09	0.07	0.13
chr14	105575887	105576738	Rbm26	ENSMUSG00000022119	-235	0.17	0.14	0.17	0.13	0.11	0.14
chr14	21212604	21213107	Mrps16	ENSMUSG00000049960	-78	0.24	0.27	0.11	0.13	0.32	0.13
chr14	13654333	13655738	Cadps	ENSMUSG00000054423	558	0.11	0.26	0.12	0.12	0.16	0.15
chr14	55512893	55513463	Pabpn1	ENSMUSG00000022194	193	0.28	0.12	0.16	0.21	0.4	0.19
chr14	60216530	60216858	Cdadc1	ENSMUSG00000021982	-21	0.21	0.38	0.18	0.26	0.41	0.23
chr14	64127359	64127675	Tdh	ENSMUSG00000021953	76	0.14	0.09	0.12	0.11	0.09	0.18

chr14	14952964	14953566	Psmc6	ENSMUSG00000021737	182	0.12	0.13	0.06	0.11	0.09	0.11
chr14	21514128	21515088	Fut11	ENSMUSG00000039357	418	0.17	0.19	0.08	0.1	0.11	0.13
chr14	49791672	49791894	Naa30	ENSMUSG00000036282	-118	0.17	0.06	0.12	0.2	0.08	0.12
chr14	121309947	121311047	Ipo5	ENSMUSG00000030662	81	0.21	0.13	0.11	0.14	0.16	0.09
chr14	122873230	122875521	2610035F20Rik	ENSMUSG00000085555	46	0.1	0.17	0.09	0.1	0.08	0.15
chr14	21522059	21522455	6230400D17Rik	ENSMUSG00000086351	-23	0.19	0.29	0.06	0.16	0.11	0.15
chr14	22838817	22839080	1700112E06Rik	ENSMUSG00000063458	14	0.16	0.08	0.12	0.15	0.11	0.15
chr14	40286323	40287421	Nrg3	ENSMUSG00000041014	-496	0.22	0.12	0.09	0.2	0.17	0.14
chr14	64225700	64225991	Xkr6	ENSMUSG00000035067	-18	1	0.67	0.13	0.21	0.14	0.14
chr14	70576410	70576950	Pdlim2	ENSMUSG00000022090	-54	0.21	0.28	0.13	0.22	0.11	0.1
chr14	76186409	76186928	Slc25a30	ENSMUSG00000022003	176	0.22	0.15	0.09	0.12	0.08	0.17
chr14	33276071	33278149	Gm2990	ENSMUSG00000090669	-1118	0.19	0.26	0.1	0.14	0.14	0.13
chr14	47451454	47452318	Gm10101	ENSMUSG00000061510	-184	0.27	0.21	0.12	0.19	0.14	0.23
chr14	55045506	55045978	Mrpl52	ENSMUSG00000010406	-4	0.26	0.1	0.15	0.25	0.19	0.19
chr14	56503597	56504137	Khyn1	ENSMUSG00000047153	61	0.09	0.07	0.06	0.08	0.05	0.16
chr14	63796544	63797013	Fdft1	ENSMUSG00000021273	-148	0.18	0.19	0.1	0.15	0.26	0.12
chr14	90297997	90298875	Gm10110	ENSMUSG00000062093	-163	0.6	1	0.78	0.94	1	0.81
chr14	25064247	25065170	Dlg5	ENSMUSG00000021782	434	0.09	0.15	0.08	0.11	0.12	0.1
chr14	65716533	65717124	Extl3	ENSMUSG00000021978	115	0.11	0.17	0.12	0.17	0.16	0.16
chr14	31814363	31815165	Spcs1	ENSMUSG00000021917	-228	0.11	0.11	0.08	0.14	0.07	0.13
chr14	46008164	46008633	Gnpnat1	ENSMUSG00000037722	79	0.25	0.13	0.16	0.1	0.09	0.15
chr14	70919602	70920412	Bmp1	ENSMUSG00000022098	-163	0.13	0.13	0.1	0.1	0.15	0.11
chr14	25309880	25310445	Rps24	ENSMUSG00000025290	259	0.37	0.91	0.14	0.18	0.46	0.13
chr14	32454262	32454531	Hacl1	ENSMUSG00000021884	-38	1	0.13	0.12	0.26	0.15	0.2
chr14	57722725	57723708	Gjb2	ENSMUSG00000046352	323	0.12	0.09	0.15	0.16	0.08	0.16
chr14	73952479	73952991	Sucla2	ENSMUSG00000022110	162	0.2	0.27	0.07	0.13	0.15	0.11
chr14	55082882	55083624	Lrp10	ENSMUSG00000022175	252	0.11	0.22	0.1	0.12	0.09	0.14
chr14	67627080	67627998	Bnip3l	ENSMUSG00000022051	154	0.1	0.1	0.09	0.16	0.08	0.12
chr14	20902048	20902678	1810063B07Rik	ENSMUSG00000045107	31	0.14	0.11	0.1	0.15	0.08	0.13
chr14	67528914	67530166	Pnma2	ENSMUSG00000046204	-467	0.12	0.22	0.13	0.14	0.18	0.13

chr14	9046459	9047098	Kctd6	ENSMUSG00000021752	116	0.12	0.13	0.15	0.1	0.1	0.11
chr14	52723330	52724084	Hnrnpc	ENSMUSG00000060373	-28	1	NA	0.09	0.14	0.21	0.09
chr14	55710309	55710517	Zfx2	ENSMUSG00000040721	748	0.15	0.15	0.09	0.12	0.11	0.12
chr14	76510306	76511016	1200011118Rik	ENSMUSG00000022008	-39	0.28	0.42	0.12	0.19	0.23	0.15
chr14	79124577	79125072	Dgkh	ENSMUSG00000034731	72	0.14	0.21	0.13	0.18	0.33	0.19
chr14	79826154	79827036	Kbtbd7	ENSMUSG00000043881	395	0.09	0.08	0.08	0.16	0.12	0.17
chr14	70828817	70829043	Piwil2	ENSMUSG00000033644	-29	0.5	0.91	0.18	0.41	0.71	0.67
chr14	76813846	76816358	Tsc22d1	ENSMUSG00000022010	334	0.13	0.19	0.09	0.14	0.12	0.14
chr14	45937814	45938633	Ero1l	ENSMUSG00000021831	14	0.1	0.21	0.1	0.16	0.08	0.1
chr14	35632251	35633816	Grid1	ENSMUSG00000041078	22	0.1	0.13	0.09	0.16	0.09	0.13
chr14	51427242	51427636	AC027184.1	ENSMUSG00000092837	3	0.5	NA	0.21	0.32	0.25	0.25
chr14	66915681	66916421	1700001G11Rik	ENSMUSG00000085984	-331	0.14	0.07	0.11	0.13	0.18	0.12
chr14	121434285	121435602	Farp1	ENSMUSG00000025555	521	0.15	0.15	0.12	0.13	0.17	0.1
chr14	61791512	61792368	Sacs	ENSMUSG00000048279	113	0.14	0.57	0.08	0.13	0.1	0.12
chr14	57190335	57190856	Cenpj	ENSMUSG00000064128	88	0.12	0.13	0.09	0.12	0.09	0.17
chr14	64162243	64162885	Mtmt9	ENSMUSG00000035078	226	0.17	0.19	0.08	0.16	0.21	0.13
chr14	75683856	75684555	Zc3h13	ENSMUSG00000022000	25	0.12	0.38	0.1	0.23	0.14	0.18
chr14	22569728	22570188	Samd8	ENSMUSG00000021770	205	0.06	0.15	0.1	0.13	0.11	0.09
chr14	31941908	31942337	2010107H07Rik	ENSMUSG00000058351	-6	0.14	0.17	0.15	0.21	0.09	0.17
chr14	17081792	17082211	Ngly1	ENSMUSG00000021785	207	0.19	0.25	0.13	0.2	0.1	0.13
chr14	56518984	56519298	Sdr39u1	ENSMUSG00000022223	-72	0.2	1	0.06	0.13	0.13	0.17
chr14	63379069	63380639	4931440J10Rik	ENSMUSG00000085212	516	0.11	0.1	0.08	0.16	0.13	0.18
chr14	21612354	21613510	Camk2g	ENSMUSG00000021820	344	0.17	0.23	0.12	0.15	0.15	0.18
chr14	26278548	26280578	Zmiz1	ENSMUSG0000007817	892	0.15	0.12	0.11	0.12	0.16	0.13
chr14	56442208	56442576	Nfatc4	ENSMUSG00000023411	-1240	0.19	0.4	0.1	0.17	0.24	0.12
chr14	34736456	34737008	Gdf10	ENSMUSG00000021943	-41	0.08	0.12	0.08	0.1	0.06	0.09
chr14	66424640	66425075	Pbk	ENSMUSG00000022033	183	0.5	0.37	0.13	0.22	0.13	0.1
chr14	68333173	68334592	Cdca2	ENSMUSG00000048922	-450	0.19	0.3	0.1	0.15	0.17	0.12
chr14	9005071	9005752	Pdzb	ENSMUSG00000021748	95	0.33	0.36	0.09	0.18	0.42	0.15
chr14	79700525	79701650	1190002H23Rik	ENSMUSG00000022018	365	0.09	0.08	0.09	0.1	0.07	0.11

chr14	60884002	60884449	Mtmr6	ENSMUSG00000021987	160	0.17	0.21	0.11	0.22	0.12	0.1
chr14	123381921	123382817	Tmtc4	ENSMUSG00000041594	-5	0.26	0.24	0.11	0.16	0.23	0.14
chr14	57286852	57287523	Mphosph8	ENSMUSG00000079184	102	0.1	0.07	0.07	0.15	0.13	0.09
chr14	57396429	57397276	Pspc1	ENSMUSG00000021938	-88	0.19	0.15	0.11	0.28	0.15	0.17
chr14	58693695	58695681	Fgf9	ENSMUSG00000021974	736	0.24	0.18	0.14	0.16	0.2	0.18
chr14	68741651	68743128	Nefm	ENSMUSG00000022054	514	0.14	0.16	0.08	0.12	0.12	0.13
chr14	55305066	55305836	Acin1	ENSMUSG00000022185	1	0.11	0.15	0.12	0.14	0.1	0.14
chr14	102007048	102008483	Tbc1d4	ENSMUSG00000033083	-88	0.18	0.33	0.14	0.16	0.16	0.2
chr14	32248441	32249359	Sh3bp5	ENSMUSG00000021892	351	0.18	0.16	0.1	0.14	0.16	0.15
chr14	56364460	56364903	Dhrs1	ENSMUSG0000002332	-154	0.23	0.13	0.29	0.26	0.14	0.46
chr14	63174348	63174807	Fam124a	ENSMUSG00000035184	3	0.13	0.13	0.09	0.15	0.11	0.11
chr14	79880487	79882018	Elf1	ENSMUSG00000036461	251	0.16	0.15	0.09	0.12	0.15	0.14
chr14	31638713	31639231	Tmem110	ENSMUSG00000006526	196	0.16	0.23	0.1	0.18	0.14	0.12
chr14	56380815	56381716	Ltb4r2	ENSMUSG00000040432	504	0.08	0.14	0.1	0.09	0.11	0.16
chr14	47005421	47005703	Gm15222	ENSMUSG000000086746	-1632	0.21	0.14	0.11	0.13	0.13	0.16
chr14	65271189	65271731	Kif13b	ENSMUSG000000060012	21	0.09	0.07	0.1	0.14	0.1	0.11
chr14	76244636	76245789	Gm4285	ENSMUSG000000085829	-441	0.28	0.23	0.12	0.15	0.29	0.16
chr14	106295169	106296717	Spry2	ENSMUSG00000022114	93	0.15	0.23	0.14	0.18	0.12	0.16
chr14	55250902	55251379	CT009512.1	ENSMUSG000000092443	-26	0.93	0.93	0.88	0.89	0.92	0.93
chr14	60869781	60870750	Nupl1	ENSMUSG000000063895	79	0.33	0.22	0.13	0.11	0.17	0.17
chr14	62218265	62218553	Trim13	ENSMUSG000000035235	60	0.24	0.41	0.13	0.09	0.19	0.12
chr14	73724976	73726383	Rb1	ENSMUSG00000022105	-231	0.22	0.13	0.12	0.13	0.21	0.13
chr14	61403352	61403802	Mipep	ENSMUSG00000021993	174	0.13	0.13	0.13	0.16	0.15	0.19
chr14	64479081	64479474	Pinx1	ENSMUSG00000021958	128	0.08	0.1	0.12	0.18	0.07	0.16
chr14	75132008	75132606	Esd	ENSMUSG00000021996	203	0.12	0.24	0.09	0.13	0.16	0.2
chr14	76956287	76956749	Serp2	ENSMUSG000000052584	-24	0.13	0.25	0.11	0.13	0.1	0.12
chr14	102128646	102129334	Gm9922	ENSMUSG000000053821	41	0.18	0.25	0.12	0.14	0.12	0.17
chr14	32307681	32308649	Mettl6	ENSMUSG00000021891	51	0.1	0.14	0.12	0.16	0.13	0.13
chr14	9498576	9498851	4930452B06Rik	ENSMUSG00000021747	40	0.11	0.1	0.14	0.09	0.09	0.13
chr14	66572350	66572801	Scara3	ENSMUSG000000034463	6	0.14	0.3	0.11	0.18	0.17	0.19

chr14	70842702	70843701	Polr3d	ENSMUSG00000000776	77	0.22	0.44	0.15	0.28	0.25	0.2
chr14	12385879	12386974	Ptprg	ENSMUSG000000021745	380	0.15	0.13	0.1	0.12	0.14	0.12
chr14	30821917	30822418	Il17rb	ENSMUSG000000015966	-172	0.17	0.31	0.1	0.14	0.15	0.2
chr14	8400384	8401138	Gm3558	ENSMUSG000000079364	319	1	0.5	0.17	NA	0.25	NA
chr14	55544690	55545809	Efs	ENSMUSG000000022203	376	0.11	0.17	0.12	0.12	0.1	0.15
chr14	13116627	13117174	3830406C13Rik	ENSMUSG000000033111	177	0.11	0.13	0.07	0.11	0.08	0.18
chr14	65059376	65059854	Msra	ENSMUSG000000054733	207	0.3	0.28	0.16	0.19	0.27	0.15
chr14	31764373	31764949	Nek4	ENSMUSG000000021918	14	0.33	0.1	0.09	0.14	0.13	0.15
chr14	57676294	57677083	Gja3	ENSMUSG000000048582	179	0.09	0.12	0.21	0.12	0.08	0.18
chr14	70477543	70480219	Egr3	ENSMUSG000000033730	1627	0.11	0.14	0.14	0.19	0.11	0.17
chr14	55259954	55260574	Cdh24	ENSMUSG000000059674	-63	0.15	0.1	0.11	0.11	0.14	0.14
chr14	57751746	57752293	Gjb6	ENSMUSG000000040055	99	0.1	0.07	0.1	0.12	0.08	0.13
chr14	21526698	21527303	2310021P13Rik	ENSMUSG000000021819	226	0.18	0.35	0.15	0.27	0.21	0.21
chr14	32019499	32019912	Nisch	ENSMUSG000000021910	181	0.2	0.2	0.14	0.18	0.13	0.18
chr14	68551083	68552033	Dock5	ENSMUSG000000044447	71	0.12	0.14	0.09	0.1	0.13	0.11
chr14	69808639	69809071	Nkx3-1	ENSMUSG000000022061	160	0.17	NA	0.11	0.05	0.12	0.21
chr14	48187843	48188050	Atg14	ENSMUSG000000037526	163	0.08	0.07	0.09	0.1	0.05	0.09
chr14	59819771	59820610	Rc3hb1	ENSMUSG000000035469	144	0.08	0.11	0.1	0.1	0.08	0.09
chr14	62911423	62911860	Rnaseh2b	ENSMUSG000000021932	215	0.05	0.09	0.08	0.1	0.06	0.13
chr14	29317896	29318170	Wnt5a	ENSMUSG000000021994	97	0.18	0.21	0.11	0.15	0.26	0.17
chr14	56197172	56197468	Psme1	ENSMUSG000000022216	123	0.11	0.11	0.08	0.21	0.18	0.13
chr14	121777580	121778754	Stk24	ENSMUSG000000063410	389	0.11	0.11	0.11	0.14	0.11	0.12
chr14	19070738	19071926	Nr1d2	ENSMUSG000000021775	213	0.11	0.1	0.1	0.12	0.11	0.15
chr14	47896106	47897008	Wdhd1	ENSMUSG000000037572	-92	0.1	0.44	0.1	0.13	0.09	0.14
chr14	103497969	103499070	Fbxl3	ENSMUSG000000022124	-327	0.11	0.12	0.09	0.09	0.1	0.11
chr14	32973026	32973442	Ncoa4	ENSMUSG000000056234	183	0.08	0.11	0.08	0.17	0.06	0.09
chr14	115491349	115492144	Gpc5	ENSMUSG000000022112	309	0.09	0.15	0.1	0.13	0.1	0.17
chr14	123312105	123312541	4930594M22Rik	ENSMUSG000000075463	71	0.11	0.14	0.09	0.09	0.11	0.1
chr14	63456082	63456984	Wdfy2	ENSMUSG000000014547	6	0.11	0.46	0.14	0.14	0.12	0.24
chr14	28149095	28149799	Arhgef3	ENSMUSG000000021895	176	0.17	0.27	0.09	0.32	0.15	0.22

chr14	70750834	70751386	Slc39a14	ENSMUSG00000022094	91	0.22	0.22	0.09	0.15	0.24	0.13
chr14	47407506	47408114	Cnih	ENSMUSG00000015759	276	0.15	0.15	0.08	0.13	0.16	0.13
chr14	51544312	51545006	Osgep	ENSMUSG00000006289	-296	0.42	0.55	0.12	0.15	0.46	0.13
chr14	8623940	8624331	Gm10044	ENSMUSG00000072723	-68	0.1	0.07	0.09	0.09	0.11	0.16
chr14	11994181	11994404	Fhit	ENSMUSG00000060579	254	0.11	0.08	0.13	0.12	0.11	0.28
chr14	17407738	17408295	Rarb	ENSMUSG00000017491	-30	1	0.69	0.31	0.49	0.79	0.28
chr14	19159461	19159893	Ube2e1	ENSMUSG00000021774	128	0.13	0.08	0.13	0.21	0.12	0.13
chr14	19725775	19726569	Ube2e2	ENSMUSG00000058317	-379	0.08	0.07	0.31	0.4	0.08	0.35
chr14	21207778	21208243	Dnajc9	ENSMUSG00000021811	122	0.12	NA	0.12	0.11	0.08	0.12
chr14	22666846	22667333	Comtd1	ENSMUSG00000021773	-57	0.19	0.47	0.08	0.13	0.14	0.12
chr14	25306079	25306390	Polr3a	ENSMUSG00000025280	34	0.06	0.05	0.1	0.13	0.05	0.09
chr14	26197682	26198071	Gm17716	ENSMUSG00000091164	245	0.1	0.33	0.1	0.15	0.11	0.18
chr14	28321454	28321840	Ccdc66	ENSMUSG00000046753	-1	0.13	0.11	0.11	0.14	0.13	0.13
chr14	31467517	31467782	Rft1	ENSMUSG00000052395	103	0.11	NA	0.06	0.13	0.08	0.07
chr14	33278365	33278588	Gm2990	ENSMUSG00000090669	248	0.14	0.08	0.13	0.23	0.12	0.12
chr14	33326587	33327017	Erc6	ENSMUSG00000054051	95	0.33	0.25	0.11	0.13	0.15	0.12
chr14	35014363	35014835	Gprin2	ENSMUSG00000071531	220	0.04	0.1	0.13	0.11	0.05	0.23
chr14	35709449	35709720	Mir346	ENSMUSG00000065481	1789	0.14	0.32	0.14	0.21	0.15	0.24
chr14	45608727	45609345	Ptger2	ENSMUSG00000037759	1166	0.12	0.07	0.14	0.23	0.09	0.18
chr14	48037833	48038097	Dlgap5	ENSMUSG00000037544	117	0.25	0.18	0.16	0.19	0.28	0.19
chr14	52504358	52504961	Mettl17	ENSMUSG00000004561	142	0.17	0.12	0.18	0.18	0.11	0.21
chr14	52532746	52533182	Ndr2	ENSMUSG00000004558	199	0.14	NA	0.08	0.17	0.09	0.25
chr14	52924355	52924859	Mettl3	ENSMUSG00000022160	55	0.23	0.21	0.14	0.25	0.25	0.18
chr14	54873375	54873872	Dad1	ENSMUSG00000022174	-34	0.08	0.14	0.11	0.1	0.07	0.09
chr14	54980480	54981112	Oxa1l	ENSMUSG0000000959	271	0.33	0.14	0.14	0.2	0.28	0.23
chr14	55482664	55483306	Homez	ENSMUSG00000057156	10	0.11	0.15	0.12	0.15	0.12	0.23
chr14	56472798	56473163	Nynrin	ENSMUSG00000075592	107	0.17	0.21	0.11	0.21	0.14	0.23
chr14	58416785	58417616	Sap18	ENSMUSG00000021963	183	0.2	0.7	0.11	0.15	0.16	0.18
chr14	58444730	58445553	F630043A04Rik	ENSMUSG00000021965	-141	0.14	0.21	0.09	0.12	0.09	0.09
chr14	58689778	58690174	Fgf9	ENSMUSG00000021974	592	0.1	0.12	0.12	0.12	0.1	0.13

chr14	63864014	63864748	Gata4	ENSMUSG00000021944	-296	0.14	NA	0.11	0.14	0.13	0.11
chr14	64055151	64055483	Fam167a	ENSMUSG00000035095	86	0.46	0.76	0.26	0.55	0.5	0.71
chr14	65696252	65696614	Extl3	ENSMUSG00000021978	592	1	NA	0.68	0.81	1	0.86
chr14	65976883	65978039	Zfp395	ENSMUSG00000034522	-52	0.1	0.11	0.09	0.11	0.1	0.13
chr14	67690673	67691390	Ppp2r2a	ENSMUSG00000022052	235	0.23	0.69	0.24	0.15	0.22	0.18
chr14	67852155	67852687	Ebf2	ENSMUSG00000022053	-2	0.13	0.21	0.17	0.17	0.12	0.24
chr14	70008876	70009151	Loxl2	ENSMUSG00000034205	35	0.18	0.18	0.06	0.11	0.17	0.17
chr14	70131961	70132611	Chmp7	ENSMUSG00000034190	10	0.47	0.11	0.14	0.17	0.51	0.19
chr14	70999145	70999451	Fam160b2	ENSMUSG00000022095	344	0.05	0.05	0.09	0.14	0.05	0.17
chr14	73784597	73785103	Itm2b	ENSMUSG00000022108	228	0.09	0.1	0.13	0.14	0.09	0.18
chr14	73909748	73910119	Med4	ENSMUSG00000022109	77	0.09	0.09	0.11	0.15	0.05	0.21
chr14	75530777	75531016	Lcp1	ENSMUSG00000021998	-12	0.09	NA	0.19	0.2	0.08	0.27
chr14	78274588	78274789	Dnajc15	ENSMUSG00000022013	36	0.09	0.22	0.18	0.23	0.14	0.16
chr14	78936289	78936952	Akap11	ENSMUSG00000022016	-5	0.15	0.12	0.09	0.09	0.08	0.07
chr14	102053108	102053773	Uchl3	ENSMUSG00000022111	256	0.08	0.2	0.1	0.14	0.09	0.17
chr14	119105003	119105769	Abcc4	ENSMUSG00000032849	55	0.16	0.25	0.1	0.16	0.17	0.12
chr14	122889754	122890199	Gm10837	ENSMUSG00000075465	168	1	0.42	0.13	0.22	1	0.18
chr14	3049153	3049889	Gm2897	ENSMUSG00000079410	236	NA	NA	0.14	1	NA	0.13
chr14	3438197	3438639	Gm1973	ENSMUSG00000079406	83	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr14	3677596	3678038	Gm3002	ENSMUSG00000079399	83	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr14	3915645	3916089	Gm3002	ENSMUSG00000079399	82	NA	1	NA	NA	NA	NA
chr14	4285341	4286139	Gm2974	ENSMUSG00000079391	125	NA	0.29	0.27	0.43	0.17	0.24
chr14	4437715	4438381	2610042L04Rik	ENSMUSG00000079388	246	NA	NA	0.24	0.34	NA	0.15
chr14	4829448	4830332	Gm3252	ENSMUSG00000092016	76	1	0.5	0.09	0.64	NA	NA
chr14	4958462	4959290	Gm3264	ENSMUSG00000091209	261	0.33	NA	0.21	0.42	NA	0.2
chr14	5174029	5174369	Gm8281	ENSMUSG00000090377	134	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr14	5617998	5618563	Gm3383	ENSMUSG00000079376	249	NA	NA	1	1	NA	NA
chr14	5944194	5944911	Gm10021	ENSMUSG00000079373	324	NA	NA	0.12	NA	1	NA
chr14	6011710	6012436	Gm8237	ENSMUSG00000090707	332	NA	NA	0.38	NA	NA	0.33
chr14	6093077	6093826	Gm3248	ENSMUSG00000091275	317	NA	NA	1	1	NA	0.5

chr14	6169739	6170595	Gm8206	ENSMUSG00000091568	65	NA	1	0.24	0.36	NA	0.23
chr14	6437092	6437657	Gm3488	ENSMUSG00000071616	247	NA	NA	0.6	NA	NA	NA
chr14	6676961	6677476	Gm3500	ENSMUSG00000091156	-89	NA	NA	1	0.67	NA	NA
chr14	6789711	6790276	Gm3494	ENSMUSG00000091208	247	0.5	NA	NA	NA	NA	NA
chr14	7721887	7722562	Gm3667	ENSMUSG00000090691	252	NA	0.64	0.16	0.3	0.57	0.19
chr14	8006416	8007243	Gm3512	ENSMUSG00000090363	218	NA	NA	NA	0.43	NA	NA
chr14	8076703	8077543	Gm3715	ENSMUSG00000072731	98	NA	0.08	0.1	1	0.03	0.19
chr14	8835192	8835522	Abhd6	ENSMUSG00000025277	-59	NA	1	1	0.56	1	NA
chr14	8912736	8913179	Rpp14	ENSMUSG00000023156	130	NA	1	0.43	0.8	0.5	0.67
chr14	8930487	8930698	Pxk	ENSMUSG00000033885	-133	0.26	0.3	0.15	0.04	NA	0.07
chr14	14845769	14846042	Atxn7	ENSMUSG00000021738	900	NA	0.33	0.1	1	NA	0.14
chr14	15178055	15179081	Il3ra	ENSMUSG00000068758	-441	0.1	0.19	0.11	0.11	NA	0.23
chr14	20404059	20404511	Gm2237	ENSMUSG00000079354	72	0.17	0.2	0.11	0.11	NA	0.11
chr14	21298960	21299243	Anxa7	ENSMUSG00000021814	72	NA	NA	NA	1	NA	1
chr14	26862039	26862322	Gm9780	ENSMUSG00000043248	-46	NA	NA	1	1	NA	NA
chr14	27783076	27784033	Appl1	ENSMUSG00000040760	95	NA	0.67	0.1	0.2	0.15	0.18
chr14	30791521	30791979	Actr8	ENSMUSG00000015971	227	NA	0.5	0.22	0.11	0.14	0.17
chr14	31951942	31952148	Stab1	ENSMUSG00000042286	989	NA	NA	NA	1	NA	NA
chr14	32978723	32978993	Ncoa4	ENSMUSG00000056234	83	NA	NA	0.08	0.15	NA	0.11
chr14	41826819	41827234	5730469M10Rik	ENSMUSG00000021792	34	NA	NA	0.09	NA	NA	0.15
chr14	41886118	41886320	Dydc1	ENSMUSG00000021790	19	NA	NA	0.13	0.35	0.33	0.14
chr14	43800703	43800935	Gm7236	ENSMUSG00000090389	-185	NA	NA	0.52	0.46	0.56	0.35
chr14	45478667	45478876	Gm16976	ENSMUSG00000085500	142	NA	NA	NA	NA	NA	0.29
chr14	45949317	45949775	Psmc6	ENSMUSG00000021832	42	NA	0.4	0.15	0.15	0.2	0.14
chr14	47380003	47380505	Cdkn3	ENSMUSG00000037628	38	NA	1	0.24	0.5	NA	0.16
chr14	47441562	47442043	Gmfb	ENSMUSG00000062014	115	NA	0.61	0.17	0.22	0.39	0.26
chr14	49282011	49282282	Otx2	ENSMUSG00000021848	401	NA	1	0.26	NA	0.43	0.47
chr14	49285655	49286399	Otx2	ENSMUSG00000021848	-831	NA	NA	0.52	1	1	0.78
chr14	52898834	52899681	Rab2b	ENSMUSG00000022159	-341	1	1	0.1	0.14	NA	0.19
chr14	55136120	55136379	Prmt5	ENSMUSG00000023110	-51	NA	0.08	0.08	1	0.05	1

chr14	55399940	55400827	Slc7a8	ENSMUSG00000022180	340	0.17	0.1	0.19	0.19	NA	0.27
chr14	55633659	55634028	Ngdn	ENSMUSG00000022204	-448	0.09	0.3	0.04	0.12	NA	0.08
chr14	55724844	55725158	Ap1g2	ENSMUSG00000040701	-32	NA	0.12	0.11	0.16	0.1	0.21
chr14	56254340	56254686	Ipo4	ENSMUSG00000002319	-107	0.12	0.11	0.14	0.14	NA	0.17
chr14	56279121	56279413	Mdp1	ENSMUSG00000002329	78	NA	0.31	0.07	0.1	NA	0.16
chr14	56290695	56290940	Nedd8	ENSMUSG00000010376	-107	NA	NA	0.12	0.14	NA	0.1
chr14	56444336	56444544	Nfatc4	ENSMUSG00000023411	808	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr14	58017100	58017383	Cryl1	ENSMUSG00000021947	79	NA	0.33	0.19	NA	NA	0.12
chr14	60059512	60059886	Setdb2	ENSMUSG00000071350	-123	NA	NA	0.1	0.36	NA	0.27
chr14	60795771	60796409	Atp8a2	ENSMUSG00000021983	286	NA	0.31	0.1	0.12	0.47	0.14
chr14	61664907	61665479	Tnfrsf19	ENSMUSG000000060548	499	1	0.25	0.11	NA	NA	NA
chr14	61979038	61979339	Ebpl	ENSMUSG00000021928	94	NA	NA	0.1	0.23	NA	0.14
chr14	63741250	63741705	Ctsb	ENSMUSG00000021939	175	NA	0.25	0.19	1	NA	0.22
chr14	66452491	66452907	Esco2	ENSMUSG00000022034	132	0.25	0.11	0.11	0.26	NA	0.11
chr14	66663777	66664021	Gm10233	ENSMUSG000000068165	-18	NA	NA	0.85	1	NA	NA
chr14	67486269	67486597	Dpysl2	ENSMUSG00000022048	1092	NA	NA	0.1	0.2	1	0.32
chr14	67850663	67850923	RP23-177N16.1	ENSMUSG00000093744	1173	NA	1	0.32	0.6	NA	0.23
chr14	70107104	70107437	R3hcc1	ENSMUSG00000034194	30	NA	NA	0.12	NA	NA	0.35
chr14	71290309	71290540	Gfra2	ENSMUSG00000022103	89	NA	NA	0.12	0.16	NA	0.28
chr14	73924682	73925122	Sucla2	ENSMUSG00000022110	-224	NA	0.63	0.15	0.12	0.22	0.19
chr14	75415762	75416298	5031414D18Rik	ENSMUSG00000034959	196	NA	NA	NA	NA	1	NA
chr14	79851640	79852362	Gm5465	ENSMUSG000000075502	359	NA	1	1	0.43	NA	NA
chr14	84843126	84843449	Pcdh17	ENSMUSG00000035566	-83	NA	NA	0.38	NA	NA	0.75
chr14	84844095	84844308	Pcdh17	ENSMUSG00000035566	831	0.2	0.11	0.16	0.13	NA	0.09
chr14	102039419	102039725	Commd6	ENSMUSG00000075486	116	NA	0.53	0.08	0.25	0.11	0.23
chr14	106294293	106294540	Spry2	ENSMUSG00000022114	1620	NA	NA	0.3	1	NA	0.39
chr14	106505316	106505948	Trim52	ENSMUSG00000022113	217	NA	NA	0.88	1	NA	1
chr14	119253810	119254259	Cldn10	ENSMUSG00000022132	80	NA	0.11	0.1	0.11	NA	0.14
chr15	98126369	98126751	Zfp641	ENSMUSG00000022987	-46	0.06	0.12	0.07	0.11	0.25	0.12
chr15	94233659	94234801	Adamts20	ENSMUSG00000022449	459	0.27	0.16	0.09	0.17	0.06	0.11

chr15	99200363	99201023	Fmnl3	ENSMUSG00000023008	89	0.26	0.11	0.1	0.15	0.08	0.13
chr15	81415555	81417204	Ep300	ENSMUSG00000055024	598	0.3	0.2	0.09	0.13	0.13	0.13
chr15	75692556	75692870	Gsdmd	ENSMUSG00000022575	-56	0.55	0.46	0.16	0.21	0.06	0.19
chr15	77759271	77759568	Txn2	ENSMUSG0000005354	-21	0.75	0.15	0.14	0.33	0.12	0.14
chr15	58765130	58765541	Tatdn1	ENSMUSG00000050891	-53	0.54	0.12	0.13	0.17	0.18	0.13
chr15	39028621	39030713	Rims2	ENSMUSG00000037386	-211	0.26	0.24	0.11	0.16	0.14	0.15
chr15	102180858	102181321	Aaas	ENSMUSG00000036678	101	0.55	0.25	0.15	0.23	0.14	0.17
chr15	103368113	103368606	Ppp1r1a	ENSMUSG00000022490	64	0.31	0.1	0.08	0.19	0.1	0.15
chr15	96471453	96473475	Slc38a1	ENSMUSG00000023169	-71	0.29	0.14	0.12	0.11	0.07	0.18
chr15	73014521	73015901	Eif2c2	ENSMUSG00000036698	59	0.22	0.15	0.1	0.15	0.07	0.15
chr15	65618525	65619296	Efr3a	ENSMUSG00000015002	314	0.24	0.11	0.1	0.13	0.09	0.12
chr15	87374444	87375663	Fam19a5	ENSMUSG00000054863	149	0.21	0.12	0.11	0.15	0.1	0.12
chr15	76701235	76701975	Zfp251	ENSMUSG00000022526	260	1	0.1	0.13	0.12	0.1	0.09
chr15	81900434	81900739	Mei1	ENSMUSG00000068117	160	0.5	0.25	0.18	0.23	0.26	0.21
chr15	54577600	54577856	Nov	ENSMUSG00000037362	471	0.4	0.28	0.15	0.2	0.17	0.17
chr15	27396002	27397081	Ank	ENSMUSG00000022265	109	0.7	0.26	0.12	0.14	0.3	0.14
chr15	82742057	82742411	Tcf20	ENSMUSG00000041852	330	0.41	0.22	0.15	0.14	0.16	0.13
chr15	76487204	76487678	Cyhr1	ENSMUSG00000053929	-91	0.53	0.13	0.12	0.18	0.12	0.13
chr15	34011990	34013091	Mtdh	ENSMUSG00000022255	91	0.24	0.24	0.11	0.13	0.1	0.16
chr15	81977315	81978388	Srebf2	ENSMUSG00000022463	155	0.28	0.21	0.12	0.17	0.1	0.15
chr15	7079140	7079988	Lifr	ENSMUSG00000054263	5	0.31	0.21	0.08	0.16	0.11	0.08
chr15	101242641	101243248	Krt7	ENSMUSG00000023039	111	0.44	0.8	0.38	0.37	0.68	0.53
chr15	88979701	88980009	Mapk11	ENSMUSG00000053137	117	0.3	0.13	0.12	0.21	0.1	0.1
chr15	102865191	102865456	Hoxc4	ENSMUSG00000075394	497	0.3	0.07	0.23	0.28	0.07	0.14
chr15	27953964	27956032	Trio	ENSMUSG00000022263	605	0.15	0.15	0.1	0.16	0.09	0.11
chr15	101858553	101858861	Krt18	ENSMUSG00000023043	60	0.48	0.66	0.15	0.14	0.25	0.16
chr15	89026445	89027072	Fam116b	ENSMUSG00000015377	147	0.28	0.13	0.11	0.13	0.1	0.16
chr15	11835822	11836193	Npr3	ENSMUSG00000022206	-578	0.29	0.16	0.16	0.19	0.08	0.12
chr15	41278707	41279275	Oxr1	ENSMUSG00000022307	-37	0.27	0.17	0.11	0.18	0.11	0.12
chr15	74539453	74540024	4933427E11Rik	ENSMUSG00000044276	147	0.2	0.16	0.11	0.15	0.07	0.14

chr15	76709648	76709925	Zfp7	ENSMUSG000000033669	97	0.88	0.29	0.13	0.15	0.16	0.18
chr15	79271922	79272567	Csnk1e	ENSMUSG000000022433	4	0.14	0.34	0.16	0.16	0.25	0.15
chr15	88919400	88920183	1300018J18Rik	ENSMUSG000000035757	277	0.21	0.16	0.1	0.19	0.11	0.11
chr15	58704101	58704649	Trmt12	ENSMUSG000000037085	171	0.26	0.24	0.14	0.13	0.12	0.17
chr15	59205514	59205956	E430025E21Rik	ENSMUSG000000022350	-13	0.43	0.11	0.11	0.16	0.16	0.11
chr15	61816503	61819771	Myc	ENSMUSG000000022346	1191	0.17	0.14	0.12	0.13	0.08	0.16
chr15	81790711	81791542	Pmm1	ENSMUSG000000022474	68	0.33	0.16	0.12	0.14	0.06	0.11
chr15	99500689	99501535	Accn2	ENSMUSG000000023017	-37	0.19	0.13	0.09	0.13	0.08	0.14
chr15	44450654	44451423	Ebag9	ENSMUSG000000022339	-149	0.17	0.09	0.09	0.13	0.07	0.12
chr15	82952787	82953292	Rrp7a	ENSMUSG000000018040	142	0.16	0.1	0.09	0.14	0.04	0.08
chr15	80003668	80004712	Mgat3	ENSMUSG000000042428	39	0.2	0.2	0.11	0.13	0.11	0.13
chr15	94373695	94374440	Pus7l	ENSMUSG000000033356	-150	0.13	1	0.08	0.2	0.42	0.13
chr15	75910818	75911540	Puf60	ENSMUSG000000002524	197	0.2	0.27	0.09	0.11	0.06	0.17
chr15	102077405	102078442	Rarg	ENSMUSG000000001288	-992	0.29	0.2	0.13	0.19	0.15	0.16
chr15	54943784	54944461	Deptor	ENSMUSG000000022419	250	0.24	0.1	0.09	0.17	0.08	0.17
chr15	81689497	81689701	Tob2	ENSMUSG000000078960	-373	1	0.39	0.17	0.18	0.31	0.13
chr15	100445941	100446698	Dazap2	ENSMUSG000000000346	250	0.19	0.48	0.26	0.16	0.45	0.21
chr15	41620361	41620962	Gm16718	ENSMUSG0000000086242	-204	0.26	0.17	0.16	0.18	0.1	0.16
chr15	35300941	35301600	Vps13b	ENSMUSG0000000037646	-31	0.15	0.12	0.1	0.19	0.07	0.11
chr15	98364083	98364920	2310037I24Rik	ENSMUSG0000000022992	151	0.13	0.2	0.12	0.12	0.05	0.13
chr15	98635798	98636544	B130046B21Rik	ENSMUSG0000000085373	-1292	0.07	0.14	0.12	0.17	0.24	0.16
chr15	75827952	75829430	Mapk15	ENSMUSG0000000063704	1548	0.17	0.12	0.09	0.15	0.08	0.13
chr15	98956575	98957675	Spats2	ENSMUSG000000051934	116	0.13	0.33	0.19	0.31	0.23	0.24
chr15	6336350	6336893	Dab2	ENSMUSG000000022150	23	0.2	0.23	0.15	0.42	0.08	0.3
chr15	27560216	27560625	Fam105b	ENSMUSG000000046034	28	0.51	0.9	0.13	0.21	0.29	0.16
chr15	64752297	64754247	Adcy8	ENSMUSG000000022376	586	0.38	0.05	0.16	0.16	0.08	0.14
chr15	76059576	76060373	Plec	ENSMUSG000000022565	-47	0.47	0.49	0.08	0.22	0.21	0.16
chr15	94459330	94459958	Tmem117	ENSMUSG0000000063296	28	0.2	0.12	0.1	0.13	0.12	0.15
chr15	76157645	76158158	Exosc4	ENSMUSG0000000034259	74	0.24	0.19	0.15	0.13	0.1	0.12
chr15	79517760	79518650	Josd1	ENSMUSG000000022426	97	0.18	0.13	0.16	0.14	0.1	0.12

chr15	10643803	10644792	Rai14	ENSMUSG00000022246	89	0.16	0.26	0.13	0.19	0.26	0.17
chr15	57972849	57973198	Wdyhv1	ENSMUSG00000022359	60	0.28	0.51	0.12	0.17	0.12	0.16
chr15	76778841	76779427	1110038F14Rik	ENSMUSG00000063236	165	0.27	0.06	0.11	0.19	0.06	0.33
chr15	93105245	93106206	Gxylt1	ENSMUSG00000036197	-143	0.24	0.31	0.12	0.12	0.15	0.16
chr15	54921694	54922113	Dscc1	ENSMUSG00000022422	132	0.2	0.29	0.14	0.16	0.11	0.18
chr15	89284080	89284757	Mapk8ip2	ENSMUSG00000022619	74	0.08	0.35	0.33	0.16	0.39	0.14
chr15	44258989	44259878	Nudcd1	ENSMUSG00000038736	-28	0.75	0.36	0.11	0.23	0.15	0.14
chr15	51871576	51872127	Aard	ENSMUSG00000068522	198	0.14	0.1	0.08	0.12	0.05	0.1
chr15	102300743	102301675	Pcbp2	ENSMUSG00000056851	146	0.22	0.11	0.11	0.22	0.12	0.17
chr15	85406728	85408574	Wnt1b	ENSMUSG00000022382	849	0.19	0.22	0.12	0.18	0.07	0.19
chr15	12047236	12048585	Zfr	ENSMUSG00000022201	324	0.15	0.14	0.1	0.17	0.09	0.11
chr15	98783451	98784000	Tuba1a	ENSMUSG00000072235	248	0.46	0.3	0.1	0.25	0.35	0.11
chr15	79664447	79664931	Cbx6	ENSMUSG00000089715	-48	0.2	0.2	0.12	0.12	0.11	0.16
chr15	97738408	97739146	Vdr	ENSMUSG00000022479	-36	0.13	0.12	0.07	0.1	0.06	0.1
chr15	98926976	98928842	Dnajc22	ENSMUSG00000038009	-1934	0.32	0.23	0.14	0.22	0.19	0.2
chr15	102347010	102347565	Map3k12	ENSMUSG00000023050	-44	0.23	0.3	0.11	0.14	0.11	0.17
chr15	8660129	8660432	Slc1a3	ENSMUSG00000005360	129	0.44	NA	0.12	0.23	0.1	0.12
chr15	76342000	76342501	Dgat1	ENSMUSG00000022555	131	0.19	0.1	0.07	0.17	0.08	0.1
chr15	102235742	102237331	Sp1	ENSMUSG0000001280	-38	0.52	0.27	0.11	0.16	0.25	0.15
chr15	82171421	82171843	Fam109b	ENSMUSG00000049687	23	0.1	0.15	0.23	0.23	0.19	0.24
chr15	37162742	37164196	Grhl2	ENSMUSG00000022286	678	0.22	0.27	0.25	0.26	0.14	0.21
chr15	76173896	76174412	Cyc1	ENSMUSG00000022551	201	0.1	0.39	0.11	0.21	0.31	0.1
chr15	34608125	34608612	Nipal2	ENSMUSG00000038879	93	0.17	0.15	0.1	0.18	0.33	0.13
chr15	89209044	89209589	Odf3b	ENSMUSG00000047394	369	0.19	0.17	0.12	0.16	0.11	0.11
chr15	61869472	61869739	Pvt1	ENSMUSG00000072566	63	1	0.12	0.15	1	0.14	0.2
chr15	78744150	78745050	Pdpx	ENSMUSG00000068221	251	0.07	0.17	0.1	0.14	0.18	0.12
chr15	78813139	78813750	Triobp	ENSMUSG00000033088	-27	0.26	0.29	0.17	0.18	0.19	0.18
chr15	99287529	99288576	Nckap5l	ENSMUSG00000023009	91	0.19	0.21	0.1	0.18	0.1	0.15
chr15	79177739	79178663	Maff	ENSMUSG00000042622	230	0.13	0.07	0.07	0.14	0.07	0.14
chr15	97834824	97835324	Col2a1	ENSMUSG00000022483	-8	0.1	0.1	0.12	0.18	0.19	0.13

chr15	99082106	99082653	Mcrs1	ENSMUSG00000037570	13	0.14	1	0.1	0.23	0.31	0.15
chr15	87454500	87456136	Fam19a5	ENSMUSG00000054863	-342	0.14	0.13	0.12	0.16	0.11	0.11
chr15	7760071	7761208	Gdnf	ENSMUSG00000022144	-372	0.06	0.29	0.09	0.13	0.12	0.13
chr15	31296783	31297761	Ankrd33b	ENSMUSG00000022237	15	0.12	0.12	0.11	0.16	0.06	0.15
chr15	85410841	85412492	Wnt7b	ENSMUSG00000022382	-507	0.15	0.11	0.08	0.14	0.11	0.12
chr15	100298934	100299851	5330439K02Rik	ENSMUSG00000092050	-270	0.1	0.18	0.12	0.09	0.2	0.12
chr15	13102863	13103169	Cdh6	ENSMUSG00000039385	378	0.31	0.07	0.08	0.21	0.13	0.1
chr15	73342780	73343266	Dennd3	ENSMUSG00000036661	33	0.36	0.67	0.19	0.36	0.9	0.23
chr15	85862895	85864629	Celsr1	ENSMUSG00000016028	445	0.16	0.22	0.1	0.2	0.12	0.18
chr15	37890411	37891153	Rrm2b	ENSMUSG00000022292	-178	0.18	0.15	0.11	0.14	0.38	0.2
chr15	85565254	85566509	Ppara	ENSMUSG00000022383	468	0.27	0.14	0.14	0.12	0.16	0.2
chr15	54903471	54903792	Taf2	ENSMUSG00000037343	76	0.16	0.12	0.09	0.09	0.08	0.14
chr15	58912832	58914092	Mtss1	ENSMUSG00000022353	119	0.15	0.14	0.09	0.15	0.1	0.15
chr15	99125238	99125833	Prpf40b	ENSMUSG00000023007	17	0.14	0.1	0.08	0.15	0.06	0.1
chr15	79346707	79347188	Kdelr3	ENSMUSG00000010830	109	1	0.29	0.1	0.15	0.41	0.25
chr15	8059224	8059568	Nup155	ENSMUSG00000022142	83	1	0.43	0.66	0.5	0.56	0.33
chr15	76180860	76182157	Sharpin	ENSMUSG00000022552	-396	0.2	0.22	0.17	0.18	0.29	0.16
chr15	83197293	83197963	1700001L05Rik	ENSMUSG00000075511	79	0.4	0.09	0.16	0.42	0.19	0.19
chr15	36722140	36724134	Ywhaz	ENSMUSG00000022285	-968	0.14	0.23	0.13	0.17	0.2	0.2
chr15	76210649	76210953	Heatr7a	ENSMUSG00000022558	110	0.25	0.13	0.13	0.12	0.09	0.07
chr15	94419768	94420375	Twf1	ENSMUSG00000022451	239	0.12	0.18	0.13	0.14	0.23	0.18
chr15	86015719	86016251	Gm15569	ENSMUSG000000086424	-173	0.12	0.17	0.12	0.14	0.05	0.16
chr15	83385671	83386184	Mcat	ENSMUSG00000048755	214	0.24	0.17	0.11	0.1	0.15	0.14
chr15	84753391	84754498	Nup50	ENSMUSG00000016619	113	0.17	0.08	0.1	0.15	0.11	0.14
chr15	86044314	86045148	Tbc1d22a	ENSMUSG00000051864	-146	0.4	0.33	0.12	0.14	0.27	0.12
chr15	57865413	57865926	9130401M01Rik	ENSMUSG00000022362	180	0.23	0.17	0.08	0.16	0.14	0.15
chr15	57723582	57724160	Derl1	ENSMUSG00000022365	102	0.12	0.08	0.12	0.12	0.07	0.17
chr15	3945516	3946031	AW549877	ENSMUSG00000041935	-21	1	0.44	0.15	0.14	0.21	0.13
chr15	75396894	75397492	Ly6h	ENSMUSG00000022577	-131	0.18	0.21	0.12	0.13	0.08	0.12
chr15	97614714	97615393	Slc48a1	ENSMUSG00000081534	267	0.08	0.2	0.1	0.13	0.12	0.12

chr15	11833606	11835432	Npr3	ENSMUSG00000022206	910	0.12	0.11	0.1	0.15	0.08	0.14
chr15	89010757	89011673	Pixnb2	ENSMUSG00000036606	-77	0.18	0.26	0.15	0.19	0.25	0.22
chr15	81810889	81811248	1700029P11Rik	ENSMUSG00000061633	93	0.97	0.84	0.94	0.95	0.89	0.95
chr15	84511334	84512144	Prr5	ENSMUSG00000036106	307	0.12	0.12	0.07	0.11	0.08	0.1
chr15	98728413	98728635	Dhh	ENSMUSG00000023000	447	0.31	0.33	0.14	0.14	0.08	0.13
chr15	91402840	91403718	Slc2a13	ENSMUSG00000036298	322	0.11	0.11	0.06	0.15	0.05	0.07
chr15	25551967	25553205	Myo10	ENSMUSG00000022272	306	0.11	0.09	0.12	0.13	0.07	0.18
chr15	12669067	12669869	Pdzd2	ENSMUSG00000022197	211	1	0.21	0.14	0.12	0.51	0.2
chr15	73475703	73476422	Slc45a4	ENSMUSG00000079020	-287	0.18	0.1	0.07	0.08	0.07	0.13
chr15	31383117	31383638	Ropn1l	ENSMUSG00000022236	25	0.4	0.1	0.1	0.16	0.08	0.13
chr15	58720266	58721297	Rnf139	ENSMUSG00000037075	-3	0.23	0.23	0.13	0.2	0.16	0.14
chr15	78858322	78859291	H1f0	ENSMUSG00000048769	-346	0.12	0.16	0.08	0.13	0.09	0.14
chr15	78971273	78971902	1700088E04Rik	ENSMUSG00000033029	30	0.22	0.15	0.08	0.15	0.12	0.12
chr15	81020596	81021467	Mkl1	ENSMUSG00000042292	-79	0.2	0.24	0.16	0.2	0.29	0.22
chr15	8393622	8395583	Nipbl	ENSMUSG00000022141	-139	0.21	0.17	0.15	0.18	0.28	0.14
chr15	76077198	76077632	Grina	ENSMUSG00000022564	178	0.08	0.07	0.09	0.26	0.02	0.14
chr15	83554912	83555668	Scube1	ENSMUSG00000016763	161	0.12	0.12	0.09	0.09	0.08	0.13
chr15	57526427	57527449	Zhx2	ENSMUSG00000071757	-346	0.33	0.22	0.14	0.18	0.25	0.18
chr15	76647543	76648777	Arhgap39	ENSMUSG00000033697	240	0.09	0.16	0.08	0.12	0.05	0.13
chr15	25913760	25915032	Zfp622	ENSMUSG00000052253	275	0.15	0.12	0.15	0.13	0.09	0.11
chr15	32174540	32175960	Sema5a	ENSMUSG00000022231	682	0.17	0.17	0.13	0.19	0.08	0.17
chr15	35085039	35085750	Stk3	ENSMUSG00000022329	30	0.21	0.14	0.09	0.16	0.12	0.16
chr15	79376428	79377571	Ddx17	ENSMUSG00000055065	172	0.2	0.27	0.15	0.23	0.08	0.17
chr15	81756256	81756807	Polr3h	ENSMUSG00000022476	112	0.09	0.07	0.14	0.21	0.06	0.13
chr15	5193924	5194466	Ptger4	ENSMUSG00000039942	-23	0.29	0.4	0.08	0.18	0.12	0.17
chr15	59146183	59146880	Sqle	ENSMUSG00000022351	-101	0.06	0.18	0.09	0.12	0.1	0.12
chr15	102076600	102076844	Rarg	ENSMUSG00000001288	209	0.44	0.24	0.05	0.1	0.24	0.13
chr15	102820900	102821489	Hoxc8	ENSMUSG00000001657	141	0.11	0.11	0.09	0.14	0.07	0.14
chr15	58246886	58247457	D15Ert621e	ENSMUSG00000037119	148	0.13	0.12	0.07	0.12	0.07	0.14
chr15	74394337	74394597	Bai1	ENSMUSG00000034730	184	0.12	0.1	0.07	0.16	0.04	0.16

chr15	83425119	83425697	Tllf12	ENSMUSG00000016757	179	0.27	0.23	0.2	0.27	0.56	0.21
chr15	98885558	98886233	Prph	ENSMUSG00000023484	290	0.16	0.13	0.09	0.13	0.1	0.18
chr15	76501975	76502374	Ppp1r16a	ENSMUSG00000033819	129	0.18	0.13	0.09	0.08	0.09	0.15
chr15	89329137	89330775	Shank3	ENSMUSG00000022623	-98	0.13	0.26	0.15	0.16	0.19	0.14
chr15	98397673	98398664	9330020H09Rik	ENSMUSG00000091050	413	0.29	0.16	0.11	0.18	0.16	0.13
chr15	102844631	102845758	Mir615	ENSMUSG00000092424	-147	0.17	0.15	0.11	0.19	0.12	0.13
chr15	66800146	66801667	Gm2895	ENSMUSG00000091412	21	0.17	0.32	0.14	0.19	0.09	0.19
chr15	72920684	72921339	Chrac1	ENSMUSG00000068391	189	0.16	0.29	0.1	0.15	0.08	0.18
chr15	75509054	75509315	Top1mt	ENSMUSG00000000934	46	0.15	0.13	0.19	0.19	0.09	0.08
chr15	83294601	83294983	Pacsin2	ENSMUSG00000016664	208	0.37	0.31	0.11	0.26	0.62	0.11
chr15	84062342	84062763	Parvb	ENSMUSG00000022438	79	0.09	0.24	0.09	0.23	0.26	0.11
chr15	8588916	85889648	Gramd4	ENSMUSG00000035900	125	0.2	0.21	0.08	0.12	0.14	0.11
chr15	8048842	8049315	Wdr70	ENSMUSG00000039828	131	0.44	0.21	0.1	0.15	0.32	0.11
chr15	34236386	34236883	Matn2	ENSMUSG00000022324	198	0.04	0.09	0.12	0.1	0.08	0.07
chr15	76124785	76125689	Gm10345	ENSMUSG00000071724	373	0.09	0.13	0.16	0.17	0.14	0.17
chr15	78892826	78893402	Ankrd54	ENSMUSG00000033055	152	0.14	0.11	0.11	0.15	0.06	0.12
chr15	10399539	10400443	Dnajc21	ENSMUSG00000044224	280	0.19	0.34	0.14	0.24	0.12	0.13
chr15	31531020	31532010	Cct5	ENSMUSG00000022234	-221	0.14	0.19	0.15	0.19	0.21	0.15
chr15	34424990	34425298	Hrsp12	ENSMUSG00000022323	-134	0.5	NA	0.12	0.19	0.11	0.17
chr15	78765330	78765780	Nol12	ENSMUSG00000033099	192	0.1	0.12	0.1	0.17	0.05	0.14
chr15	93425733	93426536	Prickle1	ENSMUSG00000036158	188	0.19	0.17	0.13	0.11	0.12	0.13
chr15	102156477	102156802	Pfdn5	ENSMUSG00000001289	92	0.17	0.41	0.17	0.14	1	0.18
chr15	79489085	79489850	4933432B09Rik	ENSMUSG00000042564	-288	0.16	0.18	0.07	0.11	0.06	0.09
chr15	79842764	79845235	Pdgfb	ENSMUSG00000000489	1239	0.13	0.12	0.1	0.16	0.1	0.16
chr15	98622102	98623362	Wnt1	ENSMUSG00000022997	610	0.1	0.11	0.14	0.17	0.06	0.14
chr15	44619213	44619475	2310069G16Rik	ENSMUSG00000085947	16	0.29	0.35	0.1	0.09	0.18	0.12
chr15	55737852	55738662	Sntb1	ENSMUSG00000060429	-392	0.14	0.23	0.15	0.18	0.1	0.16
chr15	60654525	60656630	9930014A18Rik	ENSMUSG00000044513	-319	0.17	0.12	0.15	0.17	0.11	0.17
chr15	100592011	100592671	Slc4a8	ENSMUSG00000023032	163	0.2	0.23	0.1	0.17	0.28	0.12
chr15	51822546	51823519	Rad21	ENSMUSG00000022314	274	0.15	0.21	0.16	0.15	0.11	0.11

chr15	82176289	82176740	1500032L24Rik	ENSMUSG00000022452	130	0.14	0.1	0.09	0.16	0.1	0.16
chr15	83935878	83936359	Sult4a1	ENSMUSG00000018865	-74	0.31	1	0.11	0.4	0.16	0.12
chr15	84817986	84818215	5031439G07Rik	ENSMUSG00000036046	301	1	0.11	0.08	0.07	0.12	0.08
chr15	76528292	76528512	Gpt	ENSMUSG00000022546	1239	0.5	0.38	0.34	0.56	0.21	0.48
chr15	88970519	88971222	Mapk12	ENSMUSG00000022610	263	0.17	0.22	0.13	0.19	0.13	0.16
chr15	98905034	98905533	Troap	ENSMUSG00000032783	277	0.09	0.15	0.09	0.15	0.17	0.18
chr15	66409041	66409688	Phf20l1	ENSMUSG00000072501	236	0.11	0.19	0.09	0.15	0.08	0.12
chr15	75446556	75447381	Zfp41	ENSMUSG00000047003	-141	0.08	0.14	0.1	0.13	0.14	0.16
chr15	75899533	75900313	Scrib	ENSMUSG00000022568	227	0.12	0.07	0.08	0.13	0.09	0.11
chr15	90879579	90880478	Kif21a	ENSMUSG00000022629	351	0.15	0.21	0.1	0.14	0.11	0.16
chr15	101975000	101975314	Igfbp6	ENSMUSG00000023046	364	0.09	0.14	0.12	0.17	0.15	0.18
chr15	38591545	38591960	Atp6v1c1	ENSMUSG00000022295	93	0.13	0.12	0.08	0.13	0.1	0.13
chr15	79762815	79763231	Cbx7	ENSMUSG00000053411	-77	0.25	0.09	0.09	0.14	0.11	0.13
chr15	84022492	84022918	Samm50	ENSMUSG00000022437	42	0.34	0.44	0.11	0.18	0.22	0.16
chr15	64213737	64214581	Asap1	ENSMUSG00000022377	135	0.29	0.31	0.14	0.19	0.23	0.17
chr15	81575444	81575774	Zc3h7b	ENSMUSG00000022390	331	0.4	0.23	0.21	0.21	0.19	0.25
chr15	97661415	97662166	Hdac7	ENSMUSG00000022475	110	0.31	0.31	0.11	0.15	0.26	0.15
chr15	102455669	102456099	Atf7	ENSMUSG00000052414	-32	1	1	0.07	0.13	0.12	0.12
chr15	79763859	79764068	Cbx7	ENSMUSG00000053411	297	0.19	0.07	0.11	0.25	0.07	0.19
chr15	101966306	101966947	Spryd3	ENSMUSG00000036966	-3	0.27	0.14	0.11	0.17	0.22	0.13
chr15	51708816	51709342	Utp23	ENSMUSG00000022313	104	1	NA	0.14	0.08	0.14	0.19
chr15	75576481	75578594	Mafa	ENSMUSG00000047591	815	0.14	0.13	0.11	0.15	0.12	0.16
chr15	75671984	75672525	Zc3h3	ENSMUSG00000075600	91	0.13	0.15	0.12	0.11	0.27	0.13
chr15	81524002	81525474	Chadl	ENSMUSG00000063765	-280	0.1	0.1	0.1	0.11	0.08	0.11
chr15	12134535	12135443	Mtmr12	ENSMUSG00000039458	206	0.12	0.18	0.12	0.14	0.1	0.13
chr15	76540567	76541429	Recq4	ENSMUSG00000033762	-35	0.16	0.13	0.11	0.16	0.11	0.12
chr15	80778543	80779188	Adsl	ENSMUSG00000022407	-55	0.06	0.1	0.15	0.22	0.19	0.21
chr15	98661211	98662006	Prkag1	ENSMUSG00000067713	331	0.39	0.09	0.1	0.18	0.17	0.15
chr15	102501175	102501588	Atp5g2	ENSMUSG00000062683	97	0.21	0.3	0.12	0.15	0.1	0.14
chr15	76062415	76063373	Plec	ENSMUSG00000022565	-419	0.32	0.17	0.17	0.48	0.22	0.21

chr15	95358177	95359143	Nell2	ENSMUSG00000022454	23	0.11	0.11	0.09	0.14	0.15	0.12
chr15	34372676	34373449	Rpl30	ENSMUSG00000058600	-147	0.15	0.1	0.09	0.11	0.11	0.15
chr15	66117343	66118467	Kcnq3	ENSMUSG00000056258	-119	0.11	0.18	0.09	0.15	0.07	0.09
chr15	36070029	36070336	Rgs22	ENSMUSG00000037627	-42	0.16	0.46	0.23	0.49	0.22	0.29
chr15	38007699	38008872	Ubr5	ENSMUSG00000037487	323	0.19	0.17	0.1	0.13	0.16	0.12
chr15	38837622	38838244	Gm17265	ENSMUSG00000091397	-202	0.37	0.29	0.11	0.16	0.3	0.12
chr15	59479077	59481165	Trib1	ENSMUSG00000032501	216	0.21	0.2	0.11	0.14	0.18	0.14
chr15	76161429	76161954	Gpaa1	ENSMUSG00000022561	30	0.33	NA	0.25	0.12	1	0.13
chr15	100325212	100325934	Csmp2	ENSMUSG00000044636	97	0.13	0.29	0.14	0.17	0.17	0.12
chr15	79233247	79233880	Tmem184b	ENSMUSG0000009035	170	0.09	0.09	0.09	0.1	0.13	0.13
chr15	80117554	80118811	Cacna1i	ENSMUSG00000022416	514	0.19	0.19	0.1	0.12	0.21	0.13
chr15	81229765	81230596	Stt13	ENSMUSG00000022403	-367	0.12	0.21	0.14	0.17	0.16	0.13
chr15	98606751	98607439	Wnt10b	ENSMUSG00000022996	597	0.09	0.14	0.11	0.17	0.07	0.16
chr15	38943867	38944734	Slc25a32	ENSMUSG00000022299	-38	0.11	0.17	0.08	0.12	0.08	0.1
chr15	79963447	79964021	Tab1	ENSMUSG00000022414	150	0.24	0.1	0.15	0.24	0.12	0.24
chr15	3929154	3929562	Fbxo4	ENSMUSG00000022184	215	0.25	0.3	0.08	0.11	0.21	0.11
chr15	78259063	78259369	Kctd17	ENSMUSG00000033287	124	0.5	0.26	0.16	0.15	0.06	0.23
chr15	76552567	76553364	Lrrc24	ENSMUSG00000033707	-376	0.11	0.1	0.07	0.11	0.08	0.07
chr15	83002143	83002804	Cyb5r3	ENSMUSG00000018042	159	0.36	0.16	0.1	0.18	0.24	0.22
chr15	78707491	78708295	Gga1	ENSMUSG00000033128	273	0.16	0.13	0.09	0.12	0.13	0.12
chr15	95484699	95485146	Dbx2	ENSMUSG00000045608	1469	0.12	0.2	0.09	0.15	0.09	0.14
chr15	34167795	34168524	Laptm4b	ENSMUSG00000022257	378	0.13	0.14	0.12	0.18	0.17	0.17
chr15	78034655	78034944	Pvalb	ENSMUSG00000005716	-132	0.14	0.2	0.11	0.12	0.05	0.17
chr15	98493094	98493453	Ddx23	ENSMUSG00000003360	16	0.22	0.5	0.1	0.15	0.12	0.19
chr15	78758450	78758689	Lgals1	ENSMUSG00000068220	1414	0.06	0.13	0.12	0.17	0.1	0.09
chr15	84683893	84686990	Phf21b	ENSMUSG00000016624	99	0.13	0.16	0.11	0.15	0.12	0.14
chr15	57907227	57908741	Zhx1	ENSMUSG00000022361	-246	0.08	0.12	0.07	0.12	0.14	0.14
chr15	64143825	64144775	Asap1	ENSMUSG00000022377	-99	0.16	0.26	0.11	0.15	0.2	0.15
chr15	95620903	95621764	Ano6	ENSMUSG00000064210	59	0.15	0.13	0.11	0.16	0.11	0.18
chr15	101114227	101114919	9430023L20Rik	ENSMUSG00000037204	-159	0.09	0.09	0.1	0.13	0.12	0.09

chr15	73578625	73579055	Ptp4a3	ENSMUSG00000059895	384	0.1	0.26	0.14	0.15	0.14	0.17
chr15	75739255	75741281	Eef1d	ENSMUSG00000055762	-547	0.1	0.13	0.11	0.16	0.08	0.11
chr15	75811878	75812655	2410075B13Rik	ENSMUSG00000044095	449	0.07	0.07	0.09	0.21	0.09	0.1
chr15	77136661	77137679	Rbfox2	ENSMUSG00000033565	313	0.12	0.13	0.09	0.14	0.1	0.14
chr15	76352434	76354319	Scrt1	ENSMUSG00000048385	-817	0.18	0.21	0.13	0.16	0.14	0.18
chr15	5192329	5192792	Ptger4	ENSMUSG00000039942	150	0.16	0.15	0.13	0.19	0.13	0.12
chr15	78905565	78905924	Eif3l	ENSMUSG00000033047	91	0.09	0.25	0.07	0.07	0.11	0.16
chr15	79634211	79635395	Nptxr	ENSMUSG00000022421	85	0.11	0.11	0.1	0.11	0.13	0.1
chr15	11329179	11329486	Tars	ENSMUSG00000022241	81	0.1	NA	0.07	0.15	0.05	0.11
chr15	25710845	25711620	Myo10	ENSMUSG00000022272	1287	0.9	0.88	0.79	0.83	0.93	0.88
chr15	31153876	31154499	Dap	ENSMUSG00000039168	47	0.12	0.3	0.1	0.11	0.17	0.11
chr15	63829112	63829959	Fam49b	ENSMUSG00000022378	-11	0.12	0.14	0.12	0.13	0.1	0.12
chr15	85340995	85341196	Gm4825	ENSMUSG00000063548	-147	0.75	0.74	0.61	0.65	0.7	0.82
chr15	93166503	93167805	Yaf2	ENSMUSG00000022634	85	0.12	0.12	0.09	0.13	0.11	0.16
chr15	98887281	98887589	Prph	ENSMUSG00000023484	1830	0.44	0.5	0.15	0.25	0.33	0.21
chr15	99054152	99055294	Kcnh3	ENSMUSG00000037579	-569	0.12	0.17	0.1	0.17	0.15	0.12
chr15	102751736	102752623	Hoxc13	ENSMUSG0000001655	645	0.1	0.17	0.11	0.15	0.12	0.14
chr15	81296627	81297387	Rbx1	ENSMUSG00000022400	261	0.5	0.5	0.14	0.12	0.25	0.19
chr15	84962095	84962610	Smc1b	ENSMUSG00000022432	35	0.21	0.13	0.21	0.25	0.25	0.25
chr15	100135400	100135656	Mettl7a1	ENSMUSG00000054619	254	0.22	0.79	0.31	0.61	1	0.2
chr15	102841168	102841410	Hoxc6	ENSMUSG0000001661	1379	0.2	NA	0.2	0.24	1	0.31
chr15	75759918	75760372	Tsta3	ENSMUSG00000022570	15	0.24	0.57	0.14	0.33	0.15	0.16
chr15	79521189	79521835	Gtpbp1	ENSMUSG00000042535	192	0.12	0.15	0.18	0.15	0.11	0.13
chr15	74502368	74503233	Arc	ENSMUSG00000022602	182	0.06	0.37	0.11	0.15	0.09	0.22
chr15	85036447	85036820	Fbln1	ENSMUSG00000006369	198	0.08	0.07	0.11	0.14	0.06	0.15
chr15	97923233	97924073	Senp1	ENSMUSG00000033075	183	0.23	0.21	0.11	0.14	0.19	0.18
chr15	72376355	72378241	Kcnk9	ENSMUSG00000036760	-589	0.1	0.18	0.1	0.14	0.12	0.18
chr15	89185748	89186467	Lmf2	ENSMUSG00000022614	-17	0.15	0.15	0.1	0.17	0.13	0.1
chr15	102866162	102866398	Hoxc4	ENSMUSG00000075394	1454	0.1	0.67	0.17	0.24	0.26	0.17
chr15	5093492	5094220	Prkaa1	ENSMUSG00000050697	-5	0.11	0.12	0.08	0.1	0.08	0.11

chr15	78672848	78673569	Cdc42ep1	ENSMUSG00000049521	131	0.11	0.16	0.09	0.16	0.09	0.21
chr15	26824659	26825526	Fbxl7	ENSMUSG00000043556	181	0.08	0.12	0.12	0.13	0.09	0.11
chr15	75839492	75840335	K230010J24Rik	ENSMUSG00000075594	414	0.14	0.11	0.14	0.16	0.16	0.14
chr15	76531916	76532298	Mfsd3	ENSMUSG00000019080	135	0.13	0.13	0.09	0.17	0.09	0.13
chr15	99481735	99482202	Racgap1	ENSMUSG00000023015	32	0.24	0.25	0.07	0.13	0.18	0.12
chr15	99532474	99532929	Smarcd1	ENSMUSG00000023018	-17	0.13	0.27	0.11	0.17	0.16	0.16
chr15	54783916	54784248	Gm16639	ENSMUSG00000086024	-421	0.1	0.1	0.09	0.16	0.12	0.1
chr15	79059604	79060123	Pick1	ENSMUSG00000068206	51	0.1	0.07	0.09	0.16	0.15	0.19
chr15	89354375	89354713	Shank3	ENSMUSG00000022623	-209	0.17	0.41	0.13	0.14	0.15	0.16
chr15	93349446	93350032	Prickle1	ENSMUSG00000036158	215	0.09	0.11	0.08	0.16	0.06	0.14
chr15	98764321	98765114	Tuba1b	ENSMUSG00000023004	152	0.6	0.16	0.14	0.22	0.38	0.16
chr15	36426020	36426656	Ankrd46	ENSMUSG00000048307	208	0.11	0.13	0.06	0.22	0.09	0.1
chr15	53177146	53178093	Ext1	ENSMUSG00000061731	-405	0.31	0.25	0.17	0.16	0.21	0.14
chr15	99304805	99305207	Bodin3d	ENSMUSG00000037525	155	0.13	0.19	0.11	0.18	0.09	0.16
chr15	76437730	76438124	Cpsf1	ENSMUSG00000034022	94	0.13	0.07	0.12	0.12	0.12	0.13
chr15	83180380	83180969	Arfgap3	ENSMUSG00000054277	3	0.24	0.86	0.19	0.34	0.31	0.26
chr15	99420893	99421375	Aqp5	ENSMUSG00000044217	-146	0.11	0.16	0.08	0.16	0.1	0.13
chr15	76368476	76369449	Fbxl6	ENSMUSG00000022559	214	0.17	0.13	0.1	0.2	0.15	0.12
chr15	101096876	101097507	Nr4a1	ENSMUSG00000023034	-86	0.11	0.14	0.16	0.16	0.15	0.18
chr15	30102113	30103303	Ctnnd2	ENSMUSG00000022240	360	0.24	0.14	0.13	0.14	0.21	0.15
chr15	102786734	102786980	Hoxc11	ENSMUSG00000001656	1999	0.13	0.24	0.11	0.23	0.1	0.21
chr15	36936688	36937552	Zfp706	ENSMUSG00000062397	37	0.12	0.17	0.11	0.15	0.14	0.15
chr15	43001784	43002242	Rspo2	ENSMUSG00000051920	351	0.17	0.1	0.11	0.16	0.11	0.15
chr15	75864801	75865520	U1	ENSMUSG00000089396	-1729	0.34	0.6	0.31	0.25	0.31	0.49
chr15	80085524	80086566	Atf4	ENSMUSG00000042406	431	0.14	0.14	0.14	0.18	0.12	0.16
chr15	7347833	7348528	Gm16029	ENSMUSG00000090199	283	0.13	0.08	0.1	0.13	0.07	0.11
chr15	12754198	12755103	6030458C11Rik	ENSMUSG00000022195	-238	0.11	0.12	0.1	0.13	0.1	0.11
chr15	25342143	25343450	Basp1	ENSMUSG00000045763	723	0.19	0.08	0.1	0.14	0.16	0.13
chr15	38228754	38231448	Klf10	ENSMUSG00000037465	-635	0.12	0.12	0.14	0.15	0.11	0.13
chr15	74551420	74552293	4930572J05Rik	ENSMUSG00000056665	192	0.11	0.21	0.09	0.17	0.07	0.17

chr15	97535859	97536343	Rpap3	ENSMUSG00000022466	152	0.12	0.13	0.09	0.12	0.13	0.15
chr15	100381829	100382700	Tfcp2	ENSMUSG00000009733	175	0.23	0.24	0.12	0.15	0.2	0.16
chr15	101930594	101931228	Tenc1	ENSMUSG000000037003	2	0.17	0.17	0.08	0.1	0.13	0.18
chr15	76553833	76554489	C030006K11Rik	ENSMUSG00000079002	114	0.11	0.21	0.11	0.15	0.13	0.12
chr15	99802905	99804164	Larp4	ENSMUSG00000023025	323	0.07	0.13	0.13	0.13	0.06	0.13
chr15	88692255	88694294	Pim3	ENSMUSG00000035828	658	0.12	0.16	0.1	0.14	0.11	0.11
chr15	93228574	93228969	Zcrb1	ENSMUSG00000022635	-67	0.1	0.19	0.16	0.12	0.14	0.17
chr15	97998211	97999167	Al836003	ENSMUSG00000029875	452	0.23	0.15	0.13	0.21	0.18	0.16
chr15	98602976	98603283	Wnt10b	ENSMUSG00000022996	1794	0.12	0.26	0.12	0.13	0.09	0.24
chr15	10415423	10416263	Brix1	ENSMUSG00000022247	-201	0.23	0.13	0.11	0.25	0.18	0.2
chr15	76555151	76555525	Arhgap39	ENSMUSG000000033697	695	0.09	0.1	0.08	0.13	0.11	0.14
chr15	85690109	85690474	Gtse1	ENSMUSG00000022385	154	0.08	0.12	0.11	0.1	0.07	0.11
chr15	98620013	98620589	Wnt1	ENSMUSG00000022997	13	0.22	0.18	0.09	0.26	0.27	0.17
chr15	98637297	98637525	B130046B21Rik	ENSMUSG00000085373	-52	0.38	1	0.08	0.14	0.2	0.18
chr15	100429807	100430420	Pou6f1	ENSMUSG00000009739	182	0.14	0.17	0.2	0.22	0.16	0.22
chr15	78939244	78940091	Micall1	ENSMUSG00000033039	254	0.1	0.17	0.13	0.11	0.11	0.15
chr15	84387846	84388306	Ldoc1l	ENSMUSG00000055745	-154	0.42	0.59	0.15	0.23	0.37	0.11
chr15	96290384	96291842	Scaf11	ENSMUSG00000033228	161	0.1	0.15	0.11	0.12	0.09	0.12
chr15	98748031	98748759	Lmbr1l	ENSMUSG00000022999	-214	0.05	0.08	0.1	0.16	0.06	0.16
chr15	79604657	79605057	Dnalc4	ENSMUSG00000022420	-44	0.33	0.18	0.12	0.13	0.1	0.14
chr15	82054610	82054833	Tnfrsf13c	ENSMUSG00000068105	45	0.1	0.13	0.09	0.12	0.15	0.13
chr15	88721090	88721411	RP23-455J20.1	ENSMUSG00000093394	663	0.45	1	0.12	0.17	0.62	1
chr15	77671610	77673035	Myh9	ENSMUSG00000022443	155	0.1	0.14	0.1	0.14	0.09	0.17
chr15	31460041	31461204	6-Mar	ENSMUSG00000039100	170	0.14	0.12	0.1	0.14	0.15	0.13
chr15	63891555	63892369	Fam49b	ENSMUSG00000022378	48	0.17	0.24	0.07	0.12	0.18	0.13
chr15	76199268	76200025	Fam203a	ENSMUSG00000022554	318	0.13	0.14	0.08	0.14	0.15	0.14
chr15	85651866	85652324	Pkdrej	ENSMUSG00000052496	68	0.08	0.09	0.09	0.1	0.07	0.11
chr15	89421804	89422384	Rabl2	ENSMUSG00000022621	176	0.36	0.35	0.12	0.17	0.47	0.15
chr15	35225738	35226642	Osr2	ENSMUSG00000022330	337	0.2	0.11	0.12	0.15	0.23	0.18
chr15	82979280	82979861	Poldip3	ENSMUSG00000041815	161	0.12	0.11	0.1	0.12	0.11	0.13

chr15	96115317	96118941	Arid2	ENSMUSG00000033237	-820	0.09	0.12	0.1	0.13	0.1	0.12
chr15	102109725	102110221	Mfsd5	ENSMUSG00000045665	86	0.18	0.19	0.15	0.14	0.16	0.19
chr15	85166552	85167329	Atxn10	ENSMUSG00000016541	172	0.5	NA	0.13	0.1	0.12	0.11
chr15	76490530	76491181	Cyhr1	ENSMUSG00000053929	-317	0.14	0.23	0.12	0.32	0.16	0.15
chr15	51696675	51697212	Eif3h	ENSMUSG00000022312	67	0.1	0.2	0.15	0.14	0.09	0.17
chr15	79501189	79501804	Tomm22	ENSMUSG00000022427	205	0.14	0.16	0.11	0.13	0.15	0.09
chr15	97077380	97078269	Fam113b	ENSMUSG00000044250	286	0.18	0.21	0.11	0.19	0.19	0.15
chr15	103196525	103197162	Itga5	ENSMUSG00000000555	351	0.16	0.23	0.09	0.14	0.11	0.19
chr15	88813179	88813599	Mov10l1	ENSMUSG00000015365	50	0.93	0.78	0.82	0.7	0.91	0.92
chr15	9070022	9070895	Skp2	ENSMUSG00000054115	-251	0.13	0.15	0.11	0.2	0.16	0.17
chr15	77800870	77801635	Eif3d	ENSMUSG00000016554	2	0.13	0.13	0.1	0.2	0.12	0.14
chr15	100058054	100059054	Atf1	ENSMUSG00000023027	304	0.14	0.21	0.09	0.16	0.15	0.12
chr15	100559419	100560171	Galnt6	ENSMUSG00000037280	12	0.25	0.11	0.13	0.23	0.16	0.14
chr15	89145089	89145981	Sbf1	ENSMUSG00000036529	151	0.15	0.21	0.1	0.13	0.16	0.12
chr15	97794510	97794862	Tmem106c	ENSMUSG00000052369	-24	0.13	0.15	0.09	0.11	0.08	0.13
chr15	98917627	98918982	C1q4	ENSMUSG0000001076	-56	0.42	0.69	0.45	0.49	0.38	0.34
chr15	102784748	102785736	Hoxc11	ENSMUSG0000001656	384	0.09	0.07	0.11	0.14	0.11	0.12
chr15	3976394	3977616	Oxct1	ENSMUSG00000022186	321	0.06	0.12	0.09	0.12	0.05	0.15
chr15	98860641	98861098	Tuba1c	ENSMUSG00000043091	547	0.16	0.19	0.16	0.34	0.12	0.15
chr15	36537805	36539451	Pabpc1	ENSMUSG00000022283	100	0.12	0.13	0.13	0.15	0.11	0.14
chr15	83357035	83357975	Bik	ENSMUSG00000016758	213	0.13	0.18	0.16	0.17	0.15	0.17
chr15	89671952	89672472	Syt10	ENSMUSG00000063260	79	0.08	0.07	0.13	0.1	0.05	0.11
chr15	79572569	79573310	Sun2	ENSMUSG00000042524	-53	0.12	0.13	0.09	0.13	0.13	0.12
chr15	82074572	82075224	Cenpm	ENSMUSG00000068101	279	0.12	0.23	0.15	0.17	0.09	0.21
chr15	90509516	90510609	Cpne8	ENSMUSG00000052560	-272	0.09	0.17	0.1	0.17	0.09	0.14
chr15	57966047	57966952	Atad2	ENSMUSG00000022360	138	0.17	0.11	0.09	0.18	0.19	0.17
chr15	98592864	98593843	Arf3	ENSMUSG00000051853	70	0.12	0.15	0.12	0.14	0.11	0.12
chr15	73669799	73670400	Gm628	ENSMUSG00000072487	2	0.22	0.13	0.12	0.18	0.2	0.14
chr15	78632798	78633632	Card10	ENSMUSG00000033170	-116	0.13	0.19	0.14	0.15	0.12	0.16
chr15	81576173	81576461	Zc3h7b	ENSMUSG00000022390	1039	0.07	0.11	0.09	0.11	0.05	0.13

chr15	88581599	88582854	Zbed4	ENSMUSG00000034333	136	0.13	0.16	0.08	0.13	0.1	0.1
chr15	88649479	88650547	Alg12	ENSMUSG00000035845	-491	0.13	0.17	0.09	0.13	0.12	0.12
chr15	38448017	38449482	Azin1	ENSMUSG00000037458	175	0.08	0.3	0.12	0.21	0.09	0.16
chr15	78873095	78873823	Gcat	ENSMUSG00000006378	1144	0.19	0.28	0.12	0.16	0.23	0.16
chr15	75922018	75922234	Nrbp2	ENSMUSG000000075590	-1683	0.1	0.2	0.08	0.14	0.14	0.18
chr15	98465002	98465780	Cacnb3	ENSMUSG00000003352	196	0.17	0.15	0.11	0.18	0.18	0.15
chr15	40486419	40487392	Zfpm2	ENSMUSG000000022306	317	0.12	0.25	0.09	0.17	0.12	0.11
chr15	88953358	88953650	Tubgcp6	ENSMUSG000000051786	13	0.1	NA	0.13	0.08	0.07	0.15
chr15	89203942	89204606	Sco2	ENSMUSG000000091780	-1394	0.21	0.17	0.13	0.2	0.23	0.25
chr15	26238401	26239437	11-Mar	ENSMUSG000000022269	116	0.1	0.12	0.09	0.14	0.1	0.15
chr15	102126570	102126931	Espl1	ENSMUSG000000058290	26	0.12	0.16	0.1	0.16	0.1	0.2
chr15	5066067	5067062	Rpl37	ENSMUSG000000041841	-49	0.09	0.11	0.1	0.19	0.1	0.15
chr15	5135695	5135951	Gm15938	ENSMUSG000000087532	-100	0.6	0.29	0.07	0.61	0.59	0.21
chr15	6824085	6824520	Osmr	ENSMUSG000000022146	-45	0.5	NA	0.24	0.13	0.5	0.16
chr15	9000771	9001734	1110020G09Rik	ENSMUSG000000022253	243	0.11	0.06	0.09	0.11	0.1	0.13
chr15	10911525	10911828	Amacr	ENSMUSG000000022244	165	0.08	0.09	0.09	0.06	0.05	0.08
chr15	10965649	10966166	Rxfp3	ENSMUSG000000060735	1816	1	NA	NA	NA	1	NA
chr15	12251274	12252178	Golph3	ENSMUSG000000022200	336	0.17	0.4	0.11	0.16	0.17	0.12
chr15	25344191	25344506	Gm5468	ENSMUSG000000056089	401	1	1	0.14	0.17	1	NA
chr15	25772793	25773328	Fam134b	ENSMUSG000000022270	41	0.15	0.09	0.08	0.14	0.14	0.11
chr15	33617041	33617684	Tspyl5	ENSMUSG000000038984	276	0.56	0.56	0.27	0.41	0.57	0.22
chr15	34767103	34767689	Kcns2	ENSMUSG000000050963	286	0.24	0.27	0.1	0.17	0.23	0.15
chr15	35867394	35868012	Cox6c	ENSMUSG000000014313	-303	0.09	0.12	0.11	0.15	0.09	0.2
chr15	36094417	36094908	Fbxo43	ENSMUSG000000048230	-23	0.08	0.09	0.08	0.17	0.09	0.16
chr15	36212195	36213231	Rnf19a	ENSMUSG000000022280	189	0.18	0.15	0.09	0.18	0.18	0.11
chr15	37721187	37721934	Ncald	ENSMUSG000000051359	195	0.15	0.15	0.13	0.16	0.13	0.19
chr15	52543916	52544309	Med30	ENSMUSG000000038622	112	0.14	0.08	0.07	0.07	0.09	0.1
chr15	53176503	53176767	Ext1	ENSMUSG000000061731	579	0.23	0.17	0.18	0.31	0.24	0.2
chr15	55388765	55389404	Mrpl13	ENSMUSG000000022370	-254	0.09	0.17	0.12	0.17	0.09	0.15
chr15	57743662	57744054	Wdr67	ENSMUSG000000022364	104	0.1	0.11	0.08	0.12	0.1	0.11

chr15	68089882	68090728	Zfat	ENSMUSG00000022335	44	0.13	0.13	0.11	0.18	0.13	0.14
chr15	72891349	72891554	Trappc9	ENSMUSG00000047921	7	0.09	0.14	0.09	0.1	0.09	0.09
chr15	73252990	73253891	Ptk2	ENSMUSG00000022607	181	0.12	0.18	0.08	0.14	0.13	0.11
chr15	75724377	75724793	Naprt1	ENSMUSG00000022574	326	1	0.61	0.41	0.64	1	1
chr15	75799487	75799939	Zfp707	ENSMUSG00000034429	160	0.14	0.62	0.15	0.15	0.16	0.15
chr15	76211187	76211526	Heatr7a	ENSMUSG00000022558	373	0.27	0.09	0.14	0.14	0.28	0.22
chr15	76406721	76406981	Adck5	ENSMUSG00000022550	63	0.11	0.23	0.1	0.15	0.14	0.1
chr15	76734436	76735101	Rpl8	ENSMUSG00000003970	267	0.07	NA	0.21	0.11	0.06	0.22
chr15	77786141	77787265	Foxred2	ENSMUSG00000016552	402	0.19	0.13	0.11	0.17	0.2	0.18
chr15	77950027	77950615	A730060N03Rik	ENSMUSG00000092375	185	0.09	0.08	0.09	0.12	0.09	0.14
chr15	78236056	78236292	Tst	ENSMUSG00000044986	89	0.2	0.2	0.08	0.16	0.25	0.22
chr15	78236745	78237120	Mpst	ENSMUSG00000071711	-210	0.8	1	0.43	NA	0.78	0.29
chr15	78549035	78549308	Elfn2	ENSMUSG00000043460	-628	0.07	0.06	0.07	0.15	0.06	0.13
chr15	78729887	78730445	Sh3bp1	ENSMUSG00000022436	69	0.08	0.07	0.09	0.15	0.09	0.11
chr15	78993678	78994381	Sox10	ENSMUSG00000033006	887	0.36	0.33	0.12	0.13	0.36	0.31
chr15	79091502	79092452	Baiap2l2	ENSMUSG00000018126	-250	0.12	0.1	0.06	0.11	0.09	0.1
chr15	79335578	79336575	Kcnj4	ENSMUSG00000044216	-405	0.1	0.19	0.09	0.13	0.1	0.15
chr15	80064306	80064851	Smcr7l	ENSMUSG00000022412	68	0.13	0.14	0.1	0.19	0.12	0.12
chr15	81191000	81191376	Slc25a17	ENSMUSG00000022404	7	0.29	0.17	0.11	0.14	0.3	0.2
chr15	81559715	81560640	Rangap1	ENSMUSG00000022391	92	0.22	0.14	0.14	0.12	0.29	0.15
chr15	81688215	81688983	Tob2	ENSMUSG00000048546	157	0.22	0.5	0.19	0.26	0.22	0.34
chr15	81702746	81703192	Aco2	ENSMUSG00000022477	55	0.2	0.41	0.1	0.18	0.12	0.14
chr15	81846327	81847009	Pppde2	ENSMUSG00000022472	-227	0.12	0.09	0.1	0.14	0.12	0.16
chr15	83081513	83082258	A4galt	ENSMUSG00000047878	276	0.1	0.1	0.1	0.12	0.1	0.13
chr15	83998187	83998721	Pnpla3	ENSMUSG00000041653	208	0.25	0.07	0.15	0.21	0.24	0.18
chr15	84276447	84276829	1810041L15Rik	ENSMUSG00000062760	889	0.33	0.42	0.14	0.22	0.5	0.19
chr15	84867229	84867713	Fam118a	ENSMUSG00000022434	-21	0.12	0.58	0.15	0.45	0.15	0.16
chr15	85641579	85642385	2210021J22Rik	ENSMUSG00000064284	92	0.19	0.12	0.13	0.21	0.22	0.15
chr15	85662659	85662904	Ttc38	ENSMUSG00000035944	47	0.24	0.13	0.12	0.17	0.25	0.14
chr15	88958886	88959212	Hdac10	ENSMUSG00000062906	32	0.19	0.17	0.12	0.28	0.16	0.18

chr15	89003478	89004130	Plxnb2	ENSMUSG00000036606	476	0.5	0.27	0.17	0.16	0.3	0.09
chr15	89240479	89240817	Syce3	ENSMUSG00000078938	46	1	1	0.95	0.88	0.95	1
chr15	92227353	92227931	Pdzrn4	ENSMUSG00000036218	296	0.13	0.07	0.09	0.16	0.14	0.11
chr15	96529167	96530421	Slc38a2	ENSMUSG00000022462	335	0.35	0.3	0.14	0.17	0.34	0.13
chr15	97832321	97832715	Col2a1	ENSMUSG00000022483	-200	0.11	0.07	0.12	0.14	0.11	0.13
chr15	97975630	97976274	Asb8	ENSMUSG00000048175	138	0.2	0.1	0.15	0.2	0.2	0.14
chr15	98267921	98268165	Olfrc282	ENSMUSG00000063780	142	0.89	1	0.4	NA	1	0.92
chr15	98711506	98711902	Rhebl1	ENSMUSG00000023755	-183	1	NA	0.1	0.12	1	0.2
chr15	98924053	98924390	Dnajc22	ENSMUSG00000038009	620	0.21	1	0.07	0.13	0.2	0.21
chr15	99556059	99556556	2310016M24Rik	ENSMUSG00000023020	258	0.08	NA	0.11	0.2	0.09	0.17
chr15	99602281	99603122	Lass5	ENSMUSG00000023021	-178	0.17	0.27	0.14	0.17	0.18	0.15
chr15	99705673	99706007	Lima1	ENSMUSG00000023022	7	0.5	0.36	0.14	0.13	0.48	0.21
chr15	99868968	99869760	Dip2b	ENSMUSG00000023026	269	0.09	0.12	0.09	0.11	0.09	0.12
chr15	100111282	100111505	Tmprss12	ENSMUSG00000045631	125	1	1	0.75	NA	1	1
chr15	100466938	100467565	Smagp	ENSMUSG00000053559	35	0.14	0.25	0.12	0.14	0.14	0.16
chr15	101054521	101055211	A330009N23Rik	ENSMUSG00000087511	-314	0.12	0.17	0.08	0.17	0.13	0.1
chr15	101904031	101905062	Eif4b	ENSMUSG00000058655	342	0.08	1	0.08	0.19	0.07	0.11
chr15	102087573	102087908	Rarg	ENSMUSG00000001288	40	0.17	0.25	0.21	0.27	0.17	0.24
chr15	102502296	102502884	Mir688	ENSMUSG00000076009	-293	0.5	0.3	0.12	0.23	0.24	0.13
chr15	102977190	102977581	D930007P13Rik	ENSMUSG00000086435	-126	0.08	0.08	0.11	0.04	0.07	0.06
chr15	3533001	3533525	Ghr	ENSMUSG00000055737	-76	NA	1	NA	NA	NA	0.11
chr15	8118930	8119448	2410089E03Rik	ENSMUSG00000039801	83	0.37	NA	0.28	0.11	NA	0.21
chr15	10966781	10967216	Rxfp3	ENSMUSG00000060735	725	NA	NA	0.14	0.09	NA	0.5
chr15	27610944	27611534	Fam105a	ENSMUSG00000056069	1	NA	0.37	0.08	0.12	0.18	0.15
chr15	32850601	32850891	Sdc2	ENSMUSG00000022261	217	NA	NA	0.14	0.1	0.27	0.19
chr15	38908313	38908643	Cthrc1	ENSMUSG00000054196	0	0.14	NA	0.19	0.42	NA	0.07
chr15	43113802	43114370	Eif3e	ENSMUSG00000022336	196	NA	0.8	0.09	0.22	0.28	0.15
chr15	44945815	44946423	Kcnv1	ENSMUSG00000022342	361	NA	NA	0.33	NA	NA	1
chr15	50721460	50721690	Trps1	ENSMUSG00000038679	12	0.5	NA	0.25	0.5	NA	NA
chr15	53733995	53734204	Samd12	ENSMUSG00000058656	-14	1	0.75	NA	NA	NA	NA

chr15	57525666	57525947	Zhx2	ENSMUSG00000071757	-414	NA	1	0.11	1	0.2	0.32
chr15	73640145	73640358	Gm3244	ENSMUSG00000083380	75	1	NA	1	1	NA	1
chr15	74630128	74630383	Ly6k	ENSMUSG00000044678	161	1	1	0.46	NA	NA	0.73
chr15	74785867	74786280	Ly6e	ENSMUSG00000022587	26	NA	0.12	0.09	0.2	0.5	0.11
chr15	75534411	75534970	Rhpn1	ENSMUSG00000022580	-20	NA	NA	0.23	0.2	NA	0.33
chr15	75920695	75921089	Nrbp2	ENSMUSG00000075590	-449	1	NA	NA	NA	NA	NA
chr15	76028396	76028764	Plec	ENSMUSG00000022565	59	NA	0.1	0.11	0.24	NA	0.17
chr15	76162270	76162546	Gpaa1	ENSMUSG00000022561	-21	NA	0.88	0.11	0.29	1	0.14
chr15	76470207	76470457	Tonsl	ENSMUSG00000059323	-62	NA	NA	0.07	0.15	NA	0.05
chr15	76490115	76490335	Cyhr1	ENSMUSG00000053929	266	NA	NA	0.11	0.33	NA	0.27
chr15	78004707	78004931	Iff27	ENSMUSG00000016637	-281	0.33	NA	NA	0.5	NA	0.38
chr15	78778165	78778443	Triobp	ENSMUSG00000033088	150	NA	NA	0.22	0.06	NA	0.15
chr15	78860974	78861546	Gcat	ENSMUSG00000006378	-44	NA	NA	0.22	0.25	NA	0.28
chr15	79913589	79914015	Rpl3	ENSMUSG00000060036	34	NA	0.25	0.22	0.22	0.06	0.26
chr15	80094335	80094888	Rps19bp1	ENSMUSG00000051518	125	NA	0.3	0.14	0.16	0.12	0.13
chr15	80808157	80808681	Sgsm3	ENSMUSG00000042303	224	NA	0.13	0.11	0.36	0.2	0.13
chr15	81494713	81494955	L3mbtl2	ENSMUSG00000022394	403	0.25	NA	0.1	0.14	NA	0.27
chr15	81641031	81642201	Tef	ENSMUSG00000022389	140	NA	NA	0.09	0.16	NA	0.11
chr15	81690074	81690307	Tob2	ENSMUSG00000078960	-964	NA	NA	0.13	0.16	1	0.16
chr15	81958083	81958778	Ccdc134	ENSMUSG00000068114	78	NA	0.27	0.11	0.21	0.55	0.13
chr15	82105373	82105646	3-Sep	ENSMUSG00000022456	144	NA	0.2	0.16	0.14	0.08	0.32
chr15	82169184	82169509	Naga	ENSMUSG00000022453	-90	NA	NA	0.2	NA	NA	0.25
chr15	82184353	82185105	Ndufa6	ENSMUSG00000022450	-8	NA	0.26	0.14	0.21	0.53	0.14
chr15	83341246	83341464	Ttll1	ENSMUSG00000022442	-51	NA	1	0.09	0.33	NA	0.16
chr15	85709426	85709883	Trmu	ENSMUSG00000022386	-88	0.5	1	0.1	0.1	NA	0.11
chr15	88784878	88785433	Ttll8	ENSMUSG00000022388	-307	1	NA	NA	NA	NA	NA
chr15	88890525	88890853	Panx2	ENSMUSG00000058441	512	NA	NA	0.07	NA	NA	NA
chr15	88906664	88906889	Trabd	ENSMUSG00000015363	222	NA	0.4	0.09	0.08	0.06	0.11
chr15	90054540	90055070	Alg10b	ENSMUSG00000075470	63	NA	1	0.26	0.29	1	0.18
chr15	98087263	98087497	H1fnt	ENSMUSG00000048077	358	0.89	NA	0.49	NA	NA	0.89

chr15	98507588	98507913	Rnd1	ENSMUSG00000054855	139	NA	NA	0.06	NA	NA	0.09
chr15	98608509	98608726	Wnt10b	ENSMUSG00000022996	-36	NA	0.16	0.12	0.31	0.12	0.15
chr15	98836545	98836763	Gm8973	ENSMUSG00000064081	167	NA	1	0.96	0.89	NA	0.92
chr15	101268972	101269452	Krt83	ENSMUSG00000047641	23	NA	NA	0.08	0.31	0.25	0.13
chr15	102162098	102162459	Myg1	ENSMUSG00000001285	138	NA	NA	0.11	0.09	0.19	0.44
chr15	102340935	102341354	Map3k12	ENSMUSG00000023050	-13	NA	1	0.25	1	0.25	0.18
chr15	102348491	102349100	Tarbp2	ENSMUSG00000023051	172	NA	0.29	0.32	0.34	0.25	0.56
chr15	102765375	102765657	Hoxc12	ENSMUSG00000050328	-1672	NA	0.29	0.09	0.29	0.67	0.29
chr15	102767265	102767887	Hoxc12	ENSMUSG00000050328	388	1	NA	0.24	0.25	NA	0.36
chr15	102796932	102797144	Hoxc10	ENSMUSG00000022484	-189	NA	0.25	0.09	0.16	0.07	0.05
chr15	102797735	102798093	Gm20398	ENSMUSG00000092585	40	NA	NA	0.1	0.14	0.25	0.28
chr15	103069808	103071151	Cbx5	ENSMUSG00000009575	-232	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr15	103333221	103333545	Pde1b	ENSMUSG00000022489	-82	NA	NA	0.15	0.11	NA	0.16
chr16	52452377	52453438	Alcam	ENSMUSG00000022636	-329	0.62	0.5	0.12	0.2	0.06	0.2
chr16	44173116	44173877	Gm608	ENSMUSG00000068284	137	0.5	0.23	0.12	0.13	0.14	0.11
chr16	50431581	50432593	Bbx	ENSMUSG00000022641	335	0.19	0.1	0.1	0.13	0.07	0.15
chr16	90810375	90810744	Urb1	ENSMUSG00000039929	67	0.43	0.14	0.14	0.11	0.12	0.18
chr16	20240911	20241470	Map6d1	ENSMUSG00000041205	241	0.32	0.28	0.1	0.14	0.11	0.16
chr16	34573751	34574175	Kalrn	ENSMUSG00000061751	-345	0.22	0.18	0.08	0.14	0.06	0.11
chr16	72663324	72664043	Robo1	ENSMUSG00000022883	289	0.48	0.2	0.11	0.23	0.19	0.16
chr16	10545343	10545843	Clec16a	ENSMUSG00000068663	136	0.4	0.08	0.13	0.13	0.05	0.18
chr16	5203452	5204113	Nagpa	ENSMUSG00000023143	-212	0.23	0.13	0.08	0.1	0.06	0.13
chr16	32002944	32003353	Senp5	ENSMUSG00000022772	116	0.25	0.11	0.08	0.12	0.07	0.21
chr16	38452547	38453065	Adprh	ENSMUSG00000002844	-37	0.5	0.18	0.15	0.18	0.14	0.13
chr16	64851044	64852763	Cggbp1	ENSMUSG00000054604	81	0.24	0.22	0.13	0.17	0.13	0.19
chr16	17927412	17928726	Sic25a1	ENSMUSG00000003528	-633	0.23	0.2	0.1	0.16	0.12	0.14
chr16	90385978	90387215	Hunk	ENSMUSG00000053414	-46	0.33	0.21	0.1	0.15	0.15	0.18
chr16	38712813	38713466	Arhgap31	ENSMUSG00000022799	-128	0.53	0.42	0.11	0.14	0.12	0.16
chr16	18288868	18289613	Dgcr8	ENSMUSG00000022718	23	0.15	0.18	0.14	0.22	0.06	0.17
chr16	44745964	44746317	Gtpbp8	ENSMUSG00000022668	256	0.48	0.17	0.13	0.2	0.12	0.13

chr16	96303259	96304333	Brwd1	ENSMUSG00000022914	239	0.39	0.1	0.13	0.16	0.14	0.14
chr16	35871110	35871474	Parp14	ENSMUSG00000034422	176	1	0.14	0.14	0.15	0.1	0.22
chr16	5049454	5050875	Glyr1	ENSMUSG00000022536	-161	0.19	0.14	0.11	0.13	0.1	0.17
chr16	28928901	28930273	1600021P15Rik	ENSMUSG00000051065	197	0.31	0.24	0.12	0.24	0.12	0.21
chr16	17914300	17915270	Gsc2	ENSMUSG00000022738	367	0.27	0.13	0.11	0.19	0.1	0.17
chr16	43979443	43980249	Zdhhc23	ENSMUSG00000036304	-640	0.1	0.26	0.15	0.2	0.22	0.15
chr16	32914057	32914759	Lrch3	ENSMUSG00000022801	222	0.25	0.24	0.09	0.17	0.11	0.1
chr16	59471542	59471947	Mina	ENSMUSG00000022724	143	0.39	0.33	0.14	0.17	0.15	0.13
chr16	77013754	77014565	Usp25	ENSMUSG00000022867	-155	0.13	0.18	0.11	0.12	0.07	0.07
chr16	92058221	92059199	Mrps6	ENSMUSG00000039680	195	0.28	0.14	0.11	0.15	0.13	0.15
chr16	35022317	35023101	Ptplb	ENSMUSG00000035376	202	0.68	0.58	0.15	0.17	0.29	0.19
chr16	33684414	33685024	Heg1	ENSMUSG00000075254	167	0.48	0.3	0.09	0.17	0.22	0.15
chr16	97578136	97578595	Bace2	ENSMUSG00000040605	30	0.95	0.57	0.22	0.2	0.46	0.22
chr16	84735450	84736064	Mrpl39	ENSMUSG00000022889	-282	0.17	0.05	0.09	0.12	0.05	0.2
chr16	8737801	8739354	AC156026.1	ENSMUSG00000093050	163	0.19	0.17	0.08	0.14	0.12	0.13
chr16	70314207	70314807	Gbe1	ENSMUSG00000022707	199	0.26	0.17	0.09	0.15	0.11	0.14
chr16	35363548	35364106	Sec22a	ENSMUSG00000034473	74	0.19	0.08	0.1	0.14	0.08	0.12
chr16	5013305	5013874	Rogdi	ENSMUSG00000022540	31	0.35	0.41	0.15	0.16	0.12	0.17
chr16	76372527	76373748	Nrip1	ENSMUSG00000048490	145	0.15	0.17	0.08	0.16	0.09	0.13
chr16	20535490	20535941	Ap2m1	ENSMUSG00000022841	164	0.71	1	0.11	0.15	0.16	0.21
chr16	58408342	58409235	4930461C15Rik	ENSMUSG00000086827	-399	0.17	0.19	0.1	0.14	0.09	0.13
chr16	4594011	4595147	Glis2	ENSMUSG00000014303	-134	0.13	0.15	0.1	0.17	0.06	0.14
chr16	8829431	8831325	1810013L24Rik	ENSMUSG00000022507	185	0.24	0.14	0.1	0.17	0.15	0.15
chr16	20693296	20693711	Fam131a	ENSMUSG00000050821	148	1	0.11	0.11	0.12	0.1	0.1
chr16	33185049	33185653	Osbpl11	ENSMUSG00000022807	194	0.12	0.14	0.08	0.11	0.07	0.14
chr16	94790567	94792695	Dyrk1a	ENSMUSG00000022897	14	0.14	0.17	0.11	0.14	0.09	0.1
chr16	18398189	18398405	Arvcf	ENSMUSG00000000325	480	0.58	1	0.88	0.93	0.93	0.93
chr16	78376192	78377344	Btg3	ENSMUSG00000022863	287	0.18	0.14	0.12	0.17	0.12	0.15
chr16	11066067	11067170	Litaf	ENSMUSG00000022500	-368	0.3	0.16	0.09	0.18	0.12	0.17
chr16	90727176	90727772	2610039C10Rik	ENSMUSG00000022978	-90	0.29	0.36	0.22	0.16	0.15	0.15

chr16	35490293	35491079	Pdia5	ENSMUSG00000022844	273	0.08	0.07	0.1	0.13	0.05	0.14
chr16	15886803	15888328	Cebpd	ENSMUSG00000071637	186	0.14	0.14	0.11	0.14	0.08	0.13
chr16	17722728	17723035	Med15	ENSMUSG00000012114	142	0.12	0.14	0.09	0.16	0.24	0.16
chr16	18392611	18393084	Arvcf	ENSMUSG00000000325	166	0.06	0.17	0.06	0.11	0.3	0.09
chr16	87455154	87455866	Usp16	ENSMUSG00000025616	286	0.06	0.18	0.12	0.13	0.12	0.15
chr16	4639960	4640359	Vasn	ENSMUSG00000039646	191	0.12	1	0.54	0.58	1	0.72
chr16	14163148	14163780	Nde1	ENSMUSG00000022678	96	0.13	0.12	0.11	0.22	0.24	0.2
chr16	15637154	15638200	Mcm4	ENSMUSG00000022673	-184	0.29	0.15	0.14	0.13	0.13	0.18
chr16	21694214	21695086	2510009E07Rik	ENSMUSG00000043391	32	0.23	0.06	0.11	0.13	0.1	0.11
chr16	8637346	8638128	Pmm2	ENSMUSG00000022711	-30	0.15	0.14	0.09	0.13	0.08	0.12
chr16	18426328	18426754	Comt	ENSMUSG00000000326	-63	0.33	0.06	0.1	0.16	0.1	0.08
chr16	27388869	27389349	Ccdc50	ENSMUSG00000038127	154	1	0.86	0.11	0.2	0.43	0.2
chr16	16146705	16147039	2310008H04Rik	ENSMUSG00000041974	72	0.24	0.19	0.09	0.14	0.09	0.15
chr16	55973770	55974810	Rpl24	ENSMUSG00000022601	373	0.19	0.14	0.12	0.13	0.13	0.17
chr16	55895132	55895542	Fam55c	ENSMUSG00000075033	55	0.16	0.09	0.09	0.12	0.08	0.08
chr16	17911201	17911434	Dgcr14	ENSMUSG00000003527	124	0.39	0.11	0.12	0.19	0.16	0.12
chr16	18498759	18499420	Gnb1l	ENSMUSG00000000884	228	0.21	0.11	0.1	0.14	0.04	0.14
chr16	67620378	67620946	Cadm2	ENSMUSG00000064115	76	0.35	0.51	0.15	0.33	0.2	0.2
chr16	90220656	90221544	Sod1	ENSMUSG00000022982	113	0.29	0.22	0.11	0.29	0.18	0.17
chr16	20629819	20630112	Ece2	ENSMUSG00000022842	64	0.08	NA	0.08	0.15	0.33	0.18
chr16	30283158	30283423	Lrrc15	ENSMUSG00000052316	50	0.15	0.11	0.28	0.2	0.37	0.17
chr16	34690616	34691105	Ccdc14	ENSMUSG00000022833	158	0.44	NA	0.16	0.24	0.1	0.23
chr16	26968024	26968385	Gm606	ENSMUSG00000068428	127	1	0.15	0.24	0.11	0.36	0.19
chr16	91646976	91648738	Gart	ENSMUSG00000022962	-677	0.4	0.49	0.16	0.24	0.19	0.18
chr16	11909185	11909500	Cpped1	ENSMUSG00000065979	147	0.75	0.45	0.16	0.46	0.28	0.15
chr16	33251440	33252053	Snx4	ENSMUSG00000022808	204	0.11	0.07	0.07	0.15	0.06	0.13
chr16	91485180	91485782	Ifnar1	ENSMUSG00000022967	-2	0.2	0.13	0.12	0.18	0.09	0.13
chr16	17276317	17278252	Tmem191c	ENSMUSG00000055692	891	0.14	0.11	0.13	0.11	0.09	0.17
chr16	17508909	17509316	Lztr1	ENSMUSG00000022761	51	0.15	0.13	0.1	0.14	0.07	0.11
chr16	24393364	24394159	Lpp	ENSMUSG00000033306	325	0.28	0.25	0.09	0.2	0.19	0.16

chr16	30599702	30601424	Fam43a	ENSMUSG00000046546	754	0.14	0.16	0.11	0.12	0.09	0.14
chr16	38550032	38550384	Poglut1	ENSMUSG00000034064	96	0.23	0.22	0.17	0.15	0.07	0.13
chr16	94083717	94086372	Sim2	ENSMUSG00000062713	-1017	0.14	0.16	0.12	0.15	0.09	0.17
chr16	18591765	18592051	4930588K23Rik	ENSMUSG00000075335	-177	0.13	0.34	0.15	0.18	0.05	0.19
chr16	78301906	78302617	Cxadr	ENSMUSG00000022865	260	0.17	0.11	0.1	0.14	0.06	0.14
chr16	20672626	20673579	Eif4g1	ENSMUSG00000045983	306	0.13	0.19	0.09	0.16	0.08	0.15
chr16	11983856	11985083	Shisa9	ENSMUSG00000022494	-205	0.18	0.2	0.13	0.13	0.1	0.17
chr16	16599737	16600247	Fgd4	ENSMUSG00000022788	79	0.67	0.26	0.1	0.17	0.17	0.11
chr16	90142647	90144592	Tiam1	ENSMUSG00000002489	395	0.21	0.19	0.15	0.24	0.13	0.2
chr16	4541728	4541980	Srl	ENSMUSG00000022519	-38	0.15	0.17	0.13	0.21	0.09	0.11
chr16	37539403	37540148	Gtf2e1	ENSMUSG00000022828	87	0.15	0.16	0.14	0.2	0.09	0.18
chr16	85899730	85901347	Adamts5	ENSMUSG00000022894	832	0.33	0.21	0.24	0.29	0.19	0.18
chr16	18343856	18344174	D16H22S680E	ENSMUSG00000013539	-20	0.23	0.09	0.08	0.15	0.06	0.07
chr16	4003534	4003987	Slx4	ENSMUSG00000039738	-8	0.47	0.41	0.24	0.35	0.26	0.21
chr16	13667998	13668311	Parn	ENSMUSG00000022685	109	0.12	0.14	0.07	0.18	0.06	0.14
chr16	93883734	93884662	Chaf1b	ENSMUSG00000022945	52	0.21	0.16	0.1	0.15	0.11	0.14
chr16	91406440	91406836	Il10rb	ENSMUSG00000022969	158	0.19	0.17	0.13	0.16	0.04	0.15
chr16	4679542	4679826	Coro7	ENSMUSG00000039637	-6	1	0.22	0.54	0.55	0.09	0.31
chr16	35541392	35542775	Sema5b	ENSMUSG00000052133	635	0.07	0.05	0.1	0.1	0.12	0.14
chr16	38088322	38089874	Gsk3b	ENSMUSG00000022812	11	0.22	0.14	0.1	0.15	0.11	0.17
chr16	18812336	18812740	Ufd1l	ENSMUSG00000005262	151	0.31	NA	0.08	0.12	0.11	0.16
chr16	22265359	22266271	Tra2b	ENSMUSG00000022858	87	0.16	0.19	0.11	0.18	0.1	0.12
chr16	42875087	42876512	4932412D23Rik	ENSMUSG00000075070	-99	0.19	0.11	0.18	0.16	0.1	0.08
chr16	4939045	4939501	Nudt16l1	ENSMUSG00000022516	162	0.06	0.05	0.06	0.23	0.16	0.17
chr16	22009257	22010090	Senp2	ENSMUSG00000022855	116	0.22	0.09	0.09	0.17	0.12	0.11
chr16	91729650	91730403	Itsn1	ENSMUSG00000022957	315	0.15	0.17	0.07	0.12	0.07	0.12
chr16	93711809	93712639	Dopey2	ENSMUSG00000022946	72	0.22	0.33	0.12	0.14	0.15	0.14
chr16	91931596	91931996	Atp5o	ENSMUSG00000022956	-133	0.11	0.09	0.1	0.15	0.33	0.21
chr16	14159001	14159404	4921513D23Rik	ENSMUSG00000060657	165	0.24	0.11	0.16	0.23	0.08	0.16
chr16	20716121	20718085	Clcn2	ENSMUSG00000022843	-919	0.24	0.26	0.13	0.17	0.16	0.13

chr16	21794189	21794780	1300002E11Rik	ENSMUSG00000086651	64	0.64	0.38	0.16	0.18	0.34	0.18
chr16	93603861	93604357	Setd4	ENSMUSG00000022948	-73	0.22	0.28	0.09	0.11	0.11	0.17
chr16	91225565	91227887	Olig2	ENSMUSG00000039830	931	0.14	0.18	0.12	0.16	0.21	0.13
chr16	8424633	8425200	Cldn26	ENSMUSG00000022715	313	0.06	0.27	0.08	0.15	0.14	0.14
chr16	9993713	9994354	Grin2a	ENSMUSG00000059003	320	0.54	0.39	0.09	0.2	0.33	0.15
chr16	16213244	16213911	Pkp2	ENSMUSG00000041957	166	0.19	0.34	0.18	0.26	0.13	0.17
chr16	16302988	16303712	Yars2	ENSMUSG00000022792	292	0.17	0.17	0.08	0.12	0.1	0.09
chr16	20732859	20733837	Chrd	ENSMUSG00000006958	148	0.19	0.17	0.1	0.2	0.12	0.14
chr16	22857417	22858287	Tbccd1	ENSMUSG00000004462	-210	0.22	0.17	0.09	0.14	0.14	0.13
chr16	35983260	35984172	Gm15564	ENSMUSG00000086324	-400	0.16	0.18	0.09	0.11	0.11	0.14
chr16	30063364	30064663	Hes1	ENSMUSG00000022528	-457	0.14	0.15	0.16	0.19	0.1	0.15
chr16	57121580	57122424	Tomn70a	ENSMUSG00000022752	175	0.14	0.15	0.1	0.13	0.08	0.18
chr16	10784307	10786284	Socs1	ENSMUSG00000038037	334	0.15	0.14	0.1	0.17	0.12	0.14
chr16	18088894	18089337	Prodh	ENSMUSG00000003526	0	0.17	0.05	0.07	0.15	0.05	0.17
chr16	91618978	91619292	Dnajc28	ENSMUSG00000039763	101	0.38	0.19	0.18	0.17	0.11	0.22
chr16	11253492	11254722	Gspt1	ENSMUSG00000062203	195	0.17	0.24	0.12	0.15	0.13	0.11
chr16	13671924	13672540	Bfar	ENSMUSG00000022684	281	0.11	0.1	0.1	0.17	0.07	0.16
chr16	18876436	18877857	Mrpl40	ENSMUSG00000022706	-514	0.18	0.16	0.1	0.13	0.14	0.12
chr16	20516855	20517474	Dvl3	ENSMUSG00000003233	109	0.16	0.11	0.11	0.17	0.11	0.12
chr16	20591265	20591704	Vwa5b2	ENSMUSG00000046613	255	0.18	0.15	0.11	0.15	0.14	0.22
chr16	23987537	23988309	Bcl6	ENSMUSG00000022508	1015	0.29	0.26	0.18	0.23	0.47	0.14
chr16	91688591	91689287	Donson	ENSMUSG00000022960	9	0.13	0.1	0.11	0.13	0.09	0.13
chr16	97831999	97832790	Tmprss2	ENSMUSG00000000385	408	0.68	NA	0.1	0.21	0.2	0.18
chr16	31948130	31948843	0610012G03Rik	ENSMUSG00000047112	94	0.14	0.15	0.12	0.15	0.1	0.14
chr16	38522309	38522947	4930455C21Rik	ENSMUSG00000002846	97	0.11	0.11	0.16	0.11	0.06	0.18
chr16	44557993	44558212	Mir3081	ENSMUSG00000093046	140	0.18	0.17	0.12	0.15	0.1	0.17
chr16	32430703	32431497	Pcyt1a	ENSMUSG00000005615	93	0.27	0.26	0.1	0.13	0.19	0.17
chr16	13109729	13110331	Erc4	ENSMUSG00000022545	253	0.12	0.08	0.06	0.17	0.21	0.11
chr16	38742271	38742788	B4galt4	ENSMUSG00000022793	152	0.09	0.13	0.12	0.14	0.06	0.12
chr16	55821736	55822740	Nfkbiz	ENSMUSG00000035356	13	0.16	0.19	0.08	0.16	0.11	0.15

chr16	48993676	48994641	Dzip3	ENSMUSG00000064061	-104	1	NA	0.14	0.22	0.09	0.22
chr16	64770352	64771059	4930453N24Rik	ENSMUSG00000059920	60	0.3	0.4	0.15	0.29	0.21	0.2
chr16	92695802	92696061	Runx1	ENSMUSG00000022952	-36	0.13	0.07	0.14	0.38	0.06	0.22
chr16	14361400	14361917	Abcc1	ENSMUSG00000023088	7	0.08	0.08	0.08	0.12	0.11	0.09
chr16	10992487	10993412	Litaf	ENSMUSG00000022500	215	0.18	0.14	0.1	0.14	0.09	0.11
chr16	92697063	92699136	Runx1	ENSMUSG00000022952	-526	0.24	0.32	0.15	0.22	0.17	0.17
chr16	4726299	4726876	Hmox2	ENSMUSG00000004070	226	0.22	0.17	0.15	0.15	0.11	0.18
chr16	13902716	13903504	Pdxdc1	ENSMUSG00000022680	-42	0.27	0.15	0.1	0.13	0.17	0.14
chr16	32643902	32644689	Tnk2	ENSMUSG00000022791	335	0.29	0.49	0.12	0.27	0.23	0.25
chr16	13818963	13819803	Ntan1	ENSMUSG00000022681	39	0.15	0.14	0.09	0.07	0.07	0.15
chr16	23988742	23989037	Bcl6	ENSMUSG00000022508	49	0.27	0.04	0.09	0.12	0.16	0.15
chr16	32332211	32333074	Ubxn7	ENSMUSG00000053774	304	0.22	0.13	0.15	0.25	0.14	0.16
chr16	3743947	3744604	Zfp263	ENSMUSG00000022529	182	0.26	0.18	0.09	0.15	0.17	0.19
chr16	30587539	30587742	Lsg1	ENSMUSG00000022538	-15	0.15	0.11	0.12	0.13	0.05	0.19
chr16	30008946	30009335	4632428C04Rik	ENSMUSG00000086897	387	0.1	0.11	0.1	0.16	0.12	0.18
chr16	84834713	84836211	Atp5j	ENSMUSG00000022890	-385	0.11	0.1	0.09	0.13	0.08	0.11
chr16	90283814	90285178	Scaf4	ENSMUSG00000022983	57	0.12	0.11	0.12	0.14	0.14	0.14
chr16	10313758	10314099	Emp2	ENSMUSG00000022505	133	0.08	0.05	0.06	0.1	0.06	0.1
chr16	31200339	31201480	Acap2	ENSMUSG00000049076	168	0.16	0.11	0.13	0.1	0.13	0.15
chr16	44558401	44558917	Boc	ENSMUSG00000022687	324	0.33	0.4	0.07	0.17	0.25	0.15
chr16	63863727	63864254	Epha3	ENSMUSG00000052504	-6	0.16	0.24	0.09	0.12	0.1	0.09
chr16	93608040	93608490	Cbr1	ENSMUSG00000051483	183	0.17	0.44	0.11	0.22	0.08	0.19
chr16	21423148	21423642	Vps8	ENSMUSG00000033653	204	0.1	0.15	0.11	0.15	0.15	0.1
chr16	15863288	15863587	Mzt2	ENSMUSG00000022671	3	0.3	0.18	0.16	0.21	0.12	0.12
chr16	18629574	18630226	5-Sep	ENSMUSG00000072214	104	0.21	0.14	0.11	0.14	0.15	0.19
chr16	59600370	59600963	Gm9581	ENSMUSG00000091562	46	0.14	0.06	0.08	0.12	0.11	0.11
chr16	23107355	23108586	Eif4a2	ENSMUSG00000022884	453	0.11	0.09	0.15	0.14	0.14	0.15
chr16	18586348	18587305	Tbx1	ENSMUSG00000009097	236	0.14	0.22	0.11	0.13	0.16	0.1
chr16	9994760	9995970	Grin2a	ENSMUSG00000059003	-351	0.24	0.17	0.29	0.24	0.17	0.24
chr16	20611410	20611887	Ece2	ENSMUSG00000022842	-18	0.33	0.2	0.16	0.24	0.12	0.24

chr16	30066308	30067149	Hes1	ENSMUSG00000022528	304	0.13	0.12	0.13	0.13	0.22	0.18
chr16	75593020	75593444	Rbm11	ENSMUSG00000032940	143	0.22	0.18	0.16	0.25	0.11	0.08
chr16	4679141	4679355	Coro7	ENSMUSG00000039637	430	0.28	0.37	0.1	0.16	0.37	0.17
chr16	13780686	13781075	Rrn3	ENSMUSG00000022682	88	0.2	0.47	0.1	0.2	0.28	0.18
chr16	14292446	14292651	Myh11	ENSMUSG00000018830	-1047	0.13	0.33	0.15	0.18	0.18	0.11
chr16	17070242	17070520	Ypel1	ENSMUSG00000022773	130	0.17	0.05	0.12	0.12	0.23	0.09
chr16	44347435	44347925	Spice1	ENSMUSG00000043065	153	0.25	0.24	0.13	0.15	0.1	0.17
chr16	95219015	95219437	Kcnj6	ENSMUSG00000043301	77	1	0.7	0.12	0.29	0.11	0.36
chr16	87440517	87440920	Rwdd2b	ENSMUSG00000041079	100	0.25	0.33	0.15	0.34	0.38	0.25
chr16	45742806	45743087	Abhd10	ENSMUSG00000033157	52	0.71	0.33	0.15	0.09	0.47	0.22
chr16	57549286	57549577	Filip1l	ENSMUSG00000043336	76	0.13	0.14	0.08	0.15	0.1	0.09
chr16	20619837	20622428	Camk2n2	ENSMUSG00000051146	228	0.12	0.12	0.1	0.15	0.1	0.14
chr16	37654103	37654656	Ndufb4	ENSMUSG00000022820	160	0.15	0.2	0.14	0.16	0.1	0.16
chr16	4684006	4684336	Dnaja3	ENSMUSG0000004069	101	0.11	0.09	0.14	0.16	0.16	0.13
chr16	13256354	13257157	Mkl2	ENSMUSG00000009569	181	0.08	0.13	0.13	0.13	0.1	0.13
chr16	17405871	17406450	Pi4ka	ENSMUSG00000041720	-174	0.08	0.21	0.1	0.09	0.16	0.13
chr16	28445104	28447031	Fgf12	ENSMUSG00000022523	-754	0.1	0.15	0.11	0.13	0.08	0.14
chr16	37011746	37012174	Polq	ENSMUSG00000034206	88	0.29	0.24	0.13	0.24	0.23	0.18
chr16	87432324	87432985	Ltn1	ENSMUSG00000052299	151	0.14	0.14	0.1	0.15	0.12	0.18
chr16	93683465	93684076	Cbr3	ENSMUSG00000022947	310	1	0.18	0.14	0.17	0.21	0.27
chr16	96348644	96349819	Hmgn1	ENSMUSG00000040681	-158	0.21	0.09	0.11	0.11	0.15	0.2
chr16	5131748	5131977	Ppl	ENSMUSG00000039457	712	0.17	0.37	0.11	0.13	0.12	0.19
chr16	52031537	52032442	Cblb	ENSMUSG00000022637	327	0.25	0.16	0.13	0.22	0.16	0.13
chr16	18234848	18235403	Zdhc8	ENSMUSG00000060166	104	0.11	0.08	0.07	0.15	0.15	0.14
chr16	18777207	18778039	Cldn5	ENSMUSG00000041378	683	0.23	0.47	0.13	0.25	0.31	0.16
chr16	38562805	38563310	Tmem39a	ENSMUSG00000002845	132	0.13	0.09	0.13	0.2	0.1	0.14
chr16	98072777	98073529	Prdm15	ENSMUSG00000014039	-319	0.09	0.11	0.09	0.18	0.1	0.12
chr16	35768957	35769626	Dirc2	ENSMUSG00000022848	125	0.17	0.15	0.09	0.16	0.21	0.17
chr16	62846424	62846992	Arl13b	ENSMUSG00000022911	98	0.16	0.3	0.12	0.12	0.09	0.12
chr16	16983321	16984160	Mapk1	ENSMUSG00000063358	265	0.17	0.23	0.09	0.16	0.13	0.1

chr16	34572789	34573255	Kalm	ENSMUSG00000061751	596	0.14	0.12	0.08	0.09	0.08	0.15
chr16	35938573	35939249	Parp9	ENSMUSG00000022906	-186	0.5	0.25	0.12	0.18	0.11	0.18
chr16	22161426	22163437	Igf2bp2	ENSMUSG00000033581	-908	0.1	0.18	0.12	0.16	0.12	0.13
chr16	31428811	31430122	Bdh1	ENSMUSG00000046598	632	0.14	0.35	0.09	0.14	0.18	0.16
chr16	75766926	75767221	Hspa13	ENSMUSG00000032932	-46	0.05	0.16	0.17	0.09	0.08	0.06
chr16	13448148	13448795	Mir193b	ENSMUSG00000076972	-1145	0.31	0.36	0.11	0.19	0.25	0.17
chr16	23224965	23225577	BC106179	ENSMUSG00000045231	170	0.14	0.34	0.18	0.22	0.33	0.18
chr16	4789406	4790347	5730403B10Rik	ENSMUSG0000004071	54	0.21	0.13	0.12	0.09	0.31	0.19
chr16	5255792	5256212	Fam86	ENSMUSG00000022544	20	0.23	0.44	0.13	0.15	0.19	0.24
chr16	17201045	17201509	Ube2l3	ENSMUSG00000038965	289	0.18	0.64	0.14	0.21	0.21	0.2
chr16	10192812	10193406	Atf7ip2	ENSMUSG00000039200	110	0.09	0.14	0.11	0.22	0.11	0.13
chr16	16870810	16871156	Top3b	ENSMUSG00000022779	154	0.23	0.16	0.13	0.13	0.2	0.17
chr16	17451874	17452936	Crkl	ENSMUSG00000006134	325	0.16	0.18	0.11	0.18	0.12	0.21
chr16	36828138	36828759	Eaf2	ENSMUSG00000022838	-151	0.14	0.1	0.07	0.15	0.03	0.18
chr16	49855309	49856137	Cd47	ENSMUSG00000055447	-8	0.1	0.14	0.09	0.14	0.12	0.13
chr16	65815167	65816098	Vgll3	ENSMUSG00000091243	-246	0.17	0.19	0.15	0.18	0.15	0.11
chr16	18066414	18067002	Dgcr6	ENSMUSG00000003531	212	0.28	0.37	0.13	0.12	0.22	0.16
chr16	18836771	18837103	2510002D24Rik	ENSMUSG00000071632	264	0.17	0.25	0.07	0.07	1	0.12
chr16	37916318	37916697	Gpr156	ENSMUSG00000046961	-75	0.16	0.69	0.14	0.16	0.2	0.21
chr16	58670280	58670942	Cpox	ENSMUSG00000022742	290	1	0.64	0.14	0.29	0.27	0.14
chr16	65562505	65563128	Chmp2b	ENSMUSG00000004843	126	0.13	0.2	0.09	0.12	0.07	0.18
chr16	17797560	17798806	Scarf2	ENSMUSG00000012017	808	0.12	0.18	0.17	0.15	0.1	0.16
chr16	31080793	31081626	AI480653	ENSMUSG00000047434	309	0.11	0.22	0.1	0.14	0.1	0.13
chr16	20425982	20426681	Abcc5	ENSMUSG00000022822	-272	0.2	0.22	0.1	0.09	0.16	0.14
chr16	55966510	55966818	Rpl24	ENSMUSG00000022601	130	0.12	0.08	0.08	0.18	0.09	0.13
chr16	91269822	91271984	Olig1	ENSMUSG00000046160	889	0.11	0.16	0.11	0.14	0.15	0.13
chr16	91597475	91598275	Tmem50b	ENSMUSG00000022964	34	0.18	0.11	0.1	0.14	0.13	0.18
chr16	31274782	31275404	Ppp1r2	ENSMUSG00000047714	-15	0.45	0.45	0.12	0.27	0.43	0.2
chr16	17405434	17405687	Pi4ka	ENSMUSG00000041720	426	1	0.35	0.2	0.43	0.29	0.39
chr16	32877533	32878585	Fytd1	ENSMUSG00000022800	473	0.19	0.28	0.13	0.22	0.17	0.13

chr16	36693924	36694208	Ildr1	ENSMUSG00000022900	2	0.2	0.18	0.13	0.31	0.17	0.13
chr16	18248123	18249388	Ranbp1	ENSMUSG00000005732	-595	0.12	0.13	0.1	0.14	0.1	0.17
chr16	33829665	33830462	Itgb5	ENSMUSG00000022817	312	0.19	0.12	0.1	0.14	0.15	0.14
chr16	4077466	4078059	Trap1	ENSMUSG00000005981	65	1	0.13	0.15	0.16	0.31	0.18
chr16	56717204	56717723	Tfg	ENSMUSG00000022757	-168	0.08	0.12	0.09	0.12	0.07	0.12
chr16	91044143	91044968	Gcfc1	ENSMUSG00000022974	-146	0.5	0.32	0.11	0.17	0.37	0.15
chr16	58728031	58728463	Cldn25	ENSMUSG00000022744	209	0.14	0.12	0.1	0.15	0.08	0.12
chr16	15594123	15594653	Ube2v2	ENSMUSG00000022674	177	0.22	0.16	0.12	0.18	0.35	0.19
chr16	17619402	17619775	Smpd4	ENSMUSG00000005899	141	0.19	0.06	0.14	0.25	0.12	0.13
chr16	98143763	98144429	C2cd2	ENSMUSG00000045975	147	0.05	0.28	0.11	0.19	0.07	0.13
chr16	30308461	30309321	Gp5	ENSMUSG00000047953	1974	0.13	0.14	0.13	0.14	0.12	0.14
chr16	32246522	32247391	Fbxo45	ENSMUSG00000035764	288	0.34	0.31	0.1	0.14	0.29	0.21
chr16	56029308	56030282	Pcnp	ENSMUSG00000071533	-6	0.19	0.15	0.14	0.19	0.14	0.12
chr16	91465191	91465511	A930006K02Rik	ENSMUSG00000084866	2	0.2	NA	0.14	0.22	0.44	0.1
chr16	85802235	85803557	Adamts1	ENSMUSG00000022893	462	0.12	0.21	0.07	0.13	0.1	0.09
chr16	62786346	62786743	Nsun3	ENSMUSG00000050312	-5	0.06	0.1	0.11	0.15	0.08	0.1
chr16	21204664	21205698	Ephb3	ENSMUSG00000005958	353	0.11	0.19	0.14	0.16	0.12	0.13
chr16	23127760	23128174	Rfc4	ENSMUSG00000022881	-203	1	0.09	0.11	0.23	0.33	0.19
chr16	93832258	93832981	Morc3	ENSMUSG00000039456	253	0.08	0.08	0.08	0.13	0.07	0.09
chr16	87698963	87699803	Bach1	ENSMUSG00000025612	193	0.16	0.11	0.11	0.12	0.18	0.12
chr16	90830310	90831709	4931408A02Rik	ENSMUSG00000039903	-44	0.15	0.14	0.11	0.17	0.18	0.14
chr16	94534866	94535386	Hlcs	ENSMUSG00000040820	44	0.11	0.19	0.09	0.17	0.07	0.09
chr16	97392111	97392648	Dscam	ENSMUSG00000050272	-20	0.1	0.06	0.1	0.15	0.08	0.09
chr16	18127361	18128364	Rtn4r	ENSMUSG00000043811	127	0.17	0.13	0.08	0.12	0.16	0.12
chr16	91372987	91373555	Ifnar2	ENSMUSG00000022971	243	0.12	0.36	0.08	0.16	0.14	0.14
chr16	94549737	94550200	Ripply3	ENSMUSG00000022941	-59	0.09	0.17	0.09	0.2	0.07	0.09
chr16	91547152	91547638	Ifngr2	ENSMUSG00000022965	78	0.5	0.64	0.14	0.19	1	0.13
chr16	3884214	3884995	Zfp597	ENSMUSG00000039789	-99	0.12	0.08	0.12	0.12	0.11	0.1
chr16	4879231	4881005	Fam100a	ENSMUSG00000039568	-313	0.09	0.14	0.11	0.11	0.09	0.1
chr16	33056259	33057207	lqcg	ENSMUSG00000035578	-462	0.58	0.23	0.18	0.14	0.5	0.26

chr16	35154424	35157063	Adcy5	ENSMUSG00000022840	780	0.1	0.14	0.11	0.15	0.1	0.15
chr16	92466044	92466798	Rcan1	ENSMUSG00000022951	-30	0.09	0.06	0.1	0.14	0.08	0.11
chr16	17759579	17760380	Klhl22	ENSMUSG00000022750	268	0.12	0.11	0.1	0.16	0.13	0.18
chr16	36071417	36072215	Fam162a	ENSMUSG00000003955	-215	0.11	0.18	0.15	0.08	0.09	0.17
chr16	4886293	4886668	Mgrn1	ENSMUSG00000022517	199	0.06	0.11	0.08	0.14	0.07	0.11
chr16	16358632	16359178	Dnm1l	ENSMUSG00000022789	218	0.15	0.19	0.11	0.19	0.16	0.13
chr16	56037537	56038162	Rg9mtd1	ENSMUSG00000044763	83	0.12	0.14	0.13	0.1	0.11	0.17
chr16	85172828	85174375	App	ENSMUSG00000022892	347	0.42	0.14	0.09	0.22	0.4	0.13
chr16	30388057	30389100	Atp13a3	ENSMUSG00000022533	-7	0.18	0.24	0.09	0.12	0.19	0.15
chr16	11175868	11176605	Zc3h7a	ENSMUSG00000037965	-79	0.33	0.25	0.15	0.12	0.13	0.15
chr16	4419636	4420698	Adcy9	ENSMUSG00000005580	-359	0.21	0.12	0.11	0.14	0.22	0.14
chr16	17208653	17210592	Rimbp3	ENSMUSG00000071636	1394	0.12	0.21	0.1	0.13	0.13	0.12
chr16	20097670	20098459	Klhl24	ENSMUSG00000062901	437	0.78	0.43	0.16	0.26	0.74	0.15
chr16	22439280	22440266	Etv5	ENSMUSG00000013089	-130	0.1	0.09	0.11	0.1	0.11	0.13
chr16	22656882	22657353	Dgkg	ENSMUSG00000022861	-16	0.08	0.14	0.08	0.15	0.09	0.12
chr16	50528788	50529761	G730013B05Rik	ENSMUSG00000085617	659	0.12	0.22	0.08	0.12	0.1	0.12
chr16	8513358	8513700	Abat	ENSMUSG00000057880	7	0.24	0.8	0.2	0.13	0.21	0.12
chr16	32277469	32277969	Rnf168	ENSMUSG00000014074	174	0.15	0.2	0.12	0.15	0.16	0.2
chr16	33380698	33381535	1700007L15Rik	ENSMUSG00000090918	-303	0.07	0.06	0.12	0.18	0.07	0.13
chr16	44724471	44724893	BC027231	ENSMUSG00000036208	212	0.31	0.29	0.17	0.18	0.34	0.2
chr16	37868158	37869250	Lrrc58	ENSMUSG00000034158	229	0.11	0.09	0.11	0.15	0.11	0.13
chr16	97984751	97985540	Ripk4	ENSMUSG00000005251	-47	0.11	0.15	0.18	0.15	0.11	0.15
chr16	3872260	3872728	Nat15	ENSMUSG00000005982	119	0.5	0.43	0.16	0.21	0.47	0.13
chr16	3908918	3909244	Cluap1	ENSMUSG00000014232	42	0.25	0.42	0.25	0.23	0.2	0.11
chr16	4212834	4214506	Crebbp	ENSMUSG00000022521	-447	0.12	0.13	0.09	0.19	0.11	0.13
chr16	4558597	4559691	Tfap4	ENSMUSG00000005718	576	0.11	0.1	0.1	0.19	0.14	0.15
chr16	4624513	4625028	Pam16	ENSMUSG00000014301	166	0.14	0.16	0.15	0.15	0.15	0.29
chr16	5132363	5132818	Ppl	ENSMUSG00000039457	-16	0.12	0.24	0.07	0.18	0.1	0.13
chr16	8671685	8672595	Carhsp1	ENSMUSG00000008393	106	0.22	0.16	0.14	0.19	0.23	0.22
chr16	10395147	10395384	Tekt5	ENSMUSG00000039179	276	0.25	0.25	0.12	0.19	0.14	0.14

chr16	10411942	10412281	Nubp1	ENSMUSG00000022503	70	0.22	0.29	0.1	0.15	0.2	0.15
chr16	10542512	10543241	Dexi	ENSMUSG00000038055	271	0.1	0.27	0.09	0.07	0.1	0.07
chr16	10835059	10835501	A630055G03Rik	ENSMUSG00000037991	128	0.09	0.18	0.07	0.17	0.07	0.08
chr16	13940796	13941194	Mpv17l	ENSMUSG00000022679	-192	0.17	0.2	0.1	0.17	0.15	0.14
chr16	17146948	17148067	Ydjc	ENSMUSG00000041774	477	0.06	0.06	0.09	0.25	0.07	0.14
chr16	18348228	18349066	Arvcf	ENSMUSG00000000325	372	0.15	0.12	0.07	0.17	0.14	0.13
chr16	19761146	19761464	B3gnt5	ENSMUSG00000022686	158	0.09	0.14	0.06	0.18	0.11	0.09
chr16	20141130	20141631	Yeats2	ENSMUSG00000041215	244	0.14	NA	0.08	0.14	0.07	0.12
chr16	20302051	20302545	Parl	ENSMUSG00000033918	115	0.17	0.11	0.09	0.17	0.09	0.23
chr16	20498942	20499220	Eif2b5	ENSMUSG00000003235	191	0.07	0.11	0.1	0.09	0.07	0.12
chr16	20651627	20652074	Psmc2	ENSMUSG00000006998	125	0.15	0.24	0.11	0.15	0.14	0.14
chr16	20695888	20696286	Fam131a	ENSMUSG00000050821	-161	0.08	0.17	0.11	0.29	0.1	0.23
chr16	23890700	23890945	Sst	ENSMUSG00000004366	108	0.07	NA	0.08	0.14	0.07	0.08
chr16	26105274	26106015	Leprel1	ENSMUSG00000038168	226	0.08	0.11	0.11	0.11	0.09	0.13
chr16	31663611	31663981	Dlg1	ENSMUSG00000022770	-199	0.12	0.33	0.2	0.21	0.22	0.32
chr16	32078846	32079412	Pak2	ENSMUSG00000022781	299	0.12	0.14	0.1	0.15	0.13	0.15
chr16	32099477	32100012	Pigx	ENSMUSG00000023791	35	0.08	0.23	0.07	0.18	0.08	0.22
chr16	32868089	32868312	1700021K19Rik	ENSMUSG00000035629	224	0.1	0.11	0.16	0.1	0.05	0.17
chr16	33062327	33062899	Lmln	ENSMUSG00000022802	6	0.18	0.29	0.09	0.14	0.17	0.14
chr16	33966841	33967167	Umps	ENSMUSG00000022814	85	0.14	0.09	0.1	0.21	0.14	0.11
chr16	36875178	36875761	Golgb1	ENSMUSG00000034243	243	0.14	0.31	0.12	0.12	0.13	0.12
chr16	37384415	37385146	Stxbp5l	ENSMUSG00000022829	136	0.11	0.15	0.12	0.17	0.12	0.1
chr16	37776967	37777475	Fstl1	ENSMUSG00000022816	80	0.16	0.14	0.14	0.23	0.17	0.25
chr16	38346984	38347337	Cox17	ENSMUSG00000046516	83	0.1	0.21	0.09	0.15	0.12	0.15
chr16	38902305	38902843	Igsf11	ENSMUSG00000022790	145	0.17	0.17	0.1	0.17	0.15	0.16
chr16	45844419	45844802	Phldb2	ENSMUSG00000033149	-154	0.06	0.12	0.08	0.08	0.07	0.2
chr16	46010508	46010755	Plcxd2	ENSMUSG00000087141	-300	0.33	0.82	0.3	0.22	0.26	0.24
chr16	49699148	49699744	Ift57	ENSMUSG00000032965	100	0.11	0.21	0.06	0.12	0.11	0.11
chr16	50430089	50430474	Bbx	ENSMUSG00000022641	-256	0.08	0.18	0.07	0.13	0.05	0.11
chr16	50732539	50732997	5330426P16Rik	ENSMUSG00000022639	82	0.1	0.16	0.14	0.17	0.12	0.14

chr16	55933966	55934626	Cep97	ENSMUSG00000022604	50	0.11	0.12	0.12	0.23	0.06	0.14
chr16	56075501	56076241	Senp7	ENSMUSG00000052917	349	0.14	0.1	0.13	0.35	0.15	0.16
chr16	57166954	57167533	Nit2	ENSMUSG00000022751	202	0.17	0.19	0.22	0.28	0.21	0.25
chr16	57606592	57607061	2610528E23Rik	ENSMUSG00000022748	116	0.14	0.04	0.06	0.14	0.12	0.12
chr16	58523004	58523705	St3gal6	ENSMUSG00000022747	103	0.13	0.16	0.13	0.2	0.11	0.16
chr16	59638969	59639381	Arl6	ENSMUSG00000022722	-182	0.11	0.28	0.09	0.18	0.12	0.17
chr16	65105370	65105616	Htr1f	ENSMUSG00000050783	117	0.25	0.26	0.11	0.17	0.2	0.16
chr16	87354432	87354812	N6amt1	ENSMUSG00000044442	150	0.1	0.17	0.19	0.11	0.09	0.18
chr16	87495635	87496285	Cct8	ENSMUSG00000025613	-11	1	0.46	0.16	0.22	1	0.18
chr16	92498596	92499478	Clic6	ENSMUSG00000022949	658	0.17	0.21	0.18	0.23	0.17	0.2
chr16	94747860	94748814	Dscr3	ENSMUSG00000022898	-313	0.21	0.16	0.17	0.25	0.2	0.24
chr16	95807017	95807436	Erg	ENSMUSG00000040732	974	0.12	0.09	0.11	0.12	0.1	0.13
chr16	96366745	96367401	Wrb	ENSMUSG00000023147	59	0.2	NA	0.09	0.31	0.26	0.25
chr16	96413425	96413995	Lca5l	ENSMUSG00000045275	147	0.19	0.33	0.16	0.28	0.22	0.11
chr16	96502391	96502721	B3gal5	ENSMUSG00000074892	151	0.19	NA	0.11	0.35	0.21	0.1
chr16	98183187	98184024	Zfp295	ENSMUSG00000046962	181	0.18	0.42	0.1	0.2	0.18	0.11
chr16	5233684	5233934	Alg1	ENSMUSG00000039427	95	NA	NA	0.17	NA	NA	1
chr16	11203084	11203834	Rsl1d1	ENSMUSG00000005846	-102	NA	1	0.11	0.17	0.09	0.34
chr16	14317229	14317579	Gm15869	ENSMUSG00000087557	-26	NA	1	0.2	NA	NA	NA
chr16	14705912	14706221	Snai2	ENSMUSG00000022676	121	NA	NA	0.2	1	NA	0.25
chr16	16829125	16829467	Spag6	ENSMUSG00000022783	78	NA	0.25	0.11	0.16	0.05	0.23
chr16	20548268	20548825	Abcf3	ENSMUSG00000003234	-104	NA	NA	0.5	NA	NA	NA
chr16	21947316	21947721	Tmem41a	ENSMUSG00000022856	85	NA	NA	0.07	0.14	0.17	0.15
chr16	26581574	26581948	Il1rap	ENSMUSG00000022514	-29	NA	NA	0.09	0.1	0.07	0.12
chr16	29210093	29210351	Hrasls	ENSMUSG00000022525	28	NA	NA	NA	0.45	NA	NA
chr16	29946039	29946352	Gm16761	ENSMUSG00000084810	408	NA	0.09	0.08	0.22	NA	0.16
chr16	30309592	30309929	Gp5	ENSMUSG00000047953	1105	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr16	30550232	30550829	Tmem44	ENSMUSG00000022537	84	NA	1	0.2	1	NA	0.25
chr16	31932960	31933297	Pigz	ENSMUSG00000045625	-809	NA	0.33	0.09	0.1	NA	0.31
chr16	31933839	31934128	Pigz	ENSMUSG00000045625	46	NA	NA	NA	NA	1	1

chr16	32165347	32165681	Lrrc33	ENSMUSG00000052384	29	NA	NA	0.2	0.33	0.58	0.12
chr16	32419742	32420145	Tctex1d2	ENSMUSG00000014075	155	NA	0.17	0.1	0.23	0.14	0.22
chr16	32608750	32609479	Tfrc	ENSMUSG00000022797	108	NA	0.14	0.2	0.13	0.09	0.11
chr16	34745169	34745506	Mylk	ENSMUSG00000022836	41	NA	NA	0.14	0.08	0.12	0.07
chr16	35770249	35770705	Hspbap1	ENSMUSG00000022849	5	NA	0.08	0.12	0.08	1	0.17
chr16	36041197	36041718	Wdr5b	ENSMUSG00000034379	181	NA	0.07	0.11	0.23	0.14	0.16
chr16	44332093	44332858	Sidt1	ENSMUSG00000022696	179	NA	0.2	0.17	0.22	0.2	0.22
chr16	45408743	45408949	Cd200	ENSMUSG00000022661	131	NA	1	1	1	0.45	0.5
chr16	57231436	57231825	Tbc1d23	ENSMUSG00000022749	-51	NA	NA	0.13	0.25	0.67	0.16
chr16	60605974	60606344	Gm9017	ENSMUSG00000089685	578	NA	0.36	0.15	0.24	0.25	0.1
chr16	62853977	62854280	Pros1	ENSMUSG00000022912	-5	NA	0.06	0.05	0.08	0.04	0.07
chr16	84774341	84774737	Jam2	ENSMUSG00000053062	171	NA	NA	0.06	0.15	1	0.1
chr16	91561897	91562124	Ifngr2	ENSMUSG00000022965	442	1	NA	NA	NA	NA	NA
chr16	91660152	91660721	Son	ENSMUSG00000022961	248	1	NA	1	NA	NA	NA
chr16	94086960	94087300	Sim2	ENSMUSG00000062713	1069	NA	NA	0.27	NA	NA	0.2
chr16	94591876	94593240	Pigp	ENSMUSG00000022940	-662	NA	0.06	0.14	0.06	0.05	0.11
chr17	12699810	12700392	Slc22a3	ENSMUSG00000023828	469	0.35	0.09	0.12	0.12	0.05	0.18
chr17	35378297	35378877	Ddx39b	ENSMUSG00000019432	-104	0.62	0.26	0.14	0.16	0.09	0.2
chr17	8357896	8358747	Fgfr1op	ENSMUSG00000069135	-45	0.48	0.24	0.2	0.25	0.17	0.3
chr17	31773417	31774402	Cbs	ENSMUSG00000024039	-315	0.29	0.11	0.18	0.2	0.1	0.19
chr17	46520337	46521452	Zfp318	ENSMUSG00000015597	214	0.31	0.2	0.13	0.17	0.11	0.16
chr17	28937606	28938779	Brpf3	ENSMUSG00000063952	157	0.28	0.16	0.11	0.11	0.1	0.14
chr17	86566593	86568311	Prkce	ENSMUSG00000045038	327	0.25	0.13	0.11	0.17	0.1	0.18
chr17	66728839	66729092	1110012J17Rik	ENSMUSG00000052105	-694	0.75	0.91	0.93	0.96	0.97	0.96
chr17	64949963	64951541	Man2a1	ENSMUSG00000024085	676	0.26	0.16	0.11	0.13	0.12	0.12
chr17	4994039	4996845	Arid1b	ENSMUSG00000069729	1110	0.16	0.16	0.1	0.12	0.09	0.1
chr17	80294372	80295663	Atf2	ENSMUSG00000059811	351	0.14	0.09	0.09	0.13	0.06	0.12
chr17	31701172	31702566	Pknox1	ENSMUSG00000006705	175	0.21	0.1	0.13	0.16	0.1	0.13
chr17	34020439	34020691	Kifc1	ENSMUSG00000079553	-394	0.5	0.47	0.76	0.84	0.89	0.94
chr17	26078701	26078978	Pigq	ENSMUSG00000025728	-11	0.08	0.21	0.12	0.13	0.23	0.1

chr17	46841635	46842189	Ppp2r5d	ENSMUSG00000059409	39	0.38	0.12	0.09	0.1	0.1	0.09
chr17	15511604	15513749	A930024N18Rik	ENSMUSG00000085544	712	0.22	0.19	0.12	0.14	0.11	0.15
chr17	30141141	30142034	Zfand3	ENSMUSG00000044477	-445	0.48	0.45	0.14	0.18	0.23	0.15
chr17	36002669	36003013	Ppp1r18	ENSMUSG00000034595	-160	1	NA	0.09	NA	0.06	0.09
chr17	79234234	79235029	Heatr5b	ENSMUSG00000039414	69	0.48	0.19	0.1	0.19	0.11	0.13
chr17	45569890	45571214	Cdc5l	ENSMUSG00000023932	104	0.23	0.18	0.12	0.17	0.13	0.15
chr17	29405825	29406192	BC004004	ENSMUSG00000052712	112	0.33	0.24	0.09	0.18	0.08	0.16
chr17	35332558	35333172	Ltb	ENSMUSG00000024399	1294	0.1	0.21	0.19	0.45	0.52	0.22
chr17	35457562	35458199	H2-Q1	ENSMUSG00000079507	377	0.12	0.07	0.12	0.14	0.07	0.11
chr17	25150640	25151387	Cramp1l	ENSMUSG00000038002	-44	0.26	0.09	0.1	0.14	0.08	0.13
chr17	7165186	7166033	Tagap1	ENSMUSG00000052031	-104	0.67	0.07	0.08	0.25	0.07	0.15
chr17	35399926	35401073	H2-D1	ENSMUSG00000073411	460	0.09	0.05	0.11	0.15	0.04	0.17
chr17	51317959	51318906	Tbc1d5	ENSMUSG00000023923	77	0.31	0.29	0.11	0.17	0.12	0.13
chr17	47766295	47766697	Usp49	ENSMUSG00000090115	-1143	0.26	0.24	0.11	0.16	0.46	0.13
chr17	21626045	21626261	Gm17372	ENSMUSG00000066035	-314	1	NA	0.12	0.07	0.04	0.07
chr17	6475640	6476430	Tmem181b-ps	ENSMUSG00000079733	240	0.13	NA	0.05	0.07	0.64	0.09
chr17	74058940	74059924	Galnt14	ENSMUSG00000024064	323	0.62	0.36	0.11	0.17	0.22	0.15
chr17	50432009	50433116	Dazl	ENSMUSG00000010592	-345	0.61	0.4	0.4	0.45	0.46	0.43
chr17	36407935	36408867	Trim39	ENSMUSG00000045409	-73	0.12	0.09	0.1	0.11	0.25	0.13
chr17	86088441	86088743	Six2	ENSMUSG00000024134	-978	0.35	0.1	0.08	0.14	0.07	0.13
chr17	15079938	15080942	1600012H06Rik	ENSMUSG00000050088	251	0.39	0.18	0.13	0.2	0.17	0.16
chr17	74715324	74715953	Dpy30	ENSMUSG00000024067	96	0.3	0.13	0.16	0.2	0.06	0.12
chr17	15663874	15664330	Pdcd2	ENSMUSG00000014771	-152	0.41	0.15	0.11	0.15	0.19	0.19
chr17	6987074	6987929	Ezr	ENSMUSG00000052397	-368	0.32	0.21	0.13	0.12	0.13	0.17
chr17	71532509	71533512	Lpin2	ENSMUSG00000024052	114	0.5	0.37	0.11	0.25	0.21	0.16
chr17	46434799	46435602	Dlk2	ENSMUSG00000047428	323	0.89	0.29	0.17	0.31	0.23	0.19
chr17	37125562	37125854	H2-M5	ENSMUSG00000024459	282	0.47	0.32	0.16	0.31	0.18	0.19
chr17	25929016	25929502	Fam173a	ENSMUSG00000057411	-30	0.8	0.44	0.15	0.17	0.17	0.21
chr17	28465376	28466280	Rpl10a	ENSMUSG00000037805	412	0.16	0.15	0.08	0.21	0.05	0.16
chr17	35107204	35109178	Hspa1a	ENSMUSG00000091971	878	0.93	1	0.53	0.59	0.32	0.44

chr17	24625283	24626256	Caskin1	ENSMUSG00000033597	41	0.2	0.12	0.1	0.12	0.09	0.11
chr17	15635060	15635380	Psemb1	ENSMUSG00000014769	20	0.92	0.33	0.1	0.15	0.28	0.14
chr17	27340526	27341555	Lemd2	ENSMUSG00000044857	343	0.13	0.29	0.08	0.14	0.24	0.11
chr17	35088929	35089520	AC087117.2	ENSMUSG00000092687	-204	0.12	0.24	0.11	0.18	0.36	0.17
chr17	29979028	29979320	Mdga1	ENSMUSG00000043557	192	0.51	0.33	0.84	0.75	0.26	0.53
chr17	63229341	63232359	Efna5	ENSMUSG00000048915	-357	0.15	0.14	0.09	0.13	0.09	0.13
chr17	26088506	26089139	D630044L22Rik	ENSMUSG00000086285	405	0.06	0.4	0.09	0.14	0.65	0.12
chr17	3114402	3115694	Scaf8	ENSMUSG00000046201	76	0.35	0.13	0.11	0.13	0.16	0.11
chr17	48548335	48549605	Nfya	ENSMUSG00000023994	43	0.19	0.18	0.1	0.14	0.09	0.15
chr17	69766481	69767216	C030034I22Rik	ENSMUSG00000073374	47	0.47	0.32	0.13	0.19	0.21	0.15
chr17	29797432	29798008	Ftsjd2	ENSMUSG00000024019	180	0.6	0.11	0.07	0.1	0.06	0.09
chr17	80112711	80113568	Cyp1b1	ENSMUSG00000024087	1242	0.27	0.14	0.16	0.22	0.11	0.16
chr17	34168462	34169428	Slc39a7	ENSMUSG00000024327	-456	0.26	0.15	0.11	0.15	0.13	0.16
chr17	64212584	64213943	A930002H24Rik	ENSMUSG00000045506	-123	0.15	0.11	0.08	0.12	0.08	0.14
chr17	25933226	25934155	Metrn	ENSMUSG00000002274	300	0.23	0.12	0.12	0.16	0.11	0.15
chr17	35068107	35068463	Neu1	ENSMUSG0000007038	87	0.2	0.19	0.17	0.21	0.64	0.17
chr17	51971085	51972570	Satb1	ENSMUSG00000023927	-483	0.18	0.11	0.09	0.14	0.1	0.13
chr17	75404880	75405809	Ltbp1	ENSMUSG0000001870	436	0.25	0.13	0.1	0.16	0.12	0.12
chr17	70318365	70319228	Dlgap1	ENSMUSG00000003279	383	0.18	0.16	0.09	0.1	0.07	0.09
chr17	24591988	24592388	E4f1	ENSMUSG00000024137	68	0.42	0.15	0.11	0.13	0.15	0.15
chr17	29144607	29144899	Stk38	ENSMUSG00000024006	-73	0.71	0.27	0.08	0.14	0.17	0.17
chr17	15673460	15673827	Gm7177	ENSMUSG00000091229	-1075	1	0.31	0.17	0.42	0.1	0.25
chr17	25031833	25032438	Eme2	ENSMUSG00000073436	-165	0.3	0.11	0.11	0.12	0.1	0.15
chr17	34808107	34809700	Tnxb	ENSMUSG00000033327	1423	0.13	0.2	0.14	0.17	0.21	0.2
chr17	66233503	66234532	Ralbp1	ENSMUSG00000024096	148	0.19	0.1	0.09	0.12	0.1	0.1
chr17	73185943	73187037	Ypel5	ENSMUSG00000039770	446	0.27	0.2	0.11	0.15	0.14	0.12
chr17	28622442	28622893	Fkbp5	ENSMUSG00000024222	427	0.15	0.17	0.09	0.12	0.08	0.15
chr17	57074474	57075289	Mllt1	ENSMUSG00000024212	-45	0.14	0.12	0.09	0.12	0.07	0.14
chr17	35094286	35096260	Hspa1b	ENSMUSG00000090877	908	1	0.44	0.21	0.46	0.42	0.49
chr17	68353224	68353675	Arhgap28	ENSMUSG00000024043	-1	0.37	0.35	0.16	0.14	0.12	0.23

chr17	5492094	5493333	Zdhhc14	ENSMUSG00000034265	113	0.14	0.12	0.1	0.16	0.08	0.13
chr17	53618325	53619267	Rab5a	ENSMUSG00000017831	237	0.17	0.1	0.1	0.13	0.09	0.13
chr17	34742573	34743066	Agpat1	ENSMUSG00000034254	13	0.29	0.29	0.09	0.11	0.05	0.2
chr17	71965392	71966338	Wdr43	ENSMUSG00000041057	310	0.25	0.11	0.09	0.11	0.14	0.12
chr17	30712566	30713587	Btbd9	ENSMUSG00000062202	156	0.33	0.14	0.07	0.14	0.12	0.17
chr17	24986751	24987797	Fahd1	ENSMUSG00000045316	-27	0.15	0.15	0.09	0.12	0.07	0.09
chr17	57170556	57171350	Khsrp	ENSMUSG00000007670	-23	0.44	0.21	0.09	0.14	0.17	0.21
chr17	25969476	25970621	Stub1	ENSMUSG00000039615	258	0.26	0.3	0.13	0.18	0.11	0.16
chr17	34769004	34769346	Prrt1	ENSMUSG00000015476	826	0.29	0.25	0.12	0.19	0.08	0.17
chr17	36342859	36343170	Gm8835	ENSMUSG00000092457	254	0.3	0.3	0.14	0.16	0.09	0.12
chr17	35837354	35837941	Ddr1	ENSMUSG00000003534	-150	0.23	0.11	0.08	0.09	0.12	0.21
chr17	80878829	80879984	Sos1	ENSMUSG00000024241	387	0.15	0.1	0.1	0.11	0.09	0.11
chr17	24607077	24608328	Pgp	ENSMUSG00000043445	284	0.16	0.1	0.1	0.14	0.1	0.12
chr17	35479281	35480194	H2-Q2	ENSMUSG00000091705	550	0.18	0.14	0.08	0.19	0.07	0.12
chr17	26551503	26552511	Neur1b	ENSMUSG00000034413	97	0.2	0.23	0.15	0.14	0.13	0.16
chr17	36046856	36047080	Atat1	ENSMUSG00000024426	-14	0.32	0.58	0.17	0.13	0.17	0.09
chr17	27648868	27650780	Grm4	ENSMUSG00000063239	462	0.19	0.21	0.14	0.16	0.12	0.15
chr17	35301436	35302348	Prrc2a	ENSMUSG00000024393	-112	0.39	0.38	0.17	0.25	0.28	0.22
chr17	47277219	47277560	Tref1	ENSMUSG00000064043	-502	0.86	0.56	0.37	0.53	0.31	0.37
chr17	46848259	46849256	Pex6	ENSMUSG00000002763	345	0.07	0.11	0.12	0.14	0.11	0.15
chr17	43153443	43154609	Tnfrsf21	ENSMUSG00000023915	522	0.25	0.25	0.11	0.16	0.15	0.16
chr17	86565779	86566179	Prkce	ENSMUSG00000045038	-1146	0.19	0.1	0.14	0.2	0.09	0.13
chr17	87362217	87363092	Rhoq	ENSMUSG00000024143	232	0.41	0.2	0.11	0.14	0.24	0.17
chr17	26389772	26390545	Luc7l	ENSMUSG00000024188	303	0.24	0.19	0.1	0.15	0.04	0.16
chr17	29089113	29089712	Kctd20	ENSMUSG00000005936	31	0.06	0.27	0.1	0.11	0.16	0.14
chr17	46909788	46910086	2310039H08Rik	ENSMUSG00000062619	353	0.57	0.55	0.2	0.57	0.27	0.24
chr17	46247874	46248262	Mrps18a	ENSMUSG00000023967	133	0.5	0.33	0.13	0.09	0.06	0.2
chr17	25152199	25153807	Ift140	ENSMUSG00000024169	-33	0.42	0.48	0.16	0.23	0.24	0.17
chr17	34164586	34165134	H2-Ke6	ENSMUSG00000073422	-52	0.3	0.13	0.11	0.14	0.08	0.16
chr17	45643720	45644067	Aars2	ENSMUSG00000023938	103	0.17	0.15	0.08	0.14	0.06	0.16

chr17	84030294	84031285	Kcng3	ENSMUSG00000045053	446	0.2	0.14	0.1	0.15	0.14	0.13
chr17	56175694	56176268	Sh3gl1	ENSMUSG00000003200	77	0.17	0.57	0.09	0.18	0.38	0.19
chr17	42453048	42453804	3110082D06Rik	ENSMUSG000000042256	530	0.3	0.19	0.12	0.11	0.12	0.18
chr17	17760830	17762511	Lnpep	ENSMUSG000000023845	-217	0.21	0.15	0.11	0.16	0.13	0.15
chr17	35516491	35517595	H2-Q4	ENSMUSG000000035929	481	0.12	0.09	0.11	0.18	0.07	0.13
chr17	29484391	29484962	Mtch1	ENSMUSG000000024012	28	0.47	0.25	0.14	0.17	0.22	0.15
chr17	23863179	23863838	Pkmyt1	ENSMUSG000000023908	205	0.13	0.1	0.1	0.13	0.07	0.16
chr17	65961957	65963377	Vapa	ENSMUSG000000024091	228	0.16	0.18	0.08	0.13	0.08	0.11
chr17	46384805	46385464	Polr1c	ENSMUSG000000067148	-253	0.13	0.15	0.13	0.2	0.22	0.12
chr17	56856031	56857503	Vmac	ENSMUSG000000054723	-423	0.12	0.14	0.07	0.12	0.06	0.13
chr17	28828055	28829539	Mapk14	ENSMUSG000000053436	510	0.14	0.08	0.08	0.14	0.08	0.14
chr17	87506436	87507652	Socs5	ENSMUSG000000037104	25	0.13	0.17	0.1	0.12	0.08	0.14
chr17	88929228	88929490	Klraq1	ENSMUSG000000034709	-105	0.18	0.12	0.07	0.11	0.06	0.12
chr17	12511077	12511792	Map3k4	ENSMUSG000000014426	180	0.17	0.21	0.11	0.11	0.09	0.08
chr17	69506013	69506886	Epb4.1l3	ENSMUSG000000024044	299	0.19	0.16	0.11	0.13	0.12	0.14
chr17	84865085	84865686	Thada	ENSMUSG000000024251	151	0.2	0.09	0.09	0.2	0.08	0.14
chr17	71824088	71825313	Smchd1	ENSMUSG000000024054	-17	0.23	0.17	0.11	0.16	0.13	0.13
chr17	34783957	34784591	Atf6b	ENSMUSG000000015461	183	0.23	0.12	0.09	0.18	0.14	0.15
chr17	56601187	56601936	Ptprs	ENSMUSG000000013236	78	0.27	0.21	0.08	0.14	0.13	0.2
chr17	66460868	66461141	ORF19	ENSMUSG000000024101	118	0.38	0.36	0.14	0.17	0.18	0.15
chr17	46624159	46624630	Ttbk1	ENSMUSG000000015599	230	0.17	0.18	0.09	0.13	0.1	0.09
chr17	37139590	37139951	Zfp57	ENSMUSG000000036036	155	0.31	0.31	0.15	0.19	0.12	0.14
chr17	37183048	37183613	Gabbr1	ENSMUSG000000024462	186	0.54	0.65	0.23	0.21	0.32	0.2
chr17	80772433	80773355	Gm10190	ENSMUSG000000066938	-13	0.08	0.09	0.12	0.14	0.11	0.17
chr17	24889495	24890474	Hs3st6	ENSMUSG000000039628	51	0.2	0.11	0.13	0.14	0.09	0.18
chr17	27609852	27610095	Grm4	ENSMUSG000000063239	39	0.78	0.63	0.87	0.9	0.9	0.81
chr17	27085613	27085818	Mir3083	ENSMUSG000000093118	-651	0.06	0.13	0.1	0.15	0.14	0.14
chr17	24806456	24807092	Zfp598	ENSMUSG000000041130	77	0.21	0.12	0.08	0.11	0.13	0.11
chr17	36053030	36054100	Mrps18b	ENSMUSG000000024436	-417	0.1	0.22	0.09	0.16	0.22	0.14
chr17	85489882	85490321	1700106N22Rik	ENSMUSG000000071037	155	0.15	0.14	0.11	0.11	0.07	0.16

chr17	66868373	66869252	Rab12	ENSMUSG00000023460	-95	0.19	0.25	0.11	0.13	0.12	0.21
chr17	87681797	87682872	4833418N02Rik	ENSMUSG00000085287	-494	0.13	0.21	0.12	0.14	0.09	0.13
chr17	24345710	24346267	BC028777	ENSMUSG00000085185	182	0.22	0.27	0.1	0.21	0.12	0.19
chr17	24306019	24306727	Atp6v0c	ENSMUSG00000024121	33	0.22	0.21	0.11	0.15	0.11	0.15
chr17	13184604	13185763	Wtap	ENSMUSG00000060475	-125	0.17	0.11	0.1	0.17	0.11	0.15
chr17	71659796	71660617	Emilin2	ENSMUSG00000024053	99	0.2	0.1	0.09	0.15	0.1	0.1
chr17	36220163	36221164	H2-BI	ENSMUSG00000073406	475	0.16	0.13	0.12	0.2	0.08	0.13
chr17	79135570	79136415	Strn	ENSMUSG00000024077	544	0.11	0.11	0.07	0.12	0.08	0.16
chr17	46888868	46889286	Cnpy3	ENSMUSG00000023973	49	0.11	0.3	0.09	0.12	0.36	0.12
chr17	57201467	57202278	Crb3	ENSMUSG00000044279	248	0.35	0.3	0.15	0.16	0.22	0.13
chr17	35263116	35263484	D17H6S53E	ENSMUSG00000043311	-18	0.33	NA	0.08	0.17	0.06	0.08
chr17	8993622	8995291	Pde10a	ENSMUSG00000023868	-102	0.19	0.23	0.11	0.16	0.14	0.17
chr17	8503891	8504318	4930506C21Rik	ENSMUSG00000087478	-187	0.3	0.19	0.12	0.16	0.11	0.13
chr17	24615639	24616165	Mist8	ENSMUSG00000024142	121	0.22	0.12	0.07	0.15	0.09	0.1
chr17	3557391	3557765	Tfb1m	ENSMUSG00000036983	135	0.27	0.1	0.14	0.13	0.07	0.21
chr17	7032139	7032670	Gm2885	ENSMUSG00000091711	-65	0.44	0.55	0.1	0.19	0.16	0.13
chr17	8340448	8341062	Rnaset2a	ENSMUSG00000073469	-58	0.45	0.21	0.17	0.12	0.3	0.08
chr17	24563532	24563961	Eci1	ENSMUSG00000024132	118	0.38	0.12	0.11	0.15	0.16	0.11
chr17	28758348	28759619	Srpk1	ENSMUSG0000004865	413	0.09	0.28	0.11	0.18	0.13	0.16
chr17	34973252	34974632	Stk19	ENSMUSG00000061207	-532	0.2	0.12	0.12	0.16	0.14	0.18
chr17	41071373	41071757	Mut	ENSMUSG00000023921	-91	0.08	0.34	0.12	0.16	0.14	0.16
chr17	70865508	70865793	Dlgap1	ENSMUSG00000003279	288	0.92	0.83	0.97	0.94	0.77	0.95
chr17	88071699	88072329	Msh2	ENSMUSG00000024151	134	0.21	0.13	0.1	0.12	0.13	0.15
chr17	25376824	25377539	Gnptg	ENSMUSG00000035521	-120	0.33	0.2	0.13	0.11	0.1	0.19
chr17	25409868	25410848	Ube2i	ENSMUSG00000015120	-258	0.3	0.25	0.12	0.13	0.19	0.15
chr17	25569600	25571314	Cacna1h	ENSMUSG00000024112	-344	0.17	0.15	0.08	0.14	0.12	0.12
chr17	47146890	47147482	Ubr2	ENSMUSG00000023977	295	0.16	0.09	0.09	0.17	0.1	0.11
chr17	14416458	14416823	Smoc2	ENSMUSG00000023886	127	0.19	0.16	0.07	0.16	0.11	0.1
chr17	33954253	33955284	Kank3	ENSMUSG00000042099	1638	0.1	0.1	0.08	0.17	0.06	0.11
chr17	44242408	44242962	Enpp4	ENSMUSG00000023961	28	0.11	0.06	0.07	0.15	0.06	0.19

chr17	57150407	57151229	Gtf2f1	ENSMUSG00000002658	-96	1	0.2	0.19	0.15	0.07	0.12
chr17	87845448	87846746	Calm2	ENSMUSG000000036438	91	0.12	0.17	0.08	0.14	0.06	0.11
chr17	15636757	15637290	Tbp	ENSMUSG000000014767	171	0.38	0.41	0.16	0.17	0.21	0.13
chr17	24342239	24343916	Tbc1d24	ENSMUSG000000036473	-570	0.24	0.12	0.13	0.21	0.17	0.18
chr17	24786785	24787232	Slc9a3r2	ENSMUSG000000002504	226	0.18	0.24	0.07	0.15	0.08	0.1
chr17	49071042	49071641	Lrfn2	ENSMUSG000000040490	-363	0.24	0.09	0.1	0.1	0.07	0.14
chr17	73457201	73457828	Lclat1	ENSMUSG000000054469	189	0.13	0.38	0.14	0.2	0.2	0.22
chr17	78599057	78599351	Crim1	ENSMUSG000000024074	-384	0.34	0.36	0.2	0.25	0.42	0.15
chr17	83750137	83750748	Eml4	ENSMUSG000000032624	171	0.17	0.25	0.07	0.16	0.1	0.13
chr17	25023103	25024048	Nubp2	ENSMUSG000000039183	-280	0.28	0.09	0.15	0.23	0.17	0.12
chr17	26250422	26250767	Tmem8	ENSMUSG000000024180	333	0.33	NA	0.14	0.13	0.63	0.12
chr17	36385817	36386127	Gm4252	ENSMUSG000000092502	-79	0.62	0.33	0.34	1	0.49	0.31
chr17	56615115	56616050	Ptprs	ENSMUSG000000013236	210	0.1	0.13	0.09	0.12	0.15	0.11
chr17	75950834	75951346	Fam98a	ENSMUSG000000002017	46	0.16	0.2	0.1	0.17	0.1	0.11
chr17	79451533	79452127	Qpct	ENSMUSG000000024084	584	0.55	NA	0.61	1	0.2	1
chr17	23965623	23965999	Tceb2	ENSMUSG000000055839	147	0.12	0.2	0.1	0.12	0.06	0.1
chr17	24488622	24489544	Abca3	ENSMUSG000000024130	188	0.07	0.43	0.12	0.17	0.18	0.17
chr17	86020844	86021407	Six3	ENSMUSG000000038805	754	0.11	0.1	0.11	0.11	0.07	0.1
chr17	32924800	32925079	Zfp871	ENSMUSG000000024298	256	0.4	0.3	0.1	0.11	0.1	0.09
chr17	35137771	35138563	D17H6S56E-5	ENSMUSG000000091747	-266	0.13	0.1	0.09	0.12	0.1	0.17
chr17	56323114	56323509	D17Wsu104e	ENSMUSG000000019579	-39	0.37	0.3	0.13	0.15	0.21	0.17
chr17	57386811	57387142	Gpr108	ENSMUSG000000005823	106	0.12	0.1	0.07	0.15	0.04	0.14
chr17	88196301	88198170	Kcnk12	ENSMUSG000000050138	99	0.23	0.29	0.1	0.19	0.18	0.15
chr17	13108518	13109734	Tcp1	ENSMUSG000000068039	559	0.14	0.12	0.11	0.16	0.2	0.15
chr17	25392847	25393217	Baiap3	ENSMUSG000000047507	277	0.12	1	0.07	0.16	0.5	0.21
chr17	28216705	28217216	Tcp11	ENSMUSG000000062859	292	0.12	0.11	0.09	0.17	0.07	0.13
chr17	83614831	83615062	Pkdcc	ENSMUSG000000024247	140	0.18	0.08	0.08	0.17	0.1	0.15
chr17	3084325	3084952	Pisd-ps2	ENSMUSG000000023795	-455	1	0.12	0.14	0.23	0.1	0.37
chr17	8533428	8534759	Prr18	ENSMUSG000000055945	489	0.13	0.21	0.08	0.15	0.09	0.13
chr17	32420895	32421775	Brd4	ENSMUSG000000024002	-293	0.13	0.18	0.08	0.12	0.1	0.15

chr17	34066137	34067498	Rgl2	ENSMUSG00000041354	329	0.15	0.12	0.09	0.16	0.11	0.12
chr17	69788490	69789459	A930029G22Rik	ENSMUSG00000085144	-330	0.13	0.15	0.1	0.13	0.08	0.11
chr17	71339500	71340261	Myl12b	ENSMUSG00000034868	-10	0.14	0.26	0.08	0.12	0.1	0.12
chr17	26917929	26918406	Bnip1	ENSMUSG00000024191	143	1	0.42	0.09	0.16	0.1	0.16
chr17	48073139	48073437	Gm5228	ENSMUSG00000084288	249	0.74	0.63	0.2	NA	0.91	0.66
chr17	56098439	56098828	Ccdc94	ENSMUSG00000003208	23	0.67	0.15	0.09	0.13	0.2	0.19
chr17	28045873	28046955	Taf11	ENSMUSG00000024218	-227	0.09	0.07	0.07	0.15	0.06	0.15
chr17	34136201	34137343	H2-K1	ENSMUSG00000061232	-353	0.15	0.15	0.09	0.14	0.19	0.15
chr17	35226089	35226660	Abhd16a	ENSMUSG00000007036	166	0.13	0.16	0.07	0.15	0.08	0.08
chr17	56084396	56084645	Zfp119b	ENSMUSG00000062101	77	1	0.52	0.2	0.26	0.61	0.24
chr17	9862196	9862426	Pabpc6	ENSMUSG00000046173	258	0.92	0.96	0.96	0.91	0.98	0.95
chr17	23939785	23940965	Srrm2	ENSMUSG00000039218	221	0.09	0.18	0.1	0.13	0.15	0.15
chr17	25945541	25946661	Fbxl16	ENSMUSG00000025738	71	0.13	0.12	0.08	0.17	0.1	0.14
chr17	50648012	50649334	Plcl2	ENSMUSG00000038910	-199	0.12	0.14	0.07	0.13	0.16	0.11
chr17	29374384	29375415	Cpne5	ENSMUSG00000024008	-242	0.35	0.17	0.1	0.15	0.5	0.16
chr17	11033032	11033700	Pacrg	ENSMUSG00000037196	-189	0.25	NA	0.12	0.21	0.09	0.13
chr17	36973871	36974392	Trim26	ENSMUSG00000024457	52	0.14	0.15	0.1	0.15	0.08	0.15
chr17	67702732	67704375	Ptprm	ENSMUSG00000033278	-140	0.23	0.14	0.11	0.17	0.19	0.15
chr17	80689333	80689844	Morn2	ENSMUSG00000045257	36	0.12	0.07	0.11	0.08	0.05	0.14
chr17	27069870	27070416	Phf1	ENSMUSG00000024193	71	0.25	0.52	0.12	0.27	0.17	0.11
chr17	78817029	78817516	Fez2	ENSMUSG00000056121	173	0.12	0.33	0.07	0.14	0.17	0.09
chr17	25854339	25854627	Gng13	ENSMUSG00000025739	10	0.25	0.15	0.31	0.16	0.11	0.15
chr17	35371910	35372153	Atp6v1g2	ENSMUSG00000024403	-2	0.06	0.26	0.1	0.14	0.21	0.09
chr17	37187578	37188147	Gabbr1	ENSMUSG00000024462	243	0.18	0.12	0.11	0.16	0.1	0.13
chr17	66300054	66300686	Twsg1	ENSMUSG00000024098	157	0.2	0.3	0.11	0.19	0.17	0.12
chr17	15962438	15963805	Rgmb	ENSMUSG00000048027	429	0.24	0.15	0.1	0.19	0.19	0.14
chr17	26249998	26250276	Tmem8	ENSMUSG00000024180	-124	0.17	0.5	0.08	0.1	0.11	0.09
chr17	31648903	31649345	Wdr4	ENSMUSG00000024037	89	0.09	0.1	0.13	0.15	0.12	0.13
chr17	34077135	34078230	H2-Ke2	ENSMUSG00000024309	-433	0.12	0.34	0.1	0.18	0.2	0.17
chr17	57198782	57200197	Slc25a23	ENSMUSG00000046329	-247	0.14	0.08	0.07	0.14	0.07	0.15

chr17	72953462	72954140	Alk	ENSMUSG00000055471	-752	0.25	0.41	0.13	0.26	0.06	0.24
chr17	46167334	46169459	Vegfa	ENSMUSG00000023951	-91	0.1	0.12	0.13	0.15	0.14	0.18
chr17	56765839	56766394	Lonp1	ENSMUSG00000041168	191	0.2	0.13	0.07	0.11	0.11	0.08
chr17	79753761	79755329	Gm17315	ENSMUSG00000091839	506	0.12	0.1	0.13	0.15	0.08	0.14
chr17	83614036	83614388	Pkdcc	ENSMUSG00000024247	-411	0.05	0.14	0.11	0.16	0.12	0.13
chr17	85189623	85190360	Lrpprc	ENSMUSG00000024120	-93	1	0.62	0.19	0.28	0.13	0.3
chr17	56752719	56753621	Rpl36	ENSMUSG00000057863	352	0.13	0.15	0.09	0.15	0.09	0.11
chr17	23908072	23908662	Flywch1	ENSMUSG00000040097	191	1	0.3	0.2	0.21	0.15	0.16
chr17	53828318	53828737	Sgol1	ENSMUSG00000023940	76	0.1	0.1	0.11	0.12	0.08	0.14
chr17	34728931	34729658	Pbx2	ENSMUSG00000034673	86	0.29	0.22	0.11	0.13	0.23	0.18
chr17	56896309	56897088	Nrtn	ENSMUSG00000039481	255	0.12	0.08	0.1	0.11	0.1	0.13
chr17	66797776	66799236	1110012J17Rik	ENSMUSG00000052105	584	0.1	0.16	0.09	0.14	0.11	0.16
chr17	36016585	36017110	Dhx16	ENSMUSG00000024422	83	0.07	0.19	0.07	0.14	0.1	0.12
chr17	37333945	37334577	Olf94	ENSMUSG00000043827	695	0.33	NA	0.14	0.44	0.8	0.08
chr17	43013099	43013767	Cd2ap	ENSMUSG00000061665	-60	0.12	0.15	0.08	0.11	0.09	0.13
chr17	79335988	79336607	Cebpz	ENSMUSG00000024081	113	0.3	0.5	0.1	0.14	0.14	0.11
chr17	14339993	14340920	Dact2	ENSMUSG00000048826	382	0.11	0.08	0.09	0.15	0.06	0.15
chr17	26122147	26123041	Solh	ENSMUSG00000037326	147	0.13	0.1	0.08	0.13	0.1	0.13
chr17	56218715	56219297	Hdgfrp2	ENSMUSG0000002833	-51	0.67	0.58	0.21	0.45	0.25	0.21
chr17	28826586	28826810	Slc26a8	ENSMUSG00000036196	234	0.23	0.1	0.12	0.27	0.15	0.13
chr17	30023849	30025386	Mdga1	ENSMUSG00000043557	-190	0.1	0.17	0.08	0.11	0.07	0.13
chr17	31194542	31194963	Abcg1	ENSMUSG00000024030	109	0.15	1	0.09	0.31	0.22	0.15
chr17	56148493	56149030	Mpnd	ENSMUSG00000003199	137	0.1	0.15	0.09	0.19	0.14	0.13
chr17	25325132	25325981	Unkl	ENSMUSG00000015127	214	0.16	0.16	0.1	0.16	0.12	0.14
chr17	28712442	28712717	Lhfp15	ENSMUSG00000062252	-84	0.07	0.17	0.06	0.13	0.13	0.19
chr17	36294887	36295151	Gm6659	ENSMUSG00000092289	86	0.1	0.05	0.09	0.09	0.06	0.11
chr17	66131913	66133319	Ppp4r1	ENSMUSG00000061950	703	0.14	0.14	0.1	0.12	0.11	0.13
chr17	81126801	81127465	Map4k3	ENSMUSG00000024242	300	0.09	0.09	0.11	0.14	0.1	0.16
chr17	86544132	86544547	Srbd1	ENSMUSG00000024135	176	0.5	NA	0.2	0.2	1	0.16
chr17	46765761	46766514	Ptk7	ENSMUSG00000023972	248	0.18	0.1	0.08	0.11	0.12	0.13

chr17	46787296	46787892	Cul7	ENSMUSG00000038545	82	0.25	0.32	0.12	0.26	0.09	0.22
chr17	56904062	56904481	Dus3l	ENSMUSG00000007603	97	0.07	0.09	0.08	0.12	0.06	0.14
chr17	43766668	43767374	Tdrd6	ENSMUSG00000040140	194	0.15	0.2	0.12	0.17	0.11	0.12
chr17	88035756	88036623	Epcam	ENSMUSG00000045394	870	0.37	0.32	0.18	0.23	0.28	0.23
chr17	90854315	90855139	Nrxn1	ENSMUSG00000024109	485	0.31	0.69	0.09	0.2	0.44	0.14
chr17	27193871	27194525	Itpr3	ENSMUSG00000042644	-51	0.07	0.14	0.1	0.18	0.25	0.26
chr17	36003343	36003814	Ppp1r18	ENSMUSG00000034595	-27	0.2	0.52	0.1	0.21	0.16	0.14
chr17	24670141	24670787	Rab26	ENSMUSG00000079657	193	1	0.17	0.11	0.16	0.14	0.1
chr17	27053733	27054549	Kifc5b	ENSMUSG00000024301	105	0.1	0.11	0.11	0.16	0.15	0.17
chr17	36115969	36117670	Prr3	ENSMUSG00000038500	-575	0.14	0.12	0.08	0.12	0.11	0.13
chr17	36033785	36034439	Gm16279	ENSMUSG00000084998	221	0.19	0.3	0.1	0.15	0.16	0.16
chr17	45709429	45710385	Hsp90ab1	ENSMUSG00000023944	-403	0.12	0.15	0.12	0.15	0.1	0.13
chr17	44913939	44914576	Supt3h	ENSMUSG00000038954	156	0.08	0.15	0.08	0.13	0.04	0.15
chr17	50329228	50329988	Rftn1	ENSMUSG00000039316	214	0.08	0.1	0.07	0.09	0.07	0.16
chr17	27270542	27270957	2900010M23Rik	ENSMUSG00000024208	-181	0.09	0.18	0.16	0.19	0.19	0.13
chr17	31991827	31993097	Sik1	ENSMUSG00000024042	275	0.12	0.12	0.1	0.16	0.15	0.11
chr17	66472823	66473192	Ddx11	ENSMUSG00000035842	147	0.1	0.15	0.12	0.1	0.06	0.13
chr17	95148948	95149568	Mettl4	ENSMUSG00000055660	-26	0.06	0.14	0.11	0.17	0.11	0.13
chr17	24832697	24833553	Gfer	ENSMUSG00000040888	-24	0.12	0.14	0.08	0.12	0.14	0.08
chr17	25321078	25322162	BC003965	ENSMUSG00000067722	114	0.12	0.11	0.13	0.18	0.08	0.14
chr17	27692055	27694895	Hmga1	ENSMUSG00000046711	-90	0.13	0.12	0.12	0.17	0.12	0.16
chr17	66450585	66451110	Ndufv2	ENSMUSG00000024099	-12	0.14	0.17	0.1	0.13	0.11	0.16
chr17	72131910	72132412	Clip4	ENSMUSG00000024059	874	0.18	0.36	0.09	0.11	0.15	0.13
chr17	68046450	68047167	Lama1	ENSMUSG00000032796	203	0.32	0.39	0.11	0.14	0.22	0.18
chr17	71947688	71948272	Trmt61b	ENSMUSG00000085492	106	0.06	0.08	0.09	0.15	0.12	0.15
chr17	35257753	35258731	Csnk2b	ENSMUSG00000024387	-267	0.1	0.32	0.08	0.13	0.13	0.12
chr17	34045409	34046774	BC051226	ENSMUSG00000092564	32	0.13	0.19	0.12	0.1	0.16	0.19
chr17	10510981	10511397	Qk	ENSMUSG00000062078	1037	0.08	0.14	0.13	0.09	0.04	0.11
chr17	26337866	26338165	Arhgdig	ENSMUSG00000073433	73	0.16	0.07	0.09	0.14	0.11	0.15
chr17	47505789	47506295	Mrps10	ENSMUSG00000034729	206	0.21	0.16	0.15	0.22	0.26	0.16

chr17	56442647	56443926	Uhrf1	ENSMUSG00000001228	542	1	0.5	0.13	0.18	0.62	0.15
chr17	24388068	24388690	Ccnf	ENSMUSG000000072082	-124	0.16	0.29	0.12	0.27	0.21	0.16
chr17	34114701	34115700	H2-K2	ENSMUSG000000067203	533	0.06	0.1	0.11	0.13	0.04	0.09
chr17	84105249	84105850	Mta3	ENSMUSG000000055817	46	0.42	0.65	0.18	0.16	0.36	0.22
chr17	46817572	46818153	Klhdc3	ENSMUSG000000063576	17	0.11	0.11	0.11	0.17	0.21	0.12
chr17	88463493	88465240	Fbxo11	ENSMUSG000000005371	2	0.21	0.2	0.12	0.13	0.19	0.15
chr17	29169049	29169876	Srsf3	ENSMUSG000000071172	-156	0.19	0.1	0.08	0.12	0.16	0.18
chr17	56396068	56397055	Fem1a	ENSMUSG000000043683	345	0.15	0.23	0.11	0.22	0.13	0.2
chr17	26340225	26340609	Rgs11	ENSMUSG000000024186	460	0.2	NA	0.05	0.15	1	NA
chr17	28659748	28660423	E230001N04Rik	ENSMUSG000000066170	-153	0.11	0.25	0.1	0.15	0.26	0.18
chr17	33855386	33855780	2-Mar	ENSMUSG000000079557	-47	1	0.87	0.28	0.3	0.53	0.44
chr17	85357653	85358064	Ppm1b	ENSMUSG000000061130	517	0.19	0.16	0.09	0.2	0.14	0.12
chr17	53706301	53707545	Kat2b	ENSMUSG00000000708	627	0.27	0.36	0.08	0.19	0.22	0.18
chr17	32326049	32326371	Ephx3	ENSMUSG000000037577	198	0.5	0.33	0.2	NA	1	0.29
chr17	35958731	35959382	Ier3	ENSMUSG000000003541	427	0.18	0.31	0.1	0.17	0.31	0.17
chr17	46789931	46790144	Cul7	ENSMUSG000000038545	195	0.9	0.9	0.87	0.89	0.94	0.99
chr17	27771859	27772454	Rps10	ENSMUSG000000052146	18	0.25	0.2	0.08	0.19	0.21	0.14
chr17	28906918	28907169	Mapk13	ENSMUSG000000004864	726	0.19	0.25	0.1	0.17	0.12	0.24
chr17	45692551	45693234	Nfkbie	ENSMUSG000000023947	227	0.13	0.33	0.1	0.15	0.1	0.15
chr17	27993313	27994090	Uhrf1bp1	ENSMUSG000000039512	266	0.13	0.14	0.08	0.16	0.09	0.12
chr17	36281842	36282935	2410017117Rik	ENSMUSG000000038311	425	0.15	0.11	0.12	0.33	0.2	0.19
chr17	23813500	23814500	Tnfrsf12a	ENSMUSG000000023905	416	0.22	0.2	0.14	0.13	0.17	0.18
chr17	86017308	86017976	Six3os1	ENSMUSG000000056364	-229	0.14	0.11	0.09	0.15	0.11	0.12
chr17	27702368	27702948	Al413582	ENSMUSG000000062753	-46	0.06	0.06	0.11	0.11	0.1	0.16
chr17	45685966	45686664	Tmem151b	ENSMUSG000000050405	33	0.12	0.25	0.11	0.15	0.16	0.13
chr17	87664966	87665242	Mcf2	ENSMUSG000000024150	99	0.13	0.15	0.12	0.23	0.1	0.2
chr17	24856517	24857442	Snora78	ENSMUSG000000089255	-231	0.49	0.58	0.08	0.26	0.52	0.14
chr17	35998119	35998528	Nrm	ENSMUSG000000059791	60	0.13	0.08	0.09	0.11	0.1	0.14
chr17	80014386	80014979	Fam82a1	ENSMUSG000000036368	442	0.16	0.19	0.11	0.14	0.19	0.13
chr17	31433103	31433660	Slc37a1	ENSMUSG000000024036	217	0.14	0.14	0.09	0.19	0.17	0.17

chr17	32457282	32458644	Akap8	ENSMUSG00000024045	135	0.09	0.1	0.08	0.1	0.07	0.12
chr17	54437844	54438184	Slc5a7	ENSMUSG00000023945	345	0.13	0.2	0.16	0.26	0.09	0.11
chr17	84911132	84911798	Plekhh2	ENSMUSG00000040852	230	0.11	0.19	0.1	0.14	0.13	0.14
chr17	25707088	25708396	Sox8	ENSMUSG00000024176	-583	0.56	0.47	0.14	0.23	0.46	0.26
chr17	35606912	35607933	H2-Q10	ENSMUSG00000067235	388	0.1	0.2	0.1	0.18	0.08	0.13
chr17	51951952	51952974	Satb1	ENSMUSG00000023927	-458	0.15	0.2	0.08	0.14	0.13	0.1
chr17	56812571	56813371	Ranbp3	ENSMUSG00000002372	291	0.12	0.14	0.11	0.14	0.11	0.19
chr17	24278129	24278842	Pdpk1	ENSMUSG00000024122	35	0.09	0.09	0.11	0.18	0.1	0.12
chr17	27957029	27957874	D17Wsu92e	ENSMUSG00000056692	-15	0.14	0.21	0.12	0.12	0.12	0.16
chr17	88839638	88841164	Foxn2	ENSMUSG00000034998	350	0.09	0.15	0.07	0.14	0.08	0.11
chr17	5940893	5941840	Synj2	ENSMUSG00000023805	86	0.15	0.19	0.15	0.22	0.21	0.16
chr17	13200583	13201391	Sod2	ENSMUSG00000006818	282	0.17	0.21	0.12	0.18	0.29	0.1
chr17	32533154	32533824	Rasal3	ENSMUSG00000052142	165	0.09	0.09	0.09	0.12	0.1	0.12
chr17	45700795	45701366	Slc35b2	ENSMUSG00000037089	171	0.33	0.73	0.15	0.22	0.47	0.16
chr17	71202107	71203164	Tgif1	ENSMUSG000000047407	251	0.14	0.16	0.08	0.2	0.11	0.09
chr17	24795108	24795532	Npw	ENSMUSG00000071230	50	0.14	0.18	0.1	0.1	0.23	0.15
chr17	47809349	47809778	Usp49	ENSMUSG00000090115	-106	0.1	0.09	0.12	0.12	0.11	0.17
chr17	74737856	74738773	Spast	ENSMUSG00000024068	-13	0.11	0.46	0.1	0.15	0.21	0.13
chr17	27076231	27076904	Cuta	ENSMUSG00000024194	-200	0.13	0.14	0.12	0.21	0.11	0.17
chr17	31656915	31657277	Wdr4	ENSMUSG00000024037	-177	0.33	0.5	0.13	0.13	0.36	0.12
chr17	33821668	33822602	Hnrnpm	ENSMUSG00000059208	195	0.09	0.11	0.1	0.2	0.13	0.13
chr17	35960074	35960442	Flot1	ENSMUSG00000059714	83	0.5	0.23	0.07	0.15	0.17	0.11
chr17	71351053	71352117	Myl12a	ENSMUSG00000024048	-228	0.12	0.12	0.11	0.14	0.11	0.16
chr17	25981067	25981583	Rhot2	ENSMUSG00000025733	-74	1	0.88	0.13	0.3	0.94	0.38
chr17	47831417	47832396	Prickle4	ENSMUSG00000079444	-221	0.12	0.11	0.07	0.12	0.08	0.09
chr17	87424118	87424934	Pigf	ENSMUSG00000024145	220	0.13	0.11	0.09	0.14	0.15	0.14
chr17	73267222	73267776	Lbh	ENSMUSG00000024063	-146	0.13	0.1	0.07	0.15	0.08	0.2
chr17	74693737	74695130	Memo1	ENSMUSG00000058704	-210	0.14	0.16	0.12	0.13	0.13	0.15
chr17	74888787	74889308	Yipf4	ENSMUSG00000024072	193	0.33	0.25	0.15	0.2	0.3	0.12
chr17	6079433	6080058	Serac1	ENSMUSG00000015659	-18	0.5	0.57	0.51	0.6	0.75	0.62

chr17	29230547	29232659	Cdkn1a	ENSMUSG00000023067	886	0.12	0.13	0.12	0.16	0.13	0.15
chr17	36248178	36248398	C920025E04Rik	ENSMUSG00000073405	-45	0.14	0.11	0.11	0.23	0.29	0.1
chr17	43938715	43939075	Rcan2	ENSMUSG00000039601	95	0.1	0.1	0.1	0.11	0.07	0.16
chr17	47873882	47875501	Tfeb	ENSMUSG00000023990	712	0.16	0.22	0.11	0.17	0.14	0.14
chr17	26204544	26206672	Rab11fip3	ENSMUSG00000037098	514	0.16	0.14	0.08	0.15	0.14	0.15
chr17	26275318	26276194	Axin1	ENSMUSG00000024182	125	0.12	0.21	0.1	0.13	0.11	0.11
chr17	35530983	35532038	H2-Q5	ENSMUSG00000055413	439	0.22	0.08	0.15	0.31	0.13	0.19
chr17	46339307	46339958	Polh	ENSMUSG00000023953	-61	0.07	0.1	0.08	0.11	0.1	0.09
chr17	86086383	86087953	Six2	ENSMUSG00000024134	426	0.13	0.09	0.1	0.14	0.14	0.1
chr17	8626350	8627702	T	ENSMUSG00000062327	-262	0.12	0.17	0.14	0.12	0.16	0.15
chr17	34056738	34057525	Tapbp	ENSMUSG00000024308	-342	0.14	0.48	0.1	0.21	0.16	0.16
chr17	56969223	56969641	Rfx2	ENSMUSG00000024206	999	0.33	0.12	0.12	0.16	0.1	0.2
chr17	23781559	23782408	Mmp25	ENSMUSG00000023903	253	0.1	0.13	0.11	0.12	0.11	0.13
chr17	29686589	29686893	Tbc1d22b	ENSMUSG00000042203	8	0.12	0.09	0.14	0.18	0.1	0.11
chr17	45822252	45823705	Tmem63b	ENSMUSG00000036026	-56	0.17	0.17	0.12	0.18	0.15	0.13
chr17	27083595	27083845	Mir3083	ENSMUSG00000093118	1344	0.16	0.31	0.09	0.15	0.21	0.14
chr17	56109847	56110190	Shd	ENSMUSG00000039154	128	0.33	0.23	0.1	0.15	0.28	0.15
chr17	47824829	47826140	Tomm6	ENSMUSG00000033475	-467	0.08	0.13	0.1	0.15	0.05	0.13
chr17	86014329	86014685	Six3os1	ENSMUSG00000093460	36	0.33	0.5	0.12	0.18	0.14	0.25
chr17	7152344	7153136	Rsph3b	ENSMUSG00000023806	134	0.22	0.11	0.1	0.1	0.15	0.2
chr17	25973976	25974252	Rhbdl1	ENSMUSG00000025735	-12	0.17	0.11	0.13	0.17	0.11	0.12
chr17	36304363	36305445	Gm8909	ENSMUSG00000073402	-115	0.13	0.09	0.1	0.11	0.11	0.13
chr17	56259387	56260235	Lrg1	ENSMUSG00000037095	1558	0.06	0.12	0.11	0.17	0.07	0.17
chr17	78599532	78600822	Crim1	ENSMUSG00000024074	589	0.11	0.23	0.09	0.14	0.12	0.13
chr17	8476314	8477548	Brp44l	ENSMUSG00000023861	304	0.19	0.25	0.11	0.14	0.16	0.13
chr17	23922815	23923213	Flywch2	ENSMUSG00000023911	5	0.2	0.04	0.13	0.2	0.06	0.09
chr17	27109845	27110312	Zbtb9	ENSMUSG00000079605	-34	0.12	0.07	0.13	0.21	0.14	0.24
chr17	27657664	27658046	Gm16005	ENSMUSG00000082177	-1663	0.12	0.2	0.07	0.08	0.16	0.13
chr17	35804320	35804892	Vars2	ENSMUSG00000038838	-121	0.15	0.08	0.09	0.16	0.14	0.14
chr17	43803799	43804273	Slc25a27	ENSMUSG00000023912	-72	0.25	0.15	0.15	0.3	0.17	0.12

chr17	81343949	81344546	Tmem178	ENSMUSG00000024245	275	0.08	0.08	0.09	0.09	0.07	0.13
chr17	70319660	70319963	Dlgap1	ENSMUSG00000003279	1050	0.36	0.86	0.09	0.12	0.42	0.11
chr17	35031095	35032431	Zbtb12	ENSMUSG00000049823	259	0.19	0.07	0.08	0.15	0.16	0.12
chr17	35035478	35035850	Ehmt2	ENSMUSG00000013787	220	0.13	0.41	0.07	0.11	0.12	0.15
chr17	28450250	28450854	Fance	ENSMUSG00000007570	77	0.43	0.28	0.12	0.2	0.4	0.28
chr17	32529355	32529615	Rasal3	ENSMUSG000000052142	-1032	0.19	0.11	0.17	0.09	0.15	0.08
chr17	47026395	47026932	A330017A19Rik	ENSMUSG000000073388	691	0.33	0.26	0.29	0.18	0.44	0.29
chr17	56179632	56180026	Chaf1a	ENSMUSG00000002835	2	0.5	0.33	0.08	0.32	0.22	0.19
chr17	66121621	66122227	Rab31	ENSMUSG000000056515	58	0.1	0.1	0.09	0.12	0.09	0.14
chr17	25998233	25998647	Wdr90	ENSMUSG000000073434	-112	0.05	0.06	0.06	0.05	0.04	0.05
chr17	27821918	27822333	Pacsin1	ENSMUSG000000040276	-17	0.23	0.31	0.1	0.14	0.25	0.15
chr17	28655024	28655381	Fkbp5	ENSMUSG000000024222	-733	0.11	1	0.14	0.14	0.18	0.22
chr17	32173235	32173631	Rrp1b	ENSMUSG000000058392	85	0.03	0.03	0.05	0.09	0.05	0.05
chr17	32250642	32251128	Gm17276	ENSMUSG000000090984	511	0.08	0.13	0.1	0.14	0.07	0.29
chr17	34767716	34768080	Prrt1	ENSMUSG000000015476	-451	0.11	0.12	0.13	0.14	0.12	0.11
chr17	56213991	56214560	Ubxn6	ENSMUSG000000019578	-4	0.17	0.18	0.11	0.14	0.13	0.15
chr17	56464995	56465868	Kdm4b	ENSMUSG000000024201	-54	0.22	0.17	0.15	0.18	0.21	0.17
chr17	34092226	34093229	Rps18	ENSMUSG000000008668	-129	0.08	0.08	0.11	0.2	0.09	0.15
chr17	35576078	35577016	H2-Q7	ENSMUSG000000060550	447	0.19	0.67	0.15	0.16	0.21	0.17
chr17	87152459	87154888	Epas1	ENSMUSG000000024140	426	0.17	0.22	0.13	0.17	0.17	0.19
chr17	3326389	3327232	Tiam2	ENSMUSG000000023800	237	0.24	0.13	0.12	0.21	0.25	0.29
chr17	6106525	6107370	Tulp4	ENSMUSG000000034377	392	0.2	0.14	0.09	0.1	0.2	0.12
chr17	6270324	6271112	Tmem181a	ENSMUSG000000038141	243	0.14	0.26	0.15	0.16	0.19	0.12
chr17	10512097	10513182	Qk	ENSMUSG000000062078	-413	0.13	0.23	0.08	0.1	0.14	0.11
chr17	15097765	15098438	Phf10	ENSMUSG000000023883	136	0.19	0.12	0.09	0.18	0.19	0.09
chr17	15532998	15533234	Fam120b	ENSMUSG000000014763	-94	0.33	0.38	0.08	0.13	0.29	0.19
chr17	21082162	21082894	Ppp2r1a	ENSMUSG000000007564	253	0.33	0.33	0.17	0.21	0.31	0.23
chr17	22099239	22099896	Zfp942	ENSMUSG000000071267	-149	0.2	0.15	0.18	0.26	0.11	0.22
chr17	23694718	23695132	Gm17633	ENSMUSG000000090725	1189	0.87	1	0.7	0.73	0.9	0.92
chr17	23876781	23877536	Paqr4	ENSMUSG000000023909	139	0.18	0.21	0.11	0.17	0.18	0.11

chr17	23882653	23882900	Kremen2	ENSMUSG00000040680	20	0.91	0.75	0.16	0.33	0.93	0.16
chr17	24210048	24210613	Kctd5	ENSMUSG00000016946	122	0.25	0.27	0.15	0.19	0.16	0.11
chr17	24300556	24300773	Amdhd2	ENSMUSG00000036820	-4	0.09	0.09	0.12	0.14	0.08	0.12
chr17	24686630	24687812	Pkd1	ENSMUSG00000032855	326	0.1	0.12	0.08	0.14	0.1	0.12
chr17	24826673	24826953	Syng3	ENSMUSG0000007021	87	0.09	0.1	0.06	0.09	0.07	0.15
chr17	25073401	25074009	Mapk8ip3	ENSMUSG00000024163	134	0.11	0.16	0.11	0.1	0.11	0.16
chr17	25097261	25097875	Hn1l	ENSMUSG00000024165	13	0.2	0.07	0.24	0.11	0.29	0.11
chr17	25270285	25270605	Cln7	ENSMUSG00000036636	109	0.1	0.09	0.1	0.12	0.09	0.11
chr17	26005248	26005751	Fam195a	ENSMUSG00000025732	184	0.11	0.18	0.12	0.13	0.09	0.14
chr17	26056068	26056846	Rab40c	ENSMUSG00000025730	-6	0.17	0.43	0.49	0.37	0.22	0.2
chr17	26232091	26232469	Nme4	ENSMUSG00000024177	138	0.33	NA	0.12	0.29	0.33	0.19
chr17	26644927	26645849	Dusp1	ENSMUSG00000024190	31	0.1	0.29	0.09	0.11	0.09	0.08
chr17	26698314	26698777	Ergic1	ENSMUSG0000001576	111	0.14	0.11	0.17	0.1	0.13	0.14
chr17	26813286	26813681	Atp6v0e	ENSMUSG00000015575	142	0.18	0.18	0.11	0.14	0.17	0.16
chr17	28369487	28369980	Ppard	ENSMUSG00000002250	34	0.14	0.2	0.06	0.12	0.11	0.16
chr17	28486949	28488477	Tead3	ENSMUSG00000002249	-422	0.24	0.31	0.13	0.18	0.24	0.16
chr17	28906290	28906544	Mapk13	ENSMUSG00000004864	123	0.15	0.26	0.14	0.17	0.15	0.21
chr17	29400713	29401154	Ppil1	ENSMUSG00000024007	-76	0.33	0.17	0.09	0.2	0.31	0.12
chr17	29627094	29629150	Pim1	ENSMUSG00000024014	365	0.2	0.11	0.09	0.17	0.2	0.17
chr17	29751662	29752242	Rnf8	ENSMUSG00000090083	217	0.12	0.08	0.09	0.17	0.09	0.14
chr17	30025966	30026884	Mdga1	ENSMUSG00000043557	470	0.67	0.46	0.21	1	0.62	0.19
chr17	30749300	30749637	Glo1	ENSMUSG00000024026	136	0.75	0.41	0.12	0.24	0.64	0.16
chr17	31038477	31038970	Glp1r	ENSMUSG00000024027	-62	0.14	0.62	0.1	0.14	0.14	0.23
chr17	31413936	31414351	Rsph1	ENSMUSG00000024033	109	0.12	1	0.09	0.11	0.09	0.15
chr17	31795046	31795942	U2af1	ENSMUSG00000061613	205	0.1	0.09	0.08	0.09	0.1	0.12
chr17	32302693	32303206	Notch3	ENSMUSG00000038146	876	0.2	0.15	0.15	0.18	0.2	0.14
chr17	33061729	33061933	Cyp4f13	ENSMUSG00000024055	999	0.11	0.1	0.08	0.13	0.11	0.15
chr17	34027106	34027910	Kifc1	ENSMUSG00000079553	-24	0.12	NA	0.07	0.26	0.1	0.17
chr17	34052836	34053184	Tapbp	ENSMUSG00000024308	166	0.14	0.13	0.1	0.2	0.14	0.14
chr17	34324618	34325011	Tap1	ENSMUSG00000037321	141	0.07	0.15	0.13	0.15	0.07	0.1

chr17	34723804	34724851	Notch4	ENSMUSG00000015468	437	0.5	0.84	0.15	0.27	0.48	0.17
chr17	34740957	34741420	Agpat1	ENSMUSG00000034254	-19	0.33	NA	0.11	0.26	0.5	0.23
chr17	35042288	35042506	Ehmt2	ENSMUSG00000013787	212	1	1	0.71	0.88	1	0.91
chr17	35118660	35119435	Gm10501	ENSMUSG00000073415	-314	0.5	0.33	0.14	0.21	0.32	0.28
chr17	35195958	35196594	Ddah2	ENSMUSG0000007039	296	0.5	0.5	0.12	0.4	0.36	0.26
chr17	35202266	35202733	Ly6g6c	ENSMUSG0000007044	166	0.32	0.5	0.22	0.32	0.4	0.28
chr17	35272053	35272768	Bag6	ENSMUSG00000024392	287	0.15	0.22	0.11	0.16	0.14	0.18
chr17	35379100	35379422	Ddx39b	ENSMUSG00000019432	320	0.2	0.09	0.13	0.15	0.17	0.1
chr17	35975118	35975357	Tubb5	ENSMUSG0000001525	-84	0.15	0.19	0.08	0.2	0.13	0.21
chr17	36394514	36394839	Rpp21	ENSMUSG00000024446	-121	0.21	0.2	0.11	0.2	0.22	0.16
chr17	37079843	37080358	Rnf39	ENSMUSG00000036492	237	0.1	0.19	0.1	0.11	0.1	0.15
chr17	44325458	44325939	Clic5	ENSMUSG00000023959	177	0.1	0.08	0.17	0.17	0.11	0.06
chr17	45870887	45871124	Gm16862	ENSMUSG00000086615	-450	0.07	0.08	0.07	0.14	0.07	0.07
chr17	46464751	46465447	Abcc10	ENSMUSG00000032842	-174	0.24	0.19	0.15	0.27	0.26	0.26
chr17	46633637	46633947	BC048355	ENSMUSG00000040658	54	0.22	NA	0.12	0.21	0.2	0.13
chr17	46691939	46693325	Srf	ENSMUSG00000015605	479	0.18	0.17	0.11	0.17	0.18	0.17
chr17	46810963	46811379	Rrp36	ENSMUSG00000023971	33	0.17	0.1	0.06	0.18	0.17	0.13
chr17	46865931	46866136	Gnmt	ENSMUSG00000002769	84	0.22	0.24	0.16	0.26	0.21	0.11
chr17	47027465	47028130	Tbcc	ENSMUSG00000036430	227	0.15	0.05	0.07	0.1	0.14	0.11
chr17	47573374	47573636	Al661453	ENSMUSG00000034382	-59	0.1	0.09	0.09	0.12	0.1	0.1
chr17	47747860	47748639	Bysl	ENSMUSG00000023988	192	0.12	0.09	0.12	0.18	0.18	0.21
chr17	47971106	47971599	Mdf1	ENSMUSG00000032717	288	0.08	0.07	0.08	0.18	0.08	0.12
chr17	48059151	48059697	Gm15556	ENSMUSG00000085932	97	0.08	0.1	0.17	0.16	0.08	0.16
chr17	48061997	48062202	Foxp4	ENSMUSG00000023991	-505	1	0.25	0.07	0.27	0.5	0.26
chr17	49567575	49567874	Mocs1	ENSMUSG00000064120	37	0.33	0.29	0.09	0.21	0.25	0.15
chr17	56748950	56749381	2410015M20Rik	ENSMUSG00000049760	29	0.12	0.12	0.08	0.15	0.12	0.15
chr17	57129506	57130123	Clpp	ENSMUSG00000002660	127	0.11	0.1	0.09	0.15	0.1	0.12
chr17	57226871	57227110	Tubb4a	ENSMUSG00000062591	215	0.23	0.12	0.13	0.13	0.19	0.2
chr17	57244719	57245219	Tnfsf9	ENSMUSG00000035678	161	0.38	0.5	0.13	0.16	0.25	0.22
chr17	68623099	68623317	L3mbt4	ENSMUSG00000041565	71	0.12	NA	0.14	0.13	0.2	0.17

chr17	71183865	71184138	RP23-349B16.3	ENSMUSG00000093622	-3	0.5	0.26	0.18	0.33	0.33	0.11
chr17	71201737	71201968	Tgif1	ENSMUSG00000047407	-778	0.14	0.1	0.11	0.17	0.2	0.25
chr17	71875930	71876547	Ndc80	ENSMUSG00000024056	-41	0.5	0.17	0.16	0.2	0.2	0.16
chr17	73268677	73268939	Lbh	ENSMUSG00000024063	1163	1	1	0.33	1	0.47	0.91
chr17	74154084	74154304	Ehd3	ENSMUSG00000024065	13	0.09	0.2	0.09	0.15	0.09	0.1
chr17	74396795	74397262	Srd5a2	ENSMUSG00000038541	228	0.6	NA	0.1	0.19	0.5	0.11
chr17	74927160	74928688	Birc6	ENSMUSG00000024073	289	0.08	0.1	0.08	0.13	0.08	0.14
chr17	79315816	79316107	1110001A16Rik	ENSMUSG00000062691	122	0.07	0.23	0.07	0.09	0.08	0.12
chr17	79419658	79420578	Prkd3	ENSMUSG00000024070	-1	0.1	0.08	0.1	0.14	0.07	0.12
chr17	80605793	80606865	Srsf7	ENSMUSG00000024097	-309	0.07	0.13	0.11	0.15	0.07	0.19
chr17	81464230	81464531	Thumpd2	ENSMUSG00000024246	45	0.1	0.18	0.08	0.12	0.09	0.11
chr17	83615200	83615463	Pkdcc	ENSMUSG00000024247	525	0.16	0.08	0.11	0.1	0.17	0.13
chr17	83913390	83914054	Cox7a2l	ENSMUSG00000024248	-49	0.16	0.23	0.12	0.2	0.16	0.15
chr17	85075378	85075666	Abcg5	ENSMUSG00000040505	-60	0.33	0.67	0.17	0.33	0.2	0.12
chr17	88093857	88094215	Msh2	ENSMUSG00000024151	-1845	1	1	1	0.97	0.86	1
chr17	88374020	88375133	Msh6	ENSMUSG00000005370	186	0.13	0.15	0.08	0.13	0.13	0.13
chr17	6466075	6466287	Tmem181b-ps	ENSMUSG00000079733	176	1	NA	NA	1	NA	NA
chr17	6489283	6489730	Tmem181b-ps	ENSMUSG00000079733	20	0.25	NA	0.04	0.07	NA	0.06
chr17	6600854	6601616	Dynlt1f	ENSMUSG00000079732	439	NA	NA	NA	1	NA	NA
chr17	7182843	7183457	Rnaset2b	ENSMUSG00000079724	-59	NA	NA	0.11	0.14	NA	0.07
chr17	8138412	8139150	Rsph3a	ENSMUSG00000073471	263	NA	NA	1	0.5	1	NA
chr17	8717650	8718009	Pde10a	ENSMUSG00000023868	-408	NA	0.33	0.15	NA	NA	0.5
chr17	14417476	14417699	Smoc2	ENSMUSG00000023886	1074	NA	NA	0.5	NA	NA	0.29
chr17	15098638	15098927	Phf10	ENSMUSG00000023883	-545	NA	NA	NA	0.5	NA	NA
chr17	15178304	15178700	Tcte3	ENSMUSG00000079707	21	NA	NA	1	NA	0.92	0.5
chr17	15701090	15701526	Prdm9	ENSMUSG00000051977	-22	NA	1	0.4	NA	NA	0.32
chr17	15842659	15842864	Chd1	ENSMUSG00000023852	779	NA	0.29	0.1	0.3	0.1	0.15
chr17	17482962	17483177	Gm9786	ENSMUSG00000043801	35	1	NA	0.29	0.08	NA	0.33
chr17	17510939	17511254	Riok2	ENSMUSG00000023846	-200	0.27	NA	0.15	0.23	NA	0.09
chr17	17975053	17975359	Ncrna00085	ENSMUSG00000080316	548	0.33	0.43	0.16	0.27	NA	0.1

chr17	18046880	18047367	Gm7535	ENSMUSG00000090957	1788	NA	0.57	0.23	0.13	0.21	0.23
chr17	21146041	21146267	Zfp160	ENSMUSG00000067942	249	NA	NA	NA	NA	1	NA
chr17	22498151	22498481	Zfp944	ENSMUSG00000033972	45	NA	0.16	0.06	0.07	0.12	0.18
chr17	23810495	23810900	Thoc6	ENSMUSG00000041319	-125	NA	0.42	0.13	0.11	0.28	0.16
chr17	23816440	23816788	Cldn6	ENSMUSG00000023906	282	0.75	0.17	0.24	0.4	NA	0.3
chr17	23927427	23927650	D930048G16Rik	ENSMUSG00000090444	-133	NA	NA	0.25	NA	NA	0.25
chr17	24357454	24357740	1600002H07Rik	ENSMUSG00000024118	40	NA	1	0.16	0.22	NA	0.29
chr17	24591600	24591803	E4f1	ENSMUSG00000024137	555	NA	NA	0.25	0.78	NA	0.78
chr17	24664586	24664902	Traf7	ENSMUSG00000052752	-15	NA	0.45	0.15	0.31	0.28	0.18
chr17	24769298	24769905	Tsc2	ENSMUSG00000002496	-27	NA	NA	NA	0.75	NA	0.67
chr17	24824364	24824672	Syngn3	ENSMUSG00000007021	626	NA	NA	1	NA	NA	0.5
chr17	24844440	24844651	Tbl3	ENSMUSG00000040688	23	NA	0.14	0.1	0.21	0.17	0.11
chr17	24861010	24861439	Ndufb10	ENSMUSG00000040048	115	NA	1	0.08	0.2	NA	0.1
chr17	25032747	25032964	Nme3	ENSMUSG00000073435	-590	NA	0.5	0.15	0.52	0.25	0.22
chr17	25033567	25033839	Nme3	ENSMUSG00000073435	7	1	NA	0.13	0.12	NA	0.21
chr17	25252725	25252997	Telo2	ENSMUSG00000024170	-11	NA	NA	0.24	NA	NA	0.1
chr17	25715985	25716355	Lmf1	ENSMUSG00000002279	51	NA	1	0.33	0.38	0.17	0.25
chr17	25910541	25910905	Narfl	ENSMUSG00000002280	2	NA	0.2	0.1	0.1	0.2	0.28
chr17	26011989	26012739	0610011F06Rik	ENSMUSG00000025731	-45	NA	0.57	0.18	0.17	0.25	0.17
chr17	26260402	26260699	Mrpl28	ENSMUSG00000024181	85	0.5	NA	0.15	NA	NA	0.5
chr17	26380814	26381331	Itfg3	ENSMUSG00000024187	14	NA	0.57	0.17	0.37	0.27	0.24
chr17	27792417	27792872	Pacsin1	ENSMUSG00000040276	190	NA	1	0.11	0.25	0.5	0.24
chr17	28044400	28044756	Taf11	ENSMUSG00000024218	91	NA	0.25	0.1	0.29	0.19	0.07
chr17	28217531	28217833	Tcp11	ENSMUSG00000062859	-136	NA	NA	0.19	0.2	0.11	0.16
chr17	28501193	28501516	Tulp1	ENSMUSG00000037446	730	NA	NA	0.04	0.17	NA	0.36
chr17	29853761	29854098	1110021J02Rik	ENSMUSG00000024018	-21	1	0.14	0.15	0.14	NA	0.14
chr17	32487382	32487843	Akap8l	ENSMUSG00000002625	-86	NA	NA	0.09	NA	NA	0.2
chr17	33102945	33103181	Zfp472	ENSMUSG00000053600	304	NA	0.1	0.09	0.17	NA	0.15
chr17	33495377	33495652	Zfp81	ENSMUSG00000003929	309	NA	NA	0.75	NA	NA	NA
chr17	33661096	33661314	Adamts10	ENSMUSG00000024299	56	0.24	0.19	0.09	0.23	NA	0.2

chr17	33766033	33766274	Zfp414	ENSMUSG00000073423	118	NA	1	NA	0.19	NA	0.08
chr17	33918122	33918384	Angptl4	ENSMUSG00000002289	235	NA	0.09	0.09	0.13	NA	0.17
chr17	33961401	33961652	Rps28	ENSMUSG000000067288	-116	NA	NA	1	NA	NA	0.33
chr17	34088171	34088545	B3galt4	ENSMUSG000000067370	75	NA	0.21	0.13	0.07	0.06	0.15
chr17	34341369	34341899	Tap2	ENSMUSG000000024339	122	NA	0.77	0.26	0.29	NA	0.15
chr17	34740208	34740442	Rnf5	ENSMUSG000000015478	-4	NA	NA	0.25	NA	NA	NA
chr17	34987078	34987589	Skiv2l	ENSMUSG000000040356	-196	NA	0.15	0.11	0.13	0.22	0.15
chr17	35183123	35183969	Msh5	ENSMUSG00000007035	-81	NA	0.26	0.17	0.33	0.13	0.18
chr17	35293312	35293554	Prrc2a	ENSMUSG000000024393	721	1	NA	NA	NA	NA	NA
chr17	35373480	35373682	Atp6v1g2	ENSMUSG000000024403	74	NA	0.1	0.1	0.18	0.16	0.15
chr17	35653603	35654240	Tcf19	ENSMUSG000000050410	-191	0.67	0.37	0.11	0.17	NA	0.2
chr17	35974005	35974223	Tubb5	ENSMUSG00000001525	-109	NA	NA	NA	NA	NA	0.5
chr17	35978263	35978647	Mdc1	ENSMUSG000000061607	-5	1	0.12	0.07	0.08	NA	0.09
chr17	36106354	36106917	Abcf1	ENSMUSG000000038762	71	1	0.55	0.3	0.67	NA	0.67
chr17	36178970	36179176	H2-T22	ENSMUSG000000056116	372	NA	0.33	0.17	0.17	NA	0.12
chr17	36315914	36316274	Gm6623	ENSMUSG000000092374	35	NA	NA	0.09	0.2	NA	0.11
chr17	37095409	37095689	Znrd1	ENSMUSG000000036315	-122	NA	NA	0.14	0.22	1	0.11
chr17	41016961	41017232	9130008F23Rik	ENSMUSG000000054951	411	NA	NA	0.24	1	NA	0.38
chr17	46297735	46298015	Gtbp2	ENSMUSG000000023952	-106	NA	NA	0.23	NA	0.33	0.25
chr17	46682927	46683384	Cul9	ENSMUSG000000040327	182	NA	0.18	0.11	0.14	0.12	0.18
chr17	46782934	46783464	Mrpl2	ENSMUSG000000002767	21	NA	0.14	0.17	0.18	0.13	0.21
chr17	47028232	47028434	Tbcc	ENSMUSG000000036430	763	NA	NA	NA	NA	NA	0.6
chr17	47639031	47639337	Taf8	ENSMUSG000000023980	52	NA	0.09	0.11	0.3	0.36	0.15
chr17	47730270	47730773	Ccnd3	ENSMUSG000000034165	105	NA	NA	1	NA	NA	1
chr17	47731742	47731952	Ccnd3	ENSMUSG000000034165	1431	NA	NA	NA	1	NA	NA
chr17	49071967	49072215	Lrfr2	ENSMUSG000000040490	346	NA	0.14	0.14	0.27	0.18	0.16
chr17	49754338	49754776	Kif6	ENSMUSG000000023999	96	0.43	0.17	0.46	0.64	NA	0.35
chr17	55851690	55851993	Pot1b	ENSMUSG000000024174	85	NA	1	0.2	0.2	0.12	0.15
chr17	56017926	56018289	Zfp119a	ENSMUSG000000057835	20	1	0.33	0.1	0.2	NA	0.24
chr17	56031506	56031807	Zfp959	ENSMUSG000000003198	49	NA	NA	0.23	0.5	NA	0.21

chr17	56279000	56279506	Sema6b	ENSMUSG00000001227	513	NA	1	0.24	0.31	0.92	0.39
chr17	56281231	56281434	Sema6b	ENSMUSG00000001227	-1566	NA	NA	0.15	0.6	0.33	0.16
chr17	56301607	56301962	Tnfaip8l1	ENSMUSG000000044469	-116	NA	NA	0.12	1	NA	0.15
chr17	56395370	56395652	Fem1a	ENSMUSG000000043683	-705	NA	1	0.09	0.17	0.31	0.17
chr17	56970313	56970837	Rfx2	ENSMUSG000000024206	-144	NA	0.27	0.07	0.16	0.21	0.11
chr17	57388709	57388959	Trip10	ENSMUSG000000019487	-40	NA	NA	1	0.57	NA	0.48
chr17	57389998	57390248	Trip10	ENSMUSG000000019487	1198	1	NA	0.15	0.15	NA	0.26
chr17	59152542	59152743	Nudt12	ENSMUSG000000024228	49	NA	0.59	0.2	0.26	1	0.18
chr17	63848298	63848529	Fbxl17	ENSMUSG000000023965	953	NA	1	0.09	0.25	NA	0.25
chr17	71201038	71201353	Tgif1	ENSMUSG000000047407	-121	NA	NA	0.33	0.67	0.42	0.37
chr17	72952780	72952994	Alk	ENSMUSG000000055471	162	0.06	0.14	0.05	0.08	NA	0.15
chr17	73185556	73185815	Ypel5	ENSMUSG000000039770	-359	NA	NA	0.12	NA	NA	0.5
chr17	74794809	74795138	Slc30a6	ENSMUSG000000024069	1	NA	NA	0.07	0.1	NA	0.2
chr18	53404935	53405687	Snx24	ENSMUSG000000024535	-5	0.15	0.15	0.11	0.16	0.04	0.13
chr18	24761649	24762812	Slc39a6	ENSMUSG000000024270	-436	0.34	0.18	0.11	0.16	0.1	0.11
chr18	13131812	13132305	Impact	ENSMUSG000000024423	1297	0.57	0.39	0.45	0.47	0.31	0.31
chr18	20903930	20904967	B4galt6	ENSMUSG000000056124	457	0.43	0.32	0.09	0.21	0.26	0.16
chr18	37965652	37967138	Pcdhga9	ENSMUSG000000023036	331	0.64	0.28	0.15	0.22	0.19	0.18
chr18	80909161	80910710	Nfatc1	ENSMUSG000000033016	-125	0.32	0.16	0.1	0.17	0.12	0.13
chr18	61370910	61371500	Slc26a2	ENSMUSG000000034320	-171	0.36	0.27	0.1	0.17	0.12	0.24
chr18	80665997	80667111	Ctdp1	ENSMUSG000000033323	-120	0.29	0.18	0.13	0.15	0.11	0.15
chr18	24629244	24629614	2700062C07Rik	ENSMUSG000000024273	67	0.33	0.16	0.12	0.24	0.09	0.16
chr18	67550193	67551264	Tubb6	ENSMUSG00000001473	357	0.25	0.18	0.1	0.15	0.09	0.16
chr18	24112901	24113598	Zfp397	ENSMUSG000000024276	60	0.27	0.4	0.11	0.17	0.06	0.17
chr18	6135514	6136248	Arhgap12	ENSMUSG000000041225	215	0.21	0.1	0.12	0.13	0.07	0.17
chr18	34783670	34784291	Brd8	ENSMUSG000000003778	227	1	0.17	0.2	0.16	0.17	0.17
chr18	37650913	37651172	Pcdhb18	ENSMUSG000000048347	1859	0.97	0.72	0.64	0.79	0.53	0.58
chr18	37249546	37250053	Pcdha4	ENSMUSG000000007440	9	0.08	0.11	0.18	0.17	0.38	0.19
chr18	74375639	74376250	Cxxc1	ENSMUSG000000024560	159	0.37	0.27	0.09	0.13	0.14	0.17
chr18	80243519	80244812	Pard6g	ENSMUSG000000056214	531	0.62	0.48	0.14	0.2	0.37	0.19

chr18	37923046	37923528	Pcdhga9	ENSMUSG00000023036	-1947	1	0.95	0.75	0.78	0.48	0.56
chr18	32227236	32227951	lws1	ENSMUSG00000024384	205	0.22	0.1	0.08	0.14	0.07	0.12
chr18	24363770	24365000	Galnt1	ENSMUSG00000000420	540	0.17	0.11	0.08	0.11	0.1	0.12
chr18	37803573	37803964	Taf7	ENSMUSG000000051316	90	0.54	0.27	0.16	0.24	0.18	0.2
chr18	36885330	36885887	Cd14	ENSMUSG000000051439	782	1	1	0.32	0.53	0.16	0.15
chr18	70631891	70632261	Stard6	ENSMUSG000000079608	-32	0.22	0.08	0.11	0.19	0.08	0.15
chr18	14840609	14841819	Ss18	ENSMUSG000000037013	61	0.13	0.09	0.09	0.1	0.07	0.11
chr18	61714634	61715561	Csnk1a1	ENSMUSG000000024576	169	0.28	0.21	0.11	0.13	0.11	0.14
chr18	44539944	44540795	Dcp2	ENSMUSG000000024472	215	0.21	0.16	0.1	0.12	0.09	0.12
chr18	62707933	62708578	Fbxo38	ENSMUSG000000042211	142	0.27	0.67	0.12	0.17	0.06	0.17
chr18	35862690	35862894	Dnajc18	ENSMUSG000000024350	6	0.5	0.2	0.13	0.24	0.14	0.19
chr18	6516012	6516480	Epc1	ENSMUSG000000024240	-140	1	0.47	0.17	0.24	0.15	0.17
chr18	35821709	35821940	Spat24	ENSMUSG000000024352	16	1	0.21	0.13	0.14	0.28	0.14
chr18	73862755	73863979	Smad4	ENSMUSG000000024515	67	0.16	0.12	0.08	0.17	0.1	0.12
chr18	84854662	84855247	Cndp2	ENSMUSG000000024644	61	0.25	0.11	0.12	0.16	0.11	0.16
chr18	10706207	10707043	Abhd3	ENSMUSG000000002475	69	0.45	0.12	0.13	0.18	0.2	0.15
chr18	84256786	84258118	Zadh2	ENSMUSG000000049090	-98	0.33	0.3	0.11	0.14	0.17	0.11
chr18	56732455	56733213	Phax	ENSMUSG000000008301	358	0.17	0.13	0.24	0.31	0.08	0.18
chr18	34532545	34533188	Reep5	ENSMUSG000000005873	203	0.22	0.08	0.13	0.16	0.11	0.11
chr18	7868551	7870000	Wac	ENSMUSG000000024283	445	0.16	0.09	0.09	0.15	0.1	0.15
chr18	57514291	57514878	Prrc1	ENSMUSG000000024594	197	0.44	0.42	0.11	0.18	0.24	0.13
chr18	12464003	12464362	Ankrd29	ENSMUSG000000057766	-35	0.38	0.26	0.11	0.19	0.1	0.14
chr18	61336194	61336881	Hmgxb3	ENSMUSG000000024622	167	0.18	0.22	0.09	0.09	0.08	0.14
chr18	66033030	66033387	Grp	ENSMUSG000000024517	60	1	0.12	0.11	0.24	0.27	0.1
chr18	33623455	33624099	D0H4S114	ENSMUSG000000042834	-94	0.2	0.06	0.11	0.05	0.06	0.1
chr18	90679327	90679929	Tmx3	ENSMUSG000000024614	82	0.5	0.48	0.1	0.1	0.08	0.13
chr18	42434599	42435687	Rbm27	ENSMUSG000000024491	136	0.28	0.24	0.16	0.2	0.15	0.26
chr18	20716502	20716999	Dsg2	ENSMUSG000000044393	175	0.51	0.44	0.21	0.4	0.29	0.24
chr18	58037637	58039312	Slc12a2	ENSMUSG000000024597	142	0.15	0.15	0.1	0.15	0.09	0.14
chr18	21054172	21055068	Trappc8	ENSMUSG000000033382	-41	0.16	0.1	0.09	0.16	0.07	0.12

chr18	73731666	73733626	Mex3c	ENSMUSG00000037253	-52	0.16	0.14	0.1	0.12	0.11	0.11
chr18	31768996	31769619	B930094E09Rik	ENSMUSG00000092124	141	0.17	0.09	0.12	0.15	0.09	0.11
chr18	37646188	37646868	Pcdhb17	ENSMUSG00000046387	1853	1	1	0.72	0.74	0.48	0.61
chr18	46756938	46757443	Tmed7	ENSMUSG00000033184	-222	0.25	0.1	0.11	0.21	0.15	0.14
chr18	75856232	75857208	Ctif	ENSMUSG00000052928	488	0.65	0.39	0.17	0.25	0.36	0.25
chr18	21159702	21161037	Rnf138	ENSMUSG00000024317	527	0.21	0.11	0.1	0.17	0.12	0.12
chr18	52927754	52928643	Sncap	ENSMUSG00000024534	229	0.13	0.14	0.08	0.11	0.06	0.12
chr18	33954311	33954805	2410004N09Rik	ENSMUSG00000087590	-17	0.29	0.14	0.09	0.19	0.07	0.11
chr18	78033354	78033853	Pstpip2	ENSMUSG00000025429	319	0.14	0.07	0.09	0.12	0.06	0.12
chr18	35812009	35814983	Gm1614	ENSMUSG00000073600	1345	0.22	0.2	0.15	0.16	0.15	0.18
chr18	53903922	53904488	Cep120	ENSMUSG00000048799	2	0.26	0.19	0.09	0.15	0.14	0.12
chr18	60720242	60720795	Rbm22	ENSMUSG00000024604	128	0.25	0.21	0.11	0.17	0.15	0.12
chr18	10617686	10618212	Snrpd1	ENSMUSG00000002477	155	0.22	0.11	0.1	0.13	0.1	0.16
chr18	5334178	5334973	Zfp438	ENSMUSG00000050945	-138	0.1	0.23	0.1	0.22	0.26	0.17
chr18	24687951	24688829	Rprd1a	ENSMUSG00000040446	315	0.17	0.34	0.14	0.18	0.29	0.13
chr18	43597521	43598081	Dpysl3	ENSMUSG00000024501	139	0.22	0.29	0.11	0.15	0.1	0.12
chr18	12394721	12395225	Npc1	ENSMUSG00000024413	-158	0.27	0.24	0.15	0.13	0.1	0.16
chr18	70212716	70212953	Rab27b	ENSMUSG00000024511	408	0.29	0.15	0.24	0.12	0.16	0.2
chr18	75160081	75160650	Rpl17	ENSMUSG00000062328	234	0.21	0.15	0.13	0.19	0.1	0.19
chr18	54021437	54022568	Csnk1g3	ENSMUSG00000073563	235	0.21	0.11	0.11	0.14	0.13	0.13
chr18	76400816	76401821	Smad2	ENSMUSG00000024563	84	0.1	0.08	0.09	0.1	0.06	0.14
chr18	62339207	62340103	Adrb2	ENSMUSG00000045730	-42	0.36	0.36	0.14	0.27	0.15	0.27
chr18	67883559	67884391	Ptpn2	ENSMUSG00000024539	252	0.2	0.14	0.12	0.12	0.08	0.13
chr18	46371584	46371887	Trim36	ENSMUSG00000033949	526	0.5	0.25	0.09	0.23	0.11	0.13
chr18	67247883	67248513	Gnal	ENSMUSG00000024524	208	0.05	0.08	0.07	0.12	0.1	0.1
chr18	21809999	21810210	4930426D05Rik	ENSMUSG00000043168	38	0.21	0.2	0.17	0.23	0.05	0.2
chr18	37925938	37926637	Pcdhga9	ENSMUSG00000023036	1053	0.57	0.95	0.64	0.74	1	0.53
chr18	81130316	81130881	Atp9b	ENSMUSG00000024566	124	0.23	0.25	0.12	0.18	0.42	0.13
chr18	68092665	68093922	D18Ert653e	ENSMUSG00000024544	382	0.22	0.17	0.12	0.1	0.11	0.11
chr18	73913800	73914306	Elac1	ENSMUSG00000036941	80	0.13	0.09	0.1	0.13	0.07	0.11

chr18	35721658	35722716	Matr3	ENSMUSG00000037236	375	0.36	0.23	0.15	0.16	0.1	0.12
chr18	73782742	73782997	AC134447.1	ENSMUSG00000076941	-1713	0.14	0.24	0.1	0.08	0.05	0.19
chr18	13099929	13100465	Osbpl1a	ENSMUSG00000044252	89	0.14	0.13	0.1	0.1	0.07	0.09
chr18	36674858	36675728	Hbegf	ENSMUSG00000024486	166	0.32	0.25	0.2	0.32	0.17	0.25
chr18	39152563	39153486	Arhgap26	ENSMUSG00000036452	225	0.13	0.18	0.08	0.11	0.07	0.11
chr18	46901052	46902177	Atg12	ENSMUSG00000032905	-381	0.08	0.08	0.1	0.09	0.13	0.16
chr18	9957848	9958466	Thoc1	ENSMUSG00000024287	-21	0.08	0.38	0.09	0.2	0.56	0.23
chr18	38369340	38369774	Pcdh1	ENSMUSG00000051375	-141	0.88	0.57	0.2	0.36	0.43	0.22
chr18	76219125	76219456	Zbtb7c	ENSMUSG00000044646	178	0.09	0.11	0.09	0.12	0.17	0.17
chr18	75526143	75528663	Gm20544	ENSMUSG00000092569	-661	0.09	0.11	0.11	0.15	0.12	0.11
chr18	68459551	68460098	4933403F05Rik	ENSMUSG00000038121	32	0.14	0.4	0.18	0.16	0.47	0.12
chr18	32322460	32323254	Map3k2	ENSMUSG00000024383	114	0.26	0.16	0.11	0.13	0.16	0.14
chr18	89063203	89063821	Socs6	ENSMUSG00000056153	96	0.28	0.39	0.18	0.28	0.18	0.24
chr18	7004626	7004904	Mkx	ENSMUSG00000061013	-53	0.15	0.12	0.15	0.2	0.08	0.18
chr18	53335811	53336681	Snx2	ENSMUSG00000034484	227	0.07	0.11	0.11	0.1	0.23	0.18
chr18	63851439	63852382	Txn1	ENSMUSG00000024583	103	0.28	0.33	0.15	0.19	0.2	0.15
chr18	36719141	36721025	Ankhd1	ENSMUSG00000024483	442	0.11	0.11	0.11	0.16	0.08	0.13
chr18	66450898	66451662	Gm15958	ENSMUSG00000085055	352	1	0.67	0.14	0.2	0.18	0.13
chr18	22502210	22503471	Asxl3	ENSMUSG00000045215	-544	0.2	0.2	0.16	0.17	0.11	0.22
chr18	37915342	37915869	Pcdhga9	ENSMUSG00000023036	178	1	0.83	0.54	0.78	0.33	0.3
chr18	49992175	49992874	Dmxl1	ENSMUSG00000037416	-143	0.07	0.12	0.1	0.19	0.13	0.14
chr18	57134755	57135078	C330018D20Rik	ENSMUSG00000024592	-16	0.3	0.21	0.09	0.24	0.15	0.19
chr18	81182272	81184702	Sall3	ENSMUSG00000024565	-170	0.26	0.23	0.1	0.17	0.18	0.15
chr18	6489940	6491261	Mir1893	ENSMUSG00000084514	44	0.2	0.11	0.11	0.19	0.15	0.16
chr18	35658283	35658575	Sil1	ENSMUSG00000024357	150	0.15	0.2	0.08	0.22	0.05	0.1
chr18	61885708	61886243	Grpel2	ENSMUSG00000024580	10	0.4	0.36	0.13	0.15	0.23	0.18
chr18	64820145	64821164	Atp8b1	ENSMUSG00000039529	0	0.11	0.16	0.1	0.13	0.18	0.16
chr18	15220365	15222848	Kctd1	ENSMUSG00000036225	485	0.11	0.14	0.11	0.14	0.16	0.14
chr18	39648608	39650544	Nr3c1	ENSMUSG00000024431	-639	0.4	0.09	0.09	0.17	0.09	0.1
chr18	36942620	36943177	Hars2	ENSMUSG00000019143	236	0.28	0.15	0.09	0.18	0.13	0.14

chr18	46440120	46440522	Pggt1b	ENSMUSG00000024477	183	0.26	0.11	0.11	0.16	0.14	0.15
chr18	74602128	74602682	Myo5b	ENSMUSG00000025885	214	0.11	0.14	0.08	0.16	0.07	0.11
chr18	37166257	37166533	Pcdha4	ENSMUSG00000007440	1421	1	0.5	0.63	0.69	0.5	0.68
chr18	80904330	80905402	Nfatc1	ENSMUSG00000033016	46	0.18	0.18	0.11	0.2	0.13	0.14
chr18	32719290	32719609	Gypc	ENSMUSG00000090523	185	0.11	0.09	0.08	0.17	0.19	0.12
chr18	35113711	35114718	Hspa9	ENSMUSG00000024359	-203	0.19	0.1	0.11	0.14	0.08	0.16
chr18	37658311	37658863	Pcdhb19	ENSMUSG00000043313	1936	1	0.78	0.92	1	0.79	0.92
chr18	78006327	78006585	Haus1	ENSMUSG00000041840	63	0.27	0.24	0.13	0.17	0.13	0.2
chr18	78012652	78013003	Atp5a1	ENSMUSG00000025428	132	0.22	0.15	0.11	0.15	0.14	0.13
chr18	86564604	86565065	Neto1	ENSMUSG00000050321	490	0.5	0.12	0.12	0.17	0.11	0.14
chr18	35020128	35020876	Egr1	ENSMUSG00000038418	-359	0.15	0.16	0.11	0.14	0.24	0.12
chr18	46887376	46887932	Cdo1	ENSMUSG00000033022	342	0.55	0.31	0.15	0.13	0.22	0.12
chr18	66161973	66162400	Lman1	ENSMUSG00000041891	89	0.06	0.15	0.1	0.13	0.18	0.14
chr18	73974775	73975607	Me2	ENSMUSG00000024556	-145	0.08	0.06	0.08	0.1	0.05	0.1
chr18	3507132	3508530	Bambi	ENSMUSG00000024232	-124	0.22	0.19	0.13	0.17	0.15	0.2
chr18	50212985	50213360	Trnfaip8	ENSMUSG00000062210	149	0.18	0.1	0.17	0.21	0.1	0.12
chr18	38578554	38579024	Ndfip1	ENSMUSG00000024425	160	0.12	0.26	0.18	0.14	0.19	0.17
chr18	43552344	43552935	Dpysl3	ENSMUSG00000024501	392	0.72	0.44	0.15	0.18	0.54	0.15
chr18	34936565	34937379	Kdm3b	ENSMUSG00000038773	310	0.17	0.28	0.11	0.13	0.13	0.14
chr18	37107263	37107813	Pcdha3	ENSMUSG00000091969	1737	0.79	0.97	0.75	0.9	0.66	0.7
chr18	58995833	58997629	Adamts19	ENSMUSG00000053441	313	0.06	0.13	0.11	0.15	0.08	0.17
chr18	60933976	60934688	Rps14	ENSMUSG00000024608	168	0.1	0.13	0.1	0.16	0.07	0.16
chr18	37834155	37834450	Pcdhga9	ENSMUSG00000023036	313	1	NA	0.65	NA	0.5	0.52
chr18	61867055	61867327	Pcyox1l	ENSMUSG00000024579	98	0.22	0.2	0.11	0.13	0.32	0.16
chr18	74427585	74428166	Mbd1	ENSMUSG00000024561	-51	0.18	0.27	0.12	0.24	0.12	0.14
chr18	61696037	61696331	Arhgef37	ENSMUSG00000045094	6	0.18	0.44	0.12	0.15	0.41	0.16
chr18	77094824	77095208	Skor2	ENSMUSG00000091519	-128	0.07	0.1	0.12	0.18	0.1	0.16
chr18	23910759	23911132	Gm15972	ENSMUSG00000086287	-139	0.17	0.17	0.1	0.16	0.07	0.11
chr18	36903788	36904549	Ndufa2	ENSMUSG00000014294	34	0.29	0.25	0.12	0.06	0.08	0.13
chr18	66618037	66618608	Pmaip1	ENSMUSG00000024521	64	0.13	0.2	0.15	0.14	0.09	0.25

chr18	12492362	12492831	Lama3	ENSMUSG00000024421	63	0.22	0.16	0.11	0.17	0.13	0.17
chr18	37665541	37666054	Pcdhb20	ENSMUSG00000046191	1871	0.79	0.89	0.73	0.87	0.95	0.85
chr18	53577444	53577851	Ppic	ENSMUSG00000024538	14	0.17	0.13	0.09	0.22	0.1	0.12
chr18	56591779	56592048	Gramd3	ENSMUSG00000001700	127	0.16	0.24	0.11	0.12	0.23	0.1
chr18	56866946	56868707	Lmnb1	ENSMUSG00000024590	359	0.18	0.14	0.1	0.2	0.14	0.14
chr18	84758837	84759574	Zfp407	ENSMUSG00000048410	-309	0.05	0.19	0.13	0.18	0.12	0.19
chr18	36356203	36357188	Nrg2	ENSMUSG00000060275	119	0.11	0.13	0.09	0.18	0.16	0.15
chr18	63137409	63137918	Napg	ENSMUSG00000024581	173	0.25	0.21	0.09	0.2	0.08	0.18
chr18	67770192	67770954	Spire1	ENSMUSG00000024533	-130	0.2	0.3	0.15	0.13	0.16	0.13
chr18	13020644	13021103	Osbpl1a	ENSMUSG00000044252	59	0.61	1	0.09	0.18	0.89	0.11
chr18	35758170	35758960	Paip2	ENSMUSG00000037058	294	0.2	0.16	0.15	0.22	0.14	0.19
chr18	38760300	38761208	Spry4	ENSMUSG00000024427	168	0.23	0.08	0.09	0.17	0.17	0.2
chr18	77951941	77953311	8030462N17Rik	ENSMUSG00000047466	123	0.29	0.13	0.12	0.14	0.21	0.15
chr18	10181246	10182284	Rock1	ENSMUSG00000024290	25	0.2	0.25	0.14	0.14	0.26	0.14
chr18	12287314	12287678	Riok3	ENSMUSG00000024404	137	0.24	0.17	0.07	0.22	0.11	0.22
chr18	33098799	33099318	2310026I22Rik	ENSMUSG00000087447	-182	0.2	0.15	0.1	0.16	0.13	0.17
chr18	38114533	38115792	Hdac3	ENSMUSG00000024454	-577	0.19	0.18	0.18	0.15	0.25	0.2
chr18	38456220	38456839	Rnf14	ENSMUSG00000060450	240	0.11	0.17	0.1	0.11	0.08	0.13
chr18	65740244	65741072	Zfp532	ENSMUSG00000042439	774	0.14	0.17	0.07	0.08	0.11	0.12
chr18	84254759	84255542	Tshz1	ENSMUSG00000046982	632	0.1	0.09	0.1	0.09	0.09	0.09
chr18	3336787	3338071	Crem	ENSMUSG00000063889	-368	0.27	0.19	0.11	0.15	0.2	0.12
chr18	9707415	9708178	Colec12	ENSMUSG00000036103	150	0.06	0.13	0.11	0.22	0.11	0.14
chr18	35930986	35931855	Ube2d2	ENSMUSG00000091896	207	0.18	0.11	0.09	0.12	0.13	0.15
chr18	37091222	37091869	Pcdha4	ENSMUSG00000007440	1606	1	1	0.72	0.88	0.75	0.6
chr18	67448845	67449252	Impa2	ENSMUSG00000024525	141	0.2	0.09	0.13	0.14	0.13	0.18
chr18	67800496	67801438	Cep76	ENSMUSG00000073542	23	0.11	0.16	0.1	0.14	0.08	0.12
chr18	75979200	75980402	Zbtb7c	ENSMUSG00000044646	-31	0.19	0.22	0.09	0.16	0.23	0.14
chr18	10029760	10030100	Usp14	ENSMUSG00000047879	90	0.82	0.69	0.32	0.39	0.61	0.1
chr18	51277271	51277641	Prr16	ENSMUSG00000073565	64	1	0.13	0.09	0.15	0.15	0.1
chr18	36829738	36829993	Sra1	ENSMUSG0000006050	65	0.1	0.05	0.08	0.23	0.04	0.15

chr18	37674958	37675441	Pcdhb21	ENSMUSG00000044022	1893	0.86	0.53	0.8	1	0.75	0.67
chr18	74223486	74225196	Mapk4	ENSMUSG00000024558	-295	0.23	0.28	0.18	0.15	0.19	0.17
chr18	35091051	35092213	Etf1	ENSMUSG00000024360	25	0.13	0.28	0.11	0.11	0.09	0.14
chr18	14941426	14942220	Taf4b	ENSMUSG00000054321	69	0.1	0.22	0.11	0.16	0.13	0.1
chr18	44821300	44821907	A930012L18Rik	ENSMUSG00000086579	284	0.3	0.23	0.18	0.17	0.24	0.16
chr18	61558152	61560396	Ppargc1b	ENSMUSG00000033871	780	0.09	0.17	0.11	0.13	0.11	0.16
chr18	12327188	12327485	3110002H16Rik	ENSMUSG00000024410	110	0.08	0.06	0.1	0.08	0.11	0.1
chr18	31919015	31920294	Ammecr1l	ENSMUSG00000041915	120	0.17	0.12	0.17	0.2	0.11	0.18
chr18	45718969	45720297	Kcnn2	ENSMUSG00000054477	-175	0.12	0.19	0.11	0.11	0.15	0.13
chr18	75980667	75981039	Zbtb7c	ENSMUSG00000044646	1021	0.25	0.25	0.18	0.27	0.19	0.23
chr18	34490529	34491192	Srp19	ENSMUSG00000014504	83	0.12	0.11	0.08	0.13	0.14	0.12
chr18	60908268	60908632	Ndst1	ENSMUSG00000054008	-146	0.1	0.13	0.11	0.16	0.07	0.14
chr18	77424098	77424855	St8sia5	ENSMUSG00000025425	-110	0.12	0.14	0.09	0.13	0.09	0.11
chr18	11815634	11816547	Rbbp8	ENSMUSG00000041238	154	0.31	0.22	0.11	0.26	0.18	0.16
chr18	34165549	34167191	Epb4.114a	ENSMUSG00000024376	490	0.11	0.16	0.14	0.19	0.13	0.19
chr18	84889444	84889862	Fam69c	ENSMUSG00000047992	19	0.1	0.05	0.09	0.14	0.07	0.11
chr18	32070112	32071012	Sft2d3	ENSMUSG00000044982	995	0.17	0.29	0.11	0.16	0.11	0.1
chr18	32996855	32997275	Wdr36	ENSMUSG00000038299	186	0.22	0.14	0.15	0.17	0.13	0.08
chr18	21457979	21459201	Fam59a	ENSMUSG00000042680	49	0.12	0.1	0.11	0.14	0.09	0.13
chr18	4634914	4635552	9430020K01Rik	ENSMUSG00000033960	306	0.12	0.11	0.09	0.11	0.09	0.09
chr18	36508125	36508906	0610010O12Rik	ENSMUSG00000046727	164	0.26	0.16	0.08	0.15	0.22	0.15
chr18	4921679	4922355	Svil	ENSMUSG00000024236	293	0.16	0.17	0.11	0.18	0.11	0.17
chr18	24867732	24868851	Gm9955	ENSMUSG00000054745	-442	0.13	0.15	0.09	0.16	0.11	0.12
chr18	7626531	7626948	Mpp7	ENSMUSG00000057440	122	0.2	0.13	0.1	0.22	0.16	0.1
chr18	70727723	70728234	Mbd2	ENSMUSG00000024513	135	0.07	0.18	0.09	0.12	0.11	0.13
chr18	43367108	43367410	Stk32a	ENSMUSG00000039954	-92	0.5	0.15	0.07	0.14	0.11	0.14
chr18	23962260	23962811	Mapre2	ENSMUSG00000024277	50	0.1	0.23	0.11	0.19	0.13	0.18
chr18	35000208	35000508	Reep2	ENSMUSG00000038555	46	0.35	0.56	0.09	0.36	0.48	0.13
chr18	38094574	38095338	Diap1	ENSMUSG00000024456	79	0.16	0.18	0.12	0.19	0.22	0.18
chr18	34380452	34381215	Apc	ENSMUSG00000005871	255	0.08	0.13	0.07	0.09	0.06	0.11

chr18	69503879	69504193	Tcf4	ENSMUSG00000053477	-110	0.15	0.28	0.1	0.14	0.12	0.14
chr18	61946128	61946539	Afap111	ENSMUSG00000033032	-68	0.08	0.07	0.08	0.11	0.06	0.12
chr18	67364923	67365786	Chmp1b	ENSMUSG00000073543	280	0.2	0.49	0.2	0.31	0.33	0.16
chr18	67959561	67960035	Cep192	ENSMUSG00000024542	37	0.23	0.23	0.13	0.2	0.19	0.16
chr18	9449437	9450328	Ccny	ENSMUSG00000024286	266	0.1	0.08	0.1	0.1	0.12	0.12
chr18	77168641	77169032	Ier3ip1	ENSMUSG00000090000	80	0.18	0.17	0.08	0.13	0.12	0.14
chr18	75178304	75178950	Dym	ENSMUSG00000035765	201	0.1	0.08	0.09	0.16	0.08	0.15
chr18	80397063	80397483	Rbfa	ENSMUSG00000024570	124	0.15	0.15	0.15	0.19	0.12	0.18
chr18	80452784	80453663	Pqlc1	ENSMUSG00000034006	200	0.33	0.67	0.14	0.36	0.71	0.1
chr18	24280058	24280539	Ino80c	ENSMUSG00000047989	38	0.11	0.28	0.1	0.19	0.09	0.14
chr18	47528303	47528872	Sema6a	ENSMUSG00000019647	-103	0.67	1	0.14	0.55	0.33	0.25
chr18	6240805	6241594	Kif5b	ENSMUSG00000006740	269	0.16	0.26	0.15	0.19	0.15	0.21
chr18	44971677	44972030	Mcc	ENSMUSG00000071856	-17	0.14	0.08	0.14	0.08	0.05	0.13
chr18	63545901	63546947	Fam38b	ENSMUSG00000041482	-313	0.11	0.13	0.1	0.14	0.13	0.18
chr18	65590129	65591132	Malt1	ENSMUSG00000032688	13	0.08	0.1	0.11	0.12	0.06	0.12
chr18	77804012	77804459	Rnf165	ENSMUSG00000025427	-360	0.5	0.07	0.08	0.12	0.13	0.12
chr18	24812153	24812542	Mocos	ENSMUSG00000039616	155	0.11	0.08	0.12	0.12	0.15	0.13
chr18	34666045	34666608	Fam13b	ENSMUSG00000036501	151	0.14	0.1	0.09	0.22	0.12	0.12
chr18	57084569	57085607	3-Mar	ENSMUSG00000032656	81	0.22	1	0.1	0.25	0.26	0.19
chr18	89141351	89141565	Rttn	ENSMUSG00000023066	276	0.17	0.09	0.09	0.18	0.22	0.13
chr18	34879851	34880123	Gfra3	ENSMUSG00000024366	54	0.27	0.46	0.12	0.38	0.33	0.18
chr18	4920373	4921104	Svil	ENSMUSG00000024236	200	0.17	0.19	0.13	0.23	0.14	0.18
chr18	35278148	35279158	Ctnna1	ENSMUSG00000037815	111	0.34	0.25	0.18	0.28	0.38	0.27
chr18	61071713	61072137	Arsi	ENSMUSG00000036412	491	0.24	0.36	0.24	0.35	0.18	0.33
chr18	12899788	12900077	Cabyr	ENSMUSG00000024430	99	0.08	0.14	0.09	0.17	0.15	0.12
chr18	46684818	46685060	Fem1c	ENSMUSG00000033319	686	0.13	0.07	1	0.09	0.07	0.11
chr18	15308288	15309762	Kctd1	ENSMUSG00000036225	930	0.16	0.13	0.1	0.14	0.18	0.12
chr18	52688256	52689247	Lox	ENSMUSG00000024529	494	0.14	0.25	0.13	0.16	0.15	0.16
chr18	67292719	67293823	Gnal	ENSMUSG00000024524	-133	0.13	0.32	0.17	0.15	0.16	0.15
chr18	46685256	46686003	Fem1c	ENSMUSG00000033319	-4	0.08	0.09	0.09	0.16	0.06	0.13

chr18	50287855	50288247	Hsd17b4	ENSMUSG00000024507	196	0.27	0.41	0.15	0.16	0.24	0.15
chr18	48206310	48206559	Gm5506	ENSMUSG00000059040	1445	1	0.91	0.86	NA	0.93	0.95
chr18	52625223	52625621	Srfbp1	ENSMUSG00000024528	75	0.37	0.26	0.07	0.19	0.35	0.14
chr18	80492380	80493193	Kcng2	ENSMUSG00000059852	286	0.14	0.1	0.18	0.16	0.19	0.14
chr18	56721626	56722277	Aldh7a1	ENSMUSG00000053644	-100	0.47	0.29	0.16	0.29	0.58	0.2
chr18	63081848	63082540	Apccd1	ENSMUSG00000071847	213	0.15	0.18	0.12	0.12	0.14	0.12
chr18	80403288	80404150	Gm16286	ENSMUSG00000024571	215	0.1	0.1	0.1	0.1	0.12	0.18
chr18	86882385	86882843	Cbln2	ENSMUSG00000024647	174	0.17	0.15	0.12	0.17	0.08	0.06
chr18	35989188	35991665	Cxxc5	ENSMUSG00000046668	954	0.15	0.12	0.14	0.16	0.16	0.17
chr18	64648473	64648976	Fech	ENSMUSG00000024588	-6	0.12	0.11	0.07	0.15	0.16	0.14
chr18	4352892	4353502	Map3k8	ENSMUSG00000024235	-246	0.16	0.22	0.09	0.13	0.12	0.13
chr18	53623374	53624963	Prdm6	ENSMUSG00000069378	-32	0.15	0.26	0.12	0.11	0.14	0.15
chr18	67404828	67405379	Mppe1	ENSMUSG00000062526	381	0.37	0.3	0.2	0.22	0.33	0.25
chr18	23197677	23198675	Nol4	ENSMUSG00000041923	403	0.21	0.18	0.16	0.26	0.17	0.21
chr18	25911621	25912109	Cellf4	ENSMUSG00000024268	619	0.13	0.17	0.13	0.16	0.11	0.16
chr18	46357799	46358888	Trim36	ENSMUSG00000033949	129	0.18	0.29	0.09	0.21	0.17	0.13
chr18	59334662	59336123	Chsy3	ENSMUSG00000058152	337	0.15	0.15	0.1	0.12	0.14	0.12
chr18	3383026	3383495	Cul2	ENSMUSG00000024231	37	0.18	0.15	0.06	0.11	0.14	0.13
chr18	11997672	11999397	Cables1	ENSMUSG00000040957	805	0.1	0.2	0.09	0.18	0.1	0.13
chr18	83078925	83080942	Zfp516	ENSMUSG00000058881	-338	0.13	0.42	0.13	0.15	0.1	0.22
chr18	10325109	10325815	Greb1l	ENSMUSG00000042942	287	0.12	0.12	0.09	0.12	0.12	0.14
chr18	24178736	24179640	Zfp191	ENSMUSG00000051469	-367	0.08	0.09	0.09	0.13	0.08	0.13
chr18	25327035	25327804	5730494M16Rik	ENSMUSG00000024269	-224	0.12	0.26	0.11	0.12	0.12	0.12
chr18	61195329	61196133	Cdx1	ENSMUSG00000024619	122	0.19	0.27	0.14	0.19	0.19	0.23
chr18	44987867	44988675	Ythdc2	ENSMUSG00000034653	-48	0.09	0.06	0.09	0.14	0.08	0.15
chr18	82861482	82861815	Zfp236	ENSMUSG00000041258	478	0.33	0.78	0.09	0.37	0.39	0.18
chr18	7002294	7002657	Mkx	ENSMUSG00000061013	1305	0.15	0.22	0.17	0.27	0.18	0.42
chr18	9212145	9214927	Fzd8	ENSMUSG00000036904	682	0.14	0.13	0.13	0.24	0.14	0.16
chr18	10725517	10726634	Mib1	ENSMUSG00000024294	529	0.11	0.19	0.12	0.12	0.11	0.14
chr18	12802076	12802912	Ttc39c	ENSMUSG00000024424	641	0.12	0.14	0.11	0.22	0.12	0.15

chr18	20217458	20217847	Dsc2	ENSMUSG00000024331	327	0.14	0.11	0.1	0.3	0.11	0.17
chr18	21119852	21120331	Rnf125	ENSMUSG00000033107	-47	0.33	0.44	0.22	0.26	0.31	0.25
chr18	23199764	23200138	Nol4	ENSMUSG00000041923	203	0.15	0.15	0.08	0.14	0.16	0.13
chr18	25912793	25914041	Celf4	ENSMUSG00000024268	-933	0.13	0.16	0.12	0.16	0.14	0.18
chr18	31793636	31795102	Sap130	ENSMUSG00000024260	344	0.09	0.12	0.1	0.19	0.09	0.12
chr18	31963634	31964166	Wdr33	ENSMUSG00000024400	189	0.15	0.06	0.09	0.17	0.17	0.19
chr18	32399774	32400191	Erc3	ENSMUSG00000024382	28	0.15	0.11	0.09	0.17	0.14	0.18
chr18	32536900	32537421	Bin1	ENSMUSG00000024381	289	0.64	0.22	0.1	0.17	0.67	0.14
chr18	34919040	34919460	Fam53c	ENSMUSG00000034300	40	0.25	0.09	0.14	0.22	0.13	0.17
chr18	36440298	36441217	Pura	ENSMUSG00000043991	6	0.12	0.75	0.09	0.16	0.12	0.15
chr18	36961276	36961679	Vault	ENSMUSG00000065145	-43	0.1	0.1	0.19	0.26	0.12	0.28
chr18	37303102	37304151	Pcdha4	ENSMUSG0000007440	3	0.17	0.09	0.12	0.14	0.17	0.12
chr18	37634746	37635072	Pcdhb15	ENSMUSG00000047033	1709	1	1	0.63	NA	0.83	0.33
chr18	38371003	38371615	Pcdh1	ENSMUSG00000051375	315	0.08	0.18	0.08	0.14	0.08	0.11
chr18	38498417	38498705	Gnpda1	ENSMUSG00000052102	2	0.14	0.15	0.18	0.11	0.14	0.23
chr18	40378595	40379225	Yipf5	ENSMUSG00000024487	143	0.12	0.28	0.11	0.19	0.15	0.15
chr18	46471275	46471799	Ccdc112	ENSMUSG00000071855	45	0.07	0.06	0.1	0.1	0.07	0.12
chr18	47009782	47010243	4833403115Rik	ENSMUSG00000024481	319	0.28	0.26	0.29	0.38	0.3	0.25
chr18	47118383	47118784	Comm10	ENSMUSG00000042705	68	0.09	0.08	0.16	0.09	0.09	0.18
chr18	49914980	49915543	Dtwd2	ENSMUSG00000024505	-6	0.06	0.08	0.07	0.08	0.06	0.11
chr18	58369026	58370139	Fbn2	ENSMUSG00000024598	-2	0.13	0.13	0.1	0.17	0.13	0.15
chr18	60783754	60784103	Synpo	ENSMUSG00000043079	-38	0.07	0.25	0.16	0.11	0.11	0.11
chr18	61173581	61174000	Slc6a7	ENSMUSG00000052026	63	0.29	0.57	0.16	0.25	0.38	0.2
chr18	64424747	64424972	St8sia3	ENSMUSG00000056812	-791	0.06	0.2	0.08	0.09	0.08	0.16
chr18	64499624	64501154	Onecut2	ENSMUSG00000045991	371	0.19	0.19	0.12	0.18	0.19	0.16
chr18	65047495	65048215	Nedd4l	ENSMUSG00000024589	445	0.09	0.15	0.11	0.17	0.09	0.14
chr18	67608313	67609229	Afg3l2	ENSMUSG00000024527	-10	0.13	0.13	0.09	0.15	0.13	0.15
chr18	67624380	67625125	Slmo1	ENSMUSG00000024530	249	0.14	0.13	0.14	0.11	0.17	0.31
chr18	67934250	67935050	Gm17238	ENSMUSG00000091127	-139	0.07	0.07	0.12	0.14	0.07	0.1
chr18	70631341	70631782	Stard6	ENSMUSG00000079608	-547	0.33	0.46	0.14	0.26	0.32	0.22

chr18	74367182	74367463	Ska1	ENSMUSG00000036223	150	0.17	0.17	0.13	0.24	0.11	0.11
chr18	74938279	74939080	SCARNA17	ENSMUSG00000089235	-325	0.25	1	0.1	0.12	0.12	0.24
chr18	77182816	77183185	Hdhd2	ENSMUSG00000025421	146	0.39	0.17	0.09	0.21	0.41	0.14
chr18	77303679	77304613	Pias2	ENSMUSG00000025423	199	0.2	0.09	0.08	0.18	0.2	0.11
chr18	79305673	79307162	Setbp1	ENSMUSG00000024548	-287	0.16	0.2	0.11	0.18	0.16	0.15
chr18	83083513	83084124	Zfp516	ENSMUSG00000058881	-206	1	0.3	0.22	0.17	0.5	0.19
chr18	84758216	84758526	Zfp407	ENSMUSG00000048410	525	0.12	NA	0.21	0.06	0.15	0.42
chr18	85121318	85121669	1700034H14Rik	ENSMUSG00000024645	-577	0.12	0.15	0.13	0.12	0.14	0.09
chr18	82575006	82575944	Galr1	ENSMUSG00000024553	694	NA	0.5	0.07	0.22	NA	0.25
chr18	4375545	4375929	Mtpap	ENSMUSG00000024234	147	NA	NA	0.18	NA	NA	0.23
chr18	8693872	8694079	Gm5819	ENSMUSG00000092097	-100	NA	NA	1	NA	NA	0.25
chr18	12279783	12280136	6030446N20Rik	ENSMUSG00000049411	30	NA	0.17	0.09	0.18	0.13	0.12
chr18	15918399	15918747	Chst9	ENSMUSG00000047161	93	NA	0.13	0.12	0.19	0.12	0.15
chr18	16965418	16965642	Cdh2	ENSMUSG00000024304	1441	NA	NA	0.08	0.17	NA	0.31
chr18	21811213	21811706	4930426D05Rik	ENSMUSG00000043168	395	1	NA	0.33	0.23	NA	0.16
chr18	31948596	31948874	Gm16827	ENSMUSG00000086768	-36	NA	NA	0.13	0.55	NA	0.11
chr18	34811007	34811498	Cdc23	ENSMUSG00000024370	120	NA	NA	NA	0.71	NA	NA
chr18	35019480	35019707	Egr1	ENSMUSG00000038418	116	NA	NA	NA	1	NA	NA
chr18	36124497	36124889	Psd2	ENSMUSG00000024347	-26	NA	NA	0.19	0.13	NA	0.13
chr18	36838729	36839310	Apbb3	ENSMUSG0000001379	1	NA	0.5	0.17	0.13	0.08	0.15
chr18	36894615	36895057	Tmco6	ENSMUSG00000006850	114	0.17	0.67	0.23	0.38	NA	0.2
chr18	36919792	36920146	Wdr55	ENSMUSG00000042660	76	NA	0.08	0.11	0.16	0.09	0.14
chr18	37113635	37114356	Pcdha4	ENSMUSG0000007440	1575	NA	NA	0.83	NA	NA	0.53
chr18	37158904	37159613	Pcdha4	ENSMUSG0000007440	1724	NA	NA	0.85	NA	1	1
chr18	37165069	37165276	Pcdha4	ENSMUSG0000007440	198	1	NA	0.8	NA	NA	1
chr18	37180005	37180456	Gm10545	ENSMUSG00000073594	103	NA	0.75	1	NA	1	0.63
chr18	37468754	37469187	Pcdhb4	ENSMUSG00000045689	1861	NA	NA	0.73	NA	NA	1
chr18	37582849	37583169	Pcdhb11	ENSMUSG00000051486	1937	1	NA	0.71	1	NA	1
chr18	37609112	37609396	Pcdhb14	ENSMUSG00000044043	1943	1	NA	0.5	NA	NA	NA
chr18	37901908	37902171	Pcdhga9	ENSMUSG00000023036	291	0.61	NA	1	NA	NA	NA

chr18	38409748	38410225	1700086O06Rik	ENSMUSG00000086988	-134	NA	1	0.33	0.14	NA	0.25
chr18	39650891	39651506	Nr3c1	ENSMUSG00000024431	-245	NA	1	0.48	0.83	NA	0.52
chr18	42110521	42110891	Preli2	ENSMUSG00000056671	142	NA	0.07	0.16	0.15	0.2	0.25
chr18	43637243	43637492	Gm9781	ENSMUSG00000043424	83	NA	0.12	0.09	0.12	1	0.17
chr18	47525997	47526752	Sema6a	ENSMUSG00000019647	1548	NA	1	0.09	0.36	0.21	0.16
chr18	53622496	53622745	Prdm6	ENSMUSG00000069378	-1580	NA	1	0.4	1	1	0.36
chr18	53711994	53712223	Prdm6	ENSMUSG00000069378	860	NA	1	NA	NA	NA	NA
chr18	60685738	60686120	Dctn4	ENSMUSG00000024603	61	NA	0.16	0.07	0.13	0.1	0.11
chr18	61008397	61008633	Tcof1	ENSMUSG00000024613	47	NA	NA	0.17	0.34	NA	0.07
chr18	63868186	63868521	Wdr7	ENSMUSG00000040560	4	NA	0.47	0.17	0.13	NA	0.14
chr18	64425566	64425931	St8sia3	ENSMUSG00000056812	98	NA	NA	0.21	1	NA	0.5
chr18	64499023	64499248	Onecut2	ENSMUSG00000045991	-883	0.25	NA	0.35	NA	NA	0.29
chr18	64675819	64676375	Nars	ENSMUSG00000024587	114	NA	0.06	0.11	0.15	0.17	0.13
chr18	67503281	67503524	B430212C06Rik	ENSMUSG00000046415	-165	NA	NA	0.4	1	NA	NA
chr18	70689676	70690057	Poli	ENSMUSG00000038425	-74	0.46	0.08	0.08	0.5	NA	0.36
chr18	75120809	75121273	Lipg	ENSMUSG00000053846	-124	NA	0.5	0.03	0.17	NA	0.12
chr18	75165373	75165768	BC031181	ENSMUSG00000036299	16	NA	0.22	0.17	0.24	0.35	0.24
chr18	75857329	75857542	Ctif	ENSMUSG00000052928	-85	NA	NA	0.08	0.19	NA	0.1
chr18	78135097	78135411	5430411K18Rik	ENSMUSG00000039840	15	NA	0.3	0.15	0.27	0.14	0.12
chr18	80347432	80347681	Adnp2	ENSMUSG00000053950	665	NA	0.06	0.14	0.08	0.04	0.1
chr18	80347880	80348272	Adnp2	ENSMUSG00000053950	145	NA	1	0.17	NA	NA	0.25
chr18	82644433	82644868	Mbp	ENSMUSG00000041607	112	NA	0.25	0.08	0.16	0.08	0.16
chr18	82645455	82645667	Mbp	ENSMUSG00000041607	799	NA	NA	0.13	0.17	NA	0.18
chr18	82862242	82862562	Gm10524	ENSMUSG00000073519	61	NA	0.11	0.12	0.24	0.06	0.18
chr18	86880821	86881153	Cbln2	ENSMUSG00000024647	75	NA	NA	0.2	1	0.17	0.11
chr19	53674496	53675541	Smc3	ENSMUSG00000024974	132	0.06	0.33	0.08	0.14	0.25	0.15
chr19	44181579	44182113	Chuk	ENSMUSG00000025199	-74	0.21	0.11	0.09	0.18	0.05	0.11
chr19	42244961	42245402	Zfyve27	ENSMUSG00000018820	124	0.38	0.13	0.08	0.16	0.07	0.18
chr19	37771689	37773745	Cyp26a1	ENSMUSG00000024987	419	0.5	0.21	0.1	0.17	0.13	0.17
chr19	11952827	11953139	Gm6365	ENSMUSG00000051548	-135	0.35	0.62	0.57	0.9	0.67	0.64

chr19	3388813	3389374	Mll5	ENSMUSG00000024905	236	0.62	0.12	0.1	0.19	0.16	0.14
chr19	3767370	3769102	Suv420h1	ENSMUSG00000045098	815	0.26	0.13	0.11	0.16	0.13	0.15
chr19	54018376	54020122	Bbip1	ENSMUSG00000084957	-588	0.26	0.16	0.15	0.19	0.1	0.14
chr19	34952770	34953737	Pank1	ENSMUSG00000033610	692	0.18	0.16	0.09	0.11	0.06	0.16
chr19	17911293	17912171	Pcsk5	ENSMUSG00000024713	390	0.25	0.12	0.11	0.13	0.1	0.16
chr19	42203290	42203884	Avpi1	ENSMUSG00000018821	-108	0.47	0.1	0.11	0.18	0.07	0.33
chr19	41986181	41987063	Pgam1	ENSMUSG00000011752	261	0.38	0.25	0.1	0.27	0.12	0.15
chr19	59149632	59150439	4930506M07Rik	ENSMUSG00000041362	524	0.57	0.39	0.11	0.21	0.17	0.26
chr19	7415663	7416542	Mark2	ENSMUSG00000024969	-420	0.26	0.22	0.12	0.19	0.12	0.17
chr19	29325602	29326669	Jak2	ENSMUSG00000024789	-183	0.33	0.26	0.15	0.14	0.11	0.13
chr19	55173535	55174059	Gpam	ENSMUSG00000024978	144	0.18	0.08	0.09	0.09	0.05	0.12
chr19	6375517	6375855	Sf1	ENSMUSG00000024949	1557	0.29	0.31	0.26	0.54	0.55	0.65
chr19	29596458	29597704	A930007119Rik	ENSMUSG00000086309	-602	0.14	0.1	0.09	0.12	0.07	0.11
chr19	10599525	10600349	Sdhaf2	ENSMUSG00000024668	-238	0.34	0.15	0.08	0.12	0.09	0.18
chr19	29122010	29122537	Ak3	ENSMUSG00000024782	178	0.43	0.39	0.1	0.15	0.11	0.13
chr19	47124795	47125538	Pcgf6	ENSMUSG00000025050	169	0.23	0.27	0.14	0.19	0.1	0.15
chr19	44143953	44144364	Erlin1	ENSMUSG00000025198	-142	0.24	0.17	0.1	0.1	0.08	0.16
chr19	25311028	25312265	Kank1	ENSMUSG00000032702	181	0.32	0.23	0.09	0.18	0.07	0.17
chr19	5038536	5039488	B3gnt1	ENSMUSG00000047379	186	0.09	0.15	0.16	0.28	0.3	0.16
chr19	5912253	5912967	Dpf2	ENSMUSG00000024826	159	0.5	0.09	0.1	0.16	0.07	0.14
chr19	30249364	30249962	Gldc	ENSMUSG00000024827	67	0.61	0.26	0.13	0.22	0.25	0.18
chr19	5609691	5610302	Kat5	ENSMUSG00000024926	33	0.29	0.36	0.13	0.21	0.09	0.18
chr19	6241416	6241848	Atg2a	ENSMUSG00000024773	-36	0.39	0.22	0.12	0.16	0.16	0.14
chr19	12869237	12870844	Zfp91	ENSMUSG00000024695	576	0.18	0.14	0.09	0.1	0.07	0.15
chr19	6046736	6047482	Syvn1	ENSMUSG00000024807	44	0.19	0.25	0.12	0.22	0.5	0.15
chr19	5041272	5041632	Brms1	ENSMUSG00000080268	59	0.1	0.12	0.09	0.13	0.24	0.15
chr19	46402685	46404076	Fbxl15	ENSMUSG00000025226	706	0.28	0.14	0.12	0.13	0.14	0.14
chr19	31157128	31157639	Cstf2t	ENSMUSG00000053536	52	0.41	0.21	0.13	0.2	0.16	0.16
chr19	24354714	24355182	Fxn	ENSMUSG00000059363	110	0.23	0.66	0.16	0.24	0.46	0.35
chr19	12575497	12576290	Dtx4	ENSMUSG00000039982	593	0.2	0.19	0.11	0.16	0.07	0.17

chr19	14671403	14673596	Tle4	ENSMUSG00000024642	-26	0.16	0.14	0.11	0.12	0.1	0.14
chr19	60302179	60302658	4933412A08Rik	ENSMUSG00000043623	181	0.17	0.15	0.12	0.16	0.63	0.14
chr19	60887497	60887828	Fam45a	ENSMUSG00000024993	163	0.63	0.19	0.14	0.2	0.11	0.16
chr19	32560141	32561146	Minpp1	ENSMUSG00000024896	384	0.08	0.18	0.09	0.19	0.18	0.13
chr19	46469592	46470359	Actr1a	ENSMUSG00000025228	250	0.17	0.16	0.09	0.1	0.53	0.1
chr19	41337679	41338794	Tm9sf3	ENSMUSG00000025016	225	0.19	0.13	0.12	0.13	0.11	0.14
chr19	24935990	24936434	Pgm5	ENSMUSG00000041731	-70	0.31	0.17	0.09	0.13	0.1	0.13
chr19	41921581	41922982	Frat2	ENSMUSG00000047604	341	0.2	0.12	0.08	0.14	0.1	0.12
chr19	7008210	7008818	Kcnk4	ENSMUSG00000024957	491	0.43	0.44	0.14	0.23	0.17	0.22
chr19	45734162	45735079	Fbxw4	ENSMUSG00000040913	182	0.12	0.17	0.11	0.14	0.22	0.18
chr19	37000453	37001117	Btaf1	ENSMUSG00000040565	216	0.13	0.09	0.12	0.13	0.07	0.1
chr19	42007368	42008022	Exosc1	ENSMUSG00000034321	109	0.24	0.14	0.08	0.21	0.1	0.16
chr19	43827219	43827887	Cutc	ENSMUSG00000025193	67	0.45	0.17	0.1	0.11	0.11	0.21
chr19	44910462	44911505	1700039E22Rik	ENSMUSG00000092369	-555	0.28	0.28	0.09	0.19	0.07	0.18
chr19	16946810	16949143	Foxb2	ENSMUSG00000056829	154	0.17	0.16	0.11	0.14	0.08	0.16
chr19	43514796	43516159	Cnnm1	ENSMUSG00000025189	551	0.14	0.09	0.1	0.12	0.09	0.12
chr19	47089000	47090235	Ina	ENSMUSG00000034336	429	0.5	0.42	0.1	0.15	0.11	0.14
chr19	56896266	56896840	A630007B06Rik	ENSMUSG00000035173	127	0.11	0.08	0.08	0.15	0.06	0.13
chr19	25747871	25748447	Dmrt2	ENSMUSG00000048138	1249	0.34	0.09	0.12	0.14	0.12	0.13
chr19	7456713	7457712	Al846148	ENSMUSG00000024970	304	0.33	0.16	0.1	0.18	0.18	0.13
chr19	29887398	29887647	Ranbp6	ENSMUSG00000074909	-58	0.17	0.07	0.08	0.17	0.06	0.21
chr19	5490325	5491415	Cfl1	ENSMUSG00000056201	385	0.13	0.21	0.1	0.13	0.19	0.15
chr19	38910988	38912013	Tbc1d12	ENSMUSG00000048720	431	0.22	0.2	0.1	0.13	0.14	0.12
chr19	53216625	53218067	Add3	ENSMUSG00000025026	100	0.27	0.22	0.09	0.11	0.12	0.14
chr19	8831195	8831864	Nxf1	ENSMUSG00000010097	-64	0.28	0.14	0.13	0.19	0.11	0.13
chr19	6418583	6418934	Gm14965	ENSMUSG00000084876	-152	1	1	0.06	0.1	0.12	0.16
chr19	33466265	33466720	Rnls	ENSMUSG00000071573	263	0.86	0.33	0.17	0.29	0.17	0.26
chr19	7000431	7000830	1700019N12Rik	ENSMUSG00000050623	-760	0.38	0.37	0.3	0.39	0.22	0.39
chr19	21852623	21853490	Tmem2	ENSMUSG00000024754	224	0.17	0.2	0.1	0.12	0.06	0.17
chr19	46077857	46078553	Hps6	ENSMUSG00000074811	237	0.26	0.17	0.13	0.14	0.12	0.17

chr19	7114005	7114441	Stip1	ENSMUSG00000024966	293	0.19	0.1	0.08	0.16	0.07	0.09
chr19	46378944	46380310	Nfkb2	ENSMUSG00000025225	400	0.23	0.1	0.13	0.19	0.13	0.21
chr19	59246087	59246331	Vax1	ENSMUSG00000006270	-583	0.63	0.13	0.28	0.32	0.3	0.13
chr19	4396497	4398547	Kdm2a	ENSMUSG000000054611	-454	0.19	0.25	0.1	0.14	0.13	0.15
chr19	45225065	45226104	Tlx1	ENSMUSG000000025215	-1639	0.15	0.16	0.11	0.17	0.09	0.16
chr19	53750823	53752044	Rbm20	ENSMUSG000000043639	-363	0.14	0.2	0.1	0.12	0.07	0.13
chr19	11166727	11166992	Gm336	ENSMUSG000000079226	-292	0.12	0.4	0.08	NA	0.54	NA
chr19	40662690	40663068	Aldh18a1	ENSMUSG000000025007	-20	0.27	0.14	0.11	0.26	0.11	0.1
chr19	60019074	60019800	Rab11fip2	ENSMUSG000000040022	-170	0.19	0.17	0.09	0.11	0.11	0.14
chr19	40345576	40346223	Pdlim1	ENSMUSG000000055044	207	0.23	0.24	0.12	0.22	0.13	0.15
chr19	4096842	4097602	Cdk2ap2	ENSMUSG000000024856	40	0.2	0.11	0.1	0.17	0.08	0.13
chr19	4163126	4163430	Rps6kb2	ENSMUSG000000024830	-4	0.44	0.33	0.13	0.19	0.1	0.09
chr19	12040632	12040897	Osbp	ENSMUSG000000024687	333	0.15	0.06	0.08	0.07	0.06	0.09
chr19	29879576	29881188	9930021J03Rik	ENSMUSG000000046138	-563	0.15	0.14	0.12	0.16	0.24	0.16
chr19	5731400	5731816	Sssca1	ENSMUSG000000079478	-133	0.08	0.09	0.13	0.24	0.3	0.22
chr19	7054246	7055085	Fkbp2	ENSMUSG000000056629	265	0.35	0.13	0.13	0.12	0.1	0.19
chr19	27291445	27292817	Vldlr	ENSMUSG000000024924	621	0.22	0.07	0.08	0.11	0.1	0.13
chr19	37281536	37282513	Cpeb3	ENSMUSG000000039652	-261	0.17	0.12	0.11	0.12	0.11	0.1
chr19	46072504	46073156	4930505N22Rik	ENSMUSG000000090325	203	0.1	0.14	0.14	0.12	0.21	0.26
chr19	47805729	47806406	Sfr1	ENSMUSG000000025066	-179	0.56	0.19	0.11	0.49	0.17	0.18
chr19	55389852	55391162	Zdhhc6	ENSMUSG000000024982	-16	0.18	0.09	0.09	0.15	0.12	0.13
chr19	4269014	4269348	Ssh3	ENSMUSG000000034616	-9	0.24	0.31	0.2	0.28	0.12	0.23
chr19	28752593	28753004	D930032P07Rik	ENSMUSG000000086457	84	0.12	0.23	0.14	0.22	0.31	0.15
chr19	36484022	36484850	Pcgf5	ENSMUSG000000024805	198	0.13	0.15	0.08	0.19	0.07	0.17
chr19	46471365	46471834	Sufu	ENSMUSG000000025231	213	0.33	0.25	0.09	0.26	0.14	0.11
chr19	5726129	5726453	Ehbp111	ENSMUSG000000024937	26	0.19	0.17	0.13	0.22	0.09	0.2
chr19	4476634	4477151	Syt12	ENSMUSG000000049303	234	0.13	0.33	0.06	0.16	0.07	0.11
chr19	29064719	29065308	Cdc3711	ENSMUSG000000024780	156	0.26	0.7	0.15	0.17	0.46	0.22
chr19	40587915	40588525	Sorbs1	ENSMUSG000000025006	49	0.31	0.16	0.08	0.15	0.15	0.14
chr19	47538497	47539215	Sh3pxd2a	ENSMUSG000000053617	45	0.07	0.17	0.09	0.12	0.14	0.17

chr19	24298877	24299494	Tjp2	ENSMUSG00000024812	259	0.12	0.05	0.08	0.17	0.05	0.14
chr19	44637218	44637536	Hif1an	ENSMUSG00000036450	37	0.44	0.25	0.11	0.18	0.17	0.17
chr19	4201535	4201770	Rad9	ENSMUSG00000024824	-49	0.09	0.36	0.14	0.22	0.67	0.14
chr19	9973762	9974313	Incenp	ENSMUSG00000024660	-58	0.15	0.2	0.09	0.18	0.06	0.16
chr19	38893554	38893990	Noc3l	ENSMUSG00000024999	-45	0.24	0.14	0.16	0.18	0.11	0.15
chr19	4625268	4626124	Rce1	ENSMUSG00000024889	-79	0.13	0.12	0.09	0.09	0.08	0.16
chr19	8972426	8973001	Ganab	ENSMUSG00000071650	133	0.67	0.27	0.11	0.17	0.11	0.13
chr19	24248366	24249008	Tjp2	ENSMUSG00000024812	-149	0.09	0.08	0.09	0.11	0.19	0.13
chr19	6914597	6915227	Rps6ka4	ENSMUSG00000024952	179	0.5	0.17	0.08	0.08	0.21	0.12
chr19	45437938	45438462	Btrc	ENSMUSG00000025217	-24	0.17	0.25	0.09	0.09	0.07	0.12
chr19	46222694	46223359	Pitx3	ENSMUSG00000025229	-161	0.5	0.16	0.11	0.09	0.12	0.14
chr19	46574476	46577525	Trim8	ENSMUSG00000025034	-138	0.14	0.17	0.1	0.14	0.1	0.12
chr19	4000365	4000883	Nudt8	ENSMUSG00000024869	44	0.16	0.18	0.07	0.19	0.07	0.16
chr19	43748921	43750454	Slc25a28	ENSMUSG00000040414	-316	0.14	0.15	0.09	0.14	0.09	0.12
chr19	37624958	37625546	Exoc6	ENSMUSG00000053799	344	0.23	0.14	0.09	0.2	0.13	0.16
chr19	5803209	5804091	Malat1	ENSMUSG00000092341	-979	0.27	0.57	0.09	0.27	0.11	0.11
chr19	53464297	53465361	Smndc1	ENSMUSG00000025024	234	0.14	0.2	0.1	0.14	0.08	0.1
chr19	26678968	26682373	Smarca2	ENSMUSG00000024921	1065	0.13	0.12	0.1	0.15	0.1	0.14
chr19	4989709	4990055	Npas4	ENSMUSG00000045903	89	0.57	0.1	0.15	0.22	0.2	0.08
chr19	6276509	6277525	Gm14963	ENSMUSG00000085196	-412	0.16	0.16	0.09	0.14	0.08	0.13
chr19	7061742	7062404	Vegfb	ENSMUSG00000024962	46	0.26	0.16	0.1	0.13	0.15	0.12
chr19	4125745	4126310	Aip	ENSMUSG00000024847	-237	0.15	0.4	0.22	0.14	0.26	0.16
chr19	6363336	6364616	Gm14966	ENSMUSG00000079467	-441	0.12	0.08	0.08	0.1	0.09	0.13
chr19	43598833	43599473	Got1	ENSMUSG00000025190	-178	0.11	0.1	0.1	0.24	0.2	0.14
chr19	37508756	37510065	Hhex	ENSMUSG00000024986	-1819	0.17	0.3	0.11	0.13	0.25	0.13
chr19	8967393	8967774	Ints5	ENSMUSG00000071652	106	0.3	0.25	0.12	0.08	0.14	0.12
chr19	10379023	10379728	Dagla	ENSMUSG00000035735	-28	0.27	0.19	0.1	0.1	0.15	0.11
chr19	44833318	44833810	Pax2	ENSMUSG00000004231	-844	0.26	0.25	0.13	0.15	0.17	0.19
chr19	10175712	10176710	Fads2	ENSMUSG00000024665	-218	0.3	0.23	0.14	0.17	0.18	0.22
chr19	56948556	56949143	Vwa2	ENSMUSG00000025082	110	0.06	0.09	0.08	0.11	0.17	0.11

chr19	45005343	45006091	Fam178a	ENSMUSG00000036097	108	0.14	0.11	0.1	0.16	0.08	0.15
chr19	58528843	58530402	Gfra1	ENSMUSG00000025089	-666	0.41	0.19	0.12	0.21	0.28	0.18
chr19	4839196	4839726	Ccs	ENSMUSG00000034108	-139	0.18	0.43	0.12	0.17	0.06	0.16
chr19	7491295	7493014	2700081O15Rik	ENSMUSG00000053080	39	0.27	0.17	0.13	0.18	0.2	0.16
chr19	4614859	4615687	Lrfr4	ENSMUSG00000045045	229	0.54	0.3	0.15	0.18	0.27	0.16
chr19	5272605	5273458	Pacs1	ENSMUSG00000024855	88	0.19	0.1	0.13	0.14	0.08	0.13
chr19	5771021	5771380	Scyl1	ENSMUSG00000024941	201	0.38	0.32	0.1	0.14	0.11	0.12
chr19	3708133	3708709	1810055G02Rik	ENSMUSG00000035372	88	1	0.13	0.1	0.2	0.23	0.21
chr19	4855087	4855512	Ctsf	ENSMUSG00000083282	170	0.05	0.34	0.1	0.19	0.18	0.13
chr19	3907032	3907265	Tcirg1	ENSMUSG00000001750	-108	1	0.71	0.33	0.57	0.58	0.5
chr19	4191902	4192796	Ppp1ca	ENSMUSG00000040385	191	0.17	0.13	0.13	0.18	0.1	0.19
chr19	24105593	24105882	Fam189a2	ENSMUSG00000071604	-228	0.41	0.1	0.11	0.14	0.24	0.13
chr19	28909490	28909918	Slc1a1	ENSMUSG00000024935	165	0.13	0.24	0.07	0.13	0.19	0.11
chr19	45816913	45817412	Fgf8	ENSMUSG00000025219	12	0.14	0.07	0.2	0.31	0.5	0.22
chr19	48279670	48281242	Sorcs3	ENSMUSG00000063434	-59	0.17	0.14	0.11	0.13	0.12	0.17
chr19	23348051	23348500	Smc5	ENSMUSG00000024943	92	0.22	0.44	0.11	0.18	0.12	0.19
chr19	42593012	42593806	D19Ertcd386e	ENSMUSG00000025184	160	0.38	0.12	0.15	0.15	0.16	0.17
chr19	57684695	57686335	Atrnl1	ENSMUSG00000054843	-9	0.35	0.29	0.13	0.17	0.26	0.17
chr19	3851599	3852560	Chka	ENSMUSG00000024843	306	0.26	0.26	0.11	0.13	0.16	0.19
chr19	37308245	37308852	U6	ENSMUSG00000089143	-576	0.31	0.27	0.16	0.14	0.12	0.17
chr19	45823455	45824160	Gm15491	ENSMUSG00000087367	-191	0.15	0.21	0.09	0.15	0.1	0.12
chr19	18787344	18788221	D030056L22Rik	ENSMUSG00000047044	99	0.17	0.09	0.08	0.18	0.09	0.1
chr19	23209381	23210914	2410080I02Rik	ENSMUSG00000044387	757	0.13	0.1	0.12	0.18	0.26	0.2
chr19	46835370	46837372	Cnnm2	ENSMUSG00000064105	285	0.18	0.13	0.1	0.12	0.11	0.12
chr19	4509974	4511000	Pcx	ENSMUSG00000024892	15	0.08	0.2	0.08	0.14	0.13	0.12
chr19	4711753	47112638	Spnb3	ENSMUSG00000067889	987	0.13	0.23	0.08	0.17	0.08	0.15
chr19	32461963	32464322	Sgms1	ENSMUSG00000040451	-198	0.14	0.19	0.1	0.16	0.18	0.14
chr19	5729216	5729746	Fam89b	ENSMUSG00000024939	152	0.29	0.59	0.14	0.19	0.42	0.16
chr19	41280535	41281640	Tll2	ENSMUSG00000025013	177	0.5	0.41	0.13	0.16	0.22	0.14
chr19	45151272	45151708	Kazald1	ENSMUSG00000025213	861	0.17	0.31	0.14	0.16	0.1	0.15

chr19	4811135	4812016	Rbm14	ENSMUSG00000006456	-67	0.36	0.22	0.2	0.21	0.16	0.17
chr19	5388177	5388899	Sart1	ENSMUSG000000039148	165	0.11	0.13	0.08	0.11	0.07	0.13
chr19	15999003	15999776	Psat1	ENSMUSG000000024640	-277	0.08	0.4	0.1	0.12	0.18	0.16
chr19	47142092	47142975	Taf5	ENSMUSG000000025049	295	0.17	0.14	0.12	0.12	0.12	0.15
chr19	41556717	41557046	Lcor	ENSMUSG000000025019	-246	0.08	0.06	0.13	0.09	0.04	0.13
chr19	6398554	6398855	Rasgrp2	ENSMUSG000000032946	-636	1	0.1	0.1	0.15	0.08	0.16
chr19	28837811	28838024	Gm6788	ENSMUSG000000090737	3	0.87	0.97	0.91	0.92	0.93	0.94
chr19	36628437	36629545	Hectd2	ENSMUSG000000041180	-138	0.13	0.19	0.12	0.15	0.1	0.12
chr19	42854143	42854585	Hps1	ENSMUSG000000025188	85	0.14	0.26	0.09	0.16	0.07	0.11
chr19	44220611	44220948	Bloc1s2	ENSMUSG000000057506	157	0.07	0.09	0.16	0.15	0.26	0.2
chr19	61304402	61304615	Csf2ra	ENSMUSG000000059326	-187	0.83	0.78	0.61	0.51	0.6	0.54
chr19	45227884	45228709	Tlx1	ENSMUSG000000025215	1073	0.14	0.19	0.11	0.11	0.38	0.21
chr19	47611501	47611737	Obfc1	ENSMUSG000000042694	-109	1	0.07	0.07	0.26	0.11	0.16
chr19	3685805	3686592	Lrp5	ENSMUSG000000024913	358	0.11	0.11	0.08	0.12	0.08	0.11
chr19	5567312	5568412	Gm962	ENSMUSG000000049562	-212	0.2	0.12	0.13	0.15	0.1	0.1
chr19	6061018	6061919	Znhit2-ps	ENSMUSG000000075227	276	0.15	0.15	0.11	0.14	0.1	0.15
chr19	16510833	16511390	Gna14	ENSMUSG000000024697	954	0.13	0.17	0.11	0.16	0.09	0.13
chr19	23761625	23762382	Ptar1	ENSMUSG000000074925	113	0.09	0.13	0.1	0.14	0.07	0.08
chr19	43764037	43764619	Entpd7	ENSMUSG000000025192	166	0.16	0.13	0.15	0.16	0.28	0.16
chr19	45307989	45310154	Lbx1	ENSMUSG000000025216	1230	0.13	0.15	0.12	0.18	0.11	0.15
chr19	24630028	24630897	Pip5k1b	ENSMUSG000000024867	-183	0.16	0.13	0.11	0.16	0.11	0.12
chr19	5366235	5367518	Banf1	ENSMUSG000000024844	-529	0.12	0.1	0.08	0.13	0.09	0.13
chr19	6996215	6996537	Esrra	ENSMUSG000000024955	-125	0.62	0.75	0.17	0.19	0.33	0.18
chr19	42687207	42687570	Loxl4	ENSMUSG000000025185	-126	0.15	0.11	0.09	0.13	0.1	0.08
chr19	46392080	46392700	Psd	ENSMUSG000000037126	-49	0.09	0.24	0.1	0.11	0.07	0.18
chr19	47253093	47254126	Neur1fa	ENSMUSG000000006435	299	0.12	0.11	0.1	0.16	0.09	0.16
chr19	4099936	4101176	Pitpm1	ENSMUSG000000024851	558	0.21	0.3	0.12	0.12	0.14	0.15
chr19	39005032	39006036	Hells	ENSMUSG000000025001	129	0.12	0.18	0.14	0.18	0.07	0.17
chr19	7114925	7115168	Stip1	ENSMUSG000000024966	-530	0.5	NA	0.14	0.27	0.24	0.09
chr19	34821465	34821913	Slc16a12	ENSMUSG000000009378	90	0.28	0.23	0.14	0.22	0.2	0.17

chr19	6334996	6335806	Men1	ENSMUSG00000024947	388	0.13	0.2	0.1	0.16	0.07	0.1
chr19	47911687	47912004	Wdr96	ENSMUSG00000044948	6	0.21	0.18	0.11	0.19	0.1	0.1
chr19	6235534	6235910	Ppp2r5b	ENSMUSG00000024777	121	0.2	0.08	0.1	0.29	0.08	0.14
chr19	45063754	45064152	Sema4g	ENSMUSG00000025207	172	0.11	0.12	0.07	0.17	0.06	0.14
chr19	46764338	46764640	2010012O05Rik	ENSMUSG000000062376	93	0.67	0.06	0.1	0.1	0.23	0.15
chr19	23215369	23217167	Klf9	ENSMUSG000000033863	552	0.14	0.1	0.11	0.17	0.17	0.12
chr19	29038331	29039149	4430402I18Rik	ENSMUSG000000064202	-342	0.1	0.13	0.1	0.13	0.07	0.17
chr19	30613935	30614289	Ppp1r2-ps3	ENSMUSG000000058816	-68	0.06	0.09	0.09	0.08	0.08	0.14
chr19	6341253	6341571	Map4k2	ENSMUSG000000024948	142	0.12	0.07	0.11	0.15	0.08	0.12
chr19	5637165	5638125	Rela	ENSMUSG000000024927	162	0.13	0.17	0.09	0.12	0.19	0.14
chr19	7016871	7017152	Gpr137	ENSMUSG000000024958	-71	1	0.71	0.13	0.31	0.15	0.15
chr19	18824186	18824502	Trpm6	ENSMUSG000000024727	-129	0.22	0.31	0.2	0.18	0.3	0.18
chr19	53603191	53604199	Dusp5	ENSMUSG000000034765	96	0.16	0.11	0.09	0.13	0.13	0.12
chr19	36908645	36909397	Tnks2	ENSMUSG000000024811	299	0.11	0.14	0.08	0.16	0.13	0.14
chr19	7342868	7343560	Rcor2	ENSMUSG000000024968	423	0.09	0.08	0.07	0.09	0.07	0.1
chr19	53384821	53385838	Mxi1	ENSMUSG000000025025	333	0.38	0.28	0.19	0.17	0.3	0.21
chr19	58528166	58528395	Gfra1	ENSMUSG000000025089	676	0.14	NA	0.07	0.07	0.36	0.16
chr19	4214334	4215570	Clcf1	ENSMUSG000000040663	358	0.16	0.1	0.12	0.19	0.13	0.17
chr19	53403771	53404524	Mxi1	ENSMUSG000000025025	244	0.29	0.16	0.09	0.22	0.16	0.14
chr19	4305612	4306052	Adrbk1	ENSMUSG000000024858	123	0.13	0.18	0.1	0.18	0.19	0.16
chr19	5601918	5602375	Rnaseh2c	ENSMUSG000000024925	171	0.29	0.11	0.07	0.1	0.09	0.08
chr19	8787844	8788487	Slc3a2	ENSMUSG000000010095	222	0.11	0.05	0.08	0.13	0.18	0.13
chr19	10115725	10116538	Fads3	ENSMUSG000000024664	93	0.17	0.09	0.11	0.16	0.12	0.13
chr19	5688157	5689048	Pcnx3	ENSMUSG000000054874	93	0.2	0.25	0.11	0.17	0.15	0.14
chr19	40905455	40906610	Ccnj	ENSMUSG000000025010	263	0.12	0.2	0.08	0.15	0.1	0.12
chr19	6497392	6498652	Nrxn2	ENSMUSG000000033768	351	0.16	0.14	0.13	0.15	0.14	0.1
chr19	16058982	16059610	Cep78	ENSMUSG000000041491	183	0.22	0.07	0.09	0.09	0.3	0.15
chr19	5510653	5511028	Snx32	ENSMUSG000000056185	-351	0.34	1	0.2	0.34	0.42	0.17
chr19	6531059	6532002	Gm14964	ENSMUSG000000052188	258	0.17	0.24	0.31	0.39	0.24	0.23
chr19	38298512	38298758	5730455O13Rik	ENSMUSG000000054237	-7	0.5	0.1	0.11	0.1	0.09	0.07

chr19	8945962	8946444	Ubxn1	ENSMUSG00000071655	154	0.15	0.26	0.12	0.22	0.21	0.09
chr19	12670345	12670833	A330040F15Rik	ENSMUSG00000086213	467	0.28	0.14	0.18	0.19	0.21	0.23
chr19	21346284	21347593	Zfand5	ENSMUSG000000024750	170	0.2	0.32	0.1	0.14	0.16	0.13
chr19	38198975	38199525	Rbp4	ENSMUSG000000024990	51	0.24	0.09	0.09	0.16	0.13	0.09
chr19	4012492	4012835	Ndufv1	ENSMUSG000000037916	-2	1	0.22	0.29	0.26	0.18	0.12
chr19	4148474	4148828	Coro1b	ENSMUSG000000024835	32	0.21	0.19	0.11	0.22	0.42	0.11
chr19	44358622	44358978	AC123853.1	ENSMUSG000000092983	980	0.19	0.17	0.04	0.1	0.13	0.11
chr19	28085737	28086529	Rfx3	ENSMUSG000000040929	-477	0.07	0.12	0.11	0.11	0.09	0.12
chr19	44830066	44831997	Pax2	ENSMUSG000000004231	492	0.11	0.16	0.09	0.13	0.13	0.13
chr19	56622889	56623483	Nhlrc2	ENSMUSG000000025078	435	0.12	0.18	0.09	0.1	0.11	0.16
chr19	5424402	5425638	Drap1	ENSMUSG000000024914	-506	0.14	0.11	0.1	0.19	0.19	0.16
chr19	10092620	10092892	Rab3ii1	ENSMUSG000000024663	73	0.33	0.09	0.07	0.09	0.14	0.08
chr19	32830471	32832836	Pten	ENSMUSG000000013663	-334	0.16	0.2	0.1	0.16	0.19	0.15
chr19	38470390	38470844	Tmem20	ENSMUSG000000044026	147	0.1	0.08	0.09	0.13	0.08	0.1
chr19	6399414	6400169	Rasgrp2	ENSMUSG000000032946	335	0.23	0.34	0.11	0.19	0.17	0.13
chr19	8848807	8849482	Tmem179b	ENSMUSG000000079437	-187	0.37	0.16	0.11	0.24	0.29	0.12
chr19	55816835	55817731	Tcf7l2	ENSMUSG000000024985	429	0.09	0.32	0.09	0.16	0.06	0.15
chr19	45100382	45100743	AC132957.1	ENSMUSG000000092762	1459	0.84	0.84	0.63	0.56	0.9	0.73
chr19	3323338	3324182	Cpt1a	ENSMUSG000000024900	459	0.08	0.14	0.09	0.18	0.05	0.13
chr19	32786403	32786934	Atad1	ENSMUSG000000013662	144	0.15	0.13	0.11	0.15	0.12	0.12
chr19	42164706	42165528	Pi4k2a	ENSMUSG000000025178	192	0.35	0.24	0.18	0.25	0.3	0.24
chr19	4942565	4943186	Pell3	ENSMUSG000000024901	171	0.27	0.19	0.12	0.13	0.21	0.14
chr19	5559932	5561254	Ovol1	ENSMUSG000000024922	-18	0.21	0.15	0.11	0.14	0.19	0.16
chr19	10463902	10464258	Syt7	ENSMUSG000000024743	107	0.14	0.32	0.15	0.19	0.11	0.15
chr19	29722287	29722929	Ermp1	ENSMUSG000000046324	69	0.21	0.25	0.12	0.22	0.19	0.16
chr19	5098312	5098610	Cnih2	ENSMUSG000000024873	-43	0.13	0.22	0.1	0.1	0.06	0.11
chr19	6140554	6141406	Batf2	ENSMUSG000000039699	-3	0.14	0.08	0.1	0.12	0.09	0.12
chr19	7131004	7131739	MacroD1	ENSMUSG000000036278	113	0.09	0.22	0.1	0.12	0.07	0.11
chr19	7568483	7569482	Atf3	ENSMUSG000000024759	452	0.24	0.23	0.1	0.21	0.27	0.12
chr19	11986618	11987476	Patl1	ENSMUSG000000046139	158	0.12	0.24	0.15	0.13	0.15	0.1

chr19	38171442	38172223	O3far1	ENSMUSG00000054200	263	0.55	0.25	0.14	0.1	0.65	0.11
chr19	4282779	4283399	Ankrd13d	ENSMUSG00000005986	-56	0.28	0.64	0.16	0.19	0.4	0.19
chr19	11893016	11893659	Stx3	ENSMUSG000000041488	46	0.1	0.13	0.08	0.09	0.07	0.1
chr19	60656288	60657208	AC108409.1	ENSMUSG000000092655	316	0.11	0.13	0.13	0.18	0.09	0.2
chr19	7015682	7016671	Gpr137	ENSMUSG000000024958	-493	0.16	0.17	0.11	0.19	0.13	0.16
chr19	8810270	8810534	Wdr74	ENSMUSG000000042729	73	0.12	1	0.09	0.24	0.08	0.11
chr19	5068088	5068579	Cd248	ENSMUSG000000056481	255	0.15	0.14	0.1	0.15	0.18	0.16
chr19	11023269	11023893	Ccdc86	ENSMUSG000000024732	175	0.07	0.11	0.13	0.12	0.12	0.17
chr19	41817576	41818365	Slit1	ENSMUSG000000025020	6	0.16	0.13	0.13	0.17	0.19	0.15
chr19	42222055	42222978	Marveld1	ENSMUSG000000044345	626	0.1	0.1	0.12	0.14	0.08	0.23
chr19	10763146	10763709	Vps37c	ENSMUSG000000048832	122	0.22	0.1	0.09	0.16	0.18	0.13
chr19	46119352	46120038	Pprc1	ENSMUSG000000055491	319	0.05	0.08	0.09	0.17	0.07	0.11
chr19	9063725	9064420	Ahnak	ENSMUSG000000069833	322	0.08	0.08	0.09	0.14	0.1	0.1
chr19	44619960	44620371	Sec31b	ENSMUSG000000051984	172	0.19	0.24	0.15	0.18	0.14	0.14
chr19	45089640	45090312	Lzts2	ENSMUSG000000035342	310	0.07	0.1	0.06	0.1	0.11	0.1
chr19	59240685	59241271	Vax1	ENSMUSG000000006270	492	0.09	0.12	0.11	0.15	0.06	0.13
chr19	5085285	5085687	Tmem151a	ENSMUSG000000061451	1	0.17	0.15	0.09	0.1	0.2	0.19
chr19	31838548	31839179	Prkg1	ENSMUSG000000052920	449	0.17	0.27	0.15	0.17	0.12	0.11
chr19	53112726	53113199	Xpnpep1	ENSMUSG000000025027	81	0.08	0.24	0.09	0.13	0.06	0.2
chr19	56796367	56798487	Adrb1	ENSMUSG000000035283	565	0.19	0.19	0.09	0.16	0.17	0.12
chr19	59532405	59534474	Emx2os	ENSMUSG000000087095	-314	0.24	0.25	0.12	0.22	0.25	0.18
chr19	34548754	34549522	Gm16704	ENSMUSG000000085164	-160	0.15	0.61	0.18	0.23	0.25	0.18
chr19	42275953	42276830	Sfrp5	ENSMUSG000000018822	351	0.06	0.06	0.09	0.15	0.18	0.2
chr19	45857229	45858355	Mgea5	ENSMUSG000000025220	218	0.2	0.16	0.13	0.13	0.23	0.13
chr19	9016226	9017206	Mta2	ENSMUSG000000071646	351	0.1	0.1	0.09	0.15	0.09	0.11
chr19	16206839	16208227	Gnaq	ENSMUSG000000024639	212	0.11	0.13	0.09	0.13	0.1	0.12
chr19	42505881	42507071	Crtac1	ENSMUSG000000042401	-203	0.15	0.12	0.08	0.1	0.14	0.1
chr19	18705782	18706676	Ostf1	ENSMUSG000000024725	-21	0.11	0.12	0.13	0.16	0.13	0.16
chr19	41557599	41558046	Lcor	ENSMUSG000000025019	695	0.1	0.08	0.09	0.15	0.13	0.13
chr19	60865876	60866909	Eif3a	ENSMUSG000000024991	204	0.1	0.18	0.17	0.16	0.11	0.13

chr19	6015453	6015722	Capn1	ENSMUSG00000024942	238	0.32	0.22	0.08	0.23	0.26	0.15
chr19	57082489	57083025	Afap1l2	ENSMUSG00000025083	-90	0.14	0.15	0.09	0.14	0.1	0.11
chr19	5447472	5448842	Fosl1	ENSMUSG00000024912	454	0.39	0.22	0.14	0.18	0.5	0.17
chr19	53977549	53978502	Pdcd4	ENSMUSG00000024975	184	0.08	0.06	0.09	0.14	0.06	0.14
chr19	55816047	55816458	Tcf7l2	ENSMUSG00000024985	-48	0.06	0.08	0.11	0.14	0.08	0.1
chr19	59335341	59335957	Slc18a2	ENSMUSG00000025094	281	0.2	0.14	0.12	0.21	0.14	0.1
chr19	21727318	21728363	Fam108b	ENSMUSG00000047368	41	0.08	0.14	0.11	0.18	0.1	0.14
chr19	5963801	5964307	Pola2	ENSMUSG00000024833	152	0.11	0.08	0.09	0.15	0.09	0.13
chr19	24973997	24975165	Foxd4	ENSMUSG00000051490	1218	0.2	0.13	0.12	0.14	0.19	0.18
chr19	46150202	46150685	Nolc1	ENSMUSG00000015176	90	0.18	0.63	0.12	0.37	0.24	0.14
chr19	8815804	8816195	Stx5a	ENSMUSG00000010110	96	0.67	1	0.12	0.47	0.41	0.19
chr19	47653800	47654361	Slk	ENSMUSG00000025060	-88	0.14	0.13	0.18	0.26	0.1	0.1
chr19	5474521	5474859	Efemp2	ENSMUSG00000024909	2	0.14	0.27	0.09	0.1	0.24	0.09
chr19	59419295	59420846	Pdzd8	ENSMUSG00000074746	200	0.09	0.09	0.08	0.12	0.09	0.11
chr19	7496586	7498218	2700081O15Rik	ENSMUSG00000053080	1884	0.14	0.2	0.11	0.16	0.13	0.15
chr19	60965559	60966611	Grk5	ENSMUSG00000003228	433	0.24	0.18	0.16	0.13	0.25	0.17
chr19	10315021	10315369	Gm98	ENSMUSG00000036098	40	0.13	0.13	0.08	0.14	0.11	0.12
chr19	27504136	27504685	D19Bwg1357e	ENSMUSG00000041360	-100	0.21	0.58	0.14	0.18	0.19	0.19
chr19	42330220	42330604	Golga7b	ENSMUSG00000042532	183	0.16	0.27	0.08	0.14	0.18	0.08
chr19	12039938	12040416	Osbp	ENSMUSG00000024687	-157	0.14	0.12	0.1	0.25	0.1	0.15
chr19	44629342	44630006	Ndufb8	ENSMUSG00000025204	-198	0.25	0.06	0.16	0.1	0.29	0.23
chr19	5106729	5107183	Rab1b	ENSMUSG00000024870	63	0.2	0.24	0.22	0.21	0.09	0.16
chr19	27397625	27397998	Kcnv2	ENSMUSG00000047298	733	0.91	0.72	0.92	0.94	0.92	0.97
chr19	4793671	4794001	Rbm14	ENSMUSG00000006456	13	0.18	0.08	0.11	0.12	0.14	0.2
chr19	10969646	10970117	Prpf19	ENSMUSG00000024735	148	0.12	0.15	0.09	0.12	0.14	0.1
chr19	6084754	6085356	Zfp1	ENSMUSG00000024792	-161	0.14	0.15	0.12	0.34	0.16	0.19
chr19	60831653	60833243	Nanos1	ENSMUSG00000072437	558	0.16	0.15	0.1	0.15	0.15	0.14
chr19	3282687	3283232	Ighmbp2	ENSMUSG00000024831	-141	0.08	0.26	0.11	0.17	0.06	0.15
chr19	28754116	28754880	Glis3	ENSMUSG00000052942	-342	0.1	0.19	0.1	0.13	0.11	0.12
chr19	29175444	29176343	Rcl1	ENSMUSG00000024785	28	0.16	0.26	0.09	0.11	0.15	0.15

chr19	34266942	34267278	Stambpl1	ENSMUSG00000024776	-202	0.17	0.18	0.12	0.16	0.13	0.11
chr19	10257236	10257875	Fads1	ENSMUSG00000010663	177	0.17	0.2	0.09	0.1	0.15	0.16
chr19	41459397	41459771	Pik3ap1	ENSMUSG00000025017	-24	0.09	0.11	0.09	0.1	0.09	0.14
chr19	3414320	3414596	Gal	ENSMUSG00000024907	14	0.08	0.1	0.1	0.16	0.08	0.15
chr19	3575227	3576246	Ppp6r3	ENSMUSG00000024908	13	0.15	0.44	0.16	0.26	0.17	0.19
chr19	4037775	4038074	Gstp1	ENSMUSG00000060803	-12	0.11	0.39	0.14	0.21	0.13	0.15
chr19	4169407	4170119	Gm17552	ENSMUSG00000090702	197	0.3	0.5	0.16	0.23	0.31	0.11
chr19	4756353	4756833	Rbm4b	ENSMUSG00000033760	68	0.08	0.11	0.09	0.15	0.08	0.14
chr19	4878627	4879056	Zdhhc24	ENSMUSG00000006463	173	0.19	0.58	0.11	0.16	0.17	0.11
chr19	5295171	5295633	Sf3b2	ENSMUSG00000024853	53	0.2	NA	0.15	0.21	0.2	0.16
chr19	5349180	5349413	Cst6	ENSMUSG00000024846	278	0.6	0.33	0.11	0.29	1	0.13
chr19	5457066	5457505	Ccdc85b	ENSMUSG00000042878	264	0.26	1	0.16	0.16	0.28	0.18
chr19	5460504	5460755	Fibp	ENSMUSG00000024911	-8	1	0.5	0.4	0.35	1	0.48
chr19	6306139	6306859	Cdc42bpg	ENSMUSG00000024769	43	0.06	0.14	0.09	0.08	0.07	0.11
chr19	6401468	6401689	Rasgrp2	ENSMUSG00000032946	-117	0.11	0.12	0.09	0.07	0.12	0.04
chr19	6983866	6985125	Prdx5	ENSMUSG00000024953	-388	0.23	0.49	0.1	0.22	0.23	0.18
chr19	7044062	7044398	Plcb3	ENSMUSG00000024960	49	0.43	0.5	0.09	0.08	0.25	0.13
chr19	7048752	7049181	Ppp1r14b	ENSMUSG00000056612	-572	0.2	0.13	0.1	0.15	0.28	0.1
chr19	7280563	7280782	Otub1	ENSMUSG00000024767	52	0.14	0.17	0.15	0.33	0.17	0.28
chr19	7291836	7292189	Cox8a	ENSMUSG00000035885	94	0.1	0.15	0.15	0.18	0.11	0.16
chr19	7315463	7315864	Naa40	ENSMUSG00000024764	49	0.08	0.1	0.07	0.11	0.05	0.08
chr19	7686834	7687253	Hrasls5	ENSMUSG00000024973	12	0.33	0.5	0.09	0.59	0.14	0.27
chr19	8860603	8860929	Taf6l	ENSMUSG00000003680	-19	0.2	0.08	0.11	0.1	0.11	0.17
chr19	8894286	8895378	Hnrnpul2	ENSMUSG00000071659	941	0.1	0.1	0.08	0.14	0.1	0.14
chr19	8962938	8963760	SNORA57	ENSMUSG00000070167	-174	0.11	0.26	0.15	0.24	0.12	0.21
chr19	8994787	8995294	B3gat3	ENSMUSG00000071649	176	0.14	0.16	0.13	0.13	0.14	0.13
chr19	9003870	9004556	Eml3	ENSMUSG00000071647	29	0.28	0.2	0.1	0.19	0.28	0.13
chr19	10531044	10532303	Lrrc10b	ENSMUSG00000090291	264	0.13	0.12	0.11	0.14	0.14	0.11
chr19	10651568	10651951	Tmem138	ENSMUSG00000024666	93	0.11	1	0.2	0.14	0.13	0.13
chr19	10943968	10944375	Tmem132a	ENSMUSG00000024736	97	0.23	0.57	0.12	0.14	0.21	0.15

chr19	10956148	10956557	Tmem109	ENSMUSG00000034659	-164	0.17	0.12	0.13	0.21	0.16	0.11
chr19	16854748	16855732	Gm9806	ENSMUSG00000046388	203	0.12	0.16	0.09	0.14	0.12	0.14
chr19	17468410	17469005	Rfk	ENSMUSG00000024712	174	0.06	0.11	0.07	0.14	0.06	0.13
chr19	23694188	23694395	Gm9493	ENSMUSG00000044424	59	1	0.93	0.88	1	1	0.98
chr19	23832713	23833154	Apba1	ENSMUSG00000024897	-433	0.1	0.27	0.12	0.17	0.08	0.16
chr19	23833498	23833803	Apba1	ENSMUSG00000024897	284	0.25	0.2	0.09	0.24	0.18	0.26
chr19	24551406	24552151	Fam122a	ENSMUSG00000074922	68	0.07	0.1	0.08	0.11	0.07	0.13
chr19	25073681	25074433	Dock8	ENSMUSG00000052085	38	0.07	0.1	0.07	0.14	0.07	0.11
chr19	25684497	25685529	Dmrt3	ENSMUSG00000042372	-14	0.11	0.1	0.08	0.14	0.11	0.14
chr19	25746473	25746981	Dmrt2	ENSMUSG00000048138	-180	0.18	0.15	0.15	0.3	0.18	0.15
chr19	31738405	31739240	Prkg1	ENSMUSG00000052920	-51	0.1	0.21	0.11	0.28	0.11	0.19
chr19	34996523	34997046	Kif20b	ENSMUSG00000024795	-64	0.09	0.14	0.08	0.13	0.09	0.13
chr19	36811061	36811461	Ppp1r3c	ENSMUSG00000067279	-118	0.25	0.25	0.1	0.42	0.23	0.27
chr19	36993060	36993698	Fgfbp3	ENSMUSG00000047632	726	0.09	0.09	0.11	0.13	0.09	0.14
chr19	37248485	37249369	Cpeb3	ENSMUSG00000039652	-342	0.1	0.09	0.08	0.11	0.1	0.13
chr19	37450407	37451098	Kif11	ENSMUSG00000012443	-141	0.3	0.33	0.12	0.19	0.25	0.11
chr19	37761536	37762326	Cyp26c1	ENSMUSG00000062432	1860	0.17	0.23	0.18	0.27	0.16	0.2
chr19	41904421	41905440	Frat1	ENSMUSG00000067199	272	0.09	0.13	0.08	0.13	0.09	0.11
chr19	42055414	42056962	Mms19	ENSMUSG00000025159	-584	0.12	0.1	0.09	0.15	0.12	0.13
chr19	43460717	43461295	Hpse2	ENSMUSG00000074852	1795	0.14	1	0.18	0.1	0.09	0.16
chr19	45233565	45233858	Gm20424	ENSMUSG00000092346	83	0.14	0.1	0.19	0.19	0.1	0.14
chr19	45890241	45890615	Kcnip2	ENSMUSG00000025221	-135	0.1	0.28	0.08	0.15	0.14	0.15
chr19	46131024	46131807	Pprc1	ENSMUSG00000055491	386	0.09	0.12	0.09	0.15	0.09	0.1
chr19	46647605	46648082	Sfxn2	ENSMUSG00000025036	-12	0.12	0.2	0.14	0.13	0.09	0.19
chr19	47164834	47165405	Usmg5	ENSMUSG00000071528	-4	0.26	0.25	0.09	0.2	0.5	0.16
chr19	47929356	47929873	Gsto1	ENSMUSG00000025068	154	0.33	0.17	0.19	0.21	0.28	0.19
chr19	47993452	47993908	AC126679.1	ENSMUSG00000092966	83	0.09	0.45	0.11	0.12	0.11	0.13
chr19	55969913	55970116	Tcf7l2	ENSMUSG00000024985	14	0.09	0.12	0.13	0.16	0.08	0.13
chr19	56471340	56472033	Casp7	ENSMUSG00000025076	67	0.43	0.18	0.12	0.31	0.44	0.23
chr19	57388934	57389510	Ablim1	ENSMUSG00000025085	179	0.1	0.25	0.13	0.14	0.09	0.22

chr19	58935300	58935630	Hspa12a	ENSMUSG00000025092	9	0.08	0.14	0.11	0.21	0.09	0.18
chr19	60950257	60950508	Prdx3	ENSMUSG00000024997	77	0.5	1	0.12	NA	0.3	0.26
chr19	4121243	4121518	Aip	ENSMUSG00000024847	195	NA	0.06	0.12	0.08	0.11	0.19
chr19	4698274	4698576	Gm960	ENSMUSG00000071691	-110	NA	1	0.1	NA	0.14	0.5
chr19	4962333	4962567	Mrpl11	ENSMUSG00000024902	135	NA	1	0.11	0.45	0.16	0.11
chr19	5023875	5024483	Slc29a2	ENSMUSG00000024891	173	NA	NA	0.12	0.19	0.5	0.11
chr19	5845806	5846028	Neat1	ENSMUSG00000092274	-439	NA	0.2	0.16	0.2	0.22	0.16
chr19	5875034	5875449	Frmf8	ENSMUSG00000024816	-2	NA	NA	0.25	0.26	0.08	0.18
chr19	5893826	5894172	Tigd3	ENSMUSG00000044390	108	NA	0.16	0.25	0.13	0.16	0.19
chr19	6057665	6058189	Mrpl49	ENSMUSG0000007338	-176	NA	0.4	0.09	NA	NA	0.2
chr19	6996812	6997022	Esrra	ENSMUSG00000024955	-614	NA	NA	0.23	NA	NA	0.28
chr19	7026338	7026671	Bad	ENSMUSG00000024959	1247	0.5	0.4	0.08	0.14	NA	0.17
chr19	7049845	7050181	Ppp1r14b	ENSMUSG00000056612	475	NA	0.22	0.13	0.23	0.43	0.28
chr19	7557324	7557878	Rtn3	ENSMUSG00000024758	-13	NA	0.33	0.09	0.5	NA	0.39
chr19	8797479	8797899	Slc3a2	ENSMUSG00000010095	170	NA	NA	0.75	NA	NA	0.56
chr19	8911867	8912220	Bscl2	ENSMUSG00000071657	86	NA	0.25	0.13	0.12	0.24	0.33
chr19	9028213	9028518	Tut1	ENSMUSG00000071645	25	NA	NA	0.21	0.33	NA	0.08
chr19	9041359	9041848	Eef1g	ENSMUSG00000071644	72	NA	NA	0.2	NA	1	0.73
chr19	10056941	10057561	Fth1	ENSMUSG00000024661	58	NA	NA	NA	NA	1	1
chr19	10278188	10278443	Fen1	ENSMUSG00000024742	69	NA	0.11	0.08	0.15	0.06	0.17
chr19	10463161	10463405	Syt7	ENSMUSG00000024743	-297	NA	NA	NA	1	NA	NA
chr19	10679893	10680442	Dak	ENSMUSG00000034371	-245	NA	0.13	0.09	0.13	NA	0.22
chr19	17030375	17030717	Prune2	ENSMUSG00000039126	-62	NA	NA	0.16	0.1	NA	0.28
chr19	18745207	18746002	2410127L17Rik	ENSMUSG00000024726	334	NA	0.14	0.1	0.22	0.22	0.18
chr19	19184665	19185222	Rorb	ENSMUSG00000036192	743	NA	0.05	0.06	0.31	0.04	0.19
chr19	21546763	21547133	Gda	ENSMUSG00000058624	130	NA	NA	0.19	1	NA	0.5
chr19	22213337	22213791	Trpm3	ENSMUSG00000052387	-45	NA	0.2	0.11	0.14	0.07	0.07
chr19	25036063	25036318	Cbwd1	ENSMUSG00000024878	-142	NA	0.25	0.17	0.11	NA	0.11
chr19	25484469	25484852	Kank1	ENSMUSG00000032702	-97	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr19	27293380	27293615	Vldlr	ENSMUSG00000024924	1423	NA	NA	0.1	0.09	0.09	0.11

chr19	29436226	29436533	5033414D02Rik	ENSMUSG00000016495	-65	1	NA	0.09	0.17	NA	0.23
chr19	37760932	37761147	Cyp26c1	ENSMUSG00000062432	968	NA	NA	NA	1	NA	0.69
chr19	38129114	38129841	Cep55	ENSMUSG00000024989	-38	NA	0.19	0.09	0.14	0.06	0.15
chr19	40686396	40686943	Tctn3	ENSMUSG00000025008	9	NA	0.23	0.21	0.13	0.23	0.19
chr19	41876077	41876558	Arhgap19	ENSMUSG00000025154	220	0.33	0.5	0.11	0.12	NA	0.13
chr19	41970383	41970675	Rrp12	ENSMUSG00000035049	114	NA	0.33	0.11	0.21	1	0.15
chr19	45063440	45063679	Sema4g	ENSMUSG00000025207	-32	0.62	0.33	0.33	NA	NA	0.25
chr19	45310433	45310754	Lbx1	ENSMUSG00000025216	-292	NA	0.78	0.17	0.27	0.47	0.31
chr19	46221878	46222342	Pitx3	ENSMUSG00000025229	755	NA	NA	NA	NA	1	NA
chr19	46227169	46227387	Gbf1	ENSMUSG00000025224	215	NA	NA	0.11	0.26	0.16	0.15
chr19	46412864	46413275	Cuedc2	ENSMUSG00000036748	81	NA	NA	0.06	0.3	0.11	0.19
chr19	46431294	46431616	Tmem180	ENSMUSG00000025227	85	NA	NA	0.17	NA	NA	0.6
chr19	47036201	47036493	Nt5c2	ENSMUSG00000025041	494	NA	NA	NA	NA	1	NA
chr19	47654805	47655119	Slk	ENSMUSG00000025060	453	NA	1	0.15	0.21	NA	0.33
chr19	47939847	47940399	Gsto2	ENSMUSG00000025069	88	0.67	NA	0.13	0.33	NA	0.16
chr19	53604309	53604602	Dusp5	ENSMUSG00000034765	856	NA	1	0.1	0.18	0.31	0.12
chr19	60543089	60543775	Prlhr	ENSMUSG00000045052	775	NA	0.54	0.15	0.46	0.4	0.22
chr2	119568011	119569161	Itprka	ENSMUSG00000027296	513	0.27	0.06	0.12	0.13	0.09	0.16
chr2	143740541	143741568	Dstn	ENSMUSG00000015932	-2	0.56	0.21	0.13	0.15	0.13	0.18
chr2	74549899	74550452	Hoxd3	ENSMUSG00000079277	189	0.28	0.14	0.12	0.08	0.07	0.13
chr2	48669216	48670460	Acvr2a	ENSMUSG00000052155	209	0.56	0.24	0.16	0.24	0.17	0.17
chr2	20889644	20891318	Arhgap21	ENSMUSG00000036591	-370	0.5	0.22	0.11	0.16	0.17	0.17
chr2	12931596	12932918	C1ql3	ENSMUSG00000049630	1117	0.3	0.17	0.13	0.19	0.14	0.17
chr2	127657188	127657727	Bub1	ENSMUSG00000027379	83	0.9	0.39	0.09	0.48	0.22	0.14
chr2	181022263	181022866	Gmeb2	ENSMUSG00000038705	157	0.54	0.59	0.21	0.59	0.31	0.17
chr2	32836880	32837586	Slc2a8	ENSMUSG00000026791	304	0.38	0.18	0.08	0.16	0.09	0.16
chr2	33226789	33227248	Ralgps1	ENSMUSG00000038831	-28	0.37	0.11	0.09	0.11	0.1	0.15
chr2	122293270	122293860	Bambi-ps1	ENSMUSG00000081219	-303	1	0.16	0.16	0.23	0.19	0.16
chr2	128891604	128892088	Ttl	ENSMUSG00000027394	168	0.47	0.15	0.12	0.09	0.06	0.15
chr2	104966448	104967663	AI314831	ENSMUSG00000074987	-495	0.42	0.1	0.12	0.23	0.07	0.15

chr2	136941099	136943363	Jag1	ENSMUSG00000027276	149	0.46	0.28	0.18	0.19	0.29	0.15
chr2	174264241	174264578	Ctsz	ENSMUSG00000016256	8	0.63	0.13	0.09	0.17	0.14	0.16
chr2	150295820	150296024	Gm14127	ENSMUSG00000082740	-21	0.57	0.69	0.68	0.75	0.79	0.9
chr2	144194622	144195040	Csrp2bp	ENSMUSG00000027425	112	0.2	0.07	0.09	0.1	0.06	0.12
chr2	25837724	25839460	Camsap1	ENSMUSG00000026933	-16	0.17	0.14	0.08	0.18	0.07	0.14
chr2	28773198	28773665	Barhl1	ENSMUSG00000026805	-1243	0.43	0.28	0.16	0.12	0.14	0.15
chr2	148506675	148507180	Gzf1	ENSMUSG00000027439	168	0.48	0.08	0.14	0.19	0.11	0.11
chr2	125548942	125549394	Shc4	ENSMUSG00000035109	-45	0.36	0.35	0.15	0.18	0.11	0.18
chr2	26244358	26245008	Sdccag3	ENSMUSG00000026927	2	0.28	0.12	0.09	0.14	0.07	0.09
chr2	138082272	138082959	Btbd3	ENSMUSG00000062098	314	0.33	0.13	0.13	0.15	0.09	0.14
chr2	144353051	144353815	6330439K17Rik	ENSMUSG00000037259	-333	1	0.15	0.14	0.21	0.12	0.13
chr2	56966670	56967498	Nr4a2	ENSMUSG00000026826	-300	0.27	0.1	0.08	0.18	0.11	0.14
chr2	74600864	74601888	6720416L17Rik	ENSMUSG00000075277	-423	0.35	0.15	0.19	0.17	0.15	0.13
chr2	79475224	79476422	Ssfa2	ENSMUSG00000027007	314	0.27	0.24	0.13	0.14	0.08	0.17
chr2	122463474	122463743	AA467197	ENSMUSG00000033213	22	1	0.58	0.05	0.05	0.06	0.15
chr2	132607120	132607518	Chgb	ENSMUSG00000027350	305	1	0.17	0.15	0.2	0.05	0.17
chr2	164793376	164794357	Slc12a5	ENSMUSG00000017740	383	0.28	0.15	0.11	0.21	0.13	0.13
chr2	179959714	179960782	Lama5	ENSMUSG00000015647	316	0.23	0.33	0.11	0.12	0.1	0.16
chr2	104856786	104857297	Eif3m	ENSMUSG00000027170	159	0.32	0.13	0.12	0.2	0.09	0.09
chr2	62502332	62502675	Gca	ENSMUSG00000026893	161	0.92	0.42	0.15	0.17	0.28	0.14
chr2	129023907	129024972	Slc20a1	ENSMUSG00000027397	-61	0.29	0.09	0.14	0.14	0.11	0.16
chr2	34262223	34262729	Mapkap1	ENSMUSG00000038696	185	0.24	0.13	0.16	0.14	0.08	0.13
chr2	105516210	105516827	Pax6	ENSMUSG00000027168	233	0.43	0.18	0.12	0.28	0.12	0.15
chr2	73150550	73150953	Cir1	ENSMUSG00000041777	-128	0.53	0.25	0.17	0.18	0.12	0.19
chr2	125072926	125073694	Dut	ENSMUSG00000027203	384	0.28	0.1	0.1	0.15	0.07	0.11
chr2	181316464	181316765	Uckl1	ENSMUSG00000089917	63	0.58	0.18	0.08	0.28	0.19	0.1
chr2	27281229	27282872	Vav2	ENSMUSG00000009621	382	0.21	0.2	0.11	0.15	0.11	0.14
chr2	166538974	166539848	Prex1	ENSMUSG00000039621	-309	0.25	0.17	0.14	0.09	0.09	0.18
chr2	94081271	94081770	Mir129-2	ENSMUSG00000065511	90	0.53	NA	0.11	0.41	0.11	0.2
chr2	180510752	180511767	Bhlhe23	ENSMUSG00000045493	195	0.41	0.23	0.14	0.25	0.13	0.15

chr2	129626059	129627689	Stk35	ENSMUSG00000037885	621	0.26	0.17	0.14	0.19	0.12	0.17
chr2	165318358	165318945	2810408M09Rik	ENSMUSG00000039725	-35	0.67	0.06	0.09	0.08	0.03	0.15
chr2	60800185	60801366	Rbms1	ENSMUSG00000026970	474	0.41	0.24	0.13	0.12	0.14	0.13
chr2	44972560	44972808	Zeb2	ENSMUSG00000026872	231	0.17	0.26	0.26	0.15	0.85	0.14
chr2	152452708	152453308	Rem1	ENSMUSG00000000359	319	0.5	0.06	0.13	0.18	0.14	0.15
chr2	168415630	168415946	Nfatc2	ENSMUSG00000027544	-97	0.39	0.34	0.12	0.15	0.13	0.2
chr2	174110148	174110891	Gnas	ENSMUSG00000027523	-238	0.51	0.38	0.41	0.37	0.37	0.4
chr2	156688500	156689373	5430405H02Rik	ENSMUSG00000085741	-306	0.21	0.12	0.1	0.13	0.09	0.17
chr2	151805672	151806075	Fam110a	ENSMUSG00000027459	82	0.24	0.31	0.1	0.12	0.1	0.13
chr2	127412910	127413395	Mrps5	ENSMUSG00000027374	194	0.1	0.11	0.09	0.22	0.37	0.13
chr2	13976704	13977842	Ptpla	ENSMUSG00000063275	374	0.31	0.2	0.1	0.18	0.12	0.14
chr2	31427988	31428640	Fubp3	ENSMUSG00000026843	143	0.29	0.13	0.18	0.14	0.1	0.17
chr2	180655047	180655841	Ythdf1	ENSMUSG00000038848	-352	0.24	0.13	0.08	0.17	0.1	0.11
chr2	17969109	17969845	2810030E01Rik	ENSMUSG00000054074	599	0.26	0.1	0.11	0.15	0.1	0.18
chr2	73366923	73367866	Wipf1	ENSMUSG00000075284	45	0.34	0.18	0.11	0.2	0.17	0.14
chr2	84888249	84888784	Tnks1bp1	ENSMUSG00000033955	304	1	0.33	0.17	0.22	0.27	0.25
chr2	103636698	103637925	Caprin1	ENSMUSG00000027184	-610	0.26	0.15	0.14	0.13	0.08	0.17
chr2	80420726	80421822	Nckap1	ENSMUSG00000027002	44	0.21	0.12	0.13	0.14	0.1	0.16
chr2	180190986	180191710	Slco4a1	ENSMUSG00000038963	309	0.32	0.19	0.16	0.23	0.11	0.17
chr2	114000808	114001064	Aqr	ENSMUSG00000040383	46	0.32	0.13	0.1	0.16	0.11	0.09
chr2	118214078	118214613	Eif2ak4	ENSMUSG00000005102	-8	0.25	0.24	0.11	0.13	0.1	0.13
chr2	181428178	181428843	Rgs19	ENSMUSG00000002458	-174	0.14	0.17	0.12	0.11	0.05	0.13
chr2	29921606	29923066	Set	ENSMUSG00000054766	360	0.24	0.23	0.19	0.19	0.13	0.2
chr2	174152794	174156646	Gnas	ENSMUSG00000027523	1649	0.28	0.35	0.24	0.3	0.37	0.27
chr2	118571346	118572544	5430417L22Rik	ENSMUSG00000074918	451	0.14	0.12	0.07	0.12	0.09	0.11
chr2	153171160	153172495	2500004C02Rik	ENSMUSG00000073236	-281	0.29	0.21	0.15	0.18	0.14	0.17
chr2	135484780	135485739	Plcb4	ENSMUSG00000039943	-31	0.35	0.26	0.16	0.14	0.19	0.14
chr2	126959366	126959840	Ncaph	ENSMUSG00000034906	30	0.28	0.19	0.08	0.25	0.07	0.19
chr2	21063494	21063874	Gm13377	ENSMUSG00000086821	-103	0.27	0.09	0.18	0.13	0.08	0.17
chr2	143688161	143688847	Bfsp1	ENSMUSG00000027420	175	0.36	0.4	0.16	0.18	0.18	0.17

chr2	91550356	91551163	Atg13	ENSMUSG00000027244	-83	0.19	0.1	0.1	0.14	0.07	0.14
chr2	131386850	131388385	Gm14285	ENSMUSG00000087524	267	0.26	0.24	0.14	0.25	0.16	0.19
chr2	144993135	144994064	Slc24a3	ENSMUSG00000063873	109	0.29	0.22	0.11	0.19	0.17	0.11
chr2	32306433	32307109	Slc25a25	ENSMUSG00000026819	171	0.19	0.14	0.09	0.11	0.11	0.12
chr2	130249413	130250560	Fam113a	ENSMUSG00000037773	-2	0.33	0.34	0.13	0.16	0.12	0.19
chr2	152169613	152169945	Trib3	ENSMUSG00000032715	-126	0.57	0.07	0.15	0.12	0.16	0.18
chr2	12223164	12223722	Itga8	ENSMUSG00000026768	-228	0.05	0.14	0.13	0.19	0.18	0.13
chr2	13714702	13715420	St8sia6	ENSMUSG00000003418	-141	0.21	0.21	0.14	0.23	0.07	0.16
chr2	180376649	180377625	Tcf5	ENSMUSG00000038932	-85	0.22	0.17	0.1	0.14	0.13	0.12
chr2	130490037	130490403	Ddrgk1	ENSMUSG00000068290	175	0.73	0.17	0.14	0.13	0.28	0.17
chr2	154395057	154395934	E2f1	ENSMUSG00000027490	-342	0.23	0.09	0.11	0.13	0.1	0.16
chr2	22923577	22924130	Acbd5	ENSMUSG00000026781	165	0.35	0.18	0.09	0.1	0.08	0.12
chr2	92210749	92211221	Gylt1b	ENSMUSG00000040434	158	0.24	0.17	0.11	0.14	0.11	0.13
chr2	126500344	126501685	Gabpb1	ENSMUSG00000027361	61	0.25	0.19	0.12	0.15	0.14	0.16
chr2	31829700	31830264	Nup214	ENSMUSG0000001855	26	0.4	0.28	0.1	0.14	0.2	0.15
chr2	74497071	74497390	Evx2	ENSMUSG0000001815	246	0.43	0.41	0.14	0.18	0.15	0.17
chr2	120965469	120966444	Lcmt2	ENSMUSG00000074890	158	0.3	0.08	0.09	0.21	0.13	0.15
chr2	118536806	118537253	Plcb2	ENSMUSG00000040061	77	0.1	0.08	0.17	0.26	0.29	0.3
chr2	170322710	170323048	Cyp24a1	ENSMUSG00000038567	-234	0.16	0.33	0.11	0.28	0.46	0.12
chr2	30141308	30142397	Dolk	ENSMUSG00000075419	22	0.67	0.24	0.24	0.27	0.32	0.21
chr2	28496400	28497323	Tsc1	ENSMUSG00000026812	113	0.18	0.1	0.1	0.23	0.05	0.16
chr2	29820811	29821698	Spna2	ENSMUSG00000057738	174	0.09	0.19	0.07	0.16	0.23	0.11
chr2	112079407	112080042	Lpcat4	ENSMUSG00000027134	99	0.2	0.24	0.11	0.18	0.11	0.13
chr2	168426693	168427600	Nfatc2	ENSMUSG00000027544	-108	0.21	0.31	0.08	0.18	0.1	0.11
chr2	152673711	152673976	Tpx2	ENSMUSG00000027469	129	0.06	0.12	0.11	0.16	0.16	0.19
chr2	69735176	69735953	Ubr3	ENSMUSG00000044308	261	0.19	0.1	0.09	0.09	0.08	0.18
chr2	154959166	154959615	Itch	ENSMUSG00000027598	145	0.18	0.12	0.11	0.25	0.06	0.12
chr2	30327872	30330224	Ier5l	ENSMUSG00000089762	671	0.14	0.14	0.11	0.14	0.09	0.16
chr2	25356188	25356431	Fbxw5	ENSMUSG00000015095	39	0.26	0.12	0.1	0.25	0.07	0.13
chr2	32462379	32462828	St6galnac6	ENSMUSG00000026811	122	0.21	0.04	0.08	0.07	0.05	0.13

chr2	4638508	4639366	Bend7	ENSMUSG00000048186	60	0.23	0.14	0.09	0.11	0.13	0.08
chr2	6050657	6051352	5430407P10Rik	ENSMUSG00000045319	181	0.22	0.18	0.1	0.18	0.1	0.18
chr2	112333071	112333668	Aven	ENSMUSG00000003604	248	0.11	0.06	0.07	0.08	0.05	0.1
chr2	28910253	28910691	1700101E01Rik	ENSMUSG00000079502	107	0.4	0.17	0.09	0.11	0.08	0.18
chr2	122456316	122457477	Spata5l1	ENSMUSG00000074876	535	0.18	0.17	0.1	0.17	0.1	0.15
chr2	118198685	118199870	Gpr176	ENSMUSG00000040133	-122	0.15	0.09	0.06	0.06	0.06	0.11
chr2	177853748	177854144	Phactr3	ENSMUSG00000027525	62	0.34	0.18	0.11	0.16	0.12	0.14
chr2	38565798	38568055	Nr5a1	ENSMUSG00000026751	-218	0.19	0.18	0.12	0.13	0.11	0.18
chr2	49642960	49643599	Lypd6b	ENSMUSG00000026765	71	0.27	0.3	0.15	0.18	0.13	0.13
chr2	38206487	38207515	Lhx2	ENSMUSG0000000247	-287	0.16	0.15	0.09	0.16	0.08	0.11
chr2	31938789	31940264	Fam78a	ENSMUSG00000050592	-223	0.28	0.23	0.12	0.17	0.18	0.15
chr2	73052130	73052689	Ola1	ENSMUSG00000027108	-19	0.18	0.25	0.11	0.15	0.08	0.18
chr2	56975799	56976746	Nr4a2	ENSMUSG00000026826	142	0.25	0.14	0.13	0.18	0.14	0.13
chr2	131317394	131318291	Smox	ENSMUSG00000027333	342	0.14	0.19	0.13	0.17	0.22	0.16
chr2	91864217	91864788	Creb3l1	ENSMUSG00000027230	157	0.31	0.42	0.14	0.28	0.14	0.2
chr2	90419749	90421034	Ptprj	ENSMUSG00000025314	413	0.14	0.1	0.09	0.16	0.08	0.14
chr2	155969617	155970337	Romo1	ENSMUSG00000067847	202	0.32	0.15	0.14	0.2	0.12	0.19
chr2	152758507	152758764	Foxs1	ENSMUSG00000074676	309	0.79	0.82	0.85	0.9	0.93	0.93
chr2	25187705	25188616	Man1b1	ENSMUSG00000036646	302	0.34	0.18	0.14	0.13	0.14	0.15
chr2	19579166	19580745	Otud1	ENSMUSG00000043415	266	0.13	0.12	0.1	0.15	0.07	0.12
chr2	27330483	27331737	Brd3	ENSMUSG00000026918	-409	0.18	0.12	0.07	0.14	0.09	0.1
chr2	142726873	142727427	Kif16b	ENSMUSG00000038844	50	0.07	0.19	0.1	0.14	0.19	0.15
chr2	21127213	21127641	Thns1	ENSMUSG00000048550	76	0.14	0.14	0.1	0.09	0.05	0.15
chr2	25079486	25080765	Tubb4b	ENSMUSG00000036752	49	0.11	0.64	0.19	0.31	0.36	0.22
chr2	28060964	28061829	Olfm1	ENSMUSG00000026833	217	0.1	0.12	0.09	0.14	0.07	0.15
chr2	37278087	37278648	Rc3h2	ENSMUSG00000075376	22	0.17	0.23	0.1	0.13	0.07	0.21
chr2	90910234	90910798	Slc39a13	ENSMUSG00000002105	-172	0.36	0.21	0.15	0.25	0.13	0.29
chr2	181598894	181599426	Polr3k	ENSMUSG00000038628	118	1	0.33	0.13	0.17	0.12	0.21
chr2	28695363	28696520	Gtf3c4	ENSMUSG00000035666	-135	0.32	0.3	0.13	0.13	0.17	0.17
chr2	30656616	30657310	1700001O22Rik	ENSMUSG00000044320	264	0.33	0.3	0.12	0.13	0.16	0.12

chr2	131346316	131346544	Smox	ENSMUSG00000027333	508	0.8	0.89	0.89	0.82	0.97	0.93
chr2	170336877	170337386	Pfdn4	ENSMUSG00000052033	186	0.34	0.31	0.18	0.24	0.2	0.16
chr2	53937277	53938105	Rprm	ENSMUSG00000075334	272	0.32	0.12	0.06	0.17	0.12	0.2
chr2	69723555	69723834	Mettl5	ENSMUSG00000051730	-40	0.33	0.3	0.2	0.19	0.85	0.25
chr2	103659569	103659776	Gm13880	ENSMUSG00000081010	-39	0.93	0.83	0.86	0.8	0.85	0.93
chr2	118752118	118752830	Chst14	ENSMUSG00000074916	241	0.68	0.72	0.12	0.14	0.33	0.22
chr2	156005092	156006174	Rbm39	ENSMUSG00000027620	-317	0.28	0.11	0.11	0.2	0.08	0.13
chr2	77783891	77784275	Cwc22	ENSMUSG00000027014	-88	0.7	0.28	0.1	0.22	0.27	0.21
chr2	84554736	84555682	Zdhc5	ENSMUSG00000034075	-366	0.14	0.16	0.13	0.24	0.05	0.19
chr2	118872807	118873374	Casc5	ENSMUSG00000027326	235	0.48	0.1	0.12	0.08	0.2	0.15
chr2	142888666	142889010	Snrpb2	ENSMUSG00000008333	63	0.64	0.27	0.14	0.25	0.28	0.16
chr2	33497700	33498210	C130021120Rik	ENSMUSG00000052951	1104	0.2	0.17	0.17	0.22	0.08	0.23
chr2	157104598	157105402	Rpn2	ENSMUSG00000027642	247	0.12	0.17	0.13	0.12	0.08	0.13
chr2	157249713	157250413	Src	ENSMUSG00000027646	211	0.08	0.08	0.1	0.11	0.19	0.12
chr2	179776504	179778124	Psmc7	ENSMUSG00000027566	-224	0.24	0.24	0.11	0.15	0.14	0.14
chr2	180627489	180629304	Mir124a-3	ENSMUSG00000065454	-340	0.17	0.22	0.1	0.19	0.12	0.14
chr2	69560682	69561580	Ppig	ENSMUSG00000042133	269	0.13	0.21	0.1	0.19	0.21	0.16
chr2	155343610	155344099	Acsc2	ENSMUSG00000027605	170	0.13	0.12	0.11	0.23	0.3	0.22
chr2	74975480	74976211	Gm13652	ENSMUSG00000087333	10	0.13	0.06	0.11	0.18	0.05	0.13
chr2	74535989	74536871	Hoxd9	ENSMUSG00000043342	693	0.16	0.17	0.11	0.11	0.07	0.1
chr2	127161704	127162472	Dusp2	ENSMUSG00000027368	193	0.16	0.12	0.09	0.11	0.08	0.13
chr2	167757493	167758234	Ptpn1	ENSMUSG00000027540	306	0.29	0.22	0.08	0.15	0.16	0.14
chr2	25174246	25174886	Grin1	ENSMUSG00000026959	49	0.48	0.46	0.12	0.18	0.11	0.23
chr2	153458274	153458555	Commd7	ENSMUSG00000056941	43	0.57	0.16	0.11	0.14	0.15	0.22
chr2	163744197	163744942	Rims4	ENSMUSG00000035226	-150	0.35	0.26	0.1	0.2	0.19	0.13
chr2	39081239	39082012	Ppp6c	ENSMUSG00000026753	346	0.13	0.27	0.14	0.14	0.06	0.24
chr2	58998722	59000123	Ccdc148	ENSMUSG00000036641	-682	0.14	0.12	0.1	0.1	0.08	0.11
chr2	84680127	84680869	Slc43a1	ENSMUSG00000027075	142	0.66	0.25	0.15	0.31	0.36	0.21
chr2	152157898	152158214	Rbck1	ENSMUSG00000027466	64	0.4	0.68	0.23	0.16	0.22	0.19
chr2	179838025	179839485	Hrh3	ENSMUSG00000039059	-715	0.17	0.2	0.11	0.13	0.11	0.14

chr2	90687183	90687732	Mtch2	ENSMUSG00000027282	145	0.35	0.32	0.11	0.16	0.26	0.16
chr2	25471623	25472145	Gm13520	ENSMUSG00000052403	357	0.07	0.38	0.13	0.23	0.22	0.17
chr2	28302037	28302918	Ppp1r26	ENSMUSG00000035829	157	0.19	0.13	0.1	0.13	0.11	0.13
chr2	163028661	163030393	Tox2	ENSMUSG00000074607	666	0.29	0.21	0.12	0.13	0.16	0.15
chr2	164229897	164230451	Matn4	ENSMUSG00000016995	-62	1	0.63	0.06	0.2	0.3	0.17
chr2	179991701	179992554	Rps21	ENSMUSG00000039001	45	0.38	0.5	0.09	0.19	0.13	0.23
chr2	167456856	167457833	Ube2v1	ENSMUSG00000078923	123	0.24	0.19	0.1	0.16	0.14	0.14
chr2	74542784	74544061	Hoxd8	ENSMUSG00000027102	460	0.18	0.18	0.14	0.11	0.1	0.13
chr2	109517329	109517794	Bdnf	ENSMUSG00000048482	372	0.5	1	0.18	0.17	0.16	0.14
chr2	166731415	166732129	Cse1l	ENSMUSG00000002718	232	0.21	0.09	0.09	0.14	0.1	0.16
chr2	168566881	168567245	Atp9a	ENSMUSG00000027546	237	0.41	0.26	0.11	0.15	0.14	0.1
chr2	119372652	119372891	Exd1	ENSMUSG00000048647	159	0.27	0.17	0.11	0.18	0.12	0.18
chr2	133377699	133379221	Bmp2	ENSMUSG00000027358	565	0.2	0.17	0.13	0.17	0.14	0.12
chr2	156665597	156667029	Gm14230	ENSMUSG00000087179	-685	0.23	0.15	0.09	0.18	0.12	0.14
chr2	163896141	163896759	Tomm34	ENSMUSG00000018322	388	0.15	0.15	0.13	0.25	0.08	0.18
chr2	120556554	120557414	Cdan1	ENSMUSG00000027284	242	0.39	0.33	0.11	0.15	0.11	0.09
chr2	24617586	24618992	Cacna1b	ENSMUSG00000004113	278	0.17	0.14	0.15	0.24	0.28	0.14
chr2	65962044	65963174	Gaint3	ENSMUSG00000026994	442	0.3	0.23	0.12	0.17	0.21	0.11
chr2	68308924	68310554	Stk39	ENSMUSG00000027030	258	0.23	0.16	0.2	0.15	0.13	0.15
chr2	14976560	14977335	Arl5b	ENSMUSG00000017418	38	0.23	0.27	0.08	0.11	0.08	0.1
chr2	104656271	104657395	Qser1	ENSMUSG00000074994	20	0.14	0.24	0.11	0.12	0.32	0.13
chr2	71624814	71625912	Itga6	ENSMUSG00000027111	377	0.33	0.26	0.09	0.15	0.28	0.18
chr2	72314116	72315218	Cdca7	ENSMUSG00000055612	451	0.16	0.3	0.2	0.24	0.29	0.21
chr2	150612360	150612965	Pygb	ENSMUSG00000033059	191	0.56	1	0.11	0.15	0.17	0.11
chr2	153566877	153567376	Mapre1	ENSMUSG00000027479	116	0.4	0.42	0.16	0.31	0.25	0.27
chr2	164786281	164786497	Gm11459	ENSMUSG00000087503	87	0.15	0.24	0.1	0.12	0.07	0.11
chr2	168591251	168592631	Gm14261	ENSMUSG00000085322	298	0.14	0.16	0.14	0.16	0.1	0.14
chr2	24804936	24805929	Zmynd19	ENSMUSG00000026974	120	0.22	0.2	0.11	0.15	0.16	0.15
chr2	27370563	27371136	Wdr5	ENSMUSG00000026917	172	0.13	0.07	0.09	0.11	0.05	0.09
chr2	9969535	9970389	Taf3	ENSMUSG00000025782	261	0.2	0.11	0.09	0.14	0.1	0.18

chr2	150574732	150575205	Entpd6	ENSMUSG00000033068	190	0.18	0.18	0.08	0.15	0.08	0.09
chr2	151968949	151969910	Tcf15	ENSMUSG00000068079	132	0.17	0.21	0.1	0.19	0.41	0.12
chr2	126532872	126533394	Usp8	ENSMUSG00000027363	69	0.13	0.29	0.17	0.19	0.22	0.19
chr2	173562845	173563463	Vapb	ENSMUSG00000054455	142	0.17	0.22	0.08	0.13	0.35	0.13
chr2	163679405	163679837	Kcnk15	ENSMUSG00000035238	152	0.1	0.21	0.08	0.16	0.17	0.15
chr2	165329361	165329648	Slc2a10	ENSMUSG00000027661	217	0.35	0.12	0.11	0.26	0.11	0.18
chr2	168106159	168106623	Kcng1	ENSMUSG000000074575	241	0.19	0.12	0.11	0.19	0.13	0.15
chr2	25995174	25996321	C330006A16Rik	ENSMUSG000000087679	294	0.34	0.23	0.12	0.15	0.23	0.13
chr2	32817109	32817677	Lrsam1	ENSMUSG00000026792	-281	0.5	0.13	0.1	0.15	0.13	0.16
chr2	38920902	38921305	Golga1	ENSMUSG00000026754	-98	0.33	0.36	0.14	0.13	0.2	0.13
chr2	49474721	49475547	Kif5c	ENSMUSG00000026764	316	0.22	0.17	0.07	0.15	0.07	0.13
chr2	77654403	77655294	Zfp385b	ENSMUSG00000027016	25	0.31	0.2	0.16	0.17	0.18	0.18
chr2	18919071	18920261	Pip4k2a	ENSMUSG00000026737	87	0.21	0.21	0.11	0.17	0.13	0.17
chr2	92241119	92241440	Mapk8ip1	ENSMUSG00000027223	141	0.24	0.11	0.08	0.16	0.12	0.14
chr2	28438250	28438851	Gtf3c5	ENSMUSG00000026816	-42	0.15	0.05	0.08	0.14	0.07	0.11
chr2	35516681	35517687	Dab2ip	ENSMUSG00000026883	314	0.11	0.13	0.09	0.14	0.07	0.16
chr2	119583788	119584733	Ltk	ENSMUSG00000027297	-5	0.14	0.17	0.1	0.12	0.08	0.11
chr2	73224384	73224965	Gpr155	ENSMUSG00000041762	-219	0.67	0.1	0.14	0.13	0.12	0.13
chr2	163427996	163428317	Ttpal	ENSMUSG00000017679	106	0.22	0.25	0.14	0.2	0.11	0.17
chr2	140220917	140221818	Macrod2	ENSMUSG00000068205	322	0.09	0.09	0.08	0.12	0.06	0.07
chr2	164630133	164630474	Acot8	ENSMUSG00000017307	19	0.43	0.12	0.13	0.31	0.12	0.19
chr2	26865378	26865796	5930434B04Rik	ENSMUSG00000015488	141	0.38	0.32	0.13	0.18	0.12	0.19
chr2	37286181	37286659	Zbtb6	ENSMUSG00000066798	19	0.26	0.15	0.13	0.19	0.13	0.15
chr2	60719016	60719825	Rbms1	ENSMUSG00000026970	75	0.15	0.16	0.12	0.12	0.09	0.14
chr2	63022141	63022358	Kcnh7	ENSMUSG00000059742	-22	0.09	0.06	0.13	0.11	0.05	0.13
chr2	72816999	72819013	Sp3	ENSMUSG00000027109	-958	0.06	0.1	0.08	0.12	0.09	0.12
chr2	49306532	49308263	Epc2	ENSMUSG00000069495	391	0.24	0.2	0.13	0.17	0.15	0.17
chr2	124435576	124436666	Sema6d	ENSMUSG00000027200	279	0.21	0.11	0.1	0.12	0.11	0.14
chr2	156832496	156832923	Dsn1	ENSMUSG00000027635	57	0.42	0.27	0.22	0.19	0.21	0.21
chr2	180436252	180436901	Dido1	ENSMUSG00000038914	121	0.21	0.21	0.14	0.17	0.41	0.18

chr2	112219250	112219696	2410042D21Rik	ENSMUSG00000027132	105	0.12	0.11	0.09	0.16	0.06	0.12
chr2	32390552	32391453	Fam102a	ENSMUSG00000039157	150	0.21	0.22	0.13	0.12	0.11	0.13
chr2	155062204	155062642	Dynlrb1	ENSMUSG00000047459	154	0.14	0.21	0.1	0.18	0.22	0.18
chr2	35437038	35438564	Dab2ip	ENSMUSG00000026883	-559	0.15	0.12	0.1	0.15	0.1	0.16
chr2	33286292	33287141	Zbtb34	ENSMUSG00000068966	121	0.22	0.13	0.08	0.16	0.13	0.1
chr2	9802719	9803061	4930412O13Rik	ENSMUSG00000025783	11	0.1	0.08	0.15	0.15	0.19	0.17
chr2	164682331	164683249	Pltp	ENSMUSG00000017754	252	0.11	0.16	0.12	0.22	0.24	0.11
chr2	23011309	23011630	Mastl	ENSMUSG00000026779	-52	0.06	0.09	0.06	0.09	0.12	0.11
chr2	74584428	74585348	Hoxd3	ENSMUSG00000079277	1157	0.2	0.12	0.2	0.16	0.1	0.18
chr2	31701209	31702446	Fibcd1	ENSMUSG00000026841	-302	0.16	0.19	0.12	0.11	0.09	0.15
chr2	92854853	92855422	Prdm11	ENSMUSG00000075028	-1070	0.21	0.12	0.13	0.13	0.13	0.13
chr2	113688654	113688903	Arhgap11a	ENSMUSG00000041219	-6	0.27	0.22	0.11	0.24	0.08	0.31
chr2	54288428	54289370	Galnt13	ENSMUSG00000060988	171	0.14	0.15	0.09	0.12	0.1	0.16
chr2	74590945	74591459	Gm14424	ENSMUSG00000085015	461	0.47	0.63	0.18	0.29	0.29	0.16
chr2	167514052	167515684	Cebpb	ENSMUSG00000056501	453	0.17	0.11	0.09	0.12	0.12	0.13
chr2	30026933	30027655	Endog	ENSMUSG00000015337	281	0.18	0.24	0.23	0.15	0.28	0.14
chr2	71366965	71367783	Dlx1	ENSMUSG00000041911	216	0.24	0.22	0.09	0.17	0.11	0.13
chr2	132704983	132705494	Lrrn4	ENSMUSG00000043110	1389	0.36	0.09	0.09	0.1	0.16	0.1
chr2	70347242	70347545	Gm16292	ENSMUSG00000086515	-137	0.18	0.14	0.07	0.13	0.07	0.16
chr2	113597745	113598044	Grem1	ENSMUSG00000074934	909	0.08	0.25	0.09	0.33	0.22	0.13
chr2	119151637	119153129	Gm14207	ENSMUSG00000074912	-453	0.22	0.14	0.11	0.2	0.12	0.14
chr2	119500669	119501364	Rtf1	ENSMUSG00000027304	212	0.21	0.16	0.09	0.14	0.1	0.12
chr2	180323931	180324494	Ogfr	ENSMUSG00000049401	262	1	0.22	0.13	0.34	0.4	0.15
chr2	9796268	9796583	Gata3	ENSMUSG00000015619	601	0.55	0.69	0.48	0.56	0.23	0.35
chr2	32702510	32702941	Stxbp1	ENSMUSG00000026797	-41	0.16	0.07	0.06	0.15	0.04	0.17
chr2	36066356	36066592	Gm13429	ENSMUSG00000085141	182	0.67	0.17	0.13	0.15	0.24	0.22
chr2	109730742	109731425	Lin7c	ENSMUSG00000027162	73	0.35	0.48	0.13	0.18	0.21	0.15
chr2	181333448	181333991	Samd10	ENSMUSG00000038605	184	0.32	0.17	0.11	0.13	0.16	0.12
chr2	51928258	51929180	Rif1	ENSMUSG00000036202	362	0.32	0.25	0.1	0.16	0.21	0.19
chr2	179176980	179178463	Cdh4	ENSMUSG00000000305	585	0.15	0.19	0.1	0.18	0.11	0.13

chr2	157562989	157563339	Ctnnb1	ENSMUSG00000027649	27	0.17	0.08	0.11	0.16	0.05	0.19
chr2	128955133	128955584	Chchd5	ENSMUSG00000037938	-78	0.33	0.33	0.15	0.15	0.19	0.2
chr2	152512545	152512966	Mcts2	ENSMUSG00000042814	-129	0.62	0.56	0.38	0.56	0.49	0.32
chr2	127951361	127954049	Bcl2l11	ENSMUSG00000027381	931	0.12	0.13	0.13	0.12	0.09	0.14
chr2	139502984	139504596	Gm14066	ENSMUSG00000085071	-340	0.28	0.2	0.12	0.12	0.17	0.14
chr2	25280997	25281315	Fut7	ENSMUSG00000036587	988	0.35	0.81	0.43	0.24	0.62	0.75
chr2	130732003	130732712	A730017L22Rik	ENSMUSG00000085566	-265	0.06	0.23	0.08	0.17	0.1	0.13
chr2	74663813	74664418	Mtx2	ENSMUSG00000027099	255	1	0.75	0.41	0.22	0.11	0.21
chr2	24909900	24910225	Nelf	ENSMUSG00000006476	158	0.43	0.18	0.07	0.21	0.11	0.15
chr2	37558167	37559404	Strbp	ENSMUSG00000026915	-116	0.13	0.19	0.1	0.12	0.18	0.13
chr2	92299719	92300028	Slc35c1	ENSMUSG00000049922	-7	0.28	0.12	0.16	0.29	0.17	0.15
chr2	172825442	172826233	Rae1	ENSMUSG00000027509	219	0.13	0.26	0.1	0.1	0.24	0.1
chr2	152857641	152858282	Xkr7	ENSMUSG00000042631	373	0.39	0.15	0.1	0.14	0.2	0.25
chr2	83484468	83484976	Zc3h15	ENSMUSG00000027091	130	0.09	0.34	0.09	0.14	0.15	0.12
chr2	26300402	26301491	Sec16a	ENSMUSG00000026924	-226	0.17	0.23	0.11	0.17	0.1	0.11
chr2	27395740	27396040	Gm13421	ENSMUSG00000085929	-56	0.09	0.23	0.1	0.18	0.28	0.14
chr2	79296775	79297179	Neurod1	ENSMUSG00000034701	-69	0.25	0.09	0.17	0.24	0.09	0.15
chr2	118423882	118424263	Bub1b	ENSMUSG00000040084	125	0.4	0.09	0.17	0.17	0.08	0.08
chr2	160471404	160472687	Top1	ENSMUSG00000070544	421	0.17	0.11	0.12	0.15	0.12	0.14
chr2	179711206	179711942	Taf4a	ENSMUSG00000039117	-223	0.26	0.23	0.11	0.17	0.1	0.16
chr2	179906042	179906786	Adrm1	ENSMUSG00000039041	224	0.13	0.08	0.13	0.1	0.08	0.11
chr2	26883337	26883709	Slc2a6	ENSMUSG00000036067	-94	1	0.12	0.09	0.13	0.07	0.25
chr2	74495755	74496098	Evx2	ENSMUSG0000001815	1550	0.27	0.12	0.14	0.13	0.16	0.11
chr2	179853886	179854611	Osbpl2	ENSMUSG00000039050	237	0.27	0.23	0.08	0.14	0.15	0.13
chr2	38142372	38143013	Dennd1a	ENSMUSG00000035392	16	0.25	0.35	0.1	0.15	0.35	0.15
chr2	92885545	92886604	Prdm11	ENSMUSG00000075028	-346	0.22	0.19	0.09	0.1	0.16	0.12
chr2	118304894	118305576	Srp14	ENSMUSG00000009549	136	0.22	0.06	0.1	0.14	0.05	0.11
chr2	151907379	151908104	Scrt2	ENSMUSG00000060257	476	0.07	0.21	0.12	0.14	0.2	0.12
chr2	169955946	169957022	Zfp217	ENSMUSG00000052056	236	0.31	0.17	0.14	0.23	0.21	0.19
chr2	173901649	173902417	Stx16	ENSMUSG00000027522	224	0.27	0.12	0.11	0.2	0.1	0.11

chr2	174289352	174289797	Atp5e	ENSMUSG00000016252	-24	0.31	0.22	0.07	0.12	0.24	0.09
chr2	27741683	27742672	Col5a1	ENSMUSG00000026837	232	0.17	0.26	0.11	0.17	0.1	0.14
chr2	30532562	30532896	Gm14486	ENSMUSG000000087268	802	0.04	0.07	0.07	0.13	0.08	0.14
chr2	30996470	30997948	Fnbp1	ENSMUSG000000075415	113	0.15	0.15	0.11	0.15	0.11	0.16
chr2	34964855	34965253	Cep110	ENSMUSG000000057110	42	0.23	0.21	0.14	0.16	0.13	0.2
chr2	118982152	118982924	Fam82a2	ENSMUSG000000070730	22	0.14	0.19	0.08	0.16	0.1	0.13
chr2	125499095	125499378	Shc4	ENSMUSG000000035109	2	0.5	0.15	0.07	0.1	0.1	0.16
chr2	162880260	162881075	Mybl2	ENSMUSG00000017861	244	0.38	0.41	0.17	0.28	0.27	0.24
chr2	26320968	26321174	Notch1	ENSMUSG000000026923	612	0.63	0.62	0.86	0.85	0.83	0.91
chr2	26765937	26766750	Med22	ENSMUSG00000015776	-254	0.36	0.14	0.14	0.2	0.19	0.15
chr2	39045723	39046522	Scai	ENSMUSG000000035236	126	0.37	0.39	0.26	0.2	0.19	0.18
chr2	60221130	60221438	Ly75	ENSMUSG000000026980	25	0.13	0.32	0.08	0.16	0.07	0.11
chr2	71710974	71711882	Pdk1	ENSMUSG000000006494	147	0.12	0.42	0.12	0.18	0.23	0.26
chr2	87366164	87366377	Gm13736	ENSMUSG000000082908	-31	1	0.08	0.15	0.57	0.07	0.29
chr2	118726955	118728699	Bahd1	ENSMUSG000000040007	638	0.13	0.14	0.11	0.11	0.1	0.11
chr2	119979833	119980585	Ehd4	ENSMUSG000000027293	-11	0.25	0.2	0.14	0.25	0.11	0.22
chr2	125450581	125451031	Cep152	ENSMUSG000000068394	43	0.2	0.19	0.09	0.17	0.13	0.12
chr2	128512660	128513235	Anapc1	ENSMUSG000000014355	143	0.2	0.12	0.13	0.19	0.13	0.18
chr2	152776994	152777534	Dusp15	ENSMUSG000000042662	-123	0.23	0.2	0.08	0.12	0.12	0.12
chr2	157740059	157740984	Vstm2l	ENSMUSG000000037843	132	0.12	0.19	0.12	0.17	0.21	0.14
chr2	172170829	172171400	2010011I20Rik	ENSMUSG000000027495	49	0.4	0.32	0.12	0.18	0.18	0.19
chr2	180891410	180891763	Eef1a2	ENSMUSG000000016349	-98	0.12	0.11	0.08	0.13	0.06	0.08
chr2	18620283	18620853	BC061194	ENSMUSG000000037708	-60	0.23	0.09	0.13	0.16	0.13	0.22
chr2	29202296	29202700	Med27	ENSMUSG000000026799	159	0.06	0.26	0.12	0.17	0.13	0.16
chr2	76207968	76208409	Rbm45	ENSMUSG000000042369	147	0.16	0.19	0.1	0.18	0.11	0.16
chr2	91803335	91803965	Dgkz	ENSMUSG000000040479	164	0.11	0.12	0.09	0.14	0.08	0.14
chr2	104689431	104690084	Prrg4	ENSMUSG000000027171	-107	0.3	0.14	0.12	0.18	0.09	0.11
chr2	119625061	119625776	Tyro3	ENSMUSG000000027298	355	0.12	0.09	0.11	0.16	0.08	0.15
chr2	120996204	120997372	Tubgcp4	ENSMUSG000000027263	398	0.11	0.16	0.11	0.14	0.08	0.13
chr2	148498317	148498611	Nxt1	ENSMUSG000000036992	127	0.11	0.19	0.15	0.1	0.07	0.17

chr2	152934172	152934657	Hck	ENSMUSG00000003283	210	0.13	0.12	0.07	0.08	0.06	0.12
chr2	160737385	160738284	Emilin3	ENSMUSG000000050700	219	0.15	0.12	0.12	0.15	0.09	0.18
chr2	173403564	173403939	Ankrd60	ENSMUSG000000027517	-52	1	1	0.24	NA	0.48	NA
chr2	26092508	26093101	Qsox2	ENSMUSG000000036327	104	0.25	0.22	0.12	0.14	0.13	0.3
chr2	92440070	92440657	Chst1	ENSMUSG000000027221	499	0.15	0.13	0.07	0.13	0.09	0.15
chr2	127188651	127189366	Adra2b	ENSMUSG000000058620	64	0.12	0.1	0.11	0.14	0.06	0.18
chr2	131970252	131970835	Gm14051	ENSMUSG000000086756	274	0.46	0.33	0.13	0.15	0.35	0.13
chr2	23364192	23364393	Gm13331	ENSMUSG000000081519	-88	0.88	0.9	0.92	0.87	0.95	0.95
chr2	32985723	32986117	Garnl3	ENSMUSG000000038860	208	0.23	0.28	0.12	0.13	0.08	0.12
chr2	77118176	77118971	Sestd1	ENSMUSG000000042272	73	0.23	0.18	0.08	0.11	0.16	0.14
chr2	121781535	121782508	Ctdsp2	ENSMUSG000000033411	284	0.19	0.2	0.11	0.16	0.11	0.16
chr2	121853884	121855046	Eif3j	ENSMUSG000000027236	183	0.28	0.2	0.12	0.17	0.19	0.14
chr2	148220788	148221681	Sstr4	ENSMUSG000000037014	121	0.17	0.12	0.11	0.08	0.09	0.15
chr2	31543703	31544619	Abl1	ENSMUSG000000026842	265	0.44	0.17	0.13	0.14	0.27	0.13
chr2	69043915	69044352	Spc25	ENSMUSG000000005233	47	0.22	0.1	0.08	0.14	0.06	0.17
chr2	91105154	91105747	Arfgap2	ENSMUSG000000027255	0	0.11	0.1	0.1	0.13	0.07	0.12
chr2	129418931	129419414	Sirpa	ENSMUSG000000037902	231	0.17	0.67	0.1	0.06	0.06	0.18
chr2	168737694	168738043	Zfp64	ENSMUSG000000027551	265	0.33	0.08	0.14	0.16	0.22	0.22
chr2	31615307	31615551	Abl1	ENSMUSG000000026842	-34	0.5	0.45	0.09	0.11	0.26	0.11
chr2	32596948	32597353	Sh2d3c	ENSMUSG000000059013	140	0.11	0.12	0.07	0.13	0.23	0.11
chr2	34769283	34769559	Phf19	ENSMUSG000000026873	75	0.07	0.12	0.07	0.12	0.04	0.07
chr2	73110910	73112972	Sp9	ENSMUSG000000068859	1918	0.15	0.19	0.09	0.17	0.12	0.13
chr2	84726470	84727892	Rtn4rl2	ENSMUSG000000050896	-548	0.1	0.13	0.09	0.14	0.16	0.16
chr2	155340371	155340679	Ggt7	ENSMUSG000000027603	59	1	0.06	0.12	0.1	0.09	0.12
chr2	75496745	75498088	AL772404.1	ENSMUSG000000093242	115	0.16	0.14	0.13	0.17	0.11	0.12
chr2	19366963	19368271	Ptf1a	ENSMUSG000000026735	327	0.23	0.16	0.12	0.18	0.15	0.13
chr2	29643750	29644127	Coq4	ENSMUSG000000026798	159	0.15	0.22	0.13	0.26	0.34	0.28
chr2	181254919	181255681	Dnajc5	ENSMUSG000000000826	110	0.14	0.21	0.1	0.14	0.09	0.12
chr2	18615782	18616432	Gm13334	ENSMUSG000000087182	428	0.14	0.34	0.11	0.21	0.28	0.13
chr2	35477362	35477859	Dab2ip	ENSMUSG000000026883	109	0.23	0.1	0.13	0.23	0.14	0.21

chr2	79294075	79294643	Gm17325	ENSMUSG00000090313	217	0.2	0.07	0.11	0.15	0.11	0.12
chr2	115887971	115888174	Meis2	ENSMUSG00000027210	24	0.43	0.38	0.13	0.34	0.16	0.17
chr2	162756704	162758107	Srsf6	ENSMUSG00000016921	141	0.15	0.23	0.11	0.1	0.1	0.15
chr2	165058932	165060592	Cdh22	ENSMUSG00000053166	591	0.13	0.13	0.09	0.11	0.16	0.13
chr2	69423377	69424547	Lrp2	ENSMUSG00000027070	124	0.23	0.13	0.1	0.15	0.18	0.18
chr2	94246263	94246973	2810002D19Rik	ENSMUSG00000045464	310	0.29	0.08	0.13	0.16	0.22	0.17
chr2	153116963	153117423	Kif3b	ENSMUSG00000027475	44	0.13	0.16	0.09	0.13	0.1	0.11
chr2	162486165	162487172	Ptprt	ENSMUSG00000053141	-33	0.19	0.24	0.1	0.15	0.15	0.16
chr2	25050787	25051354	A830007P12Rik	ENSMUSG00000059555	1209	0.37	0.31	0.27	0.37	0.27	0.26
chr2	30270741	30272134	Crat	ENSMUSG00000026853	-584	0.13	0.14	0.09	0.08	0.08	0.09
chr2	49921820	49922524	Lypd6	ENSMUSG00000050447	190	0.25	NA	0.13	0.12	0.04	0.18
chr2	91022624	91023220	Madd	ENSMUSG00000040687	83	0.15	0.09	0.09	0.13	0.1	0.13
chr2	122527939	122528662	Slc30a4	ENSMUSG0000005802	75	0.15	0.15	0.1	0.11	0.1	0.13
chr2	167602955	167603226	Gm14321	ENSMUSG00000084797	123	0.2	0.24	0.08	0.16	0.12	0.14
chr2	10294110	10294736	Sfmbt2	ENSMUSG00000061186	214	0.39	0.41	0.11	0.14	0.26	0.22
chr2	25463275	25464128	Gm13520	ENSMUSG00000052403	289	0.12	0.06	0.09	0.12	0.08	0.14
chr2	32218207	32218911	Ciz1	ENSMUSG00000039205	29	0.13	0.17	0.1	0.17	0.07	0.18
chr2	37307576	37308050	Rabgap1	ENSMUSG00000035437	48	0.05	0.12	0.08	0.16	0.09	0.13
chr2	74513253	74513587	Hoxd12	ENSMUSG0000001823	434	0.45	0.25	0.12	0.21	0.23	0.13
chr2	118528155	118530043	Gm1337	ENSMUSG00000078137	600	0.18	0.23	0.11	0.18	0.15	0.17
chr2	127481848	127482227	Mal	ENSMUSG00000027375	-82	0.08	0.12	0.1	0.18	0.16	0.14
chr2	162769165	162769403	L3mbtl1	ENSMUSG00000035576	83	0.09	0.09	0.12	0.19	0.24	0.08
chr2	44782083	44783316	Gtdc1	ENSMUSG00000036890	-30	0.45	0.56	0.12	0.29	0.59	0.11
chr2	84679411	84679831	Slc43a1	ENSMUSG00000027075	69	0.08	0.13	0.15	0.22	0.14	0.16
chr2	104970896	104971218	Wt1	ENSMUSG00000016458	100	0.2	0.19	0.23	0.2	0.08	0.16
chr2	157193258	157193702	Manbal	ENSMUSG00000063019	150	0.15	0.19	0.15	0.19	0.08	0.13
chr2	170321572	170322299	Pfdn4	ENSMUSG00000052033	7	1	0.14	0.1	0.17	0.12	0.18
chr2	30822943	30823507	Tor1a	ENSMUSG00000026849	122	0.19	0.11	0.11	0.14	0.14	0.09
chr2	58210022	58210463	Acvr1c	ENSMUSG00000026834	-79	0.13	0.21	0.16	0.23	0.04	0.08
chr2	74520021	74521133	Hoxd11	ENSMUSG00000042499	521	0.16	0.12	0.1	0.16	0.12	0.13

chr2	90894083	90894471	Gm13778	ENSMUSG00000086495	-187	0.2	0.28	0.11	0.21	0.11	0.13
chr2	103962787	103963504	A930018P22Rik	ENSMUSG00000032671	219	0.15	0.24	0.12	0.15	0.09	0.1
chr2	104397065	104397065	Gm13884	ENSMUSG00000082379	114	0.95	0.9	0.88	0.91	0.89	0.96
chr2	109757715	109758529	Lgr4	ENSMUSG00000050199	318	0.07	0.09	0.08	0.1	0.08	0.11
chr2	126758715	126759037	2010106G01Rik	ENSMUSG00000027366	95	0.57	0.22	0.23	0.24	0.29	0.25
chr2	130121161	130121964	Ebf4	ENSMUSG00000053552	-113	0.06	0.13	0.06	0.15	0.09	0.09
chr2	130275853	130276510	Ptpra	ENSMUSG00000027303	167	0.13	0.19	0.09	0.15	0.07	0.15
chr2	139892132	139892686	Tasp1	ENSMUSG00000039033	87	0.21	0.4	0.15	0.22	0.1	0.3
chr2	11093724	11094080	Prkcq	ENSMUSG00000026778	162	0.43	0.41	0.1	0.27	0.3	0.21
chr2	36086088	36086392	Ptgs1	ENSMUSG00000047250	164	0.5	NA	0.1	0.23	0.11	0.27
chr2	132672292	132672993	Cr1s1	ENSMUSG00000027357	240	0.27	0.17	0.12	0.18	0.21	0.18
chr2	156246336	156247122	Epb4.111	ENSMUSG00000027624	84	0.14	0.15	0.12	0.11	0.06	0.16
chr2	167328783	167329749	Rnf114	ENSMUSG00000006418	320	0.15	0.3	0.12	0.16	0.2	0.17
chr2	179805226	179805496	Gtpbp5	ENSMUSG00000039069	68	0.11	0.12	0.1	0.12	0.06	0.08
chr2	22477697	22479396	Gad2	ENSMUSG00000026787	821	0.11	0.07	0.13	0.19	0.08	0.17
chr2	32167444	32168369	Dnm1	ENSMUSG00000026825	-121	0.52	0.36	0.17	0.29	0.41	0.33
chr2	33494719	33496834	Lmx1b	ENSMUSG00000038765	224	0.13	0.18	0.12	0.22	0.11	0.15
chr2	35192130	35192631	Stom	ENSMUSG00000026880	116	0.18	0.25	0.07	0.2	0.1	0.11
chr2	130889161	130889488	Adam33	ENSMUSG00000027318	-75	0.08	0.17	0.22	0.33	1	0.1
chr2	143835739	143837372	Rrbp1	ENSMUSG00000027422	444	0.13	0.17	0.11	0.15	0.15	0.14
chr2	34226574	34227750	Pbx3	ENSMUSG00000038718	-390	0.11	0.18	0.1	0.14	0.09	0.12
chr2	131178186	131178896	Rnf24	ENSMUSG00000048911	57	0.08	0.21	0.18	0.17	0.16	0.14
chr2	153353593	153356345	8430427H17Rik	ENSMUSG00000061411	738	0.13	0.12	0.12	0.13	0.15	0.1
chr2	26442208	26442544	Egfl7	ENSMUSG00000026921	167	0.13	0.32	0.1	0.13	0.08	0.16
chr2	74416586	74417195	Lnp	ENSMUSG00000009207	47	0.29	0.33	0.11	0.1	0.18	0.17
chr2	127095466	127096585	Gm10766	ENSMUSG00000074822	-257	0.23	0.27	0.17	0.19	0.16	0.13
chr2	180921950	180922640	Ppdpf	ENSMUSG00000016344	343	0.06	0.2	0.16	0.27	0.17	0.2
chr2	25947028	25947552	Nacc2	ENSMUSG00000026932	49	0.1	0.1	0.1	0.15	0.07	0.14
chr2	71382191	71384980	Dlx2	ENSMUSG00000023391	422	0.13	0.13	0.12	0.15	0.1	0.16
chr2	123916247	123916458	Sema6d	ENSMUSG00000027200	647	0.2	0.22	0.16	0.2	0.11	0.17

chr2	153475167	153475666	Dnmt3b	ENSMUSG00000027478	230	0.18	0.09	0.09	0.14	0.15	0.12
chr2	38780777	38781860	Nr6a1	ENSMUSG00000063972	419	0.11	0.11	0.12	0.2	0.08	0.19
chr2	66094416	66094900	Ttc21b	ENSMUSG00000034848	-9	0.17	0.12	0.15	0.18	0.1	0.08
chr2	70313172	70315245	Sp5	ENSMUSG00000075304	1228	0.18	0.28	0.17	0.23	0.15	0.12
chr2	93027531	93028861	Trp53i11	ENSMUSG00000068735	491	0.18	0.12	0.11	0.13	0.14	0.16
chr2	119419967	119420453	1700020I14Rik	ENSMUSG00000085438	177	0.13	0.24	0.08	0.14	0.19	0.13
chr2	147019595	147020930	Nkx2-2	ENSMUSG00000027434	-284	0.19	0.21	0.11	0.12	0.1	0.14
chr2	28323484	28323920	Mrps2	ENSMUSG00000035772	116	0.1	0.09	0.08	0.14	0.06	0.14
chr2	31101077	31102033	Ncs1	ENSMUSG00000062661	212	0.16	0.12	0.11	0.11	0.19	0.11
chr2	145728854	145729317	Naa20	ENSMUSG0000002728	108	0.26	0.12	0.1	0.08	0.2	0.16
chr2	155207395	155208068	Trp53inp2	ENSMUSG00000038375	181	0.2	0.32	0.11	0.2	0.16	0.2
chr2	172265816	172266290	2410001C21Rik	ENSMUSG00000027502	-3	0.33	0.1	0.15	0.2	0.15	0.16
chr2	180773581	180773940	Chrna4	ENSMUSG00000027577	132	0.14	0.07	0.11	0.19	0.11	0.09
chr2	17985829	17987250	Milt10	ENSMUSG00000026743	518	0.24	0.3	0.11	0.18	0.2	0.17
chr2	25284014	25284597	Abca2	ENSMUSG00000026944	82	0.07	0.06	0.07	0.08	0.06	0.12
chr2	32567695	32568778	Cdk9	ENSMUSG00000009555	-463	0.13	0.16	0.1	0.17	0.11	0.16
chr2	51003071	51003735	Rnd3	ENSMUSG00000017144	1211	0.08	0.1	0.08	0.14	0.05	0.14
chr2	93796091	93797410	Gm13889	ENSMUSG00000075021	534	0.15	0.19	0.14	0.2	0.12	0.15
chr2	112295030	112295499	2900064A13Rik	ENSMUSG00000055943	110	0.27	1	0.13	0.1	0.12	0.19
chr2	114026901	114027236	Zfp770	ENSMUSG00000040321	108	0.08	0.17	0.09	0.08	0.21	0.12
chr2	160191118	160193371	Maftb	ENSMUSG00000074622	557	0.15	0.15	0.12	0.18	0.12	0.17
chr2	5058655	5059139	Ccdc3	ENSMUSG00000026676	75	0.07	0.1	0.07	0.07	0.05	0.1
chr2	29602769	29603166	Gm13420	ENSMUSG00000079497	-197	0.18	0.18	0.1	0.18	0.14	0.09
chr2	33742507	33743209	Fam125b	ENSMUSG00000038740	144	0.2	0.14	0.14	0.17	0.15	0.12
chr2	131004903	131005600	Cenpb	ENSMUSG00000068267	361	0.08	0.12	0.09	0.12	0.13	0.12
chr2	131087981	131088614	Pank2	ENSMUSG00000037514	66	0.17	0.39	0.14	0.38	0.22	0.23
chr2	179759014	179760536	Lsm14b	ENSMUSG00000039108	83	0.11	0.27	0.14	0.18	0.14	0.13
chr2	44964834	44965853	Zeb2	ENSMUSG00000026872	421	0.25	0.21	0.12	0.22	0.19	0.16
chr2	76513117	76513847	Plekha3	ENSMUSG00000002733	144	0.15	0.15	0.09	0.15	0.13	0.11
chr2	91297635	91298219	Lrp4	ENSMUSG00000027253	259	0.16	0.4	0.13	0.24	0.24	0.17

chr2	105512684	105512957	Pax6	ENSMUSG00000027168	803	0.15	0.26	0.09	0.27	0.05	0.18
chr2	106533450	106534749	Mpped2	ENSMUSG00000016386	673	0.13	0.14	0.11	0.1	0.1	0.12
chr2	173484903	173485840	Ppp4r11-ps	ENSMUSG00000055897	-366	0.32	0.24	0.13	0.16	0.22	0.18
chr2	26771769	26772402	Surf1	ENSMUSG00000015790	-265	0.32	0.38	0.1	0.22	0.21	0.19
chr2	30837176	30838168	BC005624	ENSMUSG00000026851	-211	0.12	0.11	0.12	0.18	0.08	0.11
chr2	102026152	102026590	Ldlrad3	ENSMUSG00000048058	144	0.09	0.05	0.08	0.11	0.06	0.15
chr2	104333428	104334849	Hipk3	ENSMUSG00000027177	-291	0.13	0.15	0.11	0.1	0.11	0.12
chr2	122194363	122194737	Shf	ENSMUSG00000033256	18	0.67	0.57	0.12	0.21	0.53	0.17
chr2	166630843	166631487	Argef2	ENSMUSG00000074582	77	0.14	0.26	0.08	0.11	0.09	0.13
chr2	14525635	14526657	Cacnb2	ENSMUSG00000057914	213	0.14	0.33	0.11	0.17	0.08	0.16
chr2	71205575	71205830	Slc25a12	ENSMUSG00000027010	-112	0.14	0.07	0.09	0.12	0.08	0.15
chr2	92273974	92274542	Cry2	ENSMUSG00000068742	-65	0.3	0.67	0.14	0.16	0.12	0.16
chr2	109120771	109121268	Mettl15	ENSMUSG00000057234	-160	0.12	0.09	0.13	0.15	0.07	0.13
chr2	139996229	139996732	Esf1	ENSMUSG00000045624	-195	0.15	0.12	0.1	0.14	0.08	0.11
chr2	5871916	5872147	Upf2	ENSMUSG00000043241	-484	0.75	1	0.57	0.5	1	0.43
chr2	28048459	28048930	Olfm1	ENSMUSG00000026833	182	0.11	0.22	0.09	0.15	0.07	0.08
chr2	52279778	52280388	Arl5a	ENSMUSG00000036093	338	0.31	0.38	0.13	0.14	0.24	0.15
chr2	90623168	90623422	Agbl2	ENSMUSG00000040812	-100	0.07	0.1	0.07	0.11	0.23	0.26
chr2	118938435	118938916	Rad51	ENSMUSG00000027323	146	0.04	0.16	0.08	0.18	0.06	0.15
chr2	164704816	164705615	Pcif1	ENSMUSG00000039849	350	0.18	0.17	0.12	0.12	0.15	0.13
chr2	168094018	168094729	Kcng1	ENSMUSG00000074575	458	0.89	0.87	0.7	0.66	0.85	0.79
chr2	3429792	3430554	Hspa14	ENSMUSG00000051396	-158	0.14	0.21	0.11	0.17	0.22	0.17
chr2	157385786	157386317	Nnat	ENSMUSG00000067786	237	0.47	0.5	0.39	0.57	0.43	0.49
chr2	6793297	6793960	Celf2	ENSMUSG00000002107	15	0.11	0.12	0.08	0.1	0.08	0.08
chr2	53050011	53051550	Prpf40a	ENSMUSG00000061136	-542	0.62	0.36	0.14	0.15	0.48	0.14
chr2	119443908	119444388	Nusap1	ENSMUSG00000027306	114	0.33	0.41	0.23	1	0.46	0.13
chr2	121274759	121275810	Serf2	ENSMUSG00000074884	353	0.18	0.14	0.1	0.11	0.15	0.14
chr2	147009645	147010289	Nkx2-2as	ENSMUSG00000086509	148	0.14	0.31	0.12	0.27	0.09	0.12
chr2	152840870	152841217	Pdrg1	ENSMUSG00000027472	35	0.5	0.11	0.09	0.19	0.31	0.23
chr2	164611108	164611889	Snx21	ENSMUSG00000050373	175	0.11	0.12	0.09	0.16	0.08	0.14

chr2	166821196	166821941	Stau1	ENSMUSG00000039536	35	0.17	0.11	0.09	0.1	0.22	0.13
chr2	11524506	11524934	Rbm17	ENSMUSG00000037197	37	0.1	0.16	0.1	0.09	0.07	0.13
chr2	31169601	31170247	Hmcn2	ENSMUSG00000055632	-11	0.13	0.07	0.09	0.14	0.1	0.14
chr2	32250994	32252227	Ptges2	ENSMUSG00000026820	194	0.4	0.12	0.11	0.15	0.16	0.19
chr2	35055749	35056887	Rab14	ENSMUSG00000026878	-9	0.1	0.14	0.1	0.13	0.08	0.11
chr2	35834632	35835385	Tlll1	ENSMUSG00000026885	136	0.1	0.11	0.08	0.12	0.08	0.11
chr2	61643110	61643957	Tbr1	ENSMUSG00000035033	-786	0.04	0.08	0.2	0.2	0.07	0.14
chr2	155101878	155102847	Map1lc3a	ENSMUSG00000027602	329	0.13	0.2	0.13	0.15	0.16	0.16
chr2	174298051	174298709	Slmo2	ENSMUSG00000016257	12	0.47	0.81	0.16	0.28	0.38	0.27
chr2	48804483	48804861	Orc4	ENSMUSG00000026761	79	0.17	0.29	0.12	0.13	0.09	0.15
chr2	78708697	78710173	Ube2e3	ENSMUSG00000027011	231	0.19	0.23	0.09	0.11	0.16	0.13
chr2	126378658	126379242	Slc27a2	ENSMUSG00000027359	-376	0.11	0.11	0.12	0.13	0.14	0.12
chr2	32442459	32442837	St6galnac4	ENSMUSG00000079442	33	0.15	0.24	0.11	0.22	0.09	0.12
chr2	104582610	104583108	Depdc7	ENSMUSG00000027173	176	0.27	0.11	0.07	0.15	0.14	0.14
chr2	125977658	125978238	4930525F21Rik	ENSMUSG00000027209	-228	0.21	0.15	0.1	0.21	0.13	0.15
chr2	12340400	12341121	Fam188a	ENSMUSG00000026767	116	0.15	0.17	0.12	0.14	0.19	0.14
chr2	18313868	18314521	Dnajc1	ENSMUSG00000026740	-147	0.14	0.23	0.1	0.16	0.1	0.12
chr2	25430152	25430462	Mamdc4	ENSMUSG00000026941	58	0.2	0.17	0.13	0.12	0.39	0.15
chr2	130468137	130468716	Prosapip1	ENSMUSG00000037703	113	0.1	0.18	0.1	0.14	0.13	0.14
chr2	25413177	25413660	Edf1	ENSMUSG00000015092	51	0.19	0.16	0.11	0.11	0.24	0.12
chr2	70955923	70956430	Cybrd1	ENSMUSG00000027015	196	0.18	0.23	0.1	0.19	0.29	0.12
chr2	75541643	75543008	Nfe2l2	ENSMUSG00000015839	221	0.14	0.18	0.08	0.24	0.18	0.16
chr2	76244166	76245594	Osbpl6	ENSMUSG00000042359	315	0.15	0.17	0.11	0.15	0.18	0.12
chr2	91761628	91762529	Chrm4	ENSMUSG00000040495	-268	0.14	0.13	0.1	0.15	0.08	0.15
chr2	116946249	116947693	Spred1	ENSMUSG00000027351	-139	0.09	0.1	0.07	0.09	0.07	0.13
chr2	147869612	147872701	Foxa2	ENSMUSG00000037025	44	0.11	0.13	0.14	0.17	0.12	0.18
chr2	152222464	152224736	Sox12	ENSMUSG00000051817	182	0.09	0.09	0.09	0.16	0.11	0.14
chr2	11422928	11423838	Pfkfb3	ENSMUSG00000026773	-56	0.32	0.33	0.11	0.23	0.24	0.16
chr2	25066412	25067110	Cobra1	ENSMUSG00000013465	140	1	1	0.15	0.28	0.21	0.19
chr2	34655274	34655480	Rabepk	ENSMUSG00000070953	-103	0.22	0.22	0.14	0.2	0.14	0.16

chr2	120834076	120834377	Ccndbp1	ENSMUSG00000023572	87	0.19	0.35	0.12	0.16	0.25	0.12
chr2	154899820	154900212	Ahcy	ENSMUSG00000027597	167	0.12	0.15	0.12	0.21	0.08	0.11
chr2	160556742	160557862	Plcg1	ENSMUSG00000016933	266	0.14	0.22	0.1	0.15	0.09	0.13
chr2	160713497	160713965	Gm16751	ENSMUSG00000085303	33	0.38	1	0.19	0.26	0.48	0.23
chr2	4802709	4803691	Sephs1	ENSMUSG00000026662	-91	0.14	0.11	0.12	0.17	0.12	0.15
chr2	25036146	25037490	Nrarp	ENSMUSG00000078202	540	0.15	0.14	0.15	0.12	0.13	0.15
chr2	61431061	61431649	Tank	ENSMUSG00000064289	221	0.08	0.09	0.1	0.15	0.05	0.12
chr2	84499083	84499478	Gm13718	ENSMUSG00000086598	44	0.92	0.93	0.81	0.93	0.89	0.96
chr2	132770725	132771339	Fermt1	ENSMUSG00000027356	333	0.18	0.16	0.32	0.56	0.12	0.21
chr2	158436479	158437350	Slc32a1	ENSMUSG00000037771	420	0.1	0.38	0.09	0.16	0.18	0.07
chr2	165817968	165819039	Gm11464	ENSMUSG00000087351	-486	0.12	0.13	0.14	0.2	0.1	0.15
chr2	25227675	25228511	2010317E24Rik	ENSMUSG00000026955	252	0.11	0.16	0.12	0.13	0.08	0.18
chr2	73748680	73749425	Atp5g3	ENSMUSG00000018770	287	0.11	0.09	0.09	0.13	0.08	0.14
chr2	75670187	75670614	Agps	ENSMUSG00000042410	166	0.1	0.09	0.09	0.1	0.24	0.08
chr2	130099789	130100551	Nop56	ENSMUSG00000027405	4	0.09	0.1	0.1	0.12	0.14	0.1
chr2	163575516	163576062	Ada	ENSMUSG00000017697	186	0.17	0.41	0.12	0.16	0.24	0.25
chr2	25147675	25147999	E130003G02Rik	ENSMUSG00000085830	1097	0.2	0.4	0.19	0.27	0.14	0.28
chr2	32549297	32549854	Fpgs	ENSMUSG00000009566	80	0.09	0.13	0.09	0.12	0.12	0.15
chr2	105508926	105509264	Pax6	ENSMUSG00000027168	42	0.1	0.11	0.07	0.13	0.07	0.14
chr2	126701367	126702259	Trpm7	ENSMUSG00000027365	40	0.13	0.09	0.08	0.18	0.15	0.15
chr2	130665379	130666132	4930402H24Rik	ENSMUSG00000027309	-332	0.12	0.15	0.12	0.11	0.16	0.17
chr2	134611723	134612540	Plcb1	ENSMUSG00000051177	236	0.17	0.13	0.08	0.19	0.12	0.11
chr2	154261865	154262731	Cbfa2l2	ENSMUSG00000038533	81	0.19	0.34	0.26	0.29	0.14	0.21
chr2	158620376	158620798	Dhx35	ENSMUSG00000027655	44	0.1	0.07	0.11	0.13	0.07	0.15
chr2	168055244	168057238	Dpm1	ENSMUSG00000078919	-665	0.19	0.14	0.13	0.15	0.17	0.17
chr2	9803880	9804727	4930412O13Rik	ENSMUSG00000025783	40	0.13	0.23	0.14	0.16	0.1	0.21
chr2	84877212	84877779	Ssrp1	ENSMUSG00000027067	140	0.11	0.07	0.15	0.11	0.07	0.15
chr2	91899628	91900269	2900072N19Rik	ENSMUSG00000087018	-422	0.12	0.31	0.11	0.15	0.16	0.16
chr2	105238857	105239605	Rcn1	ENSMUSG00000005973	245	0.16	0.33	0.08	0.16	0.13	0.18
chr2	155517582	155518184	Trpc4ap	ENSMUSG00000038324	-24	0.12	0.22	0.1	0.12	0.15	0.15

chr2	155601427	155601632	Mmp24	ENSMUSG00000027612	451	0.09	0.55	0.08	0.12	0.15	0.13
chr2	158593858	158594344	Fam83d	ENSMUSG00000027654	272	0.11	0.12	0.17	0.18	0.18	0.19
chr2	164659397	164659685	Ctsa	ENSMUSG00000017760	11	0.14	0.92	0.13	0.15	0.18	0.17
chr2	167363367	167364470	Snai1	ENSMUSG00000042821	223	0.23	0.29	0.18	0.16	0.2	0.22
chr2	29917383	29917793	Set	ENSMUSG00000054766	215	0.12	0.08	0.11	0.13	0.06	0.12
chr2	32006380	32007164	Prrc2b	ENSMUSG00000039262	170	0.33	0.38	0.2	0.25	0.28	0.16
chr2	154438851	154439704	Zfp341	ENSMUSG00000059842	244	0.16	0.12	0.12	0.18	0.13	0.14
chr2	157029722	157030755	Rbl1	ENSMUSG00000027641	10	0.17	0.24	0.1	0.17	0.13	0.14
chr2	160698084	160699010	Zhx3	ENSMUSG00000035877	-239	0.09	0.1	0.09	0.11	0.08	0.12
chr2	181193207	181195236	Zbtb46	ENSMUSG00000027583	-137	0.15	0.19	0.1	0.13	0.13	0.13
chr2	74570762	74571094	Hoxd3	ENSMUSG00000079277	-43	0.09	0.09	0.09	0.17	0.5	0.16
chr2	120434972	120435317	Lrrc57	ENSMUSG00000027286	-106	0.15	0.08	0.09	0.18	0.08	0.22
chr2	126834347	126834792	Ap4e1	ENSMUSG00000001998	116	0.17	0.18	0.14	0.18	0.12	0.18
chr2	127033969	127034340	1810024B03Rik	ENSMUSG00000044145	-164	0.16	0.28	0.18	0.2	0.12	0.17
chr2	173935524	173936332	Npepl1	ENSMUSG00000039263	78	0.15	0.14	0.11	0.15	0.13	0.12
chr2	28771398	28771854	Barhl1	ENSMUSG00000026805	306	1	1	0.38	0.25	0.5	0.2
chr2	29475399	29475705	Rapgef1	ENSMUSG00000039844	122	0.22	0.36	0.14	0.1	0.1	0.11
chr2	30061366	30061643	Ccb1	ENSMUSG00000039648	-137	0.27	0.25	0.17	0.4	0.15	0.22
chr2	61549619	61550020	Psmc14	ENSMUSG00000026914	68	0.16	0.07	0.08	0.1	0.09	0.12
chr2	70662796	70663696	Tik1	ENSMUSG00000041997	39	0.21	0.12	0.09	0.18	0.16	0.11
chr2	118375184	118375435	Bmf	ENSMUSG00000040093	89	0.09	0.07	0.11	0.12	0.07	0.1
chr2	180068382	180069716	Gata5	ENSMUSG00000015627	210	0.19	0.12	0.1	0.18	0.16	0.15
chr2	29989180	29989560	Tbc1d13	ENSMUSG00000039678	104	0.17	0.08	0.09	0.15	0.11	0.11
chr2	168031858	168032980	Adnp	ENSMUSG00000051149	-210	0.12	0.11	0.08	0.11	0.11	0.12
chr2	117168382	117168799	Rasgrp1	ENSMUSG00000027347	-145	0.06	0.1	0.15	0.09	0.08	0.11
chr2	132403315	132404019	Gpcpd1	ENSMUSG00000027346	202	0.18	0.29	0.11	0.2	0.14	0.23
chr2	154375197	154375705	1700003F12Rik	ENSMUSG00000038523	788	0.33	1	0.29	NA	1	0.42
chr2	155833632	155834037	6430550D23Rik	ENSMUSG00000074646	-191	0.28	0.5	0.13	0.19	0.17	0.2
chr2	165151530	165152155	Elmo2	ENSMUSG00000017670	137	0.18	0.21	0.14	0.21	0.15	0.22
chr2	6243430	6244591	Usp6nl	ENSMUSG00000039046	297	0.1	0.13	0.08	0.15	0.09	0.09

chr2	25110674	25111398	Ndor1	ENSMUSG00000006471	-255	0.3	0.12	0.15	0.19	0.18	0.2
chr2	26357909	26359513	Notch1	ENSMUSG00000026923	631	0.17	0.33	0.15	0.2	0.23	0.14
chr2	29658105	29658642	Sic27a4	ENSMUSG00000059316	219	0.11	0.07	0.1	0.1	0.08	0.14
chr2	52531161	52532129	Cacnb4	ENSMUSG00000017412	17	0.12	0.11	0.14	0.16	0.1	0.12
chr2	128689566	128689938	Fbln7	ENSMUSG00000027386	84	0.06	0.06	0.03	0.06	0.12	0.16
chr2	144096066	144096901	Snx5	ENSMUSG00000027423	-175	0.13	0.14	0.09	0.11	0.12	0.12
chr2	153318026	153318511	8430427H17Rik	ENSMUSG00000061411	-15	0.22	0.15	0.16	0.14	0.14	0.12
chr2	164595126	164595604	Gm11457	ENSMUSG00000086453	-199	0.12	0.07	0.1	0.19	0.19	0.23
chr2	164736138	164737430	Gm11458	ENSMUSG00000085436	-70	0.32	0.3	0.16	0.18	0.35	0.17
chr2	168590555	168590772	Sall4	ENSMUSG00000027547	83	0.06	0.15	0.09	0.19	0.17	0.19
chr2	104551805	104552622	Tcp111	ENSMUSG00000027175	37	0.11	0.11	0.1	0.11	0.08	0.12
chr2	151527730	151528723	5430405G05Rik	ENSMUSG00000044364	482	0.28	0.2	0.1	0.16	0.25	0.1
chr2	5863568	5863849	Dhtkd1	ENSMUSG00000025815	81	0.11	0.22	0.1	0.21	0.08	0.14
chr2	34609373	34610068	Gapvd1	ENSMUSG00000026867	211	0.17	0.15	0.1	0.14	0.14	0.12
chr2	93482754	93483805	Alx4	ENSMUSG00000040310	734	0.17	0.23	0.11	0.13	0.15	0.12
chr2	112207883	112208221	Tmem85	ENSMUSG00000027131	125	0.24	0.17	0.11	0.19	0.18	0.15
chr2	26207279	26208148	Dnlz	ENSMUSG00000075467	-93	0.18	0.1	0.1	0.21	0.15	0.15
chr2	29948954	29949475	Zdhhc12	ENSMUSG00000015335	-78	0.12	0.19	0.09	0.1	0.21	0.1
chr2	52716665	52717914	Fmnl2	ENSMUSG00000036053	395	0.13	0.15	0.14	0.12	0.12	0.15
chr2	113839099	113839559	A530058N18Rik	ENSMUSG00000092201	30	0.1	0.08	0.1	0.13	0.05	0.14
chr2	157391660	157391988	Blcap	ENSMUSG00000067787	243	0.14	0.11	0.13	0.15	0.08	0.16
chr2	160934254	160935412	Chd6	ENSMUSG00000057133	-93	0.1	0.1	0.12	0.15	0.09	0.14
chr2	168780389	168781096	Zfp64	ENSMUSG00000027551	17	0.18	0.15	0.13	0.36	0.23	0.24
chr2	5872337	5873004	Upf2	ENSMUSG00000043241	155	0.1	0.22	0.15	0.16	0.14	0.16
chr2	94277609	94278412	Api5	ENSMUSG00000027193	115	0.14	0.12	0.2	0.16	0.12	0.15
chr2	130389302	130390050	Mrps26	ENSMUSG00000037740	198	0.21	0.23	0.1	0.21	0.26	0.14
chr2	150729927	150730559	Abhd12	ENSMUSG00000032046	140	0.14	0.13	0.06	0.12	0.09	0.15
chr2	165213449	165213834	Zfp334	ENSMUSG00000017667	118	0.2	0.12	0.1	0.13	0.31	0.15
chr2	59449910	59450804	Tanc1	ENSMUSG00000035168	258	0.11	0.17	0.13	0.14	0.1	0.13
chr2	130493298	130493654	Itpa	ENSMUSG00000074797	130	0.09	0.31	0.1	0.16	0.12	0.15

chr2	156137649	156138545	4921517L17Rik	ENSMUSG00000038085	62	0.13	0.1	0.11	0.19	0.12	0.15
chr2	178141930	178142355	Sycp2	ENSMUSG00000060445	-15	1	1	0.93	0.95	0.96	0.86
chr2	26264361	26264848	Inpp5e	ENSMUSG00000026925	43	0.27	0.2	0.14	0.11	0.34	0.16
chr2	27531959	27533449	Rxra	ENSMUSG00000015846	744	0.18	0.13	0.12	0.16	0.2	0.14
chr2	35904756	35904957	Ndufa8	ENSMUSG00000026895	70	0.29	0.62	0.08	0.22	0.12	0.33
chr2	70893609	70894336	Mettl8	ENSMUSG00000041975	-343	1	0.1	0.14	0.19	0.29	0.15
chr2	151668501	151668782	Rspo4	ENSMUSG00000032852	-22	0.07	0.19	0.09	0.16	0.14	0.15
chr2	26483707	26484305	Fam69b	ENSMUSG00000036186	29	0.12	0.22	0.1	0.15	0.14	0.14
chr2	31805629	31806120	Aif1l	ENSMUSG00000001864	94	0.08	0.16	0.08	0.17	0.11	0.14
chr2	64860478	64861109	Grb14	ENSMUSG00000026888	46	0.11	0.14	0.09	0.13	0.09	0.09
chr2	130522638	130523525	Slc4a11	ENSMUSG000000074796	124	0.08	0.13	0.12	0.2	0.09	0.14
chr2	153271243	153271567	8430427H17Rik	ENSMUSG000000061411	-88	0.15	0.18	0.15	0.14	0.09	0.21
chr2	155554911	15555182	Edem2	ENSMUSG00000038312	165	0.25	0.25	0.07	0.2	0.13	0.16
chr2	171867563	171868977	Cbln4	ENSMUSG00000067578	696	0.14	0.12	0.08	0.17	0.12	0.15
chr2	32731842	32732087	Fam129b	ENSMUSG000000026796	330	0.2	0.14	0.1	0.18	0.13	0.06
chr2	80155564	80156213	Dnajc10	ENSMUSG00000027006	265	0.06	0.07	0.08	0.08	0.07	0.13
chr2	91805610	91805873	Dgkz	ENSMUSG00000040479	3	1	1	0.6	0.43	0.27	0.68
chr2	102913535	102914097	Pdhx	ENSMUSG00000010914	-197	0.15	0.06	0.14	0.25	0.07	0.2
chr2	118502661	118503417	Pak6	ENSMUSG00000074923	74	0.1	0.1	0.18	0.12	0.12	0.15
chr2	144156385	144157948	Ovol2	ENSMUSG00000037279	-104	0.12	0.17	0.09	0.15	0.11	0.13
chr2	145760100	145760825	Crnk1	ENSMUSG00000001767	-12	0.18	0.09	0.14	0.17	0.13	0.14
chr2	156960405	156961065	Samhd1	ENSMUSG00000027639	-62	0.22	0.09	0.11	0.12	0.14	0.11
chr2	25097593	25098029	Rnf208	ENSMUSG00000044628	36	0.17	0.1	0.13	0.11	0.11	0.08
chr2	28980205	28981177	Setx	ENSMUSG00000043535	179	0.18	0.15	0.08	0.15	0.21	0.2
chr2	91490084	91490578	Arhgap1	ENSMUSG00000027247	56	0.13	0.06	0.17	0.18	0.09	0.16
chr2	102290439	102292015	Fjx1	ENSMUSG000000075012	722	0.16	0.18	0.11	0.16	0.15	0.18
chr2	104250028	104251023	D430041D05Rik	ENSMUSG000000068373	-376	0.17	0.15	0.08	0.14	0.16	0.1
chr2	124948884	124949567	Myef2	ENSMUSG00000027201	-75	0.14	0.15	0.08	0.18	0.12	0.13
chr2	174123964	174126145	Gnas	ENSMUSG00000027523	1694	0.43	0.42	0.43	0.46	0.44	0.45
chr2	5765965	5766607	Cdc123	ENSMUSG00000039128	-299	0.1	0.07	0.22	0.13	0.18	0.32

chr2	34627063	34628258	Hspa5	ENSMUSG00000026864	170	0.16	0.37	0.12	0.2	0.2	0.19
chr2	74587681	74588121	6720416L17Rik	ENSMUSG00000075277	662	0.13	0.14	0.2	0.18	0.1	0.19
chr2	168581429	168581739	Sall4	ENSMUSG00000027547	-141	0.87	0.75	0.82	1	1	1
chr2	13995493	13996126	4921530L18Rik	ENSMUSG00000086657	-248	0.09	0.15	0.08	0.24	0.15	0.18
chr2	22750928	22751536	Pdss1	ENSMUSG00000026784	190	0.15	0.14	0.12	0.11	0.19	0.17
chr2	123915637	123916101	Sema6d	ENSMUSG00000027200	164	0.14	0.06	0.18	0.1	0.1	0.1
chr2	181335682	181336223	Prpf6	ENSMUSG00000002455	-69	0.15	0.27	0.14	0.18	0.12	0.14
chr2	105515345	105515762	Pax6	ENSMUSG00000027168	205	1	NA	0.18	0.3	0.3	0.16
chr2	121239254	121240192	Catsper2	ENSMUSG00000033486	-378	0.13	0.13	0.11	0.13	0.12	0.11
chr2	132088689	132089488	Cds2	ENSMUSG00000058793	204	0.1	0.11	0.11	0.17	0.08	0.15
chr2	151931131	151931740	Srxn1	ENSMUSG00000032802	183	0.17	0.14	0.11	0.13	0.15	0.14
chr2	31007674	31008177	D330023K18Rik	ENSMUSG00000087269	-114	0.16	0.04	0.19	0.17	0.21	0.13
chr2	34228122	34228844	Pbx3	ENSMUSG00000038718	177	0.15	0.16	0.1	0.12	0.18	0.19
chr2	60122033	60122326	Cd302	ENSMUSG00000060703	296	0.1	0.17	0.11	0.19	0.13	0.16
chr2	90725801	90726239	C1qtnf4	ENSMUSG00000040794	77	0.08	0.31	0.2	0.17	0.1	0.18
chr2	127366771	127367271	Prom2	ENSMUSG00000027376	100	0.23	0.31	0.26	0.34	0.2	0.27
chr2	3200977	3202368	Nmt2	ENSMUSG00000026643	188	0.32	0.38	0.16	0.24	0.39	0.12
chr2	31495552	31495872	Prdm12	ENSMUSG00000079466	155	0.25	0.17	0.1	0.24	0.12	0.15
chr2	69660621	69661379	Klhl23	ENSMUSG00000042155	573	0.13	0.12	0.14	0.13	0.12	0.12
chr2	127073220	127074455	Ciao1	ENSMUSG0000003662	-481	0.15	0.28	0.13	0.2	0.12	0.14
chr2	16277947	16278458	Plxdc2	ENSMUSG00000026748	271	0.36	0.29	0.17	0.23	0.44	0.2
chr2	23427184	23427672	Spopl	ENSMUSG00000026771	70	0.15	0.18	0.11	0.24	0.08	0.14
chr2	26057591	26058785	Lhx3	ENSMUSG00000026934	198	0.11	0.22	0.09	0.14	0.1	0.11
chr2	30683272	30683992	Asb6	ENSMUSG00000039483	153	0.18	0.13	0.11	0.11	0.16	0.14
chr2	91570248	91570581	Ambra1	ENSMUSG00000040506	123	0.12	0.28	0.14	0.17	0.09	0.17
chr2	92755145	92755517	Syt13	ENSMUSG00000027220	76	0.08	0.1	0.1	0.12	0.16	0.32
chr2	128792754	128793467	Zc3h6	ENSMUSG00000042851	-28	0.14	0.22	0.25	0.15	0.17	0.19
chr2	157853995	157854799	Tti1	ENSMUSG00000027650	-228	0.11	0.2	0.1	0.16	0.13	0.16
chr2	25251362	25251972	Entpd2	ENSMUSG00000015085	273	0.15	0.14	0.12	0.13	0.12	0.16
chr2	32091849	32092378	Gm13610	ENSMUSG00000086216	-211	0.09	0.12	0.1	0.11	0.1	0.12

chr2	51790230	51790590	Rbm43	ENSMUSG00000036249	117	0.15	0.22	0.1	0.3	0.12	0.15
chr2	59720273	59720757	Wdsub1	ENSMUSG00000026988	89	0.09	0.32	0.13	0.15	0.11	0.11
chr2	74529532	74529878	Hoxd10	ENSMUSG00000050368	558	0.5	0.28	0.13	0.4	0.28	0.28
chr2	81893219	81893939	Zfp804a	ENSMUSG00000070866	200	0.11	0.16	0.08	0.13	0.12	0.09
chr2	26235844	26236240	Snappc4	ENSMUSG00000036281	97	0.1	0.16	0.11	0.11	0.08	0.13
chr2	163821017	163821469	Ywhab	ENSMUSG00000018326	4	0.25	0.24	0.13	0.25	0.14	0.2
chr2	163899733	163900333	Stk4	ENSMUSG00000018209	159	0.2	0.18	0.09	0.13	0.22	0.13
chr2	11698924	11699524	Fbxo18	ENSMUSG00000058594	-90	0.16	0.7	0.07	0.17	0.13	0.16
chr2	29744801	29746246	Odf2	ENSMUSG00000026790	283	0.1	0.2	0.13	0.16	0.08	0.12
chr2	32143069	32144010	Swi5	ENSMUSG00000044627	-84	0.22	0.08	0.17	0.21	0.26	0.13
chr2	91096854	91097202	Pacsin3	ENSMUSG00000027257	58	1	1	0.1	0.18	0.63	0.16
chr2	131855431	131855679	Rassf2	ENSMUSG00000027339	182	0.5	0.21	0.22	0.21	0.17	0.16
chr2	164774694	164775337	Mmp9	ENSMUSG00000017737	-1181	0.15	0.26	0.13	0.17	0.1	0.18
chr2	166840690	166841063	Ddx27	ENSMUSG00000017999	183	0.3	0.19	0.12	0.25	0.26	0.32
chr2	38860268	38860774	Rpl35	ENSMUSG00000062997	42	0.14	0.08	0.1	0.16	0.09	0.1
chr2	69627484	69627952	4930578N16Rik	ENSMUSG00000070883	-86	0.25	0.28	0.17	0.13	0.09	0.18
chr2	130402224	130402706	Oxt	ENSMUSG00000027301	556	0.12	0.23	0.11	0.19	0.15	0.13
chr2	158235365	158236220	Ralgapb	ENSMUSG00000027652	208	0.09	0.13	0.08	0.11	0.08	0.13
chr2	166888017	166888780	Znfx1	ENSMUSG00000039501	-259	0.13	0.12	0.08	0.11	0.14	0.11
chr2	25220721	25221203	Uap111	ENSMUSG00000026956	173	0.11	0.25	0.08	0.19	0.23	0.15
chr2	105843261	105843546	Dnajc24	ENSMUSG00000027166	-44	1	1	0.11	0.2	0.37	0.15
chr2	158435515	158435887	Gm14204	ENSMUSG00000086496	625	0.13	0.07	0.1	0.13	0.08	0.07
chr2	180234585	180235016	Ntsr1	ENSMUSG00000027568	119	0.12	0.21	0.12	0.26	0.07	0.23
chr2	101636563	101637815	Prr5l	ENSMUSG00000032841	618	0.43	0.45	0.13	0.15	0.51	0.19
chr2	122060245	122060613	Sord	ENSMUSG00000027227	-56	0.08	0.18	0.08	0.09	0.14	0.2
chr2	167486796	167487407	Gm20431	ENSMUSG00000089739	-105	0.12	0.13	0.14	0.15	0.1	0.15
chr2	172196096	172196833	Cstf1	ENSMUSG00000027498	283	0.26	0.29	0.14	0.18	0.29	0.28
chr2	172375068	172377333	Tfap2c	ENSMUSG00000028640	1107	0.13	0.12	0.12	0.2	0.14	0.19
chr2	24830305	24831079	Mrpl41	ENSMUSG00000036850	-74	0.27	0.28	0.13	0.3	0.19	0.14
chr2	26061850	26062420	Lhx3	ENSMUSG00000026934	-40	0.18	0.22	0.27	0.25	0.29	0.36

chr2	29933091	29933495	Pkn3	ENSMUSG00000026785	89	0.24	0.18	0.12	0.19	0.21	0.14
chr2	154384451	154384695	Necab3	ENSMUSG00000027489	7	0.33	NA	0.12	0.26	0.2	0.24
chr2	172764430	172766164	Bmp7	ENSMUSG00000008999	296	0.32	0.38	0.12	0.21	0.29	0.16
chr2	180007774	180008052	Cables2	ENSMUSG00000038990	238	0.14	0.1	0.1	0.14	0.16	0.14
chr2	164311467	164312610	Dbndd2	ENSMUSG00000017734	432	0.22	0.62	0.14	0.14	0.26	0.16
chr2	172847157	172847938	Rbm38	ENSMUSG00000027510	147	0.09	0.15	0.09	0.11	0.07	0.13
chr2	30700728	30701259	Prrx2	ENSMUSG00000039476	29	0.13	0.09	0.11	0.16	0.12	0.17
chr2	31325517	31325846	Ass1	ENSMUSG00000076441	-46	0.4	0.17	0.11	0.26	0.24	0.19
chr2	34726298	34726878	Psm5	ENSMUSG00000026869	-135	0.33	0.08	0.06	0.22	0.08	0.17
chr2	50151925	50152305	Mmadhc	ENSMUSG00000026766	-172	0.12	NA	0.12	0.21	0.17	0.15
chr2	65076123	65077290	Cobll1	ENSMUSG00000034903	-175	0.15	0.23	0.09	0.15	0.16	0.1
chr2	105514828	105515050	Pax6	ENSMUSG00000027168	-327	0.11	0.22	0.2	0.13	0.22	0.17
chr2	152239597	152240763	Zcchc3	ENSMUSG00000074682	600	0.1	0.07	0.1	0.17	0.11	0.15
chr2	156903975	156905604	9830001H06Rik	ENSMUSG00000055485	201	0.12	0.27	0.08	0.12	0.13	0.11
chr2	180689112	180689346	Gm14341	ENSMUSG00000087293	60	0.11	0.06	0.04	0.1	0.09	0.06
chr2	181327036	181327653	Znf512b	ENSMUSG00000000823	-178	0.13	0.23	0.1	0.25	0.11	0.14
chr2	26170921	26171416	Gpsm1	ENSMUSG00000026930	133	0.11	0.1	0.06	0.14	0.09	0.12
chr2	30092679	30093733	Lrrc8a	ENSMUSG00000007476	-29	0.13	0.18	0.09	0.13	0.15	0.15
chr2	30247607	30248407	Dolpp1	ENSMUSG00000026856	233	0.23	0.41	0.09	0.22	0.27	0.13
chr2	104968202	104968614	Wt1	ENSMUSG00000016458	1041	0.33	0.6	0.5	0.37	0.24	0.21
chr2	130223149	130223597	Cpxm1	ENSMUSG00000027408	-63	0.33	0.31	0.08	0.16	0.11	0.14
chr2	130455286	130455816	Ubox5	ENSMUSG00000027300	212	0.12	0.23	0.1	0.15	0.11	0.15
chr2	3249531	3250027	Rpp38	ENSMUSG00000049950	136	0.12	NA	0.12	0.16	0.06	0.12
chr2	113598635	113598984	Grem1	ENSMUSG00000074934	-6	0.2	0.15	0.11	0.09	0.16	0.13
chr2	10296416	10296894	Gm13261	ENSMUSG00000086748	-987	0.5	NA	0.18	0.48	0.18	0.32
chr2	25145751	25146394	Lrrc26	ENSMUSG00000026961	637	0.16	0.24	0.1	0.14	0.18	0.15
chr2	12109762	121097287	Trp53bp1	ENSMUSG00000043909	33	0.1	0.12	0.1	0.16	0.11	0.14
chr2	154482905	154483252	Chmp4b	ENSMUSG00000038467	324	0.14	0.67	0.09	0.25	0.25	0.2
chr2	167246825	167247482	Slc9a8	ENSMUSG00000039463	-59	0.26	0.08	0.09	0.21	0.22	0.1
chr2	167317857	167318667	Rnf114	ENSMUSG00000006418	117	0.12	0.17	0.12	0.18	0.11	0.19

chr2	25876949	25877434	Ubac1	ENSMUSG00000036352	-139	0.16	0.15	0.14	0.21	0.17	0.15
chr2	103867854	103868612	Fbxo3	ENSMUSG00000027180	355	0.25	0.17	0.11	0.16	0.28	0.15
chr2	155644656	155645025	BC029722	ENSMUSG00000074649	322	0.07	0.07	0.07	0.07	0.1	0.08
chr2	18593637	18594417	Commd3	ENSMUSG00000051154	16	0.07	0.11	0.13	0.09	0.09	0.14
chr2	25118083	25118966	Tprn	ENSMUSG00000048707	406	0.33	0.29	0.13	0.26	0.31	0.14
chr2	31526206	31526563	Exosc2	ENSMUSG00000039356	149	0.1	0.56	0.1	0.18	0.08	0.18
chr2	79095559	79096054	Itga4	ENSMUSG00000027009	223	0.07	0.16	0.09	0.13	0.08	0.16
chr2	90744527	90745268	Ndufs3	ENSMUSG0000005510	-98	0.14	0.16	0.14	0.15	0.12	0.16
chr2	127614389	127614710	Nphp1	ENSMUSG00000027378	41	0.19	0.17	0.14	0.09	0.22	0.09
chr2	144381945	144382310	Sec23b	ENSMUSG00000027429	162	0.09	0.13	0.13	0.19	0.07	0.12
chr2	156817428	156817884	Ndr3	ENSMUSG00000027634	7	0.04	0.09	0.08	0.08	0.06	0.15
chr2	121692484	121693368	Casc4	ENSMUSG00000060227	220	0.1	0.14	0.1	0.14	0.1	0.11
chr2	132073263	132073593	5730494N06Rik	ENSMUSG00000027341	-38	0.12	0.31	0.11	0.22	0.11	0.12
chr2	151457763	151458175	Snph	ENSMUSG00000027457	238	0.08	0.06	0.13	0.15	0.05	0.1
chr2	158492806	158493787	Ppp1r16b	ENSMUSG00000037754	441	0.12	0.07	0.08	0.18	0.11	0.15
chr2	31742692	31743152	Lamc3	ENSMUSG00000026840	111	0.12	0.09	0.11	0.18	0.14	0.2
chr2	69485182	69485519	Bbs5	ENSMUSG00000063145	122	0.33	0.78	0.18	0.42	0.43	0.19
chr2	120675651	120676610	Cdan1	ENSMUSG00000027284	-266	0.25	0.28	0.1	0.16	0.1	0.13
chr2	151368108	151368942	Fkbp1a	ENSMUSG00000032966	306	0.14	0.1	0.09	0.17	0.16	0.11
chr2	3630635	3631071	Fam107b	ENSMUSG00000026655	123	0.14	0.25	0.13	0.13	0.16	0.14
chr2	74505832	74506907	Hoxd13	ENSMUSG0000001819	2	0.08	0.06	0.1	0.14	0.09	0.16
chr2	74578544	74578759	Hoxd3	ENSMUSG00000079277	975	0.06	0.06	0.12	0.15	0.08	0.13
chr2	103406308	103407579	Abtb2	ENSMUSG00000032724	476	0.18	0.24	0.11	0.17	0.16	0.12
chr2	152119445	152120039	Tbc1d20	ENSMUSG00000027465	178	0.17	0.12	0.13	0.17	0.14	0.16
chr2	154717968	154718771	Eif2s2	ENSMUSG00000074656	149	0.43	0.42	0.18	0.23	0.41	0.2
chr2	158450573	158451291	Actr5	ENSMUSG00000037761	308	0.09	0.15	0.08	0.11	0.08	0.12
chr2	163484043	163484582	Pkig	ENSMUSG00000035268	190	0.09	0.11	0.09	0.08	0.1	0.17
chr2	20441142	20441622	Etl4	ENSMUSG00000036617	149	0.27	0.31	0.14	0.18	0.21	0.17
chr2	25258547	25258991	Npdc1	ENSMUSG00000015094	178	0.15	0.2	0.12	0.16	0.14	0.11
chr2	30650136	30650496	1700001O22Rik	ENSMUSG00000044320	1868	0.13	0.12	0.16	0.08	0.15	0.11

chr2	147013776	147014037	6430503K07Rik	ENSMUSG00000053545	746	0.75	0.5	0.15	0.16	1	0.26
chr2	153066812	153067537	Plagl2	ENSMUSG00000051413	-79	0.2	0.24	0.09	0.15	0.18	0.1
chr2	155890914	155891649	Spag4	ENSMUSG00000038180	347	0.16	0.38	0.13	0.13	0.14	0.11
chr2	167174398	167175351	B4galt5	ENSMUSG00000017929	-191	0.11	0.16	0.12	0.12	0.12	0.12
chr2	29904138	29904773	Wdr34	ENSMUSG00000039715	-74	0.11	0.16	0.1	0.15	0.04	0.08
chr2	72123671	72124361	B230120H23Rik	ENSMUSG00000004085	322	0.21	0.38	0.12	0.13	0.2	0.16
chr2	174122763	174123033	Gnas	ENSMUSG00000027523	-462	0.56	0.6	0.31	0.37	0.5	0.51
chr2	17978039	17979581	1810059C17Rik	ENSMUSG00000086340	-570	0.17	0.45	0.15	0.12	0.16	0.17
chr2	130004484	130005165	Snrpb	ENSMUSG00000027404	215	0.11	0.13	0.12	0.1	0.1	0.11
chr2	132641578	132642149	Trmt6	ENSMUSG00000037376	-114	0.2	0.12	0.11	0.13	0.21	0.17
chr2	136716706	136717042	Mkks	ENSMUSG00000027274	16	0.1	NA	0.09	0.15	0.12	0.1
chr2	165979759	165981088	Sulf2	ENSMUSG00000006800	-500	0.1	0.09	0.1	0.15	0.1	0.15
chr2	19352456	19352956	Gm13344	ENSMUSG00000087103	904	0.2	0.23	0.18	0.08	0.08	0.19
chr2	71291198	71291574	Metap1d	ENSMUSG00000041921	53	0.09	NA	0.08	0.16	0.13	0.17
chr2	125684392	125684983	Cops2	ENSMUSG00000027206	45	0.07	0.07	0.12	0.11	0.07	0.12
chr2	167906020	167907059	Pard6b	ENSMUSG00000044641	35	0.13	0.14	0.11	0.12	0.14	0.16
chr2	181404996	181406436	Sox18	ENSMUSG00000046470	629	0.1	0.18	0.13	0.25	0.09	0.15
chr2	13495974	13496640	Vim	ENSMUSG00000026728	358	0.14	0.18	0.08	0.16	0.12	0.14
chr2	90585441	90586245	Fnbp4	ENSMUSG00000008200	316	0.13	0.17	0.1	0.18	0.13	0.12
chr2	102240594	102241418	Trim44	ENSMUSG00000027189	51	0.11	0.09	0.09	0.08	0.1	0.12
chr2	121180776	121181170	Ppip5k1	ENSMUSG00000033526	-165	0.17	0.2	0.12	0.18	0.16	0.13
chr2	164268589	164268869	Sdc4	ENSMUSG00000017009	-43	0.14	0.22	0.11	0.14	0.11	0.09
chr2	17949010	17950640	A930004D18Rik	ENSMUSG00000054057	562	0.15	0.18	0.16	0.18	0.2	0.2
chr2	28388956	28389246	Ralgds	ENSMUSG00000026821	39	0.16	0.16	0.09	0.1	0.17	0.11
chr2	29979766	29980177	Zer1	ENSMUSG00000039686	3	0.12	0.27	0.11	0.13	0.1	0.1
chr2	32208363	32208978	Dnm1	ENSMUSG00000026825	97	0.09	0.15	0.09	0.19	0.08	0.13
chr2	76485622	76486516	Prkra	ENSMUSG00000002731	3	0.14	0.21	0.15	0.16	0.13	0.12
chr2	150834609	150835215	Ninl	ENSMUSG00000068115	156	0.12	0.14	0.09	0.14	0.1	0.18
chr2	174241309	174241636	Th1l	ENSMUSG00000016253	120	0.12	0.1	0.1	0.13	0.1	0.17
chr2	5634788	5636314	Camk1d	ENSMUSG00000039145	-268	0.1	0.14	0.11	0.14	0.1	0.17

chr2	3035480	3036135	Fam171a1	ENSMUSG00000050530	153	0.13	0.17	0.07	0.14	0.13	0.13
chr2	4322199	4322680	Frmd4a	ENSMUSG00000026657	-44	0.19	0.11	0.09	0.15	0.17	0.19
chr2	4933592	4933850	Mcm10	ENSMUSG00000026669	40	0.22	0.17	0.1	0.12	0.24	0.25
chr2	5816052	5816584	Sec61a2	ENSMUSG00000025816	47	0.14	0.23	0.15	0.13	0.14	0.07
chr2	10001684	10002508	Atp5c1	ENSMUSG00000025781	-293	0.17	0.12	0.12	0.16	0.16	0.14
chr2	12933114	12933325	C1q3	ENSMUSG00000049630	155	0.33	NA	0.07	0.19	0.2	0.14
chr2	17652463	17653065	Nebi	ENSMUSG00000053702	-94	0.07	0.1	0.12	0.15	0.07	0.09
chr2	17953242	17953810	Gm13330	ENSMUSG00000085319	-634	0.09	0.07	0.43	0.35	0.09	0.33
chr2	22895014	22895699	Abi1	ENSMUSG00000058835	268	0.16	0.43	0.1	0.19	0.18	0.17
chr2	25096288	25096553	2310002J15Rik	ENSMUSG00000036731	-912	0.5	1	0.29	0.18	0.25	0.2
chr2	25127459	25128015	Ssna1	ENSMUSG00000026966	187	0.12	0.57	0.09	0.21	0.1	0.1
chr2	25402082	25402643	Traf2	ENSMUSG00000026942	68	0.16	0.21	0.08	0.13	0.14	0.1
chr2	25733321	25733616	Kcnt1	ENSMUSG00000058740	91	0.06	0.08	0.09	0.09	0.03	0.09
chr2	26459290	26459723	Agpat2	ENSMUSG00000026922	-60	0.08	0.06	0.05	0.19	0.1	0.12
chr2	26788475	26789375	Surf4	ENSMUSG00000014867	-22	0.5	0.2	0.15	0.46	1	0.16
chr2	26997587	26998116	Fam163b	ENSMUSG00000009216	160	0.09	0.06	0.07	0.16	0.1	0.13
chr2	28555599	28555841	Ak8	ENSMUSG00000026807	36	0.12	0.07	0.12	0.15	0.13	0.15
chr2	28915663	28916275	Ttf1	ENSMUSG00000026803	187	0.16	0.14	0.11	0.17	0.16	0.18
chr2	29682756	29683303	Urm1	ENSMUSG00000069020	167	0.07	0.14	0.09	0.19	0.11	0.22
chr2	30033748	30034154	D2Wsu81e	ENSMUSG00000039660	-2	0.12	0.1	0.11	0.19	0.12	0.25
chr2	30219613	30220078	Fam73b	ENSMUSG00000026858	92	0.08	0.07	0.1	0.14	0.05	0.16
chr2	30808440	30808935	Tor1b	ENSMUSG00000026848	208	0.06	0.14	0.06	0.13	0.06	0.14
chr2	31496678	31496959	Gm13425	ENSMUSG00000085224	-709	0.25	0.09	0.13	0.1	0.13	0.16
chr2	32069253	32069665	Prrc2b	ENSMUSG00000039262	1741	1	1	0.27	0.33	0.91	0.6
chr2	32115349	32115662	Uck1	ENSMUSG0000002550	76	0.14	0.18	0.09	0.09	0.14	0.09
chr2	32612583	32613026	Tor2a	ENSMUSG00000009563	50	0.16	0.15	0.1	0.15	0.16	0.15
chr2	32631052	32631470	Ttc16	ENSMUSG00000039021	-157	0.21	0.27	0.09	0.18	0.23	0.24
chr2	32701686	32702044	Gm13524	ENSMUSG00000085397	159	0.75	0.67	0.09	0.25	0.64	0.25
chr2	33323628	33324242	Zbtb43	ENSMUSG00000026788	90	0.25	0.2	0.07	0.17	0.24	0.1
chr2	33486973	33487426	Lmx1b	ENSMUSG00000038765	588	0.14	0.14	0.13	0.21	0.15	0.13

chr2	34681411	34681812	Fbxw2	ENSMUSG00000035949	-69	0.12	0.08	0.09	0.11	0.11	0.12
chr2	34768773	34769016	Gm13448	ENSMUSG00000086001	503	0.13	0.14	0.1	0.15	0.11	0.13
chr2	35958921	35959583	Lhx6	ENSMUSG00000026890	-140	0.29	0.32	0.11	0.21	0.33	0.16
chr2	35960083	35960795	Lhx6	ENSMUSG00000026890	-28	0.22	0.19	0.11	0.18	0.17	0.22
chr2	37298493	37299013	Zbtb26	ENSMUSG00000050714	-113	0.12	0.15	0.1	0.22	0.13	0.19
chr2	38194882	38195411	Lhx2	ENSMUSG00000000247	138	0.12	0.28	0.1	0.12	0.11	0.15
chr2	38499189	38499533	Psemb7	ENSMUSG00000026750	48	0.15	0.23	0.12	0.2	0.16	0.15
chr2	38863373	38863901	Arpc5l	ENSMUSG00000026755	41	0.1	0.15	0.11	0.19	0.09	0.14
chr2	51828264	51828515	Nmi	ENSMUSG00000026946	101	0.25	0.2	0.08	0.09	0.14	0.09
chr2	63936334	63936693	Fign	ENSMUSG00000075324	-418	0.09	0.14	0.1	0.11	0.09	0.12
chr2	68699345	68700353	Lass6	ENSMUSG00000027035	351	0.08	0.07	0.1	0.15	0.1	0.15
chr2	69699535	69700209	Ssb	ENSMUSG00000068882	253	0.13	0.13	0.1	0.12	0.13	0.07
chr2	70400101	70402064	Gad1	ENSMUSG00000070880	862	0.19	0.25	0.09	0.18	0.18	0.17
chr2	74530582	74530878	Hoxd10	ENSMUSG00000050368	1583	0.11	0.12	0.13	0.1	0.09	0.12
chr2	83564392	83565201	Itgav	ENSMUSG00000027087	242	0.13	0.27	0.1	0.13	0.13	0.1
chr2	83652693	83653017	Fam171b	ENSMUSG00000048388	62	0.08	0.08	0.06	0.09	0.07	0.13
chr2	84518566	84518778	Med19	ENSMUSG00000027080	113	0.27	NA	0.14	0.37	0.28	0.32
chr2	90757574	90758184	Ptpmt1	ENSMUSG00000063235	-126	0.13	0.28	0.13	0.15	0.12	0.14
chr2	90780696	90781388	Celf1	ENSMUSG00000005506	342	0.11	0.19	0.08	0.14	0.1	0.16
chr2	91042850	91043063	Gm13783	ENSMUSG00000086206	-21	0.12	0.12	0.15	0.26	0.13	0.36
chr2	91095889	91096171	Pacsin3	ENSMUSG00000027257	-81	0.1	0.1	0.09	0.11	0.07	0.17
chr2	91366828	91367377	Ckap5	ENSMUSG00000040549	183	0.13	0.15	0.1	0.16	0.12	0.1
chr2	91762785	91762987	Chrm4	ENSMUSG00000040495	540	0.2	0.14	0.12	0.29	0.19	0.19
chr2	91763848	91764216	Chrm4	ENSMUSG00000040495	1686	0.13	0.16	0.21	0.26	0.16	0.25
chr2	91815629	91816378	Dgkz	ENSMUSG00000040479	18	0.1	0.23	0.12	0.19	0.1	0.11
chr2	92215524	92215809	Pex16	ENSMUSG00000027222	16	0.07	0.05	0.07	0.19	0.05	0.12
chr2	93662453	93662797	Ext2	ENSMUSG00000027198	77	0.1	0.13	0.1	0.19	0.09	0.12
chr2	93850626	93851061	Alkbh3	ENSMUSG00000040174	44	0.1	0.18	0.08	0.12	0.1	0.15
chr2	103810305	103811070	Lmo2	ENSMUSG00000032698	307	0.17	0.22	0.16	0.24	0.17	0.14
chr2	105064484	105064725	0610012H03Rik	ENSMUSG00000055312	105	0.05	0.16	0.12	0.2	0.05	0.11

chr2	105509637	105509937	Pax6os1	ENSMUSG00000086029	650	0.2	0.13	0.1	0.24	0.2	0.13
chr2	105744478	105745001	Elp4	ENSMUSG00000027167	-99	0.11	0.14	0.08	0.11	0.08	0.11
chr2	109533623	109534364	Bdnf	ENSMUSG00000048482	273	0.11	0.14	0.13	0.14	0.09	0.12
chr2	112105635	112106243	Slc12a6	ENSMUSG00000027130	-43	0.1	0.12	0.08	0.13	0.1	0.15
chr2	113057122	113057578	Ryr3	ENSMUSG00000057378	-147	1	1	0.62	1	1	0.37
chr2	118639819	118640318	D2Ertd750e	ENSMUSG00000027331	100	0.06	0.18	0.09	0.13	0.07	0.12
chr2	118860518	118861169	Rpusd2	ENSMUSG00000027324	317	0.14	0.18	0.11	0.19	0.13	0.16
chr2	119096677	119096969	Rhov	ENSMUSG00000034226	185	0.14	0.13	0.09	0.23	0.15	0.17
chr2	119176671	119177329	Chac1	ENSMUSG00000027313	35	0.2	0.18	0.17	0.14	0.2	0.24
chr2	119302632	119304002	Ino80	ENSMUSG00000034154	32	1	0.2	0.11	0.17	1	0.21
chr2	119373207	119373724	Exd1	ENSMUSG00000048647	-102	0.15	0.14	0.12	0.14	0.17	0.16
chr2	119798042	119798380	Mapkbp1	ENSMUSG00000033902	-224	0.33	0.5	0.16	NA	0.17	0.18
chr2	120389209	120389606	Zfp106	ENSMUSG00000027288	136	1	NA	0.8	0.31	1	NA
chr2	120796257	120796528	Ubr1	ENSMUSG00000027272	-43	0.24	0.44	0.17	0.17	0.25	0.09
chr2	120802919	120803385	Tmem62	ENSMUSG00000054484	-117	0.1	0.08	0.11	0.15	0.1	0.14
chr2	121115213	121115591	Mtap1a	ENSMUSG00000027254	66	0.11	0.13	0.11	0.13	0.08	0.14
chr2	121632056	121633002	Frdm5	ENSMUSG00000027238	79	0.13	0.25	0.13	0.2	0.13	0.12
chr2	121943903	121944207	Spg11	ENSMUSG00000033396	-23	0.23	0.33	0.09	0.11	0.25	0.07
chr2	125331183	125332229	Fbn1	ENSMUSG00000027204	102	0.14	0.12	0.13	0.14	0.14	0.16
chr2	128769297	128769910	Zc3h8	ENSMUSG00000027387	99	0.12	0.24	0.2	0.22	0.12	0.09
chr2	129122714	129123032	Ckap2l	ENSMUSG00000048327	75	0.11	0.18	0.1	0.21	0.17	0.14
chr2	130109855	130110277	Idh3b	ENSMUSG00000027406	85	0.25	0.17	0.17	NA	0.13	0.22
chr2	130120474	130120790	Ebf4	ENSMUSG00000053552	-273	0.06	NA	0.1	0.12	0.08	0.06
chr2	130406392	130406982	Avp	ENSMUSG00000037727	1603	0.1	0.27	0.1	0.19	0.07	0.16
chr2	131059731	131060244	Mavs	ENSMUSG00000037523	188	0.08	0.06	0.14	0.19	0.1	0.14
chr2	132210812	132211239	Prokr2	ENSMUSG00000050558	111	0.27	0.19	0.14	0.18	0.26	0.23
chr2	136940269	136940592	Jag1	ENSMUSG00000027276	1950	0.33	0.9	0.12	0.17	0.18	0.1
chr2	144425641	144425994	Dtd1	ENSMUSG00000027430	184	0.15	0.12	0.14	0.12	0.25	0.13
chr2	145500665	145501111	BC039771	ENSMUSG00000087594	-215	0.14	NA	0.12	0.16	0.13	0.18
chr2	146337462	146338096	Ralgapa2	ENSMUSG00000037110	-144	0.17	0.16	0.12	0.2	0.18	0.14

chr2	146681503	146681888	Plk1s1	ENSMUSG00000074749	95	0.1	NA	NA	NA	0.11	0.25
chr2	146838496	146839535	Xrn2	ENSMUSG00000027433	283	0.16	0.42	0.14	0.13	0.16	0.16
chr2	147011469	147011768	Nkx2-2	ENSMUSG00000027434	379	0.12	0.09	0.1	0.18	0.05	0.08
chr2	147874380	147874786	Foxa2	ENSMUSG00000037025	-1878	0.09	0.09	0.07	0.18	0.12	0.14
chr2	150514252	150514687	Vsx1	ENSMUSG00000033080	627	0.18	0.17	0.11	0.15	0.15	0.11
chr2	150864741	150865238	Nanp	ENSMUSG00000053916	109	0.1	0.08	0.09	0.07	0.09	0.11
chr2	151319868	151320535	Nsfl1c	ENSMUSG00000027455	283	1	NA	0.24	NA	1	0.22
chr2	152052241	152053205	Csnk2a1	ENSMUSG00000074698	148	0.17	0.19	0.09	0.09	0.17	0.1
chr2	152656593	152657555	Bcl2l1	ENSMUSG00000007659	-226	0.08	0.24	0.08	0.12	0.09	0.18
chr2	153269329	153270248	8430427H17Rik	ENSMUSG00000061411	427	0.11	0.1	0.09	0.1	0.1	0.14
chr2	154233436	154234095	Snta1	ENSMUSG00000027488	-49	0.14	0.32	0.11	0.18	0.14	0.22
chr2	155418204	155418535	Gss	ENSMUSG00000027610	-66	0.25	0.07	0.11	0.13	0.15	0.22
chr2	155651826	155652567	Eif6	ENSMUSG00000027613	-24	0.13	0.12	0.13	0.16	0.13	0.18
chr2	155782200	155782706	Cep250	ENSMUSG00000038241	159	0.05	0.04	0.09	0.07	0.06	0.12
chr2	156022274	156022960	Phf20	ENSMUSG00000038116	239	0.14	0.21	0.06	0.1	0.15	0.08
chr2	156439614	156440104	Dlgap4	ENSMUSG00000061689	418	0.09	0.16	0.08	0.14	0.09	0.1
chr2	156546364	156547205	4930405A21Rik	ENSMUSG00000086638	-222	0.17	0.16	0.08	0.17	0.17	0.11
chr2	163244675	163245758	3230401D17Rik	ENSMUSG00000035399	-336	0.1	0.18	0.1	0.16	0.09	0.11
chr2	163470437	163471009	0610039K10Rik	ENSMUSG00000058812	137	0.16	0.14	0.08	0.1	0.17	0.15
chr2	164215291	164215623	Slpi	ENSMUSG00000017002	-626	1	NA	0.4	NA	1	0.2
chr2	164571229	164571585	Wfdc3	ENSMUSG00000076434	24	0.14	0.09	0.06	0.17	0.12	0.1
chr2	165112901	165113382	Slc35c2	ENSMUSG00000017664	114	0.07	0.19	0.09	0.09	0.08	0.09
chr2	166619160	166619719	Trp53rk	ENSMUSG00000042854	172	0.12	0.3	0.14	0.13	0.17	0.14
chr2	169958956	169959228	Zfp217	ENSMUSG00000052056	353	0.5	0.33	0.23	0.29	0.46	0.28
chr2	172805255	172805631	Spo11	ENSMUSG00000005883	100	0.86	0.92	0.84	0.76	0.86	0.92
chr2	174111512	174111722	Nespas	ENSMUSG00000086537	-681	0.44	0.77	0.55	0.58	0.44	0.62
chr2	174586078	174586599	Edn3	ENSMUSG00000027524	218	0.14	0.15	0.12	0.27	0.14	0.15
chr2	180332805	180333192	Col9a3	ENSMUSG00000027570	71	0.2	0.11	0.13	0.15	0.19	0.18
chr2	180701673	180702437	Arfgap1	ENSMUSG00000027575	125	0.11	0.11	0.11	0.15	0.11	0.16
chr2	181414848	181415403	Tcea2	ENSMUSG00000059540	110	0.06	0.15	0.1	0.14	0.1	0.1

chr2	118488984	118489204	Pak6	ENSMUSG00000074923	55	NA	0.09	0.11	0.2	0.08	0.2
chr2	3336219	3336537	Meig1	ENSMUSG00000026650	-87	0.27	0.17	0.08	0.16	NA	0.08
chr2	4984804	4985244	Optn	ENSMUSG00000026672	-40	NA	NA	0.2	0.13	0.67	0.19
chr2	11700234	11700504	Ankrd16	ENSMUSG00000047909	169	NA	0.28	0.08	0.19	NA	0.16
chr2	13192876	13193132	Rsu1	ENSMUSG00000026727	-107	NA	NA	1	0.75	0.67	NA
chr2	18602563	18602844	Bmi1	ENSMUSG00000026739	82	NA	0.13	0.11	0.32	0.5	0.2
chr2	19353534	19354005	Gm13344	ENSMUSG00000087103	-159	0.5	NA	0.1	0.43	NA	0.29
chr2	19831222	19831956	Etl4	ENSMUSG00000036617	182	1	0.18	0.24	0.35	NA	0.14
chr2	21289352	21289672	Gpr158	ENSMUSG00000045967	318	NA	NA	1	NA	NA	0.25
chr2	21290398	21290637	Gm13327	ENSMUSG00000085680	221	NA	NA	0.33	NA	NA	NA
chr2	22924551	22924761	Acbd5	ENSMUSG00000026781	68	NA	0.33	0.16	0.28	0.27	0.19
chr2	24329620	24329940	Pax8	ENSMUSG00000026976	837	NA	NA	0.25	NA	0.33	0.43
chr2	24790329	24790779	Arrdc1	ENSMUSG00000026972	20	NA	0.22	0.12	0.18	0.23	0.15
chr2	24817849	24818067	Wdr85	ENSMUSG00000026975	38	NA	NA	0.25	NA	NA	NA
chr2	25316173	25316697	BC029214	ENSMUSG00000047617	-251	NA	NA	0.12	NA	NA	0.13
chr2	25719251	25719938	Kcnt1	ENSMUSG00000058740	279	NA	NA	0.12	0.24	0.13	0.07
chr2	25915699	25915956	Gm13554	ENSMUSG00000087515	1297	1	NA	1	1	NA	1
chr2	26495540	26495878	Snhg7	ENSMUSG00000091299	41	1	0.2	0.11	0.38	NA	0.2
chr2	26758094	26758447	Surf6	ENSMUSG00000036160	40	NA	0.12	0.13	0.16	0.1	0.14
chr2	26819559	26819963	Rexo4	ENSMUSG00000052406	37	NA	0.67	0.17	0.23	0.25	0.23
chr2	28555064	28555299	1700026L06Rik	ENSMUSG00000026809	-12	NA	1	0.14	0.18	0.07	0.18
chr2	29642944	29643190	Coq4	ENSMUSG00000026798	54	0.5	NA	0.12	0.25	NA	0.17
chr2	29724632	29725071	Cercam	ENSMUSG00000039787	167	NA	0.15	0.06	0.08	0.1	0.2
chr2	29790805	29791207	Gle1	ENSMUSG00000019715	60	NA	0.33	0.2	0.08	0.08	0.32
chr2	29918396	29918675	Set	ENSMUSG00000054766	414	NA	NA	0.5	NA	NA	NA
chr2	30214628	30214988	Sh3glb2	ENSMUSG00000026860	-57	NA	0.12	0.09	0.2	0.06	0.11
chr2	30662978	30663827	Mettl11a	ENSMUSG00000026857	56	NA	NA	NA	NA	0.38	NA
chr2	32216921	32217267	Ciz1	ENSMUSG00000039205	-1436	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr2	32430828	32431384	9430097D07Rik	ENSMUSG00000075405	98	NA	1	1	0.55	0.93	0.8
chr2	32449592	32449815	St6galnac4	ENSMUSG00000079442	-93	NA	NA	NA	NA	1	NA

chr2	35111851	35112285	Gsn	ENSMUSG00000026879	141	0.1	0.11	0.08	0.19	NA	0.07
chr2	35137841	35138151	Gsn	ENSMUSG00000026879	96	0.21	0.5	0.1	0.1	NA	0.12
chr2	35991805	35992213	Mrrf	ENSMUSG00000026887	100	1	0.49	0.07	0.17	NA	0.21
chr2	36058618	36058837	Gm13429	ENSMUSG00000085141	385	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr2	37214564	37214875	Pdcl	ENSMUSG00000009030	-10	NA	NA	0.33	0.67	NA	0.33
chr2	38367218	38367638	Nek6	ENSMUSG00000026749	94	NA	0.13	0.07	0.2	0.15	0.13
chr2	55289556	55289818	Kcnj3	ENSMUSG00000026824	120	NA	0.5	0.17	0.13	NA	0.13
chr2	56968765	56969268	Nr4a2	ENSMUSG00000026826	-1567	NA	0.11	0.16	0.33	0.16	0.39
chr2	60113439	60113654	Gm13573	ENSMUSG00000080198	85	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr2	66472780	66473039	Scn9a	ENSMUSG00000075316	100	0.08	0.11	0.1	0.14	NA	0.17
chr2	71049838	71050361	Dync1i2	ENSMUSG00000027012	236	NA	NA	0.16	0.21	0.25	0.16
chr2	71819348	71819564	Rapgef4	ENSMUSG00000049044	112	NA	NA	0.2	NA	0.2	1
chr2	72471910	72472149	Ak3l2-ps	ENSMUSG00000081957	36	NA	1	0.9	1	NA	1
chr2	73109812	73110111	Sp9	ENSMUSG00000068859	-21	NA	0.47	0.14	0.17	0.19	0.19
chr2	73729951	73731147	Atf2	ENSMUSG00000027104	38	NA	1	0.09	0.16	1	0.09
chr2	74497665	74497962	Evx2	ENSMUSG00000001815	105	NA	0.5	0.2	0.16	0.53	0.2
chr2	74517729	74518133	Hoxd11	ENSMUSG00000042499	482	NA	1	0.62	NA	NA	0.67
chr2	74565390	74565699	Hoxd4	ENSMUSG00000042464	413	0.11	0.06	0.09	0.12	NA	0.12
chr2	75819604	75819872	Ttc30a1	ENSMUSG00000075271	286	NA	NA	0.16	1	NA	NA
chr2	78353011	78353539	Gm14460	ENSMUSG00000082701	218	NA	NA	0.97	0.95	NA	0.97
chr2	80286974	80287235	Frzb	ENSMUSG00000027004	678	NA	NA	0.75	0.75	NA	0.46
chr2	80287508	80287928	Frzb	ENSMUSG00000027004	64	NA	NA	0.08	0.75	NA	NA
chr2	84567377	84567663	Clp1	ENSMUSG00000027079	-121	NA	NA	0.16	1	NA	0.3
chr2	91076796	91077303	Ddb2	ENSMUSG00000002109	-59	0.41	0.54	0.2	0.22	NA	0.15
chr2	91898623	91898891	2900072N19Rik	ENSMUSG00000087018	769	NA	0.48	0.19	0.32	0.15	0.15
chr2	103324919	103325266	Cat	ENSMUSG00000027187	190	0.33	0.43	0.18	0.17	NA	0.27
chr2	104430385	104431276	Cstf3	ENSMUSG00000027176	150	NA	0.28	0.13	0.19	0.12	0.14
chr2	105521534	105521746	Pax6	ENSMUSG00000027168	-229	NA	0.15	0.15	0.13	NA	0.17
chr2	105522332	105522544	Pax6	ENSMUSG00000027168	-182	0.55	NA	0.18	0.18	NA	0.15
chr2	106535253	106535515	Mpped2	ENSMUSG00000016386	7	NA	NA	1	NA	NA	0.4

chr2	109514189	109514401	Bdnf	ENSMUSG00000048482	-562	NA	0.17	0.1	0.16	0.07	0.18
chr2	109857897	109858195	Ccdc34	ENSMUSG00000027160	72	NA	NA	0.05	0.14	0.08	0.05
chr2	113167533	113167971	Fmn1	ENSMUSG00000044042	-141	NA	NA	1	NA	NA	1
chr2	114480401	114480716	Atpd4	ENSMUSG00000057147	65	NA	1	0.08	0.08	0.23	0.11
chr2	115407088	115407477	Gm13977	ENSMUSG00000086735	9	NA	NA	NA	1	NA	NA
chr2	118082505	118082743	Fsip1	ENSMUSG00000027344	68	NA	NA	NA	NA	NA	0.27
chr2	119034318	119034772	Zfyve19	ENSMUSG00000068580	192	NA	NA	0.13	0.19	1	0.1
chr2	119114258	119114491	Vps18	ENSMUSG00000034216	-102	NA	0.38	0.14	0.17	0.17	0.12
chr2	119488357	119488615	Ndufaf1	ENSMUSG00000027305	48	NA	0.33	0.16	0.27	1	0.29
chr2	119613222	119613425	Rpap1	ENSMUSG00000034032	-87	NA	1	NA	NA	NA	NA
chr2	119722791	119723434	Mga	ENSMUSG00000033943	148	NA	0.57	0.13	0.4	0.73	0.21
chr2	119853156	119853358	Gm13999	ENSMUSG00000087458	-68	NA	NA	0.16	0.1	0.08	NA
chr2	120178458	120178915	Vps39	ENSMUSG00000027291	159	NA	0.5	0.19	0.67	0.17	0.13
chr2	120393298	120393780	Snap23	ENSMUSG00000027287	132	NA	0.31	0.17	0.17	0.11	0.17
chr2	120454800	120455006	Stard9	ENSMUSG00000033705	41	NA	0.14	0.07	0.12	0.04	0.1
chr2	121114849	121115130	Mtap1a	ENSMUSG00000027254	-347	NA	NA	0.33	0.64	NA	0.12
chr2	121332176	121332528	Mfap1a	ENSMUSG00000068479	49	0.67	NA	0.15	NA	NA	0.25
chr2	122124398	122124845	Duoxa2	ENSMUSG00000027225	-15	NA	1	0.33	NA	NA	0.45
chr2	122436768	122437178	Gatm	ENSMUSG00000027199	66	NA	0.14	0.15	0.07	0.5	0.08
chr2	122564064	122564576	4930580A09Rik	ENSMUSG00000085633	-222	NA	0.5	0.09	0.27	0.82	0.08
chr2	122590824	122591258	Sqrdl	ENSMUSG00000005803	68	NA	0.19	0.09	0.13	0.16	0.09
chr2	126896324	126896619	Blvra	ENSMUSG00000001999	70	NA	0.33	0.1	0.1	0.13	0.1
chr2	126968970	126969242	Itpril1	ENSMUSG00000074825	-64	NA	0.17	0.08	0.12	0.06	0.17
chr2	127270048	127270335	Fahd2a	ENSMUSG00000027371	25	NA	0.63	0.13	0.11	0.12	0.31
chr2	127410304	127410528	Zfp661	ENSMUSG00000034800	-11	NA	NA	0.07	0.18	NA	0.06
chr2	127617935	127618296	1500011K16Rik	ENSMUSG000000051319	109	NA	0.17	0.08	1	0.23	0.21
chr2	128643922	128644270	Tmem87b	ENSMUSG00000014353	-24	NA	0.12	0.09	0.09	0.07	0.18
chr2	128926776	128927018	Polr1b	ENSMUSG00000027395	134	NA	0.79	0.31	0.28	0.24	0.16
chr2	131035802	131036157	2310035K24Rik	ENSMUSG00000068264	-127	NA	NA	0.33	NA	0.7	0.11
chr2	131735589	131735831	Prnp	ENSMUSG00000079037	46	0.8	NA	0.1	0.5	NA	0.32

chr2	131854810	131855064	Rassf2	ENSMUSG00000027339	-35	NA	0.25	0.14	0.19	NA	0.2
chr2	132078317	132079290	Pcna	ENSMUSG00000027342	-471	NA	0.5	0.17	0.14	0.33	0.11
chr2	132512685	132512902	1110034G24Rik	ENSMUSG00000044991	126	NA	0.13	0.13	0.25	0.12	0.15
chr2	134469408	134469979	Tmx4	ENSMUSG00000034723	84	NA	0.18	0.08	0.07	0.1	0.17
chr2	136213305	136213516	Pak7	ENSMUSG00000039913	264	0.15	0.08	0.06	0.1	NA	0.15
chr2	144381494	144381755	Sec23b	ENSMUSG00000027429	-341	NA	0.17	1	0.6	0.58	0.52
chr2	148233886	148234144	Thbd	ENSMUSG00000074743	-91	0.36	0.33	0.11	0.5	NA	0.4
chr2	148557832	148558209	Napb	ENSMUSG00000027438	107	1	NA	0.09	1	NA	0.14
chr2	148700812	148701312	Cst3	ENSMUSG00000027447	125	NA	NA	0.43	NA	NA	NA
chr2	150493721	150493971	Acss1	ENSMUSG00000027452	104	NA	0.06	0.08	0.09	0.09	0.23
chr2	151566563	151567130	Psmf1	ENSMUSG00000032869	183	NA	1	0.13	0.5	NA	0.27
chr2	152495123	152495568	H13	ENSMUSG00000019188	148	1	NA	NA	NA	NA	0.2
chr2	152560753	152561034	Id1	ENSMUSG00000042745	-1094	NA	0.14	0.1	0.18	0.11	0.08
chr2	152562049	152562756	Id1	ENSMUSG00000042745	415	NA	0.09	0.12	0.23	0.08	0.17
chr2	154198096	154198574	Cdk5rap1	ENSMUSG00000027487	92	NA	NA	0.25	1	0.33	0.16
chr2	154378232	154378533	1700007I08Rik	ENSMUSG00000078129	870	NA	NA	NA	NA	NA	0.26
chr2	155755680	155756001	Uqcc	ENSMUSG00000005882	-86	NA	NA	0.15	0.17	0.12	0.13
chr2	158054625	158055209	D630003M21Rik	ENSMUSG00000037813	41	NA	NA	0.5	0.73	0.75	0.4
chr2	158187069	158187345	9430008C03Rik	ENSMUSG00000085385	4	NA	0.5	0.14	0.15	0.5	0.14
chr2	158201278	158201501	Snhg11	ENSMUSG00000044349	15	NA	NA	NA	NA	NA	0.43
chr2	162734043	162734274	Gm11452	ENSMUSG00000082514	498	NA	1	0.23	1	NA	0.21
chr2	162843086	162843478	Ift52	ENSMUSG00000017858	192	NA	0.25	0.08	0.24	0.13	0.07
chr2	163264224	163264537	Gdap111	ENSMUSG00000017943	111	NA	0.5	0.18	0.62	0.4	0.26
chr2	163297946	163298444	2310001K24Rik	ENSMUSG00000053353	-132	NA	NA	0.12	0.4	NA	0.24
chr2	163996707	163996962	Kcns1	ENSMUSG00000040164	15	NA	NA	0.15	0.35	1	0.27
chr2	164322839	164323249	Pigt	ENSMUSG00000017721	24	1	0.67	0.25	1	NA	0.25
chr2	164648482	164648692	Zswim1	ENSMUSG00000017764	74	0.4	0.29	0.2	0.07	NA	0.09
chr2	164658287	164658926	Ctsa	ENSMUSG00000017760	233	NA	0.41	0.23	0.3	0.17	0.36
chr2	164778848	164779065	Mmp9	ENSMUSG00000017737	-930	NA	1	NA	NA	0.36	0.17
chr2	165194046	165194341	Zfp663	ENSMUSG00000056824	30	0.33	NA	0.07	0.18	NA	0.25

chr2	165298520	165298771	Slc13a3	ENSMUSG00000018459	54	NA	0.07	0.12	0.07	0.07	0.09
chr2	165687122	165687385	Zmynd8	ENSMUSG00000039671	252	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr2	168106725	168107110	Kcng1	ENSMUSG00000074575	-285	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr2	169459088	169459407	Tshz2	ENSMUSG00000047907	71	NA	1	0.17	NA	NA	NA
chr2	177877015	177877351	Phactr3	ENSMUSG00000027525	545	NA	0.67	0.23	1	0.34	0.21
chr2	179709993	179710273	Taf4a	ENSMUSG00000039117	131	NA	0.08	0.06	0.07	0.05	0.08
chr2	180008207	180008477	Cables2	ENSMUSG00000038990	-141	NA	0.56	0.17	0.5	0.75	0.29
chr2	180626205	180626442	Gm14342	ENSMUSG00000086166	-1958	NA	NA	NA	NA	NA	0.5
chr2	181099439	181100297	Arfrp1	ENSMUSG00000038671	-352	NA	0.22	0.09	0.15	0.09	0.14
chr2	181100632	181100870	Zgpat	ENSMUSG00000027582	594	0.06	0.09	0.08	0.09	NA	0.12
chr2	181231822	181232239	Tpd52l2	ENSMUSG00000000827	183	NA	0.75	NA	NA	NA	NA
chr2	181431947	181432174	4930526D03Rik	ENSMUSG00000045794	61	NA	1	NA	NA	NA	1
chr3	9608980	9609332	Zfp704	ENSMUSG00000040209	929	0.34	0.27	0.16	0.13	0.1	0.18
chr3	38383299	38384271	Ankrd50	ENSMUSG00000044864	-48	0.27	0.15	0.08	0.15	0.08	0.13
chr3	94641252	94642240	Pogz	ENSMUSG00000038902	257	0.32	0.12	0.11	0.14	0.1	0.15
chr3	54496408	54496981	Fam48a	ENSMUSG00000027751	-333	0.74	0.17	0.11	0.27	0.18	0.2
chr3	41368633	41370233	Phf17	ENSMUSG00000025764	631	0.3	0.2	0.11	0.16	0.13	0.18
chr3	153568583	153569035	Msh4	ENSMUSG00000005493	293	0.42	0.65	0.75	0.86	0.79	0.86
chr3	88004433	88005209	AW047730	ENSMUSG00000091886	276	0.08	0.23	0.12	0.2	0.22	0.12
chr3	36470313	36471238	Ccna2	ENSMUSG00000027715	74	0.07	0.18	0.12	0.13	0.17	0.18
chr3	37318073	37319867	Nudt6	ENSMUSG00000050174	-482	0.27	0.21	0.13	0.18	0.09	0.14
chr3	88991084	88991401	Fam189b	ENSMUSG00000032657	-56	0.69	0.56	0.35	0.35	0.46	0.56
chr3	103379101	103380528	Syt6	ENSMUSG00000027849	660	0.25	0.14	0.12	0.16	0.1	0.15
chr3	95462409	95463400	Mcl1	ENSMUSG00000038612	261	0.25	0.13	0.1	0.15	0.09	0.14
chr3	103771939	103772771	Phf1	ENSMUSG00000058388	322	0.32	0.22	0.2	0.16	0.15	0.19
chr3	96708696	96709300	Gpr89	ENSMUSG00000028096	237	0.21	0.11	0.11	0.16	0.06	0.14
chr3	51219713	51220807	Naa15	ENSMUSG00000063273	322	0.1	0.15	0.12	0.16	0.29	0.14
chr3	122686809	122687936	Usp53	ENSMUSG00000039701	-7	0.08	0.17	0.1	0.16	0.18	0.12
chr3	63767901	63768786	Slc33a1	ENSMUSG00000027822	-49	0.28	0.23	0.1	0.15	0.07	0.2
chr3	26230281	26230848	A830092H15Rik	ENSMUSG00000074664	492	0.5	0.12	0.1	0.27	0.04	0.13

chr3	65331636	65333389	4931440P22Rik	ENSMUSG00000074580	-406	0.11	0.09	0.1	0.16	0.05	0.11
chr3	145421648	145422243	Ddah1	ENSMUSG00000028194	306	0.39	0.35	0.14	0.12	0.16	0.15
chr3	32295794	32296862	Pik3ca	ENSMUSG00000027665	-265	0.38	0.25	0.18	0.19	0.19	0.2
chr3	113332564	113333192	Rnpc3	ENSMUSG00000027981	-60	0.83	0.5	0.19	0.26	0.14	0.13
chr3	19794634	19795495	4632415L05Rik	ENSMUSG00000048106	178	0.78	0.33	0.1	0.13	0.24	0.21
chr3	129236570	129237198	Elov6	ENSMUSG00000041220	1580	0.3	0.24	0.1	0.22	0.13	0.16
chr3	88489362	88490519	2810403A07Rik	ENSMUSG00000028060	224	0.33	0.37	0.15	0.35	0.09	0.21
chr3	7503335	7503745	Fam164a	ENSMUSG00000043542	114	0.31	0.17	0.1	0.16	0.13	0.18
chr3	55986724	55988043	Nbea	ENSMUSG00000027799	240	0.1	0.29	0.08	0.12	0.18	0.13
chr3	40603789	40604660	Plk4	ENSMUSG00000025758	283	0.06	0.18	0.07	0.13	0.14	0.15
chr3	153636293	153636705	Slc44a5	ENSMUSG00000028360	99	0.18	0.41	0.16	0.14	0.42	0.08
chr3	138404972	138406152	Tspan5	ENSMUSG00000028152	403	0.29	0.17	0.14	0.18	0.14	0.15
chr3	67386527	67387003	Mfsd1	ENSMUSG00000027775	75	0.42	0.33	0.37	0.27	0.1	0.18
chr3	100292285	100293647	Fam46c	ENSMUSG00000044468	151	0.24	0.18	0.15	0.17	0.13	0.13
chr3	96531380	96532064	Polr3c	ENSMUSG00000028099	-324	0.1	0.18	0.09	0.21	0.23	0.1
chr3	95799374	95800176	Plekho1	ENSMUSG00000015745	-184	0.13	0.08	0.1	0.13	0.05	0.15
chr3	157609905	157611054	Ankrd13c	ENSMUSG00000039988	101	0.07	0.21	0.12	0.15	0.12	0.13
chr3	17954413	17955885	Bhlhe22	ENSMUSG00000025128	824	0.16	0.15	0.11	0.13	0.08	0.14
chr3	16082947	16083830	Ythdf3	ENSMUSG00000047213	205	0.29	0.18	0.13	0.16	0.13	0.17
chr3	89568320	89568574	Chrn2	ENSMUSG00000027950	107	0.44	0.08	0.1	0.17	0.08	0.19
chr3	130813174	130815461	Lef1	ENSMUSG00000027985	928	0.27	0.19	0.16	0.2	0.18	0.17
chr3	28162283	28162613	Tnik	ENSMUSG00000027692	-37	0.16	0.11	0.15	0.12	0.08	0.13
chr3	127255890	127256603	Larp7	ENSMUSG00000027968	20	0.37	0.13	0.08	0.2	0.11	0.15
chr3	62310537	62311096	Dhx36	ENSMUSG00000027770	110	0.47	0.16	0.08	0.11	0.19	0.14
chr3	107081843	107082350	Hbxip	ENSMUSG00000087260	320	0.24	0.13	0.16	0.26	0.08	0.12
chr3	142058033	142058738	Pdlim5	ENSMUSG00000028273	186	0.23	0.12	0.09	0.16	0.14	0.11
chr3	122627036	122627438	1810037I17Rik	ENSMUSG00000054091	-43	0.3	0.35	0.16	0.15	0.1	0.19
chr3	66784766	66785535	Shox2	ENSMUSG00000093425	-87	0.22	0.29	0.09	0.13	0.09	0.16
chr3	27608895	27610083	Fndc3b	ENSMUSG00000039286	-128	0.22	0.21	0.1	0.17	0.12	0.13
chr3	96473985	96474341	Ankrd35	ENSMUSG00000038354	109	0.33	0.34	0.13	0.15	0.17	0.14

chr3	30498642	30498909	Arpm1	ENSMUSG00000037737	86	0.06	0.06	0.11	0.22	0.21	0.13
chr3	125640743	125642027	Ugt8a	ENSMUSG00000032854	83	0.1	0.13	0.1	0.13	0.16	0.15
chr3	9004109	9004643	Tpd52	ENSMUSG00000027506	61	0.15	0.15	0.14	0.22	0.3	0.27
chr3	137806201	137807099	Mtp	ENSMUSG00000028158	-298	0.28	0.25	0.13	0.23	0.16	0.17
chr3	38783972	38787249	Fat4	ENSMUSG00000046743	-252	0.21	0.19	0.1	0.17	0.12	0.15
chr3	127493563	127493781	Tifa	ENSMUSG00000046688	97	0.46	0.11	0.14	0.11	0.13	0.17
chr3	88968559	88969174	Clk2	ENSMUSG00000068917	149	0.42	0.29	0.11	0.22	0.2	0.16
chr3	108357076	108357429	Scarna2	ENSMUSG00000088185	417	0.1	0.24	0.12	0.15	0.28	0.08
chr3	54611096	54611825	Rfxap	ENSMUSG00000036615	253	0.13	0.1	0.07	0.14	0.06	0.12
chr3	121128902	121130424	Cnn3	ENSMUSG00000053931	204	0.16	0.18	0.09	0.15	0.24	0.13
chr3	144232502	144233943	Hs2st1	ENSMUSG00000040151	-377	0.22	0.26	0.12	0.18	0.12	0.13
chr3	145650609	145651858	Syde2	ENSMUSG00000036863	399	0.12	0.13	0.08	0.09	0.07	0.12
chr3	97413823	97414229	Chd1l	ENSMUSG00000028089	100	0.49	0.3	0.11	0.18	0.23	0.1
chr3	51287701	51288611	Rab33b	ENSMUSG00000027739	268	0.06	0.08	0.1	0.16	0.15	0.1
chr3	51028376	51029433	Ccrn4l	ENSMUSG00000023087	512	0.27	0.15	0.09	0.15	0.17	0.11
chr3	69120197	69121968	Ppm1l	ENSMUSG00000027784	299	0.15	0.11	0.11	0.15	0.1	0.16
chr3	151872649	151874133	Dnajb4	ENSMUSG00000028035	-408	0.21	0.25	0.11	0.14	0.13	0.14
chr3	80840594	80841617	Pdgfc	ENSMUSG00000028019	11	0.11	0.08	0.1	0.11	0.05	0.14
chr3	126066698	126066968	Arsj	ENSMUSG00000046561	88	0.36	0.62	0.23	0.16	0.79	0.45
chr3	90268668	90270099	Npr1	ENSMUSG00000027931	405	0.24	0.21	0.14	0.2	0.16	0.22
chr3	68673079	68674458	1110032F04Rik	ENSMUSG00000046999	260	0.15	0.13	0.09	0.13	0.09	0.13
chr3	88894373	88895514	Rusc1	ENSMUSG00000041263	-990	0.23	0.19	0.1	0.16	0.11	0.15
chr3	94818728	94820168	Zfp687	ENSMUSG00000019338	-308	0.23	0.22	0.12	0.19	0.12	0.15
chr3	10366841	10367127	Chmp4c	ENSMUSG00000027536	77	0.44	0.56	0.22	NA	0.08	0.19
chr3	84283234	84284813	Fhdc1	ENSMUSG00000041842	-610	0.06	0.22	0.09	0.13	0.12	0.11
chr3	88357968	88358221	Ubqln4	ENSMUSG00000008604	456	0.32	0.28	0.15	0.25	0.69	0.25
chr3	138189954	138191100	Mir1956	ENSMUSG00000088373	1142	0.14	0.13	0.1	0.12	0.09	0.11
chr3	84617932	84619704	Fbxw7	ENSMUSG00000028086	-372	0.14	0.15	0.1	0.13	0.2	0.11
chr3	9609693	9610197	Zfp704	ENSMUSG00000040209	140	0.11	0.26	0.08	0.17	0.21	0.12
chr3	13472896	13473372	Gm2464	ENSMUSG00000078587	1462	0.13	0.15	0.1	0.13	0.07	0.1

chr3	137527001	137528745	H2afz	ENSMUSG00000037894	422	0.13	0.17	0.1	0.15	0.07	0.14
chr3	30992635	30992854	Skil	ENSMUSG00000027660	-1236	1	0.17	0.16	0.23	0.19	0.16
chr3	27837395	27838037	Pld1	ENSMUSG00000027695	114	0.33	0.17	0.15	0.19	0.14	0.2
chr3	34562300	34563395	Sox2ot	ENSMUSG00000090828	-1318	0.1	0.53	0.15	0.18	0.31	0.14
chr3	95160738	95161241	Setdb1	ENSMUSG00000015697	22	0.86	1	0.4	0.67	0.38	0.5
chr3	105254930	105255988	Kcnd3	ENSMUSG00000040896	211	0.16	0.14	0.1	0.18	0.09	0.14
chr3	152330577	152331155	Ak5	ENSMUSG00000039058	238	0.1	0.1	0.14	0.1	0.05	0.15
chr3	89234081	89234575	Pygo2	ENSMUSG00000047824	192	0.37	0.28	0.13	0.17	0.2	0.18
chr3	96000865	96001598	Bola1	ENSMUSG00000015943	278	0.22	0.2	0.09	0.19	0.11	0.09
chr3	103718080	103719043	Rsb1	ENSMUSG00000044098	71	0.05	0.09	0.07	0.13	0.13	0.13
chr3	122321372	122323162	Fnbp1l	ENSMUSG00000039735	204	0.29	0.26	0.1	0.18	0.18	0.18
chr3	105489935	105490922	Ddx20	ENSMUSG00000027905	-66	0.07	0.13	0.1	0.11	0.11	0.11
chr3	27052335	27052990	Ect2	ENSMUSG00000027699	42	0.08	0.27	0.11	0.26	0.17	0.14
chr3	88963657	88964151	Hcn3	ENSMUSG00000028051	-2	0.06	0.09	0.11	0.19	0.11	0.11
chr3	104315338	104316081	Lrig2	ENSMUSG00000032913	70	1	0.16	0.2	0.22	0.11	0.18
chr3	138737435	138738932	Rap1gds1	ENSMUSG00000028149	-20	0.28	0.19	0.15	0.22	0.17	0.17
chr3	116414650	116415340	Slc35a3	ENSMUSG00000027957	-235	0.15	0.19	0.11	0.16	0.08	0.15
chr3	21974658	21976150	Tbl1xr1	ENSMUSG00000027630	-170	0.19	0.24	0.08	0.12	0.12	0.13
chr3	75760098	75761056	Golim4	ENSMUSG00000034109	-5	0.2	0.17	0.1	0.19	0.07	0.12
chr3	152009324	152009955	Usp33	ENSMUSG00000025437	197	0.38	0.34	0.14	0.2	0.19	0.19
chr3	95675283	95675622	Mrps21	ENSMUSG00000054312	-162	0.4	0.29	0.19	0.14	0.1	0.2
chr3	143864914	143865407	Lmo4	ENSMUSG00000028266	104	0.11	0.27	0.19	0.42	0.65	0.25
chr3	83994405	83995030	Trim2	ENSMUSG00000027993	-272	0.49	0.48	0.5	0.55	0.32	0.57
chr3	86350709	86351716	Lrba	ENSMUSG00000028080	-926	0.14	0.15	0.17	0.34	0.07	0.22
chr3	107889158	107889681	Ampd2	ENSMUSG00000027889	126	0.16	0.09	0.12	0.13	0.09	0.12
chr3	157229725	157230803	Ptger3	ENSMUSG00000040016	408	0.16	0.13	0.14	0.17	0.08	0.18
chr3	20054546	20055126	Gyg	ENSMUSG00000019528	132	0.17	0.17	0.07	0.17	0.1	0.12
chr3	122431833	122433685	Pde5a	ENSMUSG00000053965	683	0.2	0.24	0.13	0.15	0.14	0.18
chr3	87572805	87573110	Pear1	ENSMUSG00000028073	-100	0.75	0.57	0.18	0.2	0.11	0.12
chr3	97461970	97462718	Prkab2	ENSMUSG00000038205	228	0.27	0.23	0.17	0.15	0.19	0.13

chr3	107320033	107321025	Slc6a17	ENSMUSG00000027894	-284	0.14	0.2	0.12	0.21	0.23	0.14
chr3	97817231	97817943	Notch2	ENSMUSG00000027878	126	0.36	0.18	0.12	0.14	0.22	0.17
chr3	68848291	68849198	Trim59	ENSMUSG00000034317	-107	0.14	0.2	0.09	0.13	0.07	0.1
chr3	30867604	30868428	Phc3	ENSMUSG00000037652	305	0.19	0.11	0.16	0.14	0.12	0.15
chr3	62142640	62143896	Arhgef26	ENSMUSG00000036885	347	0.15	0.21	0.11	0.23	0.23	0.12
chr3	88717384	88718010	Msto1	ENSMUSG00000068922	107	0.15	0.5	0.18	0.26	0.27	0.17
chr3	94386031	94386656	Snx27	ENSMUSG00000028136	128	0.13	0.15	0.1	0.11	0.21	0.12
chr3	89716717	89717301	Il6ra	ENSMUSG00000027947	75	0.06	0.09	0.08	0.12	0.12	0.12
chr3	107134880	107137035	Rbm15	ENSMUSG00000048109	634	0.14	0.22	0.1	0.2	0.22	0.16
chr3	91828440	91828925	Gm6097	ENSMUSG00000082826	193	0.87	0.88	0.54	0.69	0.65	0.77
chr3	120965425	120966157	Tmem56	ENSMUSG00000028132	286	0.14	0.1	0.11	0.19	0.09	0.13
chr3	109143413	109144071	Vav3	ENSMUSG00000033721	171	0.09	0.08	0.09	0.14	0.17	0.16
chr3	143867560	143868825	Lmo4	ENSMUSG00000028266	-48	0.17	0.19	0.11	0.16	0.12	0.16
chr3	99044811	99045504	Tbx15	ENSMUSG00000027868	853	0.19	0.67	0.2	0.29	0.4	0.22
chr3	87733754	87734508	Rrnad1	ENSMUSG00000004896	-82	0.09	0.12	0.13	0.25	0.14	0.11
chr3	127201341	127202192	Gm4392	ENSMUSG00000078164	153	0.15	0.17	0.16	0.18	0.09	0.2
chr3	82859173	82859565	Plrg1	ENSMUSG00000027998	-75	0.09	0.12	0.1	0.13	0.04	0.08
chr3	87946076	87946880	Mef2d	ENSMUSG00000001419	184	0.07	0.11	0.11	0.1	0.14	0.13
chr3	146113350	146113616	Ctbs	ENSMUSG00000028189	49	0.05	0.06	0.1	0.13	0.11	0.16
chr3	85946192	85946691	Rps3a	ENSMUSG00000028081	183	0.19	0.1	0.12	0.17	0.1	0.15
chr3	107434153	107434722	Gm10961	ENSMUSG00000078604	197	0.24	0.23	0.13	0.17	0.14	0.17
chr3	132973002	132973600	Ppa2	ENSMUSG00000028013	227	0.15	0.27	0.15	0.09	0.06	0.18
chr3	108013063	108013826	Atxn7l2	ENSMUSG00000048997	-64	0.18	0.09	0.13	0.25	0.09	0.14
chr3	133898958	133899261	Cxxc4	ENSMUSG00000044365	-675	0.87	0.68	0.31	0.92	0.56	0.33
chr3	88753817	88754922	Dap3	ENSMUSG00000068921	-541	0.07	0.12	0.08	0.11	0.11	0.13
chr3	108524656	108525330	Gpsm2	ENSMUSG00000027883	41	0.21	0.15	0.1	0.21	0.11	0.18
chr3	14611032	14611738	1810022K09Rik	ENSMUSG00000078784	-164	0.15	0.13	0.12	0.15	0.09	0.12
chr3	27081799	27082208	Nceh1	ENSMUSG00000027698	116	1	1	0.3	0.9	0.19	0.13
chr3	105603679	105604348	Rap1a	ENSMUSG00000068798	235	0.09	0.17	0.2	0.32	0.15	0.2
chr3	69525793	69526657	Nmd3	ENSMUSG00000027787	318	0.17	0.23	0.13	0.13	0.12	0.17

chr3	88357306	88357598	Ubqln4	ENSMUSG00000008604	-186	0.13	0.11	0.12	0.15	0.29	0.24
chr3	54915942	54916284	Spg20	ENSMUSG00000036580	83	0.12	0.18	0.1	0.16	0.06	0.16
chr3	99966082	99966809	Wdr3	ENSMUSG00000033285	-190	0.17	0.21	0.11	0.15	0.1	0.13
chr3	108028756	108029686	Sypl2	ENSMUSG00000027887	340	0.12	0.17	0.17	0.18	0.17	0.2
chr3	138105622	138106411	Adh5	ENSMUSG00000028138	-41	0.1	0.1	0.12	0.15	0.06	0.13
chr3	67318972	67319549	Rarres1	ENSMUSG00000049404	185	0.14	0.06	0.17	0.09	0.06	0.09
chr3	40886342	40887591	Pgrmc2	ENSMUSG00000049940	2	0.05	0.07	0.11	0.2	0.1	0.15
chr3	102007683	102008688	Vangl1	ENSMUSG00000027860	-381	0.14	0.21	0.07	0.16	0.1	0.14
chr3	128907259	128907591	Pitx2	ENSMUSG00000028023	560	0.08	0.08	0.1	0.13	0.13	0.21
chr3	132754319	132755200	Gstcd	ENSMUSG00000028018	-48	0.09	0.23	0.17	0.14	0.24	0.14
chr3	36588409	36589082	Trpc3	ENSMUSG00000027716	344	0.06	0.07	0.09	0.11	0.09	0.12
chr3	5575795	5576577	Pxmp3	ENSMUSG00000040374	-36	0.24	0.14	0.15	0.16	0.15	0.17
chr3	157197004	157197788	Zranb2	ENSMUSG00000028180	272	0.15	0.12	0.07	0.13	0.1	0.13
chr3	90237277	90237722	Ints3	ENSMUSG00000027933	59	0.15	0.26	0.12	0.21	0.33	0.17
chr3	51906253	51909054	Maml3	ENSMUSG00000061143	1160	0.1	0.15	0.12	0.18	0.14	0.16
chr3	106904397	106905474	Kcna2	ENSMUSG00000040724	450	0.1	0.08	0.08	0.08	0.07	0.11
chr3	144382611	144383416	Sh3glb1	ENSMUSG00000037062	274	0.22	0.21	0.08	0.12	0.13	0.15
chr3	103612937	103613513	Dclre1b	ENSMUSG00000027845	-110	0.27	0.56	0.12	0.17	0.12	0.13
chr3	94113902	94114264	Them4	ENSMUSG00000028145	72	0.29	1	0.07	0.18	0.8	0.13
chr3	121977037	121977732	Dnrtip2	ENSMUSG00000039756	52	0.17	0.17	0.1	0.17	0.1	0.15
chr3	61168395	61169587	Rap2b	ENSMUSG00000036894	562	0.07	0.1	0.14	0.16	0.11	0.13
chr3	95861784	95862055	Vps45	ENSMUSG00000015747	-166	1	1	0.18	0.19	0.05	0.35
chr3	5219318	5219878	Zfx4	ENSMUSG00000025255	1009	0.15	0.11	0.12	0.16	0.09	0.14
chr3	89577023	89577983	4632404H12Rik	ENSMUSG00000042579	-341	0.09	0.14	0.09	0.14	0.11	0.12
chr3	110052807	110053992	Prmt6	ENSMUSG00000049300	512	0.17	0.13	0.13	0.12	0.11	0.19
chr3	124023844	124024309	Tram111	ENSMUSG00000044528	121	0.07	0.17	0.09	0.16	0.15	0.11
chr3	133207142	133208081	Tet2	ENSMUSG00000040943	-257	0.16	0.1	0.09	0.13	0.11	0.16
chr3	135489293	135489596	Slc39a8	ENSMUSG00000053897	390	0.2	0.15	0.15	0.19	0.14	0.19
chr3	145312278	145313023	Cyr61	ENSMUSG00000028195	299	0.08	0.21	0.15	0.12	0.12	0.12
chr3	145812757	145813272	Mcoln2	ENSMUSG00000011008	217	0.04	0.07	0.12	0.11	0.08	0.17

chr3	157699263	157699898	Srsf11	ENSMUSG00000055436	-20	0.12	0.09	0.09	0.1	0.06	0.1
chr3	36512061	36512505	Bbs7	ENSMUSG00000037325	-76	0.19	0.21	0.11	0.17	0.13	0.09
chr3	68297558	68299268	Schip1	ENSMUSG00000027777	283	0.13	0.31	0.1	0.14	0.18	0.13
chr3	104591558	104592117	Rhoc	ENSMUSG00000002233	-92	0.16	0.17	0.11	0.15	0.11	0.18
chr3	108374531	108374780	Taf13	ENSMUSG00000048100	39	0.5	0.1	0.1	0.16	0.12	0.18
chr3	142428034	142428557	Gtf2b	ENSMUSG00000028271	105	0.24	0.4	0.12	0.19	0.12	0.09
chr3	51200298	51200541	4930583H14Rik	ENSMUSG000000037161	-9	0.07	0.17	0.16	1	0.17	0.33
chr3	108218390	108219029	Celsr2	ENSMUSG00000068740	-297	0.22	0.14	0.14	0.12	0.14	0.15
chr3	138151899	138152792	Metap1	ENSMUSG00000005813	1	0.12	0.17	0.11	0.14	0.17	0.17
chr3	142544114	142545492	Pkn2	ENSMUSG00000004591	-181	0.2	0.18	0.08	0.18	0.14	0.14
chr3	152058666	152059815	Zzz3	ENSMUSG00000039068	273	0.07	0.09	0.09	0.11	0.09	0.09
chr3	8923456	8923964	Mrps28	ENSMUSG00000040269	208	0.87	NA	0.12	0.27	0.5	0.18
chr3	96962509	96963350	Acp6	ENSMUSG00000028093	229	0.17	0.08	0.11	0.19	0.04	0.2
chr3	107498816	107499640	Ahcyl1	ENSMUSG00000027893	-347	0.34	0.3	0.14	0.17	0.24	0.31
chr3	142364056	142364266	Ccbl2	ENSMUSG00000040213	103	0.08	0.54	0.14	0.24	0.18	0.18
chr3	79432517	79433296	Etfdh	ENSMUSG00000027809	-301	0.15	0.3	0.1	0.13	0.32	0.15
chr3	87774942	87775885	Nes	ENSMUSG00000004891	413	0.21	0.24	0.17	0.15	0.15	0.13
chr3	130432784	130433469	Rpl34	ENSMUSG00000062006	126	0.2	0.23	0.18	0.16	0.11	0.22
chr3	41367311	41367880	Phf17	ENSMUSG00000025764	-78	0.28	0.37	0.11	0.26	0.38	0.16
chr3	57378790	57380486	Wwtr1	ENSMUSG00000027803	112	0.11	0.13	0.09	0.14	0.08	0.15
chr3	96072590	96073030	Hist2h3b	ENSMUSG00000074403	233	1	NA	0.23	NA	0.5	0.14
chr3	104555894	104556215	Gm6485	ENSMUSG00000089999	29	0.77	0.89	0.5	0.43	1	0.56
chr3	58218543	58221129	Tsc22d2	ENSMUSG00000027806	399	0.14	0.12	0.09	0.14	0.12	0.12
chr3	94846257	94846578	Psmc4	ENSMUSG00000005625	48	0.07	0.3	0.1	0.12	0.14	0.08
chr3	146067369	146068029	Ssx2ip	ENSMUSG00000036825	93	0.18	0.05	0.08	0.14	0.1	0.13
chr3	35652793	35653643	Atp11b	ENSMUSG00000037400	162	0.06	0.12	0.08	0.17	0.08	0.12
chr3	145883777	145884387	Lpar3	ENSMUSG00000036832	157	0.08	0.11	0.16	0.1	0.06	0.15
chr3	146183789	146183991	Rpf1	ENSMUSG00000028187	497	0.21	0.21	0.1	0.12	0.08	0.24
chr3	19088029	19088573	Mtfr1	ENSMUSG00000027601	191	0.1	0.15	0.12	0.16	0.13	0.11
chr3	102975568	102975908	Bcas2	ENSMUSG00000005687	160	0.08	0.08	0.1	0.17	0.14	0.14

chr3	105261827	105262170	Kcnd3	ENSMUSG00000040896	298	0.85	0.89	0.91	0.95	1	0.97
chr3	105761792	105762735	Atp5f1	ENSMUSG00000000563	-99	0.11	0.1	0.12	0.18	0.07	0.18
chr3	31208400	31208977	Slc7a14	ENSMUSG00000069072	612	0.14	0.11	0.16	0.26	0.04	0.15
chr3	86723515	86724919	Dclk2	ENSMUSG00000028078	40	0.1	0.21	0.09	0.14	0.13	0.13
chr3	98186125	98186539	Zfp697	ENSMUSG00000050064	-72	0.08	0.07	0.11	0.24	0.14	0.13
chr3	116297411	116298341	Ccdc76	ENSMUSG00000033439	-290	0.07	0.21	0.17	0.19	0.28	0.22
chr3	121948176	121949188	Gclm	ENSMUSG00000028124	207	0.09	0.11	0.11	0.1	0.07	0.14
chr3	14886138	14887025	Car2	ENSMUSG00000027562	155	0.09	0.21	0.11	0.17	0.11	0.16
chr3	57455346	57455729	Commd2	ENSMUSG00000036513	78	0.08	0.55	0.11	0.12	0.3	0.13
chr3	66789518	66790059	Rsrc1	ENSMUSG00000034544	196	0.25	0.22	0.13	0.14	0.1	0.26
chr3	109945608	109946820	Ntng1	ENSMUSG00000050836	715	0.17	0.2	0.07	0.11	0.07	0.14
chr3	123149696	123150484	Prss12	ENSMUSG00000027978	259	0.08	0.17	0.08	0.15	0.13	0.14
chr3	60304868	60305632	Mbnl1	ENSMUSG00000027763	76	0.18	0.16	0.11	0.15	0.14	0.13
chr3	90024645	90024871	Rab13	ENSMUSG00000027935	49	0.09	0.12	0.11	0.18	0.25	0.17
chr3	68808742	68810241	Smc4	ENSMUSG00000034349	599	0.17	0.11	0.1	0.11	0.11	0.11
chr3	88306577	88307223	Lmna	ENSMUSG00000028063	329	0.13	0.13	0.1	0.14	0.08	0.11
chr3	89883460	89884370	Tpm3	ENSMUSG00000027940	453	0.14	0.22	0.14	0.21	0.2	0.14
chr3	130974623	130975039	Hadh	ENSMUSG00000027984	111	0.14	NA	0.12	0.15	0.22	0.13
chr3	9833090	9833701	Pag1	ENSMUSG00000027508	-32	0.21	0.12	0.12	0.1	0.17	0.15
chr3	40512620	40513163	Slc25a31	ENSMUSG00000069041	114	0.96	0.96	0.92	1	0.91	0.95
chr3	53266984	53267931	Nhlrc3	ENSMUSG00000042997	-244	0.08	0.1	0.08	0.11	0.06	0.13
chr3	19210693	19211848	Pde7a	ENSMUSG00000069094	-367	0.12	0.08	0.07	0.12	0.09	0.09
chr3	87421039	87421720	AC139241.1	ENSMUSG00000093230	58	0.11	0.16	0.11	0.13	0.09	0.17
chr3	126299521	126300529	Camk2d	ENSMUSG00000053819	156	0.26	0.16	0.09	0.16	0.19	0.11
chr3	129533562	129534580	Gar1	ENSMUSG00000028010	-312	0.14	0.19	0.09	0.21	0.22	0.1
chr3	67177863	67178279	Mif1	ENSMUSG00000048416	52	0.27	0.15	0.1	0.11	0.1	0.16
chr3	107989071	107989654	Amigo1	ENSMUSG00000050947	109	0.06	0.09	0.09	0.11	0.09	0.1
chr3	137286603	137286883	Ddit4l	ENSMUSG00000046818	107	0.07	0.14	0.1	0.13	0.15	0.15
chr3	157694295	157694794	Srsf11	ENSMUSG00000055436	-125	0.26	0.21	0.1	0.14	0.21	0.15
chr3	37247745	37248042	Fgf2	ENSMUSG00000037225	318	0.11	0.06	0.08	0.09	0.05	0.09

chr3	89518931	89519619	Adar	ENSMUSG00000027951	331	0.38	0.11	0.18	0.3	0.21	0.12
chr3	153992266	153992999	Lhx8	ENSMUSG00000028201	391	0.21	0.21	0.17	0.2	0.42	0.25
chr3	94690402	94690880	Psemb4	ENSMUSG00000005779	26	0.1	0.25	0.12	0.16	0.14	0.15
chr3	116510850	116511249	Agl	ENSMUSG000000033400	-100	0.09	0.33	0.08	0.14	0.12	0.09
chr3	96132062	96132337	U1	ENSMUSG000000075978	-149	0.07	0.04	0.1	0.33	0.14	0.15
chr3	100725922	100726483	Trim45	ENSMUSG000000033233	77	0.08	0.11	0.1	0.13	0.05	0.16
chr3	141127831	141128714	Gm15688	ENSMUSG000000089737	25	0.43	0.14	0.13	0.19	0.8	0.16
chr3	89195794	89196594	Gm15417	ENSMUSG000000074466	302	0.53	0.49	0.16	0.31	0.44	0.26
chr3	134492228	134492597	Tacr3	ENSMUSG000000028172	441	0.2	0.07	0.15	0.09	0.04	0.12
chr3	158224266	158225268	Lrrc7	ENSMUSG000000028176	-447	0.13	0.29	0.16	0.11	0.19	0.14
chr3	69402272	69402957	B3galnt1	ENSMUSG000000043300	169	0.13	0.19	0.09	0.19	0.06	0.15
chr3	88981335	88981592	Scamp3	ENSMUSG000000028049	68	0.19	NA	0.12	0.25	0.26	0.17
chr3	89070279	89070574	Dpm3	ENSMUSG000000042737	-48	0.38	0.28	0.16	0.19	0.14	0.12
chr3	89634872	89635842	She	ENSMUSG000000046280	65	0.11	0.12	0.12	0.13	0.09	0.12
chr3	58329167	58330068	Eif2a	ENSMUSG000000027810	-126	0.11	0.18	0.09	0.14	0.09	0.13
chr3	58495491	58496548	Siah2	ENSMUSG000000036432	266	0.12	0.15	0.11	0.14	0.11	0.13
chr3	88136889	88137160	Tmem79	ENSMUSG00000001420	1166	0.72	0.89	0.73	0.65	0.79	0.84
chr3	89153743	89154409	Adam15	ENSMUSG000000028041	-195	0.11	0.11	0.1	0.15	0.14	0.12
chr3	89855970	89857033	Ubap2l	ENSMUSG000000042520	-104	0.1	0.11	0.13	0.14	0.21	0.19
chr3	100913575	100914648	Ptgfrn	ENSMUSG000000027864	-10	0.11	0.13	0.1	0.15	0.09	0.13
chr3	108186511	108186868	Gm12522	ENSMUSG000000074281	-30	0.1	0.25	0.13	0.2	0.19	0.15
chr3	55591426	55591722	Nbea	ENSMUSG000000027799	-750	0.13	0.29	0.08	0.12	0.08	0.09
chr3	67233963	67234492	Gfm1	ENSMUSG000000027774	209	0.13	0.22	0.24	0.2	0.3	0.26
chr3	146347959	146348513	Samd13	ENSMUSG000000048652	199	0.05	0.11	0.09	0.15	0.09	0.17
chr3	30501272	30501938	Mynn	ENSMUSG000000037730	596	0.1	0.14	0.11	0.16	0.13	0.12
chr3	32607293	32608324	Actl6a	ENSMUSG000000027671	340	0.15	0.15	0.14	0.19	0.19	0.16
chr3	81877707	81878056	Gucy1b3	ENSMUSG000000028005	752	0.08	0.11	0.16	0.25	0.2	0.09
chr3	31048630	31049146	Cldn11	ENSMUSG000000037625	20	0.17	0.11	0.08	0.1	0.11	0.12
chr3	37538668	37540071	Spry1	ENSMUSG000000037211	500	0.07	0.14	0.1	0.13	0.09	0.1
chr3	27270689	27271468	Ghsr	ENSMUSG000000051136	805	0.21	0.12	0.11	0.11	0.12	0.19

chr3	54719678	54719989	6030405A18Rik	ENSMUSG00000056306	-24	0.18	0.07	0.07	0.14	0.08	0.14
chr3	151928357	151928895	Nexn	ENSMUSG00000039103	658	0.25	0.16	0.11	0.18	0.13	0.35
chr3	88340158	88340940	Mir1905	ENSMUSG00000084728	-245	0.3	0.26	0.13	0.19	0.25	0.23
chr3	135100796	135102752	Ube2d3	ENSMUSG00000078578	513	0.13	0.15	0.13	0.16	0.16	0.17
chr3	32635222	32636469	Ndufb5	ENSMUSG00000027673	-67	0.12	0.42	0.18	0.12	1	0.12
chr3	85691051	85691853	Arfp1	ENSMUSG00000074513	-162	0.16	0.23	0.14	0.16	0.2	0.14
chr3	32515182	32515855	Gnb4	ENSMUSG00000027669	-79	0.09	0.13	0.07	0.16	0.05	0.1
chr3	34547751	34550288	Sox2	ENSMUSG00000074637	92	0.14	0.15	0.1	0.17	0.12	0.15
chr3	108086592	108087215	Sort1	ENSMUSG00000068747	-106	0.16	0.13	0.1	0.13	0.12	0.11
chr3	87710015	87710948	Hdgf	ENSMUSG0000004897	238	0.07	0.14	0.15	0.13	0.08	0.13
chr3	88335447	88336054	Mex3a	ENSMUSG00000074480	-567	0.2	0.11	0.26	0.12	0.09	0.15
chr3	89123549	89125938	Efna3	ENSMUSG00000028039	810	0.11	0.22	0.12	0.15	0.09	0.18
chr3	89141557	89141933	4731419I09Rik	ENSMUSG00000091513	-27	0.56	0.51	0.11	0.17	0.32	0.15
chr3	96073599	96074029	Hist2h2bb	ENSMUSG00000050936	170	0.11	0.07	0.15	0.16	0.15	0.14
chr3	54538524	54539626	Exosc8	ENSMUSG00000027752	-351	0.11	0.3	0.12	0.15	0.14	0.11
chr3	88424942	88425649	RP23-398K14.3	ENSMUSG00000093390	-312	0.11	0.24	0.12	0.16	0.14	0.18
chr3	89766994	89767400	Atp8b2	ENSMUSG00000060671	-161	0.06	0.08	0.13	0.08	0.11	0.14
chr3	90069034	90069862	Dennd4b	ENSMUSG00000042404	341	0.24	0.17	0.11	0.27	0.19	0.17
chr3	95118934	95119615	Lass2	ENSMUSG00000015714	268	0.21	0.11	0.15	0.08	0.16	0.12
chr3	97571766	97572068	Pde4dip	ENSMUSG00000038170	-63	0.11	0.05	0.09	0.23	0.04	0.2
chr3	131005501	131006263	4930534D22Rik	ENSMUSG00000091852	321	0.08	0.11	0.09	0.11	0.19	0.14
chr3	137530545	137531004	Dnajb14	ENSMUSG00000074212	135	0.12	0.08	0.08	0.08	0.09	0.1
chr3	146184121	146184454	Rpf1	ENSMUSG00000028187	100	0.13	0.11	0.2	0.25	0.07	0.14
chr3	30406549	30408299	Mecom	ENSMUSG00000027684	985	0.16	0.4	0.12	0.15	0.2	0.22
chr3	32264212	32264742	Zmat3	ENSMUSG00000027663	-95	0.07	0.08	0.07	0.24	0.05	0.12
chr3	40548941	40549784	Hspa4l	ENSMUSG00000025757	58	0.1	0.11	0.11	0.15	0.07	0.12
chr3	30993013	30994617	Skil	ENSMUSG00000027660	-165	0.11	0.09	0.1	0.12	0.09	0.12
chr3	65469953	65470654	Lekr1	ENSMUSG00000074579	153	0.06	0.18	0.12	0.19	0.13	0.13
chr3	82931163	82933157	Gm10710	ENSMUSG00000074517	1008	0.11	0.12	0.11	0.16	0.09	0.13
chr3	57539542	57540268	Rnf13	ENSMUSG00000036503	-88	0.11	0.1	0.07	0.15	0.08	0.12

chr3	94910270	94910938	Pip5k1a	ENSMUSG00000028126	97	0.11	0.16	0.12	0.19	0.17	0.14
chr3	102799597	102799953	Sike1	ENSMUSG00000027854	124	0.06	0.13	0.1	0.11	0.08	0.13
chr3	19062701	19063059	Armc1	ENSMUSG00000027599	185	0.31	0.31	0.12	0.29	0.25	0.32
chr3	83843286	83844675	D930015E06Rik	ENSMUSG00000033767	103	0.11	0.19	0.08	0.11	0.09	0.1
chr3	41546092	41546597	Sc11	ENSMUSG00000059834	59	0.14	0.21	0.12	0.17	0.09	0.17
chr3	82161960	82162392	Mtap9	ENSMUSG00000033900	182	0.08	0.17	0.1	0.1	0.12	0.12
chr3	106838760	106840045	Kcna3	ENSMUSG00000047959	322	0.1	0.09	0.08	0.13	0.09	0.13
chr3	135353847	135354599	Nfkb1	ENSMUSG00000028163	287	0.12	0.14	0.1	0.14	0.14	0.16
chr3	154259592	154260168	Cryz	ENSMUSG00000028199	205	0.15	0.14	0.11	0.17	0.07	0.13
chr3	65761374	65762518	Ccn1	ENSMUSG00000027829	-371	0.08	0.09	0.09	0.13	0.1	0.13
chr3	75360263	75360818	Pdcd10	ENSMUSG00000027835	141	0.16	0.54	0.11	0.16	0.21	0.12
chr3	87826445	87828000	Hapln2	ENSMUSG0000004894	373	0.11	0.14	0.09	0.19	0.12	0.13
chr3	145600890	145601549	2410004B18Rik	ENSMUSG00000036873	241	0.08	0.13	0.11	0.19	0.07	0.13
chr3	52820793	52821227	Cog6	ENSMUSG00000027742	128	0.11	0.08	0.11	0.13	0.15	0.12
chr3	84386261	84387089	Arfp1	ENSMUSG00000074513	-268	0.13	0.19	0.14	0.18	0.11	0.15
chr3	28981311	28981940	Egfm1	ENSMUSG00000063600	126	0.19	0.2	0.08	0.14	0.21	0.13
chr3	51079876	51081592	Elf2	ENSMUSG00000037174	553	0.11	0.18	0.1	0.14	0.12	0.14
chr3	63702606	63703083	Plch1	ENSMUSG00000036834	451	0.14	0.2	0.13	0.14	0.09	0.12
chr3	128902642	128903291	Pitx2	ENSMUSG00000028023	170	0.38	0.56	0.23	0.18	0.27	0.29
chr3	10012269	10012608	Fabp5	ENSMUSG00000027533	-110	0.1	0.1	0.09	0.12	0.17	0.17
chr3	60806505	60807322	P2ry1	ENSMUSG00000027765	196	0.1	0.13	0.09	0.1	0.08	0.11
chr3	104583683	104584792	Ppm1j	ENSMUSG0000002228	263	0.11	0.16	0.11	0.16	0.09	0.15
chr3	104667197	104668255	Capza1	ENSMUSG00000070372	-435	0.13	0.14	0.1	0.18	0.16	0.17
chr3	136332435	136334646	Ppp3ca	ENSMUSG00000028161	452	0.1	0.1	0.09	0.12	0.11	0.13
chr3	152377020	152377567	Pigk	ENSMUSG00000039047	229	0.13	0.12	0.12	0.16	0.1	0.12
chr3	7612873	7613165	Ii7	ENSMUSG00000040329	-126	0.17	NA	0.12	0.16	0.5	0.09
chr3	14578450	14579227	E2f5	ENSMUSG00000027552	167	0.13	0.27	0.17	0.11	0.11	0.18
chr3	52845282	52845727	Lhfp	ENSMUSG00000048332	54	0.11	0.28	0.1	0.12	0.07	0.18
chr3	94964233	94965518	Sema6c	ENSMUSG00000038777	496	0.59	0.75	0.15	0.19	0.75	0.22
chr3	108003385	108003879	Cyb561d1	ENSMUSG00000048796	-119	0.14	0.28	0.08	0.2	0.11	0.21

chr3	108042625	108042911	Gm12501	ENSMUSG00000083462	61	0.83	0.4	0.64	0.86	1	0.86
chr3	108059692	108060492	Psm5	ENSMUSG00000068749	248	0.26	0.41	0.12	0.19	0.31	0.17
chr3	116364857	116365663	Hiat1	ENSMUSG00000089911	149	0.05	0.08	0.11	0.11	0.07	0.12
chr3	95908196	95908825	Otud7b	ENSMUSG00000038495	60	0.15	0.08	0.11	0.18	0.12	0.16
chr3	148650594	148653608	Lphn2	ENSMUSG00000028184	179	0.12	0.15	0.11	0.16	0.11	0.13
chr3	88018383	88019521	Gm3764	ENSMUSG00000091070	545	0.13	0.25	0.11	0.16	0.15	0.15
chr3	117278201	117278841	4833424O15Rik	ENSMUSG00000033342	243	0.21	0.15	0.12	0.12	0.16	0.15
chr3	132612425	132613187	Npnt	ENSMUSG00000040998	-28	0.08	0.07	0.1	0.12	0.07	0.11
chr3	96500233	96501386	Pias3	ENSMUSG00000028101	502	0.26	0.2	0.14	0.18	0.23	0.17
chr3	121235005	121235375	Slc44a3	ENSMUSG00000039865	72	0.12	0.13	0.15	0.14	0.1	0.18
chr3	53667543	53667801	Ufm1	ENSMUSG00000027746	-61	0.17	0.15	0.12	0.21	0.24	0.22
chr3	108642902	108643576	Stxbp3a	ENSMUSG00000027882	189	0.18	0.31	0.12	0.11	0.12	0.18
chr3	9250021	9251819	Zbtb10	ENSMUSG00000069114	318	0.12	0.13	0.1	0.13	0.13	0.16
chr3	101407941	101409125	Atp1a1	ENSMUSG00000033161	-7	0.06	0.09	0.08	0.09	0.07	0.14
chr3	35831264	35832076	Dcun1d1	ENSMUSG00000027708	67	0.11	0.16	0.09	0.15	0.12	0.13
chr3	80717188	80717682	Girb	ENSMUSG00000028020	15	0.09	0.17	0.19	0.14	0.11	0.15
chr3	103083172	103084507	Trim33	ENSMUSG00000033014	623	0.1	0.15	0.1	0.11	0.09	0.12
chr3	127492753	127493014	Tifa	ENSMUSG00000046688	93	0.09	0.11	0.08	0.21	0.15	0.17
chr3	84063159	84063842	Trim2	ENSMUSG00000027993	-209	0.35	0.22	0.16	0.14	0.27	0.18
chr3	33918465	33919741	Fxr1	ENSMUSG00000027680	102	0.1	0.09	0.11	0.13	0.11	0.09
chr3	96401354	96402738	Ankrd34a	ENSMUSG00000049097	641	0.1	0.09	0.13	0.19	0.11	0.16
chr3	132347040	132347316	Tbck	ENSMUSG00000028030	70	0.16	0.43	0.12	0.25	0.09	0.11
chr3	145586965	145587958	Bcl10	ENSMUSG00000028191	139	0.1	0.16	0.15	0.13	0.12	0.12
chr3	122122772	122123151	Bcar3	ENSMUSG00000028121	263	0.15	0.22	0.08	0.21	0.12	0.12
chr3	63733031	63733385	E130311K13Rik	ENSMUSG00000048581	105	0.11	0.08	0.09	0.11	0.08	0.16
chr3	156224450	156225330	4930570G19Rik	ENSMUSG00000085084	-344	0.07	0.12	0.08	0.14	0.1	0.1
chr3	135085883	135086575	Cisd2	ENSMUSG00000028165	142	0.18	0.15	0.11	0.14	0.16	0.1
chr3	144781432	144782026	Odf2l	ENSMUSG00000028256	176	0.05	0.42	0.15	0.19	0.08	0.18
chr3	89084748	89085077	Efna1	ENSMUSG00000027954	152	0.12	0.33	0.11	0.21	0.19	0.21
chr3	130412015	130412378	Ostc	ENSMUSG00000041084	166	0.04	0.11	0.11	0.14	0.06	0.14

chr3	90035418	90035919	Jtb	ENSMUSG00000027937	149	0.22	0.2	0.16	0.14	0.27	0.13
chr3	95032541	95032963	Milt11	ENSMUSG00000053192	-153	0.12	0.14	0.13	0.21	0.14	0.12
chr3	107398039	107400008	Alx3	ENSMUSG00000092379	1074	0.11	0.16	0.11	0.18	0.1	0.15
chr3	123393624	123394017	Ndst3	ENSMUSG00000027977	-85	0.24	0.18	0.14	0.12	0.19	0.14
chr3	129581419	129581979	Pla2g12a	ENSMUSG00000027999	175	0.04	0.14	0.06	0.09	0.09	0.12
chr3	83593699	83593964	Gm16790	ENSMUSG00000085848	47	0.09	0.08	0.1	0.16	0.06	0.2
chr3	90313112	90313591	2500003M10Rik	ENSMUSG00000001017	21	0.25	0.24	0.16	0.22	0.18	0.13
chr3	106350243	106351093	Cept1	ENSMUSG00000040774	-168	0.18	0.2	0.12	0.13	0.16	0.13
chr3	97671855	97672287	Pde4dip	ENSMUSG00000038170	49	0.2	0.14	0.12	0.22	0.06	0.08
chr3	19935027	19935372	Hps3	ENSMUSG00000027615	81	0.08	0.12	0.08	0.15	0.1	0.11
chr3	37211293	37211724	Cetn4	ENSMUSG00000045031	-166	0.61	1	0.33	0.36	0.52	0.29
chr3	117571681	117571959	Snx7	ENSMUSG00000028007	-81	0.67	1	0.29	0.09	0.53	0.27
chr3	129763123	129764005	Sec24b	ENSMUSG00000001052	261	0.11	0.15	0.08	0.11	0.13	0.15
chr3	94216412	94217433	1700040D17Rik	ENSMUSG00000090420	-117	0.07	NA	0.07	0.16	0.03	0.14
chr3	146162266	146163420	Spata1	ENSMUSG00000028188	-126	0.07	0.13	0.09	0.1	0.07	0.12
chr3	83569853	83570952	Sfrp2	ENSMUSG00000027996	159	0.08	0.1	0.1	0.15	0.07	0.14
chr3	95622575	95623825	Rprd2	ENSMUSG00000028106	-499	0.33	0.5	0.11	0.16	0.12	0.19
chr3	108456798	108457148	Clcc1	ENSMUSG00000027884	142	0.1	0.16	0.09	0.18	0.08	0.09
chr3	96361600	96361876	Gm15441	ENSMUSG00000074398	0	0.33	0.33	0.12	0.28	1	0.18
chr3	108217139	108217471	Celsr2	ENSMUSG00000068740	1107	0.96	0.96	0.93	0.96	0.94	0.98
chr3	96042450	96044473	Hist2h3c2	ENSMUSG00000081058	-411	0.33	0.2	0.19	0.14	0.18	0.24
chr3	104855593	104855989	Cttnbp2nl	ENSMUSG00000062127	80	0.16	0.3	0.11	0.11	0.14	0.11
chr3	115710142	115710770	Slc30a7	ENSMUSG00000054414	-132	0.11	0.11	0.13	0.06	0.08	0.1
chr3	86027679	86028872	Lrba	ENSMUSG00000028080	-327	0.08	0.18	0.08	0.16	0.07	0.12
chr3	87598788	87599211	Ntrk1	ENSMUSG00000028072	85	0.18	0.19	0.08	0.05	0.31	0.19
chr3	95685827	95686861	Gm129	ENSMUSG00000038550	-347	0.15	0.1	0.11	0.18	0.13	0.18
chr3	102906318	102906987	Dennd2c	ENSMUSG00000007379	125	0.08	0.14	0.07	0.12	0.1	0.07
chr3	122970081	122971032	Sec24d	ENSMUSG00000039234	142	0.13	0.1	0.1	0.12	0.16	0.18
chr3	131227519	131228192	Papss1	ENSMUSG00000028032	123	0.12	0.27	0.1	0.17	0.15	0.16
chr3	72861332	72861714	Slitrk3	ENSMUSG00000048304	-658	0.17	0.67	0.2	0.06	0.33	0.16

chr3	153991028	153991784	Lhx8	ENSMUSG00000093486	-275	0.07	0.07	0.06	0.13	0.06	0.13
chr3	51363505	51365027	5031434O11Rik	ENSMUSG00000085462	587	0.08	0.11	0.1	0.13	0.09	0.16
chr3	58809299	58811452	Med12l	ENSMUSG00000056476	-525	0.11	0.14	0.1	0.13	0.12	0.12
chr3	63779979	63780509	Gmps	ENSMUSG00000027823	216	0.2	0.14	0.12	0.15	0.15	0.16
chr3	88520703	88520998	Rit1	ENSMUSG00000028057	90	0.25	0.33	0.08	0.18	0.09	0.09
chr3	107948716	107949204	Gnai3	ENSMUSG00000000001	104	0.15	0.3	0.09	0.23	0.17	0.11
chr3	141831847	141832539	Bmpr1b	ENSMUSG00000052430	-16	0.06	0.08	0.12	0.22	0.08	0.12
chr3	28679954	28680743	1700112D23Rik	ENSMUSG00000091329	-318	0.19	0.18	0.12	0.2	0.18	0.18
chr3	40753227	40754867	Larp1b	ENSMUSG00000037814	-506	0.16	0.14	0.14	0.14	0.15	0.12
chr3	57650777	57652027	Pfn2	ENSMUSG00000027805	-335	0.1	0.12	0.1	0.12	0.11	0.11
chr3	96512268	96512539	Nudt17	ENSMUSG00000028100	80	0.13	0.12	0.13	0.18	0.11	0.18
chr3	121995965	121997098	Gm17494	ENSMUSG00000057359	-66	0.11	0.11	0.09	0.16	0.11	0.11
chr3	87981667	87981973	1700113A16Rik	ENSMUSG00000086082	-113	0.08	0.21	0.1	0.12	0.09	0.12
chr3	104442018	104443363	Slc16a1	ENSMUSG00000032902	99	0.13	0.1	0.1	0.12	0.14	0.14
chr3	94247105	94247693	Mrpl9	ENSMUSG00000028140	159	0.16	0.3	0.13	0.16	0.18	0.19
chr3	95733124	95734334	Anp32e	ENSMUSG00000015749	560	0.07	0.08	0.09	0.11	0.06	0.12
chr3	98143103	98143410	Phgdh	ENSMUSG00000053398	657	0.19	0.11	0.14	0.17	0.13	0.15
chr3	104620546	104621057	Mov10	ENSMUSG00000002227	359	0.12	0.09	0.13	0.11	0.1	0.14
chr3	135148217	135148810	Manba	ENSMUSG00000028164	-62	0.13	0.11	0.11	0.18	0.19	0.15
chr3	96439278	96439734	Pex11b	ENSMUSG00000028102	207	0.23	0.14	0.1	0.25	0.18	0.1
chr3	117063010	117063232	D3Bwg0562e	ENSMUSG00000044667	673	0.06	0.23	0.15	0.07	0.05	0.18
chr3	101728007	101728548	Slc22a15	ENSMUSG00000033147	99	0.06	0.16	0.09	0.11	0.07	0.08
chr3	10439504	10440158	Srx16	ENSMUSG00000027534	269	0.13	0.08	0.1	0.18	0.12	0.14
chr3	63099417	63100009	Mme	ENSMUSG00000027820	-81	0.13	0.12	0.13	0.14	0.13	0.11
chr3	96049154	96051222	Hist2h2aa1	ENSMUSG00000063954	727	0.15	NA	0.1	0.09	0.13	0.15
chr3	100773326	100773628	Ttf2	ENSMUSG00000033222	109	0.12	0.07	0.14	0.14	0.1	0.17
chr3	121656211	121656734	Arhgap29	ENSMUSG00000039831	238	0.07	0.21	0.11	0.17	0.08	0.14
chr3	19594032	19594513	Crh	ENSMUSG00000049796	1124	1	1	0.37	0.4	0.79	0.26
chr3	65196197	65196667	Ssr3	ENSMUSG00000027828	43	0.11	0.06	0.09	0.17	0.08	0.15
chr3	116210676	116211149	Rtcd1	ENSMUSG00000000339	30	0.08	0.18	0.08	0.12	0.09	0.13

chr3	145239108	145239412	Znhit6	ENSMUSG00000074182	88	0.06	0.06	0.06	0.19	0.03	0.09
chr3	10331002	10331481	Impa1	ENSMUSG00000027531	-109	0.26	0.17	0.13	0.25	0.25	0.12
chr3	30691881	30692720	Sec62	ENSMUSG00000027706	502	0.08	0.12	0.08	0.16	0.08	0.13
chr3	54858968	54859595	Ccna1	ENSMUSG00000027793	-304	0.11	0.33	0.09	0.16	0.11	0.15
chr3	90057983	90058611	Crtc2	ENSMUSG00000027936	212	0.15	0.33	0.09	0.13	0.16	0.13
chr3	90193049	90193967	Slc27a3	ENSMUSG00000027932	44	0.07	0.21	0.08	0.12	0.08	0.12
chr3	14533765	14534090	Lrrcc1	ENSMUSG00000027550	139	0.1	0.11	0.18	0.2	0.09	0.18
chr3	88139952	88140175	Smg5	ENSMUSG00000001415	-119	0.12	NA	0.1	0.25	0.15	0.17
chr3	95976069	95976697	Sf3b4	ENSMUSG00000068856	128	0.2	0.2	0.12	0.16	0.19	0.17
chr3	121426236	121426764	F3	ENSMUSG00000028128	45	0.06	0.12	0.13	0.15	0.1	0.16
chr3	7366450	7366795	Pkia	ENSMUSG00000027499	18	0.15	0.53	0.12	0.14	0.17	0.1
chr3	17686168	17687096	Gm10742	ENSMUSG00000074674	266	0.2	0.24	0.12	0.15	0.18	0.2
chr3	18143008	18143233	Cyp7b1	ENSMUSG00000039519	218	0.08	NA	0.08	0.1	0.06	0.13
chr3	19957627	19958195	Hlhf	ENSMUSG00000002428	100	0.14	0.12	0.09	0.17	0.08	0.09
chr3	28704235	28704681	Rpl22l1	ENSMUSG00000039221	100	0.07	0.07	0.12	0.13	0.06	0.17
chr3	30494104	30494553	Telomerase-vert	ENSMUSG00000065361	351	0.09	0.25	0.11	0.17	0.1	0.13
chr3	30754755	30755325	Gpr160	ENSMUSG00000037661	168	0.17	0.59	0.1	0.17	0.17	0.18
chr3	30894597	30895127	Prkci	ENSMUSG00000037643	193	0.1	0.25	0.08	0.14	0.1	0.08
chr3	33041798	33042163	Pex5l	ENSMUSG00000027674	18	0.07	0.07	0.1	0.12	0.07	0.11
chr3	33980033	33980329	Dnajc19	ENSMUSG00000027679	3	0.07	NA	0.12	0.06	0.07	0.21
chr3	35964870	35965325	Acad9	ENSMUSG00000027710	196	0.12	0.13	0.11	0.28	0.11	0.15
chr3	36451407	36451776	Exosc9	ENSMUSG00000027714	63	0.12	0.17	0.05	0.09	0.17	0.15
chr3	36761923	36762459	4932438A13Rik	ENSMUSG00000037270	163	0.07	0.14	0.11	0.16	0.06	0.17
chr3	38354812	38355150	Ankrd50	ENSMUSG00000044864	-502	1	0.95	0.96	0.97	0.96	0.97
chr3	40650437	40651054	Mfsd8	ENSMUSG00000025759	-129	0.04	0.35	0.12	0.14	0.06	0.18
chr3	40697744	40698441	6430590A07Rik	ENSMUSG00000087081	-47	0.03	0.12	0.12	0.18	0.03	0.17
chr3	53460538	53461250	Frem2	ENSMUSG00000037016	383	0.13	0.24	0.14	0.23	0.13	0.14
chr3	55046377	55046857	Dclk1	ENSMUSG00000027797	169	0.15	0.15	0.09	0.17	0.15	0.15
chr3	58380511	58381238	2810407C02Rik	ENSMUSG00000075700	316	0.28	0.51	0.15	0.17	0.29	0.15
chr3	67267585	67267939	Lxn	ENSMUSG00000047557	-58	0.1	0.48	0.1	0.15	0.07	0.16

chr3	68376258	68376511	Schip1	ENSMUSG00000027777	94	1	0.15	0.13	0.5	1	0.14
chr3	68930254	68930640	Kpna4	ENSMUSG00000027782	105	0.12	0.17	0.1	0.11	0.12	0.13
chr3	79395155	79395657	Ppid	ENSMUSG00000027804	142	0.11	0.14	0.11	0.13	0.11	0.07
chr3	83645312	83645596	Tlr2	ENSMUSG00000027995	235	0.9	0.6	0.27	0.09	1	0.15
chr3	87329387	87329840	Etv3	ENSMUSG00000003382	113	0.11	NA	0.07	0.17	0.12	0.12
chr3	87803675	87804391	Bcan	ENSMUSG00000004892	245	0.12	0.22	0.11	0.1	0.11	0.14
chr3	88058371	88058662	Rhbg	ENSMUSG00000001417	115	0.07	0.13	0.14	0.14	0.07	0.12
chr3	88213753	88214347	Pmf1	ENSMUSG00000028066	188	0.09	0.11	0.11	0.16	0.06	0.21
chr3	88288538	88289045	Lmna	ENSMUSG00000028063	-262	0.25	0.52	0.49	0.86	0.25	0.65
chr3	88383524	88383734	Ssr2	ENSMUSG00000041355	36	1	0.8	0.11	0.23	0.5	0.17
chr3	88905488	88906113	Fdps	ENSMUSG000000059743	81	0.67	1	0.1	0.27	0.5	0.32
chr3	89017581	89018459	Mtx1	ENSMUSG00000064068	-272	0.07	0.28	0.12	0.17	0.08	0.11
chr3	90294728	90294976	Snapin	ENSMUSG00000001018	63	0.1	0.1	0.11	0.17	0.1	0.11
chr3	93324688	93324904	S100a11	ENSMUSG00000027907	386	0.08	0.14	0.1	0.05	0.05	0.05
chr3	95021409	95022026	Gabpb2	ENSMUSG000000038766	-101	0.07	0.21	0.14	0.19	0.07	0.18
chr3	95491721	95491955	Adamtsl4	ENSMUSG00000015850	-57	0.11	0.16	0.08	0.09	0.11	0.1
chr3	95659597	95659947	Prpf3	ENSMUSG00000015748	-96	0.07	0.25	0.11	0.15	0.08	0.11
chr3	95697872	95698239	Aph1a	ENSMUSG00000015750	163	0.1	0.08	0.1	0.13	0.1	0.11
chr3	96023871	96024734	Gm15444	ENSMUSG000000086556	-211	0.33	NA	NA	NA	1	NA
chr3	96205792	96206106	4930477E14Rik	ENSMUSG000000091033	-12	0.33	0.09	0.12	0.26	0.14	0.26
chr3	96218495	96218827	Telomerase-vert	ENSMUSG000000064796	121	0.13	0.1	0.17	0.13	0.14	0.06
chr3	96404969	96405222	Lix1l	ENSMUSG000000049288	39	0.14	0.08	0.09	0.07	0.15	0.08
chr3	97705031	97705452	Sec22b	ENSMUSG00000027879	128	0.16	0.26	0.16	0.22	0.16	0.21
chr3	98944878	98945592	Wars2	ENSMUSG00000004233	244	0.15	0.19	0.19	0.31	0.14	0.16
chr3	99057553	99058072	Tbx15	ENSMUSG00000027868	129	0.05	0.24	0.12	0.12	0.05	0.14
chr3	101180733	101181486	Igsf3	ENSMUSG000000042035	61	0.12	0.14	0.1	0.12	0.12	0.12
chr3	102273846	102274302	Ngf	ENSMUSG00000027859	223	0.06	0.09	0.21	0.17	0.05	0.19
chr3	102538628	102539441	Tspan2	ENSMUSG00000027858	-104	0.14	0.17	0.1	0.19	0.15	0.15
chr3	102824247	102825045	Csde1	ENSMUSG000000068823	177	0.25	0.19	0.12	0.17	0.3	0.16
chr3	102862140	102862442	Nras	ENSMUSG00000027852	139	0.25	0.27	0.09	0.21	0.17	0.11

chr3	103594740	103595489	Hipk1	ENSMUSG00000008730	-116	0.09	0.28	0.08	0.15	0.09	0.12
chr3	104764283	104765426	Wnt2b	ENSMUSG00000027840	-227	0.08	0.09	0.08	0.13	0.08	0.13
chr3	105508112	105508444	6530418L21Rik	ENSMUSG00000048458	-98	0.08	0.08	0.1	0.12	0.06	0.05
chr3	106285312	106285732	Dennd2d	ENSMUSG00000027901	199	0.2	NA	0.14	NA	0.11	0.11
chr3	107698683	107699188	4933431E20Rik	ENSMUSG00000086968	-251	0.23	0.21	0.13	0.16	0.25	0.18
chr3	108365082	108365490	Tmem167b	ENSMUSG00000068732	-198	0.17	0.39	0.1	0.31	0.22	0.22
chr3	108714020	108714792	Prpf38b	ENSMUSG00000027881	208	0.08	0.16	0.09	0.18	0.09	0.16
chr3	108829890	108830733	Fam102b	ENSMUSG00000040339	-120	0.14	0.24	0.13	0.13	0.14	0.16
chr3	108926029	108926341	Slc25a24	ENSMUSG00000040322	118	0.2	0.12	0.07	0.14	0.12	0.08
chr3	109945194	109945428	Ntng1	ENSMUSG00000050836	1618	0.2	0.18	0.1	0.28	0.14	0.17
chr3	115417569	115417840	S1pr1	ENSMUSG00000045092	269	0.07	0.11	0.17	0.15	0.07	0.28
chr3	115590754	115591090	A930005H10Rik	ENSMUSG00000054426	126	0.12	0.08	0.09	0.14	0.11	0.13
chr3	115954441	115955627	Gpr88	ENSMUSG00000068696	1368	0.15	0.19	0.11	0.11	0.15	0.11
chr3	116126119	116126875	Cdc14a	ENSMUSG00000033502	316	0.08	0.07	0.11	0.11	0.08	0.11
chr3	123088635	123088962	Mettl14	ENSMUSG00000028114	51	0.21	NA	0.14	0.31	0.19	0.21
chr3	127539988	127540763	Ap1ar	ENSMUSG00000074238	35	0.08	0.11	0.09	0.13	0.08	0.12
chr3	128916708	128917912	Pitx2	ENSMUSG00000028023	117	0.15	NA	0.09	0.25	0.16	0.23
chr3	128918596	128919108	Pitx2	ENSMUSG00000028023	414	0.06	0.07	0.08	0.15	0.07	0.16
chr3	129604324	129604627	Casp6	ENSMUSG00000027997	132	0.11	0.1	0.09	0.16	0.04	0.21
chr3	138868445	138868923	B930007M17Rik	ENSMUSG00000047940	26	0.09	0.47	0.12	0.33	0.11	0.18
chr3	140874284	140874853	Pdha2	ENSMUSG00000047674	751	0.99	0.98	0.94	0.86	0.98	0.99
chr3	151828613	151828997	Gipc2	ENSMUSG00000039131	-91	0.5	0.21	0.12	0.23	0.33	0.18
chr3	153575631	153576092	Rabggtb	ENSMUSG00000038975	28	0.08	0.11	0.07	0.09	0.1	0.11
chr3	153607216	153607550	Acadm	ENSMUSG00000062908	23	0.05	0.06	0.13	0.15	0.07	0.09
chr3	17694652	17694938	Mir124a-2	ENSMUSG00000093073	-867	0.21	NA	0.16	0.27	NA	0.2
chr3	8963997	8964216	Tpd52	ENSMUSG00000027506	-60	NA	NA	0.12	0.5	0.17	0.17
chr3	14641648	14641854	Car13	ENSMUSG00000027555	24	0.5	NA	0.09	0.12	NA	0.17
chr3	28161461	28161767	Tnik	ENSMUSG00000027692	-522	NA	NA	0.07	0.09	0.14	0.12
chr3	40430431	40430936	Intu	ENSMUSG00000060798	475	NA	NA	0.15	0.38	NA	0.18
chr3	40439615	40440015	Intu	ENSMUSG00000060798	126	1	0.43	0.09	0.28	NA	0.27

chr3	45182088	45182321	2610316D01Rik	ENSMUSG00000086101	-22	NA	NA	1	NA	1	NA
chr3	51212653	51212955	Ndufc1	ENSMUSG00000037152	106	0.08	0.4	0.14	0.19	NA	0.27
chr3	54559368	54559809	Smad9	ENSMUSG00000027796	84	NA	1	0.08	0.06	0.24	0.11
chr3	55586722	55587301	Mab21l1	ENSMUSG00000056947	579	NA	0.5	0.17	0.18	1	0.18
chr3	58440507	58440730	Fam194a	ENSMUSG00000070471	511	NA	NA	0.33	NA	NA	0.29
chr3	66782676	66782968	Shox2	ENSMUSG00000093425	-89	NA	NA	0.5	NA	NA	0.41
chr3	68930994	68931245	Kpna4	ENSMUSG00000027782	-84	NA	0.11	0.1	0.14	0.12	0.18
chr3	78770801	78771060	Gm9762	ENSMUSG00000037096	-209	NA	NA	0.16	0.3	NA	0.14
chr3	82707671	82708424	Lrat	ENSMUSG00000028003	-152	NA	0.06	0.13	0.09	0.09	0.12
chr3	83568115	83568465	Sfrp2	ENSMUSG00000027996	-1953	NA	NA	NA	0.07	NA	0.13
chr3	83959349	83959767	Mnd1	ENSMUSG00000033752	150	NA	0.2	0.24	NA	0.33	0.09
chr3	86978154	86978716	Kirrel	ENSMUSG00000041734	37	1	0.04	0.08	0.14	NA	0.21
chr3	87600791	87600996	Insrr	ENSMUSG00000005640	20	NA	0.21	0.09	NA	NA	0.23
chr3	87862204	87862562	Apoa1bp	ENSMUSG00000028070	34	NA	1	0.12	NA	NA	0.21
chr3	87885885	87886116	Iqgap3	ENSMUSG00000028068	27	0.74	NA	0.25	NA	NA	0.31
chr3	88100802	88101565	1700021C14Rik	ENSMUSG00000010538	-365	NA	NA	0.09	NA	NA	0.09
chr3	88169770	88169987	Paqr6	ENSMUSG00000041423	-766	NA	NA	0.83	NA	NA	NA
chr3	88336644	88336856	Mex3a	ENSMUSG00000074480	433	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr3	88356854	88357142	Lamtor2	ENSMUSG00000028062	-52	0.06	0.06	0.06	0.08	NA	0.15
chr3	88579062	88579383	Syt11	ENSMUSG00000068923	-148	NA	NA	0.04	0.2	NA	0.08
chr3	88639077	88639398	Gon4l	ENSMUSG00000054199	84	NA	NA	0.1	0.23	0.6	0.24
chr3	89031288	89031711	Mir92b	ENSMUSG00000076255	-379	0.3	0.25	0.5	NA	NA	0.38
chr3	89050299	89050561	Krtcap2	ENSMUSG00000042747	70	0.17	1	0.07	0.08	NA	0.16
chr3	89120427	89120670	Gm15998	ENSMUSG00000086389	1187	NA	0.25	0.09	0.12	0.17	0.14
chr3	89126783	89127005	Efna3	ENSMUSG00000028039	-7	NA	0.07	0.09	0.09	0.11	0.09
chr3	89196964	89197167	Zbtb7b	ENSMUSG00000028042	60	NA	NA	NA	1	NA	0.11
chr3	89200056	89200373	Gm15417	ENSMUSG00000074466	296	NA	NA	0.33	NA	0.5	0.36
chr3	89221948	89222272	Cks1b	ENSMUSG00000028044	31	NA	0.17	0.1	0.07	0.14	0.11
chr3	89764251	89764727	Atp8b2	ENSMUSG00000060671	62	0.5	NA	0.08	0.37	NA	0.32
chr3	90017302	90017736	Rps27	ENSMUSG00000090733	54	NA	0.12	0.2	0.14	0.09	0.13

chr3	90051916	90052345	Slc39a1	ENSMUSG00000052310	36	NA	NA	0.22	NA	NA	0.23
chr3	90280011	90280459	Ilf2	ENSMUSG00000001016	112	NA	0.12	0.12	0.14	0.08	0.12
chr3	94462262	94462933	Tuft1	ENSMUSG00000005968	125	1	NA	1	1	NA	0.5
chr3	94561572	94562243	Gm15264	ENSMUSG000000081355	131	NA	NA	0.27	NA	NA	0.14
chr3	94590227	94590910	Cgn	ENSMUSG000000068876	-195	NA	0.12	0.11	0.15	1	0.08
chr3	94757992	94758420	Rfx5	ENSMUSG00000005774	209	1	1	0.13	0.22	NA	0.11
chr3	95085216	95085745	Fam63a	ENSMUSG000000038712	213	NA	0.18	0.14	0.17	0.12	0.13
chr3	95087221	95087498	Fam63a	ENSMUSG000000038712	-165	NA	0.33	0.18	0.17	0.17	0.27
chr3	95231556	95231865	Gm4349	ENSMUSG000000091761	117	NA	1	0.21	1	0.5	0.56
chr3	95238265	95238627	Arnt	ENSMUSG00000015522	136	NA	NA	0.27	0.13	0.25	0.1
chr3	96025239	96025493	Hist2h2be	ENSMUSG000000068854	322	0.58	NA	0.16	NA	NA	0.11
chr3	96066906	96067183	Hist2h4	ENSMUSG000000091405	190	NA	NA	NA	1	1	NA
chr3	96255100	96256411	BC107364	ENSMUSG000000046317	474	1	1	1	NA	NA	NA
chr3	96262070	96263381	U1	ENSMUSG000000065773	1387	NA	NA	0.33	1	NA	NA
chr3	96397919	96398206	Polr3gl	ENSMUSG000000028104	20	NA	0.5	0.11	0.14	0.2	0.2
chr3	97031530	97031733	Bcl9	ENSMUSG000000038256	-173	NA	0.8	0.31	0.61	0.27	0.29
chr3	97692364	97692777	Pde4dip	ENSMUSG000000038170	60	NA	0.25	0.18	NA	NA	0.5
chr3	105507424	105507685	6530418L21Rik	ENSMUSG000000048458	37	NA	NA	0.09	0.24	NA	0.18
chr3	106524523	106525416	4933421E11Rik	ENSMUSG000000056260	369	NA	0.63	0.18	0.06	NA	0.11
chr3	107562982	107563204	Csf1	ENSMUSG000000014599	46	NA	NA	0.16	NA	0.12	0.09
chr3	120994546	120995041	Alg14	ENSMUSG000000039887	58	NA	NA	0.12	NA	0.5	0.35
chr3	123211033	123211829	Snora24	ENSMUSG000000092730	-447	NA	NA	0.15	NA	0.37	0.19
chr3	129672616	129673113	Ccdc109b	ENSMUSG000000027994	43	NA	0.6	0.08	0.08	NA	0.15
chr3	129883624	129884515	Col25a1	ENSMUSG000000058897	260	NA	0.23	0.13	0.2	0.21	0.29
chr3	131748588	131749053	Dkk2	ENSMUSG000000028031	564	0.12	NA	0.06	NA	NA	0.17
chr3	134875438	134875832	Cenpe	ENSMUSG000000045328	108	0.5	NA	0.21	NA	NA	0.29
chr3	137581372	137581648	Lamtor3	ENSMUSG000000091512	20	NA	NA	0.19	1	0.75	0.32
chr3	152003115	152003451	Fam73a	ENSMUSG000000054942	88	NA	0.17	0.06	0.2	NA	0.09
chr3	153387695	153388210	St6galnac3	ENSMUSG000000052544	74	NA	0.08	0.06	0.05	1	0.09
chr4	40704516	40705041	Smu1	ENSMUSG000000028409	86	1	0.36	0.16	0.28	0.31	0.24

chr4	102791802	102792518	Mier1	ENSMUSG00000028522	269	0.8	0.63	0.1	0.09	0.17	0.21
chr4	151362704	151363157	Thap3	ENSMUSG00000039759	149	0.39	0.06	0.07	0.11	0.09	0.2
chr4	155205400	155206245	Aurkaip1	ENSMUSG00000065990	362	0.76	0.12	0.14	0.22	0.17	0.15
chr4	148960321	148961655	Clstn1	ENSMUSG00000039953	411	0.21	0.07	0.1	0.1	0.07	0.18
chr4	127664998	127665567	Csmd2	ENSMUSG00000028804	181	0.43	0.23	0.18	0.16	0.12	0.18
chr4	129497011	129498164	Ptp4a2	ENSMUSG00000028788	122	0.28	0.16	0.11	0.16	0.1	0.16
chr4	56814794	56815674	lkbkap	ENSMUSG00000028431	-31	0.42	0.17	0.12	0.17	0.13	0.12
chr4	150502801	150503672	Camta1	ENSMUSG00000014592	368	0.11	0.17	0.19	0.17	0.63	0.16
chr4	126106468	126107066	Eif2c3	ENSMUSG00000028842	-60	0.43	0.2	0.11	0.1	0.12	0.11
chr4	124804710	124805389	Zc3h12a	ENSMUSG00000042677	35	0.34	0.24	0.1	0.18	0.13	0.11
chr4	139387420	139389460	Pax7	ENSMUSG00000028736	482	0.24	0.13	0.15	0.24	0.07	0.22
chr4	114579723	114582165	Foxd2	ENSMUSG00000055210	559	0.26	0.14	0.18	0.2	0.12	0.17
chr4	120497704	120498494	Nfyc	ENSMUSG00000032897	100	0.8	0.8	0.21	0.36	0.58	0.24
chr4	151504790	151506412	Espn	ENSMUSG00000028943	-262	0.32	0.19	0.13	0.21	0.11	0.14
chr4	15940654	15941421	Osgin2	ENSMUSG00000041153	-94	0.18	0.12	0.1	0.11	0.06	0.1
chr4	57155698	57156712	Epb4.1l4b	ENSMUSG00000028434	104	0.13	0.11	0.09	0.13	0.07	0.14
chr4	154460124	154460883	Rer1	ENSMUSG00000029048	-23	0.5	0.32	0.13	0.13	0.17	0.09
chr4	24825075	24825593	Ndufaf4	ENSMUSG00000028261	104	0.32	0.14	0.17	0.13	0.09	0.15
chr4	128331771	128332443	Phc2	ENSMUSG00000028796	125	0.49	0.25	0.08	0.19	0.14	0.14
chr4	40669266	40670283	Gm6297	ENSMUSG00000091395	-343	0.23	0.22	0.15	0.19	0.09	0.12
chr4	142939898	142940636	Lrrc38	ENSMUSG00000028584	607	0.03	0.07	0.1	0.1	0.09	0.12
chr4	34677333	34677564	1700003M02Rik	ENSMUSG00000028294	-21	1	NA	0.1	0.18	0.06	0.07
chr4	137149581	137150704	Usp48	ENSMUSG00000043411	472	0.88	0.16	0.14	0.17	0.16	0.12
chr4	86394226	86395150	Dennd4c	ENSMUSG00000038024	229	0.54	0.31	0.11	0.25	0.2	0.16
chr4	44769370	44769871	Zcchc7	ENSMUSG00000035649	180	0.86	0.12	0.14	0.11	0.14	0.1
chr4	135050526	135051114	Nipal3	ENSMUSG00000028803	-282	0.48	0.06	0.14	0.21	0.1	0.15
chr4	138528936	138529359	Tmco4	ENSMUSG00000041143	323	1	0.24	0.13	0.18	0.29	0.17
chr4	155221497	155222153	Dvl1	ENSMUSG00000029071	314	0.15	0.15	0.1	0.12	0.05	0.12
chr4	151235139	151236982	Camta1	ENSMUSG00000014592	-301	0.23	0.13	0.1	0.15	0.13	0.14
chr4	43505661	43506602	Ccdc107	ENSMUSG00000028461	359	0.06	0.24	0.14	0.12	0.3	0.16

chr4	125781161	125781669	Stk40	ENSMUSG00000042608	214	0.32	0.13	0.14	0.12	0.09	0.13
chr4	140542672	140543160	Atp13a2	ENSMUSG00000036622	128	0.31	0.18	0.09	0.13	0.12	0.16
chr4	132594413	132595555	Ahdc1	ENSMUSG00000037692	-424	0.17	0.13	0.1	0.13	0.08	0.12
chr4	101168980	101169578	Dnajc6	ENSMUSG00000028528	26	0.18	0.08	0.1	0.12	0.06	0.14
chr4	120077597	120078581	Scmh1	ENSMUSG00000000085	203	0.48	0.26	0.1	0.11	0.2	0.11
chr4	107889941	107890809	Zyg11a	ENSMUSG00000034645	127	0.42	0.22	0.11	0.17	0.16	0.2
chr4	32743929	32744507	Mdn1	ENSMUSG00000058006	124	0.29	0.19	0.09	0.13	0.09	0.1
chr4	100449037	100450613	Cachd1	ENSMUSG00000028532	545	0.66	0.25	0.11	0.23	0.34	0.21
chr4	131767129	131768289	Ythdf2	ENSMUSG00000040025	297	0.26	0.12	0.14	0.18	0.09	0.13
chr4	106850827	106851954	2210012G02Rik	ENSMUSG00000028619	-503	0.26	0.21	0.14	0.14	0.08	0.12
chr4	41586958	41587273	Enho	ENSMUSG00000028445	221	0.43	0.11	0.12	0.16	0.13	0.14
chr4	128404575	128405514	Phc2	ENSMUSG00000028796	219	0.25	0.18	0.13	0.17	0.12	0.21
chr4	9771091	9771919	Gdf6	ENSMUSG00000051279	-14	0.42	0.3	0.11	0.15	0.13	0.15
chr4	6917296	6918331	Tox	ENSMUSG00000041272	-183	0.29	0.31	0.15	0.2	0.08	0.14
chr4	94223016	94223551	Gm10306	ENSMUSG00000070900	46	0.17	0.12	0.11	0.22	0.05	0.17
chr4	153331011	153331694	A430005L14Rik	ENSMUSG00000047613	6	0.21	0.16	0.1	0.14	0.08	0.16
chr4	45197423	45198257	Frmpd1	ENSMUSG00000035615	93	0.26	0.11	0.11	0.17	0.09	0.11
chr4	57968498	57969508	Txn1	ENSMUSG00000028367	280	1	0.23	0.11	0.18	0.13	0.14
chr4	76095247	76096440	Ptprd	ENSMUSG00000028399	41	0.45	0.2	0.14	0.11	0.1	0.13
chr4	53726963	53727502	Fktn	ENSMUSG00000028414	206	0.22	0.16	0.25	0.17	0.08	0.14
chr4	147818417	147818939	Ubiad1	ENSMUSG00000047719	192	1	0.62	0.23	0.43	0.12	0.11
chr4	141639748	141640607	Gm10565	ENSMUSG00000073728	290	0.26	0.11	0.09	0.21	0.08	0.18
chr4	40894985	40895764	Bag1	ENSMUSG00000028416	-98	0.24	0.11	0.1	0.12	0.09	0.16
chr4	119094580	119095577	Ppcs	ENSMUSG00000028636	-115	0.53	0.18	0.11	0.13	0.16	0.15
chr4	116793204	116793952	Btbd19	ENSMUSG00000073771	292	0.27	0.12	0.12	0.17	0.07	0.21
chr4	104782031	104782431	Prkaa2	ENSMUSG00000028518	264	0.41	0.22	0.21	0.5	0.06	0.12
chr4	41295978	41296524	Ubap1	ENSMUSG00000028437	222	0.33	0.14	0.08	0.23	0.07	0.13
chr4	73897625	73898342	Kdm4c	ENSMUSG00000028397	143	0.46	0.21	0.1	0.14	0.17	0.18
chr4	11003027	11003419	2310030N02Rik	ENSMUSG00000050323	73	0.14	0.4	0.11	0.13	0.41	0.14
chr4	41261366	41262023	Dcaf12	ENSMUSG00000028436	228	0.46	0.19	0.1	0.18	0.17	0.21

chr4	117559462	117560067	Atp6v0b	ENSMUSG00000033379	128	0.24	0.15	0.12	0.11	0.07	0.17
chr4	86519937	86520624	Acer2	ENSMUSG00000038007	-20	0.48	0.18	0.16	0.18	0.23	0.19
chr4	116136266	116136995	Mast2	ENSMUSG00000003810	-274	0.24	0.25	0.09	0.12	0.1	0.12
chr4	116512657	116512958	Rpl36-ps8	ENSMUSG00000075390	19	0.22	0.62	0.21	0.12	0.55	0.29
chr4	119959424	119960726	Foxo6	ENSMUSG00000052135	-121	0.2	0.14	0.08	0.14	0.11	0.15
chr4	43644228	43644671	AL732626.1	ENSMUSG00000092675	152	0.27	0.05	0.07	0.12	0.08	0.16
chr4	53172657	53173060	Abca1	ENSMUSG00000015243	-91	0.33	0.06	0.12	0.13	0.11	0.15
chr4	94716676	94719915	BC042782	ENSMUSG00000087366	70	0.18	0.14	0.11	0.15	0.09	0.11
chr4	155570788	155572164	Agm	ENSMUSG00000041936	60	0.12	0.16	0.09	0.15	0.07	0.15
chr4	70071135	70071707	Cdk5rap2	ENSMUSG00000039298	-20	0.42	0.13	0.07	0.21	1	0.13
chr4	98049619	98049960	Tm2d1	ENSMUSG00000028563	-38	0.28	0.22	0.12	0.17	0.09	0.15
chr4	88367804	88368577	Klhl9	ENSMUSG00000070923	175	0.47	0.16	0.09	0.14	0.12	0.13
chr4	138648398	138649157	Nbl1	ENSMUSG00000041120	106	0.23	0.17	0.1	0.14	0.1	0.15
chr4	141219504	141220289	Plekhm2	ENSMUSG00000028917	137	0.18	0.13	0.16	0.15	0.1	0.16
chr4	132686279	132686781	Wasf2	ENSMUSG00000028868	110	0.19	0.08	0.1	0.13	0.07	0.14
chr4	41515969	41516885	2310028H24Rik	ENSMUSG00000028439	115	0.26	0.11	0.09	0.21	0.08	0.16
chr4	147932502	147933002	Exosc10	ENSMUSG00000017264	214	0.64	0.31	0.12	0.18	0.29	0.17
chr4	53452875	53453891	Slc44a1	ENSMUSG00000028412	98	0.23	0.09	0.08	0.14	0.13	0.11
chr4	149610752	149611581	Eno1	ENSMUSG00000063524	336	0.39	0.12	0.1	0.17	0.16	0.17
chr4	34010624	34011864	Cnr1	ENSMUSG00000044288	-324	0.19	0.13	0.17	0.15	0.09	0.14
chr4	46401960	46402466	5830415F09Rik	ENSMUSG00000028331	77	0.33	0.08	0.11	0.15	0.05	0.15
chr4	136912850	136913751	Cdc42	ENSMUSG00000006699	292	0.12	0.21	0.08	0.14	0.21	0.14
chr4	149147589	149148513	Slc25a33	ENSMUSG00000028982	335	0.2	0.1	0.11	0.15	0.1	0.12
chr4	118954793	118954994	Ybx1	ENSMUSG00000028639	-102	0.7	0.66	0.9	0.81	0.96	0.92
chr4	154771759	154772354	Gabrd	ENSMUSG00000029054	89	1	0.88	0.32	0.56	0.12	0.21
chr4	61869353	61869826	Zfp37	ENSMUSG00000028389	-109	0.41	0.14	0.1	0.13	0.12	0.2
chr4	115747971	115749217	Lrrc41	ENSMUSG00000028703	526	0.25	0.21	0.13	0.15	0.15	0.17
chr4	133308284	133310593	Arid1a	ENSMUSG00000007880	88	0.15	0.12	0.09	0.14	0.08	0.14
chr4	141794742	141795437	Kazn	ENSMUSG00000040606	227	0.12	0.12	0.1	0.11	0.07	0.11
chr4	93001414	93002462	Tusc1	ENSMUSG00000054000	264	0.18	0.15	0.08	0.12	0.09	0.1

chr4	136018273	136018678	6030445D17Rik	ENSMUSG00000066178	310	0.38	0.25	0.11	0.13	0.08	0.15
chr4	150481732	150483011	Camta1	ENSMUSG00000014592	41	0.14	0.1	0.09	0.11	0.08	0.08
chr4	49644721	49645335	Rnf20	ENSMUSG00000028309	150	1	0.05	0.04	0.13	0.17	0.12
chr4	119211834	119212888	AA415398	ENSMUSG000000087385	-227	0.14	0.09	0.09	0.09	0.07	0.12
chr4	140257171	140258997	Rcc2	ENSMUSG000000040945	696	0.07	0.13	0.09	0.12	0.14	0.13
chr4	40226145	40226508	Ndufb6	ENSMUSG000000071014	116	1	0.04	0.11	0.14	0.09	0.13
chr4	137024253	137025145	Hspg2	ENSMUSG000000028763	65	0.22	0.21	0.15	0.13	0.1	0.22
chr4	84320315	84321970	Bnc2	ENSMUSG000000028487	-242	0.18	0.09	0.09	0.14	0.11	0.15
chr4	44715996	44717589	Pax5	ENSMUSG000000014030	-507	0.19	0.1	0.1	0.15	0.1	0.12
chr4	59450818	59451397	Susd1	ENSMUSG000000038578	398	0.29	0.13	0.16	0.2	0.12	0.2
chr4	88783263	88783794	Mtap	ENSMUSG000000062937	502	1	1	0.1	0.23	0.38	0.28
chr4	115893448	115894443	Pik3r3	ENSMUSG000000028698	-278	0.33	0.32	0.13	0.19	0.11	0.14
chr4	48485789	48486417	Tex10	ENSMUSG000000028345	112	0.18	0.07	0.09	0.1	0.07	0.12
chr4	80557089	80557841	D4Bwg0951e	ENSMUSG000000048706	915	0.05	0.57	0.11	0.14	0.15	0.23
chr4	118214506	118214753	Tmem125	ENSMUSG000000050854	938	0.78	0.81	0.81	0.63	0.97	0.85
chr4	140695135	140695810	D4ErtD22e	ENSMUSG000000040842	170	0.71	0.17	0.12	0.16	0.21	0.15
chr4	132925583	132925926	Slc9a1	ENSMUSG000000028854	133	0.43	0.4	0.22	0.15	0.11	0.22
chr4	59818583	59819420	Snx30	ENSMUSG000000028385	289	0.09	0.09	0.11	0.15	0.64	0.23
chr4	133188849	133189108	Zdhhc18	ENSMUSG000000037553	406	0.19	0.26	0.15	0.24	0.05	0.22
chr4	99320054	99320646	Gm12688	ENSMUSG000000086096	1324	0.42	0.14	0.13	0.16	0.14	0.22
chr4	134323410	134324038	Ldlrap1	ENSMUSG000000037295	215	0.16	0.11	0.08	0.13	0.1	0.13
chr4	43394661	43395213	Rusc2	ENSMUSG000000035969	86	0.26	0.14	0.07	0.19	0.09	0.1
chr4	125167194	125169156	Grik3	ENSMUSG00000001985	231	0.24	0.16	0.1	0.12	0.15	0.11
chr4	40090279	40090871	Aco1	ENSMUSG000000028405	277	0.25	0.11	0.1	0.14	0.11	0.08
chr4	110023915	110024581	Elavl4	ENSMUSG000000028546	266	0.12	0.26	0.13	0.21	0.27	0.12
chr4	15192658	15193853	Tmem64	ENSMUSG000000043252	277	0.41	0.27	0.11	0.18	0.26	0.11
chr4	155608737	155609100	Kihl17	ENSMUSG000000078484	48	0.11	0.93	0.11	0.2	0.44	0.14
chr4	86221504	86221974	Rraga	ENSMUSG000000070934	162	0.21	0.12	0.11	0.14	0.08	0.15
chr4	123582013	123582774	Mycbp	ENSMUSG000000028647	318	0.28	0.28	0.1	0.14	0.15	0.19
chr4	149943358	149944133	Rere	ENSMUSG000000039852	48	0.27	0.12	0.11	0.12	0.13	0.11

chr4	126846028	126846906	Dlgap3	ENSMUSG00000042388	19	0.21	0.13	0.11	0.14	0.12	0.16
chr4	151460582	151461261	Plekhg5	ENSMUSG00000039713	-46	0.22	0.19	0.11	0.17	0.08	0.13
chr4	11314173	11315742	Esrp1	ENSMUSG00000040728	-1027	0.18	0.09	0.11	0.16	0.1	0.17
chr4	122910851	122911323	Heyl	ENSMUSG00000032744	-9	0.16	0.13	0.1	0.2	0.07	0.12
chr4	44676943	44677545	Gm12462	ENSMUSG00000086211	-43	0.15	0.09	0.09	0.11	0.06	0.1
chr4	137469362	137469851	Ece1	ENSMUSG00000057530	220	0.7	0.1	0.19	0.38	0.25	0.24
chr4	9595758	9596563	Asph	ENSMUSG00000028207	73	0.12	0.14	0.14	0.12	0.26	0.18
chr4	125839915	125840581	1700029G01Rik	ENSMUSG00000073758	-339	0.4	0.23	0.08	0.12	0.09	0.08
chr4	44246224	44247156	Rnf38	ENSMUSG00000035696	-29	0.2	0.1	0.07	0.11	0.12	0.11
chr4	48292128	48292930	Erp44	ENSMUSG00000028343	-205	0.45	0.19	0.13	0.18	0.26	0.14
chr4	122672883	122674255	Mycl1	ENSMUSG00000028654	674	0.24	0.12	0.14	0.15	0.14	0.16
chr4	62180628	62181210	Alad	ENSMUSG00000028393	-4	0.08	0.08	0.08	0.1	0.03	0.09
chr4	68614811	68615170	Dbc1	ENSMUSG00000028351	441	0.2	0.05	0.06	0.13	0.07	0.08
chr4	84191232	84191628	Bnc2	ENSMUSG00000028487	764	0.6	0.11	0.1	0.12	0.11	0.07
chr4	130348266	130348866	Sdc3	ENSMUSG00000025743	114	0.17	0.09	0.11	0.11	0.09	0.15
chr4	138866221	138867060	Pqlc2	ENSMUSG00000028744	-88	0.15	0.1	0.1	0.14	0.07	0.15
chr4	145166993	145167230	Gm13226	ENSMUSG00000083454	84	0.81	0.97	0.83	0.99	0.93	0.92
chr4	148473625	148474038	Pex14	ENSMUSG00000028975	87	1	0.14	0.23	0.23	0.12	0.12
chr4	84851164	84852034	Sh3gl2	ENSMUSG00000028488	254	0.5	0.23	0.08	0.09	0.11	0.14
chr4	118081724	118082256	Szt2	ENSMUSG00000033253	-122	0.32	0.11	0.15	0.3	0.17	0.24
chr4	140857193	140857774	Epha2	ENSMUSG00000006445	328	0.17	0.09	0.07	0.29	0.04	0.21
chr4	16090279	16090746	Ripk2	ENSMUSG00000041135	154	0.15	0.14	0.08	0.11	0.06	0.11
chr4	82969502	82970240	Ttc39b	ENSMUSG00000038172	222	0.18	0.28	0.11	0.17	0.09	0.13
chr4	133053589	133054511	Trmp1	ENSMUSG00000056596	-416	0.38	0.09	0.11	0.15	0.19	0.13
chr4	22416610	22417695	Pou3f2	ENSMUSG00000052621	-1672	0.21	0.28	0.13	0.19	0.11	0.14
chr4	109148639	109149326	Rnf11	ENSMUSG00000028557	298	0.15	0.2	0.08	0.16	0.06	0.14
chr4	151551705	151552920	Acot7	ENSMUSG00000028937	69	0.15	0.11	0.11	0.13	0.08	0.1
chr4	155215133	155216083	Mxra8	ENSMUSG00000029070	-805	0.34	0.07	0.19	0.21	0.17	0.41
chr4	11248868	11249458	Gm16652	ENSMUSG00000086492	72	0.15	0.16	0.1	0.11	0.07	0.1
chr4	135728180	135729132	E2f2	ENSMUSG00000018983	347	0.32	0.32	0.14	0.18	0.18	0.14

chr4	155609946	155610697	Klh17	ENSMUSG00000078484	-1355	0.63	0.18	0.13	0.18	0.39	0.09
chr4	33296264	33296741	Srsf12	ENSMUSG00000054679	264	0.12	0.24	0.16	0.27	0.21	0.18
chr4	108292257	108292995	Gm12743	ENSMUSG00000084968	-172	0.14	0.15	0.09	0.16	0.08	0.13
chr4	134090316	134091409	Fam54b	ENSMUSG00000046671	97	0.26	0.15	0.09	0.18	0.15	0.14
chr4	45985000	45985719	Tdrd7	ENSMUSG00000035517	254	0.18	0.1	0.08	0.11	0.08	0.08
chr4	116358069	116358702	Prdx1	ENSMUSG00000028691	236	0.05	0.08	0.12	0.17	0.14	0.14
chr4	117963060	117963840	Ptpf	ENSMUSG00000033295	560	0.18	0.16	0.09	0.14	0.11	0.14
chr4	140633749	140634383	Necap2	ENSMUSG00000028923	143	0.31	0.2	0.13	0.21	0.15	0.15
chr4	147514184	147514920	Mad2l2	ENSMUSG00000029003	261	0.75	0.32	0.17	0.13	0.14	0.16
chr4	154338115	154338895	Pank4	ENSMUSG00000029056	273	0.18	0.16	0.07	0.1	0.09	0.13
chr4	82150250	82152459	Nfib	ENSMUSG00000008575	-142	0.23	0.14	0.12	0.17	0.14	0.19
chr4	133036002	133036455	Fam46b	ENSMUSG00000046694	181	0.26	0.28	0.11	0.12	0.07	0.08
chr4	33275831	33276655	Pm20d2	ENSMUSG00000054659	165	0.15	0.14	0.1	0.17	0.08	0.11
chr4	98483739	98484453	Kank4	ENSMUSG00000035407	132	0.21	0.11	0.09	0.16	0.09	0.11
chr4	108452650	108453430	Zfyve9	ENSMUSG00000034557	68	0.15	0.12	0.11	0.12	0.08	0.11
chr4	155158306	155158627	Tmem88b	ENSMUSG00000073680	1517	0.21	0.07	0.08	0.12	0.09	0.12
chr4	137549872	137550260	Eif4g3	ENSMUSG00000028760	649	0.24	0.17	0.11	0.17	0.14	0.15
chr4	12098548	12099044	Fam92a	ENSMUSG00000028218	85	0.12	0.1	0.09	0.12	0.08	0.11
chr4	128560810	128561839	Trim62	ENSMUSG00000041000	500	0.31	0.14	0.1	0.13	0.2	0.11
chr4	140924053	140924456	Fam131c	ENSMUSG00000006218	119	0.22	0.22	0.15	0.18	0.08	0.12
chr4	150431552	150432322	Vamp3	ENSMUSG00000028955	118	0.19	0.17	0.12	0.2	0.09	0.15
chr4	109649937	109651220	3010003L10Rik	ENSMUSG000000085256	-482	0.21	0.14	0.15	0.19	0.13	0.16
chr4	119164823	119165371	Rimk1a	ENSMUSG00000048899	17	0.21	0.09	0.08	0.15	0.1	0.11
chr4	89354814	89355501	Dmrta1	ENSMUSG00000043753	268	0.57	0.15	0.14	0.2	0.15	0.12
chr4	124527477	124528718	1110065P20Rik	ENSMUSG00000078570	-380	0.08	0.13	0.07	0.15	0.12	0.12
chr4	134107847	134108059	Sepr1	ENSMUSG00000050989	128	0.25	0.08	0.08	0.1	0.09	0.26
chr4	141101445	141103046	B330016D10Rik	ENSMUSG00000048406	141	0.09	0.11	0.12	0.14	0.15	0.14
chr4	153348692	153349731	Dffb	ENSMUSG00000029027	-51	0.29	0.15	0.11	0.19	0.17	0.14
chr4	21775075	21775701	Sfrs18	ENSMUSG00000028248	193	0.4	0.19	0.11	0.24	0.14	0.27
chr4	126210083	126210840	Eif2c4	ENSMUSG00000042500	241	0.07	0.08	0.1	0.13	0.11	0.12

chr4	144784536	144785032	Vps13d	ENSMUSG00000020220	114	0.15	0.17	0.12	0.14	0.07	0.13
chr4	62874996	62877049	Col27a1	ENSMUSG00000045672	984	0.17	0.2	0.12	0.11	0.11	0.12
chr4	108952721	108953771	Eps15	ENSMUSG00000028552	373	0.12	0.13	0.08	0.14	0.19	0.12
chr4	117587420	117587910	Ipo13	ENSMUSG00000033365	-61	0.12	0.21	0.1	0.17	0.31	0.11
chr4	137417905	137418529	Ece1	ENSMUSG00000057530	65	0.22	0.12	0.12	0.21	0.08	0.18
chr4	129662378	129663683	Bai2	ENSMUSG00000028782	622	0.18	0.1	0.13	0.21	0.11	0.15
chr4	131429306	131430298	Srsf4	ENSMUSG00000028911	270	0.12	0.15	0.12	0.11	0.08	0.12
chr4	116269912	116270256	C530005A16Rik	ENSMUSG00000085408	151	0.27	0.19	0.1	0.25	0.1	0.12
chr4	124479362	124479969	Mtf1	ENSMUSG00000028890	-128	0.19	0.13	0.1	0.12	0.08	0.18
chr4	15884978	15885606	Nbn	ENSMUSG00000028224	220	0.12	0.09	0.08	0.14	0.07	0.12
chr4	53644188	53644840	Fsd11	ENSMUSG00000054752	171	0.06	0.09	0.17	0.12	0.21	0.12
chr4	132566868	132568526	Ahdc1	ENSMUSG00000037692	522	0.17	0.12	0.13	0.14	0.1	0.15
chr4	141349304	141349944	Casp9	ENSMUSG00000028914	97	0.22	0.3	0.12	0.2	0.09	0.09
chr4	86502657	86503657	Rps6	ENSMUSG00000028495	79	0.18	0.07	0.09	0.17	0.09	0.13
chr4	88940036	88941457	Cdkn2a	ENSMUSG00000044303	-223	0.11	0.17	0.12	0.17	0.07	0.16
chr4	57794976	57795249	Akap2	ENSMUSG00000038729	60	0.53	0.43	0.19	0.09	0.17	0.14
chr4	40420172	40420459	Tmem215	ENSMUSG00000046593	1102	0.77	0.53	0.4	0.74	0.44	0.42
chr4	116806004	116806643	PIK3	ENSMUSG00000028680	81	0.21	0.1	0.09	0.11	0.12	0.14
chr4	134953999	134954279	A330049M08Rik	ENSMUSG00000043924	-34	0.27	0.18	0.08	0.1	0.14	0.12
chr4	131392294	131394418	Ptpru	ENSMUSG00000028909	790	0.29	0.13	0.1	0.18	0.21	0.15
chr4	150228972	150229791	1700045H11Rik	ENSMUSG00000078492	-323	0.17	0.11	0.09	0.11	0.11	0.12
chr4	24778003	24778347	Klhl32	ENSMUSG00000040387	-97	0.12	0.11	0.07	0.15	0.07	0.13
chr4	129011849	129013239	Rbbp4	ENSMUSG00000057236	-656	0.24	0.22	0.13	0.16	0.16	0.17
chr4	129373781	129374248	Tmem39b	ENSMUSG00000053730	-150	0.19	0.33	0.13	0.16	0.5	0.19
chr4	91037855	91038858	Elavl2	ENSMUSG00000008489	291	0.14	0.12	0.11	0.12	0.07	0.13
chr4	49609733	49610707	2810432L12Rik	ENSMUSG00000039611	122	0.26	0.23	0.11	0.16	0.16	0.13
chr4	28740018	28742900	Epha7	ENSMUSG00000028289	1178	0.21	0.2	0.13	0.21	0.13	0.18
chr4	45542453	45543887	Shb	ENSMUSG00000044813	32	0.16	0.15	0.08	0.13	0.09	0.14
chr4	117540557	117540850	Gm17114	ENSMUSG00000091237	460	0.16	0.33	0.22	0.27	0.26	0.4
chr4	151712453	151713223	Chd5	ENSMUSG00000005045	78	0.14	0.08	0.08	0.09	0.08	0.07

chr4	120339124	120340062	Cited4	ENSMUSG00000070803	425	0.21	0.16	0.11	0.19	0.14	0.13
chr4	135866384	135867652	Hnmpr	ENSMUSG00000066037	161	0.31	0.11	0.11	0.12	0.21	0.16
chr4	110070260	110070500	Agbl4	ENSMUSG00000061298	114	0.5	0.57	0.04	0.11	0.07	0.13
chr4	135699506	135700819	ld3	ENSMUSG00000007872	383	0.09	0.18	0.15	0.12	0.16	0.16
chr4	145593833	145594271	Gm13240	ENSMUSG00000081710	-225	0.55	0.65	0.28	0.73	0.15	0.13
chr4	15285734	152857546	Ajap1	ENSMUSG00000039546	-352	0.19	0.17	0.09	0.18	0.14	0.13
chr4	139802144	139802689	Igsf21	ENSMUSG00000040972	283	0.46	0.33	0.13	0.18	0.23	0.14
chr4	101760141	101760837	Pde4b	ENSMUSG00000028525	341	0.86	0.67	0.12	0.22	0.41	0.18
chr4	151526081	151526603	Espn	ENSMUSG00000028943	-26	0.13	0.15	0.09	0.1	0.25	0.14
chr4	133842601	133843932	Pdik1l	ENSMUSG00000050890	-126	0.19	0.21	0.1	0.14	0.13	0.18
chr4	107704147	107704907	Podn	ENSMUSG00000028600	31	0.33	0.42	0.09	0.13	0.2	0.15
chr4	44085184	44085718	Gne	ENSMUSG00000028479	23	0.11	0.07	0.09	0.12	0.07	0.19
chr4	58565845	58566328	Lpar1	ENSMUSG00000038668	-30	0.3	0.24	0.13	0.15	0.12	0.12
chr4	116229637	116230723	Gbbp1l1	ENSMUSG00000034042	-83	0.18	0.09	0.09	0.17	0.11	0.15
chr4	133035648	133035875	Fam46b	ENSMUSG00000046694	-286	0.09	0.07	0.17	0.13	0.21	0.18
chr4	134258934	134260636	Man1c1	ENSMUSG00000037306	-103	0.17	0.13	0.1	0.14	0.11	0.16
chr4	138908093	138908664	Mrto4	ENSMUSG00000028741	-165	0.19	0.1	0.12	0.18	0.09	0.21
chr4	41082176	41083359	Ube2r2	ENSMUSG00000036241	-9	0.13	0.1	0.13	0.21	0.09	0.17
chr4	120419381	120420230	Kcnq4	ENSMUSG00000028631	48	0.11	0.07	0.12	0.1	0.07	0.13
chr4	132894741	132895577	Wdtdc1	ENSMUSG00000037622	27	0.15	0.14	0.11	0.11	0.08	0.11
chr4	88956516	88956949	Cdkn2b	ENSMUSG00000073802	209	0.33	0.26	0.1	0.19	0.17	0.19
chr4	8678909	8679167	Chd7	ENSMUSG00000041235	453	0.07	0.11	0.12	0.3	0.16	0.21
chr4	132641125	132641560	Gm10151	ENSMUSG00000066041	-47	0.13	NA	0.14	0.23	0.5	0.36
chr4	151382731	151384071	Klhl21	ENSMUSG00000073700	489	0.14	0.05	0.09	0.09	0.08	0.12
chr4	132478017	132478897	Fam76a	ENSMUSG00000028878	-49	0.28	0.13	0.12	0.13	0.16	0.13
chr4	116299415	116299975	Nasp	ENSMUSG00000028693	358	0.44	0.5	0.17	0.24	0.24	0.25
chr4	137772314	137773600	Hp1bp3	ENSMUSG00000028759	442	0.14	0.15	0.11	0.11	0.1	0.14
chr4	3762201	3762961	snoU54	ENSMUSG00000088351	-288	0.25	0.32	0.17	0.26	0.14	0.14
chr4	133801147	133801706	Zfp593	ENSMUSG00000028840	31	0.09	0.14	0.08	0.18	0.05	0.12
chr4	107106854	107108574	AL626784.1	ENSMUSG00000092723	537	0.15	0.2	0.15	0.16	0.11	0.15

chr4	117222820	117223241	Eri3	ENSMUSG00000033423	60	0.24	0.27	0.12	0.18	0.49	0.1
chr4	19496717	19497313	Cpne3	ENSMUSG00000028228	215	0.24	0.1	0.09	0.16	0.16	0.1
chr4	114659302	114659746	Cmpk1	ENSMUSG00000028719	153	0.26	0.14	0.13	0.13	0.16	0.16
chr4	49857562	49858792	Grin3a	ENSMUSG00000039579	244	0.11	0.11	0.12	0.17	0.06	0.14
chr4	133312501	133312859	Arid1a	ENSMUSG00000007880	4	0.31	0.11	0.14	0.16	0.15	0.15
chr4	154998633	154999258	Gm16023	ENSMUSG00000086682	-81	0.17	0.17	0.12	0.18	0.26	0.17
chr4	133140080	133140747	Gpn2	ENSMUSG00000028848	136	0.5	0.42	0.11	0.15	0.19	0.19
chr4	154937836	154938402	Nadk	ENSMUSG00000029063	184	0.2	0.2	0.16	0.16	0.33	0.24
chr4	42962592	42963241	Dnajb5	ENSMUSG00000036052	230	0.17	0.13	0.08	0.15	0.09	0.15
chr4	56959563	56960402	D730040F13Rik	ENSMUSG00000055296	301	0.2	0.11	0.12	0.22	0.09	0.2
chr4	109329741	109330324	9630013D21Rik	ENSMUSG00000059027	181	0.14	0.27	0.1	0.18	0.09	0.16
chr4	155068237	155069297	B930041F14Rik	ENSMUSG00000074738	316	0.31	0.18	0.12	0.1	0.15	0.1
chr4	43012584	43013522	Vcp	ENSMUSG00000028452	252	0.1	0.12	0.1	0.15	0.05	0.16
chr4	77857612	77857895	Ptprd	ENSMUSG00000028399	-110	0.9	0.59	0.13	0.15	0.33	0.09
chr4	99601985	99602768	Pgm2	ENSMUSG00000025791	357	0.67	0.3	0.13	0.23	0.15	0.12
chr4	106136486	106136853	Pcsk9	ENSMUSG00000044254	265	0.21	0.12	0.12	0.16	0.1	0.19
chr4	111087364	111088118	Bend5	ENSMUSG00000028545	130	0.4	0.13	0.12	0.23	0.16	0.17
chr4	132065892	132066543	Sesn2	ENSMUSG00000028893	199	0.18	0.08	0.11	0.15	0.13	0.15
chr4	154008891	154012106	Prdm16	ENSMUSG00000039410	371	0.15	0.21	0.13	0.17	0.13	0.16
chr4	74923965	74924302	3110001D03Rik	ENSMUSG00000028398	76	0.25	0.21	0.09	0.15	0.08	0.26
chr4	116828114	116828839	Snord55	ENSMUSG00000092680	-23	0.21	0.14	0.08	0.14	0.11	0.17
chr4	125933003	125933861	Mtap7d1	ENSMUSG00000028849	89	0.19	0.15	0.1	0.17	0.11	0.16
chr4	155365931	155367626	B3galt6	ENSMUSG00000050796	9	0.1	0.13	0.1	0.13	0.13	0.13
chr4	106295000	106295704	Ttc22	ENSMUSG00000034919	315	0.22	0.41	0.24	0.28	0.28	0.27
chr4	135476602	135477178	Fuca1	ENSMUSG00000028673	240	0.05	0.08	0.07	0.13	0.1	0.14
chr4	42929826	42930472	N28178	ENSMUSG00000036062	26	0.17	0.19	0.09	0.14	0.12	0.09
chr4	45097014	45097654	Fbxo10	ENSMUSG00000048232	142	0.11	0.16	0.08	0.1	0.08	0.09
chr4	125939473	125939819	Trappc3	ENSMUSG00000028847	77	0.12	0.13	0.13	0.13	0.08	0.13
chr4	148178265	148181221	Casz1	ENSMUSG00000028977	1205	0.1	0.11	0.1	0.2	0.07	0.17
chr4	155177505	155178061	Mrpl20	ENSMUSG00000029066	138	0.41	0.28	0.29	0.28	0.14	0.2

chr4	136832697	136834041	Wnt4	ENSMUSG00000036856	-35	0.16	0.19	0.1	0.19	0.13	0.13
chr4	15872294	15872768	Decr1	ENSMUSG00000028223	-109	0.28	0.47	0.14	0.24	0.13	0.1
chr4	46614039	46615164	Coro2a	ENSMUSG00000028337	162	0.22	0.13	0.1	0.15	0.12	0.13
chr4	47365280	47366826	Tgfb1	ENSMUSG00000007613	-41	0.25	0.29	0.14	0.18	0.17	0.2
chr4	105988321	105989550	Usp24	ENSMUSG00000028514	117	0.16	0.1	0.11	0.16	0.13	0.17
chr4	142984209	142984756	Pramel1	ENSMUSG00000041805	151	0.86	1	0.84	0.95	0.95	0.98
chr4	148859157	148859690	Nmnat1	ENSMUSG00000028992	-151	0.09	0.19	0.08	0.12	0.2	0.15
chr4	81088170	81088848	Mpdz	ENSMUSG00000028402	200	0.11	0.09	0.16	0.15	0.07	0.15
chr4	116691874	116692279	Eif2b3	ENSMUSG00000028683	69	0.1	0.07	0.09	0.15	0.06	0.14
chr4	117555553	117556074	B4galt2	ENSMUSG00000028541	-96	0.2	0.17	0.1	0.15	0.1	0.09
chr4	118781290	118781875	Slc2a1	ENSMUSG00000028645	266	0.21	0.11	0.11	0.23	0.1	0.2
chr4	137950802	137952476	AB041806	ENSMUSG00000046109	526	0.18	0.1	0.12	0.14	0.13	0.1
chr4	154735086	154736196	Prkcz	ENSMUSG00000029053	-192	0.09	0.06	0.11	0.12	0.06	0.12
chr4	99768360	99769031	Ror1	ENSMUSG00000035305	299	0.17	0.29	0.13	0.14	0.11	0.14
chr4	119406160	119406938	Hivep3	ENSMUSG00000028634	160	1	0.28	0.07	0.16	0.1	0.1
chr4	44025552	44026107	Cita	ENSMUSG00000028478	273	0.1	0.13	0.13	0.15	0.21	0.15
chr4	106583322	106585122	Ssbp3	ENSMUSG00000061887	147	0.18	0.11	0.11	0.12	0.15	0.11
chr4	119087788	119088193	Ccdc30	ENSMUSG00000028637	136	0.33	0.1	0.12	0.11	0.07	0.15
chr4	124743794	124744395	Snip1	ENSMUSG00000050213	178	0.13	0.07	0.07	0.11	0.08	0.16
chr4	141346238	141346879	Dnajc16	ENSMUSG00000040697	248	0.32	0.1	0.1	0.15	0.18	0.12
chr4	155108936	155109704	Gm5151	ENSMUSG00000084845	337	0.23	0.1	0.09	0.13	0.17	0.09
chr4	101320216	101320639	Leprot	ENSMUSG00000035212	104	1	0.38	0.1	0.09	0.08	0.17
chr4	117354519	117355008	Dmap1	ENSMUSG00000009640	-175	0.67	0.24	0.17	0.25	0.18	0.11
chr4	122878565	122878868	Nt5c1a	ENSMUSG00000054958	-31	0.19	0.11	0.11	0.21	0.35	0.22
chr4	125735525	125736052	Oscp1	ENSMUSG00000042616	-21	0.2	0.11	0.12	0.12	0.12	0.19
chr4	132398976	132399301	Ppp1r8	ENSMUSG00000028882	-100	0.16	0.12	0.1	0.15	0.07	0.28
chr4	137237442	137237811	Rap1gap	ENSMUSG00000041351	8	0.26	0.16	0.19	0.16	0.2	0.16
chr4	140703674	140704509	Fbxo42	ENSMUSG00000028920	263	0.21	0.11	0.09	0.13	0.12	0.13
chr4	153513791	153514714	Trp73	ENSMUSG00000029026	65	0.16	0.15	0.12	0.17	0.1	0.18
chr4	11893031	11894114	Pdp1	ENSMUSG00000049225	-498	0.1	0.13	0.09	0.11	0.08	0.1

chr4	71860679	71862709	Tle1	ENSMUSG00000008305	-508	0.19	0.1	0.08	0.14	0.12	0.14
chr4	150283655	150284184	Park7	ENSMUSG00000028964	-184	0.33	0.49	0.12	0.21	0.57	0.17
chr4	3605249	3605852	Lyn	ENSMUSG00000042228	288	0.22	0.16	0.11	0.18	0.11	0.12
chr4	3864656	3866466	Plag1	ENSMUSG00000003282	-32	0.42	0.22	0.19	0.23	0.26	0.3
chr4	41411589	41412332	Kif24	ENSMUSG00000028438	-87	0.29	0.41	0.1	0.16	0.13	0.18
chr4	62069705	62070024	Prpf4	ENSMUSG00000066148	33	0.13	0.07	0.06	0.08	0.09	0.12
chr4	94269385	94270209	Plaa	ENSMUSG00000028577	29	0.18	0.12	0.1	0.15	0.09	0.14
chr4	106233410	106234112	Dhcr24	ENSMUSG00000034926	118	0.17	0.19	0.09	0.15	0.11	0.14
chr4	106323535	106323906	Pars2	ENSMUSG00000043572	46	0.14	0.33	0.15	0.17	0.08	0.11
chr4	126412430	126413550	Tfap2e	ENSMUSG00000042477	494	0.1	0.11	0.12	0.22	0.18	0.14
chr4	133228246	133228864	Pigv	ENSMUSG00000043257	7	0.23	0.16	0.11	0.11	0.17	0.15
chr4	147461836	147462213	Agtrap	ENSMUSG00000029007	116	0.14	0.1	0.11	0.13	0.08	0.15
chr4	155265151	155266785	Pusl1	ENSMUSG00000051557	-650	0.15	0.1	0.08	0.12	0.11	0.12
chr4	45421132	45421931	Mcart1	ENSMUSG00000045973	-13	0.14	0.28	0.1	0.19	0.09	0.14
chr4	47069773	47070488	Anks6	ENSMUSG00000066191	48	0.06	0.09	0.08	0.14	0.09	0.14
chr4	59047934	59048469	Gng10	ENSMUSG00000038607	241	0.12	0.06	0.08	0.17	0.07	0.18
chr4	109338282	109339778	Cdkn2c	ENSMUSG00000028551	764	0.13	0.26	0.1	0.15	0.1	0.11
chr4	114728986	114730500	Tal1	ENSMUSG00000028717	712	0.22	0.15	0.08	0.19	0.14	0.18
chr4	124334025	124337004	Pou3f1	ENSMUSG00000078236	1464	0.2	0.19	0.12	0.15	0.16	0.18
chr4	140864368	140864993	Epha2	ENSMUSG00000006445	-129	0.85	0.92	0.86	0.91	0.8	0.92
chr4	36898378	36898744	Lingo2	ENSMUSG00000052961	215	0.06	0.34	0.15	0.49	0.22	0.17
chr4	43455000	43456556	Tesk1	ENSMUSG00000028458	-415	0.17	0.15	0.11	0.19	0.14	0.16
chr4	63155658	63157167	Whrn	ENSMUSG00000039137	-701	0.2	0.14	0.1	0.15	0.17	0.17
chr4	135502311	135502697	Hmgcl	ENSMUSG00000028672	141	0.1	0.18	0.13	0.14	0.2	0.13
chr4	144482158	144482781	Dhrs3	ENSMUSG00000066026	-261	0.14	0.06	0.07	0.17	0.06	0.12
chr4	41670014	41670307	Dctn3	ENSMUSG00000028447	9	0.15	0.14	0.08	0.18	0.07	0.15
chr4	59594131	59594898	Hsdl2	ENSMUSG00000028383	79	0.13	0.22	0.12	0.23	0.2	0.12
chr4	64785480	64785948	Pappa	ENSMUSG00000028370	506	0.07	0.06	0.07	0.12	0.04	0.08
chr4	108131835	108133119	Zcchc11	ENSMUSG00000034610	446	0.2	0.08	0.11	0.16	0.12	0.22
chr4	115457428	115457986	Atpaf1	ENSMUSG00000028710	118	0.08	0.17	0.1	0.13	0.12	0.15

chr4	4719641	4720579	Impad1	ENSMUSG00000066324	392	0.18	0.25	0.11	0.18	0.26	0.15
chr4	66064687	66065219	Astn2	ENSMUSG00000028373	547	0.14	0.11	0.1	0.13	0.09	0.17
chr4	120887246	120887878	Rlf	ENSMUSG00000049878	127	0.15	0.12	0.13	0.19	0.22	0.15
chr4	48055744	48056363	Nr4a3	ENSMUSG00000028341	-1972	0.2	0.09	0.16	0.1	0.06	0.2
chr4	108505868	108506405	Btf3l4	ENSMUSG00000028568	23	0.24	0.42	0.12	0.11	0.38	0.17
chr4	126803136	126803508	Gm12942	ENSMUSG00000070737	32	0.38	0.32	0.13	0.26	0.24	0.18
chr4	84530073	84530865	Cntln	ENSMUSG00000038070	256	0.2	0.38	0.12	0.28	0.12	0.26
chr4	102986278	102986780	Oma1	ENSMUSG00000035069	112	0.35	0.63	0.09	0.15	0.52	0.17
chr4	120623975	120624509	Zfp69	ENSMUSG00000064141	62	0.18	0.26	0.12	0.15	0.15	0.15
chr4	131816903	131817105	Gmeb1	ENSMUSG00000028901	432	1	NA	0.13	0.19	0.33	0.13
chr4	46151143	46151922	Tstd2	ENSMUSG00000035495	-251	0.09	0.17	0.09	0.18	0.07	0.11
chr4	48552798	48553205	5730528L13Rik	ENSMUSG00000039693	194	0.19	0.13	0.14	0.18	0.09	0.11
chr4	107040362	107040900	Tmem48	ENSMUSG00000028614	242	0.3	0.09	0.11	0.14	0.21	0.12
chr4	116549609	116550692	Zswim5	ENSMUSG00000033948	169	0.11	0.09	0.09	0.09	0.09	0.1
chr4	118109553	118110183	Cdc20	ENSMUSG00000006398	17	0.13	0.35	0.15	0.17	0.22	0.2
chr4	118966288	118967599	Ybx1	ENSMUSG00000028639	142	0.15	0.2	0.11	0.15	0.17	0.16
chr4	140616020	140617048	Crocc	ENSMUSG00000040860	-74	0.5	0.24	0.13	0.13	0.34	0.15
chr4	151660333	151661328	Hes3	ENSMUSG00000028946	1339	0.2	0.15	0.2	0.18	0.14	0.22
chr4	135528303	135528607	Lypla2	ENSMUSG00000028670	48	0.7	0.3	0.23	0.22	1	0.43
chr4	11180827	11181459	Ints8	ENSMUSG00000040738	262	0.14	0.11	0.11	0.17	0.1	0.15
chr4	114494281	114494662	Gm12830	ENSMUSG00000055198	144	0.6	0.38	0.12	0.3	0.25	0.3
chr4	117806981	117807749	St3gal3	ENSMUSG00000028538	122	0.27	0.18	0.11	0.17	0.21	0.13
chr4	14753491	14753890	Otud6b	ENSMUSG00000040550	-148	0.12	0.1	0.15	0.19	0.15	0.13
chr4	22414360	22415321	Pou3f2	ENSMUSG00000052621	640	1	NA	0.21	0.3	0.5	NA
chr4	86876051	86876492	Slc24a2	ENSMUSG00000037996	55	0.44	0.36	0.13	0.34	0.23	0.14
chr4	98787029	98787844	Dock7	ENSMUSG00000028556	115	0.11	0.16	0.11	0.13	0.16	0.11
chr4	129815684	129816649	Hcrt1	ENSMUSG00000028778	-371	0.21	0.2	0.14	0.16	0.16	0.19
chr4	136249715	136249951	Ephb2	ENSMUSG00000028664	122	0.8	0.85	0.84	0.91	0.94	0.94
chr4	138629983	138631647	Htr6	ENSMUSG00000028747	-111	0.11	0.11	0.08	0.11	0.09	0.15
chr4	150026083	150026299	Slc45a1	ENSMUSG00000039838	15	0.15	0.19	0.12	0.18	0.2	0.16

chr4	106925892	106926700	Lrrc42	ENSMUSG00000028617	-159	0.05	0.15	0.1	0.15	0.1	0.12
chr4	131630590	131631387	Gm10300	ENSMUSG00000070717	376	0.28	0.27	0.19	0.22	0.22	0.18
chr4	148000382	148001265	Tardbp	ENSMUSG00000041459	43	0.09	0.09	0.09	0.15	0.06	0.16
chr4	138936289	138936906	2700016F22Rik	ENSMUSG00000091188	-303	0.07	0.09	0.09	0.16	0.11	0.1
chr4	53838874	53839202	Tmem38b	ENSMUSG00000028420	121	1	0.4	0.23	0.29	0.14	0.14
chr4	123594377	123595354	Gm12905	ENSMUSG00000085875	-353	0.19	0.12	0.1	0.17	0.13	0.12
chr4	134024188	134025073	Stmn1	ENSMUSG00000028832	395	0.29	0.29	0.15	0.1	0.24	0.17
chr4	136604034	136604795	Zbtb40	ENSMUSG00000060862	196	0.17	0.06	0.13	0.12	0.1	0.09
chr4	99322636	99324789	Foxd3	ENSMUSG00000067261	722	0.08	0.13	0.12	0.14	0.1	0.14
chr4	127648783	127649029	CK137956	ENSMUSG00000028813	-711	0.1	0.08	0.34	0.54	0.14	0.4
chr4	128735201	128736184	1700086P04Rik	ENSMUSG00000085085	-465	0.18	0.17	0.12	0.11	0.14	0.1
chr4	155577170	155577953	AW011738	ENSMUSG00000078349	148	0.19	0.19	0.17	0.28	0.12	0.15
chr4	138009914	138011504	Camk2n1	ENSMUSG00000046447	480	0.15	0.11	0.08	0.18	0.12	0.14
chr4	13670131	13670991	Runx111	ENSMUSG0000006586	-22	0.15	0.14	0.1	0.13	0.1	0.14
chr4	45120437	45120912	Tomm5	ENSMUSG00000078713	236	0.07	0.19	0.12	0.13	0.21	0.1
chr4	55543043	55546164	Klf4	ENSMUSG0000003032	39	0.12	0.14	0.15	0.13	0.1	0.15
chr4	97443863	97445587	Nfia	ENSMUSG00000028565	426	0.21	0.28	0.14	0.12	0.13	0.11
chr4	120242136	120243309	Ctps	ENSMUSG00000028633	159	0.15	0.18	0.1	0.18	0.19	0.17
chr4	131830019	131830348	Taf12	ENSMUSG00000028899	-107	0.22	0.11	0.24	0.28	0.12	0.2
chr4	135762098	135762578	Asap3	ENSMUSG00000036995	58	0.24	0.62	0.11	0.17	0.33	0.13
chr4	147412473	147413350	Clcn6	ENSMUSG00000029016	-240	0.21	0.17	0.08	0.15	0.1	0.14
chr4	6118071	6118418	Ubxn2b	ENSMUSG00000028243	-1	0.31	0.15	0.13	0.14	0.18	0.25
chr4	106986782	106987004	Yipf1	ENSMUSG00000057375	-75	1	0.23	0.26	0.22	0.15	0.25
chr4	117166964	117169314	Rnf220	ENSMUSG00000028677	-523	0.18	0.19	0.12	0.18	0.16	0.14
chr4	151699773	151700383	Rpl22	ENSMUSG00000028936	227	0.1	0.13	0.08	0.08	0.06	0.1
chr4	33397128	33397630	Rngtt	ENSMUSG00000028274	93	0.33	0.27	0.15	0.15	0.22	0.16
chr4	41678056	41678551	Arid3c	ENSMUSG00000066224	-129	0.04	0.11	0.12	0.08	0.1	0.12
chr4	57312598	57313238	Gm12536	ENSMUSG00000085654	-50	0.17	0.16	0.09	0.11	0.09	0.16
chr4	117401989	117402194	Gm12844	ENSMUSG00000084260	-187	0.56	0.8	0.67	0.52	0.71	0.94
chr4	124663504	124664392	Rspo1	ENSMUSG00000028871	274	0.11	0.1	0.09	0.11	0.08	0.14

chr4	14857461	14858115	Gm11837	ENSMUSG00000086587	-20	0.07	0.09	0.09	0.11	0.09	0.12
chr4	46051992	46052672	Tmod1	ENSMUSG00000028328	251	0.22	0.28	0.09	0.11	0.12	0.11
chr4	46502029	46502593	Nans	ENSMUSG00000028334	191	0.08	0.06	0.08	0.14	0.07	0.15
chr4	91067259	91067562	Elavl2	ENSMUSG00000008489	66	0.07	0.09	0.11	0.14	0.13	0.18
chr4	102786529	102787487	Wdr78	ENSMUSG000000035126	-179	0.15	0.13	0.13	0.14	0.12	0.16
chr4	136025614	136026668	Luzp1	ENSMUSG00000001089	465	0.23	0.1	0.11	0.12	0.2	0.12
chr4	137806081	137806719	Sh2d5	ENSMUSG000000045349	82	0.11	0.04	0.07	0.11	0.06	0.09
chr4	148681201	148682335	Kif1b	ENSMUSG000000063077	-153	0.15	0.11	0.12	0.12	0.17	0.15
chr4	151664354	151664839	Hes3	ENSMUSG000000028946	1175	0.07	0.08	0.12	0.12	0.11	0.17
chr4	5571230	5571791	Fam110b	ENSMUSG000000049119	273	0.33	0.22	0.18	0.17	0.19	0.16
chr4	133523068	133524340	Hmgn2	ENSMUSG00000003038	-546	0.33	0.21	0.12	0.2	0.24	0.11
chr4	43429061	43429281	Rusc2	ENSMUSG000000035969	-139	1	1	0.99	0.94	0.83	0.99
chr4	124428559	124429324	Gm12915	ENSMUSG000000086589	-343	0.13	0.17	0.15	0.13	0.08	0.13
chr4	151687165	151687515	Rnf207	ENSMUSG000000058498	117	0.12	0.24	0.15	0.13	0.2	0.13
chr4	101028659	101029536	E130102H24Rik	ENSMUSG000000086782	-244	0.12	0.08	0.13	0.12	0.1	0.17
chr4	101222849	101223506	Dnajc6	ENSMUSG000000028528	92	0.07	0.11	0.09	0.12	0.05	0.11
chr4	115816939	115817286	1520402A15Rik	ENSMUSG000000028701	102	0.15	0.1	0.1	0.14	0.1	0.21
chr4	124391897	124392603	Sf3a3	ENSMUSG000000028902	230	0.16	0.15	0.18	0.12	0.1	0.2
chr4	128670290	128670827	Ak2	ENSMUSG000000028792	90	0.39	0.19	0.1	0.13	0.26	0.18
chr4	138686069	138687070	Minos1	ENSMUSG000000050608	340	0.13	0.22	0.08	0.15	0.09	0.09
chr4	129985657	129986153	Fabp3	ENSMUSG000000028773	66	0.25	0.33	0.25	0.2	0.5	0.21
chr4	154865144	154866631	Gnb1	ENSMUSG000000029064	417	0.13	0.13	0.09	0.17	0.11	0.13
chr4	34561986	34562374	Orc3	ENSMUSG000000040044	-38	0.11	0.08	0.13	0.14	0.09	0.13
chr4	116667959	116668386	Hectd3	ENSMUSG000000046861	250	0.11	0.14	0.08	0.15	0.15	0.13
chr4	131700050	131700643	Oprd1	ENSMUSG000000050511	55	0.18	0.09	0.09	0.11	0.13	0.15
chr4	133807218	133808052	Grrp1	ENSMUSG000000050105	1303	0.15	0.24	0.16	0.16	0.22	0.25
chr4	141430547	141430947	Efd2	ENSMUSG000000040659	88	0.07	0.1	0.08	0.11	0.09	0.09
chr4	151307688	151308675	Dnajc11	ENSMUSG000000039768	381	0.1	0.09	0.08	0.13	0.08	0.11
chr4	104829918	104831071	Ppap2b	ENSMUSG000000028517	542	0.13	0.17	0.12	0.14	0.09	0.13
chr4	115611523	115612814	Dmbx1	ENSMUSG000000028707	363	0.33	0.15	0.11	0.14	0.18	0.17

chr4	124377723	124378242	Fhl3	ENSMUSG00000032643	37	0.14	0.19	0.11	0.15	0.07	0.13
chr4	124613744	124614405	Cdca8	ENSMUSG00000028873	-49	0.4	0.68	0.07	0.17	0.21	0.08
chr4	134707990	134709017	Runx3	ENSMUSG00000070691	92	0.1	0.1	0.1	0.14	0.08	0.14
chr4	150288357	150288842	Park7	ENSMUSG00000028964	-53	0.17	0.09	0.07	0.17	0.1	0.11
chr4	14791295	14791671	Tmem55a	ENSMUSG00000028221	260	0.17	0.17	0.12	0.12	0.08	0.09
chr4	34497683	34498655	Akirin2	ENSMUSG00000028291	-17	0.12	0.17	0.12	0.15	0.11	0.15
chr4	126286851	126287386	5730409E04Rik	ENSMUSG00000073755	56	0.11	0.07	0.1	0.23	0.07	0.1
chr4	132194742	132195263	Eya3	ENSMUSG00000028886	100	0.08	0.09	0.12	0.1	0.11	0.14
chr4	135980382	135981059	Htr1d	ENSMUSG00000070687	193	0.07	0.18	0.11	0.1	0.09	0.11
chr4	46356266	46358413	Gm12446	ENSMUSG00000087383	-1036	0.11	0.1	0.11	0.14	0.1	0.14
chr4	122563067	122563371	Cap1	ENSMUSG00000028656	-116	0.16	0.21	0.2	0.16	0.13	0.21
chr4	154334726	154335811	Hes5	ENSMUSG00000048001	236	0.09	0.16	0.08	0.16	0.07	0.11
chr4	19935413	19935934	Ttpa	ENSMUSG00000073988	169	0.1	0.14	0.13	0.15	0.13	0.1
chr4	21806747	21807275	Coq3	ENSMUSG00000028247	191	0.15	0.05	0.11	0.15	0.2	0.16
chr4	56753537	56753812	Actl7b	ENSMUSG00000070980	623	0.94	0.95	0.94	0.96	0.96	0.96
chr4	125879528	125880267	Thrap3	ENSMUSG00000043962	-277	0.09	0.17	0.09	0.14	0.07	0.12
chr4	126430204	126431356	Ncdn	ENSMUSG00000028833	-127	0.11	0.11	0.1	0.13	0.08	0.16
chr4	132439991	132440701	Stx12	ENSMUSG00000028879	78	0.19	0.1	0.13	0.16	0.15	0.16
chr4	133074854	133075484	1810019J16Rik	ENSMUSG00000037600	291	0.13	0.19	0.13	0.11	0.26	0.1
chr4	134989482	134990255	Rcan3	ENSMUSG00000059713	-130	0.08	0.07	0.09	0.1	0.06	0.12
chr4	43071726	43072387	Unc13b	ENSMUSG00000028456	231	0.14	0.14	0.08	0.16	0.17	0.15
chr4	128639250	128639606	Adc	ENSMUSG00000028789	236	0.36	1	0.13	0.21	0.12	0.19
chr4	128798188	128798889	Hpca	ENSMUSG00000028785	-348	0.16	0.12	0.1	0.18	0.12	0.15
chr4	151413344	151414134	Nol9	ENSMUSG00000028948	309	0.19	0.12	0.1	0.14	0.23	0.13
chr4	155042902	155043615	Mib2	ENSMUSG00000029060	44	0.67	0.77	0.38	0.29	1	NA
chr4	11312491	11312842	Esrp1	ENSMUSG00000040728	875	1	0.3	0.3	0.25	0.43	0.33
chr4	12067393	12068147	Rbm12b	ENSMUSG00000046667	359	0.16	0.6	0.09	0.25	0.09	0.1
chr4	46463554	46465461	Anp32b	ENSMUSG00000028333	733	0.1	0.14	0.1	0.15	0.11	0.15
chr4	109348893	109349770	Faf1	ENSMUSG00000010517	138	0.12	0.14	0.11	0.16	0.1	0.12
chr4	123341197	123342316	Macf1	ENSMUSG00000028649	239	0.26	0.24	0.13	0.19	0.28	0.13

chr4	130037124	130037668	Zcchc17	ENSMUSG00000028772	-206	0.11	0.07	0.08	0.1	0.08	0.15
chr4	138748337	138749113	Capzb	ENSMUSG00000028745	-89	0.2	0.23	0.1	0.22	0.16	0.16
chr4	140803742	140804007	Arhgef19	ENSMUSG00000028919	1563	0.1	0.1	0.11	0.18	0.08	0.16
chr4	21703331	21703859	Usp45	ENSMUSG00000040455	187	0.12	0.22	0.15	0.23	0.08	0.17
chr4	35172602	35173069	3110043O21Rik	ENSMUSG00000028300	248	0.22	0.21	0.12	0.12	0.17	0.13
chr4	62244421	62244719	Rgs3	ENSMUSG00000059810	-65	0.46	0.39	0.18	0.17	0.34	0.16
chr4	133637744	133638058	Aim1l	ENSMUSG00000012123	-326	0.1	0.12	0.08	0.22	0.17	0.13
chr4	134486750	134487384	Syf2	ENSMUSG00000028821	254	0.1	0.1	0.12	0.19	0.07	0.18
chr4	10801438	10802216	2610301B20Rik	ENSMUSG00000059482	182	0.12	0.1	0.08	0.12	0.11	0.12
chr4	102887039	102888025	Slc35d1	ENSMUSG00000028521	-255	0.12	0.12	0.07	0.12	0.11	0.11
chr4	126644780	126645521	Zmym4	ENSMUSG00000042446	-7	0.17	0.21	0.12	0.14	0.14	0.11
chr4	134479331	134480323	D4Wsu53e	ENSMUSG00000037266	320	0.17	0.14	0.08	0.15	0.15	0.14
chr4	43574929	43575656	Tln1	ENSMUSG00000028465	-263	0.18	0.08	0.12	0.17	0.14	0.13
chr4	135412772	135412992	Srsf10	ENSMUSG00000028676	835	0.1	0.2	0.11	0.17	0.14	0.17
chr4	135577060	135577880	Tceb3	ENSMUSG00000028668	208	0.14	0.23	0.1	0.14	0.11	0.14
chr4	59201939	59202815	Ugcg	ENSMUSG00000028381	248	0.19	0.09	0.12	0.15	0.16	0.11
chr4	114597626	114598695	Foxe3	ENSMUSG00000044518	497	0.16	0.17	0.12	0.17	0.14	0.19
chr4	115511638	115512030	Mknk1	ENSMUSG00000028708	31	0.2	0.37	0.14	0.17	0.29	0.27
chr4	132796893	132797416	Map3k6	ENSMUSG00000028862	421	0.1	0.09	0.09	0.14	0.13	0.19
chr4	134066851	134067211	2610002D18Rik	ENSMUSG00000078521	117	0.09	0.07	0.09	0.16	0.05	0.13
chr4	151401465	151401943	Zbtb48	ENSMUSG00000028952	42	0.11	0.15	0.12	0.16	0.18	0.12
chr4	8617150	8619384	Chd7	ENSMUSG00000041235	714	0.19	0.17	0.11	0.15	0.18	0.13
chr4	107475094	107476298	Lrp8	ENSMUSG00000028613	249	0.18	0.13	0.12	0.12	0.14	0.18
chr4	129219541	129220196	Hdac1	ENSMUSG00000028800	67	0.18	0.33	0.2	0.23	0.15	0.29
chr4	129488082	129488314	Ptp4a2	ENSMUSG00000028788	-265	0.1	0.18	0.1	0.19	0.15	0.16
chr4	147504671	147505403	2610109H07Rik	ENSMUSG00000029005	-230	0.33	0.6	0.14	0.18	0.44	0.21
chr4	33070021	33070983	Rragd	ENSMUSG00000028278	372	0.17	0.28	0.11	0.19	0.2	0.1
chr4	116493558	116494143	Hpd1	ENSMUSG00000043155	263	0.09	0.05	0.09	0.1	0.12	0.11
chr4	123019546	123020333	Bmp8a	ENSMUSG00000032726	107	0.14	0.31	0.1	0.22	0.21	0.21
chr4	129138579	129139162	Bsdc1	ENSMUSG00000040859	45	0.08	0.08	0.11	0.12	0.05	0.12

chr4	137881665	137882272	Pink1	ENSMUSG00000028756	187	0.11	0.11	0.1	0.15	0.08	0.13
chr4	139130130	139131646	Iffo2	ENSMUSG00000041025	253	0.13	0.19	0.1	0.16	0.11	0.15
chr4	20705148	20705752	Nkain3	ENSMUSG00000055761	264	0.11	0.15	0.09	0.14	0.07	0.09
chr4	124559565	124560018	Epha10	ENSMUSG00000028876	1648	0.13	0.07	0.08	0.17	0.08	0.14
chr4	154975363	154976352	Slc35e2	ENSMUSG00000042202	332	0.19	0.2	0.12	0.15	0.14	0.15
chr4	106739117	106740052	Mrpl37	ENSMUSG00000028622	-159	0.09	0.19	0.12	0.12	0.06	0.18
chr4	153673811	153674345	Arhgef16	ENSMUSG00000029032	-77	0.1	0.11	0.11	0.08	0.08	0.12
chr4	108672935	108673683	Nrd1	ENSMUSG00000053510	49	0.14	0.27	0.14	0.25	0.16	0.23
chr4	124558704	124559218	Epha10	ENSMUSG00000028876	818	0.19	0.14	0.07	0.23	0.12	0.07
chr4	127665890	127666400	Csmd2	ENSMUSG00000028804	857	0.29	0.35	0.29	1	0.13	0.18
chr4	130125496	130126122	Nkain1	ENSMUSG00000078532	104	0.16	0.17	0.09	0.16	0.14	0.16
chr4	134828098	134829143	Clic4	ENSMUSG00000037242	109	0.14	0.05	0.13	0.14	0.16	0.15
chr4	151671052	151671693	Icmt	ENSMUSG00000039662	36	0.08	0.12	0.1	0.15	0.09	0.1
chr4	24893531	24894056	Gpr63	ENSMUSG00000040372	239	0.11	0.08	0.08	0.16	0.09	0.14
chr4	34634269	34634725	Slc35a1	ENSMUSG00000028293	7	0.5	0.09	0.13	0.18	0.12	0.19
chr4	95633707	95634401	9530080O11Rik	ENSMUSG00000044125	-328	0.2	0.13	0.1	0.23	0.1	0.16
chr4	40917659	40918542	Nfx1	ENSMUSG00000028423	161	0.09	0.15	0.1	0.13	0.11	0.12
chr4	43591176	43592069	Gba2	ENSMUSG00000028467	-213	0.14	0.22	0.12	0.14	0.11	0.13
chr4	43970230	43970884	Glpr2	ENSMUSG00000028480	284	0.17	0.2	0.12	0.14	0.24	0.27
chr4	59561367	59562701	Rod1	ENSMUSG00000028382	-425	0.19	0.15	0.13	0.15	0.17	0.17
chr4	59638781	59639729	E130308A19Rik	ENSMUSG00000045071	172	0.15	0.2	0.11	0.15	0.13	0.11
chr4	137990437	137990917	Mul1	ENSMUSG00000041241	91	0.09	0.17	0.09	0.13	0.11	0.13
chr4	17780478	17780706	Mmp16	ENSMUSG00000028226	-13	0.12	0.22	0.09	0.18	0.29	0.14
chr4	101091743	101093131	Ak4	ENSMUSG00000028527	555	0.12	0.13	0.09	0.13	0.1	0.11
chr4	131977918	131978653	Phactr4	ENSMUSG00000066043	71	0.08	0.24	0.09	0.19	0.17	0.19
chr4	132833392	132833880	Tmem222	ENSMUSG00000028857	-103	0.24	0.31	0.12	0.24	0.3	0.23
chr4	151647980	151648627	Gpr153	ENSMUSG00000042804	-38	0.18	0.21	0.1	0.12	0.16	0.15
chr4	154229759	154230573	Ttc34	ENSMUSG00000046637	-143	0.24	0.12	0.14	0.16	0.3	0.19
chr4	63219475	63220029	6330416G13Rik	ENSMUSG00000045917	-63	0.11	0.09	0.08	0.09	0.09	0.09
chr4	119193681	119193923	Gm12957	ENSMUSG00000084379	207	0.89	0.86	0.83	0.92	0.83	0.92

chr4	126145647	126146092	Eif2c1	ENSMUSG00000041530	-42	0.23	0.19	0.15	0.08	0.16	0.23
chr4	131859017	131859245	Rab42-ps	ENSMUSG00000089687	169	0.35	NA	0.08	0.07	0.27	0.11
chr4	132091414	132091874	Dnajc8	ENSMUSG00000054405	179	0.16	0.16	0.12	0.13	0.14	0.1
chr4	133101574	133102081	Nudc	ENSMUSG00000028851	84	0.07	0.13	0.17	0.25	0.11	0.25
chr4	133898926	133899406	Slc30a2	ENSMUSG00000028836	70	0.12	0.07	0.09	0.18	0.1	0.12
chr4	147965283	147966169	Srm	ENSMUSG00000006442	114	0.15	0.1	0.1	0.13	0.16	0.19
chr4	6380680	6381510	Nsmf	ENSMUSG00000028245	-369	0.14	0.16	0.09	0.1	0.11	0.13
chr4	10934193	10935377	Plekhf2	ENSMUSG00000049969	38	0.14	0.11	0.08	0.15	0.1	0.13
chr4	11412872	11413475	1110037F02Rik	ENSMUSG00000040720	68	0.21	0.16	0.08	0.2	0.14	0.11
chr4	47486801	47487269	Alg2	ENSMUSG00000039740	-186	0.29	NA	0.12	NA	0.14	0.16
chr4	53024675	53025203	Nipsnap3b	ENSMUSG00000015247	187	0.07	0.1	0.09	0.09	0.06	0.18
chr4	130218992	130219911	Pum1	ENSMUSG00000028580	215	0.21	0.13	0.16	0.19	0.24	0.15
chr4	137548879	137549644	Eif4g3	ENSMUSG00000028760	324	0.24	0.31	0.12	0.17	0.2	0.19
chr4	32702142	32702751	Casp8ap2	ENSMUSG00000028282	20	0.33	1	0.16	0.23	0.09	0.11
chr4	47104783	47105305	Galnt12	ENSMUSG00000039774	249	0.18	0.59	0.15	0.22	0.21	0.2
chr4	49533902	49534151	Mrpl50	ENSMUSG00000044018	-61	0.5	1	0.11	0.22	0.14	0.16
chr4	98589503	98591235	Usp1	ENSMUSG00000028560	-132	0.16	0.11	0.13	0.11	0.15	0.11
chr4	135429426	135430052	Pnrc2	ENSMUSG00000028675	-254	1	0.26	0.18	0.27	0.31	0.26
chr4	46662596	46663582	Tbc1d2	ENSMUSG00000039813	-8	0.19	0.32	0.17	0.2	0.24	0.14
chr4	59015749	59016445	Dnajc25	ENSMUSG00000070972	53	0.45	0.09	0.18	0.21	0.37	0.35
chr4	111392536	111392914	Spata6	ENSMUSG00000034401	136	0.15	0.18	0.11	0.28	0.1	0.18
chr4	155144211	155144900	Gm17585	ENSMUSG00000090418	477	0.1	0.15	0.15	0.17	0.12	0.16
chr4	134908291	134909622	Srrm1	ENSMUSG00000028809	93	0.16	0.16	0.12	0.16	0.17	0.15
chr4	151656968	151657729	Gpr153	ENSMUSG00000042804	869	0.09	0.11	0.13	0.2	0.1	0.16
chr4	11083285	11083909	Trp53inp1	ENSMUSG00000028211	19	0.1	0.22	0.1	0.19	0.08	0.13
chr4	25208652	25209075	1810074P20Rik	ENSMUSG00000040359	32	0.23	0.14	0.12	0.21	0.15	0.19
chr4	48597742	48598796	Tmeff1	ENSMUSG00000028347	223	0.15	0.14	0.07	0.13	0.13	0.11
chr4	116393360	116393914	Tesk2	ENSMUSG00000033985	84	0.09	0.05	0.14	0.14	0.12	0.11
chr4	117507944	117509338	Slc6a9	ENSMUSG00000028542	639	0.09	0.07	0.12	0.12	0.1	0.11
chr4	129724792	129725159	Gm12963	ENSMUSG00000085517	43	0.5	0.38	0.14	0.14	0.1	0.18

chr4	133130619	133131155	Gpatch3	ENSMUSG00000028850	227	0.2	0.44	0.16	0.19	0.24	0.18
chr4	126354796	126355142	Psmb2	ENSMUSG00000028837	95	0.17	0.06	0.12	0.18	0.12	0.23
chr4	148478171	148478525	Dffa	ENSMUSG00000028974	93	0.15	0.42	0.11	0.08	0.1	0.14
chr4	94645394	94646080	Mysm1	ENSMUSG00000062627	-4	0.17	0.11	0.12	0.16	0.13	0.09
chr4	122860552	122860911	Hpcal4	ENSMUSG00000046093	-11	0.25	0.27	0.12	0.11	0.07	0.11
chr4	131885253	131885745	Trnau1ap	ENSMUSG00000028898	-195	0.15	0.11	0.13	0.11	0.11	0.17
chr4	70195285	70196442	Megf9	ENSMUSG00000039270	99	0.1	0.13	0.12	0.13	0.09	0.14
chr4	125724159	125724454	Mrps15	ENSMUSG00000028861	137	0.2	0.09	0.09	0.13	0.11	0.08
chr4	132768262	132768666	Gpr3	ENSMUSG00000049649	-13	0.28	0.37	0.17	0.48	0.23	0.21
chr4	137818046	137818691	Kif17	ENSMUSG00000028758	221	0.1	0.17	0.11	0.12	0.07	0.14
chr4	138469337	138469939	Otud3	ENSMUSG00000041161	222	0.1	0.08	0.09	0.11	0.09	0.09
chr4	154416893	154417598	Plch2	ENSMUSG00000029055	18	0.12	NA	0.18	0.24	0.21	0.22
chr4	85160090	85160442	Gm12680	ENSMUSG00000087349	35	0.25	0.5	0.06	0.16	0.14	0.14
chr4	102432674	102432926	Sgip1	ENSMUSG00000028524	60	0.2	0.16	0.25	0.14	0.09	0.12
chr4	142801777	142802817	Prdm2	ENSMUSG00000057637	311	0.21	0.35	0.12	0.16	0.19	0.16
chr4	150418418	150419168	Per3	ENSMUSG00000028957	-19	0.26	0.49	0.12	0.19	0.22	0.11
chr4	155186265	155187145	Ccnl2	ENSMUSG00000029068	107	0.12	0.17	0.09	0.14	0.14	0.16
chr4	46548709	46548948	Gm16731	ENSMUSG00000085990	55	0.11	0.14	0.09	0.19	0.08	0.11
chr4	114515785	114516327	U1	ENSMUSG00000087923	1666	0.2	0.11	0.06	0.17	0.16	0.17
chr4	155317884	155318586	Ube2j2	ENSMUSG00000023286	295	0.09	0.19	0.12	0.18	0.12	0.13
chr4	116782000	116782216	Ptch2	ENSMUSG00000028681	-732	1	0.88	0.51	0.63	0.8	0.86
chr4	129277570	129278431	Eif3i	ENSMUSG00000028798	-157	0.42	0.59	0.24	0.23	0.48	0.15
chr4	43512372	43512725	E130306D19Rik	ENSMUSG00000051517	-68	0.06	0.33	0.12	0.11	0.13	0.15
chr4	40215324	40215733	2010003O02Rik	ENSMUSG00000028407	-1074	0.11	0.17	0.08	0.14	0.2	0.14
chr4	52451770	52452322	2700081L22Rik	ENSMUSG00000085763	-209	0.14	0.43	0.14	0.35	0.1	0.17
chr4	83171042	83171527	4930473A06Rik	ENSMUSG00000052407	-165	0.25	0.24	0.1	0.18	0.09	0.13
chr4	118867890	118868239	Ccdc23	ENSMUSG00000028643	153	0.13	0.1	0.09	0.17	0.07	0.13
chr4	45354861	45355669	Dcaf10	ENSMUSG00000035572	292	0.11	0.14	0.11	0.15	0.1	0.11
chr4	46208715	46209271	Xpa	ENSMUSG00000028329	183	0.19	0.18	0.09	0.14	0.13	0.1
chr4	48137720	48138212	Stx17	ENSMUSG00000061455	179	0.1	0.13	0.11	0.15	0.14	0.1

chr4	40650085	40650404	Aptx	ENSMUSG00000028411	-49	0.25	0.09	0.11	0.19	0.09	0.12
chr4	154623902	154624395	2610002J02Rik	ENSMUSG00000073684	237	1	0.37	0.17	0.85	0.65	0.58
chr4	33117803	33118934	4933421O10Rik	ENSMUSG00000085037	-70	0.14	0.13	0.08	0.12	0.15	0.12
chr4	108551625	108551991	Rab3b	ENSMUSG00000003411	140	0.11	0.08	0.09	0.24	0.06	0.18
chr4	151851448	151852443	Kcnab2	ENSMUSG00000028931	-403	0.12	0.13	0.1	0.19	0.11	0.13
chr4	19635718	19636443	Wwp1	ENSMUSG00000041058	60	0.12	0.1	0.1	0.16	0.13	0.18
chr4	41045061	41045339	Aqp3	ENSMUSG00000028435	16	0.1	0.08	0.07	0.13	0.08	0.15
chr4	148274433	148275874	Casz1	ENSMUSG00000028977	-105	0.09	0.11	0.13	0.14	0.1	0.17
chr4	44180242	44181373	Rnf38	ENSMUSG00000035696	-443	0.1	0.17	0.16	0.17	0.09	0.17
chr4	155027066	155027573	Mmp23	ENSMUSG00000029061	-3	0.18	0.18	0.08	0.26	0.13	0.14
chr4	21654702	21654985	Ccnc	ENSMUSG00000028252	-5	0.1	0.28	0.2	0.18	0.18	0.25
chr4	63205805	63206399	Atp6v1g1	ENSMUSG00000039105	296	0.09	0.09	0.07	0.09	0.07	0.23
chr4	87740400	87740973	BC057079	ENSMUSG00000038368	153	0.22	0.26	0.09	0.12	0.13	0.24
chr4	99382042	99382582	Alg6	ENSMUSG00000073792	-43	0.12	0.22	0.17	0.14	0.15	0.13
chr4	126698555	126699748	Sfpq	ENSMUSG00000028820	583	0.21	0.3	0.11	0.13	0.19	0.13
chr4	129296137	129296461	Iqcc	ENSMUSG00000040795	21	0.24	0.08	0.11	0.11	0.19	0.09
chr4	147525695	147526093	Fbxo6	ENSMUSG00000055401	-139	0.07	0.08	0.1	0.13	0.09	0.14
chr4	61947325	61947753	Slc31a2	ENSMUSG00000066152	56	0.1	0.34	0.11	0.11	0.09	0.11
chr4	147442408	147442631	Gm13202	ENSMUSG00000081726	82	0.27	1	0.37	0.41	0.32	0.56
chr4	24423348	24424027	Mms22l	ENSMUSG00000045751	89	0.13	0.1	0.09	0.2	0.14	0.11
chr4	34829575	34830399	Zfp292	ENSMUSG00000039967	192	0.16	0.19	0.09	0.13	0.18	0.12
chr4	43888223	43888738	Reck	ENSMUSG00000028476	78	0.14	0.13	0.12	0.15	0.15	0.12
chr4	141092176	141094777	Spn	ENSMUSG00000040761	692	0.12	0.13	0.12	0.15	0.13	0.15
chr4	155483940	155484493	9430015G10Rik	ENSMUSG00000059939	125	0.25	1	0.26	NA	0.5	0.34
chr4	91041338	91041814	Elavl2	ENSMUSG00000008489	1422	0.24	0.24	0.14	0.29	0.19	0.2
chr4	115689872	115690595	Faah	ENSMUSG00000034171	47	0.2	0.13	0.14	0.17	0.19	0.13
chr4	116961592	116962077	Rnf220	ENSMUSG00000028677	-118	0.12	0.14	0.1	0.13	0.12	0.13
chr4	120712214	120712421	Col9a2	ENSMUSG00000028626	-36	0.25	0.05	0.34	0.5	0.1	0.16
chr4	153544864	153545307	Megf6	ENSMUSG00000057751	246	0.38	NA	0.12	0.21	1	0.11
chr4	6292677	6293084	Sdcbp	ENSMUSG00000028249	83	0.14	0.4	0.15	0.12	0.19	0.13

chr4	48060061	48060449	Nr4a3	ENSMUSG00000028341	-1731	0.25	0.13	0.11	0.17	0.11	0.16
chr4	57002922	57003172	6430704M03Rik	ENSMUSG00000045589	-39	0.05	0.1	0.06	0.08	0.08	0.26
chr4	73436458	73437046	Rasef	ENSMUSG00000043003	-246	0.1	0.07	0.12	0.18	0.11	0.15
chr4	107552264	107552735	Magoh	ENSMUSG00000028609	139	0.5	0.33	0.2	0.24	0.14	0.07
chr4	135129212	135129516	Grhl3	ENSMUSG00000037188	181	0.33	0.12	0.1	0.15	0.14	0.12
chr4	141000510	141001239	Zbtb17	ENSMUSG00000006215	305	0.13	0.09	0.09	0.15	0.14	0.13
chr4	147278574	147279097	Mfn2	ENSMUSG00000029020	-68	0.28	0.31	0.09	0.14	0.26	0.14
chr4	3501731	3502289	Tmem68	ENSMUSG00000028232	-59	0.14	0.13	0.11	0.21	0.14	0.15
chr4	107973388	107973689	Zyg11b	ENSMUSG00000034636	157	0.08	0.07	0.07	0.16	0.09	0.14
chr4	124707119	124707519	Gnl2	ENSMUSG00000028869	83	0.09	0.11	0.12	0.21	0.08	0.15
chr4	131901008	131901715	Rcc1	ENSMUSG00000028896	-89	0.23	0.24	0.08	0.19	0.25	0.14
chr4	134470594	134471001	Tmem50a	ENSMUSG00000028822	133	0.12	0.12	0.12	0.13	0.1	0.15
chr4	11486013	11486331	Rad54b	ENSMUSG00000078773	76	0.09	0.12	0.07	0.12	0.06	0.12
chr4	149328260	149329194	Spsb1	ENSMUSG00000039911	413	0.12	0.07	0.09	0.18	0.11	0.1
chr4	153385793	153386625	Lrrc47	ENSMUSG00000029028	369	0.1	0.2	0.12	0.11	0.1	0.11
chr4	41720026	41720672	Ccl27a	ENSMUSG00000073888	61	0.3	0.09	0.09	0.7	0.39	0.18
chr4	58218714	58219371	Svep1	ENSMUSG00000028369	426	0.19	0.11	0.09	0.12	0.16	0.1
chr4	108078897	108079417	Gpx7	ENSMUSG00000028597	158	0.2	NA	0.15	0.39	0.15	0.1
chr4	153516344	153516665	Wdr8	ENSMUSG00000029029	23	0.09	0.19	0.07	0.14	0.06	0.1
chr4	155243395	155244162	Gltpd1	ENSMUSG00000029073	-307	0.2	0.1	0.09	0.19	0.14	0.11
chr4	83131562	83132721	Psip1	ENSMUSG00000028484	-59	0.1	0.07	0.11	0.11	0.11	0.11
chr4	114078905	114079531	Gm12824	ENSMUSG00000070867	-111	0.1	0.24	0.12	0.16	0.11	0.15
chr4	144836303	144836724	Tnfrsf1b	ENSMUSG00000028599	260	0.31	0.19	0.16	0.19	0.26	0.28
chr4	62021235	62021820	Fkbp15	ENSMUSG00000066151	-24	0.38	0.17	0.15	0.15	0.46	0.15
chr4	62141019	62141507	Bspry	ENSMUSG00000028392	178	0.1	0.09	0.12	0.13	0.1	0.18
chr4	124762247	124762963	Meaf6	ENSMUSG00000028863	227	0.07	0.07	0.07	0.15	0.08	0.14
chr4	148265087	148265611	Casz1	ENSMUSG00000028977	1859	0.24	0.34	0.14	0.18	0.25	0.26
chr4	129190759	129191806	Marcks1	ENSMUSG00000047945	457	0.29	0.32	0.17	0.17	0.24	0.15
chr4	57446759	57447600	Palm2	ENSMUSG00000090053	60	0.08	0.29	0.12	0.12	0.11	0.17
chr4	108251843	108252416	Prpf38a	ENSMUSG00000063800	-188	0.22	0.17	0.11	0.14	0.23	0.16

chr4	129168423	129169126	1700125D06Rik	ENSMUSG00000078554	340	0.14	0.19	0.16	0.18	0.14	0.2
chr4	137263263	137263567	Rap1gap	ENSMUSG00000041351	-22	0.17	0.07	0.11	0.09	0.08	0.13
chr4	137351781	137352398	Alpl	ENSMUSG00000028766	56	0.14	0.21	0.09	0.13	0.1	0.17
chr4	8165955	8166258	Car8	ENSMUSG00000041261	82	0.11	0.38	0.07	0.19	0.08	0.15
chr4	8462617	8463472	Rab2a	ENSMUSG00000047187	253	0.26	0.25	0.13	0.25	0.25	0.12
chr4	12833985	12834385	Gm11818	ENSMUSG00000055963	200	0.33	NA	0.08	0.19	0.27	0.21
chr4	21858216	21858750	6230409E13Rik	ENSMUSG00000028246	7	0.19	0.19	0.12	0.17	0.18	0.2
chr4	22284688	22285092	Fbxl4	ENSMUSG00000040410	200	0.18	0.17	0.09	0.13	0.17	0.17
chr4	23446262	23446481	Gm11889	ENSMUSG00000082876	-784	0.93	0.97	0.92	0.88	0.92	0.92
chr4	25726735	25726961	Fut9	ENSMUSG00000055373	154	0.11	0.12	0.16	0.09	0.13	0.14
chr4	26273556	26274136	Manea	ENSMUSG00000040520	155	0.24	0.12	0.08	0.15	0.23	0.1
chr4	32050361	32051413	Map3k7	ENSMUSG00000028284	-185	0.15	0.16	0.17	0.18	0.15	0.19
chr4	33334457	33335721	Pnrc1	ENSMUSG00000040128	-539	0.15	0.28	0.1	0.18	0.16	0.14
chr4	35104287	35104747	Mob3b	ENSMUSG00000073910	216	0.12	0.37	0.22	0.28	0.07	0.28
chr4	36897351	36897680	Lingo2	ENSMUSG00000045083	-15	0.13	0.16	0.09	0.16	0.13	0.12
chr4	40216550	40216923	2010003O02Rik	ENSMUSG00000028407	134	1	0.52	1	0.43	1	0.62
chr4	41454050	41454359	1110017D15Rik	ENSMUSG00000028441	583	0.08	0.11	0.11	0.12	0.08	0.12
chr4	43536144	43537415	Tpm2	ENSMUSG00000028464	-519	0.15	0.17	0.14	0.18	0.13	0.19
chr4	43668972	43669407	Hint2	ENSMUSG00000028470	126	0.11	0.12	0.11	0.16	0.11	0.15
chr4	43682094	43682356	Tmem8b	ENSMUSG00000078716	66	0.11	0.15	0.07	0.11	0.11	0.2
chr4	45024613	45025295	Zbtb5	ENSMUSG00000049657	63	0.15	0.2	0.11	0.12	0.15	0.12
chr4	45333058	45333515	Exosc3	ENSMUSG00000028322	-78	0.08	0.06	0.07	0.15	0.07	0.16
chr4	45839229	45839721	Igfbpl1	ENSMUSG00000035551	320	0.06	0.1	0.05	0.1	0.05	0.08
chr4	47221120	47221691	Gm12426	ENSMUSG00000087500	-74	0.17	0.2	0.1	0.17	0.21	0.09
chr4	53792488	53792746	Tal2	ENSMUSG00000028417	40	0.07	0.05	0.07	0.2	0.1	0.12
chr4	54957909	54958311	Zfp462	ENSMUSG00000060206	190	0.5	0.5	0.24	0.18	0.37	0.3
chr4	55362489	55363648	Rad23b	ENSMUSG00000028426	153	0.13	0.16	0.08	0.16	0.13	0.13
chr4	56877471	56878386	Cttnal1	ENSMUSG00000038816	98	0.14	0.13	0.11	0.12	0.13	0.09
chr4	57154777	57155018	Epb4.114b	ENSMUSG00000028434	1412	0.24	0.35	0.17	0.39	0.25	0.15
chr4	57580711	57581159	Palm2	ENSMUSG00000090053	-96	0.1	0.1	0.33	0.17	0.09	0.13

chr4	59796282	59796913	1110054O05Rik	ENSMUSG00000038544	83	0.08	0.07	0.1	0.12	0.09	0.11
chr4	62131787	62132050	Wdr31	ENSMUSG00000028391	-10	0.5	NA	0.17	0.68	0.47	0.21
chr4	62163066	62163345	Hdhd3	ENSMUSG00000038422	105	0.06	0.07	0.09	0.17	0.06	0.12
chr4	66063822	66064095	Astn2	ENSMUSG00000028373	1542	0.17	0.14	0.11	0.14	0.08	0.25
chr4	73659465	73659866	Frmd3	ENSMUSG00000049122	317	0.08	0.08	0.07	0.17	0.08	0.15
chr4	82152614	82152845	Nfib	ENSMUSG00000008575	-1046	0.06	0.09	0.14	0.23	0.06	0.22
chr4	83063426	83064068	Snopc3	ENSMUSG00000028483	119	0.08	0.1	0.09	0.15	0.09	0.12
chr4	88409267	88409784	Gm13284	ENSMUSG000000082789	-88	0.18	0.13	0.11	0.11	0.15	0.14
chr4	97438737	97439102	Nfia	ENSMUSG00000028565	-506	0.11	0.26	0.09	0.23	0.14	0.11
chr4	98062360	98062905	Inadl	ENSMUSG000000061859	156	0.27	0.75	0.15	0.29	0.3	0.17
chr4	99495772	99496206	Itgb3bp	ENSMUSG00000028549	-208	0.09	0.17	0.11	0.22	0.06	0.15
chr4	102431917	102432159	Sgip1	ENSMUSG00000028524	211	1	NA	NA	NA	1	NA
chr4	107562292	107562822	0610037L13Rik	ENSMUSG00000028608	139	0.08	0.06	0.08	0.18	0.12	0.13
chr4	107595974	107596309	Cpt2	ENSMUSG00000028607	-89	0.06	0.15	0.1	0.14	0.06	0.13
chr4	107838000	107838230	Echdc2	ENSMUSG00000028601	73	0.12	0.17	0.23	0.15	0.09	0.14
chr4	108055810	108056302	Fam159a	ENSMUSG00000059816	-102	0.11	0.16	0.07	0.11	0.11	0.17
chr4	108520427	108521266	Kti12	ENSMUSG00000073775	384	0.09	0.09	0.11	0.14	0.08	0.18
chr4	108874439	108874945	Osbp19	ENSMUSG00000028559	130	0.11	0.04	0.12	0.13	0.1	0.09
chr4	115410167	115410680	4732418C07Rik	ENSMUSG00000034210	74	0.11	0.11	0.08	0.11	0.12	0.3
chr4	115500541	115501060	Mob3c	ENSMUSG00000028709	103	0.15	0.22	0.1	0.19	0.14	0.1
chr4	116180033	116180573	Ipp	ENSMUSG00000028696	149	0.41	0.33	0.1	0.15	0.41	0.12
chr4	116768463	116768942	Ptch2	ENSMUSG00000028681	22	0.11	NA	0.18	0.11	0.08	0.16
chr4	116924462	116924893	Gm1661	ENSMUSG00000060268	-155	0.2	0.44	0.08	0.25	0.1	0.13
chr4	118293345	118293887	Wdr65	ENSMUSG00000028730	-234	0.11	0.08	0.14	0.24	0.05	0.17
chr4	118904972	118906069	AU022252	ENSMUSG00000078584	-237	0.17	0.38	0.13	0.22	0.15	0.16
chr4	118992787	118993198	Ppih	ENSMUSG00000060288	30	0.18	0.18	0.12	0.12	0.11	0.18
chr4	120689414	120690008	Smap2	ENSMUSG00000032870	141	0.2	0.3	0.12	0.13	0.15	0.14
chr4	122693767	122694135	Trit1	ENSMUSG00000028653	111	0.1	0.17	0.2	0.21	0.12	0.22
chr4	122959850	122961006	Pabpc4	ENSMUSG00000011257	360	0.15	0.34	0.08	0.13	0.15	0.13
chr4	123395392	123395628	Ndufs5	ENSMUSG00000028648	-86	0.18	0.12	0.11	0.12	0.22	0.16

chr4	125963846	125964360	Col8a2	ENSMUSG00000056174	66	0.16	0.34	0.15	0.18	0.15	0.21
chr4	125978283	125978793	Col8a2	ENSMUSG00000056174	764	0.15	0.19	0.1	0.13	0.16	0.15
chr4	126233943	126234666	Clspn	ENSMUSG00000042489	125	0.25	0.45	0.13	0.18	0.14	0.15
chr4	128866114	128867437	S100ppb	ENSMUSG00000040928	-33	0.09	0.06	0.07	0.08	0.09	0.15
chr4	128916069	128916376	C77080	ENSMUSG00000050390	196	0.11	0.13	0.13	0.25	0.09	0.14
chr4	129349536	129350070	Kpna6	ENSMUSG00000003731	-31	0.1	0.1	0.1	0.21	0.12	0.13
chr4	129952134	129952889	Serinc2	ENSMUSG00000023232	-49	1	0.59	0.14	0.21	0.92	0.18
chr4	131399301	131399783	Mecr	ENSMUSG00000028910	157	0.25	0.32	0.11	0.24	0.26	0.14
chr4	131909324	131909640	Rcc1	ENSMUSG00000028896	38	0.25	0.38	0.11	0.33	0.17	0.12
chr4	132019647	132019949	Med18	ENSMUSG00000066042	38	0.5	0.11	0.18	0.36	0.32	0.31
chr4	132352189	132352392	BC013712	ENSMUSG00000037731	12	0.11	0.07	0.09	0.14	0.09	0.14
chr4	132776690	132776940	Cd164l2	ENSMUSG00000028865	90	0.42	0.73	0.15	0.26	0.45	0.22
chr4	132806725	132807061	Map3k6	ENSMUSG00000028862	129	0.16	0.12	0.18	0.25	0.15	0.16
chr4	133157241	133157601	Sfn	ENSMUSG00000047281	662	0.75	0.83	0.69	NA	0.77	0.66
chr4	133443487	133443950	Rps6ka1	ENSMUSG00000003644	-229	0.13	0.17	0.11	0.16	0.15	0.1
chr4	133684450	133684778	Sh3bgrl3	ENSMUSG00000028843	38	0.58	0.64	0.11	0.17	0.56	0.14
chr4	135803836	135804621	Tcea3	ENSMUSG0000001604	361	0.12	0.07	0.08	0.12	0.12	0.17
chr4	136390837	136392300	Ephb2	ENSMUSG00000028664	190	0.17	0.11	0.09	0.16	0.17	0.15
chr4	137220525	137220874	Rap1gap	ENSMUSG00000041351	58	0.18	0.2	0.13	0.14	0.19	0.17
chr4	137860569	137861203	Ddost	ENSMUSG00000028757	241	0.09	0.1	0.11	0.12	0.08	0.16
chr4	140517136	140517584	Sdhb	ENSMUSG00000009863	44	0.09	0.15	0.12	0.14	0.09	0.14
chr4	141278689	141279452	Ddi2	ENSMUSG000000078515	264	0.09	0.18	0.11	0.12	0.09	0.16
chr4	142979277	142979526	Anp32b-ps1	ENSMUSG00000081792	80	0.07	0.05	0.08	0.12	0.08	0.12
chr4	146206650	146207488	Gm13169	ENSMUSG00000084127	-286	0.67	0.69	0.62	1	1	0.83
chr4	147310573	147310919	Plod1	ENSMUSG00000019055	71	0.14	0.1	0.09	0.08	0.12	0.14
chr4	147533744	147534900	Fbxo44	ENSMUSG00000029001	-564	0.09	0.07	0.1	0.17	0.09	0.15
chr4	147661564	147662366	Ptchd2	ENSMUSG00000041544	109	0.25	0.47	0.16	0.14	0.19	0.09
chr4	147822306	147822977	Mtor	ENSMUSG00000028991	-79	0.19	0.26	0.14	0.21	0.15	0.16
chr4	148540364	148541088	Pgd	ENSMUSG00000028961	43	0.13	0.1	0.11	0.16	0.12	0.17
chr4	149111775	149112349	Tmem201	ENSMUSG00000044700	-183	0.07	0.06	0.09	0.12	0.07	0.12

chr4	149382688	149383236	H6pd	ENSMUSG00000028980	170	0.08	0.07	0.13	0.09	0.09	0.1
chr4	149655229	149655828	Rere	ENSMUSG00000039852	-227	0.5	0.17	0.13	0.25	0.2	0.2
chr4	151489960	151490387	Tnfrsf25	ENSMUSG00000024793	130	0.14	0.11	0.11	0.27	0.14	0.18
chr4	151533803	151534616	Hes2	ENSMUSG00000028940	551	0.23	0.45	0.2	0.35	0.23	0.24
chr4	153515582	153515838	Wdr8	ENSMUSG00000029029	-771	0.12	1	0.29	0.27	0.17	0.09
chr4	153534439	153535203	Tprgl	ENSMUSG00000029030	-106	0.13	0.24	0.11	0.18	0.14	0.18
chr4	154595647	154597369	Ski	ENSMUSG00000029050	121	0.25	0.24	0.13	0.15	0.24	0.14
chr4	155028836	155029068	Mmp23	ENSMUSG00000029061	-1459	0.16	NA	0.19	0.25	0.11	0.19
chr4	155588407	155588684	2310042D19Rik	ENSMUSG00000078486	-1491	1	0.92	0.92	0.86	1	0.88
chr4	4065571	4066132	Penk	ENSMUSG00000045573	-227	0.25	0.2	0.12	0.17	NA	0.1
chr4	12014872	12015077	Tmem67	ENSMUSG00000049488	100	0.09	NA	0.14	0.3	NA	0.16
chr4	12016435	12017269	C430048L16Rik	ENSMUSG00000052137	266	NA	NA	0.08	0.17	NA	0.22
chr4	15076039	15076276	Necab1	ENSMUSG00000040536	-49	NA	NA	0.14	0.38	0.25	0.1
chr4	19502130	19502597	Fam82b	ENSMUSG00000028229	54	NA	0.16	0.12	0.21	0.06	0.15
chr4	21612723	21613003	Prdm13	ENSMUSG00000040478	65	NA	0.67	0.14	0.67	NA	0.32
chr4	32886945	32887474	Lym2	ENSMUSG00000045854	-19	1	NA	NA	0.12	NA	0.1
chr4	41222058	41222798	Ubap2	ENSMUSG00000028433	-279	NA	NA	0.14	NA	0.2	0.43
chr4	41642136	41643079	Cntfr	ENSMUSG00000028444	-133	NA	1	0.08	0.35	NA	0.07
chr4	41687597	41688275	Sigmar1	ENSMUSG00000036078	-15	1	0.33	0.28	1	NA	0.23
chr4	41702297	41702744	Galt	ENSMUSG00000036073	-111	NA	1	0.67	NA	NA	0.25
chr4	43023075	43023438	Fancg	ENSMUSG00000028453	-162	NA	0.09	0.09	0.17	0.5	0.19
chr4	43043765	43044423	Gm17599	ENSMUSG00000091065	223	NA	0.25	0.11	NA	NA	0.14
chr4	44723510	44724010	Pax5	ENSMUSG00000014030	-203	NA	NA	1	NA	NA	1
chr4	45031437	45031815	Polr1e	ENSMUSG00000028318	171	NA	0.54	0.09	0.21	0.32	0.19
chr4	45811880	45812145	Aldh1b1	ENSMUSG00000035561	118	NA	0.12	0.1	0.15	0.12	0.12
chr4	49072094	49072799	E130309F12Rik	ENSMUSG00000063446	301	NA	0.75	0.14	0.14	1	0.16
chr4	58956399	58956690	Zkscan16	ENSMUSG00000038630	44	NA	NA	0.33	NA	NA	0.33
chr4	62185729	62186607	Pole3	ENSMUSG00000028394	-96	NA	0.5	0.12	0.15	0.11	0.17
chr4	65265921	65266241	Trim32	ENSMUSG00000051675	61	NA	NA	NA	NA	0.25	NA
chr4	69910218	69910473	Gm11226	ENSMUSG00000080902	62	1	NA	1	NA	NA	1

chr4	86257395	86257983	Haus6	ENSMUSG00000038047	234	NA	0.4	0.23	0.18	0.12	0.29
chr4	88406354	88406571	Gm13283	ENSMUSG00000078642	439	NA	0.5	0.15	0.64	NA	0.16
chr4	88428366	88428677	Ifnz	ENSMUSG00000073810	486	0.1	0.07	0.17	0.05	NA	0.19
chr4	88440067	88440378	Gm17476	ENSMUSG00000090834	73	NA	NA	0.12	NA	NA	1
chr4	88445900	88446211	Gm17612	ENSMUSG00000091535	73	NA	NA	NA	1	NA	NA
chr4	88451766	88452077	Gm13288	ENSMUSG00000070908	486	NA	0.63	0.08	0.05	NA	0.06
chr4	94281089	94281331	lft74	ENSMUSG00000028576	28	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr4	101389950	101390222	Lepr	ENSMUSG00000057722	77	1	NA	0.12	NA	NA	0.12
chr4	103292211	103292727	Dab1	ENSMUSG00000028519	199	NA	0.2	0.08	0.17	0.18	0.12
chr4	104782559	104782760	Prkaa2	ENSMUSG00000028518	-164	NA	0.23	0.08	0.75	1	NA
chr4	107693786	107694004	Podn	ENSMUSG00000028600	236	1	1	0.62	NA	NA	0.92
chr4	107790887	107791224	Scp2	ENSMUSG00000028603	-55	NA	NA	0.17	0.24	0.33	0.09
chr4	108000650	108001061	2010305A19Rik	ENSMUSG00000048351	110	NA	NA	0.07	0.2	NA	0.08
chr4	108133255	108133461	Zcchc11	ENSMUSG00000034610	743	NA	0.33	0.13	0.17	NA	0.18
chr4	108790420	108790774	Osbp19	ENSMUSG00000028559	30	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr4	112651955	112652447	Gm12818	ENSMUSG00000082678	217	NA	NA	0.51	0.61	NA	0.33
chr4	114574658	114574951	9130410C08Rik	ENSMUSG00000085323	660	NA	0.11	0.14	0.18	0.09	0.29
chr4	114672556	114673014	Stil	ENSMUSG00000028718	62	NA	NA	NA	NA	NA	0.32
chr4	115563105	115563480	6430628N08Rik	ENSMUSG00000034185	21	NA	0.08	0.11	0.11	0.08	0.12
chr4	115726304	115726564	Nsun4	ENSMUSG00000028706	47	NA	NA	0.13	0.25	NA	0.06
chr4	116497291	116497558	Gm12996	ENSMUSG00000086417	-84	NA	0.13	0.19	0.31	0.17	0.24
chr4	117602017	117602420	Artn	ENSMUSG00000028539	-200	NA	1	0.13	0.08	0.47	0.13
chr4	117884647	117884852	Ptprf	ENSMUSG00000033295	-1403	NA	NA	0.93	NA	1	NA
chr4	118032561	118032894	Hyi	ENSMUSG00000006395	132	0.03	0.15	0.07	0.13	NA	0.08
chr4	118846569	118846860	Zfp691	ENSMUSG00000045268	86	NA	NA	0.12	0.09	NA	0.19
chr4	119487419	119487650	Hivep3	ENSMUSG00000028634	201	1	NA	NA	1	NA	0.17
chr4	120527323	120527899	Rims3	ENSMUSG00000032890	190	NA	0.37	0.08	0.19	0.08	0.1
chr4	122638120	122638564	Mfsd2a	ENSMUSG00000028655	53	NA	1	0.12	0.21	0.14	0.23
chr4	124370604	124370847	Utp11l	ENSMUSG00000028907	53	NA	0.6	0.1	0.09	0.06	0.14
chr4	124562794	124563387	Epha10	ENSMUSG00000028876	47	NA	NA	NA	1	NA	NA

chr4	125773780	125774090	Lsm10	ENSMUSG00000050188	68	NA	0.04	0.3	0.12	0.4	0.22
chr4	125932595	125932803	Mtap7d1	ENSMUSG00000028849	822	NA	NA	0.12	0.2	NA	0.25
chr4	125998385	125998850	Adprh2	ENSMUSG00000042558	-12	NA	NA	0.5	NA	NA	NA
chr4	126738243	126738490	Zmym1	ENSMUSG00000043872	-62	NA	NA	1	NA	NA	0.5
chr4	126754279	126754822	Zmym6	ENSMUSG00000042408	-77	NA	0.17	0.18	0.22	0.25	0.27
chr4	126921071	126921349	BC003266	ENSMUSG00000042380	182	NA	0.42	NA	NA	0.19	0.11
chr4	126991066	126991278	Gja4	ENSMUSG00000050234	111	NA	NA	0.14	0.21	0.17	0.15
chr4	129054290	129054560	Zbtb8a	ENSMUSG00000028807	935	NA	NA	0.12	0.04	0.11	NA
chr4	129055034	129055285	Zbtb8a	ENSMUSG00000028807	201	NA	NA	0.11	NA	NA	0.16
chr4	129317776	129318439	Txlna	ENSMUSG00000053841	-223	NA	1	0.24	0.2	NA	0.19
chr4	129785052	129785308	Pef1	ENSMUSG00000028779	380	0.07	NA	0.09	0.12	NA	0.18
chr4	129985032	129985308	Fabp3	ENSMUSG00000028773	-669	NA	NA	1	0.67	NA	0.38
chr4	131375384	131375593	Ptpru	ENSMUSG00000028909	1943	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr4	131864513	131864823	Snhg12	ENSMUSG00000086290	75	1	NA	0.25	1	NA	0.25
chr4	132089210	132089606	Atpif1	ENSMUSG00000054428	-5	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr4	132324236	132324765	Rpa2	ENSMUSG00000028884	253	NA	0.17	0.1	0.17	0.14	0.22
chr4	133556740	133557057	Dhdds	ENSMUSG00000012117	-112	NA	1	0.09	0.27	NA	0.1
chr4	133658491	133658826	Ubxn11	ENSMUSG00000012126	160	1	NA	0.5	0.33	NA	0.36
chr4	133742386	133743280	Ccdc21	ENSMUSG00000037443	63	NA	NA	0.08	0.2	NA	0.26
chr4	135519460	135520138	Gale	ENSMUSG00000028671	157	0.62	1	0.19	0.16	NA	0.38
chr4	135542823	135543397	1110049F12Rik	ENSMUSG00000028669	-278	NA	0.15	0.11	0.13	0.24	0.19
chr4	135608534	135609264	Rpl11	ENSMUSG00000059291	-299	NA	0.18	0.15	0.16	0.12	0.16
chr4	138901973	138902219	Ccnd3-ps	ENSMUSG00000080708	-1	0.17	NA	0.49	0.56	NA	0.62
chr4	140462170	140462454	Padl2	ENSMUSG00000028927	53	NA	1	0.27	0.56	1	0.18
chr4	140566453	140566690	Mfap2	ENSMUSG00000060572	19	NA	NA	0.14	0.17	NA	0.28
chr4	140803302	140803596	Arhgef19	ENSMUSG00000028919	1138	NA	NA	0.33	NA	NA	0.3
chr4	141020327	141020534	Zbtb17	ENSMUSG00000006215	-303	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr4	141028821	141029092	Spen	ENSMUSG00000040761	-1548	1	1	0.68	NA	NA	0.96
chr4	144483399	144483750	Dhrs3	ENSMUSG00000066026	452	NA	1	0.5	NA	NA	0.78
chr4	147242476	147242777	Miip	ENSMUSG00000029022	-34	NA	0.36	0.19	0.26	0.5	0.32

chr4	148511392	148511823	Aptd1	ENSMUSG00000073705	50	NA	0.12	0.07	0.18	0.14	0.17
chr4	148800171	148800972	Ube4b	ENSMUSG00000028960	-246	NA	0.17	0.2	0.15	0.19	0.32
chr4	149072525	149072764	Pik3cd	ENSMUSG00000039936	17	NA	NA	NA	0.8	NA	0.36
chr4	149461259	149462213	Gpr157	ENSMUSG00000047875	262	NA	NA	NA	1	NA	0.31
chr4	151493637	151493945	Tnfrsf25	ENSMUSG00000024793	1711	NA	NA	0.17	NA	0.21	0.14
chr4	151527860	151528152	Espn	ENSMUSG00000028943	-1526	NA	NA	0.25	NA	NA	0.27
chr4	151532727	151532949	Hes2	ENSMUSG00000028940	-138	0.33	0.5	0.16	0.12	NA	0.26
chr4	151689871	151690210	Rnf207	ENSMUSG00000058498	34	NA	NA	1	1	NA	0.83
chr4	154441016	154441311	Pex10	ENSMUSG00000029047	38	NA	0.19	0.07	0.15	0.2	0.15
chr4	155134880	155135321	Atad3a	ENSMUSG00000029036	-63	NA	0.21	0.08	0.17	0.12	0.19
chr4	155148376	155148824	Vwa1	ENSMUSG00000042116	207	1	0.25	0.09	0.25	NA	0.15
chr4	155336494	155336821	Fam132a	ENSMUSG00000023571	230	NA	1	0.14	0.3	NA	0.2
chr5	89149720	89150276	Mob1b	ENSMUSG00000006262	118	0.67	0.26	0.23	0.21	0.12	0.17
chr5	122110355	122111169	Acad10	ENSMUSG00000029456	-274	0.67	0.24	0.1	0.15	0.11	0.15
chr5	143996807	143997227	Zfp12	ENSMUSG00000029587	175	1	0.65	0.26	0.33	0.11	0.12
chr5	151396228	151397274	N4bp21	ENSMUSG00000041132	349	0.35	0.23	0.11	0.17	0.08	0.17
chr5	101274980	101275911	Agpat9	ENSMUSG00000029314	296	0.68	0.46	0.11	0.14	0.3	0.2
chr5	136164525	136165336	Por	ENSMUSG00000005514	24	0.7	0.25	0.14	0.24	0.13	0.14
chr5	129514214	129514514	Stx2	ENSMUSG00000029428	-66	0.76	0.05	0.05	0.11	0.13	0.11
chr5	106305390	106306228	Zfp326	ENSMUSG00000029290	225	0.46	0.4	0.1	0.15	0.14	0.13
chr5	54389432	54390405	Stim2	ENSMUSG00000039156	262	0.2	0.14	0.11	0.17	0.08	0.14
chr5	50449498	50450467	Gpr125	ENSMUSG00000029090	225	0.4	0.23	0.11	0.12	0.12	0.14
chr5	35731048	35732117	E130018O15Rik	ENSMUSG00000055944	-457	0.16	0.11	0.07	0.11	0.06	0.11
chr5	130089700	130091200	AC114657.1	ENSMUSG00000092933	420	0.27	0.17	0.18	0.19	0.09	0.16
chr5	15440160	15441154	Cacna2d1	ENSMUSG00000040118	148	0.3	0.23	0.09	0.11	0.1	0.13
chr5	130555139	130555726	Tpst1	ENSMUSG00000034118	192	0.25	0.11	0.12	0.13	0.11	0.11
chr5	34338388	34340335	Nat8l	ENSMUSG00000048142	728	0.28	0.17	0.11	0.16	0.13	0.13
chr5	145900459	145901698	Pdap1	ENSMUSG00000029623	-211	0.26	0.23	0.11	0.14	0.06	0.16
chr5	3340989	3344607	Cdk6	ENSMUSG00000040274	-1095	0.34	0.2	0.16	0.22	0.11	0.16
chr5	135517838	135518064	Stx1a	ENSMUSG00000007207	815	0.85	0.81	0.59	0.76	0.45	0.61

chr5	34529694	34530897	Mxd4	ENSMUSG00000037235	64	0.41	0.15	0.12	0.22	0.08	0.15
chr5	123591689	123593206	Setd1b	ENSMUSG00000038384	245	0.26	0.15	0.1	0.15	0.12	0.17
chr5	124170182	124170935	Zcchc8	ENSMUSG00000029427	495	0.35	0.15	0.13	0.2	0.16	0.19
chr5	144519029	144519233	D130017N08Rik	ENSMUSG000000087189	-63	0.64	0.16	0.11	0.15	0.1	0.28
chr5	23356243	23356796	2700038G22Rik	ENSMUSG000000086802	104	0.62	0.07	0.11	0.12	0.06	0.16
chr5	123973582	123974437	Diablo	ENSMUSG00000029433	133	0.16	0.13	0.09	0.13	0.06	0.12
chr5	66087975	66089895	Pds5a	ENSMUSG00000029202	160	0.19	0.14	0.1	0.14	0.1	0.15
chr5	73683872	73684436	Ociad1	ENSMUSG00000029152	121	0.4	0.75	0.09	0.14	0.07	0.12
chr5	121144423	121145113	Dtx1	ENSMUSG00000029603	644	0.51	0.46	0.56	0.69	0.3	0.53
chr5	98614150	98615734	A73003517Rik	ENSMUSG000000045238	61	0.34	0.14	0.14	0.18	0.14	0.16
chr5	76732737	76734129	Clock	ENSMUSG00000029238	140	0.14	0.07	0.08	0.1	0.08	0.11
chr5	33616762	33618018	Ctbp1	ENSMUSG00000037373	228	0.22	0.13	0.11	0.13	0.09	0.1
chr5	111199070	111200156	Ep400	ENSMUSG00000029505	-439	0.71	0.53	0.26	0.39	0.35	0.24
chr5	32913232	32914220	Yes1	ENSMUSG00000014932	120	0.17	0.2	0.08	0.11	0.08	0.16
chr5	106128740	106129829	Lrrc8d	ENSMUSG000000046079	296	0.26	0.12	0.12	0.13	0.1	0.14
chr5	136253760	136255022	Styx11	ENSMUSG00000019178	-283	0.33	0.23	0.11	0.15	0.12	0.13
chr5	37727759	37728213	Evc	ENSMUSG00000029122	119	0.44	0.16	0.11	0.11	0.1	0.14
chr5	31754735	31754951	Zfp512	ENSMUSG000000062761	34	0.34	0.17	0.11	0.17	0.09	0.16
chr5	3928043	3928527	Akap9	ENSMUSG000000040407	231	0.07	0.21	0.17	0.15	0.17	0.17
chr5	108415747	108416475	Fam69a	ENSMUSG00000029270	-59	0.07	0.19	0.11	0.14	0.27	0.11
chr5	23180714	23182282	Srpk2	ENSMUSG000000062604	288	0.21	0.19	0.11	0.15	0.11	0.15
chr5	143723502	143724049	Fscn1	ENSMUSG00000029581	-857	0.32	0.09	0.15	0.13	0.07	0.18
chr5	67067694	67068228	Gm16832	ENSMUSG000000087601	-225	0.11	0.43	0.13	0.33	0.62	0.12
chr5	122286325	122287566	Sh2b3	ENSMUSG000000042594	-119	0.28	0.22	0.11	0.16	0.14	0.14
chr5	74590881	74591781	Ras11b	ENSMUSG000000049907	10	0.48	0.3	0.07	0.14	0.13	0.08
chr5	77403376	77404143	Srp72	ENSMUSG000000036323	51	0.2	0.23	0.12	0.18	0.07	0.13
chr5	96589939	96591736	Cnot6l	ENSMUSG000000034724	-271	0.18	0.13	0.14	0.17	0.09	0.14
chr5	109122963	109124182	Fgfr11	ENSMUSG00000008090	324	0.25	0.23	0.08	0.14	0.11	0.11
chr5	63157085	63157769	Arap2	ENSMUSG000000037999	10	0.24	0.18	0.09	0.13	0.07	0.08
chr5	131782202	131783833	Wbscr17	ENSMUSG000000034040	-232	0.35	0.15	0.15	0.17	0.09	0.17

chr5	124133520	124134381	Clip1	ENSMUSG00000049550	334	0.23	0.1	0.11	0.15	0.08	0.12
chr5	38550249	38551019	Nsg1	ENSMUSG00000029126	72	0.28	0.17	0.12	0.12	0.11	0.09
chr5	105948397	105948960	Lrrc8c	ENSMUSG00000054720	271	0.25	0.09	0.1	0.11	0.06	0.1
chr5	124803488	124804659	Cdk2ap1	ENSMUSG00000029394	607	0.32	0.2	0.1	0.2	0.15	0.18
chr5	35448072	35448472	Lrpap1	ENSMUSG00000029103	66	0.57	0.35	0.25	0.28	0.23	0.32
chr5	123844475	123845396	Mlxip	ENSMUSG00000038342	128	0.27	0.13	0.13	0.22	0.08	0.17
chr5	65883659	65884553	1110003E01Rik	ENSMUSG00000037822	4	0.28	0.19	0.1	0.13	0.14	0.15
chr5	115685362	115685884	Pop5	ENSMUSG00000060152	-222	0.2	0.23	0.15	0.23	0.48	0.16
chr5	140797257	140797726	Mad11l	ENSMUSG00000029554	13	0.23	0.17	0.09	0.17	0.09	0.11
chr5	143576681	143580340	Tnrc18	ENSMUSG00000039477	556	0.15	0.27	0.14	0.2	0.27	0.22
chr5	44172861	44173714	Fbxl5	ENSMUSG00000039753	54	0.15	0.09	0.07	0.08	0.06	0.13
chr5	135539684	135540783	Wbscr22	ENSMUSG00000005378	-315	0.62	0.1	0.13	0.19	0.21	0.16
chr5	93104060	93104283	Ccdc158	ENSMUSG00000050050	-20	0.67	0.33	0.11	0.21	0.24	0.16
chr5	17080257	17080661	Sema3c	ENSMUSG00000028780	-8	0.33	0.12	0.11	0.13	0.07	0.08
chr5	123794081	123795704	Gm15860	ENSMUSG00000087336	-446	0.16	0.08	0.08	0.12	0.09	0.1
chr5	21849871	21851195	Reln	ENSMUSG00000042453	-263	0.15	0.15	0.13	0.1	0.07	0.15
chr5	110877002	110877800	Fbrsl1	ENSMUSG00000043323	121	0.28	0.15	0.13	0.12	0.15	0.15
chr5	67998484	67999988	Shisa3	ENSMUSG00000050010	114	0.35	0.26	0.1	0.18	0.15	0.12
chr5	123588706	123589330	AI480526	ENSMUSG00000090086	338	0.23	0.12	0.09	0.13	0.1	0.11
chr5	96803054	96803876	Fras1	ENSMUSG00000034687	491	0.25	0.11	0.26	0.12	0.06	0.13
chr5	107124939	107125835	Zfp644	ENSMUSG00000049606	-393	0.3	0.17	0.11	0.17	0.14	0.15
chr5	120120102	120121410	Tbx3	ENSMUSG00000018604	78	0.32	0.21	0.12	0.22	0.08	0.2
chr5	121640861	121641360	Ptpn11	ENSMUSG00000043733	266	0.21	0.21	0.1	0.14	0.09	0.07
chr5	135114388	135115299	Eif4h	ENSMUSG00000040731	356	0.41	0.27	0.11	0.15	0.28	0.16
chr5	77836443	77837264	Igfbp7	ENSMUSG00000036256	216	0.12	0.09	0.12	0.15	0.06	0.11
chr5	106886167	106888537	Barhl2	ENSMUSG00000034384	107	0.12	0.15	0.11	0.13	0.07	0.14
chr5	117863608	117864361	Ksr2	ENSMUSG00000061578	-25	0.31	0.13	0.11	0.22	0.11	0.17
chr5	145874964	145875769	Arpc1b	ENSMUSG00000029622	282	0.2	0.14	0.15	0.17	0.08	0.16
chr5	31370828	31371429	Cad	ENSMUSG00000013629	-1601	0.59	0.88	0.67	0.76	0.94	0.93
chr5	38215113	38216046	Msx1	ENSMUSG00000048450	243	0.37	0.25	0.12	0.17	0.1	0.15

chr5	147032644	147033144	Rnf6	ENSMUSG00000029634	98	0.21	0.18	0.11	0.15	0.07	0.14
chr5	123064109	123064607	Ift81	ENSMUSG00000029469	96	0.28	0.35	0.08	0.18	0.12	0.11
chr5	143873944	143874759	Rnf216	ENSMUSG00000045078	322	0.34	0.12	0.09	0.12	0.17	0.12
chr5	29761183	29761935	Nom1	ENSMUSG00000001569	355	1	0.53	0.24	0.11	0.41	0.15
chr5	116081440	116081836	Rab35	ENSMUSG00000029518	-300	0.14	0.07	0.07	0.13	0.06	0.13
chr5	108297367	108298406	Evi5	ENSMUSG00000011831	-479	0.16	0.1	0.09	0.15	0.1	0.14
chr5	8893613	8894015	Abcb4	ENSMUSG00000042476	97	0.33	0.16	0.09	0.22	0.13	0.1
chr5	124565917	124566708	Arl6ip4	ENSMUSG00000029404	214	0.29	0.09	0.1	0.16	0.1	0.15
chr5	143942051	143942596	Rbak	ENSMUSG00000061898	86	0.13	0.12	0.14	0.2	0.32	0.09
chr5	93472811	93474642	Sowahb	ENSMUSG00000045314	322	0.15	0.12	0.11	0.13	0.09	0.14
chr5	129525548	129526848	Ran	ENSMUSG00000029430	254	0.33	0.2	0.19	0.2	0.16	0.16
chr5	138226833	138228178	Mepce	ENSMUSG00000029726	386	0.09	0.22	0.1	0.26	0.23	0.16
chr5	125658160	125660046	Ncor2	ENSMUSG00000029478	320	0.2	0.15	0.13	0.11	0.11	0.15
chr5	93326761	93327354	Shroom3	ENSMUSG00000029381	38	0.2	0.08	0.08	0.16	0.07	0.14
chr5	25003525	25005839	MI3	ENSMUSG00000038056	-162	0.2	0.15	0.11	0.15	0.14	0.16
chr5	112656410	112656823	Miat	ENSMUSG00000086878	1352	1	0.1	0.09	0.15	0.09	0.22
chr5	149363756	149364558	Ubl3	ENSMUSG0000001687	207	0.2	0.09	0.1	0.12	0.12	0.12
chr5	72559061	72559452	Commd8	ENSMUSG00000029213	166	0.14	0.13	0.19	0.24	0.6	0.21
chr5	90794266	90794671	Ankrd17	ENSMUSG00000055204	605	0.41	0.18	0.3	0.36	0.12	0.34
chr5	53980234	53981783	Rbpj	ENSMUSG00000039191	-446	0.21	0.17	0.1	0.12	0.1	0.15
chr5	34959324	34959530	Add1	ENSMUSG00000029106	152	0.84	0.85	0.9	0.9	0.96	0.96
chr5	65498592	65499361	Kihl5	ENSMUSG00000054920	169	0.33	0.31	0.13	0.25	0.17	0.17
chr5	97820985	97821420	Naa11	ENSMUSG00000046000	147	0.9	0.94	0.95	0.95	0.96	0.97
chr5	121098707	121099554	Rasal1	ENSMUSG00000029602	309	0.23	0.3	0.13	0.2	0.33	0.15
chr5	136592335	136592859	Polr2j	ENSMUSG00000039771	96	0.38	0.19	0.14	0.14	0.15	0.12
chr5	135164092	135165009	Limk1	ENSMUSG00000029674	-106	0.18	0.15	0.1	0.16	0.1	0.16
chr5	3543730	3544210	Fam133b	ENSMUSG00000058503	126	0.15	0.08	0.08	0.07	0.05	0.1
chr5	109987598	109988220	Crf2	ENSMUSG00000033467	46	0.36	0.11	0.13	0.12	0.13	0.18
chr5	111308589	111309328	Ttc28	ENSMUSG00000033209	136	0.16	0.21	0.18	0.18	0.08	0.23
chr5	135553646	135554446	Vps37d	ENSMUSG00000043614	90	0.4	0.26	0.14	0.15	0.21	0.16

chr5	31999812	32000612	Rbks	ENSMUSG00000029136	-212	0.23	0.2	0.11	0.17	0.14	0.11
chr5	93032003	93032600	Stbd1	ENSMUSG00000047963	224	0.14	0.11	0.08	0.1	0.67	0.08
chr5	114443156	114444032	Ssh1	ENSMUSG00000042121	182	0.19	0.14	0.11	0.11	0.06	0.18
chr5	125342003	125344084	Ccdc92	ENSMUSG00000037979	-788	0.14	0.14	0.09	0.14	0.09	0.13
chr5	139605446	139605674	Prkar1b	ENSMUSG00000025855	153	0.22	0.14	0.09	0.07	0.07	0.09
chr5	8622267	8623253	Rundc3b	ENSMUSG00000040570	192	0.37	0.09	0.08	0.13	0.12	0.19
chr5	37379774	37380663	Wfs1	ENSMUSG00000039474	-46	1	1	0.12	0.18	0.25	0.15
chr5	67651718	67652584	Tmem33	ENSMUSG00000037720	347	0.16	0.14	0.11	0.19	0.07	0.15
chr5	108863012	108863521	Atp5k	ENSMUSG00000050856	150	0.48	0.2	0.11	0.22	0.19	0.17
chr5	136409968	136410578	Ywhag	ENSMUSG00000051391	147	0.47	0.5	0.08	0.23	0.17	0.12
chr5	28536129	28536927	Cnpy1	ENSMUSG00000044681	34	0.15	0.09	0.08	0.14	0.08	0.15
chr5	136720274	136720806	Sh2b2	ENSMUSG00000005057	233	1	0.4	0.17	0.28	0.4	0.17
chr5	9161033	9162025	Dmtf1	ENSMUSG00000042508	189	0.11	0.12	0.09	0.15	0.07	0.09
chr5	115392223	115392447	2210016L21Rik	ENSMUSG00000029559	95	0.87	0.59	0.41	0.53	0.2	0.3
chr5	116015132	116015748	Gcn11l	ENSMUSG00000041638	177	0.19	0.09	0.08	0.14	0.1	0.12
chr5	65361176	65361677	Fam114a1	ENSMUSG00000029185	116	0.19	0.28	0.19	0.21	0.37	0.28
chr5	76374135	76374682	Kdr	ENSMUSG00000062960	45	0.11	0.21	0.1	0.11	0.05	0.14
chr5	102092328	102094782	Nkx6-1	ENSMUSG00000035187	690	0.21	0.13	0.09	0.16	0.16	0.13
chr5	125914186	125914628	Dhx37	ENSMUSG00000029480	11	0.36	0.16	0.12	0.13	0.17	0.14
chr5	20456766	20457894	Rsb1l1	ENSMUSG00000039968	310	0.2	0.18	0.1	0.18	0.07	0.14
chr5	38430202	38430794	Stx18	ENSMUSG00000029125	26	0.33	0.12	0.08	0.19	0.1	0.12
chr5	43623903	43626437	Cpeb2	ENSMUSG00000039782	468	0.1	0.11	0.12	0.13	0.07	0.12
chr5	77523781	77524407	Hopx	ENSMUSG00000059325	184	0.35	0.17	0.13	0.16	0.13	0.16
chr5	104182689	104183601	Aff1	ENSMUSG00000029313	-36	0.17	0.18	0.12	0.15	0.08	0.11
chr5	144165323	144166009	RP23-372N19.1	ENSMUSG00000093720	-239	0.17	0.07	0.06	0.12	0.05	0.1
chr5	86494193	86494854	Cenpc1	ENSMUSG00000029253	85	0.48	0.17	0.15	0.16	0.22	0.13
chr5	147644451	147645048	Rpl21	ENSMUSG00000041453	283	0.27	0.2	0.12	0.22	0.13	0.2
chr5	141305852	141306588	Gna12	ENSMUSG00000000149	80	0.15	0.13	0.09	0.11	0.09	0.12
chr5	29895517	29896335	Ube3c	ENSMUSG00000039000	144	0.15	0.1	0.11	0.13	0.08	0.16
chr5	9100472	9101453	4930420K17Rik	ENSMUSG00000079659	225	0.32	0.28	0.1	0.17	0.19	0.15

chr5	75440061	75440980	Chic2	ENSMUSG00000029229	279	0.22	0.1	0.1	0.11	0.14	0.12
chr5	139625834	139626805	Prkar1b	ENSMUSG00000025855	-408	0.12	0.11	0.09	0.11	0.08	0.1
chr5	140019729	140020895	Uncx	ENSMUSG00000029546	460	0.07	0.07	0.09	0.12	0.15	0.12
chr5	100587814	100588605	Tmem150c	ENSMUSG00000050640	91	0.27	0.25	0.16	0.14	0.15	0.21
chr5	5379912	5380844	Cdk14	ENSMUSG00000028926	-186	0.15	0.1	0.09	0.14	0.1	0.12
chr5	27375871	27376411	Dpp6	ENSMUSG00000061576	402	0.29	0.35	0.21	0.33	0.13	0.23
chr5	38952253	38953125	Wdr1	ENSMUSG00000005103	216	0.14	0.18	0.12	0.21	0.2	0.12
chr5	110536031	110537395	Gtpbp6	ENSMUSG00000033434	-492	0.23	0.18	0.17	0.2	0.09	0.14
chr5	121902113	121902804	Erp29	ENSMUSG00000029616	-101	0.05	0.12	0.1	0.11	0.18	0.1
chr5	38668321	38669063	Otop1	ENSMUSG00000051596	49	0.17	0.16	0.06	0.15	0.05	0.17
chr5	37187319	37188142	Mrfap1	ENSMUSG00000055302	281	0.19	0.24	0.09	0.14	0.07	0.22
chr5	108741568	108742131	Pigg	ENSMUSG00000029263	221	0.37	0.19	0.12	0.19	0.13	0.16
chr5	141177852	141178383	lqce	ENSMUSG00000036555	-194	0.15	0.19	0.08	0.12	0.08	0.13
chr5	74927163	74927848	Scfd2	ENSMUSG00000062110	139	0.78	0.28	0.09	0.19	0.33	0.13
chr5	84846199	84846628	Epha5	ENSMUSG00000029245	-149	0.09	0.06	0.09	0.08	0.04	0.07
chr5	100844955	100845590	Sec31a	ENSMUSG00000035325	-19	0.18	0.1	0.09	0.16	0.1	0.13
chr5	122298803	122299294	Fam109a	ENSMUSG00000044134	11	0.08	0.17	0.1	0.13	0.16	0.15
chr5	134789313	134790920	Gtf2i	ENSMUSG00000060261	132	0.2	0.09	0.09	0.18	0.12	0.11
chr5	122161312	122163185	Atxn2	ENSMUSG00000042605	902	0.14	0.16	0.14	0.16	0.2	0.16
chr5	135845729	135846215	Nsun5	ENSMUSG00000000916	149	0.52	0.4	0.16	0.14	0.16	0.2
chr5	36826324	36827593	Tada2b	ENSMUSG00000029196	-197	0.24	0.16	0.1	0.15	0.18	0.14
chr5	34712229	34713353	Fam193a	ENSMUSG00000037210	-271	0.14	0.15	0.09	0.15	0.09	0.13
chr5	110973169	110973902	Galnt9	ENSMUSG00000033316	171	0.16	0.21	0.09	0.12	0.07	0.09
chr5	123349503	123350761	Kdm2b	ENSMUSG00000029475	232	0.17	0.14	0.1	0.15	0.09	0.15
chr5	133017463	133019983	Auts2	ENSMUSG00000029673	-1030	0.2	0.17	0.12	0.13	0.11	0.17
chr5	137462734	137463714	Znhit1	ENSMUSG00000059518	-453	0.2	0.13	0.11	0.2	0.12	0.17
chr5	139473170	139473685	Pdgfra	ENSMUSG00000025856	-103	0.39	0.24	0.32	0.47	0.24	0.31
chr5	148768763	148769582	Mtus2	ENSMUSG00000029651	276	0.23	0.25	0.12	0.16	0.14	0.11
chr5	24256580	24256979	Crygn	ENSMUSG00000038135	363	0.25	0.58	0.13	0.19	1	0.19
chr5	145726059	145727111	Smurf1	ENSMUSG00000038780	123	0.12	0.13	0.07	0.13	0.07	0.12

chr5	141082931	141083813	Lfng	ENSMUSG00000029570	77	0.31	0.2	0.1	0.27	0.15	0.16
chr5	98682893	98683689	Fgf5	ENSMUSG00000029337	88	0.14	0.24	0.09	0.15	0.23	0.15
chr5	31543119	31543655	Nrbp1	ENSMUSG00000029148	150	0.13	0.1	0.09	0.16	0.05	0.1
chr5	64359591	64360375	Rel1	ENSMUSG00000047881	78	0.17	0.12	0.1	0.11	0.1	0.15
chr5	147042463	147043460	Cdk8	ENSMUSG00000029635	155	0.19	0.12	0.09	0.14	0.13	0.17
chr5	117737315	117737731	Pebp1	ENSMUSG00000032959	11	0.43	0.22	0.11	0.14	0.11	0.11
chr5	139800946	139801276	Adap1	ENSMUSG00000056413	307	0.18	0.19	0.1	0.13	0.1	0.17
chr5	102193814	102194688	Cds1	ENSMUSG00000029330	102	0.2	0.12	0.09	0.1	0.12	0.15
chr5	143177921	143178496	Slc29a4	ENSMUSG00000050822	153	0.25	0.2	0.12	0.12	0.16	0.14
chr5	115222819	115225363	Gil2	ENSMUSG00000041890	-648	0.2	0.14	0.09	0.11	0.14	0.14
chr5	128112562	128113127	Gilt1d1	ENSMUSG00000049971	212	0.71	0.65	0.22	0.57	0.4	0.26
chr5	114221165	114223118	Sart3	ENSMUSG00000018974	-483	0.14	0.15	0.1	0.17	0.1	0.13
chr5	144076446	144077266	E130309D02Rik	ENSMUSG00000039244	-113	0.13	0.09	0.09	0.15	0.06	0.17
chr5	145015907	145016832	Bri3	ENSMUSG00000047843	275	0.17	0.26	0.12	0.17	0.23	0.18
chr5	122821721	122822707	Gpn3	ENSMUSG00000029464	329	0.1	0.1	0.09	0.14	0.07	0.18
chr5	138125389	138126259	Agfg2	ENSMUSG00000029722	84	0.27	0.18	0.1	0.16	0.1	0.14
chr5	33721100	33721649	4933407H18Rik	ENSMUSG00000037355	174	0.14	0.2	0.15	0.15	0.04	0.14
chr5	24347687	24349072	Rheb	ENSMUSG00000028945	-133	0.46	0.32	0.09	0.12	0.21	0.15
chr5	31597828	31598306	Fndc4	ENSMUSG00000038552	177	0.11	0.1	0.08	0.15	0.06	0.1
chr5	139676325	139677230	Sun1	ENSMUSG00000036817	186	0.29	0.33	0.14	0.19	0.19	0.14
chr5	147887786	147889364	Lnx2	ENSMUSG00000016520	-413	0.16	0.12	0.14	0.19	0.31	0.12
chr5	30399765	30400224	Tyms	ENSMUSG00000025747	68	0.5	0.35	0.35	0.27	0.12	0.23
chr5	31209750	31210331	Ost4	ENSMUSG00000038803	58	0.14	0.08	0.11	0.17	0.08	0.19
chr5	130384297	130384804	4930579G22Rik	ENSMUSG00000025535	140	0.58	0.47	0.15	0.18	0.31	0.17
chr5	48763570	48763809	Pacrgl	ENSMUSG00000029089	58	0.08	0.25	0.09	0.16	0.19	0.13
chr5	130505124	130505385	Crcp	ENSMUSG00000025532	94	0.08	NA	0.19	0.17	0.16	0.14
chr5	147760068	147760599	Gtf3a	ENSMUSG00000016503	100	0.4	NA	0.07	0.24	0.08	0.15
chr5	34124881	34125532	Letm1	ENSMUSG00000005299	180	0.1	0.11	0.15	0.14	0.07	0.12
chr5	114723653	114724431	Foxn4	ENSMUSG00000042002	-331	0.14	0.25	0.12	0.14	0.08	0.19
chr5	24413694	24414881	Prkag2	ENSMUSG00000028944	-19	0.23	0.13	0.18	0.2	0.16	0.17

chr5	100928897	100929921	AC109196.1	ENSMUSG00000088742	-172	0.16	0.08	0.09	0.11	0.29	0.11
chr5	115643364	115644456	Cabp1	ENSMUSG00000029544	480	0.2	0.18	0.1	0.15	0.13	0.14
chr5	28491880	28493779	En2	ENSMUSG00000039095	593	0.13	0.12	0.11	0.15	0.09	0.15
chr5	4756413	4758245	Fzd1	ENSMUSG00000044674	887	0.23	0.15	0.11	0.15	0.13	0.11
chr5	115956572	115957065	Pxn	ENSMUSG00000029528	133	0.19	0.15	0.16	0.14	0.27	0.24
chr5	35104230	35104500	Htt	ENSMUSG00000029104	-24	0.15	0.41	0.07	0.4	0.28	0.19
chr5	114830077	114831150	Kctd10	ENSMUSG0000001098	-121	0.18	0.13	0.1	0.16	0.1	0.11
chr5	116180922	116182869	Ccdc64	ENSMUSG00000041609	-519	0.21	0.14	0.1	0.16	0.17	0.15
chr5	127721812	127723218	Tmem132c	ENSMUSG00000034324	337	0.16	0.19	0.14	0.19	0.1	0.17
chr5	134652178	134652696	Wbscr16	ENSMUSG00000061979	207	0.13	0.26	0.13	0.15	0.2	0.16
chr5	139230389	139232051	Fam20c	ENSMUSG00000025854	752	0.14	0.12	0.1	0.16	0.09	0.12
chr5	150921114	150921722	Fry	ENSMUSG00000056602	176	0.12	0.16	0.09	0.13	0.25	0.11
chr5	31522408	31523376	Ppm1g	ENSMUSG00000029147	26	0.82	0.42	0.22	0.2	0.44	0.19
chr5	117569764	117570806	Taok3	ENSMUSG00000061288	147	0.22	0.1	0.15	0.18	0.14	0.21
chr5	137505895	137508648	Vgf	ENSMUSG00000037428	1106	0.12	0.12	0.09	0.16	0.09	0.13
chr5	138612106	138613416	Mcm7	ENSMUSG00000029730	-516	0.17	NA	0.14	0.24	0.24	0.18
chr5	140895155	140895831	Eif3b	ENSMUSG00000056076	234	0.16	0.25	0.12	0.14	0.31	0.13
chr5	151755139	151756066	Kl	ENSMUSG00000058488	420	0.2	0.07	0.11	0.22	0.07	0.16
chr5	34278503	34279342	Whsc2	ENSMUSG00000029111	-23	0.19	0.18	0.08	0.2	0.13	0.14
chr5	22938762	22940737	5031425E22Rik	ENSMUSG00000073147	-12	0.21	0.29	0.12	0.24	0.35	0.18
chr5	69731609	69732939	AC107770.1	ENSMUSG00000093129	252	0.29	0.18	0.16	0.17	0.21	0.13
chr5	72978213	72978847	Gm5868	ENSMUSG00000060204	259	0.27	0.33	0.13	0.3	0.16	0.16
chr5	75471503	75472158	Gsx2	ENSMUSG00000035946	204	0.18	0.09	0.13	0.15	0.08	0.25
chr5	104475526	104476217	Nudt9	ENSMUSG00000029310	326	0.14	0.07	0.12	0.09	0.08	0.11
chr5	143105147	143106043	Wipi2	ENSMUSG00000029578	99	0.27	0.1	0.11	0.16	0.16	0.1
chr5	8422144	8423171	Dbf4	ENSMUSG00000002297	-75	0.2	0.17	0.11	0.15	0.14	0.18
chr5	23857042	23857702	Kcnh2	ENSMUSG00000038319	50	0.19	0.16	0.11	0.1	0.14	0.12
chr5	67136825	67137627	Limch1	ENSMUSG00000037736	152	0.25	0.18	0.15	0.18	0.17	0.16
chr5	69983249	69983600	Gnpda2	ENSMUSG00000029209	33	0.14	0.31	0.15	0.18	0.23	0.13
chr5	123330327	123330529	Kdm2b	ENSMUSG00000029475	666	0.62	0.89	0.86	0.84	0.84	0.98

chr5	142939767	142940230	C330006K01Rik	ENSMUSG00000039623	113	0.32	0.26	0.11	0.23	0.15	0.16
chr5	30062241	30062997	Gm5129	ENSMUSG00000053121	-143	0.24	0.24	0.11	0.18	0.1	0.15
chr5	87233056	87233953	Ythdc1	ENSMUSG00000035851	258	0.08	0.14	0.08	0.16	0.05	0.13
chr5	113005551	113006500	Sez6l	ENSMUSG00000058153	172	0.15	0.21	0.1	0.18	0.11	0.14
chr5	124895300	124896199	Setd8	ENSMUSG00000049327	247	0.12	0.14	0.1	0.1	0.09	0.15
chr5	145306263	145307633	Nptx2	ENSMUSG00000059991	192	0.16	0.14	0.11	0.19	0.11	0.2
chr5	31495059	31496151	Eif2b4	ENSMUSG00000029145	-233	0.2	0.12	0.15	0.18	0.15	0.2
chr5	52957087	52957637	Lgi2	ENSMUSG00000039252	122	0.12	0.12	0.12	0.07	0.33	0.15
chr5	65193877	65195552	Klf3	ENSMUSG00000029178	86	0.17	0.14	0.09	0.15	0.13	0.11
chr5	101102823	101103340	Coq2	ENSMUSG00000029319	94	0.57	0.13	0.16	0.13	0.25	0.18
chr5	107003336	107003964	Zfp644	ENSMUSG00000049606	84	0.33	0.24	0.17	0.24	0.24	0.19
chr5	111759429	111760081	Pitpnb	ENSMUSG00000050017	-28	0.18	0.19	0.19	0.22	0.13	0.17
chr5	112657567	112658204	Miat	ENSMUSG00000086878	83	0.33	0.22	0.12	0.18	0.09	0.17
chr5	125921676	125922471	Bri3bp	ENSMUSG00000037905	135	0.06	0.09	0.16	0.15	0.09	0.16
chr5	135625001	135625817	Tbl2	ENSMUSG00000005374	-118	0.24	0.26	0.11	0.08	0.1	0.12
chr5	36100357	36101179	Ablim2	ENSMUSG00000029095	239	0.31	0.21	0.08	0.14	0.19	0.15
chr5	67817883	67819396	Gm16714	ENSMUSG00000085339	-280	0.16	0.26	0.12	0.17	0.11	0.14
chr5	104937315	104937871	BC005561	ENSMUSG00000079065	222	0.27	0.1	0.09	0.14	0.09	0.15
chr5	117565548	117566166	Suds3	ENSMUSG00000066900	145	0.13	0.11	0.09	0.12	0.09	0.12
chr5	124889830	124890397	Setd8	ENSMUSG00000049327	174	0.5	0.36	0.13	0.24	0.27	0.2
chr5	125869598	125870470	Gm10382	ENSMUSG00000072612	342	0.5	1	0.11	0.15	0.23	0.17
chr5	150480709	150481467	B3galt1	ENSMUSG00000051950	283	0.17	0.25	0.1	0.16	0.13	0.12
chr5	72092049	72092457	Gabrb1	ENSMUSG00000029212	1082	0.22	0.18	0.14	0.14	0.11	0.17
chr5	110714957	110715544	Pxmp2	ENSMUSG00000029499	-229	0.12	0.36	0.09	0.14	0.17	0.16
chr5	114893769	114894491	Mmab	ENSMUSG00000029575	-139	0.33	0.16	0.21	0.14	0.2	0.18
chr5	151476157	151477080	Pds5b	ENSMUSG00000034021	304	0.09	0.09	0.11	0.14	0.05	0.15
chr5	73398084	73398758	Slc10a4	ENSMUSG00000029219	278	0.35	1	0.11	0.15	0.17	0.2
chr5	137357401	137359112	Emid2	ENSMUSG00000004415	357	0.25	0.21	0.19	0.24	0.2	0.23
chr5	44491763	44492664	Gm16401	ENSMUSG00000072962	532	0.1	0.21	0.07	0.15	0.14	0.13
chr5	75552266	75552834	Pdgfra	ENSMUSG00000029231	359	0.47	0.44	0.21	0.19	0.25	0.28

chr5	137774696	137775318	Slc12a9	ENSMUSG00000037344	-182	0.18	0.12	0.19	0.13	0.38	0.14
chr5	149739958	149740802	Katnal1	ENSMUSG00000041298	-176	0.27	0.15	0.13	0.11	0.16	0.18
chr5	36807343	36808170	2210406O10Rik	ENSMUSG00000039563	-296	0.19	0.15	0.07	0.19	0.09	0.15
chr5	48374206	48375205	Slit2	ENSMUSG00000031558	311	0.3	0.28	0.13	0.21	0.14	0.15
chr5	74464047	74464792	Usp46	ENSMUSG00000054814	26	0.11	0.12	0.1	0.12	0.15	0.13
chr5	124777610	124778236	Mphosph9	ENSMUSG00000038126	-65	0.12	0.08	0.09	0.16	0.07	0.16
chr5	28790982	28791980	Gm17493	ENSMUSG00000091169	-1433	0.36	0.29	0.17	0.2	0.22	0.12
chr5	35742329	35742743	A930033C23Rik	ENSMUSG00000093526	132	0.28	0.25	0.21	0.31	0.17	0.18
chr5	72950269	72951162	Nfxl1	ENSMUSG00000072889	-64	0.23	0.23	0.08	0.16	0.09	0.18
chr5	73797411	73797825	Cwh43	ENSMUSG00000029154	151	0.11	0.08	0.09	0.12	0.07	0.13
chr5	92863569	92864335	Nup54	ENSMUSG00000034826	-380	0.2	0.14	0.14	0.19	0.09	0.19
chr5	122608015	122608745	Ppp1cc	ENSMUSG0000004455	93	0.08	0.1	0.2	0.25	0.15	0.12
chr5	122872134	122872942	Anapc7	ENSMUSG00000029466	85	0.13	0.19	0.08	0.12	0.07	0.19
chr5	124699224	124700246	Pitpnm2	ENSMUSG00000029406	-275	0.11	0.14	0.09	0.12	0.08	0.14
chr5	140383880	140385222	Elfn1	ENSMUSG00000048988	654	0.18	0.23	0.12	0.19	0.24	0.23
chr5	22251800	22252368	Lhfpl3	ENSMUSG00000058361	73	0.18	0.24	0.11	0.16	0.1	0.13
chr5	32435376	32435970	Gm10463	ENSMUSG00000073058	-132	0.2	0.18	0.12	0.12	0.09	0.12
chr5	35291953	35292562	Rgs12	ENSMUSG00000029101	163	0.23	0.21	0.17	0.16	0.13	0.13
chr5	73646643	73648083	Fryl	ENSMUSG00000070733	301	0.19	0.14	0.1	0.12	0.15	0.11
chr5	115263713	115264159	1500011B03Rik	ENSMUSG00000092279	18	1	1	0.15	0.59	0.08	0.23
chr5	115750395	115751218	Dynll1	ENSMUSG00000009013	82	0.19	0.34	0.11	0.17	0.12	0.17
chr5	31116875	31117422	Mapre3	ENSMUSG00000029166	134	0.21	0.16	0.1	0.09	0.12	0.11
chr5	34162535	34164363	Whsc1	ENSMUSG00000057406	75	0.15	0.12	0.09	0.14	0.12	0.14
chr5	40035641	40036141	Hs3st1	ENSMUSG00000051022	-55	0.08	0.21	0.12	0.19	0.13	0.12
chr5	72971529	72972379	Zar1	ENSMUSG00000063935	369	0.13	0.26	0.15	0.18	0.09	0.11
chr5	92706723	92707088	Naaa	ENSMUSG00000029413	286	0.07	0.29	0.11	0.09	0.13	0.11
chr5	118477509	118479103	Tesc	ENSMUSG00000029359	554	0.17	0.15	0.16	0.14	0.13	0.15
chr5	125507037	125507454	Ncor2	ENSMUSG00000029478	49	0.74	0.92	0.66	0.61	0.83	0.8
chr5	137971981	137973225	Gnb2	ENSMUSG00000029713	-476	0.15	0.1	0.1	0.16	0.08	0.17
chr5	129105824	129107970	5930412G12Rik	ENSMUSG00000072591	-368	0.12	0.13	0.12	0.18	0.09	0.14

chr5	5663898	5664351	A330021E22Rik	ENSMUSG00000040473	-81	1	0.67	0.67	0.64	0.5	0.41
chr5	30431691	30431999	Fam59b	ENSMUSG00000044576	144	0.32	0.22	0.08	0.26	0.14	0.12
chr5	130006810	130008045	Sfswap	ENSMUSG00000029439	321	0.34	0.42	0.14	0.15	0.26	0.17
chr5	112771879	112772329	Srrd	ENSMUSG00000029346	-66	0.07	0.06	0.11	0.13	0.1	0.19
chr5	114185555	114186027	Ficd	ENSMUSG00000053334	0	0.14	0.1	0.09	0.12	0.09	0.13
chr5	115460694	115461953	Sppl3	ENSMUSG00000029550	177	0.1	0.12	0.1	0.12	0.14	0.13
chr5	130362942	130363175	Chchd2	ENSMUSG00000070493	85	0.17	0.11	0.14	0.14	0.06	0.11
chr5	33196691	33197056	C330019G07Rik	ENSMUSG00000054280	14	0.38	0.23	0.15	0.15	0.19	0.21
chr5	120961095	120961478	Slc24a6	ENSMUSG00000032754	109	0.16	1	0.13	0.11	0.06	0.08
chr5	124423600	124424320	Hip1r	ENSMUSG00000000915	323	0.13	0.09	0.13	0.14	0.18	0.18
chr5	31191116	31191533	Agbl5	ENSMUSG00000029165	99	0.12	0.16	0.08	0.16	0.2	0.12
chr5	42235089	42235841	Bod1l	ENSMUSG00000061755	-58	0.09	0.08	0.09	0.16	0.14	0.1
chr5	77694296	77695996	Rest	ENSMUSG00000029249	630	0.16	0.19	0.11	0.13	0.2	0.13
chr5	132013061	132014817	Auts2	ENSMUSG00000029673	-99	0.13	0.15	0.1	0.15	0.1	0.14
chr5	137748225	137748990	Srrt	ENSMUSG00000037364	295	0.15	0.11	0.09	0.16	0.1	0.14
chr5	152170997	152171585	1700028E10Rik	ENSMUSG00000087548	7	0.17	0.14	0.11	0.19	0.09	0.14
chr5	3595971	3596682	C030048B08Rik	ENSMUSG00000040302	-267	0.18	0.13	0.1	0.15	0.13	0.14
chr5	23289063	23289585	Pus7	ENSMUSG00000057541	47	0.14	0.17	0.08	0.09	0.09	0.12
chr5	31247679	31247959	Cgref1	ENSMUSG00000029161	34	0.22	0.22	0.1	0.16	0.16	0.1
chr5	34064241	34066558	Fgfr3	ENSMUSG00000054252	1026	0.16	0.1	0.12	0.19	0.13	0.13
chr5	52581192	52581984	Dhx15	ENSMUSG00000029169	170	0.23	0.27	0.13	0.25	0.17	0.19
chr5	64203468	64203900	0610040J01Rik	ENSMUSG00000060512	-50	0.3	0.41	0.1	0.17	0.12	0.21
chr5	92566652	92567446	Uso1	ENSMUSG00000029407	85	0.18	0.21	0.07	0.13	0.24	0.1
chr5	148081713	148082204	Pdx1	ENSMUSG00000029644	423	0.18	0.21	0.15	0.19	0.12	0.15
chr5	21290455	21291159	Dnajc2	ENSMUSG00000029014	165	0.2	0.23	0.1	0.15	0.11	0.12
chr5	77738062	77739881	Noa1	ENSMUSG00000036285	-71	0.1	0.1	0.09	0.18	0.13	0.15
chr5	98758257	98758568	1700007G11Rik	ENSMUSG00000057816	39	0.12	0.17	0.12	0.11	0.05	0.2
chr5	115140809	115141179	Gltp	ENSMUSG00000011884	-77	0.1	0.1	0.09	0.11	0.07	0.12
chr5	36740067	36740880	Sorcs2	ENSMUSG00000029093	283	0.09	0.07	0.09	0.15	0.07	0.15
chr5	64484088	64484575	Pgm1	ENSMUSG00000029171	156	0.25	0.08	0.09	0.16	0.14	0.12

chr5	121160746	121161797	Dbx1	ENSMUSG00000029603	665	0.19	0.16	0.12	0.17	0.15	0.2
chr5	130924864	130925727	Cain1	ENSMUSG00000060371	624	0.09	0.17	0.09	0.19	0.13	0.17
chr5	144031151	144031784	Zfp316	ENSMUSG00000046658	234	0.24	0.19	0.09	0.12	0.38	0.16
chr5	29804072	29805324	Mnx1	ENSMUSG0000001566	312	0.14	0.18	0.1	0.16	0.12	0.13
chr5	97426071	97427129	Bmp2k	ENSMUSG00000034663	-108	0.14	0.17	0.08	0.15	0.11	0.11
chr5	122841789	122842154	Arcp3	ENSMUSG00000029465	84	0.23	0.17	0.12	0.2	0.1	0.13
chr5	123228890	123229724	Camkk2	ENSMUSG00000029471	84	0.1	0.07	0.07	0.11	0.07	0.09
chr5	144383249	144383891	Cyth3	ENSMUSG00000018001	254	0.25	0.12	0.07	0.17	0.18	0.14
chr5	147196711	147197169	Wasf3	ENSMUSG00000029636	379	0.1	0.19	0.11	0.12	0.14	0.17
chr5	24728619	24728929	Galnt11	ENSMUSG00000038072	74	0.21	0.16	0.1	0.24	0.11	0.17
chr5	76612820	76613549	Tmem165	ENSMUSG00000029234	279	0.09	0.08	0.09	0.17	0.07	0.09
chr5	101249562	101250065	Fam175a	ENSMUSG00000035234	146	0.13	0.08	0.09	0.13	0.09	0.12
chr5	105844460	105845321	Lrrc8b	ENSMUSG00000070639	96	0.25	0.26	0.13	0.15	0.2	0.15
chr5	140807660	140807964	Nudt1	ENSMUSG00000036639	-2	0.23	0.17	0.11	0.11	0.17	0.15
chr5	148117712	148118928	Cdx2	ENSMUSG00000029646	526	0.16	0.14	0.13	0.11	0.12	0.16
chr5	34916061	34916831	Add1	ENSMUSG00000029106	133	0.16	0.08	0.08	0.11	0.11	0.13
chr5	37259614	37261436	Ppp2r2c	ENSMUSG00000029120	773	0.12	0.16	0.12	0.12	0.1	0.12
chr5	115279005	115279250	Gm13819	ENSMUSG00000082052	97	0.91	0.89	0.9	0.92	1	1
chr5	141180386	141181191	Baat1	ENSMUSG0000000148	-177	0.53	1	0.12	0.34	0.35	0.21
chr5	23929308	23929618	Cdk5	ENSMUSG00000028969	-115	0.14	0.33	0.16	0.14	0.5	0.25
chr5	53060652	53061051	Sepsecs	ENSMUSG00000029173	3	0.09	0.14	0.11	0.13	0.14	0.11
chr5	92471415	92472115	Cdkl2	ENSMUSG00000029403	-67	0.07	0.05	0.1	0.13	0.14	0.2
chr5	110815463	110816341	Fbrsl1	ENSMUSG00000043323	79	0.23	0.32	0.16	0.15	0.35	0.22
chr5	123438157	123438651	Kdm2b	ENSMUSG00000029475	138	0.08	0.06	0.08	0.07	0.04	0.13
chr5	130730983	130731501	Sbds	ENSMUSG00000025337	33	0.2	0.4	0.16	0.26	0.38	0.3
chr5	138882676	138883082	Zfp157	ENSMUSG00000036898	183	0.16	1	0.14	0.17	0.09	0.15
chr5	145962318	145962810	Zkscan14	ENSMUSG00000029627	162	0.17	0.56	0.18	0.2	0.47	0.27
chr5	44617198	44618689	Tapt1	ENSMUSG00000046985	-98	0.15	0.21	0.1	0.15	0.12	0.12
chr5	105909878	105910249	Lrrc8b	ENSMUSG00000070639	1254	0.82	0.84	0.91	0.88	0.86	0.94
chr5	107866804	107867224	Btbd8	ENSMUSG00000070632	-2	0.18	0.07	0.07	0.12	0.13	0.08

chr5	124980607	124981491	Rilpl1	ENSMUSG00000029392	351	0.14	0.11	0.1	0.14	0.1	0.14
chr5	23953539	23953796	Tmub1	ENSMUSG00000028958	-58	0.13	0.09	0.08	0.12	0.07	0.12
chr5	42098978	42099526	Rab28	ENSMUSG00000029128	142	0.08	0.15	0.15	0.13	0.13	0.2
chr5	77380081	77381047	Ppat	ENSMUSG00000029246	-374	0.13	0.15	0.07	0.15	0.08	0.14
chr5	91360146	91360471	Mthfd2l	ENSMUSG00000029376	86	0.08	0.07	0.07	0.1	0.05	0.09
chr5	108978460	108979121	Cplx1	ENSMUSG00000033615	229	0.1	0.24	0.12	0.14	0.15	0.16
chr5	110530360	110530938	Plcxd1	ENSMUSG00000064247	426	0.13	0.2	0.12	0.18	0.08	0.17
chr5	111081828	111083117	Noc4l	ENSMUSG00000033294	-194	0.28	0.21	0.11	0.15	0.16	0.21
chr5	115879304	115880976	Msi1	ENSMUSG00000054256	532	0.13	0.13	0.11	0.17	0.15	0.12
chr5	135499255	135499932	Stx1a	ENSMUSG00000007207	241	0.15	0.33	0.11	0.14	0.09	0.21
chr5	135869753	135870489	Pom121	ENSMUSG00000053293	259	0.13	0.16	0.1	0.17	0.09	0.11
chr5	144090632	144091033	Zdhhc4	ENSMUSG00000001844	36	0.23	0.21	0.11	0.19	0.13	0.21
chr5	145992309	145993144	Zfp655	ENSMUSG00000007812	134	0.2	0.32	0.12	0.2	0.15	0.2
chr5	148000187	148001027	Gsx1	ENSMUSG00000053129	335	0.1	0.14	0.1	0.13	0.12	0.13
chr5	17865550	17866566	Gnai1	ENSMUSG00000057614	173	0.1	0.15	0.08	0.14	0.2	0.13
chr5	20207693	20208620	Magi2	ENSMUSG00000073174	61	0.21	0.16	0.15	0.17	0.15	0.12
chr5	144670315	144671164	Aimp2	ENSMUSG00000029610	-86	0.19	0.2	0.12	0.12	0.14	0.21
chr5	28397515	28398334	Gm16719	ENSMUSG00000085535	-279	0.1	0.14	0.09	0.1	0.08	0.12
chr5	100858211	100858946	5430416N02Rik	ENSMUSG00000084877	-46	0.16	0.09	0.11	0.18	0.11	0.14
chr5	151467705	151468267	N4bp2l2	ENSMUSG00000029655	-65	0.21	0.35	0.13	0.15	0.34	0.13
chr5	31829327	31830023	Slc4a1ap	ENSMUSG00000029141	307	0.13	0.09	0.07	0.14	0.07	0.13
chr5	64040481	64041697	3110047P20Rik	ENSMUSG00000090061	510	0.24	0.2	0.1	0.18	0.19	0.17
chr5	65726594	65727038	Rfc1	ENSMUSG00000029191	-13	0.1	0.13	0.07	0.19	0.05	0.1
chr5	89104120	89105493	Grsf1	ENSMUSG00000044221	-589	0.39	0.35	0.13	0.21	0.32	0.15
chr5	115017135	115018443	BC057022	ENSMUSG00000041930	-236	0.13	0.1	0.1	0.14	0.11	0.13
chr5	118426677	118427361	Fbxo21	ENSMUSG00000032898	240	0.25	0.12	0.12	0.16	0.21	0.13
chr5	141124621	141124884	Ttyh3	ENSMUSG00000036565	233	0.15	0.11	0.07	0.1	0.12	0.19
chr5	20387293	20388589	Phf2	ENSMUSG00000039987	-78	0.18	0.15	0.08	0.1	0.14	0.11
chr5	113739398	113740013	Sgsm1	ENSMUSG00000042216	12	0.15	0.07	0.09	0.15	0.08	0.08
chr5	115729617	115729901	Coq5	ENSMUSG00000041733	84	0.12	0.09	0.07	0.12	0.07	0.1

chr5	130230799	130231380	Gbas	ENSMUSG00000029432	151	0.17	0.22	0.13	0.19	0.13	0.22
chr5	144225395	144225735	Daglb	ENSMUSG00000039206	204	0.18	0.4	0.14	0.21	0.13	0.16
chr5	144984304	144984797	Tecpr1	ENSMUSG00000066621	-134	0.18	0.16	0.08	0.22	0.13	0.15
chr5	38651512	38651863	Tmem128	ENSMUSG00000067365	64	0.14	0.25	0.12	0.5	1	0.26
chr5	24104357	24104800	Smarcd3	ENSMUSG00000028949	178	0.17	0.13	0.1	0.1	0.07	0.17
chr5	46060658	46061561	Ncapg	ENSMUSG00000015880	-52	0.12	0.22	0.13	0.24	0.18	0.24
chr5	123958244	123958943	Gm15751	ENSMUSG00000086753	189	1	0.19	0.11	0.19	0.19	0.14
chr5	134659816	134660521	Gtf2ird2	ENSMUSG00000015942	279	0.08	0.09	0.12	0.19	0.1	0.11
chr5	30890545	30891416	Kcnk3	ENSMUSG00000049265	437	0.14	0.16	0.09	0.19	0.17	0.13
chr5	30481354	30482244	Hadha	ENSMUSG00000025745	-297	1	1	0.1	0.15	0.2	0.17
chr5	34000226	34001484	Tmem129	ENSMUSG00000019295	-350	1	0.04	0.17	0.14	0.17	0.3
chr5	92511892	92512984	G3bp2	ENSMUSG00000029405	-495	0.19	0.1	0.12	0.13	0.16	0.17
chr5	121995115	121996057	Mapkapk5	ENSMUSG00000029454	-377	0.19	0.36	0.1	0.15	0.12	0.13
chr5	145844570	145844944	Arpc1a	ENSMUSG00000029621	58	0.25	0.17	0.08	0.15	0.11	0.23
chr5	37086714	37087578	D5Ertd579e	ENSMUSG00000029190	74	0.21	0.2	0.08	0.13	0.18	0.18
chr5	75970845	75972030	Kit	ENSMUSG00000005672	496	0.14	0.44	0.15	0.18	0.24	0.1
chr5	89315589	89316775	Slc4a4	ENSMUSG00000060961	339	0.33	0.24	0.12	0.18	0.29	0.13
chr5	116009272	116010087	Rplp0	ENSMUSG00000067274	203	0.17	0.21	0.1	0.13	0.21	0.21
chr5	25211375	25211720	Xrcc2	ENSMUSG00000028933	35	0.24	0.11	0.11	0.16	0.12	0.11
chr5	123464852	123465814	Orai1	ENSMUSG00000049686	250	0.08	0.13	0.1	0.14	0.06	0.14
chr5	125002558	125003199	Ddx55	ENSMUSG00000029389	5	0.14	0.2	0.09	0.17	0.09	0.15
chr5	149995689	149996691	Usp11	ENSMUSG00000041264	264	0.19	1	0.21	0.2	1	0.31
chr5	5559359	5559621	Gtpbp10	ENSMUSG00000040464	-29	0.22	0.15	0.08	0.11	0.17	0.15
chr5	31440421	31440998	Ucn	ENSMUSG00000038676	493	0.5	0.16	0.15	0.25	0.31	0.24
chr5	100927334	100927881	Lin54	ENSMUSG00000035310	-65	0.14	0.14	0.11	0.21	0.1	0.21
chr5	114550119	114550739	Usp30	ENSMUSG00000029592	87	0.15	0.21	0.1	0.16	0.12	0.13
chr5	140211884	140212328	Micall2	ENSMUSG00000036718	181	0.15	0.11	0.09	0.15	0.12	0.18
chr5	143667255	143668525	Actb	ENSMUSG00000029580	-390	0.25	0.22	0.11	0.2	0.21	0.18
chr5	120881820	120882480	Lhx5	ENSMUSG00000029595	371	0.08	0.1	0.11	0.12	0.06	0.11
chr5	91568453	91568868	Areg	ENSMUSG00000029378	19	0.16	0.1	0.1	0.12	0.11	0.14

chr5	99466164	99466454	Prkg2	ENSMUSG00000029334	61	0.46	0.53	0.06	0.22	0.32	0.18
chr5	99681471	99682252	Rasgef1b	ENSMUSG00000029333	85	0.16	0.17	0.12	0.15	0.11	0.13
chr5	101148428	101148706	Hpse	ENSMUSG00000035273	157	0.8	1	0.11	NA	0.4	0.35
chr5	149210794	149211586	Slc7a1	ENSMUSG00000041313	290	0.16	0.24	0.08	0.12	0.1	0.1
chr5	3802402	3803640	Ankib1	ENSMUSG00000040351	88	0.13	0.11	0.09	0.14	0.1	0.15
chr5	34892559	34892788	Sh3bp2	ENSMUSG00000054520	448	0.21	0.29	0.09	0.14	0.11	0.14
chr5	108329484	108330023	Rpl5	ENSMUSG00000058558	232	0.09	0.09	0.07	0.16	0.11	0.13
chr5	123678207	123678494	Psmc9	ENSMUSG00000029440	151	0.15	0.12	0.08	0.15	0.09	0.13
chr5	124380503	124380963	Ccdc62	ENSMUSG00000061882	35	0.5	1	0.18	0.16	0.34	0.2
chr5	137943473	137944242	Pop7	ENSMUSG00000029715	-204	0.13	0.17	0.09	0.2	0.09	0.12
chr5	138219989	138220981	Ppp1r35	ENSMUSG00000029725	408	0.18	0.24	0.16	0.23	0.15	0.19
chr5	23893528	23894248	Atg9b	ENSMUSG00000038295	-104	0.2	0.33	0.08	0.25	0.13	0.06
chr5	37139202	37139966	Cno	ENSMUSG00000060708	334	0.09	0.09	0.08	0.13	0.08	0.16
chr5	90795046	90795913	Ankrd17	ENSMUSG00000055204	-406	0.09	0.09	0.14	0.09	0.11	0.13
chr5	130697992	130698535	0610007L01Rik	ENSMUSG00000053094	-4	0.08	0.11	0.07	0.11	0.1	0.14
chr5	138721098	138721810	Gpc2	ENSMUSG00000029510	-268	0.33	0.16	0.11	0.2	0.07	0.14
chr5	38710479	38711166	Drd5	ENSMUSG00000039358	74	0.1	0.3	0.1	0.2	0.08	0.07
chr5	124357074	124357495	Denr	ENSMUSG00000023106	100	0.09	0.08	0.11	0.12	0.12	0.13
chr5	138596605	138596839	Zfp113	ENSMUSG00000037007	206	0.16	0.23	0.16	0.15	0.11	0.14
chr5	30950241	30950747	4930471M23Rik	ENSMUSG00000029175	188	0.2	0.82	0.12	0.13	0.09	0.14
chr5	33128030	33128452	Pisd	ENSMUSG00000023452	-11	0.25	0.27	0.07	0.12	0.1	0.18
chr5	66651188	66651554	Nsun7	ENSMUSG00000029206	114	0.15	0.2	0.1	0.16	0.1	0.15
chr5	99283766	99284438	Bmp3	ENSMUSG00000029335	644	0.11	0.24	0.09	0.13	0.15	0.11
chr5	115790827	115791485	Gatc	ENSMUSG00000029536	31	0.09	0.05	0.09	0.12	0.06	0.12
chr5	28117428	28118363	Paxip1	ENSMUSG0000002221	-16	0.11	0.12	0.07	0.09	0.1	0.11
chr5	67011421	67011814	Apbb2	ENSMUSG00000029207	-1550	0.17	0.39	0.08	0.15	0.06	0.09
chr5	76958330	76958677	Exoc1	ENSMUSG00000036435	167	0.33	0.34	0.21	0.2	0.19	0.17
chr5	104121214	104122011	Aff1	ENSMUSG00000029313	219	0.12	0.24	0.11	0.21	0.15	0.11
chr5	117768911	117769817	Gm10399	ENSMUSG00000072688	-113	0.14	0.19	0.11	0.2	0.1	0.17
chr5	149827071	149827435	Gm15411	ENSMUSG00000085971	136	0.16	0.18	0.13	0.2	0.24	0.16

chr5	21207023	21207706	Napepld	ENSMUSG00000044968	-152	0.31	0.27	0.12	0.18	0.25	0.15
chr5	108877649	108877925	Mfsd7a	ENSMUSG00000029490	123	1	1	0.16	0.35	0.2	0.26
chr5	109058422	109059070	Gak	ENSMUSG00000062234	-304	1	NA	0.2	0.38	0.54	0.15
chr5	139060672	139060998	Zfp68	ENSMUSG00000058291	46	0.11	0.22	0.1	0.16	0.25	0.12
chr5	34325773	34326788	Gm1673	ENSMUSG00000070858	194	0.15	0.3	0.12	0.22	0.28	0.13
chr5	104339780	104340383	Klhl8	ENSMUSG00000029312	197	0.12	0.14	0.15	0.15	0.16	0.17
chr5	121062529	121063482	1110008J03Rik	ENSMUSG00000029600	-426	0.32	0.21	0.13	0.2	0.27	0.19
chr5	118619190	118620227	Hrk	ENSMUSG00000046607	-65	0.13	0.14	0.09	0.13	0.1	0.15
chr5	23889236	23889547	Gm15587	ENSMUSG00000086769	9	0.06	0.1	0.08	0.06	0.04	0.16
chr5	31796970	31797356	Gpn1	ENSMUSG00000064037	49	0.13	0.17	0.09	0.13	0.11	0.13
chr5	92738580	92739144	Sdad1	ENSMUSG00000029415	188	0.19	0.15	0.12	0.18	0.24	0.13
chr5	138041483	138042306	Mospd3	ENSMUSG00000037221	42	0.29	0.15	0.16	0.22	0.24	0.16
chr5	23670689	23671157	Nupl2	ENSMUSG00000048439	142	0.15	0.21	0.09	0.18	0.19	0.09
chr5	118604993	118605534	Fbxw8	ENSMUSG00000032867	204	0.12	0.07	0.09	0.14	0.1	0.14
chr5	103853686	103854808	Ptpn13	ENSMUSG00000034573	36	0.11	0.09	0.1	0.15	0.17	0.14
chr5	37419412	37420549	Jakmip1	ENSMUSG00000063646	406	0.14	0.11	0.08	0.13	0.12	0.14
chr5	74042393	74042824	Spata18	ENSMUSG00000029155	-11	0.09	0.15	0.1	0.19	0.06	0.12
chr5	93696519	93697632	Ccng2	ENSMUSG00000029385	460	0.15	0.16	0.12	0.12	0.13	0.13
chr5	140864926	140865423	Snx8	ENSMUSG00000029560	42	0.13	0.16	0.07	0.1	0.15	0.11
chr5	144309543	144310047	2810453I06Rik	ENSMUSG00000048910	221	0.09	0.16	0.09	0.1	0.08	0.13
chr5	24605387	24607035	Prkag2	ENSMUSG00000028944	249	0.19	0.15	0.12	0.14	0.21	0.17
chr5	31171822	31172366	Tmem214	ENSMUSG00000038828	142	0.08	0.09	0.13	0.13	0.1	0.17
chr5	107354760	107355065	Hfm1	ENSMUSG00000043410	-3	0.37	NA	0.23	0.33	0.29	0.29
chr5	24031813	24033087	Gbx1	ENSMUSG00000067724	644	0.18	0.2	0.11	0.15	0.17	0.17
chr5	33361064	33362092	Ywhah	ENSMUSG00000018965	113	0.11	0.1	0.08	0.15	0.09	0.17
chr5	112736611	112737255	Tpst2	ENSMUSG00000029344	-378	0.94	0.92	0.91	0.87	0.96	0.92
chr5	124990557	124991549	Tmed2	ENSMUSG00000029390	349	0.1	0.19	0.1	0.12	0.08	0.13
chr5	148706099	148706680	Slc46a3	ENSMUSG00000029650	2	0.5	0.18	0.09	0.17	0.15	0.17
chr5	18732318	18732771	4921504A21Rik	ENSMUSG00000084779	-171	0.23	0.13	0.09	0.17	0.19	0.16
chr5	92934222	92934895	Scarb2	ENSMUSG00000029426	76	0.31	0.26	0.09	0.16	0.22	0.14

chr5	117041350	117041899	Srrm4	ENSMUSG00000063919	202	0.22	0.22	0.11	0.33	0.17	0.1
chr5	141082358	141082574	Lfng	ENSMUSG00000029570	-829	0.22	0.14	0.14	0.14	0.12	0.13
chr5	143721913	143722954	Fscn1	ENSMUSG00000029581	411	0.11	0.13	0.08	0.15	0.1	0.09
chr5	5749058	5749639	Steap1	ENSMUSG00000015652	-22	0.16	0.13	0.1	0.17	0.18	0.12
chr5	31350630	31351082	0610007C21Rik	ENSMUSG00000013622	171	0.25	0.11	0.14	0.14	0.14	0.08
chr5	33971664	33972599	Fam53a	ENSMUSG00000037339	-420	0.22	0.24	0.1	0.2	0.17	0.19
chr5	37632985	37633854	Crmp1	ENSMUSG00000029121	100	0.09	0.15	0.07	0.09	0.08	0.09
chr5	38611227	38612047	Zbtb49	ENSMUSG00000029127	-34	0.19	0.09	0.1	0.18	0.16	0.15
chr5	100157770	100158276	A930011G23Rik	ENSMUSG00000089809	-183	0.1	0.12	0.12	0.12	0.07	0.1
chr5	128938349	128938917	Tmem132d	ENSMUSG00000034310	304	0.08	0.1	0.09	0.12	0.09	0.11
chr5	144578502	144579158	Eif2ak1	ENSMUSG00000029613	173	1	0.77	0.18	0.24	0.31	0.14
chr5	89193862	89194488	Dck	ENSMUSG00000029366	154	0.18	0.23	0.12	0.17	0.2	0.15
chr5	76569214	76569660	Srd5a3	ENSMUSG00000029233	141	0.11	0.15	0.11	0.14	0.13	0.11
chr5	88993700	88993934	Rufy3	ENSMUSG00000029291	-248	0.13	0.29	0.14	0.09	0.07	0.12
chr5	96638951	96639332	Mrpl1	ENSMUSG00000029486	7	0.6	1	0.44	0.73	0.86	0.25
chr5	124933118	124933622	Snmp35	ENSMUSG00000029402	227	0.13	0.25	0.11	0.18	0.1	0.21
chr5	135582733	135583223	Mlxipl	ENSMUSG00000005373	217	0.17	0.06	0.09	0.14	0.13	0.08
chr5	144119255	144119552	Grid2ip	ENSMUSG00000010825	386	0.14	0.08	0.16	0.14	0.08	0.2
chr5	31396629	31396865	Gm9924	ENSMUSG00000053839	-610	1	0.31	0.21	0.17	0.31	0.28
chr5	64550595	64551731	Tbc1d1	ENSMUSG00000029174	473	0.28	0.18	0.11	0.14	0.23	0.17
chr5	115932806	115933115	Sirt4	ENSMUSG00000029524	-95	0.56	0.83	0.41	0.63	0.53	0.38
chr5	118291802	118292420	Nos1	ENSMUSG00000029361	-42	0.16	0.08	0.1	0.15	0.2	0.19
chr5	125956047	125956531	Aacs	ENSMUSG00000029482	105	0.11	0.12	0.07	0.11	0.09	0.16
chr5	32437295	32439211	Fosl2	ENSMUSG00000029135	-592	0.21	0.23	0.15	0.15	0.2	0.18
chr5	115108057	115108629	Trpv4	ENSMUSG00000014158	84	0.15	0.15	0.09	0.13	0.12	0.18
chr5	140251254	140251691	Ints1	ENSMUSG00000029547	160	0.17	0.13	0.11	0.14	0.14	0.11
chr5	64621334	64621957	Tbc1d1	ENSMUSG00000029174	107	0.23	0.26	0.14	0.24	0.2	0.25
chr5	81450355	81450868	Lphn3	ENSMUSG00000037605	-7	0.2	1	0.17	0.14	0.13	0.11
chr5	139856380	139856972	Gpr146	ENSMUSG00000044197	141	0.14	0.36	0.1	0.11	0.12	0.12
chr5	151325128	151325483	Brca2	ENSMUSG00000041147	100	0.12	0.23	0.08	0.13	0.15	0.13

chr5	8660244	8660528	Abcb1a	ENSMUSG00000040584	309	1	0.8	0.15	0.4	0.35	0.2
chr5	23950699	23951173	Fastk	ENSMUSG00000028959	68	0.07	0.08	0.07	0.1	0.05	0.11
chr5	147606501	147606820	Usp12	ENSMUSG00000029640	-78	0.5	0.15	0.26	0.08	0.63	0.15
chr5	23606262	23607020	Klhl7	ENSMUSG00000028986	233	0.05	0.27	0.11	0.13	0.09	0.19
chr5	124874864	124876171	Sbno1	ENSMUSG00000038095	60	0.24	0.3	0.16	0.2	0.22	0.2
chr5	108494520	108494927	Mtf2	ENSMUSG00000029267	30	0.2	0.18	0.08	0.25	0.12	0.09
chr5	125821176	125821548	Scarb1	ENSMUSG00000037936	27	0.14	0.17	0.09	0.19	0.06	0.12
chr5	8367751	8368260	Adam22	ENSMUSG00000040537	-23	0.14	0.11	0.06	0.25	0.09	0.14
chr5	67697846	67698716	Slc30a9	ENSMUSG00000029221	87	0.08	0.17	0.07	0.13	0.09	0.14
chr5	72894895	72895671	Corin	ENSMUSG00000005220	147	0.15	0.23	0.14	0.18	0.12	0.12
chr5	137994628	137994951	Actl6b	ENSMUSG00000029712	44	0.5	0.08	0.07	0.25	0.17	0.09
chr5	110564733	110565218	Chfr	ENSMUSG00000014668	116	0.22	0.15	0.12	0.34	0.16	0.31
chr5	135222952	135223165	Eln	ENSMUSG00000029675	53	0.08	0.19	0.04	0.11	0.06	0.08
chr5	144861115	144861877	Lmtk2	ENSMUSG00000038970	191	0.08	0.07	0.08	0.1	0.09	0.11
chr5	148671953	148672659	Pomp	ENSMUSG00000029649	102	0.26	0.2	0.14	0.14	0.23	0.21
chr5	36924172	36925119	Tbc1d14	ENSMUSG00000029192	-204	0.15	0.15	0.14	0.24	0.09	0.16
chr5	122804013	122804927	Rad9b	ENSMUSG00000038569	-229	0.08	0.05	0.16	0.15	0.06	0.16
chr5	35002512	35003693	Nop14	ENSMUSG00000036693	-305	0.12	0.09	0.09	0.16	0.11	0.13
chr5	90312173	90312725	Adamts3	ENSMUSG00000043635	-90	0.15	0.13	0.11	0.32	0.17	0.21
chr5	120953262	120953729	Plbd2	ENSMUSG00000029598	115	0.19	0.11	0.15	0.14	0.21	0.09
chr5	65928171	65929243	1110003E01Rik	ENSMUSG00000037822	-340	0.12	0.18	0.11	0.13	0.14	0.19
chr5	31013745	31014360	Dpysl5	ENSMUSG00000029168	115	0.5	0.49	0.1	0.21	0.42	0.14
chr5	102366357	102366574	Wdfy3	ENSMUSG00000043940	230	0.78	NA	0.71	NA	1	0.93
chr5	108152281	108153094	Gfi1	ENSMUSG00000029275	289	0.27	NA	0.15	0.33	0.2	0.21
chr5	113919523	113920126	Wscd2	ENSMUSG00000085571	52	0.09	0.11	0.1	0.16	0.08	0.13
chr5	144131674	144131936	Grid2ip	ENSMUSG00000010825	34	0.11	NA	0.1	0.08	0.22	0.11
chr5	21242988	21243226	Pmpcb	ENSMUSG00000029017	148	0.19	0.11	0.09	0.11	0.25	0.11
chr5	23930900	23931616	Slc4a2	ENSMUSG00000028962	208	0.22	0.41	0.09	0.11	0.18	0.09
chr5	24235914	24236660	Wdr86	ENSMUSG00000055235	211	0.12	0.15	0.14	0.07	0.14	0.18
chr5	90652620	90653122	Cox18	ENSMUSG00000035505	93	0.12	0.1	0.06	0.1	0.1	0.15

chr5	114541141	114541493	Svop	ENSMUSG00000042078	59	0.21	0.54	0.11	0.29	0.14	0.19
chr5	115569016	115569271	Acads	ENSMUSG00000029545	141	0.29	0.08	0.1	0.15	0.24	0.17
chr5	144288359	144289175	Rac1	ENSMUSG00000001847	94	0.13	0.13	0.12	0.17	0.12	0.11
chr5	148211482	148212129	Flt3	ENSMUSG000000042817	66	0.18	0.21	0.14	0.14	0.2	0.13
chr5	148536555	148538208	Flt1	ENSMUSG000000029648	183	0.08	0.11	0.11	0.13	0.07	0.15
chr5	32761163	32762138	Ppp1cb	ENSMUSG000000014956	303	0.1	0.17	0.09	0.09	0.09	0.14
chr5	135027740	135028131	Clip2	ENSMUSG000000063146	369	0.11	0.07	0.07	0.15	0.1	0.25
chr5	135462156	135463053	Cldn3	ENSMUSG000000070473	289	0.15	0.16	0.14	0.22	0.16	0.2
chr5	5514307	5515012	Cldn12	ENSMUSG000000046798	-210	0.19	0.14	0.09	0.19	0.2	0.14
chr5	8056390	8056751	Sri	ENSMUSG000000003161	43	0.17	0.06	0.06	0.24	0.06	0.16
chr5	30969252	30969588	Cenpa	ENSMUSG000000029177	161	0.14	0.17	0.09	0.1	0.08	0.11
chr5	108697716	108698348	Dr1	ENSMUSG000000029265	116	0.33	0.26	0.11	0.15	0.27	0.16
chr5	130175745	130176069	Zfp11	ENSMUSG000000051034	67	0.22	0.2	0.15	0.18	0.31	0.13
chr5	130417398	130418494	Vkorc111	ENSMUSG000000066735	-33	0.46	0.22	0.16	0.17	0.5	0.17
chr5	102498028	102499412	Wdfy3	ENSMUSG000000043940	220	0.14	0.14	0.1	0.12	0.14	0.12
chr5	18733210	18733565	Magi2	ENSMUSG000000040003	523	0.37	0.11	0.09	0.13	0.27	0.15
chr5	98610334	98610597	Prdm8	ENSMUSG000000035456	468	0.25	0.11	0.08	0.16	0.09	0.13
chr5	115577000	115577407	Unc119b	ENSMUSG000000046562	319	0.94	0.83	1	0.92	0.89	0.94
chr5	117838609	117839255	Rfc5	ENSMUSG000000029363	99	0.19	0.17	0.09	0.19	0.16	0.12
chr5	123610837	123611076	Setd1b	ENSMUSG000000038384	-1762	0.9	0.88	0.81	0.93	0.87	0.97
chr5	124022723	124023088	Vps33a	ENSMUSG000000029434	119	0.1	0.11	0.06	0.18	0.17	0.07
chr5	35399531	35400008	Dok7	ENSMUSG000000044716	232	0.22	0.33	0.12	0.11	0.25	0.09
chr5	45884413	45885006	Lap3	ENSMUSG000000039682	96	0.22	0.33	0.1	0.18	0.32	0.11
chr5	66154566	66156106	1700022K14Rik	ENSMUSG000000072918	-740	0.14	0.1	0.1	0.12	0.13	0.14
chr5	138696769	138697089	0910001L09Rik	ENSMUSG000000050552	93	0.25	NA	0.09	0.25	0.45	0.34
chr5	136438449	136439123	Srceb4d	ENSMUSG000000029699	-589	0.09	0.13	0.09	0.14	0.11	0.11
chr5	139468874	139472175	Pdgfra	ENSMUSG000000025856	-289	0.13	0.14	0.11	0.13	0.13	0.15
chr5	8996968	8997494	Crot	ENSMUSG000000003623	-189	0.17	0.15	0.1	0.2	0.16	0.19
chr5	33206042	33206591	Depdc5	ENSMUSG000000037426	-34	0.06	0.07	0.07	0.15	0.07	0.19
chr5	81448608	81449647	Lphn3	ENSMUSG000000037605	-36	0.13	0.1	0.09	0.15	0.11	0.14

chr5	104084357	104084837	1700016H13Rik	ENSMUSG00000029320	145	0.25	0.31	0.13	0.29	0.22	0.17
chr5	147396263	147396699	Gpr12	ENSMUSG00000041468	334	0.5	0.4	0.12	0.17	0.14	0.21
chr5	53174215	53174530	Zcchc4	ENSMUSG00000029179	78	0.14	0.64	0.08	0.11	0.11	0.13
chr5	108116945	108117229	Gm17717	ENSMUSG00000091666	-53	0.25	0.44	0.12	0.19	0.11	0.13
chr5	115273235	115273697	Gm20499	ENSMUSG00000092252	3	0.11	0.13	0.07	0.13	0.14	0.1
chr5	115584449	115585076	Unc119b	ENSMUSG00000046562	172	0.09	0.11	0.09	0.13	0.1	0.13
chr5	124539920	124540169	Abcb9	ENSMUSG00000029408	227	1	0.93	0.21	1	0.85	0.5
chr5	53604171	53604930	Sel1l3	ENSMUSG00000029189	141	0.08	0.24	0.1	0.13	0.09	0.15
chr5	115722670	115722892	Rnf10	ENSMUSG00000041740	120	0.12	0.1	0.07	0.16	0.09	0.12
chr5	121847868	121848436	Naa25	ENSMUSG00000042719	207	0.17	0.18	0.07	0.1	0.18	0.14
chr5	124545487	124546081	Abcb9	ENSMUSG00000029408	11	0.12	0.12	0.12	0.15	0.13	0.16
chr5	136719723	136720009	Sh2b2	ENSMUSG00000005057	907	0.09	0.14	0.14	0.16	0.11	0.17
chr5	88982786	88983743	Utp3	ENSMUSG00000070697	-244	0.11	0.16	0.16	0.15	0.09	0.11
chr5	141211465	141211753	Amz1	ENSMUSG00000050022	129	0.14	0.08	0.12	0.25	0.11	0.14
chr5	24191417	24191864	Nub1	ENSMUSG00000028954	7	0.18	0.14	0.11	0.18	0.2	0.15
chr5	33994520	33994547	Slbp	ENSMUSG00000004642	-43	0.13	0.27	0.1	0.16	0.08	0.13
chr5	36235819	36236246	Afap1	ENSMUSG00000029094	64	0.09	0.11	0.07	0.17	0.13	0.13
chr5	45841138	45841886	Qdpr	ENSMUSG00000015806	-308	0.08	0.12	0.09	0.13	0.08	0.16
chr5	74488937	74489545	2700023E23Rik	ENSMUSG00000053656	156	0.09	0.13	0.08	0.16	0.08	0.09
chr5	122499874	122500534	Cux2	ENSMUSG00000042589	-93	0.14	0.12	0.09	0.11	0.13	0.1
chr5	140267320	140268139	Mafk	ENSMUSG00000018143	262	0.23	0.21	0.22	0.16	0.18	0.13
chr5	28786412	28786630	9530036O11Rik	ENSMUSG000000086663	1707	0.2	0.08	0.06	0.19	0.32	0.15
chr5	98459542	98460342	Antxr2	ENSMUSG00000029338	39	0.12	0.1	0.13	0.15	0.11	0.15
chr5	111238597	111239241	Ulk1	ENSMUSG00000029512	197	0.08	0.09	0.1	0.15	0.08	0.14
chr5	135726098	135727357	Fzd9	ENSMUSG00000049551	373	0.1	0.2	0.1	0.22	0.09	0.12
chr5	116474176	116474735	Prkab1	ENSMUSG00000029513	-90	0.1	0.22	0.1	0.17	0.09	0.14
chr5	36872942	36873248	Tbc1d14	ENSMUSG00000029192	61	0.07	0.14	0.11	0.1	0.09	0.23
chr5	37636895	37637663	Crmp1	ENSMUSG00000029121	248	0.18	0.12	0.18	0.11	0.24	0.12
chr5	53982262	53982467	Rbpj	ENSMUSG00000039191	551	0.12	0.13	0.07	0.11	0.13	0.08
chr5	122734460	122735434	Pptc7	ENSMUSG00000038582	573	0.14	0.2	0.13	0.19	0.13	0.13

chr5	3647295	3647986	Gatad1	ENSMUSG00000007415	166	0.11	0.28	0.09	0.14	0.11	0.13
chr5	4104023	4104867	Cyp51	ENSMUSG00000001467	-102	0.15	0.29	0.07	0.37	0.16	0.19
chr5	5693744	5694312	Steap2	ENSMUSG000000015653	24	0.17	0.28	0.07	0.22	0.18	0.09
chr5	8798261	8798594	Gm5106	ENSMUSG000000084763	96	0.11	0.13	0.22	0.15	0.1	0.24
chr5	14514954	14515552	Pclo	ENSMUSG000000061601	335	0.1	0.1	0.09	0.11	0.1	0.12
chr5	20930869	20931385	Fam185a	ENSMUSG000000047221	308	0.2	0.11	0.07	0.25	0.2	0.12
chr5	21292438	21292872	Psmc2	ENSMUSG000000028932	1554	0.1	0.14	0.12	0.15	0.09	0.1
chr5	23293473	23293821	Rint1	ENSMUSG000000028999	118	0.15	0.14	0.09	0.19	0.16	0.18
chr5	23535776	23536430	Fam126a	ENSMUSG000000028995	20	0.08	0.14	0.1	0.12	0.08	0.14
chr5	24092303	24092844	Chpf2	ENSMUSG000000038181	14	1	NA	0.15	NA	1	0.35
chr5	25265729	25266049	Actr3b	ENSMUSG000000056367	74	0.19	NA	0.16	0.09	0.23	0.13
chr5	28643083	28644136	Rbm33	ENSMUSG000000048271	-52	0.1	0.17	0.12	0.13	0.1	0.1
chr5	30559004	30559560	Ept1	ENSMUSG000000075703	161	0.08	0.06	0.07	0.13	0.09	0.09
chr5	31190013	31190379	Agbl5	ENSMUSG000000029165	-871	0.09	0.09	0.09	0.15	0.08	0.17
chr5	31262334	31262796	Preb	ENSMUSG000000045302	60	0.15	0.17	0.12	0.21	0.15	0.2
chr5	31357097	31357575	Cad	ENSMUSG000000013629	183	0.09	0.15	0.12	0.23	0.09	0.17
chr5	31397229	31398025	Gm9924	ENSMUSG000000053839	270	0.08	0.22	0.12	0.16	0.07	0.14
chr5	31916303	31916608	Mrpl33	ENSMUSG000000029142	143	0.09	0.07	0.09	0.12	0.08	0.08
chr5	33677748	33678907	Maea	ENSMUSG000000079562	113	0.12	0.13	0.09	0.17	0.12	0.14
chr5	34511801	34512357	Haus3	ENSMUSG000000079555	15	0.2	0.12	0.15	0.21	0.5	0.15
chr5	34629838	34631375	Zfyve28	ENSMUSG000000037224	369	0.11	0.16	0.09	0.12	0.11	0.09
chr5	34856132	34856760	Tnip2	ENSMUSG000000059866	-137	1	0.29	0.1	0.11	0.57	0.15
chr5	34892177	34892446	Sh3bp2	ENSMUSG000000054520	86	0.13	0.33	0.09	0.1	0.12	0.2
chr5	35917250	35917835	2310079F23Rik	ENSMUSG000000029097	-219	0.12	0.14	0.11	0.13	0.12	0.15
chr5	39075452	39076095	Zfp518b	ENSMUSG000000046572	216	0.06	0.1	0.1	0.15	0.07	0.12
chr5	45911457	45911973	Med28	ENSMUSG000000015804	255	0.13	0.09	0.11	0.17	0.13	0.22
chr5	53009807	53010018	8030423F21Rik	ENSMUSG000000052295	338	0.5	0.19	0.07	0.11	0.37	0.21
chr5	53132770	53133234	Pi4k2b	ENSMUSG000000029186	176	0.17	0.15	0.11	0.09	0.15	0.12
chr5	53225272	53225517	Anapc4	ENSMUSG000000029176	29	0.1	0.08	0.09	0.13	0.07	0.14
chr5	53440394	53440664	Gm17182	ENSMUSG000000090642	-103	0.15	0.1	0.17	0.15	0.15	0.16

chr5	65782247	65782928	Rpl9	ENSMUSG00000047215	31	0.1	0.13	0.12	0.18	0.1	0.17
chr5	65826542	65827306	Ugdh	ENSMUSG00000029201	46	0.15	0.08	0.12	0.12	0.16	0.14
chr5	67009086	67009985	Apbb2	ENSMUSG00000029207	344	0.1	0.06	0.08	0.15	0.1	0.1
chr5	68238358	68238867	Gm15477	ENSMUSG00000087261	237	0.15	0.22	0.25	NA	0.13	0.14
chr5	69947994	69948557	Guf1	ENSMUSG00000029208	112	0.09	0.09	0.08	0.19	0.07	0.16
chr5	73259602	73260057	Tec	ENSMUSG00000029217	-194	0.07	0.09	0.12	0.13	0.08	0.19
chr5	73404681	73405382	Gm15847	ENSMUSG00000081849	293	0.12	0.11	0.13	0.31	0.11	0.12
chr5	74931418	74932057	Fip111	ENSMUSG00000029227	263	0.08	0.11	0.14	0.21	0.09	0.16
chr5	76373684	76373940	Kdr	ENSMUSG00000062960	641	0.25	0.15	0.12	0.19	0.12	0.17
chr5	77086559	77087425	C530008M17Rik	ENSMUSG00000036377	284	0.11	0.16	0.07	0.13	0.1	0.12
chr5	88994113	88994889	Rufy3	ENSMUSG00000029291	327	0.31	0.18	0.13	0.23	0.31	0.14
chr5	93521832	93523191	11-Sep	ENSMUSG00000058013	28	0.11	0.21	0.11	0.13	0.12	0.17
chr5	100947133	100947946	Cops4	ENSMUSG00000035297	211	0.17	0.11	0.15	0.24	0.1	0.13
chr5	101227196	101227933	Helq	ENSMUSG00000035266	-77	0.08	0.09	0.11	0.14	0.08	0.13
chr5	107832307	107832921	Ephx4	ENSMUSG00000033805	99	0.08	0.19	0.1	0.18	0.08	0.21
chr5	108153705	108155891	A430072P03Rik	ENSMUSG00000090030	621	0.26	0.38	0.14	0.2	0.25	0.19
chr5	108561104	108562008	Tmed5	ENSMUSG00000063406	-7	0.19	0.29	0.11	0.16	0.18	0.12
chr5	108889985	108890638	Pcgf3	ENSMUSG00000033623	60	0.09	0.15	0.11	0.1	0.09	0.14
chr5	110605515	110606100	Gm15787	ENSMUSG00000086247	-284	0.13	0.16	0.11	0.15	0.18	0.12
chr5	110659869	110660514	Ankle2	ENSMUSG00000029501	131	0.1	0.11	0.08	0.12	0.09	0.12
chr5	110698453	110699004	Pgam5	ENSMUSG00000029500	178	0.15	0.16	0.16	0.18	0.13	0.12
chr5	110771442	110772064	P2rx2	ENSMUSG00000029503	301	0.5	0.48	0.24	0.28	0.43	0.34
chr5	112755138	112755587	Tfip11	ENSMUSG00000029345	-16	0.12	0.06	0.13	0.15	0.11	0.13
chr5	114577437	114578294	Alkbh2	ENSMUSG00000044339	320	0.12	0.17	0.19	0.2	0.14	0.18
chr5	114580353	114581647	Ung	ENSMUSG00000029591	605	0.3	0.5	0.12	0.19	0.3	0.17
chr5	115157773	115158015	Tchp	ENSMUSG00000002486	66	1	0.21	0.12	0.2	0.5	0.15
chr5	115687934	115688429	Pop5	ENSMUSG00000060152	193	0.1	0.08	0.07	0.16	0.11	0.17
chr5	115777004	115777966	Srsf9	ENSMUSG00000029538	299	0.14	0.12	0.12	0.13	0.15	0.21
chr5	115939935	115940260	U4	ENSMUSG00000075779	-166	0.11	0.07	0.16	0.16	0.12	0.13
chr5	117807477	117807768	Wsb2	ENSMUSG00000029364	308	0.2	0.18	0.15	0.18	0.21	0.19

chr5	118694862	118695434	Rnfr2	ENSMUSG00000032850	-278	0.13	0.14	0.11	0.15	0.11	0.24
chr5	121835296	121835704	Trafd1	ENSMUSG00000042726	-131	0.1	0.08	0.1	0.12	0.09	0.1
chr5	122043171	122043697	Aldh2	ENSMUSG00000029455	155	1	0.44	0.23	1	1	0.21
chr5	122068901	122069165	Acad12	ENSMUSG00000042647	-86	0.5	0.2	0.09	0.1	0.17	0.09
chr5	123157526	123157949	P2rx4	ENSMUSG00000029470	144	0.18	0.3	0.14	0.1	0.2	0.22
chr5	123402179	123402615	Kdm2b	ENSMUSG00000029475	118	1	NA	0.14	1	1	0.63
chr5	123439121	123439396	Kdm2b	ENSMUSG00000029475	57	0.17	0.1	0.11	0.38	0.08	0.18
chr5	124199154	124199722	Rsrc2	ENSMUSG00000029422	-17	0.09	0.14	0.12	0.15	0.09	0.13
chr5	124927865	124928441	Rilpl2	ENSMUSG00000029401	222	0.12	0.1	0.1	0.25	0.13	0.13
chr5	125491681	125491949	Fam101a	ENSMUSG00000037962	1332	1	0.6	0.27	0.6	1	0.68
chr5	128097046	128097874	Slc15a4	ENSMUSG00000029416	136	0.11	0.09	0.14	0.23	0.1	0.14
chr5	130221260	130221588	Mrps17	ENSMUSG00000034211	52	0.25	0.25	0.11	0.13	0.5	0.2
chr5	130292903	130293595	Psph	ENSMUSG00000029446	-120	0.23	0.26	0.11	0.15	0.2	0.11
chr5	130620080	130621073	Kctd7	ENSMUSG00000034110	-155	0.17	0.15	0.11	0.15	0.15	0.2
chr5	134932601	134932817	Gtf2ird1	ENSMUSG00000023079	-128	0.11	0.1	0.12	0.17	0.06	0.14
chr5	135058448	135058804	Rfc2	ENSMUSG00000023104	66	0.11	0.27	0.11	0.14	0.09	0.15
chr5	135484736	135485702	Abhd11	ENSMUSG00000040532	197	0.07	1	0.19	0.14	0.11	0.16
chr5	135662558	135664058	Baz1b	ENSMUSG00000002748	174	0.13	0.12	0.1	0.14	0.13	0.17
chr5	136020796	136021170	Hip1	ENSMUSG00000039959	9	0.25	0.15	0.14	0.04	0.17	0.19
chr5	136219707	136220235	Tmem120a	ENSMUSG00000039886	107	0.2	0.22	0.18	0.2	0.19	0.16
chr5	136611508	136612143	Lrwd1	ENSMUSG00000029703	42	0.11	0.21	0.11	0.2	0.1	0.19
chr5	136674350	136674921	Prkrip1	ENSMUSG00000039737	143	0.14	0.11	0.09	0.05	0.08	0.12
chr5	137041309	137044929	Cux1	ENSMUSG00000029705	-1552	0.2	0.23	0.13	0.17	0.19	0.18
chr5	137395062	137395352	4933404O12Rik	ENSMUSG000000085062	191	0.1	0.06	0.11	0.24	0.1	0.09
chr5	138086336	138086713	Irs3	ENSMUSG00000047182	241	0.25	0.21	0.21	NA	0.35	0.34
chr5	138635596	138636304	Mblac1	ENSMUSG000000049285	408	0.14	0.08	0.1	0.16	0.09	0.15
chr5	139936324	139936679	3110082I17Rik	ENSMUSG000000053553	-45	1	NA	NA	1	1	1
chr5	139960140	139960567	Zfand2a	ENSMUSG000000053581	29	0.23	0.12	0.11	0.15	0.22	0.14
chr5	143026432	143027344	Radii	ENSMUSG00000029576	31	0.27	0.15	0.1	0.14	0.28	0.15
chr5	144125852	144126192	Grid2ip	ENSMUSG00000010825	435	0.1	NA	0.12	0.06	0.13	0.24

chr5	144775450	144775788	Ccz1	ENSMUSG00000029617	103	0.25	0.23	0.09	0.16	0.17	0.17
chr5	145927828	145928569	Ptcd1	ENSMUSG00000029624	-269	0.17	0.08	0.11	0.15	0.16	0.17
chr5	147656523	147657159	Rasi11a	ENSMUSG00000029641	194	0.1	0.31	0.1	0.1	0.08	0.16
chr5	148001391	148001845	Gsx1	ENSMUSG00000053129	1346	0.14	0.15	0.1	0.2	0.16	0.21
chr5	150438411	150439386	Hsph1	ENSMUSG00000029657	-152	0.08	0.09	0.09	0.14	0.09	0.11
chr5	152036061	152036419	Stard13	ENSMUSG00000016128	109	0.2	0.33	0.1	0.29	0.14	0.12
chr5	8367113	8367320	Adam22	ENSMUSG00000040537	766	NA	NA	0.13	0.12	NA	0.3
chr5	9266123	9266516	9330182L06Rik	ENSMUSG00000056004	192	NA	0.29	0.12	0.24	NA	0.16
chr5	14025265	14025475	Sema3e	ENSMUSG00000063531	94	NA	NA	0.16	NA	NA	0.31
chr5	20691971	20692323	Pion	ENSMUSG00000039934	62	NA	0.1	0.13	0.22	0.06	0.15
chr5	23218086	23218630	SNORD93	ENSMUSG00000080335	-1479	NA	NA	0.2	0.15	NA	0.18
chr5	23336908	23337370	4933427G23Rik	ENSMUSG00000086697	302	NA	NA	0.32	NA	NA	0.5
chr5	23349893	23350136	Tomm7	ENSMUSG00000028998	-35	NA	0.5	0.62	0.21	0.25	0.23
chr5	27144078	27144426	Dpp6	ENSMUSG00000061576	278	NA	0.17	0.11	0.27	0.42	0.13
chr5	28793305	28793579	9530036O11Rik	ENSMUSG00000086663	-82	0.56	NA	0.15	0.26	NA	0.33
chr5	29522033	29522833	Rnf32	ENSMUSG00000029130	-99	NA	0.1	0.07	0.32	0.08	0.25
chr5	31223771	31224086	Khk	ENSMUSG00000029162	-1	NA	0.55	0.15	0.22	0.2	0.22
chr5	31252251	31252471	Abhd1	ENSMUSG00000006638	-78	NA	NA	0.36	NA	NA	0.25
chr5	31439682	31439966	Gm15469	ENSMUSG00000085493	-107	NA	1	0.33	NA	NA	0.24
chr5	31481947	31482638	Gtf3c2	ENSMUSG00000029144	-10	1	0.17	0.04	0.23	NA	0.27
chr5	31504371	31504729	Zfp513	ENSMUSG00000043059	-135	NA	0.81	0.23	0.31	0.23	0.32
chr5	31553973	31554523	Krtcap3	ENSMUSG00000029149	184	NA	NA	0.81	0.83	0.67	0.5
chr5	31593387	31593697	Ift172	ENSMUSG00000038564	-55	NA	NA	0.08	0.09	1	0.18
chr5	33446859	33447262	Slc5a1	ENSMUSG00000011034	192	NA	NA	0.25	0.08	NA	0.41
chr5	34868355	34868782	Sh3bp2	ENSMUSG00000054520	81	NA	NA	0.3	0.54	0.67	0.73
chr5	35868066	35868325	Cpz	ENSMUSG00000036596	25	NA	0.5	0.08	NA	1	NA
chr5	36021621	36022070	Htra3	ENSMUSG00000029096	276	NA	0.11	0.1	0.1	0.07	0.09
chr5	37221723	37221969	Man2b2	ENSMUSG00000029119	46	NA	0.5	0.07	0.15	0.42	0.16
chr5	37729612	37729884	Evc2	ENSMUSG00000050248	31	NA	NA	NA	NA	1	0.33
chr5	46030313	46030780	9630001P10Rik	ENSMUSG00000085726	18	NA	NA	0.13	0.18	NA	0.13

chr5	48377360	48377629	Slit2	ENSMUSG000000031558	1261	NA	0.25	0.08	0.26	0.08	0.1
chr5	49915771	49916272	Kcnip4	ENSMUSG000000029088	-18	NA	0.4	0.12	0.07	NA	0.19
chr5	54200769	54200982	Tbc1d19	ENSMUSG000000039178	9	NA	0.2	0.18	0.12	0.05	0.22
chr5	58107072	58107444	4932441J04Rik	ENSMUSG000000085597	1900	0.11	0.08	0.22	0.14	NA	0.17
chr5	71487028	71487377	Gabra2	ENSMUSG000000000560	-114	1	0.07	0.12	0.19	NA	0.31
chr5	72048993	72049314	Gabra4	ENSMUSG000000029211	394	NA	0.14	0.07	0.17	0.05	0.16
chr5	74038580	74039126	Sgcb	ENSMUSG000000029156	99	NA	0.8	0.2	0.44	0.33	0.22
chr5	75473100	75473305	Gsx2	ENSMUSG000000092446	1575	NA	NA	0.12	0.08	NA	0.21
chr5	75547256	75547462	Pdgfra	ENSMUSG000000029231	-957	NA	0.6	NA	0.33	0.56	NA
chr5	75548848	75549418	Pdgfra	ENSMUSG000000029231	817	NA	0.64	0.15	0.43	0.33	0.11
chr5	77334320	77334672	Aasdh	ENSMUSG000000055923	-81	NA	NA	1	NA	1	NA
chr5	90311492	90311726	Adamts3	ENSMUSG000000043635	750	NA	NA	0.27	0.6	1	0.45
chr5	91946639	91947010	Parm1	ENSMUSG000000034981	183	NA	NA	0.06	0.18	NA	0.12
chr5	92391614	92392205	Rchy1	ENSMUSG000000029397	-148	NA	0.12	0.07	0.11	0.06	0.22
chr5	92705932	92706182	Naaa	ENSMUSG000000029413	1134	NA	NA	NA	NA	1	NA
chr5	92821366	92821664	Art3	ENSMUSG000000034842	-96	NA	NA	0.4	NA	NA	1
chr5	93112422	93112779	Shroom3	ENSMUSG000000029381	139	NA	NA	NA	NA	0.5	0.5
chr5	107393155	107393833	Cdc7	ENSMUSG000000029283	153	NA	0.16	0.07	0.12	0.14	0.1
chr5	107717841	107718682	Tgfbr3	ENSMUSG000000029287	353	NA	0.62	0.15	0.23	0.3	0.18
chr5	107760032	107760263	Brdt	ENSMUSG000000029279	-31	NA	1	NA	1	NA	NA
chr5	109089586	109090086	Dgkq	ENSMUSG000000004815	-6	NA	0.89	0.18	0.24	0.33	0.16
chr5	111209243	111209685	Pus1	ENSMUSG000000029507	146	NA	NA	0.06	0.22	1	0.21
chr5	111268436	111268875	Hscb	ENSMUSG000000043510	-61	NA	NA	0.09	0.16	NA	0.24
chr5	112705176	112706120	Tpst2	ENSMUSG000000029344	-63	1	NA	0.21	0.13	NA	0.2
chr5	113444394	113444637	Adrbk2	ENSMUSG000000042249	19	NA	0.19	0.14	0.34	0.07	0.1
chr5	115886503	115886914	4930430O22Rik	ENSMUSG000000057354	-93	0.27	0.14	0.13	0.2	NA	0.16
chr5	115941941	115942313	Gm13836	ENSMUSG000000081282	337	NA	0.62	0.12	0.21	0.53	0.18
chr5	120566390	120566685	Rbm19	ENSMUSG000000029594	18	NA	0.13	0.07	0.12	0.1	0.13
chr5	121654505	121655011	Rpl6	ENSMUSG000000029614	228	NA	0.24	0.12	0.5	0.33	0.15
chr5	123270924	123271345	Anapc5	ENSMUSG000000029472	214	NA	0.13	0.17	0.23	0.07	0.18

chr5	123401790	123401993	Kdm2b	ENSMUSG00000029475	108	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr5	123437542	123437820	Kdm2b	ENSMUSG00000029475	861	NA	NA	0.2	0.5	NA	1
chr5	123582282	123582495	Rhof	ENSMUSG00000029449	50	NA	NA	NA	NA	NA	0.2
chr5	123591145	123591402	Al480526	ENSMUSG00000090086	-175	NA	0.06	0.09	0.11	0.13	0.15
chr5	123939282	123939487	Lrrc43	ENSMUSG00000063409	50	NA	NA	0.15	0.12	NA	0.25
chr5	124481934	124482433	Vps37b	ENSMUSG00000066278	86	NA	0.07	0.11	0.22	0.16	0.19
chr5	124561938	124562485	Gm16001	ENSMUSG00000085433	15	0.2	0.14	0.1	0.16	NA	0.13
chr5	124571342	124571588	Pitpm2	ENSMUSG00000029406	644	NA	1	0.91	NA	1	0.9
chr5	125028932	125029246	Eif2b1	ENSMUSG00000029388	-88	NA	0.14	0.09	0.22	0.1	0.14
chr5	125079713	125079952	Atp6v0a2	ENSMUSG00000038023	159	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr5	125205422	125205712	Dnahc10	ENSMUSG00000038011	112	NA	0.12	0.17	0.5	1	0.22
chr5	129241911	129242223	Piwil1	ENSMUSG00000029423	-54	NA	NA	1	NA	NA	1
chr5	130371451	130371877	2410018M08Rik	ENSMUSG00000034173	71	0.23	0.23	0.13	0.26	NA	0.1
chr5	130478455	130478667	Gusb	ENSMUSG00000025534	170	0.14	NA	0.08	0.21	NA	0.2
chr5	133950957	133951204	Gm10051	ENSMUSG00000058905	87	1	NA	1	NA	NA	1
chr5	134575495	134575984	Gatsl2	ENSMUSG00000015944	158	NA	0.2	0.12	0.13	0.18	0.17
chr5	135408183	135408446	Wbscr27	ENSMUSG00000040557	76	NA	NA	0.3	NA	NA	0.5
chr5	136108538	136108841	Rhbdd2	ENSMUSG00000039917	115	NA	NA	1	0.33	NA	NA
chr5	136363933	136364258	Hspb1	ENSMUSG00000004951	166	NA	1	0.05	NA	NA	0.12
chr5	136441392	136441741	Srceb4d	ENSMUSG00000029699	178	1	NA	NA	1	NA	NA
chr5	136470662	136471067	Dtx2	ENSMUSG00000004947	194	0.67	1	0.25	0.2	NA	0.25
chr5	136578163	136578517	Rasa4	ENSMUSG00000004952	-1424	NA	NA	0.1	0.07	0.09	0.09
chr5	136646380	136646608	Orai2	ENSMUSG00000039747	32	NA	NA	1	1	NA	1
chr5	137730288	137730492	Ache	ENSMUSG00000023328	74	NA	0.24	0.12	0.14	0.22	0.14
chr5	137735643	137735869	Ufsp1	ENSMUSG00000051502	-141	0.5	0.08	0.06	0.06	NA	0.14
chr5	137791290	137791840	Ephb4	ENSMUSG00000029710	228	NA	NA	0.15	0.11	0.06	0.11
chr5	138070158	138070800	Fbxo24	ENSMUSG00000089984	-295	NA	NA	0.11	0.18	0.27	0.22
chr5	138182465	138183102	6430598A04Rik	ENSMUSG00000045348	52	NA	NA	NA	1	1	NA
chr5	138228868	138229738	Zcwpw1	ENSMUSG00000037108	277	0.88	1	0.19	NA	NA	0.43
chr5	138558062	138558382	Zscan21	ENSMUSG00000037017	91	1	0.17	0.13	0.11	NA	0.11

chr5	139820983	139821282	Cox19	ENSMUSG00000045438	-53	0.11	NA	0.06	0.14	NA	0.1
chr5	140302527	140302977	Psmg3	ENSMUSG00000029551	45	NA	NA	0.23	NA	NA	0.13
chr5	140894463	140894778	Eif3b	ENSMUSG00000056076	-639	NA	NA	0.09	NA	0.06	0.18
chr5	140981445	140981714	Chst12	ENSMUSG00000036599	75	NA	NA	NA	NA	NA	0.62
chr5	143084561	143084818	Mmd2	ENSMUSG00000039533	65	NA	0.86	0.09	0.17	0.26	0.15
chr5	145522329	145522531	Tmem130	ENSMUSG00000043388	88	NA	0.5	0.12	NA	0.37	NA
chr5	147775093	147775383	Mtif3	ENSMUSG00000016510	81	NA	0.13	0.09	0.16	0.07	0.19
chr5	148673993	148674272	Pomp	ENSMUSG00000029649	1928	1	NA	NA	NA	NA	NA
chr5	150099039	150099373	Alox5ap	ENSMUSG00000060063	215	NA	NA	1	NA	NA	0.5
chr6	54922323	54922709	Nod1	ENSMUSG00000038058	90	0.72	0.17	0.1	0.16	0.12	0.15
chr6	72388912	72390040	Mat2a	ENSMUSG00000053907	57	1	0.26	0.08	0.19	0.16	0.22
chr6	125263672	125264116	Ltbr	ENSMUSG00000030339	9	0.32	0.26	0.15	0.2	0.12	0.27
chr6	88396039	88396692	Eefsec	ENSMUSG00000033216	156	0.36	0.16	0.09	0.13	0.1	0.08
chr6	5446015	5446279	Pdk4	ENSMUSG00000019577	128	0.79	0.25	0.11	0.39	0.08	0.21
chr6	4852881	4853874	Ppp1r9a	ENSMUSG00000032827	460	0.5	0.23	0.15	0.2	0.1	0.15
chr6	54631424	54632372	2410066E13Rik	ENSMUSG00000038065	164	0.59	0.35	0.11	0.21	0.16	0.17
chr6	53767858	53771092	Gm16499	ENSMUSG00000078169	-494	0.21	0.13	0.15	0.18	0.12	0.15
chr6	8901048	8901510	Nxph1	ENSMUSG00000046178	1603	1	0.16	0.11	0.14	0.15	0.12
chr6	122824412	122825059	Necap1	ENSMUSG00000030327	243	0.12	0.14	0.1	0.13	0.52	0.12
chr6	86475134	86477360	Pcbp1	ENSMUSG00000051695	-82	0.24	0.12	0.11	0.15	0.11	0.17
chr6	120442302	120444034	Cecr6	ENSMUSG00000072800	809	0.14	0.18	0.12	0.18	0.3	0.12
chr6	39523727	39524237	Adck2	ENSMUSG00000046947	110	0.62	0.59	0.14	0.22	0.21	0.24
chr6	124813601	124813977	Gpr162	ENSMUSG00000038390	-59	0.29	0.63	0.13	0.16	0.51	0.13
chr6	48543725	48544310	Repin1	ENSMUSG00000052751	135	0.58	0.13	0.13	0.15	0.14	0.11
chr6	85400976	85402279	1700040I03Rik	ENSMUSG00000030008	-432	0.37	0.18	0.11	0.12	0.08	0.23
chr6	146526148	146526821	4933424B01Rik	ENSMUSG00000040250	-127	0.15	0.35	0.1	0.16	0.6	0.17
chr6	7642982	7643332	Asns	ENSMUSG00000029752	-47	0.14	0.36	0.16	0.2	0.4	0.13
chr6	106749833	106750189	Crbn	ENSMUSG00000005362	44	0.27	0.09	0.07	0.09	0.1	0.13
chr6	127403469	127404044	Parp11	ENSMUSG00000037997	114	0.68	0.17	0.12	0.18	0.19	0.16
chr6	72848693	72850414	Kcmf1	ENSMUSG00000055239	420	0.18	0.15	0.12	0.16	0.09	0.14

chr6	17015000	17015543	Tes	ENSMUSG00000029552	122	0.32	0.22	0.08	0.1	0.06	0.15
chr6	106719109	106719448	Trnt1	ENSMUSG00000013736	164	0.41	0.11	0.13	0.13	0.06	0.18
chr6	51220351	51221201	Mir148a	ENSMUSG00000065505	-867	0.19	0.18	0.1	0.12	0.07	0.13
chr6	86799538	86799934	Aak1	ENSMUSG00000057230	114	0.64	0.2	0.13	0.13	0.26	0.19
chr6	64678985	64680256	Atoh1	ENSMUSG00000073043	480	0.5	0.22	0.11	0.14	0.13	0.24
chr6	38586348	38587221	Klrg2	ENSMUSG00000071537	455	0.27	0.3	0.1	0.12	0.1	0.17
chr6	140372243	140373616	Plekha5	ENSMUSG00000030231	309	0.35	0.21	0.09	0.14	0.15	0.13
chr6	118369187	118369867	Bms1	ENSMUSG00000030138	-92	0.19	0.14	0.1	0.14	0.06	0.16
chr6	94232819	94234752	Magi1	ENSMUSG00000045095	-469	0.27	0.2	0.12	0.14	0.11	0.13
chr6	107479688	107480205	Lrrn1	ENSMUSG00000034648	167	0.17	0.14	0.07	0.1	0.39	0.14
chr6	97098447	97098990	A130022J15Rik	ENSMUSG00000035245	159	0.38	0.28	0.12	0.18	0.17	0.18
chr6	90319441	90320680	Zxdc	ENSMUSG00000034430	574	0.27	0.22	0.11	0.15	0.15	0.16
chr6	33009887	33010308	Chchd3	ENSMUSG00000053768	120	0.5	0.38	0.1	0.17	0.13	0.15
chr6	57774462	57775222	Vopp1	ENSMUSG00000037788	-208	0.42	0.24	0.08	0.15	0.13	0.18
chr6	56873582	56874052	Nt5c3	ENSMUSG00000029780	-4	0.3	0.22	0.08	0.12	0.08	0.14
chr6	85282547	85283516	Sfxn5	ENSMUSG00000033720	-287	0.11	0.1	0.13	0.26	0.26	0.21
chr6	142335359	142336146	Recql	ENSMUSG00000030243	-258	0.2	0.28	0.14	0.18	0.09	0.15
chr6	63205991	63207717	Grid2	ENSMUSG00000071424	854	0.22	0.27	0.12	0.15	0.11	0.17
chr6	100236494	100238224	Rybp	ENSMUSG00000072872	76	0.23	0.2	0.1	0.11	0.14	0.13
chr6	13557563	13558141	Tmem168	ENSMUSG00000029569	-104	0.45	0.15	0.08	0.1	0.17	0.13
chr6	134516818	134517448	Lrp6	ENSMUSG00000030201	-202	0.19	0.17	0.14	0.15	0.09	0.11
chr6	7794531	7795147	C1galt1	ENSMUSG00000042460	-3	0.18	0.09	0.08	0.13	0.08	0.12
chr6	83058997	83059663	Gm15605	ENSMUSG00000087578	-283	0.25	0.15	0.1	0.16	0.09	0.14
chr6	136351570	136351793	E330021D16Rik	ENSMUSG00000045291	171	0.81	0.95	0.87	0.97	0.93	0.97
chr6	148159941	148160952	Ergic2	ENSMUSG00000030304	53	0.9	0.42	0.13	0.2	0.32	0.14
chr6	100783459	100784330	Ppp4r2	ENSMUSG00000052144	262	0.3	0.15	0.08	0.11	0.16	0.14
chr6	34730395	34731021	Agbl3	ENSMUSG00000038836	276	0.36	0.12	0.16	0.14	0.05	0.13
chr6	86618686	86619606	Mxd1	ENSMUSG00000001156	7	0.21	0.27	0.11	0.14	0.07	0.11
chr6	135147893	135148398	8430419L09Rik	ENSMUSG00000030207	150	0.15	0.09	0.08	0.13	0.06	0.12
chr6	64992530	64993107	Smarcad1	ENSMUSG00000029920	157	0.44	0.35	0.17	0.22	0.15	0.3

chr6	17643885	17644907	St7	ENSMUSG00000029534	449	0.19	0.18	0.09	0.16	0.11	0.11
chr6	137683457	137684123	Strap	ENSMUSG00000030224	191	0.31	0.12	0.06	0.15	0.15	0.14
chr6	13788658	13789075	Gpr85	ENSMUSG00000048216	-412	0.75	0.2	0.12	0.28	0.11	0.19
chr6	42274106	42274859	Fam131b	ENSMUSG00000029861	109	0.26	0.17	0.14	0.16	0.09	0.15
chr6	58856717	58857141	Nap115	ENSMUSG00000055430	191	0.52	0.45	0.47	0.44	0.29	0.54
chr6	113026295	113027805	Gt(ROSA)26Sor	ENSMUSG00000086429	121	0.23	0.32	0.12	0.16	0.13	0.13
chr6	71582069	71583570	Kdm3a	ENSMUSG00000053470	-139	1	0.33	0.16	0.25	0.2	0.26
chr6	124807004	124807744	Leprel2	ENSMUSG00000023191	373	0.12	0.09	0.09	0.12	0.05	0.12
chr6	113233112	113233407	Cpne9	ENSMUSG00000030270	900	0.48	0.16	0.31	0.28	0.08	0.22
chr6	125081635	125082312	Nop2	ENSMUSG00000038279	72	0.5	0.12	0.1	0.52	0.06	0.22
chr6	54987872	54988418	Gars	ENSMUSG00000029777	150	0.17	0.67	0.12	0.47	0.83	0.1
chr6	113276701	113277007	Gm15492	ENSMUSG00000085012	-113	0.73	0.6	0.11	0.24	0.29	0.16
chr6	137597189	137597883	Eps8	ENSMUSG00000015766	185	0.28	0.18	0.12	0.11	0.15	0.17
chr6	82723246	82724812	Hk2	ENSMUSG0000000628	-672	0.31	0.21	0.14	0.17	0.13	0.2
chr6	133984957	133986290	Etv6	ENSMUSG00000030199	-95	0.11	0.11	0.11	0.12	0.24	0.17
chr6	47544208	47545635	Ezh2	ENSMUSG00000029687	108	0.3	0.24	0.12	0.2	0.12	0.16
chr6	48395274	48395644	Zfp467	ENSMUSG00000068551	-102	1	0.29	0.16	0.19	0.26	0.18
chr6	51418853	51421251	Hnrmpa2b1	ENSMUSG00000004980	-159	0.2	0.15	0.14	0.16	0.1	0.16
chr6	47403876	47405200	Cul1	ENSMUSG00000029686	635	0.18	0.11	0.09	0.12	0.12	0.11
chr6	125141416	125142193	Ncapd2	ENSMUSG00000038252	-191	0.44	0.27	0.11	0.14	0.12	0.14
chr6	88148410	88149824	Gata2	ENSMUSG00000015053	459	0.13	0.18	0.12	0.12	0.08	0.11
chr6	120866408	120866993	Bid	ENSMUSG00000004446	116	0.35	0.15	0.09	0.17	0.11	0.14
chr6	50516266	50516887	Cycs	ENSMUSG00000063694	-39	0.21	0.62	0.16	0.27	0.46	0.15
chr6	113327515	113328612	Tada3	ENSMUSG00000048930	-330	0.34	0.34	0.17	0.2	0.21	0.17
chr6	49163758	49165543	Igf2bp3	ENSMUSG00000029814	303	0.15	0.2	0.12	0.17	0.09	0.16
chr6	38203804	38204565	D630045J12Rik	ENSMUSG00000063455	-175	0.17	0.12	0.1	0.17	0.1	0.16
chr6	83027877	83028787	Pcgf1	ENSMUSG00000069678	-8	0.4	0.13	0.1	0.15	0.16	0.16
chr6	113144941	113145329	Lhfpl4	ENSMUSG00000042873	243	0.21	0.14	0.11	0.13	0.07	0.11
chr6	35127410	35128159	Nup205	ENSMUSG00000038759	339	0.16	0.08	0.11	0.15	0.09	0.12
chr6	119125158	119125738	Dcp1b	ENSMUSG00000041477	178	0.17	0.09	0.1	0.15	0.06	0.14

chr6	38612933	38613382	Clec2l	ENSMUSG00000079598	88	0.15	0.06	0.08	0.11	0.08	0.11
chr6	85324011	85324646	Rab11fip5	ENSMUSG00000051343	300	0.35	0.33	0.16	0.2	0.18	0.18
chr6	38303832	38304843	Zc3hav1	ENSMUSG00000029826	-64	0.41	0.27	0.14	0.17	0.14	0.14
chr6	120772446	120772870	Atp6v1e1	ENSMUSG00000019210	45	0.67	0.14	0.1	0.16	0.15	0.16
chr6	83712845	83713283	Ankrd53	ENSMUSG00000014747	204	0.46	NA	0.37	1	0.83	0.34
chr6	113841260	113841556	Atp2b2	ENSMUSG00000030302	-44	0.37	0.5	0.08	0.11	0.16	0.12
chr6	122769766	122770332	Foxj2	ENSMUSG00000003154	117	0.19	0.23	0.1	0.12	0.1	0.14
chr6	128093297	128093591	Tspan9	ENSMUSG00000030352	127	0.26	0.3	0.11	0.15	0.14	0.15
chr6	12698826	12699436	Thsd7a	ENSMUSG00000032625	122	0.11	0.26	0.1	0.14	0.24	0.18
chr6	65728876	65729332	Prdm5	ENSMUSG00000029913	122	0.19	0.17	0.12	0.18	0.1	0.18
chr6	89311666	89313160	Plxna1	ENSMUSG00000030084	194	0.13	0.1	0.09	0.13	0.07	0.1
chr6	72184368	72185593	Atoh8	ENSMUSG00000037621	591	0.19	0.21	0.09	0.14	0.13	0.14
chr6	13019762	13020109	Tmem106b	ENSMUSG00000029571	119	0.14	0.26	0.07	0.14	0.07	0.09
chr6	57652747	57653375	Lanc12	ENSMUSG00000062190	16	0.21	0.12	0.06	0.11	0.07	0.12
chr6	113646822	113648030	Tatdn2	ENSMUSG00000056952	382	0.28	0.13	0.12	0.18	0.17	0.2
chr6	82602523	82603211	Pole4	ENSMUSG00000030042	-3	0.11	0.27	0.16	0.17	0.28	0.12
chr6	83267273	83267634	Mthfd2	ENSMUSG00000005667	147	0.08	0.21	0.1	0.12	0.22	0.09
chr6	88824235	88825226	Podxl2	ENSMUSG00000033152	-359	0.14	0.08	0.08	0.12	0.07	0.17
chr6	88674233	88675136	Mgll	ENSMUSG00000033174	278	0.13	0.11	0.07	0.1	0.05	0.11
chr6	71443742	71444653	Rnf103	ENSMUSG00000052656	309	0.1	0.09	0.07	0.11	0.06	0.12
chr6	134869943	134871282	Cdkn1b	ENSMUSG00000030331	193	0.47	0.11	0.12	0.16	0.19	0.18
chr6	125114819	125115765	Gapdh	ENSMUSG000000057666	-358	0.26	0.1	0.12	0.17	0.07	0.11
chr6	47870657	47870986	Zfp212	ENSMUSG000000052763	346	0.13	0.25	0.09	0.16	0.07	0.12
chr6	72297211	72297716	0610030E20Rik	ENSMUSG000000058706	152	0.17	0.24	0.09	0.24	0.1	0.18
chr6	120413193	120413852	Il17ra	ENSMUSG00000002897	307	0.07	0.11	0.07	0.15	0.11	0.11
chr6	24905038	24906261	Tmem229a	ENSMUSG000000090045	91	0.09	0.11	0.1	0.16	0.14	0.1
chr6	29114556	29114852	Rbm28	ENSMUSG00000029701	302	0.18	0.07	0.08	0.11	0.08	0.1
chr6	99828141	99828428	Tpt1-ps3	ENSMUSG000000084319	44	0.98	0.98	0.95	0.95	0.89	0.96
chr6	124779269	124779632	Usp5	ENSMUSG000000038429	-24	0.31	0.28	0.18	0.22	0.08	0.12
chr6	146673322	146674142	Stk38l	ENSMUSG00000001630	215	0.5	0.32	0.22	0.19	0.3	0.22

chr6	55067384	55068150	Crrh2	ENSMUSG00000003476	-2	0.11	0.18	0.1	0.15	0.22	0.11
chr6	81873603	81874022	AW146020	ENSMUSG000000035125	149	0.1	0.11	0.09	0.18	0.16	0.12
chr6	34827747	34828253	3110062M04Rik	ENSMUSG000000046806	9	0.17	0.14	0.12	0.18	0.06	0.18
chr6	88146370	88147395	Gata2	ENSMUSG000000015053	-1776	1	0.22	0.24	0.28	0.34	0.28
chr6	89593925	89594736	Txnrd3	ENSMUSG000000000811	348	0.19	0.19	0.1	0.14	0.11	0.12
chr6	112996129	112996609	Thumpd3	ENSMUSG000000030264	150	0.11	0.21	0.13	0.14	0.04	0.12
chr6	116158006	116158509	D6Wsu116e	ENSMUSG000000024104	206	0.68	0.65	0.18	0.19	0.37	0.23
chr6	131338228	131338634	Csda	ENSMUSG000000030189	-200	0.1	0.07	0.08	0.12	0.04	0.09
chr6	56747248	56747869	Kbtbd2	ENSMUSG000000059486	-285	0.1	0.09	0.07	0.1	0.06	0.12
chr6	59158728	59159151	Tigd2	ENSMUSG000000049232	75	0.13	0.13	0.12	0.12	0.07	0.13
chr6	118088885	118089273	Csgalnact2	ENSMUSG000000042042	79	0.36	0.64	0.18	0.45	0.16	0.22
chr6	101327164	101328081	Pdzrn3	ENSMUSG000000035357	-286	0.19	0.05	0.07	0.12	0.08	0.11
chr6	124661939	124662824	Emg1	ENSMUSG000000004268	-294	0.09	0.28	0.09	0.14	0.21	0.14
chr6	8898489	8899356	Nxph1	ENSMUSG000000046178	308	0.23	0.15	0.1	0.14	0.1	0.13
chr6	50405485	50406117	Osbpl3	ENSMUSG000000029822	343	0.18	0.07	0.09	0.12	0.1	0.16
chr6	83065389	83065897	Mogs	ENSMUSG000000030036	153	0.26	0.18	0.09	0.15	0.15	0.12
chr6	88034332	88035113	Rpn1	ENSMUSG000000030062	255	0.31	0.37	0.09	0.18	0.09	0.12
chr6	128250230	128250966	Tead4	ENSMUSG000000030353	158	0.17	0.11	0.13	0.15	0.1	0.14
chr6	87930357	87931982	Gm5577	ENSMUSG000000084950	292	0.17	0.16	0.1	0.13	0.12	0.13
chr6	52590047	52590482	Hibadh	ENSMUSG000000029776	92	0.33	0.41	0.13	0.16	0.1	0.13
chr6	31166144	31166980	AB041803	ENSMUSG000000044471	1871	0.45	0.25	0.12	0.15	0.11	0.16
chr6	30253905	30254610	Ube2h	ENSMUSG000000039159	265	0.45	0.18	0.11	0.18	0.17	0.19
chr6	84055590	84055965	Dysf	ENSMUSG000000033788	410	0.25	0.25	0.23	0.14	0.06	0.13
chr6	119987071	119988876	Wnk1	ENSMUSG000000045962	-296	0.07	0.09	0.1	0.13	0.12	0.13
chr6	81915591	81915890	Mrpl19	ENSMUSG000000030045	-105	0.38	0.31	0.11	0.14	0.63	0.15
chr6	143115359	143116477	Etnk1	ENSMUSG000000030275	168	0.31	0.25	0.11	0.15	0.23	0.16
chr6	97128796	97129369	Tmf1	ENSMUSG000000030059	-51	0.12	0.14	0.08	0.13	0.06	0.1
chr6	88468499	88469150	Sec61a1	ENSMUSG000000030082	-57	0.18	0.12	0.11	0.15	0.13	0.11
chr6	91928780	91929166	Fgd5	ENSMUSG000000034037	101	0.22	0.19	0.12	0.15	0.1	0.1
chr6	115803308	115803825	Mbd4	ENSMUSG000000030322	-183	0.2	NA	0.07	0.17	0.08	0.13

chr6	30846366	30846954	Copg2	ENSMUSG00000025607	-234	0.33	0.27	0.12	0.13	0.2	0.12
chr6	39507240	39508083	Dennd2a	ENSMUSG00000038456	205	0.12	0.16	0.11	0.15	0.07	0.14
chr6	48035915	48036846	Zfp746	ENSMUSG00000057691	212	0.1	0.14	0.11	0.11	0.07	0.14
chr6	88851952	88852754	Tpra1	ENSMUSG00000002871	108	0.19	0.05	0.11	0.16	0.11	0.1
chr6	134582126	134582616	Mansc1	ENSMUSG00000032718	135	0.15	0.15	0.19	0.22	0.06	0.14
chr6	28210940	28212310	Zfp800	ENSMUSG00000039841	286	0.13	0.12	0.1	0.14	0.1	0.1
chr6	47827365	47828155	Zfp282	ENSMUSG00000025821	105	0.57	0.38	0.15	0.19	0.42	0.13
chr6	143047978	143048868	5730419109Rik	ENSMUSG00000030279	204	0.21	0.4	0.12	0.17	0.35	0.09
chr6	38383598	38384970	Ubn2	ENSMUSG00000038538	359	0.18	0.2	0.1	0.17	0.12	0.12
chr6	83864259	83865007	Zfml	ENSMUSG00000030016	286	0.16	0.11	0.07	0.13	0.09	0.13
chr6	99676173	99676735	Prok2	ENSMUSG00000030069	-68	0.21	0.12	0.16	0.1	0.07	0.15
chr6	124612458	124613354	Lpcat3	ENSMUSG00000004270	-139	1	0.67	0.18	0.32	0.57	0.23
chr6	54545053	54545800	Plekha8	ENSMUSG00000005225	321	0.15	0.31	0.11	0.12	0.08	0.14
chr6	146991262	146991764	Mrps35	ENSMUSG00000040112	227	0.14	0.1	0.05	0.14	0.07	0.12
chr6	84538980	84539345	Cyp26b1	ENSMUSG00000063415	-530	0.11	0.24	0.09	0.14	0.3	0.13
chr6	29718611	29719235	Ahcyl2	ENSMUSG00000029772	395	0.33	0.27	0.18	0.15	0.12	0.19
chr6	118146642	118147373	Ret	ENSMUSG00000030110	340	0.09	0.1	0.11	0.14	0.06	0.09
chr6	8459075	8460376	A430035B10Rik	ENSMUSG00000087305	-647	0.11	0.17	0.08	0.12	0.07	0.11
chr6	85026189	85026468	Npm3-ps1	ENSMUSG00000081669	142	0.87	0.82	0.35	0.36	0.74	0.36
chr6	86634344	86634596	Snmp27	ENSMUSG00000001158	15	0.2	0.33	0.12	0.19	0.08	0.17
chr6	87863897	87864612	8430410A17Rik	ENSMUSG00000030060	325	0.11	0.62	0.2	0.13	0.54	0.33
chr6	95668292	95668765	Suclg2	ENSMUSG00000061838	264	0.24	0.18	0.1	0.13	0.1	0.11
chr6	120313849	120314897	Kdm5a	ENSMUSG00000030180	256	0.17	0.13	0.09	0.16	0.11	0.12
chr6	145695427	145695993	Rassf8	ENSMUSG00000030259	442	0.17	0.17	0.11	0.17	0.06	0.15
chr6	149049213	149050388	Dennd5b	ENSMUSG00000030313	260	0.17	0.11	0.08	0.15	0.13	0.15
chr6	6810760	6810979	Dlx6as1	ENSMUSG00000090063	779	0.07	0.08	0.15	0.19	0.17	0.14
chr6	85087403	85087925	Spr	ENSMUSG00000033735	86	0.18	0.17	0.16	0.15	0.35	0.13
chr6	112646296	112646807	Rad18	ENSMUSG00000030254	47	0.13	0.15	0.1	0.13	0.09	0.13
chr6	113554503	113555202	6720456B07Rik	ENSMUSG00000033940	86	0.16	0.22	0.13	0.17	0.08	0.17
chr6	119493553	119494633	Wnt5b	ENSMUSG00000030170	243	0.15	0.15	0.09	0.16	0.11	0.13

chr6	125095392	125096044	Iffo1	ENSMUSG00000038271	-101	0.26	0.32	0.11	0.16	0.16	0.12
chr6	136278547	136278760	Gm8994	ENSMUSG00000060782	114	1	0.85	0.8	0.89	0.9	0.97
chr6	115626077	115626864	D830050J10Rik	ENSMUSG00000055396	309	0.23	0.25	0.13	0.2	0.14	0.11
chr6	21801581	21802160	Tspan12	ENSMUSG00000029669	44	0.27	0.16	0.13	0.14	0.09	0.17
chr6	29297829	29298444	Calu	ENSMUSG00000029767	67	0.16	0.14	0.09	0.18	0.09	0.13
chr6	32537226	32538222	Plxna4	ENSMUSG00000029765	468	0.07	0.22	0.12	0.15	0.11	0.12
chr6	35489177	35489991	Mtpn	ENSMUSG00000029840	304	0.22	0.27	0.14	0.32	0.1	0.18
chr6	38248725	38249328	Zc3hav1l	ENSMUSG00000047749	233	0.36	0.4	0.29	0.22	0.17	0.36
chr6	47785578	47786374	Zfp398	ENSMUSG00000062519	316	0.2	0.12	0.12	0.12	0.14	0.12
chr6	65621467	65623031	A930038C07Rik	ENSMUSG00000049001	665	0.19	0.18	0.13	0.24	0.29	0.15
chr6	71493825	71494409	Chmp3	ENSMUSG00000053119	271	0.13	0.09	0.13	0.14	0.07	0.16
chr6	76447800	76448097	Gm9008	ENSMUSG00000072476	-170	0.96	0.94	0.97	0.99	1	0.98
chr6	21164451	21165805	Kcnd2	ENSMUSG00000060882	-375	0.2	0.26	0.14	0.14	0.13	0.14
chr6	52127162	52127665	5730596B20Rik	ENSMUSG00000056468	-84	0.17	0.1	0.12	0.24	0.05	0.12
chr6	52209985	52211192	Hoxa13	ENSMUSG00000038203	208	0.2	0.18	0.09	0.16	0.13	0.13
chr6	89545235	89545678	Chchd6	ENSMUSG00000030086	142	0.2	0.22	0.12	0.2	0.13	0.12
chr6	115084860	115085555	Syn2	ENSMUSG00000009394	287	0.12	0.1	0.07	0.1	0.09	0.11
chr6	118405126	118405585	Zfp248	ENSMUSG00000030145	82	0.15	1	0.09	0.19	0.08	0.12
chr6	52663663	52664152	Tax1bp1	ENSMUSG0000004535	184	0.16	0.1	0.09	0.1	0.11	0.11
chr6	87760989	87762366	Rab43	ENSMUSG00000030055	95	0.08	0.17	0.12	0.14	0.11	0.15
chr6	91066396	91067004	Nup210	ENSMUSG00000030091	113	0.13	0.26	0.11	0.12	0.08	0.13
chr6	52263441	52264297	Evx1	ENSMUSG0000005503	377	0.18	0.34	0.13	0.17	0.11	0.16
chr6	126689275	126690544	Kcna6	ENSMUSG00000038077	260	0.24	0.39	0.16	0.33	0.35	0.23
chr6	11875808	11876508	Phf14	ENSMUSG00000029629	277	0.11	0.33	0.14	0.15	0.04	0.17
chr6	83071845	83072339	Wbp1	ENSMUSG00000030035	-539	0.14	0.12	0.09	0.13	0.09	0.1
chr6	90666268	90666605	Iqsec1	ENSMUSG00000034312	87	0.11	0.46	0.13	0.19	0.18	0.2
chr6	94649243	94650441	Lrig1	ENSMUSG00000030029	89	0.11	0.11	0.07	0.11	0.08	0.11
chr6	54766478	54767537	Znrf2	ENSMUSG00000058446	97	0.16	0.16	0.1	0.16	0.2	0.14
chr6	85452718	85453106	Fbxo41	ENSMUSG00000047013	-60	0.23	0.24	0.12	0.13	0.14	0.15
chr6	117791088	117791508	Zfp637	ENSMUSG00000059689	100	0.06	0.11	0.08	0.14	0.1	0.1

chr6	120243958	120244820	B4galnt3	ENSMUSG00000041372	183	0.13	0.16	0.1	0.14	0.17	0.12
chr6	22825317	22825918	Ptprz1	ENSMUSG00000068748	115	0.21	0.12	0.09	0.14	0.08	0.1
chr6	115943411	115944776	Plxnd1	ENSMUSG00000030123	930	0.12	0.2	0.1	0.15	0.09	0.14
chr6	39369578	39370547	Mkrm1	ENSMUSG00000029922	-306	0.12	0.24	0.09	0.1	0.22	0.19
chr6	87285207	87285714	Antxr1	ENSMUSG00000033420	309	0.16	0.12	0.09	0.12	0.09	0.14
chr6	113574001	113574539	Vhl	ENSMUSG00000033933	317	0.18	0.3	0.12	0.17	0.1	0.11
chr6	6166759	6167226	Slc25a13	ENSMUSG00000015112	181	0.19	0.09	0.07	0.14	0.11	0.12
chr6	52171351	52171914	Hoxa7	ENSMUSG00000038236	221	1	0.21	0.15	0.34	0.1	0.19
chr6	86992256	86993081	Gfpt1	ENSMUSG00000029992	-172	0.13	0.1	0.07	0.09	0.05	0.14
chr6	108090199	108090501	Gm4604	ENSMUSG00000091845	153	0.97	0.92	0.93	1	0.9	1
chr6	51962221	51962798	Skap2	ENSMUSG00000059182	39	0.25	0.23	0.14	0.2	0.18	0.15
chr6	83299332	83299626	Bola3	ENSMUSG00000045160	39	0.14	0.19	0.08	0.07	0.1	0.09
chr6	42299549	42300531	Zyx	ENSMUSG00000029860	213	0.21	0.15	0.08	0.2	0.15	0.11
chr6	86682751	86683588	Gmcl1	ENSMUSG0000001157	65	0.12	0.22	0.11	0.17	0.16	0.15
chr6	124880996	124881886	Mif2	ENSMUSG00000030120	35	0.13	0.21	0.1	0.13	0.08	0.18
chr6	39674925	39675644	Braf	ENSMUSG00000002413	-92	0.21	0.92	0.28	0.16	0.38	0.31
chr6	52184021	52185087	Hoxa10	ENSMUSG00000000938	384	0.56	0.44	0.11	0.2	0.38	0.2
chr6	70741751	70742379	Rpia	ENSMUSG00000053604	-68	0.22	0.14	0.08	0.13	0.11	0.15
chr6	116578538	116579040	Zfp422	ENSMUSG00000059878	-70	0.15	0.17	0.1	0.13	0.1	0.14
chr6	17586840	17587325	Capza2	ENSMUSG00000015733	99	0.18	0.31	0.08	0.11	0.12	0.14
chr6	28930917	28931694	Gm3294	ENSMUSG00000092090	-329	0.14	0.25	0.12	0.17	0.07	0.15
chr6	52195219	52196576	Hoxa11as	ENSMUSG00000086427	655	0.26	0.2	0.12	0.24	0.16	0.18
chr6	113481376	113481733	Tmem111	ENSMUSG00000030286	78	1	0.16	0.09	0.21	0.07	0.1
chr6	87800397	87801328	Cnbp	ENSMUSG00000030057	126	0.1	0.19	0.08	0.13	0.21	0.14
chr6	115724538	115724752	Cand2	ENSMUSG00000030319	89	1	NA	0.14	0.2	0.36	0.22
chr6	37249800	37250061	Dgki	ENSMUSG00000038665	44	0.47	0.32	0.09	0.21	0.6	0.11
chr6	52153744	52154842	Hoxa5	ENSMUSG00000038253	293	0.07	0.09	0.1	0.19	0.1	0.13
chr6	58781475	58781994	Herc3	ENSMUSG00000029804	237	0.11	0.06	0.06	0.11	0.05	0.13
chr6	91360961	91361533	Wnt7a	ENSMUSG00000030093	110	0.29	0.16	0.11	0.13	0.2	0.12
chr6	114081075	114081730	Slc6a11	ENSMUSG00000030307	167	0.35	0.36	0.1	0.08	0.24	0.19

chr6	31513377	31514076	Podxl	ENSMUSG00000025608	211	0.22	0.12	0.07	0.16	0.16	0.13
chr6	70906185	70907287	Foxi3	ENSMUSG00000055874	211	0.25	0.14	0.1	0.11	0.18	0.11
chr6	83074896	83075198	Ino80b	ENSMUSG00000030034	-24	0.21	0.22	0.16	0.21	0.14	0.19
chr6	113991658	113991924	Atp2b2	ENSMUSG00000030302	218	0.21	0.23	0.12	0.19	0.1	0.14
chr6	34860614	34860925	Wdr91	ENSMUSG00000058486	-107	0.08	0.07	0.09	0.11	0.02	0.15
chr6	56664826	56665538	Avl9	ENSMUSG00000029787	261	0.12	0.11	0.11	0.11	0.09	0.14
chr6	91422973	91424071	Chchd4	ENSMUSG00000034203	-105	0.57	0.25	0.1	0.12	0.25	0.18
chr6	17790455	17790718	St7	ENSMUSG00000029534	49	0.96	0.92	0.89	0.94	0.91	0.81
chr6	115494573	115494886	Tsen2	ENSMUSG00000042389	47	0.29	0.17	0.18	0.29	1	0.24
chr6	117118410	117119415	Cxcl12	ENSMUSG00000061353	359	0.32	0.23	0.1	0.2	0.25	0.15
chr6	72294880	72295312	Usp39	ENSMUSG00000056305	82	0.14	0.17	0.12	0.16	0.18	0.14
chr6	88143555	88144592	Gata2	ENSMUSG00000015053	188	0.12	0.25	0.13	0.23	0.17	0.17
chr6	30351585	30352419	Klhdc10	ENSMUSG00000029775	134	0.33	0.28	0.13	0.25	0.47	0.12
chr6	90413523	90413790	Klf15	ENSMUSG00000030087	1086	0.18	0.08	0.09	0.14	0.27	0.21
chr6	25639798	25640221	Gpr37	ENSMUSG00000039904	720	0.18	0.08	0.14	0.17	0.06	0.23
chr6	40275362	40275762	Agk	ENSMUSG00000029916	85	0.14	0.39	0.07	0.16	0.05	0.19
chr6	128387712	128388843	Fkbp4	ENSMUSG00000030357	-119	0.18	0.24	0.11	0.13	0.24	0.13
chr6	28429815	28430665	Snd1	ENSMUSG00000001424	-108	0.18	0.11	0.1	0.23	0.05	0.16
chr6	49213179	49214199	Tra2a	ENSMUSG00000029817	343	0.12	0.15	0.12	0.11	0.09	0.16
chr6	92133647	92134103	Mrps25	ENSMUSG00000014551	90	0.11	0.09	0.12	0.14	0.04	0.12
chr6	99642050	99643450	Gpr27	ENSMUSG00000072875	77	0.08	0.11	0.1	0.11	0.07	0.12
chr6	136776200	136776719	Wbp11	ENSMUSG00000030216	-202	0.19	0.23	0.09	0.12	0.12	0.12
chr6	38484663	38485073	1110001J03Rik	ENSMUSG00000019689	45	0.16	0.11	0.06	0.13	0.25	0.09
chr6	51473920	51474166	Snx10	ENSMUSG00000038301	62	0.25	0.29	0.19	0.29	0.09	0.14
chr6	126594106	126595143	Kcna1	ENSMUSG00000047976	1195	0.1	0.08	0.07	0.13	0.07	0.15
chr6	128374623	128374940	Itfg2	ENSMUSG00000001518	155	0.08	0.11	0.18	0.15	0.18	0.13
chr6	23197534	23199805	Fezf1	ENSMUSG00000029697	-405	0.2	0.2	0.15	0.2	0.13	0.16
chr6	52118676	52119060	5730446D14Rik	ENSMUSG00000056445	359	0.25	0.12	0.08	0.14	0.04	0.11
chr6	72305127	72305932	Tmem150a	ENSMUSG00000055912	88	0.4	0.37	0.13	0.18	0.25	0.16
chr6	77929423	77929743	Ctnna2	ENSMUSG00000063063	-39	0.21	0.14	0.09	0.1	0.06	0.13

chr6	85865666	85866080	Cml1	ENSMUSG00000057103	-202	0.5	0.08	0.14	0.17	0.26	0.18
chr6	92893060	92893754	Adams9	ENSMUSG00000030022	79	0.07	0.13	0.13	0.23	0.04	0.11
chr6	4697291	4698412	Peg10	ENSMUSG00000092035	545	0.54	0.36	0.39	0.53	0.48	0.4
chr6	53237046	53238342	9430076C15Rik	ENSMUSG00000090982	405	0.27	0.16	0.12	0.2	0.22	0.16
chr6	94450116	94450550	Slc25a26	ENSMUSG00000045100	25	0.67	0.45	0.1	0.23	0.39	0.17
chr6	113342411	113342949	Tll3	ENSMUSG00000030276	228	0.1	0.13	0.1	0.11	0.07	0.11
chr6	17980271	17980637	Wnt2	ENSMUSG00000010797	-44	0.62	0.24	0.11	0.23	0.45	0.19
chr6	52141052	52142225	Hoxa4	ENSMUSG00000000942	64	0.14	0.16	0.12	0.19	0.12	0.15
chr6	47997435	47998983	Zfp777	ENSMUSG00000071477	-416	0.1	0.15	0.11	0.09	0.11	0.14
chr6	92041208	92042545	Nr2c2	ENSMUSG00000005893	492	0.19	0.32	0.11	0.15	0.17	0.11
chr6	18464614	18465058	Cttnbp2	ENSMUSG00000000416	-87	0.4	0.42	0.16	0.18	0.2	0.2
chr6	142294081	142294485	Pyroxd1	ENSMUSG00000041671	109	0.3	0.45	0.14	0.14	0.21	0.24
chr6	147212211	147212827	Pthlh	ENSMUSG00000048776	170	0.19	0.14	0.13	0.17	0.15	0.13
chr6	52166853	52167757	Hoxa7	ENSMUSG00000038236	146	0.14	0.2	0.11	0.21	0.1	0.14
chr6	52190322	52190828	Hoxa10	ENSMUSG00000000938	219	0.33	0.29	0.11	0.24	0.2	0.12
chr6	54942607	54943155	Ggct	ENSMUSG00000002797	-180	0.05	0.26	0.09	0.17	0.33	0.14
chr6	116624019	116624259	Rassf4	ENSMUSG00000042129	-285	0.07	0.11	0.15	0.2	0.15	0.22
chr6	42273650	42273925	Fam131b	ENSMUSG00000029861	804	0.5	0.25	0.14	0.07	0.08	0.11
chr6	83661096	83662229	Vax2	ENSMUSG00000034777	404	0.08	NA	0.11	0.15	0.13	0.16
chr6	125444156	125444856	Gm16749	ENSMUSG00000085309	64	0.08	0.31	0.1	0.22	0.12	0.13
chr6	146450114	146451275	Itpr2	ENSMUSG00000030287	-294	0.33	0.5	0.12	0.16	0.08	0.13
chr6	52179854	52180271	Mir196b	ENSMUSG00000065443	102	0.05	0.12	0.13	0.22	0.14	0.2
chr6	72566148	72567104	Tgoln1	ENSMUSG00000056429	368	0.1	0.1	0.11	0.25	0.16	0.18
chr6	28084948	28085508	Grm8	ENSMUSG00000024211	-50	0.34	0.44	0.09	0.19	0.27	0.19
chr6	39542524	39542827	Ndufb2	ENSMUSG00000002416	102	0.14	0.29	0.1	0.12	0.09	0.12
chr6	40385324	40386340	E330009J07Rik	ENSMUSG00000037172	300	0.1	0.12	0.1	0.14	0.08	0.09
chr6	52108322	52108941	Gm15051	ENSMUSG00000087658	200	0.13	0.17	0.07	0.24	0.09	0.15
chr6	66986545	66987366	E230016M11Rik	ENSMUSG00000087231	362	0.17	0.35	0.12	0.1	0.22	0.12
chr6	99616383	99616907	Eif4e3	ENSMUSG00000093661	120	0.26	0.38	0.18	0.22	0.32	0.18
chr6	146595784	146596087	Gm6654	ENSMUSG00000084291	175	0.96	1	0.8	0.88	0.9	0.94

chr6	4550767	4551299	Casd1	ENSMUSG00000015189	193	0.08	0.14	0.12	0.12	0.14	0.11
chr6	29128973	29129665	Prrt4	ENSMUSG00000079654	265	0.16	0.16	0.08	0.12	0.11	0.14
chr6	90412270	90413247	Klf15	ENSMUSG00000030087	188	0.27	0.26	0.11	0.11	0.14	0.1
chr6	141198022	141199008	Pde3a	ENSMUSG00000041741	2	0.18	0.13	0.1	0.15	0.13	0.13
chr6	145814056	145815345	Bhlhe41	ENSMUSG00000030256	-622	0.11	0.07	0.09	0.12	0.08	0.11
chr6	39155444	39157370	Jhdm1d	ENSMUSG00000042599	381	0.09	0.11	0.09	0.15	0.08	0.12
chr6	49023756	49024324	2410003K15Rik	ENSMUSG00000029815	246	0.3	0.09	0.13	0.12	0.16	0.1
chr6	86321346	86321707	Snrpg	ENSMUSG00000057278	-8	0.1	0.07	0.1	0.15	0.05	0.13
chr6	120615396	120617378	Cecr2	ENSMUSG00000071226	0	0.12	0.13	0.12	0.13	0.1	0.12
chr6	124958851	124959454	Zfp384	ENSMUSG00000038346	-11	0.14	0.23	0.11	0.13	0.11	0.2
chr6	142705139	142705680	Cmas	ENSMUSG00000030282	203	0.39	0.21	0.13	0.14	0.3	0.19
chr6	8727792	8728320	Ica1	ENSMUSG00000062995	51	0.15	0.9	0.1	0.31	0.22	0.11
chr6	46994620	46995049	Cntnap2	ENSMUSG00000039419	-225	0.11	0.26	0.17	0.28	0.18	0.21
chr6	51382615	51383449	Nfe2l3	ENSMUSG00000029832	363	0.4	0.25	0.16	0.24	0.75	0.26
chr6	82982760	82983551	Dok1	ENSMUSG00000068335	307	0.43	0.35	0.11	0.23	0.33	0.23
chr6	113187609	113188107	Mtmr14	ENSMUSG00000030269	21	0.15	0.21	0.08	0.16	0.11	0.12
chr6	61130103	61131074	A730020E08Rik	ENSMUSG00000085849	-324	0.09	0.09	0.09	0.14	0.07	0.1
chr6	83660511	83660767	Vax2os1	ENSMUSG00000085794	287	0.04	0.08	0.16	0.16	0.09	0.13
chr6	83781487	83781789	Paip2b	ENSMUSG00000045896	69	0.17	0.08	0.07	0.15	0.1	0.09
chr6	91827938	91828503	C130022K22Rik	ENSMUSG00000034083	173	1	0.38	0.09	0.24	0.21	0.16
chr6	110595754	110596294	Gm20387	ENSMUSG00000092448	-114	0.16	0.25	0.11	0.21	0.12	0.22
chr6	13627459	13628170	B630005N14Rik	ENSMUSG00000042742	152	0.1	0.16	0.12	0.15	0.07	0.13
chr6	38826443	38826761	Hipk2	ENSMUSG00000061436	-413	0.11	0.08	0.08	0.14	0.15	0.13
chr6	124860108	124860364	Lag3	ENSMUSG00000030124	-167	0.14	0.07	0.5	0.75	0.2	0.39
chr6	29935114	29935527	1700023L04Rik	ENSMUSG00000045709	-9	0.2	0.41	0.11	0.15	0.14	0.22
chr6	38825742	38825962	Hipk2	ENSMUSG00000061436	-36	0.18	0.15	0.3	0.09	0.11	0.09
chr6	52264574	52264797	5730457N03Rik	ENSMUSG00000086126	141	0.12	0.09	0.11	0.26	0.08	0.21
chr6	83018664	83021449	Tlx2	ENSMUSG00000068327	163	0.15	0.13	0.12	0.16	0.13	0.16
chr6	85137491	85138417	Emx1	ENSMUSG00000033726	522	0.25	0.14	0.15	0.25	0.17	0.17
chr6	86145037	86145928	Tgfa	ENSMUSG00000029999	62	0.13	0.14	0.09	0.1	0.11	0.14

chr6	146590886	146591425	Med21	ENSMUSG00000030291	86	0.29	NA	0.08	0.15	0.12	0.16
chr6	114347711	114348256	Hrh1	ENSMUSG00000053004	53	0.09	0.12	0.09	0.11	0.05	0.12
chr6	119280549	119280859	Lrtm2	ENSMUSG00000055003	-7	0.18	0.15	0.08	0.11	0.09	0.28
chr6	128305303	128306084	Tulp3	ENSMUSG00000001521	140	0.23	0.37	0.11	0.14	1	0.16
chr6	11857682	11857955	Phf14	ENSMUSG00000029629	9	0.07	0.08	0.07	0.11	0.05	0.09
chr6	88791532	88793017	Abtb1	ENSMUSG00000030083	-414	0.1	0.23	0.18	0.14	0.13	0.22
chr6	91162717	91162966	Fbln2	ENSMUSG00000064080	25	0.14	0.11	0.11	0.17	0.09	0.13
chr6	129483156	129483437	Gabarapl1	ENSMUSG00000030161	78	1	0.22	0.53	0.3	0.57	0.1
chr6	6528294	6528726	Shfm1	ENSMUSG00000042541	142	0.32	0.12	0.12	0.2	0.26	0.25
chr6	71657644	71658418	Reep1	ENSMUSG00000052852	476	0.1	0.16	0.09	0.18	0.07	0.14
chr6	83085734	83086066	Rtkn	ENSMUSG00000034930	94	0.26	0.33	0.13	0.3	0.19	0.19
chr6	145811263	145812421	Bhlhe41	ENSMUSG00000030256	1980	0.13	0.16	0.08	0.1	0.15	0.13
chr6	92655936	92656350	Prickle2	ENSMUSG00000030020	-4	0.12	0.08	0.07	0.1	0.09	0.15
chr6	116143117	116143814	Tmcc1	ENSMUSG00000030126	-73	0.19	0.13	0.09	0.14	0.15	0.13
chr6	117856630	117858240	Hnmpf	ENSMUSG00000042079	635	0.13	0.17	0.11	0.14	0.11	0.12
chr6	100620585	100621375	Shq1	ENSMUSG00000035378	147	0.09	0.14	0.12	0.14	0.15	0.21
chr6	113369211	113369445	Rpusd3	ENSMUSG00000051169	-24	0.23	0.11	0.15	0.23	0.14	0.13
chr6	124695558	124696263	Atn1	ENSMUSG0000004263	-267	0.15	0.13	0.09	0.12	0.12	0.12
chr6	77192598	77193124	Lrrtm1	ENSMUSG00000060780	178	0.11	0.18	0.11	0.16	0.09	0.14
chr6	98978414	98978818	Foxp1	ENSMUSG00000030067	-309	0.23	1	0.11	0.19	0.31	0.1
chr6	59376125	59376434	Gprin3	ENSMUSG00000045441	5	0.11	0.09	0.06	0.12	0.07	0.11
chr6	86388322	86389016	C87436	ENSMUSG00000046679	301	0.13	0.45	0.18	0.22	0.18	0.14
chr6	119338206	119339097	Adipor2	ENSMUSG00000030168	53	0.06	0.14	0.1	0.15	0.1	0.13
chr6	124867464	124868011	Ptms	ENSMUSG00000030122	227	0.12	0.13	0.12	0.11	0.14	0.12
chr6	85019041	85019565	Exoc6b	ENSMUSG00000033769	148	0.08	0.06	0.13	0.15	0.06	0.12
chr6	119429035	119431195	Fbxl14	ENSMUSG00000030019	429	0.16	0.31	0.11	0.17	0.18	0.13
chr6	35083373	35084122	Cnot4	ENSMUSG00000038784	-10	0.33	0.15	0.1	0.24	0.7	0.16
chr6	38501042	38502133	Luc7l2	ENSMUSG00000029823	253	0.19	NA	0.06	0.16	0.11	0.17
chr6	108778284	108779261	Edem1	ENSMUSG00000030104	137	0.1	0.15	0.13	0.13	0.13	0.11
chr6	120480894	120481571	Cecr5	ENSMUSG00000058979	76	0.14	0.09	0.1	0.1	0.1	0.14

chr6	124364641	124365211	Pex5	ENSMUSG00000005069	-45	0.06	0.07	0.1	0.16	0.07	0.16
chr6	57641667	57642061	Pigy	ENSMUSG000000043162	208	0.33	0.06	0.1	0.18	0.09	0.16
chr6	72047327	72048044	St3gal5	ENSMUSG000000056091	78	0.31	0.32	0.16	0.19	0.27	0.28
chr6	21899379	21900307	Ing3	ENSMUSG000000029670	272	0.14	0.13	0.08	0.13	0.07	0.09
chr6	34267156	34267652	Akr1b3	ENSMUSG00000001642	26	0.22	0.2	0.15	0.15	0.12	0.26
chr6	124915236	124915813	Cops7a	ENSMUSG000000030127	-216	0.17	0.12	0.1	0.22	0.13	0.14
chr6	8208938	8209647	Rpa3	ENSMUSG000000012483	-152	0.22	0.27	0.14	0.16	0.19	0.15
chr6	28165244	28165799	6530409C15Rik	ENSMUSG000000043340	-34	0.17	0.39	0.15	0.17	0.23	0.09
chr6	52125600	52126166	2700086A05Rik	ENSMUSG000000085696	649	0.08	0.15	0.09	0.14	0.06	0.14
chr6	127059197	127059787	9630033F20Rik	ENSMUSG000000038028	76	0.11	0.15	0.12	0.12	0.09	0.16
chr6	54379504	54380089	9130019P16Rik	ENSMUSG000000073067	-265	0.08	0.27	0.09	0.09	0.07	0.12
chr6	95067636	95068484	Kbtbd8	ENSMUSG000000030031	326	0.17	0.2	0.1	0.09	0.14	0.11
chr6	29222506	29222924	Hilpda	ENSMUSG000000043421	89	0.11	0.2	0.14	0.12	0.06	0.25
chr6	47763180	47763656	Pdia4	ENSMUSG000000025823	93	0.15	0.12	0.12	0.18	0.18	0.17
chr6	56781903	56782495	Fkbp9	ENSMUSG000000029781	146	0.13	0.16	0.11	0.13	0.11	0.13
chr6	88848580	88848829	Mcm2	ENSMUSG000000002870	70	0.12	0.07	0.1	0.15	0.09	0.16
chr6	136756711	136757479	H2afj	ENSMUSG000000060032	326	0.2	0.5	0.17	0.18	0.1	0.19
chr6	108135230	108135560	Sumf1	ENSMUSG000000030101	155	0.12	NA	0.19	0.28	0.16	0.13
chr6	115310985	115312244	Pparg	ENSMUSG000000000440	375	0.11	0.18	0.13	0.19	0.14	0.2
chr6	67216760	67217739	Serbp1	ENSMUSG000000036371	276	0.24	0.23	0.15	0.24	0.27	0.14
chr6	134742303	134743015	Dusp16	ENSMUSG000000030203	-166	0.12	0.26	0.2	0.14	0.09	0.15
chr6	140571905	140572272	Aebp2	ENSMUSG000000030232	68	0.56	0.5	0.09	0.29	0.4	0.3
chr6	83391460	83391723	Tet3	ENSMUSG000000034832	78	0.08	0.19	0.07	0.12	0.11	0.07
chr6	108609359	108610439	Bhlhe40	ENSMUSG000000030103	-724	0.13	0.09	0.11	0.15	0.1	0.14
chr6	117961319	117961816	Rasgef1a	ENSMUSG000000030134	175	0.17	0.25	0.14	0.12	0.2	0.21
chr6	119797729	119798630	Erc1	ENSMUSG000000030172	-11	0.1	0.32	0.12	0.2	0.11	0.17
chr6	28371427	28371798	Gcc1	ENSMUSG000000029708	112	0.22	0.02	0.23	0.12	0.16	0.2
chr6	39067718	39068856	Parp12	ENSMUSG000000038507	61	0.19	0.15	0.12	0.16	0.18	0.11
chr6	128150341	128150818	Gm10010	ENSMUSG000000056771	62	0.06	0.18	0.11	0.23	0.07	0.14
chr6	23788726	23789661	Cadps2	ENSMUSG000000017978	-56	0.12	0.19	0.09	0.12	0.1	0.15

chr6	145197892	145199146	Kras	ENSMUSG00000030265	171	0.13	0.13	0.09	0.12	0.12	0.14
chr6	22305660	22306335	Fam3c	ENSMUSG00000029672	76	0.18	0.35	0.13	0.13	0.15	0.09
chr6	125235891	125236132	Tuba3a	ENSMUSG00000067702	49	0.98	0.95	0.89	0.95	1	0.96
chr6	24614466	24615433	Wasl	ENSMUSG00000029684	-11	0.11	0.18	0.1	0.11	0.12	0.15
chr6	48345583	48346015	Krba1	ENSMUSG00000042810	214	0.18	0.18	0.12	0.14	0.15	0.13
chr6	72738133	72739655	Tcf7l1	ENSMUSG00000055799	-585	0.22	0.14	0.1	0.12	0.21	0.13
chr6	116287790	116288547	8-Mar	ENSMUSG00000025702	126	0.09	0.15	0.09	0.15	0.11	0.14
chr6	148844409	148844979	Caprin2	ENSMUSG00000030309	-22	0.14	0.07	0.17	0.18	0.1	0.09
chr6	29161959	29162553	Impdh1	ENSMUSG00000003500	-7	0.1	0.17	0.07	0.12	0.08	0.19
chr6	86315390	86316070	Fam136a	ENSMUSG00000057497	53	0.11	0.13	0.08	0.12	0.12	0.12
chr6	97566861	97567755	Frm4b	ENSMUSG00000030064	215	0.13	0.12	0.11	0.15	0.11	0.12
chr6	119852491	119853066	4930540M05Rik	ENSMUSG00000086280	-107	0.08	0.14	0.08	0.11	0.07	0.11
chr6	134590896	134591327	Loh12cr1	ENSMUSG00000042992	153	0.12	0.14	0.13	0.14	0.11	0.13
chr6	149257867	149258359	2810474O19Rik	ENSMUSG00000032712	177	0.19	0.27	0.11	0.23	0.16	0.1
chr6	66846215	66846966	Gng12	ENSMUSG00000036402	199	0.16	0.26	0.09	0.12	0.14	0.11
chr6	15670722	15671404	Mdfc	ENSMUSG00000041390	-24	0.19	0.18	0.1	0.21	0.24	0.15
chr6	18464212	18464425	Cttnbp2	ENSMUSG00000000416	431	0.17	0.15	0.14	0.07	0.13	0.15
chr6	97155392	97155605	Uba3	ENSMUSG00000030061	56	0.06	0.07	0.09	0.08	0.05	0.11
chr6	148893030	148895271	Fam60a	ENSMUSG00000039985	-816	0.11	0.25	0.1	0.12	0.11	0.14
chr6	5248135	5248518	Pon2	ENSMUSG00000032667	4	0.11	0.33	0.12	0.16	0.2	0.16
chr6	30409849	30410176	1700012C14Rik	ENSMUSG00000085470	-116	0.17	0.26	0.14	0.17	0.1	0.16
chr6	114987565	114987977	1500001M20Rik	ENSMUSG00000030316	72	0.28	0.16	0.13	0.15	0.26	0.16
chr6	136610025	136610321	Plbd1	ENSMUSG00000030214	221	0.1	0.12	0.09	0.1	0.07	0.14
chr6	146582782	146583217	Tm7sf3	ENSMUSG00000040234	21	0.32	0.21	0.16	0.11	0.34	0.11
chr6	30643408	30643968	Tsga14	ENSMUSG00000029790	-12	0.72	0.61	0.19	0.21	0.65	0.21
chr6	97437523	97438025	Frm4b	ENSMUSG00000030064	23	0.5	NA	0.13	0.2	0.62	0.31
chr6	71781180	71781862	Immt	ENSMUSG00000052337	196	0.19	0.18	0.13	0.1	0.15	0.19
chr6	84537604	84538086	Cyp26b1	ENSMUSG00000063415	787	0.16	0.25	0.11	0.12	0.17	0.14
chr6	92164558	92164978	Zfyve20	ENSMUSG00000014550	-205	0.19	0.22	0.14	0.18	0.23	0.12
chr6	146836577	146837254	Ppfibp1	ENSMUSG00000016487	-94	0.18	0.37	0.1	0.13	0.17	0.11

chr6	29997621	29998887	Nrf1	ENSMUSG00000058440	266	0.16	0.23	0.11	0.16	0.17	0.16
chr6	47780172	47780631	Zfp786	ENSMUSG00000051499	166	0.14	0.56	0.06	0.09	0.12	0.07
chr6	114918665	114920031	Vgll4	ENSMUSG00000030315	-150	0.12	0.09	0.13	0.17	0.1	0.12
chr6	127717731	127719419	Prmt8	ENSMUSG00000030350	915	0.31	0.24	0.12	0.18	0.28	0.18
chr6	50059966	50060569	Mpp6	ENSMUSG00000038388	27	0.13	0.12	0.1	0.11	0.12	0.11
chr6	100654741	100655175	Gxylt2	ENSMUSG00000030074	209	0.05	0.16	0.08	0.12	0.06	0.07
chr6	113392524	113392977	Jagn1	ENSMUSG00000051256	187	0.29	0.44	0.11	0.2	0.27	0.16
chr6	121423061	121423840	lqsec3	ENSMUSG00000040797	191	0.08	0.12	0.09	0.26	0.07	0.18
chr6	112439018	112439877	Oxtr	ENSMUSG00000049112	355	0.17	0.19	0.1	0.2	0.12	0.16
chr6	113232262	113232549	Cpne9	ENSMUSG00000030270	104	0.18	0.27	0.08	0.16	0.15	0.12
chr6	71221476	71222167	Krcc1	ENSMUSG00000053012	108	0.27	0.09	0.17	0.2	0.25	0.17
chr6	77193653	77194819	Lrrtm1	ENSMUSG00000060780	1320	0.24	0.27	0.1	0.14	0.24	0.15
chr6	83004367	83005305	Htra2	ENSMUSG00000068329	-400	0.1	0.15	0.11	0.09	0.09	0.15
chr6	50546370	50546700	4921507P07Rik	ENSMUSG00000029828	96	0.08	0.08	0.12	0.15	0.06	0.17
chr6	52266541	52266854	5730457N03Rik	ENSMUSG00000086126	-1871	0.05	0.08	0.16	0.17	0.08	0.1
chr6	147039890	147040700	Klhdc5	ENSMUSG00000040102	394	0.11	0.18	0.11	0.12	0.11	0.14
chr6	43215285	43215517	Arhgef5	ENSMUSG00000033542	-242	0.17	0.17	0.19	0.13	0.13	0.19
chr6	85105018	85105354	Spr-ps1	ENSMUSG00000068303	187	0.1	0.09	0.08	0.13	0.09	0.15
chr6	87994799	87995325	Rab7	ENSMUSG00000079477	-51	0.12	0.18	0.11	0.17	0.12	0.14
chr6	124946829	124947065	C530028O21Rik	ENSMUSG00000030329	-146	0.15	0.08	0.09	0.09	0.17	0.12
chr6	6812725	6812995	Dlx6	ENSMUSG00000029754	-474	0.88	0.62	0.24	0.24	1	0.23
chr6	6813683	6814073	Dlx6	ENSMUSG00000029754	81	0.1	0.16	0.09	0.13	0.08	0.18
chr6	6831412	6831925	Dlx5	ENSMUSG00000029755	400	0.09	0.13	0.18	0.19	0.09	0.18
chr6	6905842	6906234	Gm17465	ENSMUSG00000090567	-138	1	0.55	0.12	0.28	0.5	0.2
chr6	8159077	8159710	Mios	ENSMUSG00000042447	171	0.2	0.17	0.09	0.16	0.19	0.17
chr6	24477063	24477824	Ndufa5	ENSMUSG00000023089	83	0.17	0.07	0.09	0.09	0.09	0.13
chr6	28347695	28348016	Zfp800	ENSMUSG00000039841	150	0.25	NA	0.18	0.25	0.17	0.12
chr6	29165984	29166355	Impdh1	ENSMUSG00000003500	108	0.1	0.09	0.1	0.14	0.09	0.15
chr6	29352791	29353103	Ccdc136	ENSMUSG00000029769	42	0.8	0.73	0.45	0.64	1	0.35
chr6	29383165	29383739	Finc	ENSMUSG00000068699	196	0.09	0.14	0.16	0.2	0.09	0.14

chr6	29476398	29477188	Irf5	ENSMUSG00000029771	168	0.08	0.1	0.09	0.12	0.07	0.11
chr6	29644117	29644502	Tspan33	ENSMUSG00000001763	87	0.15	0.35	0.16	0.21	0.16	0.14
chr6	29718095	29718366	Ahcyl2	ENSMUSG000000029772	-213	0.14	NA	0.1	0.12	0.12	0.15
chr6	29866912	29867528	Fam40b	ENSMUSG000000039629	207	0.09	0.1	0.08	0.11	0.08	0.1
chr6	31348706	31349395	Mkln1	ENSMUSG000000025609	315	0.22	0.11	0.1	0.13	0.22	0.23
chr6	34871371	34871757	Stra8	ENSMUSG000000029848	550	0.88	0.63	0.87	0.96	0.84	0.96
chr6	35202564	35202894	1810058I24Rik	ENSMUSG000000073155	75	0.26	0.56	0.12	0.23	0.27	0.19
chr6	37391666	37392372	Creb3l2	ENSMUSG000000038648	127	0.12	0.43	0.12	0.1	0.07	0.23
chr6	39327418	39327776	Slc37a3	ENSMUSG000000029924	74	0.33	0.07	0.09	0.25	0.3	0.11
chr6	48576967	48577337	Al854703	ENSMUSG000000053297	389	0.37	0.24	0.1	0.19	0.38	0.1
chr6	49317861	49318093	D330028D13Rik	ENSMUSG000000047115	82	0.2	0.2	0.07	0.16	0.29	0.08
chr6	52179017	52179287	Mir196b	ENSMUSG000000065443	1012	0.12	0.35	0.15	0.1	0.12	0.12
chr6	52180496	52180832	9930038K12Rik	ENSMUSG000000056583	-135	0.04	0.12	0.11	0.11	0.05	0.14
chr6	52183393	52183614	Hoxa10	ENSMUSG00000000938	-180	0.29	NA	0.21	0.37	0.2	0.14
chr6	53989427	53990332	Chn2	ENSMUSG000000004633	331	0.12	0.14	0.1	0.16	0.12	0.12
chr6	54515786	54516437	Scrn1	ENSMUSG000000019124	372	0.24	0.1	0.11	0.14	0.23	0.11
chr6	55401835	55402590	Adcyap1r1	ENSMUSG000000029778	240	0.17	0.21	0.13	0.16	0.08	0.12
chr6	67325978	67326215	Ii12rb2	ENSMUSG000000018341	86	0.5	0.33	0.19	0.26	0.5	0.16
chr6	70794453	70795090	Eif2ak3	ENSMUSG000000031668	262	0.48	0.16	0.22	1	0.48	0.2
chr6	72312086	72312442	Rnf181	ENSMUSG000000055850	74	0.23	0.28	0.08	0.15	0.21	0.19
chr6	72330215	72330598	Vamp5	ENSMUSG000000073002	56	0.11	0.08	0.08	0.17	0.1	0.13
chr6	72908071	72908832	Tmsb10	ENSMUSG000000079523	-155	0.17	0.25	0.09	0.15	0.14	0.11
chr6	73198706	73198994	Suclg1	ENSMUSG000000052738	188	0.08	0.17	0.09	0.27	0.09	0.12
chr6	78165858	78166071	Gm5576	ENSMUSG000000063692	115	1	1	0.6	0.58	1	0.92
chr6	81991720	81991929	Fam176a	ENSMUSG000000035104	142	0.13	0.27	0.1	NA	0.17	0.07
chr6	82889454	82889730	Sema4f	ENSMUSG000000000627	171	0.06	0.22	0.08	0.16	0.08	0.1
chr6	83037526	83037940	Lbx2	ENSMUSG000000034968	401	1	1	0.21	1	1	0.33
chr6	83051546	83052485	Ccdc142	ENSMUSG000000079511	404	0.15	0.12	0.1	0.15	0.14	0.17
chr6	83092278	83092529	Rtkn	ENSMUSG000000034930	17	0.5	NA	0.24	NA	0.2	NA
chr6	83275880	83276387	Mob1a	ENSMUSG000000043131	123	0.17	0.19	0.11	0.09	0.17	0.22

chr6	83522291	83522492	Stambp	ENSMUSG00000006906	107	0.1	0.13	0.1	0.14	0.14	0.13
chr6	83652191	83652902	Vax2os1	ENSMUSG000000085794	991	0.1	0.09	0.14	0.14	0.1	0.17
chr6	83958728	83959008	Dysf	ENSMUSG000000033788	-41	0.08	0.19	0.13	0.22	0.08	0.21
chr6	85381896	85382284	Smyd5	ENSMUSG000000033706	107	0.12	0.17	0.09	0.14	0.1	0.15
chr6	86354160	86354737	Tia1	ENSMUSG000000071337	235	0.11	0.13	0.06	0.12	0.1	0.1
chr6	87540528	87540796	Prokr1	ENSMUSG000000049409	33	0.1	0.28	0.12	0.19	0.06	0.1
chr6	88577310	88577753	Kbtbd12	ENSMUSG000000033182	-95	0.18	0.33	0.09	0.17	0.22	0.14
chr6	90275041	90275305	Chst13	ENSMUSG000000056643	6	0.15	0.16	0.1	0.18	0.15	0.11
chr6	90686177	90687213	lqsec1	ENSMUSG000000034312	-14	0.16	0.18	0.1	0.16	0.17	0.13
chr6	90760016	90760269	lqsec1	ENSMUSG000000034312	-25	0.18	0.32	0.13	0.17	0.18	0.1
chr6	91465586	91466346	Xpc	ENSMUSG000000030094	-88	0.09	0.16	0.08	0.11	0.1	0.14
chr6	91634125	91634393	Slc6a6	ENSMUSG000000030096	198	0.34	0.17	0.11	0.18	0.37	0.25
chr6	108732972	108733823	Arl8b	ENSMUSG000000030105	344	0.06	0.28	0.1	0.19	0.1	0.18
chr6	113143922	113144359	Lhfpl4	ENSMUSG000000042873	1238	1	0.47	0.2	0.44	1	0.14
chr6	113432490	113433389	Creld1	ENSMUSG000000030284	-352	0.11	0.15	0.1	0.14	0.1	0.11
chr6	113451725	113452039	Prrt3	ENSMUSG000000045009	-70	0.08	0.09	0.1	0.27	0.13	0.17
chr6	115758210	115758798	Rpl32	ENSMUSG000000057841	261	0.17	0.1	0.11	0.11	0.18	0.08
chr6	116501168	116501381	Gm5580	ENSMUSG000000060393	92	1	NA	0.85	0.85	1	0.97
chr6	118511984	118512467	Ankrd26	ENSMUSG00000007827	49	0.09	0.06	0.19	0.22	0.1	0.17
chr6	120786145	120786613	Bcl2l13	ENSMUSG000000009112	131	0.25	0.5	0.15	0.09	0.2	0.21
chr6	121195725	121195935	Usp18	ENSMUSG000000030107	-94	0.25	0.33	0.17	0.06	0.18	0.12
chr6	122258743	122259273	M6pr	ENSMUSG000000007458	-9	0.33	0.53	0.12	0.24	0.33	0.19
chr6	122751554	122752066	Slc2a3	ENSMUSG000000003153	-152	0.5	0.48	0.09	0.11	0.24	0.24
chr6	124719364	124719697	Eno2	ENSMUSG000000004267	-28	0.09	0.34	0.12	0.15	0.11	0.18
chr6	125045959	125046836	Chd4	ENSMUSG000000063870	398	0.11	0.15	0.11	0.15	0.1	0.13
chr6	126114601	126115080	Ntf3	ENSMUSG000000049107	1922	1	0.28	0.08	0.24	0.48	0.2
chr6	127837712	127837931	Tspan11	ENSMUSG000000030351	31	0.08	0.05	0.11	0.09	0.08	0.11
chr6	128792903	128793286	Gm17395	ENSMUSG000000090617	-710	0.13	0.11	0.13	0.21	0.14	0.13
chr6	131243042	131243310	Magohb	ENSMUSG000000030188	-27	0.11	0.09	0.18	0.16	0.06	0.19
chr6	134847651	134848639	Gpr19	ENSMUSG000000032641	-312	0.15	0.19	0.1	0.24	0.15	0.23

chr6	135117890	135118269	Hebp1	ENSMUSG00000042770	154	0.1	0.12	0.17	0.12	0.08	0.17
chr6	137117813	137118324	Rerg	ENSMUSG00000030222	138	0.09	0.1	0.09	0.1	0.09	0.11
chr6	142519653	142520142	Kcnj8	ENSMUSG00000030247	-21	0.1	0.21	0.07	0.14	0.09	0.11
chr6	142912551	142913069	St8sia1	ENSMUSG00000030283	162	0.2	0.3	0.11	0.18	0.17	0.16
chr6	144729999	144730426	Sox5	ENSMUSG00000041540	227	0.15	0.14	0.11	0.16	0.16	0.17
chr6	147424353	147425040	Ccdc91	ENSMUSG00000030301	303	0.14	0.11	0.09	0.13	0.15	0.11
chr6	3713576	3713862	Calcr	ENSMUSG00000023964	-90	0.17	NA	0.09	0.23	NA	0.1
chr6	5675672	5675924	Dync11	ENSMUSG00000029757	35	NA	NA	0.2	1	NA	NA
chr6	7504903	7505232	Tac1	ENSMUSG00000061762	-4	NA	1	NA	NA	NA	NA
chr6	18798477	18798790	Naa38	ENSMUSG00000044155	54	NA	0.12	0.1	0.14	0.06	0.17
chr6	28083666	28083918	Grm8	ENSMUSG00000024211	-467	NA	NA	0.26	0.75	NA	0.36
chr6	29346379	29346656	AC044807.1	ENSMUSG00000092956	-100	NA	1	0.09	0.16	0.06	0.12
chr6	29446440	29446642	Kcp	ENSMUSG00000059022	-627	NA	0.33	0.19	NA	0.67	0.31
chr6	29457708	29458070	Gm17515	ENSMUSG00000072491	164	NA	0.25	0.08	0.26	0.22	0.16
chr6	29559123	29559957	Tnpo3	ENSMUSG00000012535	67	NA	0.25	0.11	0.34	0.1	0.28
chr6	30687907	30688499	Mest	ENSMUSG00000051855	153	NA	1	1	NA	NA	0.89
chr6	31167780	31167986	AB041803	ENSMUSG00000044471	550	NA	NA	0.21	0.33	0.2	0.13
chr6	31168145	31168355	AB041803	ENSMUSG00000044471	183	NA	NA	0.06	0.11	0.1	0.11
chr6	34126681	34127168	Slc35b4	ENSMUSG00000018999	46	0.25	0.17	0.12	0.36	NA	0.3
chr6	36338526	36338735	9330158H04Rik	ENSMUSG00000073154	287	0.08	0.06	0.11	0.12	NA	0.07
chr6	39760803	39761078	Mrps33	ENSMUSG00000029918	-56	0.11	0.12	0.12	0.21	NA	0.13
chr6	40421322	40421714	Ssbp1	ENSMUSG00000029911	167	NA	0.38	0.09	0.13	0.08	0.11
chr6	41555162	41555843	Ephb6	ENSMUSG00000029869	21	NA	0.33	0.1	0.18	0.09	0.13
chr6	42214829	42215349	Casp2	ENSMUSG00000029863	105	1	NA	0.19	0.54	NA	0.14
chr6	47903267	47903638	Zfp956	ENSMUSG00000045466	63	0.08	0.11	0.12	0.11	NA	0.1
chr6	48504713	48504976	Lrrc61	ENSMUSG00000073096	49	0.5	NA	0.22	NA	NA	0.13
chr6	48579245	48579756	AI854703	ENSMUSG00000053297	1334	0.4	0.33	0.09	0.75	NA	0.25
chr6	49269177	49269608	Ccdc126	ENSMUSG00000050786	119	NA	1	0.75	0.82	1	0.25
chr6	49345410	49345823	Stk31	ENSMUSG00000023403	13	NA	NA	1	NA	1	0.86
chr6	49772265	49772868	Npy	ENSMUSG00000029819	-143	NA	NA	0.16	0.17	0.13	0.17

chr6	52122473	52122810	Hoxa3	ENSMUSG00000079560	7	NA	NA	NA	NA	1	NA
chr6	52156445	52156653	Hoxa5	ENSMUSG00000038253	-1963	1	NA	1	NA	NA	NA
chr6	52161660	52161869	Hoxa6	ENSMUSG00000043219	-409	NA	1	0.34	0.71	0.92	0.35
chr6	52199280	52199559	Hoxa11as	ENSMUSG00000086427	998	NA	0.33	0.13	0.22	0.33	0.25
chr6	54276909	54277280	Prr15	ENSMUSG00000045725	88	NA	0.17	0.12	0.09	0.07	0.17
chr6	56654403	56654719	Lsm5	ENSMUSG00000091625	89	NA	0.86	0.08	0.53	0.17	0.34
chr6	58590326	58590717	Abcg2	ENSMUSG00000029802	-19	NA	NA	0.24	0.29	0.28	0.13
chr6	65331239	65331608	C130060K24Rik	ENSMUSG00000029917	135	NA	NA	0.1	0.13	0.08	0.19
chr6	71093848	71094332	Thns12	ENSMUSG00000054474	235	NA	1	0.27	NA	0.14	0.17
chr6	71858641	71858888	Ptcd3	ENSMUSG00000063884	-8	NA	NA	0.13	0.27	0.11	0.13
chr6	83036313	83036714	Lbx2	ENSMUSG00000034968	154	NA	0.25	0.13	0.09	0.1	0.17
chr6	83115645	83116060	Dctn1	ENSMUSG00000031865	-62	0.33	0.33	0.25	NA	NA	NA
chr6	83456700	83457074	Dguok	ENSMUSG00000014554	-72	NA	1	NA	NA	NA	NA
chr6	83725500	83725914	Tex261	ENSMUSG00000014748	45	NA	0.76	0.12	0.16	0.2	0.15
chr6	85324873	85325120	Rab11fip5	ENSMUSG00000051343	-368	NA	0.07	0.12	0.27	0.5	0.2
chr6	85911077	85911704	Dusp11	ENSMUSG00000030002	211	NA	1	0.2	0.54	0.17	0.27
chr6	86346819	86347226	Pcyox1	ENSMUSG00000029998	115	NA	1	0.17	0.43	NA	0.14
chr6	86959796	86960222	Nfu1	ENSMUSG00000029993	179	NA	0.17	0.32	0.23	0.17	0.25
chr6	87682658	87683059	Ccdc48	ENSMUSG00000068263	55	NA	NA	0.55	NA	NA	NA
chr6	87788571	87788976	Isy1	ENSMUSG00000030056	-20	NA	0.12	0.07	0.09	0.08	0.15
chr6	90554865	90555081	Slc41a3	ENSMUSG00000030089	254	NA	NA	0.19	0.34	NA	0.19
chr6	90855561	90855838	Ppp1r2-ps2	ENSMUSG00000072894	6	1	NA	0.62	1	NA	0.95
chr6	91106616	91107049	Hdac11	ENSMUSG00000034245	173	NA	0.2	0.1	0.3	0.17	0.19
chr6	97160674	97160886	Arl6ip5	ENSMUSG00000035199	97	1	NA	1	NA	NA	NA
chr6	113419540	113419962	Il17rc	ENSMUSG00000030281	-1670	NA	NA	NA	NA	0.67	NA
chr6	113588377	113588607	Irak2	ENSMUSG00000060477	31	NA	NA	0.17	0.2	NA	NA
chr6	114232687	114233046	Slc6a1	ENSMUSG00000030310	237	NA	0.27	0.15	0.24	NA	0.12
chr6	115551838	115552233	Mkrm2	ENSMUSG00000000439	86	NA	NA	0.08	0.25	NA	0.29
chr6	116123662	116123920	Gm8203	ENSMUSG00000060214	36	NA	NA	0.78	1	NA	0.77
chr6	116410744	116411228	Alox5	ENSMUSG00000025701	56	NA	1	0.16	0.18	0.18	0.14

chr6	116623586	116623788	Rassf4	ENSMUSG00000042129	143	NA	NA	0.2	NA	NA	0.08
chr6	117947812	117948026	Gm4875	ENSMUSG00000082791	694	NA	NA	1	1	1	NA
chr6	121134161	121134522	Pex26	ENSMUSG00000067825	425	NA	0.38	0.17	NA	0.19	0.16
chr6	124690629	124691145	Grcc10	ENSMUSG00000072772	-174	NA	NA	0.5	NA	1	0.25
chr6	125165548	125165979	Vamp1	ENSMUSG00000030337	194	NA	0.27	0.15	0.28	0.2	0.19
chr6	125311741	125312008	Tnfrsf1a	ENSMUSG00000030341	1429	NA	NA	0.24	NA	NA	0.3
chr6	125330304	125330646	Plekhg6	ENSMUSG00000038167	336	0.5	0.28	0.12	0.33	NA	0.14
chr6	127100445	127100817	Ccnd2	ENSMUSG00000000184	435	NA	0.09	0.09	0.16	0.11	0.18
chr6	133055282	133055764	2700089E24Rik	ENSMUSG00000072704	266	1	0.67	0.07	0.12	NA	0.12
chr6	134779956	134780553	Crebl2	ENSMUSG00000032652	82	NA	0.25	0.18	0.24	0.33	0.2
chr6	134933554	134934149	Apold1	ENSMUSG00000090698	1832	NA	0.19	0.08	0.12	0.2	0.09
chr6	135015351	135015855	Gprc5a	ENSMUSG00000046733	-66	NA	NA	0.33	NA	1	0.56
chr6	135682990	135683250	Gm14329	ENSMUSG00000086239	232	1	NA	1	1	NA	1
chr6	136467121	136467699	Atf7ip	ENSMUSG00000030213	38	0.17	0.67	0.11	0.13	NA	0.13
chr6	136752552	136752891	Hist4h4	ENSMUSG00000068851	179	NA	NA	0.4	NA	NA	1
chr6	137703000	137703232	Dera	ENSMUSG00000030225	53	NA	NA	0.13	0.16	0.24	0.16
chr6	142363149	142363376	B230216G23Rik	ENSMUSG00000071112	221	NA	NA	0.28	0.31	1	0.3
chr6	144996878	144997333	Bcat1	ENSMUSG00000030268	227	NA	NA	0.12	0.09	0.04	0.16
chr6	145024093	145024299	Bcat1	ENSMUSG00000030268	508	NA	0.67	0.12	NA	0.33	0.08
chr6	145159380	145159744	Casc1	ENSMUSG00000043541	-173	NA	0.33	0.17	0.33	0.11	0.1
chr6	146744474	146744709	Arntl2	ENSMUSG00000040187	14	NA	0.65	0.14	0.21	0.09	0.32
chr6	147995754	147996020	Far2	ENSMUSG00000030303	106	NA	NA	0.27	0.38	0.75	0.21
chr6	148779726	148780194	Ipo8	ENSMUSG00000040029	-12	NA	0.19	0.12	0.25	0.13	0.24
chr7	20014722	20014950	Mark4	ENSMUSG00000030397	-1186	0.21	0.31	0.69	0.73	0.69	0.8
chr7	13623236	13623979	Ube2m	ENSMUSG00000005575	12	0.46	0.06	0.09	0.2	0.13	0.15
chr7	118225462	118227015	Eif4g2	ENSMUSG00000005610	-529	0.38	0.17	0.15	0.21	0.18	0.15
chr7	114513814	114515013	Syt9	ENSMUSG00000062542	171	0.15	0.12	0.1	0.11	0.04	0.11
chr7	29856628	29856979	Gm16799	ENSMUSG00000087096	181	0.24	0.07	0.1	0.07	0.05	0.1
chr7	134732229	134732659	Rnf40	ENSMUSG00000030816	232	0.29	0.24	0.08	0.15	0.08	0.11
chr7	89136563	89137632	4833418N17Rik	ENSMUSG00000052779	209	0.37	0.23	0.11	0.15	0.13	0.13

chr7	127778251	127779311	Uqcrc2	ENSMUSG00000030884	91	0.45	0.16	0.11	0.16	0.08	0.16
chr7	29123168	29124049	Supt5h	ENSMUSG00000003435	130	0.25	0.11	0.09	0.19	0.07	0.15
chr7	25316451	25316926	Irgq	ENSMUSG000000041037	1021	1	0.19	0.07	0.17	0.19	0.15
chr7	105851201	105852117	Gm15506	ENSMUSG000000086477	-221	0.19	0.12	0.11	0.13	0.05	0.19
chr7	121397630	121398195	Copb1	ENSMUSG000000030754	282	0.72	0.22	0.09	0.15	0.18	0.18
chr7	120350323	120352150	Arntl	ENSMUSG000000055116	257	0.21	0.15	0.15	0.19	0.1	0.18
chr7	29135552	29136165	Rps16	ENSMUSG000000037563	187	0.9	0.15	0.11	0.27	0.22	0.17
chr7	142602161	142602484	Foxi2	ENSMUSG000000048377	272	0.2	0.15	0.1	0.18	0.1	0.12
chr7	48154148	48155595	Vstm2b	ENSMUSG000000039257	223	0.22	0.11	0.09	0.15	0.1	0.13
chr7	149849814	149850293	Igf2as	ENSMUSG000000086266	-990	0.57	0.23	0.16	0.24	0.14	0.18
chr7	51846398	51847178	Kcnc3	ENSMUSG000000062785	532	0.37	0.36	0.11	0.15	0.16	0.12
chr7	119369244	119369828	Mical2	ENSMUSG000000038244	166	0.53	0.45	0.14	0.22	0.23	0.14
chr7	19867825	19868473	Rtn2	ENSMUSG000000030401	138	0.24	0.15	0.09	0.16	0.08	0.16
chr7	140004629	140005681	Fam53b	ENSMUSG000000030956	-377	0.09	0.17	0.09	0.12	0.2	0.12
chr7	137662575	137663628	Ate1	ENSMUSG000000030850	-48	0.8	0.23	0.1	0.17	0.08	0.13
chr7	63274634	63275049	Nipa1	ENSMUSG000000047037	483	0.4	0.36	0.14	0.14	0.14	0.17
chr7	89078413	89079640	Hdgfrp3	ENSMUSG000000025104	-117	0.35	0.23	0.09	0.17	0.11	0.11
chr7	135831483	135832096	Inpp5f	ENSMUSG000000042105	-214	0.58	0.39	0.48	0.6	0.22	0.57
chr7	108469541	108470458	Stard10	ENSMUSG000000030688	372	0.22	0.16	0.13	0.19	0.1	0.14
chr7	36539078	36539580	Dpy19l3	ENSMUSG000000043671	45	0.71	0.15	0.08	0.16	0.2	0.15
chr7	87515502	87516445	Man2a2	ENSMUSG000000038886	99	0.19	0.12	0.11	0.13	0.08	0.14
chr7	36340052	36340990	Nudt19	ENSMUSG000000034875	-308	0.26	0.37	0.12	0.15	0.09	0.16
chr7	87546791	87547488	Furin	ENSMUSG000000030530	509	0.31	0.23	0.11	0.11	0.14	0.12
chr7	139346110	139346399	Cpxm2	ENSMUSG000000030862	51	0.27	0.11	0.09	0.19	0.07	0.16
chr7	4728492	4728927	Il11	ENSMUSG000000004371	1034	0.89	0.41	0.13	0.33	0.28	0.27
chr7	136400113	136400703	Ppapdc1a	ENSMUSG000000070366	-200	0.16	0.07	0.1	0.12	0.06	0.18
chr7	13063592	13064104	Zfp606	ENSMUSG000000030386	206	0.46	0.35	0.09	0.19	0.1	0.1
chr7	53434828	53435597	Abcc8	ENSMUSG000000040136	191	0.75	0.62	0.17	0.25	0.14	0.16
chr7	3581293	3581658	Tfpt	ENSMUSG000000006335	11	0.23	0.15	0.12	0.1	0.08	0.14
chr7	127741258	127741538	E130201H02Rik	ENSMUSG000000044141	234	0.29	0.19	0.12	0.25	0.11	0.17

chr7	19813301	19814124	Opa3	ENSMUSG00000052214	29	0.25	0.13	0.09	0.16	0.08	0.17
chr7	71432291	71432948	Mtmr10	ENSMUSG00000030522	80	0.11	0.19	0.15	0.15	0.28	0.16
chr7	137789526	137789975	Tacc2	ENSMUSG00000030852	5	0.26	0.17	0.13	0.18	0.08	0.11
chr7	29052770	29053530	Eid2	ENSMUSG00000046058	250	0.22	0.14	0.12	0.16	0.11	0.13
chr7	6106718	6108093	Zfp787	ENSMUSG00000046792	168	0.22	0.08	0.1	0.19	0.09	0.15
chr7	85723540	85723839	Gm9885	ENSMUSG00000052629	-27	0.33	0.07	0.1	0.19	0.1	0.11
chr7	148401507	148402149	Rassf7	ENSMUSG00000038618	69	0.12	0.18	0.09	0.17	1	0.15
chr7	151924285	151924584	Ano1	ENSMUSG00000031075	-51	0.24	0.19	0.18	0.19	0.09	0.11
chr7	130113131	130114319	Rbbp6	ENSMUSG00000030779	-353	0.17	0.15	0.12	0.15	0.08	0.15
chr7	36119230	36120148	Rhpn2	ENSMUSG00000030494	340	0.22	0.06	0.11	0.16	0.05	0.19
chr7	30569166	30569564	Zfp30	ENSMUSG00000047473	262	0.53	0.43	0.26	0.22	0.22	0.2
chr7	27951139	27951971	Egln2	ENSMUSG00000058709	-254	0.07	0.11	0.11	0.18	0.22	0.17
chr7	120512556	120513500	Btbd10	ENSMUSG00000038187	-178	0.3	0.14	0.1	0.15	0.11	0.12
chr7	81699075	81699942	Slco3a1	ENSMUSG00000025790	-148	0.25	0.18	0.11	0.15	0.14	0.12
chr7	138505780	138506892	2310057M21Rik	ENSMUSG00000040177	-124	0.47	0.21	0.14	0.38	0.21	0.28
chr7	152023824	152025569	Fgf3	ENSMUSG00000031074	708	0.4	0.36	0.17	0.24	0.2	0.21
chr7	112884632	112885829	Rrp8	ENSMUSG00000030888	-343	0.36	0.31	0.12	0.19	0.17	0.2
chr7	125633307	125635552	Itpr1l2	ENSMUSG00000073858	419	0.26	0.14	0.12	0.19	0.16	0.2
chr7	31348185	31348521	Psenen	ENSMUSG00000036835	-150	0.6	0.3	0.16	0.19	0.3	0.14
chr7	52621947	52623147	Ppfia3	ENSMUSG0000003863	-463	0.19	0.15	0.11	0.14	0.08	0.11
chr7	128061137	128061943	Polr3e	ENSMUSG00000030880	282	0.13	0.13	0.08	0.11	0.08	0.12
chr7	142729391	142730296	Ptpre	ENSMUSG00000041836	336	0.17	0.09	0.1	0.13	0.09	0.12
chr7	3655499	3656359	Rps9	ENSMUSG00000006333	334	0.61	0.15	0.3	0.46	0.35	0.33
chr7	52417570	52417859	Slc17a7	ENSMUSG00000070570	-1577	0.29	0.13	0.1	0.17	0.1	0.12
chr7	133920275	133920789	Gm9967	ENSMUSG00000055323	-200	0.6	0.1	0.14	0.18	0.09	0.17
chr7	13563190	13563645	Zfp446	ENSMUSG00000033961	220	1	0.71	0.25	0.55	0.54	0.26
chr7	25757059	25757306	Rabac1	ENSMUSG0000003380	523	0.46	0.39	0.11	0.25	0.15	0.14
chr7	29551300	29551987	Nfkbib	ENSMUSG00000030595	-143	0.58	0.33	0.1	0.23	0.16	0.15
chr7	35015084	35015415	Gpi1	ENSMUSG00000036427	51	1	0.19	0.1	0.1	0.1	0.14
chr7	57230304	57231320	Nell1	ENSMUSG00000055409	373	0.5	0.13	0.1	0.17	0.16	0.13

chr7	149844853	149847223	Igf2	ENSMUSG00000048583	-644	0.17	0.2	0.13	0.17	0.1	0.15
chr7	52003923	52004188	Vrk3	ENSMUSG00000002205	101	0.29	0.09	0.1	0.17	0.08	0.08
chr7	29237194	29237503	Lfn1	ENSMUSG00000030600	91	0.08	0.52	0.15	0.12	0.31	0.11
chr7	19703581	19703882	Gm4969	ENSMUSG00000085601	-41	1	0.67	0.52	0.4	0.45	0.4
chr7	5077434	5077709	Rasl2-9-ps	ENSMUSG00000083649	-19	0.11	0.25	0.13	0.25	0.27	0.19
chr7	74516932	74518398	Mef2a	ENSMUSG00000030557	48	0.31	0.19	0.13	0.15	0.19	0.15
chr7	63097352	63098057	Cyfp1	ENSMUSG00000030447	263	0.26	0.13	0.1	0.17	0.15	0.14
chr7	52968729	52968985	Sphk2	ENSMUSG00000057342	1720	0.73	0.85	0.7	0.78	0.96	0.94
chr7	134851792	134852513	Mir762	ENSMUSG00000076454	151	0.1	0.32	0.14	0.16	0.22	0.14
chr7	149573576	149573933	Ctsd	ENSMUSG00000007891	-30	0.26	0.3	0.12	0.1	0.11	0.19
chr7	135088200	135088418	Prss36	ENSMUSG00000070371	1930	0.46	0.25	0.12	0.19	0.2	0.17
chr7	54050979	54051763	Hps5	ENSMUSG00000014418	-323	0.37	0.13	0.12	0.17	0.15	0.16
chr7	52883788	52884451	Rasip1	ENSMUSG00000044562	1223	0.22	0.09	0.11	0.11	0.08	0.11
chr7	86611538	86611745	Polg	ENSMUSG00000039176	-393	0.32	0.09	0.09	0.24	0.09	0.21
chr7	128125231	128126237	Cdr2	ENSMUSG00000030878	-430	0.14	0.19	0.14	0.23	0.05	0.15
chr7	86197689	86198410	Gm16936	ENSMUSG00000087186	160	0.22	0.25	0.09	0.18	0.11	0.15
chr7	13420245	13420557	Zfp110	ENSMUSG00000058638	15	1	0.5	0.15	0.57	0.11	0.24
chr7	134351544	134352219	Tbc1d10b	ENSMUSG00000042492	101	0.09	0.1	0.07	0.1	0.14	0.14
chr7	149718790	149719230	Mrpl23	ENSMUSG00000037772	93	1	0.33	0.09	0.23	0.12	0.16
chr7	17529897	17530279	Pnmal2	ENSMUSG00000070802	57	1	0.19	0.05	0.07	0.05	0.16
chr7	86649658	86650368	Mir9-3	ENSMUSG00000093238	-137	0.23	0.1	0.1	0.11	0.12	0.17
chr7	123175157	123176022	1110006G14Rik	ENSMUSG00000030664	96	0.15	0.12	0.13	0.14	0.09	0.16
chr7	25118341	25118996	1700008P20Rik	ENSMUSG00000055826	316	0.75	0.7	0.36	0.65	0.59	0.44
chr7	85722809	85723319	Ntrk3	ENSMUSG00000059146	-203	1	0.11	0.11	0.12	0.11	0.06
chr7	121558443	121560099	4933406I18Rik	ENSMUSG00000087475	-736	0.29	0.19	0.1	0.14	0.18	0.11
chr7	75893750	75894094	Arrdc4	ENSMUSG00000042659	152	0.15	0.09	0.1	0.21	0.31	0.07
chr7	106416004	106417758	Mtap6	ENSMUSG00000055407	25	0.23	0.13	0.1	0.16	0.14	0.15
chr7	103358299	103359601	Odz4	ENSMUSG00000048078	294	0.22	0.14	0.08	0.13	0.12	0.14
chr7	103360187	103360389	Odz4	ENSMUSG00000048078	107	1	0.25	0.07	0.39	0.22	0.17
chr7	29163390	29163636	Zfp36	ENSMUSG00000044786	761	1	0.43	0.23	0.31	0.34	0.36

chr7	64846182	64847441	Gabrb3	ENSMUSG00000033676	279	0.26	0.21	0.08	0.16	0.14	0.12
chr7	116582283	116582877	Stk33	ENSMUSG00000031027	-249	0.31	0.14	0.14	0.15	0.12	0.1
chr7	107755651	107757063	Rab6a	ENSMUSG00000030704	433	0.2	0.16	0.11	0.14	0.11	0.15
chr7	131126086	131127385	Hs3st4	ENSMUSG00000078591	352	0.26	0.24	0.09	0.14	0.16	0.13
chr7	145588621	145589780	Tcerg1l	ENSMUSG00000091002	211	0.17	0.09	0.07	0.15	0.09	0.13
chr7	148513135	148514404	Deaf1	ENSMUSG00000058886	-354	0.67	0.17	0.11	0.19	0.26	0.17
chr7	128850073	128851024	1700069B07Rik	ENSMUSG00000053081	-155	0.12	0.12	0.1	0.09	0.07	0.11
chr7	140829012	140830030	2700050L05Rik	ENSMUSG00000039990	295	0.26	0.33	0.17	0.18	0.12	0.23
chr7	91838038	91838484	2610206C17Rik	ENSMUSG00000085236	111	0.11	0.09	0.12	0.12	0.05	0.13
chr7	106616731	106617611	Kihl35	ENSMUSG00000035298	-302	0.09	0.1	0.11	0.12	0.14	0.14
chr7	107520227	107520569	Ppme1	ENSMUSG00000030718	8	0.19	0.07	0.08	0.14	0.07	0.14
chr7	135018963	135020699	Zfp668	ENSMUSG00000049728	-671	0.2	0.1	0.13	0.14	0.13	0.18
chr7	25332024	25332403	Xrcc1	ENSMUSG00000051768	44	0.08	0.08	0.08	0.18	0.17	0.09
chr7	87259859	87260549	Idh2	ENSMUSG00000030541	14	0.1	0.09	0.1	0.14	0.15	0.12
chr7	96551947	96552252	Tmem135	ENSMUSG00000039428	633	0.23	0.23	0.14	0.17	0.08	0.12
chr7	104099915	104100448	C230038L03Rik	ENSMUSG00000085560	-191	0.12	0.16	0.11	0.26	0.36	0.2
chr7	28964419	28965444	Dyrk1b	ENSMUSG00000002409	443	0.41	0.26	0.14	0.21	0.15	0.12
chr7	112630303	112630879	Prkcdbp	ENSMUSG00000037060	120	0.36	0.32	0.15	0.16	0.12	0.13
chr7	129276098	129276787	Palb2	ENSMUSG00000044702	-84	0.13	0.1	0.09	0.16	0.06	0.16
chr7	73006672	73007840	RP23-181K4.1	ENSMUSG00000093405	-378	0.12	0.09	0.12	0.15	0.08	0.1
chr7	5012621	5014214	U2af2	ENSMUSG00000030435	-328	0.28	0.25	0.11	0.25	0.16	0.13
chr7	28271846	28272597	Sertad1	ENSMUSG00000008384	292	0.26	0.13	0.12	0.14	0.12	0.14
chr7	51808889	51809414	Nr1h2	ENSMUSG00000060601	-95	0.33	0.47	0.14	0.25	0.18	0.15
chr7	91558054	91558847	Arnt2	ENSMUSG00000015709	19	0.53	0.24	0.23	0.34	0.2	0.22
chr7	28122564	28122834	Ltbp4	ENSMUSG00000040488	12	0.33	0.07	0.14	0.31	0.12	0.22
chr7	116154222	116154783	Tub	ENSMUSG00000031028	163	0.22	0.11	0.09	0.1	0.09	0.09
chr7	123236595	123237037	1700003G18Rik	ENSMUSG00000087621	-196	0.06	0.04	0.13	0.17	0.13	0.14
chr7	134339115	134339691	Cd2bp2	ENSMUSG00000042502	-14	0.11	0.24	0.12	0.12	0.26	0.12
chr7	134005277	134006164	Ino80e	ENSMUSG00000030689	-415	0.59	0.29	0.23	0.18	0.33	0.2
chr7	139767576	139768178	Oat	ENSMUSG00000030934	204	0.27	0.24	0.12	0.17	0.13	0.1

chr7	80520133	80521230	Rgma	ENSMUSG00000070509	275	0.13	0.11	0.15	0.15	0.08	0.2
chr7	117365199	117365761	Swap70	ENSMUSG00000031015	263	0.24	0.15	0.14	0.15	0.12	0.19
chr7	133838856	133839865	Bola2	ENSMUSG00000047721	445	0.31	0.25	0.11	0.18	0.16	0.16
chr7	16858017	16859052	Prr24	ENSMUSG00000091811	507	0.18	0.14	0.1	0.17	0.09	0.15
chr7	26067273	26067993	Cic	ENSMUSG00000005442	-196	0.24	0.26	0.12	0.32	0.49	0.15
chr7	128177919	128178776	Mettl9	ENSMUSG00000030876	388	0.15	0.14	0.09	0.13	0.08	0.14
chr7	148725549	148725972	Chid1	ENSMUSG00000025512	-57	0.17	0.26	0.16	0.3	1	0.25
chr7	53179673	53179938	Ccdc114	ENSMUSG00000040189	192	0.83	0.82	0.6	0.69	0.5	0.42
chr7	96665821	96666332	Prss23	ENSMUSG00000039405	20	0.14	0.26	0.11	0.11	0.23	0.1
chr7	31758128	31758537	Lsr	ENSMUSG00000001247	76	0.16	0.1	0.11	0.09	0.26	0.1
chr7	134984926	134985865	Stx4a	ENSMUSG00000030805	117	0.15	0.09	0.11	0.15	0.08	0.14
chr7	35460239	35461227	Gm12756	ENSMUSG00000087127	-1715	0.31	0.28	0.12	0.17	0.25	0.16
chr7	104886355	104886919	Aqp11	ENSMUSG00000042797	-102	0.29	0.23	0.16	0.15	0.08	0.14
chr7	107855027	107855572	Fam168a	ENSMUSG00000029461	134	0.14	0.15	0.07	0.21	0.26	0.12
chr7	73532506	73533298	Lrrk1	ENSMUSG00000015133	291	0.23	0.34	0.12	0.15	0.12	0.16
chr7	4989861	4990251	Zfp784	ENSMUSG00000043290	-8	0.2	0.13	0.15	0.14	0.09	0.12
chr7	73205340	73205816	Snrpa1	ENSMUSG00000030512	148	0.2	0.11	0.08	0.17	0.12	0.16
chr7	28231459	28231759	Spnb4	ENSMUSG00000011751	-73	0.11	0.1	0.06	0.07	0.05	0.13
chr7	25217216	25218314	Irgc1	ENSMUSG00000062028	644	0.73	0.9	0.68	0.71	0.58	0.57
chr7	20043404	20044077	Mark4	ENSMUSG00000030397	103	0.26	0.16	0.14	0.21	0.12	0.15
chr7	35902918	35905759	Cebpa	ENSMUSG00000034957	26	0.19	0.12	0.14	0.18	0.13	0.15
chr7	104548475	104548897	Ndufc2	ENSMUSG00000030647	173	0.54	0.49	0.21	0.3	0.43	0.23
chr7	88598472	88600400	Cpeb1	ENSMUSG00000025586	208	0.12	0.16	0.11	0.13	0.08	0.13
chr7	135380770	135382077	Armc5	ENSMUSG00000042178	552	0.22	0.24	0.14	0.16	0.11	0.14
chr7	20092377	20093025	Bloc1s3	ENSMUSG00000057667	979	0.11	0.15	0.12	0.2	0.2	0.18
chr7	52094927	52095679	Il4i1	ENSMUSG00000074141	594	0.22	0.27	0.37	0.43	0.45	0.32
chr7	129210302	129211390	Ears2	ENSMUSG00000030871	-321	0.11	0.18	0.13	0.16	0.05	0.17
chr7	31373299	31373560	Wbp7	ENSMUSG00000006307	307	0.07	0.16	0.08	0.14	0.18	0.1
chr7	4866678	4867147	Zfp628	ENSMUSG00000074406	93	0.14	0.13	0.14	0.21	0.29	0.15
chr7	29957798	29958109	Ggn	ENSMUSG00000031493	1737	0.15	0.17	0.37	0.32	0.4	0.57

chr7	20147077	20148038	Ppp1r37	ENSMUSG00000051403	190	0.21	0.14	0.1	0.18	0.11	0.12
chr7	127986243	127987217	Eef2k	ENSMUSG00000035064	385	0.33	0.15	0.09	0.13	0.14	0.15
chr7	130512940	130513144	Arhgap17	ENSMUSG00000030766	387	0.23	0.17	0.08	0.21	0.06	0.15
chr7	146271852	146272661	Dpysl4	ENSMUSG00000025478	356	0.46	0.17	0.19	0.22	0.31	0.17
chr7	52661621	52662395	Kcna7	ENSMUSG00000038201	678	0.13	0.1	0.11	0.16	0.09	0.12
chr7	19893969	19895799	Fosb	ENSMUSG0000003545	510	0.22	0.14	0.12	0.19	0.15	0.15
chr7	86644709	86645167	Al854517	ENSMUSG00000085554	-65	0.22	0.15	0.07	0.09	0.09	0.11
chr7	148445609	148445875	Phrf1	ENSMUSG00000038611	185	0.87	0.73	0.71	0.79	1	0.9
chr7	91234742	91235296	9930013L23Rik	ENSMUSG00000052353	-7	0.29	0.1	0.11	0.15	0.15	0.09
chr7	120097338	120098946	Rassf10	ENSMUSG00000048962	434	0.14	0.12	0.1	0.15	0.1	0.13
chr7	20407840	20408111	Bcl3	ENSMUSG00000053175	129	0.22	0.13	0.09	0.13	0.11	0.1
chr7	105983356	105983850	Wnt11	ENSMUSG00000015957	-19	0.15	0.15	0.09	0.13	0.08	0.13
chr7	69522068	69522345	Magel2	ENSMUSG00000056972	341	0.19	0.21	0.33	0.29	0.33	0.41
chr7	134655421	134656518	Srcap	ENSMUSG00000053877	428	1	0.31	0.16	0.15	0.45	0.15
chr7	6682773	6683109	Peg3	ENSMUSG00000002265	189	0.46	0.23	0.44	0.44	0.29	0.6
chr7	86937529	86938396	Mesp1	ENSMUSG00000030544	712	0.12	0.18	0.1	0.17	0.25	0.2
chr7	147129611	147130861	Utf1	ENSMUSG00000047751	548	0.21	0.2	0.13	0.19	0.13	0.2
chr7	99889579	99889954	4632427E13Rik	ENSMUSG00000074024	203	0.24	0.1	0.07	0.13	0.1	0.12
chr7	134758096	134758449	Zfp629	ENSMUSG00000045639	109	0.3	0.55	0.19	0.13	0.18	0.22
chr7	148640972	148641459	Pnpla2	ENSMUSG00000025509	118	0.37	0.42	0.16	0.28	0.16	0.26
chr7	91030734	91033103	Mesdc1	ENSMUSG00000070462	933	0.17	0.18	0.16	0.17	0.22	0.12
chr7	140122528	140123535	Zranb1	ENSMUSG00000030967	206	0.1	0.06	0.09	0.12	0.07	0.12
chr7	146574935	146575499	Inpp5a	ENSMUSG00000025477	209	0.11	0.09	0.09	0.13	0.07	0.1
chr7	52118872	52119167	Ptov1	ENSMUSG00000038502	324	0.33	0.39	0.44	0.45	0.73	0.56
chr7	31018463	31018707	Polr2i	ENSMUSG00000019738	634	0.58	0.34	0.3	0.45	0.75	0.35
chr7	105293588	105293790	Omp	ENSMUSG00000074006	323	0.68	0.91	0.74	0.86	0.92	0.96
chr7	135038917	135039202	Vkorc1	ENSMUSG00000030804	-91	0.67	NA	0.16	0.24	0.28	0.19
chr7	106529834	106530837	Gdpd5	ENSMUSG00000035314	276	0.28	0.15	0.13	0.21	0.17	0.18
chr7	52887629	52888146	Gm16047	ENSMUSG00000084882	292	0.37	0.57	0.32	0.3	0.44	0.45
chr7	133343460	133344137	Xpo6	ENSMUSG00000000131	58	0.09	0.14	0.08	0.15	0.2	0.17

chr7	125676583	125676972	Coq7	ENSMUSG00000030652	38	0.08	0.11	0.08	0.11	0.14	0.08
chr7	71646413	71647452	Apba2	ENSMUSG00000030519	340	0.17	0.22	0.11	0.17	0.11	0.19
chr7	125999090	125999737	2310008H09Rik	ENSMUSG00000030980	-297	0.25	0.18	0.09	0.17	0.15	0.18
chr7	53651579	53653681	Kcnc1	ENSMUSG00000058975	763	0.12	0.13	0.09	0.14	0.09	0.15
chr7	105509311	105510022	Tsku	ENSMUSG00000049580	132	0.17	0.3	0.09	0.17	0.1	0.11
chr7	52436897	52437933	Pth2	ENSMUSG00000038300	863	0.1	0.14	0.13	0.21	0.17	0.23
chr7	54305806	54306392	Tmem86a	ENSMUSG00000010307	89	0.09	0.08	0.1	0.11	0.05	0.11
chr7	144629197	144629786	Glrx3	ENSMUSG00000031068	160	0.26	0.21	0.12	0.15	0.13	0.2
chr7	86804821	86805780	5730590G19Rik	ENSMUSG00000046591	218	0.24	0.27	0.1	0.16	0.12	0.16
chr7	123380799	123381411	Plekha7	ENSMUSG00000045659	185	0.15	0.13	0.1	0.13	0.06	0.15
chr7	34917401	34918488	Wtip	ENSMUSG00000036459	-107	0.18	0.14	0.09	0.16	0.13	0.17
chr7	109082264	109082801	Lrrc51	ENSMUSG00000064307	-216	0.19	0.37	0.15	0.17	0.08	0.23
chr7	125848838	125849358	Gde1	ENSMUSG00000033917	-204	0.16	0.12	0.08	0.15	0.08	0.12
chr7	135888230	135888771	Sec23ip	ENSMUSG00000055319	116	0.17	0.15	0.1	0.19	0.1	0.16
chr7	52973073	52973688	Sphk2	ENSMUSG00000057342	-108	0.19	0.26	0.11	0.17	0.11	0.18
chr7	88092181	88092830	Sec11a	ENSMUSG00000025724	-108	0.33	0.08	0.07	0.22	0.05	0.22
chr7	89483825	89484986	Adamts13	ENSMUSG00000070469	201	0.11	0.17	0.08	0.11	0.23	0.1
chr7	63305336	63305767	Herc2	ENSMUSG00000030451	26	0.21	0.25	0.09	0.14	0.08	0.14
chr7	71536935	71537788	Mphosph10	ENSMUSG00000030521	-239	0.11	0.11	0.08	0.15	0.06	0.15
chr7	36000116	36000576	Lrp3	ENSMUSG00000001802	-35	0.25	0.09	0.1	0.14	0.17	0.09
chr7	4947426	4947654	Zfp579	ENSMUSG00000051550	91	0.2	0.15	0.1	0.18	0.12	0.16
chr7	121260454	121261381	Rras2	ENSMUSG00000055723	378	0.21	0.19	0.1	0.17	0.12	0.15
chr7	150734315	150735257	Nap114	ENSMUSG00000059119	209	0.32	0.32	0.18	0.21	0.19	0.14
chr7	13639510	13640162	Mzf1	ENSMUSG00000030380	27	1	0.08	0.1	0.12	0.07	0.16
chr7	19864513	19865379	Ppm1n	ENSMUSG00000030402	452	0.16	0.11	0.1	0.17	0.1	0.13
chr7	140900369	140901111	Uros	ENSMUSG00000030979	-99	0.13	0.16	0.09	0.13	0.07	0.16
chr7	89004013	89004525	Tm6sf1	ENSMUSG00000038623	232	0.12	0.14	0.11	0.11	0.08	0.15
chr7	26471772	26473309	Tgfb1	ENSMUSG00000002603	519	0.16	0.23	0.11	0.16	0.12	0.14
chr7	138685436	138688243	Hmx3	ENSMUSG00000040148	458	0.13	0.12	0.1	0.16	0.08	0.15
chr7	52765387	52765943	Nucb1	ENSMUSG00000030824	20	0.16	0.13	0.13	0.09	0.05	0.12

chr7	28438844	28439407	Ttc9b	ENSMUSG00000007944	191	0.22	0.19	0.15	0.25	0.15	0.15
chr7	87833037	87833937	Crtc3	ENSMUSG000000030527	276	0.18	0.15	0.09	0.1	0.13	0.1
chr7	133952490	133952898	Gm15676	ENSMUSG000000085583	-72	1	0.07	0.13	0.2	0.07	0.18
chr7	3424283	3424595	Cacng6	ENSMUSG000000078815	-984	0.15	0.1	0.07	0.17	0.09	0.11
chr7	3596604	3597565	Cnot3	ENSMUSG000000035632	192	0.11	0.07	0.12	0.18	0.16	0.12
chr7	25861843	25862753	Zfp574	ENSMUSG000000045252	33	0.15	0.32	0.09	0.19	0.1	0.15
chr7	36587595	36588068	E130304I02Rik	ENSMUSG000000044997	219	0.36	0.3	0.09	0.14	0.22	0.12
chr7	134889994	134890645	Fbxl19	ENSMUSG000000030811	30	0.38	0.1	0.17	0.2	0.26	0.16
chr7	4971830	4972341	Zfp865	ENSMUSG000000074405	107	0.15	0.1	0.11	0.21	0.25	0.18
chr7	5004394	5004927	Zfp580	ENSMUSG000000055633	1526	0.6	0.4	0.11	0.25	0.21	0.19
chr7	30094318	30094631	Dpf1	ENSMUSG000000030584	-58	0.06	0.04	0.19	0.24	0.15	0.2
chr7	117008937	117009185	Scube2	ENSMUSG00000007279	39	0.15	0.12	0.08	0.16	0.06	0.19
chr7	138079558	138080563	Htra1	ENSMUSG00000006205	435	0.2	0.19	0.13	0.14	0.08	0.13
chr7	147080660	147080975	Kndc1	ENSMUSG000000066129	79	0.15	0.2	0.08	0.13	0.22	0.11
chr7	152127071	152127708	Ccnd1	ENSMUSG000000070348	-1615	0.06	0.05	0.13	0.22	0.19	0.08
chr7	19856689	19857330	Vasp	ENSMUSG000000030403	157	0.33	0.21	0.12	0.1	0.17	0.17
chr7	52970346	52970740	Sphk2	ENSMUSG000000057342	34	0.24	0.4	0.14	0.21	0.08	0.14
chr7	54101021	54101741	Ldha	ENSMUSG000000063229	172	0.42	0.75	0.15	0.27	0.19	0.19
chr7	56890838	56891109	Dbx1	ENSMUSG000000030507	1246	0.5	0.14	0.44	0.73	0.2	0.41
chr7	69564562	69564895	Mkrn3	ENSMUSG000000070527	311	0.15	0.12	0.13	0.17	0.22	0.31
chr7	71082244	71084414	Klf13	ENSMUSG000000052040	472	0.11	0.2	0.1	0.15	0.16	0.16
chr7	108985061	108985610	Gm10602	ENSMUSG000000073985	70	0.18	0.24	0.1	0.19	0.06	0.11
chr7	129302842	129303306	Gm15489	ENSMUSG000000086942	-159	0.47	0.32	0.08	0.21	0.25	0.14
chr7	140050878	140051324	Fam175b	ENSMUSG000000030965	193	0.14	0.13	0.1	0.11	0.08	0.12
chr7	20214265	20215013	Relb	ENSMUSG000000002983	-42	0.07	0.12	0.11	0.16	0.11	0.13
chr7	150254975	150255500	Tssc4	ENSMUSG000000045752	83	0.56	0.42	0.17	0.17	0.2	0.13
chr7	51803869	51804387	Pold1	ENSMUSG000000038644	-25	0.24	0.11	0.08	0.16	0.12	0.1
chr7	149557946	149558353	6330512M04Rik	ENSMUSG000000045777	15	0.06	0.09	0.12	0.2	0.27	0.13
chr7	29965281	29965716	Psmc8	ENSMUSG000000030591	194	0.26	0.14	0.08	0.19	0.13	0.09
chr7	38803913	38804731	C80913	ENSMUSG000000030421	249	0.19	0.09	0.12	0.15	0.12	0.1

chr7	105987324	105987884	Wnt11	ENSMUSG00000015957	249	0.08	0.07	0.1	0.08	0.14	0.1
chr7	128535693	128536710	Hs3st2	ENSMUSG00000046321	391	0.13	0.11	0.09	0.13	0.09	0.13
chr7	130267283	130268124	Tnrc6a	ENSMUSG00000052707	-67	0.21	0.13	0.12	0.07	0.11	0.08
chr7	135561225	135562288	Rgs10	ENSMUSG00000030844	-79	0.13	0.2	0.09	0.13	0.09	0.16
chr7	150153356	150155362	Ascl2	ENSMUSG00000009248	810	0.3	0.27	0.11	0.23	0.19	0.19
chr7	19577182	19577964	Gm10676	ENSMUSG00000074355	550	0.19	0.17	0.12	0.14	0.14	0.11
chr7	29746929	29747497	Actn4	ENSMUSG00000054808	29	0.11	0.2	0.13	0.17	0.06	0.14
chr7	80885123	80885898	Fam174b	ENSMUSG00000078670	317	0.25	0.13	0.1	0.09	0.07	0.14
chr7	82993078	82993592	Klhl25	ENSMUSG00000055652	111	0.18	0.17	0.17	0.15	0.28	0.12
chr7	104480365	104481083	Usp35	ENSMUSG00000035713	-194	0.39	0.38	0.16	0.23	0.27	0.21
chr7	126863742	126864388	Thumpd1	ENSMUSG00000030942	214	0.2	0.12	0.09	0.11	0.12	0.1
chr7	146132052	146133012	Jakmip3	ENSMUSG00000056856	119	0.08	0.12	0.13	0.18	0.13	0.16
chr7	17199686	17200958	Grff1	ENSMUSG00000058230	-36	0.18	0.22	0.14	0.12	0.27	0.13
chr7	36369504	36370589	Rgs9bp	ENSMUSG00000056043	555	0.15	0.11	0.1	0.12	0.09	0.14
chr7	105457476	105458188	Acer3	ENSMUSG00000030760	184	0.09	0.14	0.13	0.12	0.06	0.13
chr7	107128252	107129013	Rnf169	ENSMUSG00000058761	336	0.1	0.18	0.07	0.12	0.15	0.17
chr7	123586551	123587575	Pik3c2a	ENSMUSG00000030660	-91	0.41	0.15	0.13	0.14	0.22	0.14
chr7	134072158	134072834	Kctd13	ENSMUSG00000030685	103	0.23	0.15	0.12	0.12	0.13	0.21
chr7	26180294	26181165	Lipe	ENSMUSG00000003123	277	0.24	0.1	0.13	0.12	0.1	0.1
chr7	31250488	31250698	Nphs1as	ENSMUSG00000087009	17	0.15	0.19	0.13	0.22	0.09	0.16
chr7	20300260	20301347	Gm20512	ENSMUSG00000092381	438	0.17	0.13	0.14	0.13	0.07	0.12
chr7	29079412	29079971	Dll3	ENSMUSG00000003436	-191	0.23	0.36	0.13	0.12	0.19	0.15
chr7	29382831	29383454	Pak4	ENSMUSG00000030602	-37	0.31	0.2	0.1	0.16	0.12	0.18
chr7	65913478	65914244	Atp10a	ENSMUSG00000025324	289	0.11	0.06	0.09	0.12	0.07	0.15
chr7	108256584	108257751	Fchs2	ENSMUSG00000030691	-122	0.13	0.1	0.09	0.13	0.1	0.15
chr7	112959182	112959851	Mrpl17	ENSMUSG00000030879	-44	0.14	0.15	0.09	0.14	0.07	0.12
chr7	13619771	13620209	Chmp2a	ENSMUSG00000033916	136	0.27	0.25	0.11	0.17	0.15	0.18
chr7	31410965	31411263	Cox6b1	ENSMUSG00000036751	56	0.33	0.42	0.13	0.2	0.58	0.21
chr7	85991859	85992224	Det1	ENSMUSG00000030610	81	0.16	0.21	0.15	0.14	0.11	0.12
chr7	35173785	35175003	Lsm14a	ENSMUSG00000066568	-295	0.22	0.14	0.15	0.24	0.17	0.18

chr7	75095589	75098268	Igf1r	ENSMUSG00000005533	-785	0.12	0.1	0.07	0.1	0.1	0.12
chr7	20162548	20163019	Zfp296	ENSMUSG00000011267	147	1	0.38	0.18	0.2	0.1	0.13
chr7	38554519	38557370	Zfp536	ENSMUSG00000043456	-1301	0.23	0.17	0.11	0.2	0.17	0.14
chr7	73984788	73985516	Adamts17	ENSMUSG00000058145	453	0.11	0.13	0.09	0.12	0.07	0.14
chr7	74903684	74904773	Sym	ENSMUSG00000030554	342	0.09	0.17	0.07	0.11	0.05	0.14
chr7	86644226	86644480	AI854517	ENSMUSG00000085554	-650	0.14	0.3	0.17	0.37	0.4	0.15
chr7	88357969	88359217	Pde8a	ENSMUSG00000025584	111	0.11	0.17	0.11	0.15	0.13	0.13
chr7	88907346	88908417	Fam103a1	ENSMUSG00000038646	70	0.17	0.17	0.11	0.17	0.11	0.15
chr7	16760670	16760937	Meis3	ENSMUSG00000041420	74	0.24	0.11	0.08	0.1	0.11	0.14
chr7	13513441	13514038	2310014L17Rik	ENSMUSG00000033967	974	0.15	0.12	0.1	0.15	0.12	0.17
chr7	16899017	16899441	Bbc3	ENSMUSG00000002083	363	0.11	0.12	0.15	0.34	0.32	0.12
chr7	25790434	25791035	Atp1a3	ENSMUSG00000040907	180	0.15	0.09	0.12	0.11	0.07	0.18
chr7	36322422	36322808	Tdrd12	ENSMUSG00000030491	67	0.83	0.89	0.8	0.66	0.96	0.84
chr7	38891973	38893083	Ccne1	ENSMUSG00000002068	-7	0.17	0.15	0.11	0.14	0.13	0.12
chr7	72838199	72838653	Tm2d3	ENSMUSG00000078681	123	0.12	0.27	0.09	0.13	0.18	0.13
chr7	141416333	141417090	Adam12	ENSMUSG00000054555	69	0.29	0.46	0.18	0.27	0.17	0.19
chr7	4658861	4659076	Brsk1	ENSMUSG00000035390	-1612	0.79	0.74	0.47	0.57	0.7	0.53
chr7	24919136	24919385	Zfp235	ENSMUSG00000047603	67	0.39	1	0.14	1	0.75	0.24
chr7	38354407	38354636	Zfp536	ENSMUSG00000043456	-1112	0.88	0.94	0.84	0.82	0.78	0.97
chr7	52308008	52309534	Prr12	ENSMUSG00000046574	-520	0.16	0.92	0.14	0.2	0.23	0.14
chr7	52962021	52962430	Dbp	ENSMUSG00000059824	-249	0.4	0.61	0.13	0.12	0.55	0.14
chr7	86955896	86956310	Mesp2	ENSMUSG00000030543	490	0.11	0.12	0.23	0.18	0.24	0.28
chr7	112766260	112766462	Trim3	ENSMUSG00000036989	179	0.93	0.97	0.78	0.77	0.89	0.86
chr7	147019931	147020141	Gpr123	ENSMUSG00000025475	-37	1	0.89	0.28	0.19	0.2	0.32
chr7	66483969	66484988	Ube3a	ENSMUSG00000025326	356	0.18	0.29	0.14	0.26	0.25	0.14
chr7	88973581	88974607	Btbd1	ENSMUSG00000025103	223	0.14	0.12	0.09	0.14	0.1	0.12
chr7	148414300	148415005	Phrf1	ENSMUSG00000038611	-31	0.16	0.17	0.1	0.16	0.13	0.13
chr7	19678318	19678566	Dmpk	ENSMUSG00000030409	797	0.3	0.38	0.12	0.38	0.15	0.24
chr7	26033959	26035937	Erf	ENSMUSG00000040857	801	0.19	0.16	0.13	0.19	0.16	0.14
chr7	86040603	86041107	Aen	ENSMUSG00000030609	115	0.2	0.36	0.12	0.17	0.28	0.14

chr7	108496480	108496703	Arap1	ENSMUSG000000032812	10	0.05	0.1	0.07	0.14	0.06	0.1
chr7	53040986	53041268	Lmtk3	ENSMUSG000000062044	247	0.18	0.2	0.07	0.16	0.12	0.11
chr7	74789977	74790702	Lrrc28	ENSMUSG000000030556	-222	0.29	0.47	0.17	0.19	0.39	0.2
chr7	133618261	133619082	Sh2b1	ENSMUSG000000030733	-27	0.56	0.44	0.1	0.17	0.33	0.11
chr7	29096814	29097297	Timm50	ENSMUSG000000003438	-97	0.17	0.07	0.07	0.1	0.09	0.14
chr7	4795628	4796444	Shisa7	ENSMUSG000000053550	262	0.18	0.08	0.15	0.15	0.11	0.18
chr7	7250775	7252481	Cicn4-2	ENSMUSG000000000605	-157	0.16	0.26	0.1	0.13	0.1	0.17
chr7	20394812	20395074	Gm16175	ENSMUSG000000087206	-15	1	0.15	0.28	0.22	0.14	0.3
chr7	29956141	29956867	Ggn	ENSMUSG000000031493	288	0.32	0.17	0.24	1	0.5	0.22
chr7	52960160	52960524	Dbp	ENSMUSG000000059824	-116	0.17	0.12	0.07	0.25	0.47	0.18
chr7	133416110	133416772	Sbk1	ENSMUSG000000042978	308	0.23	0.39	0.09	0.16	0.32	0.16
chr7	135110621	135111813	Fus	ENSMUSG000000030795	246	0.21	0.18	0.13	0.15	0.15	0.18
chr7	52103818	52104044	Tbc1d17	ENSMUSG000000038520	33	0.33	0.23	0.23	0.24	0.52	0.15
chr7	106774031	106775579	Gm4980	ENSMUSG000000060814	-121	0.16	0.29	0.12	0.24	0.22	0.16
chr7	108450252	108450668	Atg16l2	ENSMUSG000000047767	81	0.04	0.19	0.11	0.18	0.14	0.18
chr7	126937284	126937855	Eri2	ENSMUSG000000030929	-96	0.3	0.61	0.11	0.27	0.21	0.15
chr7	147233665	147235220	Msx3	ENSMUSG000000025469	545	0.15	0.16	0.15	0.2	0.11	0.15
chr7	149135988	149136586	Brsk2	ENSMUSG000000053046	299	0.12	0.11	0.11	0.14	0.1	0.1
chr7	52496033	52496592	Cd37	ENSMUSG000000030798	-1827	0.27	0.24	0.27	0.39	0.18	0.26
chr7	86418051	86418355	Abhd2	ENSMUSG000000039202	116	0.12	0.27	0.13	0.21	0.08	0.13
chr7	148747848	148748532	Ap2a2	ENSMUSG00000002957	111	0.33	0.17	0.14	0.24	0.16	0.18
chr7	4787890	4788445	Shisa7	ENSMUSG000000053550	158	0.1	0.06	0.09	0.12	0.07	0.08
chr7	26053231	26053573	Cic	ENSMUSG00000005442	-4	0.23	0.33	0.16	0.22	0.67	0.14
chr7	26444119	26444500	Exosc5	ENSMUSG000000061286	137	0.27	0.09	0.12	0.16	0.16	0.14
chr7	27963640	27964178	Rab4b	ENSMUSG000000053291	-80	0.24	0.14	0.08	0.19	0.06	0.08
chr7	29062637	29063250	Eid2b	ENSMUSG000000070705	218	0.14	0.16	0.12	0.13	0.24	0.15
chr7	129432375	129433394	Prkcb	ENSMUSG000000052889	73	0.12	0.2	0.12	0.13	0.08	0.12
chr7	152047153	152047943	Fgf4	ENSMUSG000000050917	257	0.14	0.14	0.15	0.15	0.18	0.15
chr7	97624449	97624918	Tmem126b	ENSMUSG000000030614	-178	0.23	0.15	0.1	0.13	0.11	0.1
chr7	117204434	117205777	AA474408	ENSMUSG000000073867	-266	0.06	0.12	0.1	0.11	0.08	0.15

chr7	28458603	28459659	Map3k10	ENSMUSG00000040390	245	0.14	0.19	0.11	0.14	0.18	0.18
chr7	109415716	109416847	Stim1	ENSMUSG00000030987	-57	0.08	0.36	0.11	0.16	0.11	0.16
chr7	4744327	4745251	Rpl28	ENSMUSG00000030432	313	0.33	0.21	0.13	0.15	0.11	0.21
chr7	26101661	26102123	Megf8	ENSMUSG00000045039	-291	0.33	0.25	0.24	0.23	0.09	0.15
chr7	30088902	30090193	Dpf1	ENSMUSG00000030584	577	0.29	0.17	0.12	0.14	0.24	0.16
chr7	52184539	52185474	Ap2a1	ENSMUSG00000060279	-210	0.15	0.14	0.11	0.16	0.1	0.15
chr7	73253883	73255224	Chsy1	ENSMUSG00000032640	152	0.11	0.16	0.09	0.13	0.1	0.1
chr7	117757693	117758645	Sbf2	ENSMUSG00000038371	106	0.14	0.19	0.1	0.14	0.11	0.13
chr7	149088025	149088504	Tollip	ENSMUSG00000025139	56	0.23	0.1	0.08	0.21	0.11	0.11
chr7	88716124	88716869	Whamm	ENSMUSG00000045795	318	0.17	0.16	0.12	0.18	0.13	0.2
chr7	148479641	148480084	Drd4	ENSMUSG00000025496	1933	1	0.14	0.14	0.22	0.13	0.19
chr7	25292022	25292815	Zfp428	ENSMUSG00000064264	393	0.12	0.06	0.19	0.22	0.09	0.11
chr7	27980731	27981206	Snrpa	ENSMUSG00000061479	-189	0.12	0.19	0.09	0.14	0.07	0.1
chr7	29220810	29221012	Gmfg	ENSMUSG00000060791	-1555	0.12	0.21	0.13	0.1	0.08	0.14
chr7	52960824	52961074	Dbp	ENSMUSG00000059824	-45	0.18	0.13	0.19	0.21	0.08	0.13
chr7	57167200	57167693	Slc6a5	ENSMUSG00000039728	376	0.21	0.14	0.12	0.14	0.16	0.14
chr7	7253339	7253614	Cicn4-2	ENSMUSG0000000605	-1254	0.1	0.1	0.06	0.27	0.04	0.15
chr7	16984942	16986817	Zc3h4	ENSMUSG00000059273	-351	0.21	0.19	0.12	0.18	0.25	0.17
chr7	30066356	30067247	Spint2	ENSMUSG00000074227	195	0.13	0.16	0.08	0.1	0.1	0.1
chr7	87171870	87172457	Zfp710	ENSMUSG00000048897	1049	0.12	0.38	0.19	0.21	0.16	0.18
chr7	108011370	108012069	Relt	ENSMUSG00000008318	-47	0.14	0.32	0.08	0.12	0.11	0.12
chr7	16972908	16973414	Sae1	ENSMUSG00000052833	-28	0.15	0.11	0.11	0.18	0.1	0.16
chr7	119822400	119823605	Tead1	ENSMUSG00000055320	170	0.29	0.25	0.14	0.18	0.22	0.2
chr7	132695579	132696057	Il4ra	ENSMUSG00000030748	33	1	0.29	0.13	0.13	0.19	0.16
chr7	133792789	133793162	Ccdc101	ENSMUSG00000030714	152	0.43	0.25	0.16	0.12	0.23	0.2
chr7	135604516	135605636	Tial1	ENSMUSG00000030846	-353	0.18	0.19	0.12	0.2	0.15	0.17
chr7	52241330	52242167	Prmt1	ENSMUSG00000052429	-39	0.08	0.14	0.11	0.16	0.14	0.14
chr7	136735351	136735683	Wdr11	ENSMUSG00000042055	140	0.08	0.09	0.1	0.11	0.05	0.15
chr7	30906692	30907283	Zfp382	ENSMUSG00000074220	26	0.08	0.09	0.17	0.21	0.06	0.27
chr7	91754238	91754812	Fah	ENSMUSG00000030630	-286	0.23	0.08	0.11	0.21	0.15	0.14

chr7	97605502	97605951	Tmem126a	ENSMUSG00000030615	-8	0.15	0.36	0.09	0.14	0.08	0.09
chr7	35596726	35598008	Chst8	ENSMUSG00000060402	338	0.2	0.13	0.09	0.17	0.13	0.17
chr7	133572134	133572914	Rabep2	ENSMUSG00000030727	251	0.11	0.14	0.1	0.06	0.07	0.13
chr7	147973533	147973828	Syce1	ENSMUSG00000025480	73	0.94	0.93	0.86	0.77	0.88	0.93
chr7	24867082	24867331	Zfp180	ENSMUSG00000057101	263	0.44	0.34	0.37	0.42	0.48	0.43
chr7	51684205	51684805	Lrrc4b	ENSMUSG00000047085	117	0.28	0.29	0.07	0.14	0.22	0.17
chr7	141862171	141862967	Dock1	ENSMUSG00000058325	199	0.15	0.17	0.15	0.1	0.12	0.19
chr7	4966857	4967443	Zfp524	ENSMUSG00000051184	47	0.2	0.22	0.11	0.22	0.12	0.16
chr7	36103183	36103465	Gpatch1	ENSMUSG00000063808	116	0.1	0.2	0.12	0.21	0.04	0.06
chr7	52124273	52125160	Ptov1	ENSMUSG00000038502	-289	0.12	0.16	0.11	0.13	0.14	0.18
chr7	52409419	52410030	Pih1d1	ENSMUSG00000003423	51	0.2	0.09	0.09	0.13	0.14	0.13
chr7	31935485	31936070	Gramd1a	ENSMUSG00000001248	292	0.11	0.31	0.11	0.17	0.17	0.12
chr7	38558523	38558727	Zfp536	ENSMUSG00000043456	-44	0.14	0.06	0.06	0.14	0.07	0.1
chr7	52721937	52722349	Bax	ENSMUSG00000003873	2	0.12	0.06	0.08	0.13	0.09	0.12
chr7	71518684	71519010	Fan1	ENSMUSG00000033458	134	0.4	NA	0.18	0.3	0.14	0.29
chr7	88049706	88050073	Nmb	ENSMUSG00000025723	57	0.14	0.25	0.15	0.23	0.1	0.18
chr7	91677369	91677777	Gm2115	ENSMUSG00000085128	88	0.16	0.18	0.23	0.23	0.26	0.19
chr7	112935821	112936366	Dchs1	ENSMUSG00000036862	-29	0.05	0.07	0.08	0.09	0.07	0.11
chr7	116924781	116925465	Nrip3	ENSMUSG00000034825	-64	0.14	0.39	0.1	0.2	0.2	0.15
chr7	142129202	142129996	Fam196a	ENSMUSG00000073805	294	0.06	0.07	0.08	0.13	0.08	0.1
chr7	25101648	25101876	Zfp94	ENSMUSG00000074282	-77	0.2	0.15	0.16	0.17	0.08	0.18
chr7	26404147	26404654	Atp5sl	ENSMUSG00000057229	-33	0.12	0.08	0.11	0.19	0.05	0.14
chr7	28140834	28141163	Shkbp1	ENSMUSG00000089832	-57	0.14	0.06	0.14	0.22	0.07	0.15
chr7	138697404	138699598	Hmx2	ENSMUSG00000050100	925	0.23	0.18	0.13	0.21	0.2	0.15
chr7	150687552	150688868	Phlda2	ENSMUSG00000010760	236	0.12	0.12	0.09	0.17	0.07	0.11
chr7	5003097	5003441	Zfp580	ENSMUSG00000055633	135	0.06	0.09	0.1	0.16	0.15	0.16
chr7	31206651	31207445	Nfkbid	ENSMUSG00000036931	297	0.25	0.16	0.15	0.16	0.18	0.15
chr7	100022518	100023237	4632434I11Rik	ENSMUSG00000030641	-137	0.25	0.21	0.15	0.2	0.39	0.23
chr7	148041977	148042724	Bet1l	ENSMUSG00000025484	-68	0.5	0.54	0.12	0.18	0.1	0.1
chr7	31065034	31065475	Thap8	ENSMUSG00000013928	141	0.17	0.09	0.11	0.17	0.15	0.12

chr7	52112604	52112933	Pnkp	ENSMUSG00000002963	59	0.16	0.22	0.1	0.21	0.25	0.18
chr7	133942355	133943311	Aldoa	ENSMUSG000000030695	-178	0.13	0.18	0.09	0.11	0.08	0.14
chr7	152100851	152101356	Oraov1	ENSMUSG000000031072	98	0.25	0.07	0.08	0.18	0.1	0.08
chr7	26412367	26412706	B3gnt8	ENSMUSG000000059479	-107	0.17	0.25	0.21	0.27	0.43	0.35
chr7	26474192	26474570	Tgfb1	ENSMUSG00000002603	435	0.22	0.05	0.08	0.2	0.15	0.15
chr7	52109865	52110343	Akt1s1	ENSMUSG000000011096	1814	0.32	0.28	0.58	0.82	0.25	0.44
chr7	104936784	104937875	Pak1	ENSMUSG000000030774	278	0.2	0.15	0.11	0.15	0.17	0.14
chr7	108599381	108599971	Pde2a	ENSMUSG000000030653	642	0.21	0.09	0.09	0.11	0.13	0.12
chr7	138703699	138704239	Bub3	ENSMUSG000000066979	64	0.13	0.07	0.12	0.19	0.11	0.13
chr7	149246375	149247052	Mob2	ENSMUSG000000025147	45	0.16	0.23	0.1	0.14	0.1	0.13
chr7	39056133	39056433	Pop4	ENSMUSG000000030423	84	0.18	0.06	0.14	0.18	0.1	0.14
chr7	88137907	88139073	Zfp592	ENSMUSG000000005621	-77	0.08	0.15	0.1	0.13	0.09	0.12
chr7	96552618	96553461	Tmem135	ENSMUSG000000039428	-307	0.16	0.3	0.12	0.16	0.24	0.15
chr7	134488645	134489859	Zfp768	ENSMUSG000000047371	-424	0.15	0.18	0.14	0.11	0.13	0.15
chr7	137690322	137690943	Nsmce4a	ENSMUSG000000040331	263	0.11	0.13	0.08	0.1	0.08	0.11
chr7	53894978	53895248	Sergef	ENSMUSG000000030839	-112	0.18	0.08	0.08	0.11	0.09	0.16
chr7	59116827	59117757	Gas2	ENSMUSG000000030498	-93	0.12	0.09	0.11	0.1	0.08	0.14
chr7	72300515	72301296	Fam189a1	ENSMUSG000000030518	397	0.12	0.15	0.11	0.13	0.11	0.11
chr7	105804315	105805450	2210018M11Rik	ENSMUSG000000035401	197	0.28	0.35	0.11	0.16	0.34	0.12
chr7	17401507	17402042	Strn4	ENSMUSG000000030374	108	0.17	0.16	0.11	0.26	0.22	0.2
chr7	34981269	34981754	Pdcd2l	ENSMUSG000000002635	116	0.08	0.1	0.13	0.1	0.05	0.18
chr7	52147434	52148118	Med25	ENSMUSG000000002968	3	0.17	0.17	0.06	0.08	0.14	0.11
chr7	100228334	100229710	Fam181b	ENSMUSG000000051515	633	0.1	0.09	0.1	0.13	0.08	0.13
chr7	109255424	109255760	Art1	ENSMUSG000000030996	168	0.56	1	0.2	1	0.33	0.25
chr7	123450845	123451921	Plekha7	ENSMUSG000000045659	507	0.32	0.3	0.11	0.28	0.21	0.2
chr7	148379522	148381060	Hras1	ENSMUSG000000025499	-510	0.16	0.12	0.1	0.14	0.18	0.16
chr7	151739276	151739927	Ppfi1	ENSMUSG000000037519	-10	0.29	0.22	0.11	0.12	0.25	0.13
chr7	6335706	6336246	Zfp28	ENSMUSG000000062861	-104	0.5	0.52	0.11	0.16	0.64	0.28
chr7	80682631	80682889	Chd2	ENSMUSG000000078671	-253	0.25	NA	0.19	0.1	0.11	0.15
chr7	105326422	105326816	Capn5	ENSMUSG000000035547	165	0.15	0.16	0.07	0.15	0.33	0.14

chr7	106631865	106632223	Rps3	ENSMUSG00000030744	100	0.33	0.18	0.08	0.23	1	0.2
chr7	107375729	107376423	Pgm2l1	ENSMUSG00000030729	172	0.17	0.27	0.19	0.17	0.13	0.13
chr7	132850835	132851772	Gtf3c1	ENSMUSG00000032777	-9	0.12	0.15	0.09	0.11	0.15	0.11
chr7	52955335	52955705	Car11	ENSMUSG0000003273	307	0.08	0.14	0.08	0.19	0.14	0.16
chr7	53069205	53069672	Cyth2	ENSMUSG0000003269	-190	0.5	0.31	0.1	0.3	0.25	0.12
chr7	129245112	129245470	Ndufab1	ENSMUSG00000030869	-71	0.75	0.14	0.09	0.22	0.46	0.1
chr7	146574436	146574677	Inpp5a	ENSMUSG00000025477	-452	1	1	0.33	NA	0.54	NA
chr7	148633246	148633920	Rplp2	ENSMUSG00000025508	314	0.09	0.19	0.11	0.06	0.06	0.12
chr7	86293723	86294014	Mfge8	ENSMUSG00000030605	78	0.22	0.11	0.1	0.11	0.1	0.18
chr7	135883297	135884178	Mcmbp	ENSMUSG00000048170	263	0.09	0.11	0.11	0.13	0.08	0.13
chr7	146434131	146434905	Pwwp2b	ENSMUSG00000060260	137	0.11	0.06	0.09	0.12	0.1	0.15
chr7	130513910	130514140	Arhgap17	ENSMUSG00000030766	-596	0.13	0.11	0.11	0.18	0.18	0.17
chr7	139158331	139159249	Gpr26	ENSMUSG00000040125	647	0.16	0.15	0.12	0.18	0.19	0.19
chr7	73572152	73572837	Aldh1a3	ENSMUSG00000015134	-91	0.11	0.14	0.1	0.14	0.14	0.17
chr7	132634815	132635224	Nsmce1	ENSMUSG00000030750	-106	0.14	0.56	0.18	0.36	0.33	0.15
chr7	134028208	134028478	Taok2	ENSMUSG00000059981	-126	0.2	0.1	0.21	0.16	0.1	0.19
chr7	134592332	134592632	Zfp689	ENSMUSG00000048921	25	0.17	0.14	0.1	0.14	0.11	0.14
chr7	19661307	19661743	Dmwd	ENSMUSG00000030410	-73	0.1	0.09	0.08	0.11	0.12	0.16
chr7	135666842	135667947	Bag3	ENSMUSG00000030847	297	0.1	0.17	0.13	0.17	0.09	0.2
chr7	147323450	147323745	Mtg1	ENSMUSG00000039018	134	0.09	0.12	0.08	0.11	0.11	0.12
chr7	19477675	19477916	Ccdc61	ENSMUSG00000074358	100	0.3	1	0.17	0.24	0.17	0.5
chr7	30074232	30074720	Ppp1r14a	ENSMUSG00000037166	137	0.27	0.11	0.09	0.15	0.17	0.14
chr7	107307724	107308315	Lipt2	ENSMUSG00000030725	232	0.21	1	0.23	0.29	0.09	0.12
chr7	123177288	123177684	1110006G14Rik	ENSMUSG00000030664	1993	0.4	0.32	0.11	0.24	0.31	0.18
chr7	13483159	13483427	Zscan22	ENSMUSG00000054715	129	0.11	0.08	0.08	0.17	0.07	0.17
chr7	38352874	38353108	Zfp536	ENSMUSG00000043456	418	0.49	0.41	0.74	0.67	0.54	0.76
chr7	53085971	53086197	Grwd1	ENSMUSG00000053801	62	0.42	0.2	0.17	0.3	0.33	0.18
chr7	133991100	133991455	Doc2a	ENSMUSG00000052301	125	0.14	0.14	0.08	0.18	0.3	0.15
chr7	134913279	134913725	Orai3	ENSMUSG00000043964	173	1	0.1	0.11	0.1	0.26	0.15
chr7	146100953	146101670	Bnip3	ENSMUSG00000078566	-149	0.18	0.21	0.14	0.2	0.08	0.13

chr7	117265072	117266571	Wee1	ENSMUSG00000031016	-43	0.15	0.08	0.09	0.15	0.13	0.15
chr7	19955213	19955645	Ppp1r13l	ENSMUSG00000040734	1582	0.13	0.13	0.2	0.2	0.11	0.19
chr7	125386535	125387790	Smg1	ENSMUSG00000030655	-11	0.23	0.18	0.1	0.14	0.25	0.16
chr7	134387652	134388258	Zfp771	ENSMUSG00000054716	-85	0.14	0.2	0.09	0.16	0.12	0.15
chr7	144504811	144507276	Ebf3	ENSMUSG00000010476	54	0.21	0.19	0.14	0.14	0.19	0.14
chr7	17323695	17324015	Ap2s1	ENSMUSG00000008036	96	0.1	0.1	0.12	0.18	0.12	0.1
chr7	20093593	20094311	Bloc1s3	ENSMUSG00000057667	-272	0.1	0.13	0.1	0.1	0.07	0.15
chr7	57014358	57014622	Htatip2	ENSMUSG00000039745	14	0.57	0.25	0.15	0.21	0.39	0.23
chr7	123647706	123648344	Nucb2	ENSMUSG00000030659	137	0.09	0.1	0.1	0.17	0.14	0.23
chr7	11080532	11080744	Zik1	ENSMUSG00000030393	105	0.14	0.08	0.09	0.28	0.09	0.11
chr7	50720233	50720849	Vsig10l	ENSMUSG00000070604	1932	0.75	0.29	0.12	0.2	0.5	0.27
chr7	63049442	63049789	Tubgcp5	ENSMUSG00000033790	97	0.1	0.25	0.17	0.19	0.08	0.16
chr7	112781587	112782329	Trim3	ENSMUSG00000036989	41	0.11	0.17	0.06	0.1	0.09	0.11
chr7	133709456	133710025	Eif3c	ENSMUSG00000030738	140	0.06	0.12	0.11	0.18	0.08	0.17
chr7	144602136	144602795	9430038l01Rik	ENSMUSG00000040139	-50	0.11	0.11	0.08	0.13	0.07	0.13
chr7	16507591	16507835	Sepw1	ENSMUSG00000041571	38	0.67	1	0.31	1	0.37	0.29
chr7	19857588	19857908	Vasp	ENSMUSG00000030403	-582	0.11	0.11	0.07	0.17	0.07	0.1
chr7	31837126	31837354	Fxyd7	ENSMUSG00000036578	-759	0.12	0.14	0.15	0.25	0.2	0.17
chr7	52588709	52589222	Trpm4	ENSMUSG00000038260	147	0.17	0.22	0.11	0.17	0.13	0.22
chr7	3616840	3617119	Leng1	ENSMUSG00000078813	463	0.08	0.1	0.09	0.19	0.1	0.14
chr7	4828580	4828844	Isoc2a	ENSMUSG00000086784	57	0.25	NA	0.12	0.25	0.12	0.16
chr7	52625303	52625989	Lin7b	ENSMUSG0000003872	-91	0.06	0.1	0.11	0.13	0.12	0.14
chr7	70589762	70590252	Otud7a	ENSMUSG00000033510	344	0.1	0.07	0.06	0.11	0.08	0.08
chr7	30032258	30032589	2200002D01Rik	ENSMUSG00000030587	934	1	0.81	0.63	0.71	0.82	0.75
chr7	106683927	106684395	Arrb1	ENSMUSG00000018909	185	0.29	0.13	0.12	0.13	0.16	0.15
chr7	4740618	4741224	2210411K11Rik	ENSMUSG00000030431	223	0.07	0.09	0.08	0.06	0.06	0.12
chr7	20437490	20437764	Gm19345	ENSMUSG00000092216	275	0.33	0.12	0.11	0.5	0.17	0.25
chr7	26003824	26005063	Dedd2	ENSMUSG00000054499	435	0.14	0.21	0.13	0.16	0.11	0.17
chr7	46773086	46773450	Zfp619	ENSMUSG00000068959	132	0.5	0.07	0.08	0.16	0.1	0.18
chr7	148660831	148661686	Poir2l	ENSMUSG00000038489	-227	0.11	0.1	0.1	0.11	0.12	0.12

chr7	29156572	29158015	Plekhhg2	ENSMUSG000000037552	-700	0.29	0.39	0.12	0.16	0.26	0.15
chr7	109358238	109358805	Nup98	ENSMUSG000000063550	-140	0.14	0.3	0.16	0.21	0.11	0.13
chr7	127039619	127039921	Dcun1d3	ENSMUSG000000048787	35	0.16	0.11	0.12	0.1	0.12	0.13
chr7	133935430	133936204	Ppp4c	ENSMUSG000000030697	168	0.13	0.19	0.11	0.14	0.14	0.11
chr7	26503835	26504150	Ccdc97	ENSMUSG000000002608	18	0.25	0.25	0.1	0.16	0.28	0.14
chr7	108812209	108812621	Clpb	ENSMUSG000000001829	196	0.08	0.07	0.1	0.11	0.12	0.17
chr7	16894773	16895938	Bbc3	ENSMUSG000000002083	390	0.15	0.17	0.1	0.12	0.17	0.12
chr7	19734439	19735273	Qpctl	ENSMUSG000000030407	-311	0.25	0.16	0.15	0.13	0.18	0.16
chr7	35098007	35098731	4931406P16Rik	ENSMUSG000000066571	172	0.24	0.17	0.1	0.13	0.22	0.17
chr7	86536918	86537505	Fanci	ENSMUSG000000039187	8	0.27	0.33	0.09	0.15	0.14	0.09
chr7	139507287	139509009	Chst15	ENSMUSG000000030930	249	0.19	0.31	0.12	0.14	0.22	0.18
chr7	70356933	70357536	Chrna7	ENSMUSG000000030525	178	0.2	0.6	0.11	0.21	0.17	0.11
chr7	140968165	140968722	Dhx32	ENSMUSG000000030986	-251	0.17	0.3	0.08	0.15	0.19	0.13
chr7	88638243	88638670	Ap3b2	ENSMUSG000000062444	136	0.09	0.31	0.09	0.18	0.12	0.14
chr7	151864382	151864853	Ano1	ENSMUSG000000031075	173	0.09	0.1	0.11	0.11	0.1	0.14
chr7	73224347	73224889	H47	ENSMUSG000000075701	83	0.1	0.19	0.17	0.21	0.13	0.13
chr7	87947811	87948426	Iqgap1	ENSMUSG000000030536	99	0.19	0.25	0.13	0.15	0.21	0.22
chr7	4088447	4089211	D030047H15Rik	ENSMUSG000000085886	-301	0.13	0.41	0.08	0.29	0.14	0.17
chr7	25266443	25267492	Cadm4	ENSMUSG000000054793	-75	0.23	0.15	0.12	0.15	0.21	0.18
chr7	56136043	56137137	E2f8	ENSMUSG000000046179	-216	0.09	0.14	0.1	0.18	0.11	0.14
chr7	89796849	89797324	Fam154b	ENSMUSG000000038570	-53	0.2	0.22	0.11	0.11	0.17	0.11
chr7	105259804	105260068	Myo7a	ENSMUSG000000030761	1236	0.3	0.11	0.16	0.27	0.21	0.28
chr7	117129455	117130064	Tmem41b	ENSMUSG000000047554	-83	0.41	0.65	0.14	0.34	0.3	0.2
chr7	119166716	119167680	Usp47	ENSMUSG000000059263	178	0.14	0.18	0.1	0.17	0.15	0.11
chr7	148108288	148108812	Nlrp6	ENSMUSG000000038745	1698	0.08	0.07	0.1	0.16	0.06	0.1
chr7	148285853	148286524	Sigirr	ENSMUSG000000025494	257	0.17	0.5	0.15	0.14	0.21	0.2
chr7	17038273	17038548	Tmem160	ENSMUSG000000019158	282	0.13	0.19	0.13	0.09	0.09	0.17
chr7	30023100	30023629	Yif1b	ENSMUSG000000030588	16	0.2	0.13	0.1	0.17	0.12	0.15
chr7	50568035	50568601	Zfp715	ENSMUSG000000012640	115	0.13	0.09	0.11	0.13	0.11	0.14
chr7	87547852	87548053	Furin	ENSMUSG000000030530	256	0.25	NA	0.4	1	1	0.43

chr7	125855933	125856428	6330503K22Rik	ENSMUSG00000033904	114	0.12	0.25	0.17	0.26	0.18	0.18
chr7	91040509	91040966	Mesdc2	ENSMUSG00000038503	227	1	0.56	0.13	0.42	0.33	0.19
chr7	121706083	121706583	Cyp2r1	ENSMUSG00000030670	143	0.19	0.12	0.1	0.16	0.16	0.17
chr7	134185695	134186063	Kif22	ENSMUSG00000030677	55	0.17	0.41	0.14	0.18	0.21	0.2
chr7	148317086	148317593	Ptdss2	ENSMUSG00000025495	154	0.14	0.12	0.08	0.13	0.12	0.12
chr7	148524736	148524954	Eps8l2	ENSMUSG00000025504	66	0.13	0.21	0.19	0.22	0.11	0.19
chr7	117103414	117104213	Dennd5a	ENSMUSG00000035901	24	0.22	0.25	0.12	0.15	0.2	0.18
chr7	148042946	148043558	Ric8	ENSMUSG00000025485	38	0.16	0.16	0.14	0.15	0.14	0.14
chr7	125884050	125884255	9030624J02Rik	ENSMUSG00000030982	-94	0.33	0.08	0.12	0.12	0.21	0.11
chr7	146766819	146768827	Nkx6-2	ENSMUSG00000041309	866	0.25	0.26	0.13	0.18	0.26	0.17
chr7	19680163	19680870	Six5	ENSMUSG00000040841	573	0.16	0.21	0.11	0.15	0.14	0.13
chr7	20189498	20189927	Clasrp	ENSMUSG00000061028	105	0.16	0.09	0.09	0.1	0.18	0.09
chr7	124524470	124525072	Xylt1	ENSMUSG00000030657	278	0.11	0.12	0.07	0.13	0.1	0.1
chr7	149280284	149281415	Dusp8	ENSMUSG00000037887	328	0.29	0.14	0.13	0.14	0.27	0.14
chr7	19988995	19989632	Klc3	ENSMUSG00000040714	140	0.09	0.14	0.11	0.15	0.07	0.1
chr7	25654717	25655240	Lypd4	ENSMUSG00000062732	-227	0.71	0.88	0.62	0.76	0.64	0.46
chr7	26601294	26601717	Cyp2s1	ENSMUSG00000040703	72	0.1	0.06	0.06	0.1	0.13	0.09
chr7	51924555	51924776	Myh14	ENSMUSG00000030739	53	0.18	0.22	0.27	0.29	0.15	0.19
chr7	87170025	87170429	Zfp710	ENSMUSG00000048897	527	0.42	0.16	0.16	0.21	0.36	0.13
chr7	134530135	134530467	9130019O22Rik	ENSMUSG00000030823	326	0.12	0.5	0.11	NA	0.33	0.33
chr7	7074005	7074225	Zfp954	ENSMUSG00000062116	41	0.19	NA	0.13	0.16	0.17	0.22
chr7	17460779	17460999	Dact3	ENSMUSG00000078794	144	0.07	0.06	0.13	0.13	0.08	0.08
chr7	31911538	31912198	Scn1b	ENSMUSG00000019194	96	0.11	0.15	0.09	0.13	0.12	0.15
chr7	81157487	81158996	St8sia2	ENSMUSG00000025789	327	0.17	0.13	0.11	0.19	0.18	0.15
chr7	148246583	148247492	B4galnt4	ENSMUSG00000055629	-136	0.09	0.05	0.08	0.12	0.1	0.13
chr7	148547440	148547723	Eps8l2	ENSMUSG00000025504	145	0.08	0.09	0.17	0.21	0.11	0.16
chr7	148577787	148578314	Taldo1	ENSMUSG00000025503	-48	0.07	0.08	0.08	0.13	0.09	0.18
chr7	31514252	31515049	Tmem147	ENSMUSG00000006315	-97	0.1	0.08	0.09	0.15	0.08	0.16
chr7	108042968	108043398	Arhgef17	ENSMUSG00000032875	-83	0.18	0.13	0.06	0.13	0.22	0.13
chr7	132588120	132588722	Jmjd5	ENSMUSG00000030752	231	0.18	0.1	0.14	0.18	0.16	0.22

chr7	134920101	134921234	Setd1a	ENSMUSG00000042308	483	0.09	0.12	0.08	0.09	0.08	0.15
chr7	148653272	148653810	Gm10575	ENSMUSG00000073787	129	0.09	0.07	0.08	0.12	0.08	0.27
chr7	152082369	152083172	Fgf15	ENSMUSG00000031073	333	0.25	0.06	0.11	0.1	0.1	0.14
chr7	26022610	26022965	Gsk3a	ENSMUSG00000057177	83	0.18	0.21	0.09	0.15	0.21	0.14
chr7	29415374	29415836	C330005M16Rik	ENSMUSG00000037469	-86	0.16	0.17	0.12	0.22	0.19	0.14
chr7	35971379	35971690	Slc7a10	ENSMUSG00000030495	130	0.09	0.1	0.11	0.14	0.08	0.16
chr7	112548367	112548832	Fam160a2	ENSMUSG00000044465	-100	0.25	0.25	0.17	0.23	0.31	0.24
chr7	116226590	116226954	Ric3	ENSMUSG00000048330	47	0.1	0.08	0.1	0.22	0.06	0.17
chr7	133630665	133631182	Tufm	ENSMUSG00000073838	54	0.21	0.07	0.09	0.2	0.19	0.17
chr7	146373668	146374588	Stk32c	ENSMUSG00000015981	288	0.08	0.17	0.09	0.13	0.07	0.12
chr7	35988797	35989216	Lrp3	ENSMUSG00000001802	-763	0.82	0.91	0.78	0.97	1	0.96
chr7	57033612	57034216	Prmt3	ENSMUSG00000030505	198	0.1	0.12	0.1	0.14	0.08	0.09
chr7	86887580	86888053	Pex11a	ENSMUSG00000030545	92	0.11	NA	0.25	0.19	0.17	0.2
chr7	88489438	88490317	Rps17	ENSMUSG00000061787	233	0.12	0.1	0.18	0.16	0.1	0.14
chr7	138514577	138514950	Pstk	ENSMUSG00000063179	108	0.22	0.25	0.11	0.17	0.17	0.23
chr7	19930381	19930857	Ercc1	ENSMUSG00000003549	169	0.12	0.18	0.09	0.22	0.11	0.15
chr7	20334373	20335137	Pvrl2	ENSMUSG00000062300	167	0.17	0.27	0.09	0.18	0.18	0.17
chr7	28232864	28233307	Blvrb	ENSMUSG00000040466	88	0.15	0.09	0.11	0.16	0.14	0.1
chr7	86854938	86855405	9330171B17Rik	ENSMUSG00000039133	-86	0.12	0.22	0.09	0.11	0.11	0.1
chr7	87377297	87377808	Cib1	ENSMUSG00000030538	-171	0.2	0.11	0.09	0.15	0.16	0.17
chr7	117912048	117912487	Ampd3	ENSMUSG00000005686	410	0.24	0.27	0.15	0.31	0.25	0.16
chr7	139802247	139802592	Lhpp	ENSMUSG00000030946	98	0.21	0.45	0.12	0.12	0.27	0.24
chr7	147164415	147164704	6430531B16Rik	ENSMUSG00000073795	63	0.32	0.26	0.08	0.13	0.22	0.11
chr7	4103046	4103347	Leng9	ENSMUSG00000043432	-1722	0.12	0.15	0.14	0.27	0.16	0.27
chr7	28146570	28146877	AC157561.1	ENSMUSG00000080562	-1610	0.75	0.8	0.09	0.37	0.68	0.29
chr7	106289107	106289769	Uvrag	ENSMUSG00000035354	216	0.1	0.1	0.08	0.13	0.1	0.1
chr7	128877755	128878567	Scnn1g	ENSMUSG00000000216	168	0.06	0.08	0.13	0.19	0.1	0.11
chr7	6124494	6124699	Zfp444	ENSMUSG00000044876	481	0.1	0.08	0.11	0.17	0.09	0.09
chr7	31106995	31107478	Sdhaf1	ENSMUSG00000074211	158	0.08	0.1	0.1	0.15	0.09	0.12
chr7	53965690	53966123	Saal1	ENSMUSG00000006763	105	0.42	0.45	0.12	0.31	1	0.08

chr7	97278286	97279179	Picalm	ENSMUSG00000039361	9	0.08	0.12	0.09	0.14	0.07	0.1
chr7	108966505	108967235	Phox2a	ENSMUSG0000007946	43	0.15	0.13	0.17	0.11	0.13	0.12
chr7	140313402	140316538	Ctbp2	ENSMUSG00000030970	-1087	0.11	0.13	0.11	0.14	0.12	0.16
chr7	13594973	13595448	Zbtb45	ENSMUSG00000049600	-61	0.13	0.06	0.12	0.11	0.08	0.18
chr7	17060907	17062179	Npas1	ENSMUSG0000001988	586	0.26	0.18	0.1	0.18	0.22	0.18
chr7	17509089	17509769	Calm3	ENSMUSG00000019370	-251	0.2	0.19	0.12	0.18	0.17	0.17
chr7	29221328	29221901	Gmfg	ENSMUSG00000060791	-852	0.1	0.12	0.13	0.15	0.09	0.14
chr7	36371083	36371632	Ankrd27	ENSMUSG00000034867	91	0.17	0.35	0.14	0.13	0.29	0.2
chr7	52071269	52071791	Nup62	ENSMUSG00000043858	72	0.5	0.75	0.18	0.18	0.56	0.15
chr7	87439142	87439748	Prc1	ENSMUSG00000038943	109	0.24	0.07	0.14	0.11	0.23	0.13
chr7	99818055	99818669	Pcf11	ENSMUSG00000041328	81	0.09	0.19	0.15	0.12	0.08	0.19
chr7	104845032	104845661	Gm15623	ENSMUSG00000086993	-293	0.1	0.13	0.1	0.13	0.09	0.15
chr7	120909551	120910202	Spon1	ENSMUSG00000038156	188	0.12	0.11	0.08	0.12	0.11	0.12
chr7	135441270	135441641	BC017158	ENSMUSG00000030780	154	0.15	0.1	0.13	0.08	0.12	0.1
chr7	31740804	31742702	Gm17077	ENSMUSG00000090357	909	0.2	0.18	0.1	0.16	0.19	0.16
chr7	82600390	82601173	Akap13	ENSMUSG00000066406	361	0.07	0.1	0.09	0.17	0.07	0.15
chr7	108986023	108986781	Inpp1	ENSMUSG00000032737	-64	0.21	0.08	0.1	0.21	0.17	0.15
chr7	134119535	134120122	D830044116Rik	ENSMUSG00000087483	-216	0.14	NA	0.14	0.23	0.09	0.2
chr7	142907522	142908398	Mki67	ENSMUSG00000031004	102	0.08	0.07	0.11	0.14	0.07	0.1
chr7	29940570	29941345	Fam98c	ENSMUSG00000030590	-335	0.07	0.09	0.1	0.17	0.06	0.1
chr7	52616867	52617200	Ppfia3	ENSMUSG0000003863	-1550	0.18	0.1	0.11	0.15	0.08	0.1
chr7	109371538	109371761	Pgap2	ENSMUSG00000030990	107	0.2	0.18	0.13	0.25	0.09	0.2
chr7	152125474	152125726	Ccnd1	ENSMUSG00000070348	174	0.1	0.2	0.09	0.11	0.1	0.13
chr7	4691664	4692000	Suv420h2	ENSMUSG00000059851	115	0.27	0.08	0.14	0.26	0.24	0.11
chr7	31016566	31017631	Polr2i	ENSMUSG00000019738	131	0.31	0.48	0.21	0.15	0.37	0.18
chr7	34953024	34953667	Uba2	ENSMUSG00000052997	249	0.2	0.2	0.12	0.16	0.19	0.17
chr7	51501704	51502522	2410002F23Rik	ENSMUSG00000045411	21	0.12	0.11	0.12	0.16	0.11	0.21
chr7	104229957	104230907	Gab2	ENSMUSG0000004508	171	0.06	0.11	0.11	0.13	0.07	0.1
chr7	138695828	138696277	Hmx2	ENSMUSG00000050100	-1524	0.07	0.19	0.14	0.16	0.08	0.15
chr7	4763310	4764342	Ube2s	ENSMUSG00000060860	116	0.17	0.09	0.12	0.14	0.15	0.15

chr7	16897437	16897799	Bbc3	ENSMUSG00000002083	-1248	0.33	0.26	0.14	0.16	0.32	0.14
chr7	30017183	30017741	Kcnk6	ENSMUSG000000046410	79	0.13	0.1	0.08	0.17	0.15	0.13
chr7	87414464	87414730	Vps33b	ENSMUSG000000030534	62	0.19	0.2	0.1	0.21	0.17	0.25
chr7	54263131	54264161	Spty2d1	ENSMUSG000000049516	135	0.2	0.26	0.17	0.29	0.17	0.19
chr7	3637345	3637585	Mboat7	ENSMUSG000000035596	-1335	0.92	0.9	0.77	0.84	0.93	0.83
chr7	3644129	3646433	Mboat7	ENSMUSG000000035596	-741	0.1	0.09	0.11	0.14	0.1	0.19
chr7	4452676	4453411	Ppp1r12c	ENSMUSG000000019254	-80	0.18	0.17	0.09	0.13	0.17	0.12
chr7	4610038	4611059	Ppp6r1	ENSMUSG000000052296	4	0.54	0.27	0.22	0.37	0.55	0.34
chr7	4781574	4781826	Shisa7	ENSMUSG000000053550	1029	0.94	0.91	0.62	0.77	1	0.83
chr7	4817570	4817829	Isoc2b	ENSMUSG000000052605	71	0.08	0.07	0.09	0.13	0.11	0.08
chr7	5031676	5032282	Epn1	ENSMUSG000000035203	142	0.07	0.15	0.11	0.12	0.07	0.17
chr7	6237803	6238195	Zfp667	ENSMUSG000000054893	-182	0.1	0.3	0.07	0.14	0.1	0.15
chr7	13403808	13404238	Zfp329	ENSMUSG000000057894	178	0.08	0.13	0.12	0.11	0.09	0.11
chr7	13609308	13610493	Trim28	ENSMUSG00000005566	399	0.33	1	0.19	0.09	0.33	0.22
chr7	13622792	13623032	Ube2m	ENSMUSG00000005575	-42	0.06	0.06	0.07	0.15	0.07	0.15
chr7	13863826	13864440	6330408A02Rik	ENSMUSG000000070814	-122	0.27	0.21	0.07	0.08	0.33	0.13
chr7	16871579	16872145	Ccdc9	ENSMUSG000000041375	260	0.11	0.27	0.07	0.18	0.12	0.16
chr7	17427968	17428434	Prkd2	ENSMUSG000000041187	-82	0.11	NA	0.14	0.15	0.12	0.09
chr7	17612905	17613308	Ppp5c	ENSMUSG00000003099	-142	0.08	0.07	0.06	0.22	0.06	0.16
chr7	17641567	17641865	Hif3a	ENSMUSG00000004328	312	0.09	0.17	0.15	0.13	0.09	0.13
chr7	19479163	19479499	Ccdc61	ENSMUSG000000074358	-1436	0.33	NA	NA	NA	1	NA
chr7	19609495	19609815	Sympk	ENSMUSG000000023118	-71	0.07	0.06	0.05	0.1	0.06	0.11
chr7	20006539	20006886	A930016O22Rik	ENSMUSG000000040705	54	0.12	0.21	0.1	0.14	0.15	0.13
chr7	20105356	20105600	Nkpd1	ENSMUSG000000060621	1398	0.09	0.12	0.12	0.23	0.08	0.12
chr7	20158392	20158871	Gemin7	ENSMUSG000000044709	-193	0.05	0.09	0.1	0.22	0.05	0.09
chr7	20381905	20382174	Cblc	ENSMUSG000000040525	103	0.19	0.52	0.19	0.38	0.19	0.2
chr7	20506347	20506584	Pvr	ENSMUSG000000040511	-3	0.12	0.38	0.1	0.52	0.16	0.19
chr7	25669245	25669993	Rps19	ENSMUSG000000040952	229	0.15	0.16	0.1	0.15	0.16	0.14
chr7	25689269	25689473	Arhgef1	ENSMUSG000000040940	-6	0.5	0.18	0.22	0.23	0.31	0.18
chr7	25918248	25918476	Pou2f2	ENSMUSG000000008496	-831	0.55	0.68	0.16	0.3	0.67	0.26

chr7	26063385	26064290	Cic	ENSMUSG00000005442	396	0.07	0.12	0.08	0.1	0.07	0.08
chr7	26152977	26153204	Cnfn	ENSMUSG000000063651	1653	0.5	0.43	0.28	0.55	0.51	0.28
chr7	26465667	26466158	B9d2	ENSMUSG000000063439	-265	1	1	1	1	1	NA
chr7	26539284	26540352	Hnrnpul1	ENSMUSG000000040725	-98	0.11	0.23	0.11	0.16	0.11	0.13
chr7	28013188	28013804	Itpkc	ENSMUSG000000003752	151	0.36	0.29	0.11	0.19	0.35	0.16
chr7	28043595	28043981	Numbl	ENSMUSG000000063160	44	0.14	0.19	0.17	0.17	0.16	0.16
chr7	28118364	28118638	Ltbp4	ENSMUSG000000040488	131	0.14	0.08	0.08	0.11	0.17	0.1
chr7	28119478	28119931	Ltbp4	ENSMUSG000000040488	-1022	0.21	0.16	0.14	0.15	0.18	0.12
chr7	28255417	28255637	Pgam1-ps2	ENSMUSG000000082016	27	0.87	0.94	0.86	0.84	0.86	0.91
chr7	28292804	28293302	Prx	ENSMUSG000000053198	233	0.11	0.1	0.07	0.16	0.13	0.11
chr7	29075947	29076302	BC089491	ENSMUSG000000046750	29	0.08	0.15	0.1	0.16	0.08	0.15
chr7	29086302	29086525	Dll3	ENSMUSG000000003436	378	0.09	0.08	0.14	0.28	0.09	0.13
chr7	29478299	29478640	Fbxo27	ENSMUSG000000037463	306	0.15	0.1	0.09	0.07	0.14	0.16
chr7	29501564	29502101	Fbxo17	ENSMUSG000000030598	9	0.18	0.31	0.14	0.27	0.18	0.14
chr7	29517500	29517927	Fbxo17	ENSMUSG000000030598	194	1	NA	0.43	NA	1	0.23
chr7	29766641	29766850	Eif3k	ENSMUSG000000053565	88	0.24	0.4	0.12	0.2	0.33	0.22
chr7	30092902	30093299	Dpf1	ENSMUSG000000030584	157	0.17	0.12	0.11	0.25	0.17	0.19
chr7	30738597	30739047	C230062116Rik	ENSMUSG000000063623	182	0.16	0.31	0.13	0.22	0.15	0.16
chr7	30768747	30769227	Zfp568	ENSMUSG000000074221	13	0.15	0.09	0.11	0.14	0.14	0.13
chr7	31017759	31018009	Poir2i	ENSMUSG000000019738	-67	0.33	0.25	0.11	0.14	0.21	0.21
chr7	31140749	31141111	U2	ENSMUSG000000064982	1013	1	1	0.88	NA	0.9	0.83
chr7	31147759	31148181	Lfn3	ENSMUSG000000036957	-179	0.5	0.22	0.12	0.15	0.54	0.18
chr7	31229627	31229833	Aplp1	ENSMUSG000000066651	850	0.5	NA	NA	NA	0.33	NA
chr7	31242017	31242220	Kirrel2	ENSMUSG000000036915	-250	0.06	0.33	0.18	0.25	0.08	0.15
chr7	31319906	31320477	Arhgap33	ENSMUSG000000036882	-112	0.17	0.67	0.1	0.13	0.33	0.19
chr7	31373744	31374591	Wbp7	ENSMUSG000000006307	-422	0.18	0.16	0.11	0.1	0.17	0.1
chr7	31434986	31435439	Rbm42	ENSMUSG000000036733	-49	0.18	0.13	0.09	0.16	0.18	0.13
chr7	31502076	31502321	Atp4a	ENSMUSG000000005553	-653	0.11	0.13	0.09	0.17	0.1	0.12
chr7	35019029	35019428	Gm12762	ENSMUSG000000086526	-134	0.08	0.12	0.09	0.26	0.07	0.15
chr7	35841028	35841762	Cebpg	ENSMUSG000000056216	127	0.12	0.09	0.1	0.13	0.13	0.12

chr7	35970325	35970551	Slc7a10	ENSMUSG00000030495	-966	0.17	0.14	0.11	0.11	0.2	0.15
chr7	36431860	36432678	Pdcd5	ENSMUSG00000030417	-41	0.15	0.14	0.11	0.14	0.15	0.13
chr7	39012921	39013266	Plekhf1	ENSMUSG00000074170	-80	0.2	0.1	0.18	0.24	0.2	0.12
chr7	51591323	51591618	Shank1	ENSMUSG00000038738	84	0.13	0.17	0.08	0.08	0.14	0.09
chr7	51723358	51723591	Josd2	ENSMUSG00000038695	98	0.08	0.07	0.08	0.09	0.08	0.11
chr7	51751584	51752439	2310044H10Rik	ENSMUSG00000008140	-244	0.23	0.1	0.14	0.14	0.24	0.15
chr7	52072132	52072350	Atf5	ENSMUSG00000038539	-213	0.09	0.05	NA	0.13	0.07	NA
chr7	52151503	52151754	Fuz	ENSMUSG00000011658	112	0.5	NA	0.11	0.11	0.33	0.18
chr7	52271138	52271833	Scaf1	ENSMUSG00000038406	-258	0.13	0.12	0.09	0.17	0.14	0.12
chr7	52331924	52332158	Nosip	ENSMUSG0000003421	263	0.96	0.8	0.73	0.43	0.94	0.85
chr7	52379281	52380174	Rps11	ENSMUSG0000003429	33	0.38	0.32	0.17	0.19	0.43	0.2
chr7	52459793	52460129	Ccdc155	ENSMUSG00000038292	301	0.13	0.24	0.19	0.1	0.15	0.24
chr7	52471163	52471523	Tead2	ENSMUSG00000030796	163	0.13	0.15	0.16	0.14	0.09	0.17
chr7	52594852	52595166	Ppfia3	ENSMUSG0000003863	1123	0.18	0.07	0.09	0.23	0.16	0.19
chr7	52650772	52651384	Snrnp70	ENSMUSG00000063511	-16	0.2	1	0.12	0.44	0.28	0.16
chr7	52668940	52669259	Ntf5	ENSMUSG00000074121	34	0.09	0.08	0.1	0.21	0.09	0.16
chr7	52714945	52715491	Ftl1	ENSMUSG00000050708	-9	0.12	0.26	0.11	0.18	0.16	0.11
chr7	52781364	52781843	Ppp1r15a	ENSMUSG00000040435	-87	0.62	0.75	0.18	0.41	0.61	0.19
chr7	52825526	52826017	Bcat2	ENSMUSG00000030826	51	0.32	0.53	0.15	0.2	0.31	0.27
chr7	53288966	53289464	Nomo1	ENSMUSG00000030835	149	0.19	0.14	0.1	0.13	0.22	0.15
chr7	53632055	53632647	Myod1	ENSMUSG00000009471	507	0.24	0.16	0.11	0.18	0.21	0.14
chr7	54174957	54175636	Tsg101	ENSMUSG00000014402	11	0.12	0.11	0.1	0.14	0.12	0.13
chr7	54387515	54388241	Ptfn5	ENSMUSG00000030854	-182	0.68	0.72	0.23	0.47	0.67	0.35
chr7	58766470	58766782	Ano5	ENSMUSG00000055489	227	0.17	NA	0.09	0.25	0.12	0.14
chr7	63217365	63217936	Nipa2	ENSMUSG00000030452	-107	0.14	0.16	0.09	0.16	0.13	0.1
chr7	72515286	72516148	Tjp1	ENSMUSG00000030516	184	0.09	0.1	0.14	0.19	0.09	0.16
chr7	72789621	72790219	Tarsl2	ENSMUSG00000030515	136	0.08	0.08	0.06	0.14	0.09	0.22
chr7	86609553	86611271	Polg	ENSMUSG00000039176	544	0.18	0.16	0.16	0.16	0.18	0.22
chr7	86762226	86762690	Rhcg	ENSMUSG00000030549	85	0.17	0.24	0.12	0.09	0.1	0.16
chr7	86860315	86860786	Kif7	ENSMUSG00000050382	-1478	0.16	0.19	0.13	0.22	0.15	0.13

chr7	87065322	87065686	Ap3s2	ENSMUSG00000063801	22	0.08	0.08	0.16	0.13	0.09	0.21
chr7	87343075	87343701	Sema4b	ENSMUSG00000030539	-36	0.09	0.07	0.07	0.21	0.08	0.13
chr7	87406018	87406404	Ngrn	ENSMUSG00000047084	110	0.2	0.13	0.11	0.25	0.21	0.18
chr7	87484817	87485334	Unc45a	ENSMUSG00000030533	-41	0.25	0.54	0.13	0.17	0.33	0.12
chr7	87652659	87652914	Gm17257	ENSMUSG00000091989	113	1	0.95	0.78	NA	1	0.95
chr7	88005947	88006207	Zscan2	ENSMUSG00000038797	238	0.25	0.14	0.1	0.28	0.18	0.12
chr7	97591200	97592586	Crebzf	ENSMUSG00000051451	654	0.13	0.12	0.09	0.14	0.13	0.15
chr7	99785038	99785775	Ankrd42	ENSMUSG00000041343	139	0.14	0.09	0.12	0.09	0.16	0.11
chr7	105984718	105984935	Wnt11	ENSMUSG00000015957	1185	0.25	0.39	0.09	0.27	0.28	0.11
chr7	106330906	106331581	Dgat2	ENSMUSG00000030747	-20	1	0.59	0.2	0.19	1	0.19
chr7	106976632	106976960	Neu3	ENSMUSG00000035239	131	0.8	1	0.41	1	0.8	0.39
chr7	107731289	107731674	Mrpl48	ENSMUSG00000030706	108	0.14	0.25	0.23	0.07	0.1	0.14
chr7	109044648	109044991	3200002M19Rik	ENSMUSG00000030649	-35	0.12	0.1	0.09	0.16	0.09	0.12
chr7	109054262	109054852	2400001E08Rik	ENSMUSG00000030842	206	0.27	0.1	0.11	0.14	0.27	0.12
chr7	109213636	109214317	Rnf121	ENSMUSG00000070426	-304	0.27	0.49	0.07	0.13	0.28	0.11
chr7	112574241	112574680	Cckbr	ENSMUSG00000030898	129	0.11	0.32	0.1	0.16	0.11	0.13
chr7	112788717	112789256	Arfp2	ENSMUSG00000030881	-164	0.17	0.43	0.12	0.19	0.21	0.09
chr7	116313042	116313644	Lmo1	ENSMUSG00000036111	479	0.16	0.11	0.15	0.18	0.16	0.12
chr7	116662393	116663184	Rpl27a	ENSMUSG00000046364	127	0.2	0.19	0.14	0.26	0.2	0.18
chr7	116895565	116896124	Tmem9b	ENSMUSG00000031021	-84	0.11	0.18	0.1	0.12	0.11	0.12
chr7	117161693	117162402	Ipo7	ENSMUSG00000066232	108	0.2	0.13	0.11	0.16	0.2	0.18
chr7	118172179	118172919	Ctr9	ENSMUSG00000005609	84	0.09	0.06	0.1	0.11	0.08	0.1
chr7	118923312	118923797	Galnt4	ENSMUSG00000038296	-63	0.2	0.21	0.27	1	0.2	0.18
chr7	120656853	120657785	Far1	ENSMUSG00000030759	-29	0.13	0.13	0.09	0.12	0.13	0.16
chr7	123477263	123478169	Rps13	ENSMUSG00000090862	-69	0.13	0.14	0.28	0.34	0.14	0.32
chr7	125259258	125259724	Rps15a	ENSMUSG00000008683	151	0.08	1	0.14	0.18	0.15	0.11
chr7	125727917	125728293	Tmc7	ENSMUSG00000042246	95	0.06	0.05	0.08	0.11	0.07	0.14
chr7	129124878	129125359	Cog7	ENSMUSG00000034951	90	0.14	0.11	0.1	0.14	0.15	0.11
chr7	130521363	130521747	Lcmt1	ENSMUSG00000030763	59	0.28	0.38	0.17	0.18	0.23	0.16
chr7	133225077	133225989	Gsg11	ENSMUSG00000046182	392	0.21	0.41	0.13	0.12	0.21	0.15

chr7	133539893	133540367	Nfatc2ip	ENSMUSG00000030722	121	0.12	0.15	0.1	0.12	0.12	0.13
chr7	133645504	133647335	Atxn2l	ENSMUSG00000032637	-491	0.09	0.16	0.11	0.14	0.09	0.09
chr7	133848277	133848495	Coro1a	ENSMUSG00000030707	-56	0.24	0.15	0.1	0.11	0.22	0.09
chr7	134160622	134160989	Gm20418	ENSMUSG00000092534	-807	1	NA	NA	NA	1	NA
chr7	134168866	134169135	Maz	ENSMUSG00000030678	993	0.13	0.11	0.07	0.21	0.11	0.12
chr7	134376594	134377022	Zfp553	ENSMUSG00000045598	39	0.1	0.13	0.07	0.12	0.09	0.13
chr7	134417012	134417589	Sephs2	ENSMUSG00000049091	133	0.14	0.3	0.12	0.12	0.14	0.18
chr7	134507184	134507422	Gm10586	ENSMUSG00000073823	361	0.5	NA	0.09	0.29	0.5	0.2
chr7	134565298	134565663	Zfp688	ENSMUSG00000045251	-116	0.12	0.09	0.09	0.17	0.11	0.23
chr7	134614448	134614769	Prr14	ENSMUSG00000030822	75	0.19	0.1	0.15	0.17	0.2	0.26
chr7	134615183	134615555	Prr14	ENSMUSG00000030822	-46	0.17	0.29	0.13	0.18	0.1	0.12
chr7	135754896	135755354	Inpp5f	ENSMUSG00000042105	251	0.47	0.38	0.06	0.13	0.47	0.12
chr7	138009147	138010138	Plekha1	ENSMUSG00000040268	372	0.18	0.15	0.09	0.12	0.18	0.14
chr7	138553601	138554327	Ikzf5	ENSMUSG00000040167	-72	0.2	0.07	0.1	0.08	0.15	0.14
chr7	139788860	139789496	Gm16764	ENSMUSG00000087657	108	0.07	0.07	0.17	0.13	0.07	0.22
chr7	139791085	139791609	Nkx1-2	ENSMUSG00000048528	-27	0.06	NA	0.13	0.2	0.1	0.06
chr7	147136687	147136904	Gm16201	ENSMUSG00000086742	456	0.18	0.5	0.22	0.19	0.18	0.18
chr7	147222063	147222860	Tubgcp2	ENSMUSG00000025474	-212	0.2	0.3	0.12	0.14	0.2	0.12
chr7	148358485	148358768	Rnh1	ENSMUSG00000038650	124	0.33	0.14	0.08	0.18	0.25	0.24
chr7	148477832	148478280	Drd4	ENSMUSG00000025496	127	0.13	0.17	0.1	0.21	0.12	0.11
chr7	148623220	148623604	Slc25a22	ENSMUSG00000019082	79	0.5	0.95	0.15	0.61	0.46	0.29
chr7	148647671	148648140	Efcab4a	ENSMUSG00000048200	111	0.29	0.92	0.07	0.22	0.33	0.15
chr7	150238579	150239193	Cd81	ENSMUSG00000037706	242	0.11	0.11	0.09	0.16	0.1	0.15
chr7	150292933	150293670	Kcnq1	ENSMUSG00000009545	142	0.44	0.25	0.12	0.24	0.44	0.16
chr7	151361369	151361804	Shank2	ENSMUSG00000037541	161	0.25	0.43	0.12	0.29	0.27	0.16
chr7	151767983	151768503	Fadd	ENSMUSG00000031077	125	0.1	0.07	0.08	0.17	0.1	0.13
chr7	3303669	3303943	Prkcc	ENSMUSG00000078816	35	NA	0.75	0.33	1	NA	NA
chr7	3568900	3569136	Ndufa3	ENSMUSG00000035674	43	0.33	1	0.2	0.27	NA	0.32
chr7	4100775	4101348	Leng9	ENSMUSG00000043432	413	NA	1	0.5	1	NA	1
chr7	4965937	4966540	Fiz1	ENSMUSG00000061374	61	NA	1	0.23	0.33	NA	0.23

chr7	5008310	5008833	Ccdc106	ENSMUSG00000035228	244	0.6	0.5	0.1	0.2	NA	0.05
chr7	5011890	5012274	U2af2	ENSMUSG00000030435	-1663	NA	0.22	0.09	0.08	NA	0.14
chr7	6282684	6283075	Zfp583	ENSMUSG00000030443	-73	NA	NA	0.31	0.37	NA	0.29
chr7	6649068	6649353	Zim1	ENSMUSG00000002266	-49	NA	0.08	0.16	0.5	0.06	0.28
chr7	13507081	13507908	Rps5	ENSMUSG00000012848	-145	NA	NA	0.1	0.21	0.1	0.14
chr7	13551116	13551647	Zfp324	ENSMUSG00000004500	194	NA	0.5	0.2	0.18	NA	0.09
chr7	16531100	16531514	Gltscr2	ENSMUSG000000041560	150	NA	0.09	0.16	0.25	0.07	0.21
chr7	16705289	16705557	Kptn	ENSMUSG00000006021	145	0.33	1	0.22	0.2	NA	0.14
chr7	16859464	16859755	Prr24	ENSMUSG000000091811	-568	NA	NA	0.13	0.14	NA	0.2
chr7	17367292	17367733	Slc1a5	ENSMUSG00000001918	756	NA	NA	0.19	NA	0.1	0.23
chr7	17492337	17492627	Ptgir	ENSMUSG000000043017	619	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr7	19495529	19495870	Ccdc61	ENSMUSG000000074358	39	NA	0.08	0.09	0.31	0.05	0.18
chr7	19511436	19511729	Nova2	ENSMUSG000000030411	345	NA	NA	0.29	0.32	0.29	0.08
chr7	19576372	19576717	Mypop	ENSMUSG000000048481	-50	NA	NA	0.16	0.11	NA	0.15
chr7	19679452	19679693	Six5	ENSMUSG000000040841	-371	NA	0.4	0.09	0.33	0.12	0.2
chr7	19716929	19717151	Fbxo46	ENSMUSG000000050428	-2	NA	NA	0.25	1	1	0.12
chr7	19764612	19765215	Eml2	ENSMUSG000000040811	-1595	NA	1	0.4	NA	NA	0.16
chr7	19945474	19945698	Ppp1r13l	ENSMUSG000000040734	-409	NA	NA	NA	NA	0.5	NA
chr7	19946423	19946716	Ppp1r13l	ENSMUSG000000040734	4	NA	NA	0.1	0.21	0.07	0.1
chr7	19967161	19967737	Erc2	ENSMUSG000000030400	90	NA	0.24	0.13	0.16	0.33	0.15
chr7	25084148	25084451	Zfp61	ENSMUSG000000050605	18	NA	0.06	0.12	0.11	0.5	0.09
chr7	25184376	25185076	1500002020Rik	ENSMUSG000000002210	88	1	0.04	0.17	0.11	NA	0.18
chr7	25372477	25372698	Ethe1	ENSMUSG000000064254	25	NA	NA	NA	NA	NA	0.29
chr7	25396091	25396427	Phldb3	ENSMUSG000000074277	-88	NA	NA	0.21	0.09	0.5	0.1
chr7	25857803	25858026	Grik5	ENSMUSG00000003378	-526	0.57	0.19	0.06	0.15	NA	0.12
chr7	26006186	26006402	Zfp526	ENSMUSG000000046541	-176	NA	1	0.17	0.25	0.15	NA
chr7	26066812	26067082	Cic	ENSMUSG00000005442	-251	NA	0.17	0.11	1	NA	0.33
chr7	26082375	26082794	Pafah1b3	ENSMUSG00000005447	-253	0.5	0.11	0.21	0.13	NA	0.21
chr7	26091047	26091343	Tmem145	ENSMUSG000000043843	70	NA	0.35	0.09	0.25	0.4	0.16
chr7	28181399	28181623	Spnb4	ENSMUSG000000011751	61	NA	NA	0.11	0.17	0.12	0.28

chr7	28258589	28258978	Sertad3	ENSMUSG00000055200	-4	NA	0.11	0.13	0.16	NA	0.22
chr7	28337994	28338445	Plid3	ENSMUSG00000003363	-184	NA	0.05	0.24	0.36	0.03	0.22
chr7	28376734	28377180	Akt2	ENSMUSG00000004056	192	NA	NA	0.14	0.25	0.25	0.41
chr7	28516332	28516648	Zfp60	ENSMUSG000000037640	82	NA	NA	0.15	0.15	0.07	0.18
chr7	28714235	28714590	1700049G17Rik	ENSMUSG000000070709	37	NA	NA	0.24	0.17	0.5	0.25
chr7	28835048	28835359	Psmc4	ENSMUSG000000030603	-128	NA	NA	0.18	0.12	NA	0.1
chr7	29163951	29164367	Zfp36	ENSMUSG000000044786	115	0.43	0.5	0.22	0.39	NA	0.2
chr7	29177366	29178439	Med29	ENSMUSG00000003444	-175	NA	0.7	0.19	0.21	0.36	0.22
chr7	29527041	29527316	Sars2	ENSMUSG000000070699	168	NA	0.12	0.09	0.18	0.07	0.11
chr7	29593841	29594237	Hnrnp1	ENSMUSG000000015165	212	NA	NA	0.16	0.24	NA	0.12
chr7	29596276	29596626	Hnrnp1	ENSMUSG000000015165	492	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr7	29610243	29610496	Ech1	ENSMUSG000000053898	1	NA	1	NA	NA	NA	NA
chr7	30644958	30645181	Zfp420	ENSMUSG000000058402	71	NA	NA	0.08	0.36	NA	0.24
chr7	31338264	31338536	Hspb6	ENSMUSG000000036854	113	NA	1	0.55	NA	NA	0.62
chr7	31449852	31450119	Haus5	ENSMUSG000000078762	-33	NA	0.8	0.22	0.29	0.08	0.31
chr7	31910101	31910311	Scn1b	ENSMUSG000000019194	1758	NA	1	0.25	0.6	0.32	NA
chr7	38557722	38557957	Zfp536	ENSMUSG000000043456	55	NA	0.05	0.07	0.11	0.09	0.07
chr7	46844002	46844235	Gm2058	ENSMUSG000000074903	-183	NA	NA	0.1	0.1	NA	0.07
chr7	48854549	48854815	2610021A01Rik	ENSMUSG000000091474	51	0.5	0.2	NA	1	NA	0.34
chr7	49760706	49761200	Zfp141	ENSMUSG000000092416	143	NA	NA	0.08	0.29	NA	0.2
chr7	50699324	50699566	Etfb	ENSMUSG000000004610	-33	NA	0.04	0.09	0.2	0.05	0.13
chr7	50817525	50817758	Zfp658	ENSMUSG000000056592	15	NA	0.25	0.16	0.12	0.33	0.07
chr7	51052732	51052999	Klk8	ENSMUSG000000064023	-82	NA	NA	0.25	0.32	NA	0.33
chr7	51844545	51844749	Gm15396	ENSMUSG000000087560	1347	NA	NA	0.13	1	NA	0.18
chr7	51926136	51926423	Myh14	ENSMUSG000000030739	-66	NA	NA	0.06	1	NA	0.1
chr7	52104405	52105851	Tbc1d17	ENSMUSG000000038520	-683	NA	NA	0.29	NA	NA	0.44
chr7	52252838	52253361	Bcl2l12	ENSMUSG000000003190	-184	NA	NA	0.2	NA	1	0.22
chr7	52317678	52317931	Prrg2	ENSMUSG000000007837	-31	NA	0.16	0.14	0.23	0.15	0.11
chr7	52383887	52384760	Rpl13a	ENSMUSG000000074129	-304	NA	0.18	0.15	0.24	0.07	0.24
chr7	52690110	52690628	Gys1	ENSMUSG000000003865	155	NA	0.07	0.06	0.16	0.18	0.27

chr7	52743951	52744258	Dhdh	ENSMUSG00000011382	71	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr7	52894078	52894323	Mamstr	ENSMUSG00000042918	-1147	NA	0.33	0.06	0.21	0.33	0.18
chr7	52949372	52949717	Sec1	ENSMUSG00000040364	228	NA	0.92	0.93	1	1	0.97
chr7	53356045	53356253	Kcnj11	ENSMUSG00000070561	-542	NA	NA	0.2	NA	NA	NA
chr7	54213706	54214139	Uevld	ENSMUSG00000043262	-80	NA	NA	0.18	0.24	NA	0.11
chr7	59261049	59261321	Svip	ENSMUSG00000074093	203	0.16	NA	0.09	0.11	NA	0.06
chr7	69493139	69493630	Ndn	ENSMUSG00000033585	221	NA	NA	0.44	NA	0.83	0.31
chr7	72017467	72018022	Ndnl2	ENSMUSG00000070520	139	0.33	0.06	0.07	0.11	NA	0.12
chr7	72301517	72301830	Fam189a1	ENSMUSG00000030518	-217	NA	0.2	0.1	0.15	0.13	0.14
chr7	73834608	73835178	Lins	ENSMUSG00000053091	118	NA	0.32	0.15	0.15	0.07	0.17
chr7	74948546	74948755	4833412C05Rik	ENSMUSG00000085850	-268	NA	0.25	0.11	0.15	0.15	0.09
chr7	82453729	82453939	1500012K07Rik	ENSMUSG00000086403	246	NA	NA	0.29	NA	NA	0.1
chr7	85927734	85928014	Mrpl46	ENSMUSG00000030612	78	NA	0.04	0.11	0.08	0.04	0.09
chr7	87331586	87331945	Sema4b	ENSMUSG00000030539	38	NA	0.16	0.05	0.16	0.08	0.07
chr7	87391103	87391504	Tlll13	ENSMUSG00000045467	41	1	0.13	0.08	0.12	NA	0.26
chr7	87468984	87469251	Rccd1	ENSMUSG00000038930	-111	NA	0.5	0.08	0.5	NA	0.11
chr7	87679555	87680022	Blm	ENSMUSG00000030528	96	NA	0.07	0.19	0.21	0.06	0.18
chr7	95426513	95426785	Ctsc	ENSMUSG00000030560	54	0.12	0.12	0.08	0.13	NA	0.11
chr7	96487092	96487446	Tmem135	ENSMUSG00000039428	-22	NA	0.2	0.1	0.1	0.07	0.21
chr7	96781318	96781687	Me3	ENSMUSG00000030621	106	NA	1	0.12	0.1	0.2	0.11
chr7	97089336	97089571	I7Rn6	ENSMUSG00000062797	123	NA	NA	0.1	0.14	0.17	0.14
chr7	99709581	99709807	Ccdc90b	ENSMUSG00000030613	35	1	NA	NA	1	NA	NA
chr7	99817657	99817866	Pcf11	ENSMUSG00000041328	682	NA	NA	NA	NA	NA	0.39
chr7	104727842	104728747	1810020D17Rik	ENSMUSG00000035642	-402	NA	0.18	0.1	0.13	0.2	0.12
chr7	107641763	107642003	Ucp2	ENSMUSG00000033685	37	NA	NA	0.15	0.11	0.37	0.24
chr7	107685483	107685755	Chchd8	ENSMUSG00000044881	5	NA	NA	0.1	0.19	NA	0.26
chr7	108160225	108160805	P2ry2	ENSMUSG00000032860	-10	0.25	0.11	0.2	0.17	NA	0.23
chr7	109118581	109119127	Numa1	ENSMUSG00000066306	497	NA	NA	0.1	0.14	0.38	0.22
chr7	109398269	109398550	Rhog	ENSMUSG00000073982	193	NA	0.11	0.09	0.12	0.05	0.17
chr7	109399179	109399440	Rhog	ENSMUSG00000073982	-672	NA	NA	0.22	NA	NA	0.33

chr7	109590126	109590616	Rrm1	ENSMUSG00000030978	162	NA	0.23	0.22	0.35	0.34	0.2
chr7	116846972	116847559	D930014E17Rik	ENSMUSG00000031023	61	NA	0.1	0.09	0.17	0.4	0.15
chr7	117987564	117987997	Rnf141	ENSMUSG00000030788	-140	NA	1	0.44	1	0.29	0.3
chr7	119301807	119302025	Dkk3	ENSMUSG00000030772	655	NA	0.2	0.11	0.26	0.27	0.29
chr7	119571291	119571958	Parva	ENSMUSG00000030770	205	NA	0.15	0.15	0.11	0.21	0.12
chr7	121419283	121419792	Psma1	ENSMUSG00000030751	3	NA	0.42	0.2	0.29	0.37	0.17
chr7	122070654	122071296	Gm6816	ENSMUSG00000046411	265	1	1	0.94	NA	NA	1
chr7	125272823	125273327	Arl6ip1	ENSMUSG00000030654	64	NA	0.2	0.17	0.2	0.15	0.19
chr7	126327825	126328268	Gpr139	ENSMUSG00000066197	-158	NA	0.12	0.07	0.11	0.1	0.22
chr7	127245726	127246210	Tmem159	ENSMUSG00000030917	78	NA	NA	0.09	0.24	NA	0.09
chr7	129164240	129164491	Gga2	ENSMUSG00000030872	316	NA	NA	0.3	NA	1	NA
chr7	130643802	130644399	Zkscan2	ENSMUSG00000030757	-137	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr7	133520516	133521056	Spns1	ENSMUSG00000030741	-65	NA	0.22	0.14	0.13	0.13	0.14
chr7	134093215	134093521	Asphd1	ENSMUSG00000046378	-272	NA	0.34	0.29	0.58	0.19	0.43
chr7	134164730	134164945	Prrt2	ENSMUSG00000045114	-112	NA	NA	0.07	0.18	0.08	0.09
chr7	134170677	134171055	Maz	ENSMUSG00000030678	-333	1	NA	0.5	0.5	NA	NA
chr7	134404012	134404299	Dctpp1	ENSMUSG00000042462	68	NA	0.5	0.16	0.12	0.17	0.16
chr7	134518993	134519568	Zfp747	ENSMUSG00000054381	284	NA	0.28	0.09	0.11	NA	0.14
chr7	134536605	134537022	E430018J23Rik	ENSMUSG00000078580	320	NA	0.33	0.15	0.14	0.17	0.13
chr7	134549845	134550194	Zfp764	ENSMUSG00000045757	278	NA	NA	0.06	0.18	0.16	0.07
chr7	134967777	134968064	Stx4a	ENSMUSG00000030805	112	NA	NA	0.33	NA	NA	NA
chr7	135047578	135047785	Bckdk	ENSMUSG00000030802	85	NA	0.08	0.13	0.23	0.5	0.1
chr7	135078920	135079508	Prss36	ENSMUSG00000070371	-271	NA	0.39	0.13	0.5	0.33	0.39
chr7	135603744	135604108	Tial1	ENSMUSG00000030846	797	NA	NA	0.25	NA	NA	0.33
chr7	140044060	140044347	Mettl10	ENSMUSG00000030960	-141	NA	0.5	0.11	NA	NA	0.46
chr7	144086075	144086288	Mgmt	ENSMUSG00000054612	-113	NA	NA	0.21	1	NA	NA
chr7	146398854	146399384	Lrrc27	ENSMUSG00000015980	232	NA	0.18	0.21	0.21	NA	0.21
chr7	147302165	147302455	Echs1	ENSMUSG00000025465	-22	1	NA	0.11	0.08	NA	0.06
chr7	148354424	148354646	Rnh1	ENSMUSG00000038650	300	NA	NA	0.49	1	0.25	0.33
chr7	148599890	148600102	Pddc1	ENSMUSG00000051007	-32	NA	NA	0.33	NA	NA	0.17

chr7	148650621	148650988	Efcab4a	ENSMUSG00000048200	-189	0.44	1	0.25	0.38	NA	0.35
chr7	149135214	149135517	Brsk2	ENSMUSG00000053046	-291	NA	0.2	0.17	0.11	NA	0.2
chr7	150255673	150255954	Tssc4	ENSMUSG00000045752	364	NA	NA	NA	NA	NA	0.25
chr7	151008709	151009011	Nadsyn1	ENSMUSG00000031090	-150	NA	NA	0.13	0.18	0.38	0.26
chr7	151015902	151016265	Dhcr7	ENSMUSG00000058454	101	NA	0.08	0.12	1	NA	0.17
chr7	151470565	151470772	Shank2	ENSMUSG00000037541	324	NA	0.12	0.18	0.21	0.27	0.16
chr7	152081655	152081951	Fgf15	ENSMUSG00000031073	-634	NA	0.06	0.07	0.16	0.06	0.14
chr8	87185822	87186766	Ier2	ENSMUSG00000053560	457	0.09	0.25	0.12	0.17	0.31	0.16
chr8	77517451	77518285	Hmgxb4	ENSMUSG00000034518	290	0.06	0.1	0.1	0.11	0.16	0.15
chr8	107064639	107065216	Car7	ENSMUSG00000031883	220	0.7	0.25	0.09	0.15	0.24	0.13
chr8	35039838	35040982	Rbpms	ENSMUSG00000031586	-132	0.07	0.12	0.13	0.15	0.21	0.19
chr8	87436436	87437345	Dnase2a	ENSMUSG0000003812	-400	0.89	0.8	0.3	0.76	0.47	0.56
chr8	127420197	127420402	Exoc8	ENSMUSG00000074030	1306	0.04	0.07	0.32	0.31	0.65	0.55
chr8	107057990	107058609	Nae1	ENSMUSG00000031878	189	0.2	0.23	0.18	0.2	0.66	0.21
chr8	72735702	72736734	Slc25a42	ENSMUSG00000002346	-14	0.05	0.18	0.09	0.17	0.22	0.16
chr8	114060102	114061529	Znrf1	ENSMUSG00000033545	275	0.08	0.19	0.09	0.14	0.18	0.12
chr8	11727435	11728835	Arhgef7	ENSMUSG00000031511	30	0.08	0.14	0.09	0.11	0.16	0.13
chr8	26311226	26312272	Tacc1	ENSMUSG00000065954	172	0.08	0.07	0.09	0.15	0.27	0.18
chr8	28370759	28371221	Eif4ebp1	ENSMUSG00000031490	191	0.07	0.11	0.1	0.14	0.23	0.11
chr8	107694668	107695673	Cbfb	ENSMUSG00000031885	596	0.12	0.15	0.11	0.15	0.23	0.18
chr8	126001494	126002120	Afg3l1	ENSMUSG00000031967	4	0.09	0.17	0.07	0.1	0.32	0.17
chr8	108583563	108584115	Nfatc3	ENSMUSG00000031902	48	0.05	0.08	0.1	0.15	0.15	0.14
chr8	40068834	40069417	Tusc3	ENSMUSG00000039530	226	0.14	0.13	0.12	0.09	0.6	0.15
chr8	70585972	70586596	Psd3	ENSMUSG00000030465	-99	0.18	0.08	0.09	0.07	0.06	0.11
chr8	74684515	74685561	Gm16091	ENSMUSG00000087502	-284	0.2	0.23	0.1	0.16	0.38	0.17
chr8	47085101	47085721	Ankrd37	ENSMUSG00000050914	-208	1	0.39	0.08	0.21	0.43	0.08
chr8	93431706	93433346	Gm6658	ENSMUSG00000074171	-212	0.09	0.12	0.11	0.12	0.17	0.14
chr8	106918953	106919577	Cmtm4	ENSMUSG00000051578	331	0.07	0.12	0.12	0.12	0.16	0.15
chr8	124276898	124277639	Jph3	ENSMUSG00000025318	-108	0.93	0.9	0.6	0.67	0.76	0.67
chr8	87225456	87225799	Lyl1	ENSMUSG00000034041	271	0.13	0.14	0.52	0.55	0.28	0.47

chr8	87460919	87461385	Mast1	ENSMUSG00000053693	91	0.39	0.07	0.1	0.2	0.11	0.16
chr8	98201419	98202493	Ndrp4	ENSMUSG00000036564	-29	0.1	0.11	0.09	0.12	0.21	0.16
chr8	4258389	4259352	Cttn1	ENSMUSG00000048644	404	0.09	0.32	0.1	0.11	0.24	0.16
chr8	108159830	108161498	Ctcf	ENSMUSG00000005698	196	0.06	0.1	0.08	0.12	0.11	0.11
chr8	74225349	74225662	B3gnt3	ENSMUSG00000031803	183	0.26	0.52	0.21	0.26	0.48	0.3
chr8	109963136	109963439	Rps26-ps1	ENSMUSG00000059775	176	0.85	0.83	0.89	0.76	0.98	0.94
chr8	109674413	109674911	Cyb5b	ENSMUSG00000031924	101	0.08	0.11	0.11	0.17	0.19	0.12
chr8	86760653	86761328	Zswim4	ENSMUSG00000035671	-36	0.11	0.27	0.13	0.16	0.27	0.13
chr8	34709965	34710700	Ppp2cb	ENSMUSG00000009630	239	0.07	0.24	0.11	0.14	0.23	0.14
chr8	127044534	127044936	Cog2	ENSMUSG00000031979	68	0.06	0.11	0.15	0.2	0.2	0.16
chr8	28087116	28090397	Zfp703	ENSMUSG000000085795	948	0.14	0.14	0.24	0.26	0.2	0.2
chr8	80041179	80042348	Arhgap10	ENSMUSG00000037148	43	0.1	0.22	0.15	0.26	0.24	0.15
chr8	13338534	13339396	Tfdp1	ENSMUSG00000038482	214	0.07	0.09	0.09	0.1	0.15	0.14
chr8	18594998	18595623	Mcp1	ENSMUSG00000039842	179	0.09	0.17	0.14	0.19	0.27	0.2
chr8	108282121	108282624	Gfod2	ENSMUSG00000013150	124	0.31	0.14	0.1	0.13	0.09	0.13
chr8	128434312	128435293	BC021891	ENSMUSG00000031853	452	0.07	0.07	0.1	0.14	0.13	0.11
chr8	124967305	124967753	Mvd	ENSMUSG00000006517	-207	0.35	0.12	0.11	0.18	0.1	0.11
chr8	74658955	74659738	Tpm4	ENSMUSG00000031799	188	0.73	0.47	0.27	0.31	0.38	0.31
chr8	112229240	112229843	Zfp821	ENSMUSG00000031728	92	0.08	0.13	0.12	0.13	0.16	0.15
chr8	73292351	73292801	Pik3r2	ENSMUSG00000031834	711	0.82	0.83	0.85	0.81	0.94	0.93
chr8	114457241	114457710	Tmem231	ENSMUSG00000031951	216	0.08	0.15	0.09	0.15	0.19	0.14
chr8	81922254	81923481	Smad1	ENSMUSG00000031681	550	0.08	0.13	0.09	0.15	0.16	0.13
chr8	107782895	107783838	Tradd	ENSMUSG00000031887	654	0.09	0.21	0.12	0.3	0.2	0.17
chr8	82162904	82164192	Otud4	ENSMUSG00000036990	31	0.1	0.22	0.09	0.12	0.19	0.18
chr8	97125004	97126422	Fam192a	ENSMUSG00000031774	-87	0.09	0.2	0.11	0.18	0.27	0.13
chr8	75247115	75247906	Sin3b	ENSMUSG00000031622	323	0.17	0.2	0.09	0.29	0.36	0.22
chr8	126038719	126039267	Dbndd1	ENSMUSG00000031970	297	0.08	0.16	0.11	0.18	0.21	0.16
chr8	119257096	119257415	Cdyl2	ENSMUSG00000031758	-364	0.09	0.17	0.08	0.11	0.17	0.19
chr8	123651739	123653174	Foxl1	ENSMUSG00000043867	616	0.08	0.09	0.09	0.15	0.15	0.13
chr8	109394533	109394937	Has3	ENSMUSG00000031910	-1	0.1	0.19	0.08	0.19	0.24	0.1

chr8	36439499	36439801	Ppp1r3b	ENSMUSG00000046794	855	1	0.17	0.11	0.23	0.34	0.14
chr8	107898504	107899044	Plekhg4	ENSMUSG00000014782	-30	0.67	0.68	0.5	0.63	0.56	0.55
chr8	4087398	4087757	Gm16589	ENSMUSG00000074482	34	0.88	0.7	0.41	0.5	0.38	0.37
chr8	82235203	82235829	Abce1	ENSMUSG00000058355	123	0.25	0.15	0.09	0.22	0.12	0.1
chr8	109127193	109127924	Cdh1	ENSMUSG00000000303	307	0.08	0.07	0.13	0.15	0.22	0.14
chr8	125135717	125135947	Trappc2l	ENSMUSG00000015013	306	0.32	0.38	0.14	0.13	0.13	0.18
chr8	11758123	11758774	Arhgef7	ENSMUSG00000031511	94	0.06	0.12	0.1	0.16	0.12	0.13
chr8	95198235	95198644	Irx6	ENSMUSG00000031738	251	0.09	0.24	0.09	0.22	0.35	0.11
chr8	122098308	122099405	Hsd1l	ENSMUSG00000034189	244	0.05	0.05	0.08	0.13	0.14	0.15
chr8	97876041	97877377	Mmp15	ENSMUSG00000031790	541	0.08	0.09	0.07	0.1	0.05	0.14
chr8	8689796	8690634	Arglu1	ENSMUSG00000040459	102	0.06	0.08	0.07	0.13	0.09	0.12
chr8	127472041	127473598	Egln1	ENSMUSG00000031987	335	0.07	0.12	0.09	0.11	0.11	0.13
chr8	124430690	124431948	Slc7a5	ENSMUSG00000040010	267	0.12	0.09	0.08	0.14	0.05	0.14
chr8	72876619	72877446	Upf1	ENSMUSG00000058301	140	0.17	0.19	0.14	0.22	0.25	0.13
chr8	88224041	88224954	Neto2	ENSMUSG00000036902	156	0.14	0.1	0.1	0.15	0.09	0.12
chr8	112261181	112261777	Atxn1l	ENSMUSG00000069895	160	0.38	0.1	0.07	0.14	0.17	0.13
chr8	125565187	125566867	Ankrd11	ENSMUSG00000035569	-130	0.07	0.09	0.08	0.14	0.11	0.11
chr8	87323085	87323598	Nfix	ENSMUSG00000001911	582	0.05	0.05	0.08	0.1	0.11	0.15
chr8	122637543	122638595	6430548M08Rik	ENSMUSG00000031824	17	0.05	0.06	0.09	0.13	0.11	0.12
chr8	72497559	72498652	Gatad2a	ENSMUSG00000036180	177	0.08	0.1	0.11	0.15	0.15	0.13
chr8	126506313	126507127	Abcb10	ENSMUSG00000031974	302	0.08	0.08	0.07	0.14	0.16	0.1
chr8	112392337	112393179	Gm17344	ENSMUSG00000078143	-403	0.13	0.12	0.08	0.14	0.07	0.13
chr8	11006954	11009869	9530052E02Rik	ENSMUSG00000085270	561	0.15	0.15	0.11	0.15	0.11	0.17
chr8	124793056	124793428	Gm22	ENSMUSG00000043903	-227	0.52	0.52	0.9	0.84	0.94	0.75
chr8	129116268	129118854	Irf2bp2	ENSMUSG00000051495	-225	0.06	0.08	0.08	0.12	0.09	0.13
chr8	81032408	81033688	Rbmx1l	ENSMUSG00000037070	-221	0.13	0.08	0.12	0.19	0.07	0.21
chr8	113557736	113558044	Aars	ENSMUSG00000031960	111	0.12	0.12	0.12	0.19	0.28	0.2
chr8	28152927	28153563	Prosc	ENSMUSG00000031485	218	0.07	0.18	0.1	0.19	0.29	0.15
chr8	26895336	26896510	Bag4	ENSMUSG00000037316	-242	0.08	0.12	0.09	0.12	0.13	0.16
chr8	116159137	116159699	Mon1b	ENSMUSG00000078908	-432	0.14	0.29	0.14	0.13	0.27	0.13

chr8	39723306	39723775	Sgcz	ENSMUSG00000039539	1022	0.08	0.07	0.08	0.14	0.16	0.16
chr8	17534717	17535731	Csmd1	ENSMUSG00000060924	-250	0.12	0.12	0.1	0.13	0.21	0.14
chr8	123011374	123013609	Gse1	ENSMUSG00000031822	-275	0.17	0.11	0.09	0.16	0.11	0.15
chr8	74967536	74967779	Calr3	ENSMUSG00000019732	112	1	NA	0.07	0.21	0.11	0.23
chr8	86794134	86794361	Ccdc130	ENSMUSG00000004994	-1	0.05	0.06	0.06	0.12	0.26	0.12
chr8	13104514	13105956	Pcid2	ENSMUSG00000038542	-414	0.06	0.19	0.1	0.14	0.1	0.18
chr8	47379779	47380251	Helt	ENSMUSG00000047171	10	0.07	0.4	0.09	0.21	0.23	0.11
chr8	113618213	113618940	Pdpr	ENSMUSG00000033624	46	0.03	0.08	0.06	0.11	0.08	0.07
chr8	127420610	127422412	Exoc8	ENSMUSG00000074030	94	0.09	0.14	0.12	0.15	0.14	0.14
chr8	109817207	109818420	Nfat5	ENSMUSG0000003847	443	0.1	0.2	0.11	0.16	0.16	0.11
chr8	124900287	124901041	Zc3h18	ENSMUSG00000017478	155	0.05	0.08	0.09	0.12	0.08	0.15
chr8	114377662	114378384	Cfdp1	ENSMUSG00000031954	187	0.09	0.16	0.1	0.16	0.18	0.12
chr8	124999519	125000379	Rnf166	ENSMUSG00000014470	-361	0.07	0.08	0.06	0.12	0.1	0.1
chr8	81818367	81819211	Mmaa	ENSMUSG00000037022	66	0.19	0.08	0.1	0.18	0.07	0.19
chr8	72425363	72427371	Tssk6	ENSMUSG00000047654	284	0.12	0.17	0.13	0.18	0.17	0.19
chr8	73046711	73047163	2810422J05Rik	ENSMUSG00000055553	52	0.11	0.04	0.08	0.12	0.33	0.14
chr8	112741578	112742028	Ftsjd1	ENSMUSG00000046441	-57	0.07	0.15	0.11	0.13	0.12	0.16
chr8	28195938	28196670	Gpr124	ENSMUSG00000031486	-9	0.09	0.07	0.09	0.13	0.14	0.09
chr8	42459715	42460317	Asah1	ENSMUSG00000031591	-27	0.33	0.23	0.08	0.11	0.1	0.16
chr8	73030388	73030721	2810428I15Rik	ENSMUSG00000058833	44	0.05	0.34	0.06	0.12	0.17	0.22
chr8	106864404	106865123	Cmtm3	ENSMUSG00000031875	269	0.24	0.21	0.13	0.17	0.12	0.15
chr8	122624883	122625770	Zdhhc7	ENSMUSG00000031823	-354	0.06	0.09	0.08	0.09	0.11	0.14
chr8	126177559	126178443	Rhou	ENSMUSG00000039960	172	0.06	0.22	0.09	0.11	0.14	0.18
chr8	18845955	18846995	Agpat5	ENSMUSG00000031467	198	0.06	0.13	0.11	0.2	0.1	0.18
chr8	34752182	34752584	Ubxn8	ENSMUSG00000052906	65	0.29	0.18	0.1	0.22	0.11	0.19
chr8	94323584	94325498	D230002A01Rik	ENSMUSG00000046413	227	0.15	0.15	0.12	0.2	0.11	0.14
chr8	107849934	107850574	Lrrc29	ENSMUSG00000041679	-76	0.08	0.16	0.11	0.25	0.2	0.15
chr8	41719917	41720282	Mtmr7	ENSMUSG00000039431	14	0.05	0.07	0.08	0.09	0.14	0.12
chr8	86090531	86091027	Ndufb7	ENSMUSG00000033938	209	0.22	0.12	0.11	0.16	0.12	0.15
chr8	123059670	123062161	Gse1	ENSMUSG00000031822	1158	0.08	0.11	0.1	0.14	0.11	0.11

chr8	86238888	86239706	Ddx39	ENSMUSG00000005481	221	0.07	0.21	0.12	0.15	0.13	0.2
chr8	26830444	26830966	Ppapdc1b	ENSMUSG000000031570	172	0.32	0.1	0.14	0.13	0.13	0.2
chr8	73362905	73363575	Arrdc2	ENSMUSG00000002910	193	0.05	0.08	0.1	0.23	0.15	0.09
chr8	113443786	113444196	St3gal2	ENSMUSG000000031749	169	0.57	0.79	0.09	0.37	0.19	0.22
chr8	107165340	107165958	Fam96b	ENSMUSG000000031879	-50	0.24	0.07	0.15	0.12	0.11	0.2
chr8	11497356	11497908	Carkd	ENSMUSG000000031505	30	0.13	0.24	0.1	0.23	0.22	0.15
chr8	47825789	47826855	Irf2	ENSMUSG000000031627	1223	0.1	0.13	0.1	0.14	0.15	0.11
chr8	93837104	93837686	Rpgrip1l	ENSMUSG000000033282	-274	1	1	0.16	0.44	0.53	0.27
chr8	119467352	119467947	Atmin	ENSMUSG000000047388	356	0.08	0.11	0.1	0.07	0.17	0.14
chr8	124253726	124254897	Jph3	ENSMUSG000000025318	-152	0.08	0.08	0.1	0.13	0.11	0.13
chr8	9770334	9770674	Fam155a	ENSMUSG000000079157	514	0.17	0.05	0.12	0.18	0.07	0.07
chr8	9771396	9771971	Fam155a	ENSMUSG000000079157	-665	0.19	0.14	0.12	0.16	0.09	0.12
chr8	73796186	73797027	Haus8	ENSMUSG000000035439	-349	0.06	0.14	0.15	0.09	0.12	0.14
chr8	85966088	85966649	Scoc	ENSMUSG000000063253	179	0.11	0.14	0.17	0.21	0.24	0.15
chr8	114535257	114536114	Terf2ip	ENSMUSG000000033430	426	0.1	0.25	0.13	0.11	0.16	0.17
chr8	116963451	116963994	Wwox	ENSMUSG000000004637	167	0.07	0.09	0.12	0.15	0.16	0.2
chr8	126755076	126756386	Galnt2	ENSMUSG000000089704	440	0.09	0.13	0.09	0.12	0.12	0.12
chr8	42324913	42325736	Pcm1	ENSMUSG000000031592	211	0.23	0.5	0.15	0.17	0.55	0.19
chr8	112692025	112692228	Calb2	ENSMUSG000000003657	-20	0.56	0.34	0.1	0.16	0.22	0.29
chr8	11312171	11313231	Col4a2	ENSMUSG000000031503	-104	0.27	0.14	0.12	0.16	0.18	0.23
chr8	74134833	74135450	Git25d1	ENSMUSG000000034807	218	0.89	0.37	0.24	0.26	0.43	0.27
chr8	75071379	75072963	Med26	ENSMUSG000000045248	38	0.15	0.15	0.12	0.17	0.09	0.19
chr8	86222430	86223238	Pkn1	ENSMUSG000000057672	162	0.14	0.2	0.11	0.15	0.07	0.11
chr8	46443794	46444053	Fam149a	ENSMUSG000000070044	193	0.16	0.07	0.09	0.13	0.05	0.12
chr8	109571939	109572702	Pdf	ENSMUSG000000078931	194	0.12	0.25	0.13	0.13	0.18	0.16
chr8	109580091	109581233	Cog8	ENSMUSG000000031916	-264	0.08	0.18	0.1	0.19	0.12	0.16
chr8	72806984	72807413	Homer3	ENSMUSG000000003573	265	0.12	0.11	0.12	0.14	0.25	0.1
chr8	129587458	129588948	Pard3	ENSMUSG000000025812	410	0.06	0.08	0.1	0.13	0.08	0.12
chr8	69010123	69010546	1810029B16Rik	ENSMUSG000000025591	62	0.22	0.23	0.16	0.17	0.11	0.16
chr8	73904191	73906382	Nr2f6	ENSMUSG000000002393	-478	0.11	0.21	0.11	0.14	0.14	0.15

chr8	87140975	87141228	Gm16183	ENSMUSG00000086067	-18	0.08	0.09	0.23	0.27	0.18	0.3
chr8	37795684	37796027	Dlc1	ENSMUSG00000031523	253	0.05	0.09	0.13	0.13	0.11	0.13
chr8	72412880	72413436	Yjfn3	ENSMUSG00000048967	-1074	0.06	0.16	0.1	0.09	0.09	0.14
chr8	28284560	28285250	Rab11fip1	ENSMUSG00000031488	198	0.05	0.13	0.11	0.11	0.1	0.1
chr8	124474274	124475134	Banp	ENSMUSG00000025316	312	0.08	0.14	0.08	0.11	0.12	0.15
chr8	13159101	13159386	Lamp1	ENSMUSG00000031447	108	0.19	0.16	0.2	0.23	0.3	0.17
chr8	41371736	41371958	Fgf20	ENSMUSG00000031603	460	0.03	0.1	0.12	0.1	0.09	0.13
chr8	128193665	128194221	4933403G14Rik	ENSMUSG00000050930	225	0.09	0.15	0.12	0.23	0.13	0.19
chr8	73987006	73987672	Abhd8	ENSMUSG00000007950	217	0.05	0.13	0.1	0.09	0.09	0.13
chr8	125641216	125641526	Cpne7	ENSMUSG00000034796	97	0.07	0.13	0.07	0.17	0.12	0.13
chr8	47248684	47249438	4933411K20Rik	ENSMUSG00000031631	56	0.14	0.11	0.11	0.14	0.09	0.13
chr8	80960174	80960379	Pou4f2	ENSMUSG00000031688	268	0.1	1	0.17	0.21	0.37	0.21
chr8	107821451	107821881	E2f4	ENSMUSG00000014859	103	0.12	0.17	0.09	0.11	0.18	0.14
chr8	47702418	47703225	Ccdc111	ENSMUSG00000038225	-267	0.14	0.14	0.11	0.22	0.24	0.12
chr8	12671772	12672592	Tubgcp3	ENSMUSG00000000759	-223	0.08	0.11	0.13	0.14	0.18	0.13
chr8	77617415	77617678	Hmox1	ENSMUSG00000005413	56	0.13	0.23	0.12	0.16	0.3	0.12
chr8	91045259	91045689	Nkd1	ENSMUSG00000031661	231	0.08	0.13	0.08	0.14	0.15	0.15
chr8	127386670	127387455	2810004N23Rik	ENSMUSG00000031984	-133	0.16	NA	0.11	0.09	0.09	0.09
chr8	55614850	55615461	Spes3	ENSMUSG00000054408	196	0.04	0.06	0.09	0.12	0.1	0.09
chr8	71612430	71612848	Atp6v1b2	ENSMUSG00000006273	94	0.35	0.41	0.16	0.31	0.22	0.16
chr8	110111838	110112429	Psmc7	ENSMUSG00000039067	249	0.06	0.07	0.18	0.12	0.1	0.21
chr8	124805152	124805409	Zfpn1	ENSMUSG00000049577	-761	0.18	0.08	0.27	0.44	0.05	0.11
chr8	126544680	126545561	Taf5l	ENSMUSG00000038697	-212	0.09	0.15	0.13	0.16	0.05	0.16
chr8	67373217	67374252	Klhl2	ENSMUSG00000031605	-18	0.13	0.07	0.12	0.09	0.19	0.17
chr8	12385051	12386496	Gm5607	ENSMUSG00000047935	2	0.12	0.12	0.13	0.17	0.18	0.17
chr8	13785316	13786400	Upf3a	ENSMUSG00000038398	243	0.07	0.08	0.1	0.14	0.12	0.17
chr8	27229266	27230359	Hook3	ENSMUSG00000037234	-116	0.14	0.14	0.1	0.14	0.11	0.17
chr8	125074633	125075614	Fam38a	ENSMUSG00000014444	106	0.11	0.13	0.1	0.17	0.15	0.12
chr8	8659823	8661897	Efnb2	ENSMUSG00000001300	-87	0.07	0.11	0.09	0.12	0.1	0.12
chr8	83262319	83263869	Smarca5	ENSMUSG00000031715	230	0.18	0.11	0.18	0.4	0.26	0.24

chr8	48759003	48761295	Ing2	ENSMUSG00000063049	-1106	0.1	0.11	0.1	0.15	0.14	0.14
chr8	129494667	129495128	Rbm34	ENSMUSG00000033931	73	0.09	0.72	0.06	0.08	0.25	0.08
chr8	13907675	13908105	Fbxo25	ENSMUSG00000038365	87	0.17	0.1	0.09	0.09	0.09	0.09
chr8	96535545	96536846	Amfr	ENSMUSG00000031751	-168	0.06	0.13	0.09	0.14	0.08	0.14
chr8	61391278	61391800	BC030500	ENSMUSG00000049946	485	0.42	0.11	0.25	0.34	0.2	0.25
chr8	87396070	87396795	Syce2	ENSMUSG00000003824	340	0.12	0.1	0.17	0.27	0.18	0.23
chr8	24318290	24319228	Agpat6	ENSMUSG000000031545	74	0.08	0.11	0.08	0.12	0.1	0.13
chr8	91569106	91569488	Sall1	ENSMUSG000000031665	-1236	0.89	0.91	0.13	0.28	0.73	0.11
chr8	107871450	107872065	Fhod1	ENSMUSG000000014778	52	0.18	0.14	0.11	0.21	0.08	0.22
chr8	13676991	13677921	Rasa3	ENSMUSG000000031453	-5	0.08	0.18	0.14	0.13	0.12	0.28
chr8	112089315	112089890	Dhx38	ENSMUSG000000037993	-101	0.14	0.11	0.11	0.2	0.3	0.16
chr8	119502561	119503049	1700030J22Rik	ENSMUSG000000031847	38	0.06	0.24	0.09	0.13	0.15	0.15
chr8	125299276	125299777	Acsf3	ENSMUSG000000015016	121	0.31	0.15	0.15	0.18	0.15	0.19
chr8	41947476	41948187	Slc7a2	ENSMUSG000000031596	81	0.35	0.18	0.31	0.2	0.22	0.17
chr8	46108595	46109561	Gm2366	ENSMUSG000000091546	-1339	0.96	0.99	0.98	0.96	1	0.99
chr8	127186704	127187530	2310022B05Rik	ENSMUSG000000031983	152	0.11	0.22	0.1	0.12	0.15	0.19
chr8	23295979	23296437	Ckap2	ENSMUSG000000037725	83	0.06	0.16	0.09	0.11	0.09	0.11
chr8	122516070	122516339	Crispld2	ENSMUSG000000031825	-134	0.15	0.06	0.26	0.21	0.67	0.18
chr8	35209467	35210070	Leprotl1	ENSMUSG000000031513	319	0.1	0.1	0.08	0.11	0.08	0.1
chr8	73118246	73119420	Isyna1	ENSMUSG000000019139	453	0.16	0.16	0.1	0.16	0.29	0.13
chr8	86773240	86773730	D8ErtD738e	ENSMUSG000000019362	175	0.06	0.21	0.22	0.39	0.13	0.25
chr8	107154490	107154865	Rrad	ENSMUSG000000031880	544	0.15	0.42	0.14	0.28	0.37	0.24
chr8	83403274	83404226	Gab1	ENSMUSG000000031714	628	0.09	0.22	0.15	0.23	0.15	0.16
chr8	86938161	86939589	Cacna1a	ENSMUSG000000034656	-388	0.11	0.22	0.1	0.14	0.08	0.17
chr8	108659815	108661036	Esrp2	ENSMUSG000000084128	160	0.34	0.33	0.15	0.21	0.24	0.21
chr8	60130540	60132178	Gaint7	ENSMUSG000000031608	441	0.1	0.11	0.1	0.15	0.15	0.14
chr8	119256195	119256522	Cdyl2	ENSMUSG000000031758	533	0.26	0.43	0.1	0.19	0.48	0.18
chr8	128822323	128822949	Slc35f3	ENSMUSG000000057060	178	0.08	0.05	0.09	0.17	0.12	0.12
chr8	48618678	48619412	D030016E14Rik	ENSMUSG000000038102	-224	0.07	0.14	0.08	0.19	0.14	0.11
chr8	77557434	77558243	Tom1	ENSMUSG000000042870	253	0.06	0.06	0.08	0.1	0.11	0.13

chr8	120022096	120022781	Plcg2	ENSMUSG00000034330	247	0.1	0.14	0.1	0.16	0.13	0.14
chr8	13869646	13870141	Zfp828	ENSMUSG00000047710	189	0.46	0.38	0.17	0.28	0.31	0.18
chr8	23303214	23303716	Vps36	ENSMUSG00000031479	184	0.08	0.16	0.08	0.11	0.12	0.21
chr8	33118905	33120253	Gm17443	ENSMUSG00000091819	603	0.1	0.1	0.1	0.15	0.12	0.14
chr8	97605255	97605477	Katnb1	ENSMUSG00000031787	265	0.21	0.12	0.12	0.27	0.13	0.17
chr8	105308778	105308994	Cdh11	ENSMUSG00000031673	125	0.19	0.2	0.08	0.12	0.09	0.12
chr8	113861778	113862011	Mkl1	ENSMUSG00000012519	183	0.03	0.04	0.11	0.09	0.07	0.19
chr8	123259900	123260385	Irf8	ENSMUSG00000041515	-116	0.23	0.67	0.11	0.11	0.39	0.12
chr8	125626119	125626797	Rpl13	ENSMUSG00000000740	208	0.1	0.23	0.1	0.15	0.17	0.13
chr8	3621239	3621646	Xab2	ENSMUSG00000019470	-172	0.14	0.22	0.14	0.31	0.35	0.2
chr8	26711949	26713178	Whsc111	ENSMUSG00000054823	490	0.08	0.16	0.12	0.14	0.1	0.14
chr8	87295879	87296231	Nfix	ENSMUSG00000001911	1240	0.11	0.32	0.15	0.17	0.38	0.22
chr8	114464494	114465195	Gabarapl2	ENSMUSG00000031950	241	0.4	0.22	0.14	0.22	0.28	0.21
chr8	118229638	118231425	Maf	ENSMUSG00000055435	465	0.07	0.11	0.08	0.13	0.09	0.13
chr8	127245539	127246307	Ttc13	ENSMUSG00000037300	-59	0.07	0.08	0.14	0.17	0.1	0.18
chr8	23508625	23509208	Slc25a15	ENSMUSG00000031482	177	0.06	0.1	0.09	0.09	0.1	0.12
chr8	34495933	34496745	Wrn	ENSMUSG00000031583	-340	0.08	0.23	0.08	0.17	0.16	0.11
chr8	47236990	47237259	Snx25	ENSMUSG00000038291	-65	0.04	0.06	0.06	0.06	0.06	0.1
chr8	107872646	107873572	Slc9a5	ENSMUSG00000014786	951	0.14	0.06	0.17	0.16	0.1	0.15
chr8	130883276	130883702	Mir1903	ENSMUSG00000084523	348	0.14	0.62	0.14	0.2	0.25	0.28
chr8	23586867	23587703	Slc20a2	ENSMUSG00000037656	113	0.07	0.07	0.09	0.13	0.09	0.1
chr8	87162566	87162769	Cacna1a	ENSMUSG00000034656	-223	1	0.33	0.34	0.34	0.62	0.38
chr8	11555149	11558650	Ing1	ENSMUSG00000045969	833	0.12	0.12	0.11	0.13	0.1	0.15
chr8	23763513	23763977	Polb	ENSMUSG00000031536	164	0.17	0.11	0.14	0.11	0.23	0.21
chr8	24521839	24522964	Sfrp1	ENSMUSG00000031548	427	0.06	0.08	0.07	0.11	0.08	0.11
chr8	36028096	36028842	Gm9939	ENSMUSG00000054247	363	0.1	0.16	0.13	0.15	0.13	0.16
chr8	46129636	46129869	Fat1	ENSMUSG00000070047	234	0.96	0.96	0.96	1	0.99	0.94
chr8	96334560	96335416	Gnao1	ENSMUSG00000031748	250	0.23	0.17	0.1	0.16	0.14	0.13
chr8	13889868	13890396	2410022L05Rik	ENSMUSG00000031458	139	0.07	0.2	0.1	0.18	0.13	0.12
chr8	73895166	73895812	Ocel1	ENSMUSG00000002396	292	0.08	0.1	0.1	0.16	0.1	0.14

chr8	114434000	114434233	Chst5	ENSMUSG000000031952	-17	0.16	0.4	0.11	0.15	0.28	0.13
chr8	14095589	14097363	Dlgap2	ENSMUSG000000047495	611	0.15	0.19	0.13	0.2	0.18	0.15
chr8	59965736	59966807	Sap30	ENSMUSG000000031609	386	0.11	0.09	0.1	0.15	0.07	0.13
chr8	72608072	72609019	HaplIn4	ENSMUSG000000007594	1117	0.32	0.1	0.13	0.07	0.17	0.17
chr8	74066623	74067186	Fam125a	ENSMUSG000000031813	75	0.09	0.08	0.1	0.09	0.04	0.14
chr8	75015928	75016949	Slc35e1	ENSMUSG000000019731	-322	0.08	0.11	0.1	0.14	0.11	0.12
chr8	87583932	87584414	Fbxw9	ENSMUSG000000008167	219	0.28	0.73	0.15	0.2	0.55	0.17
chr8	108734378	108735420	Slc7a6os	ENSMUSG000000033106	-66	0.09	0.12	0.14	0.14	0.16	0.11
chr8	114267375	114267873	Bcar1	ENSMUSG000000031955	124	0.08	0.14	0.1	0.09	0.11	0.14
chr8	128258027	128258413	Ntpr	ENSMUSG000000031851	117	0.23	0.21	0.14	0.19	0.13	0.17
chr8	34763905	34764388	Gsr	ENSMUSG000000031584	84	0.14	0.19	0.11	0.22	0.09	0.21
chr8	73899634	73900171	Nr2f6	ENSMUSG000000002393	-213	0.13	0.16	0.1	0.15	0.1	0.16
chr8	80958694	80959759	Pou4f2	ENSMUSG000000031688	1318	0.06	0.08	0.09	0.19	0.11	0.12
chr8	89408498	89409309	N4bp1	ENSMUSG000000031652	254	0.08	0.09	0.1	0.15	0.13	0.13
chr8	90467617	90467981	Zfp423	ENSMUSG000000045333	152	0.08	0.22	0.2	0.25	0.12	0.18
chr8	125777714	125778855	1300018117Rik	ENSMUSG000000001062	-334	0.08	0.12	0.1	0.16	0.1	0.14
chr8	4677317	4678591	Gm7461	ENSMUSG000000048484	411	0.1	0.12	0.11	0.21	0.14	0.17
chr8	72826234	72826862	Ddx49	ENSMUSG000000057788	-215	0.15	0.14	0.13	0.19	0.22	0.21
chr8	74842621	74844057	Klf2	ENSMUSG000000055148	407	0.06	0.08	0.07	0.13	0.07	0.11
chr8	114255636	114256225	Bcar1	ENSMUSG000000031955	106	0.1	0.11	0.09	0.15	0.07	0.14
chr8	121970498	121971343	Necab2	ENSMUSG000000031837	301	0.09	0.13	0.12	0.14	0.12	0.13
chr8	3676348	3676723	Trappc5	ENSMUSG000000040236	236	0.08	0.23	0.17	0.16	0.16	0.16
chr8	37311133	37312390	Lonrf1	ENSMUSG000000039633	809	0.09	0.14	0.1	0.15	0.11	0.13
chr8	87187897	87188283	Gm2529	ENSMUSG000000073822	-937	0.21	0.06	0.14	0.18	0.15	0.14
chr8	113142419	113142979	Vac14	ENSMUSG000000010936	196	0.1	0.08	0.11	0.13	0.16	0.14
chr8	12395517	12397679	AC102525.1	ENSMUSG000000092656	195	0.09	0.15	0.12	0.21	0.11	0.15
chr8	37157648	37158296	D8ErtD82e	ENSMUSG000000050271	90	0.19	0.15	0.08	0.15	0.3	0.09
chr8	73024788	73025172	Crff1	ENSMUSG000000007888	-52	0.08	0.3	0.12	0.2	0.13	0.16
chr8	96738405	96738914	Nup93	ENSMUSG000000032939	162	0.31	0.1	0.14	0.3	0.17	0.19
chr8	123606584	123609136	1110050K14Rik	ENSMUSG000000087156	-928	0.18	0.2	0.12	0.2	0.13	0.14

chr8	127275148	127275945	Fam89a	ENSMUSG00000043068	163	0.18	0.12	0.11	0.27	0.12	0.15
chr8	73929802	73930320	Ankle1	ENSMUSG00000046295	152	0.09	0.17	0.11	0.15	0.06	0.13
chr8	86671666	86672014	Cc2d1a	ENSMUSG00000036686	-76	0.05	0.05	0.08	0.13	0.15	0.18
chr8	87604201	87604503	Wdr83	ENSMUSG00000005150	179	0.13	0.54	0.18	0.32	0.5	0.26
chr8	14090178	14090440	Erich1	ENSMUSG000000051978	-8	0.07	0.05	0.08	0.08	0.04	0.14
chr8	28133924	28134549	Erlin2	ENSMUSG000000031483	-95	0.5	0.33	0.21	0.39	0.17	0.19
chr8	48373187	48374877	Stox2	ENSMUSG000000038143	724	0.13	0.17	0.12	0.18	0.1	0.13
chr8	108502958	108503449	Dpep3	ENSMUSG000000031898	116	0.94	0.94	0.91	0.87	0.98	0.97
chr8	113551545	113551797	Ddx19b	ENSMUSG000000033658	-7	0.04	0.04	0.11	0.17	0.13	0.07
chr8	122364083	122364579	Cott1	ENSMUSG000000031827	91	0.08	0.15	0.11	0.2	0.2	0.07
chr8	124175271	124177186	Zcchc14	ENSMUSG000000061410	-395	0.1	0.11	0.1	0.14	0.12	0.11
chr8	128519000	128519826	Kcnk1	ENSMUSG000000033998	411	0.11	0.23	0.11	0.15	0.18	0.15
chr8	3492967	3493611	Zfp358	ENSMUSG000000047264	151	0.11	0.2	0.12	0.2	0.21	0.11
chr8	73017012	73018250	Crif1	ENSMUSG00000007888	574	0.1	0.06	0.08	0.11	0.08	0.09
chr8	97056538	97057530	Cpne2	ENSMUSG000000034361	144	0.06	0.11	0.07	0.14	0.09	0.09
chr8	112485625	112486189	Marveld3	ENSMUSG00000001672	46	0.09	0.17	0.19	0.28	0.13	0.18
chr8	55162574	55163319	Vegfc	ENSMUSG000000031520	60	0.1	0.07	0.14	0.16	0.08	0.14
chr8	80073232	80073458	Prmt10	ENSMUSG000000037134	49	0.1	0.26	0.1	0.16	0.06	0.16
chr8	97381327	97382005	Polr2c	ENSMUSG000000031783	316	0.11	0.11	0.11	0.18	0.16	0.21
chr8	73890718	73891376	Use1	ENSMUSG000000002395	300	0.25	0.22	0.2	0.45	0.14	0.24
chr8	93593892	93594406	Rbl2	ENSMUSG000000031666	193	0.5	NA	0.14	0.29	0.11	0.18
chr8	108692591	108693068	Slc7a6	ENSMUSG000000031904	54	0.06	0.08	0.07	0.11	0.07	0.1
chr8	119445024	119445936	2310061C15Rik	ENSMUSG000000014633	-215	0.11	0.26	0.13	0.17	0.16	0.12
chr8	123191561	123192709	Cox4nb	ENSMUSG000000031819	-123	0.1	0.09	0.09	0.15	0.13	0.16
chr8	125935254	125935658	Tubb3	ENSMUSG000000062380	132	0.04	0.08	0.08	0.11	0.09	0.12
chr8	72566002	72567279	Mau2	ENSMUSG000000031858	-7	0.1	0.33	0.13	0.16	0.15	0.16
chr8	81553390	81554730	Zfp827	ENSMUSG000000071064	1574	0.09	0.18	0.1	0.17	0.12	0.15
chr8	87211164	87211853	Nacc1	ENSMUSG000000001910	253	0.09	0.22	0.1	0.14	0.13	0.19
chr8	87595567	87596035	Dhps	ENSMUSG000000060038	145	0.1	0.12	0.13	0.17	0.07	0.15
chr8	87822955	87824012	Vps35	ENSMUSG000000031696	-71	0.1	0.23	0.12	0.14	0.17	0.12

chr8	96560520	96561014	Nudt21	ENSMUSG00000031754	172	0.43	0.19	0.16	0.28	0.29	0.18
chr8	97855437	97856397	Zfp319	ENSMUSG00000046556	-67	0.11	0.17	0.11	0.18	0.1	0.17
chr8	98157369	98157789	Gins3	ENSMUSG00000031669	120	0.06	0.09	0.1	0.13	0.08	0.16
chr8	108129186	108129577	Fam65a	ENSMUSG00000038604	252	0.09	0.21	0.1	0.16	0.12	0.14
chr8	64069729	64070051	Pald	ENSMUSG00000058056	46	0.03	0.05	0.08	0.11	0.09	0.11
chr8	86479091	86480091	Gm10644	ENSMUSG00000074219	-487	0.13	0.12	0.12	0.22	0.11	0.14
chr8	86590035	86591366	Rfx1	ENSMUSG00000031706	-35	0.16	0.14	0.11	0.2	0.26	0.15
chr8	87432419	87433113	Dnase2a	ENSMUSG0000003812	307	0.1	0.28	0.08	0.13	0.05	0.16
chr8	4779289	4779590	Shcbp1	ENSMUSG00000022322	95	0.23	0.59	0.24	NA	0.36	0.33
chr8	87560677	87562208	Tnpo2	ENSMUSG00000031691	628	0.08	0.13	0.07	0.16	0.12	0.13
chr8	122082297	122082832	Mbtps1	ENSMUSG00000031835	71	0.05	0.06	0.06	0.13	0.07	0.09
chr8	67171403	67171966	Cpe	ENSMUSG00000037852	153	0.15	0.17	0.11	0.2	0.19	0.09
chr8	97219725	97220216	Plip	ENSMUSG00000031775	172	0.06	0.08	0.1	0.18	0.08	0.13
chr8	125589181	125589781	Spg7	ENSMUSG0000000738	300	0.08	0.08	0.1	0.15	0.11	0.14
chr8	3279068	3279608	Insr	ENSMUSG00000005534	213	0.11	0.08	0.11	0.11	0.06	0.13
chr8	12756830	12757610	Atp11a	ENSMUSG00000031441	206	0.05	0.06	0.08	0.11	0.06	0.09
chr8	74082147	74082872	Tmem221	ENSMUSG00000043664	261	0.14	0.19	0.12	0.27	0.21	0.13
chr8	98330517	98332038	4930513N10Rik	ENSMUSG00000074136	547	0.19	0.52	0.14	0.26	0.26	0.17
chr8	109948514	109949092	Nob1	ENSMUSG0000003848	83	0.25	0.14	0.1	0.15	0.2	0.2
chr8	35869649	35872814	Dusp4	ENSMUSG00000031530	880	0.09	0.13	0.11	0.16	0.11	0.17
chr8	87447661	87447929	Mast1	ENSMUSG00000053693	218	0.78	0.75	0.67	0.73	0.82	0.84
chr8	90885498	90886254	Brd7	ENSMUSG00000031660	37	0.11	0.08	0.12	0.15	0.15	0.15
chr8	13974145	13975143	2610019F03Rik	ENSMUSG00000050052	99	0.1	0.12	0.11	0.12	0.12	0.13
chr8	26126982	26128106	Adam9	ENSMUSG00000031555	-260	0.08	0.08	0.12	0.18	0.11	0.22
chr8	11550493	11550785	Cars2	ENSMUSG00000056228	105	0.04	0.04	0.15	0.11	0.08	0.1
chr8	18950724	18950999	Xkr5	ENSMUSG00000039814	10	0.06	0.57	0.04	0.6	0.21	0.18
chr8	27086843	27087269	Hgsnat	ENSMUSG00000037260	160	0.17	0.22	0.1	0.16	0.15	0.14
chr8	74763913	74764538	Ap1m1	ENSMUSG0000003033	308	0.09	0.37	0.16	0.18	0.13	0.1
chr8	86176449	86176755	Gipc1	ENSMUSG00000019433	25	0.15	0.07	0.13	0.11	0.06	0.18
chr8	72757917	72758730	Armc6	ENSMUSG0000002343	-298	0.05	0.07	0.11	0.17	0.08	0.16

chr8	74203474	74203871	Jak3	ENSMUSG00000031805	1438	0.19	0.09	0.11	0.08	0.25	0.12
chr8	108424195	108424783	Pskh1	ENSMUSG00000048310	148	0.27	0.22	0.13	0.14	0.16	0.15
chr8	113823405	113824377	Rfwd3	ENSMUSG00000033596	231	0.31	0.17	0.2	0.18	0.41	0.28
chr8	13757502	13757876	Cdc16	ENSMUSG00000038416	13	0.07	0.14	0.08	0.17	0.09	0.16
chr8	73429808	73430543	Mtap1s	ENSMUSG00000019261	302	0.13	0.17	0.09	0.15	0.16	0.16
chr8	87500070	87502810	Junb	ENSMUSG00000052837	1177	0.07	0.1	0.12	0.19	0.08	0.17
chr8	88078745	88079571	Dnaja2	ENSMUSG00000031701	12	0.09	0.14	0.09	0.1	0.08	0.14
chr8	95351354	95351647	Mmp2	ENSMUSG00000031740	273	0.11	0.22	0.06	0.11	0.09	0.12
chr8	107792012	107793896	Hsf4	ENSMUSG00000033249	-747	0.08	0.15	0.13	0.15	0.1	0.19
chr8	108042422	108043217	Hsd11b2	ENSMUSG00000031891	173	0.1	0.14	0.15	0.16	0.13	0.19
chr8	108384361	108385039	Nutf2	ENSMUSG00000008450	166	0.1	0.17	0.12	0.25	0.13	0.16
chr8	109960100	109960335	Wwp2	ENSMUSG00000031930	-81	0.17	0.25	0.08	0.21	0.12	0.1
chr8	23969368	23971049	Myst3	ENSMUSG00000031540	201	0.13	0.09	0.1	0.13	0.11	0.1
chr8	49640337	49641434	Odz3	ENSMUSG00000031561	162	0.1	0.08	0.1	0.13	0.08	0.14
chr8	73051526	73051967	Fkbp8	ENSMUSG00000019428	123	0.08	0.17	0.06	0.28	0.04	0.15
chr8	73320715	73321858	Mast3	ENSMUSG00000031833	-441	0.1	0.08	0.08	0.08	0.14	0.11
chr8	101939395	101940626	Cdh8	ENSMUSG00000036510	209	0.08	0.09	0.12	0.17	0.1	0.16
chr8	107788300	107788576	Tradd	ENSMUSG00000031887	43	0.07	0.06	0.08	0.17	0.1	0.12
chr8	9977664	9978197	Lig4	ENSMUSG00000049717	-244	0.08	0.18	0.08	0.11	0.13	0.16
chr8	26950796	26951293	Ash2l	ENSMUSG00000031575	-115	0.09	0.09	0.1	0.12	0.11	0.12
chr8	73278802	73279160	Rab3a	ENSMUSG00000031840	358	0.23	0.07	0.14	0.26	0.16	0.15
chr8	74093473	74093863	Slc27a1	ENSMUSG00000031808	842	0.05	0.32	0.14	0.24	0.08	0.2
chr8	86780783	86781267	Mri1	ENSMUSG00000004996	121	0.04	0.06	0.08	0.14	0.06	0.07
chr8	89996078	89997586	Cbln1	ENSMUSG00000031654	-547	0.12	0.15	0.11	0.16	0.15	0.16
chr8	108404734	108405179	Ecd4	ENSMUSG00000036270	175	0.08	0.05	0.09	0.14	0.11	0.15
chr8	71923288	71923667	RNaseP_nuc	ENSMUSG000000088329	-147	0.1	0.08	0.15	0.17	0.08	0.1
chr8	118231935	118232173	Maf	ENSMUSG00000055435	-360	0.06	0.11	0.1	0.25	0.14	0.18
chr8	67471050	67471688	Tmem192	ENSMUSG00000025521	285	0.12	0.16	0.1	0.11	0.09	0.11
chr8	74194936	74195742	Unc13a	ENSMUSG00000034799	207	0.11	0.11	0.21	0.11	0.08	0.16
chr8	87213518	87213891	Trmt1	ENSMUSG00000001909	173	0.34	0.33	0.13	0.21	0.3	0.19

chr8	131209220	131210290	Itgb1	ENSMUSG00000025809	201	0.11	0.13	0.09	0.15	0.09	0.09
chr8	64238543	64238891	Palld	ENSMUSG00000058056	169	0.13	0.2	0.26	0.18	0.1	0.13
chr8	24084904	24086179	Ank1	ENSMUSG00000031543	225	0.14	0.14	0.1	0.17	0.15	0.15
chr8	59029517	59030229	BC088983	ENSMUSG00000038215	-277	0.29	0.21	0.08	0.06	0.18	0.1
chr8	88016429	88017115	Gpt2	ENSMUSG00000031700	297	0.11	0.12	0.07	0.08	0.17	0.18
chr8	125966853	125967217	Def8	ENSMUSG00000001482	149	0.14	0.11	0.07	0.2	0.2	0.12
chr8	11187794	11188298	Gm15418	ENSMUSG00000085573	291	0.04	0.05	0.07	0.09	0.06	0.09
chr8	82581793	82582191	Hhip	ENSMUSG00000064325	-87	0.1	0.07	0.1	0.21	0.07	0.14
chr8	87504149	87504389	Junb	ENSMUSG00000052837	-1652	0.13	0.22	0.27	0.11	0.2	0.25
chr8	41596450	41597673	Cnot7	ENSMUSG00000031601	-403	0.09	0.11	0.09	0.13	0.11	0.09
chr8	47296188	47296466	Slc25a4	ENSMUSG00000031633	57	0.12	0.13	0.12	0.23	0.07	0.15
chr8	72963215	72963727	Crtc1	ENSMUSG00000003575	3	0.15	0.05	0.08	0.16	0.12	0.11
chr8	123157611	123158531	1190005I06Rik	ENSMUSG00000043687	192	0.14	0.15	0.11	0.13	0.12	0.13
chr8	75876484	75877810	Large	ENSMUSG00000004383	-629	0.08	0.08	0.13	0.13	0.07	0.14
chr8	93352585	93352881	Chd9	ENSMUSG00000056608	-1	0.07	0.83	0.1	0.28	0.2	0.18
chr8	93657332	93658121	Aktip	ENSMUSG00000031667	115	0.18	0.39	0.14	0.2	0.14	0.18
chr8	96622043	96622549	Bbs2	ENSMUSG00000031755	415	0.1	0.25	0.17	0.14	0.19	0.13
chr8	15011029	15012015	Kbtbd11	ENSMUSG00000055675	497	0.09	0.09	0.07	0.12	0.14	0.11
chr8	72332522	72332736	Gmip	ENSMUSG00000036246	51	0.08	0.18	0.12	0.16	0.14	0.15
chr8	72655201	72655442	Nr2c2ap	ENSMUSG00000071078	89	0.05	0.07	0.08	0.18	0.06	0.18
chr8	72853938	72854175	Gdf1	ENSMUSG00000055694	392	0.38	0.35	0.4	0.59	0.32	0.5
chr8	109459315	109460640	Sntb2	ENSMUSG00000041308	327	0.16	0.13	0.16	0.38	0.13	0.25
chr8	72898372	72899284	Comp	ENSMUSG00000031849	1371	0.13	0.1	0.11	0.1	0.1	0.13
chr8	26213320	26213641	Plekha2	ENSMUSG00000031557	-814	0.5	0.71	0.49	0.51	0.25	0.31
chr8	89269224	89270275	Gm10638	ENSMUSG00000074178	151	0.08	0.14	0.08	0.1	0.07	0.09
chr8	26864250	26865025	Ddhd2	ENSMUSG00000061313	115	0.09	0.08	0.09	0.14	0.11	0.13
chr8	73011069	73011406	Tmem59l	ENSMUSG00000035964	20	0.33	0.42	0.21	0.26	0.5	0.28
chr8	97844400	97844657	Tepp	ENSMUSG00000090206	132	0.15	0.11	0.13	0.18	0.1	0.11
chr8	98239699	98240312	Setd6	ENSMUSG00000031671	190	0.15	0.25	0.14	0.22	0.17	0.12
chr8	109554870	109555835	Gm16208	ENSMUSG00000085464	-264	0.08	0.1	0.11	0.13	0.1	0.17

chr8	41392966	41393803	Efha2	ENSMUSG00000039478	-21	0.2	0.11	0.07	0.11	0.07	0.11
chr8	59800178	59801229	Hand2	ENSMUSG00000038193	923	0.1	0.05	0.16	0.19	0.09	0.17
chr8	97361922	97362578	Ciapi1	ENSMUSG00000031781	-308	0.29	0.2	0.09	0.24	0.26	0.13
chr8	113917355	113917888	Fa2h	ENSMUSG00000033579	97	0.06	0.07	0.08	0.09	0.08	0.1
chr8	86191949	86192677	Ptger1	ENSMUSG00000019464	1551	0.41	0.42	0.33	0.17	0.27	0.1
chr8	97190488	97191159	Arl2bp	ENSMUSG00000031776	273	0.07	0.1	0.13	0.15	0.09	0.11
chr8	87163233	87163843	Cacna1a	ENSMUSG00000034656	648	0.23	0.29	0.13	0.3	0.11	0.3
chr8	108231464	108232045	E130303B06Rik	ENSMUSG00000013155	79	0.29	0.07	0.17	NA	0.11	NA
chr8	79423172	79424651	Nr3c2	ENSMUSG00000031618	570	0.08	0.09	0.11	0.14	0.1	0.15
chr8	126382892	126383890	1700054N08Rik	ENSMUSG00000031971	39	0.06	0.1	0.11	0.14	0.08	0.11
chr8	73131956	73132323	Ssbp4	ENSMUSG00000070003	74	0.18	0.13	0.08	0.23	0.12	0.15
chr8	90661724	90662410	Heatr3	ENSMUSG00000031657	313	0.11	0.28	0.13	0.21	0.09	0.17
chr8	19535156	19535754	Gm16425	ENSMUSG00000083218	-449	0.13	0.12	0.18	0.29	0.1	0.14
chr8	23816811	23817156	Ikbbk	ENSMUSG00000031537	14	0.07	0.09	0.09	0.11	0.09	0.09
chr8	23918337	23918850	1700041G16Rik	ENSMUSG00000054822	-154	0.08	0.13	0.16	0.13	0.1	0.12
chr8	86566208	86566552	Il27ra	ENSMUSG00000005465	94	0.06	0.1	0.08	0.08	0.09	0.16
chr8	107033159	107033846	Ccdc79	ENSMUSG00000052616	280	0.11	0.21	0.1	0.2	0.07	0.18
chr8	120807468	120808485	Cdh13	ENSMUSG00000031841	343	0.13	0.17	0.15	0.12	0.11	0.17
chr8	125842247	125842518	Fanca	ENSMUSG00000032815	78	0.57	1	0.18	0.43	0.33	0.18
chr8	9976120	9976554	Lig4	ENSMUSG00000049717	-14	0.07	0.17	0.13	0.19	0.1	0.17
chr8	42218802	42219476	Mtus1	ENSMUSG00000045636	-67	0.09	0.1	0.1	0.14	0.1	0.12
chr8	109619851	109620497	Terf2	ENSMUSG00000031921	-84	0.22	0.13	0.1	0.22	0.18	0.12
chr8	122128920	122129189	Taf1c	ENSMUSG00000031832	68	0.13	0.07	0.09	0.21	0.11	0.13
chr8	71258649	71259154	Csgalnact1	ENSMUSG00000036356	100	0.21	0.13	0.12	0.2	0.16	0.13
chr8	77633207	77633810	Mcm5	ENSMUSG00000005410	81	0.17	0.12	0.13	0.15	0.23	0.13
chr8	97958308	97958987	Gil3	ENSMUSG00000031796	122	0.13	0.15	0.1	0.14	0.16	0.15
chr8	106772301	106772525	Tk2	ENSMUSG00000035824	45	0.06	0.08	0.11	0.17	0.08	0.19
chr8	108089411	108090820	Atp6v0d1	ENSMUSG00000013160	-168	0.13	0.17	0.12	0.18	0.14	0.14
chr8	123112774	123113437	Gins2	ENSMUSG00000031821	-225	1	0.5	0.09	0.22	0.25	0.16
chr8	73183337	73183753	Pgpep1	ENSMUSG00000056204	35	0.05	0.07	0.08	0.12	0.06	0.13

chr8	74446517	74447101	Zfp617	ENSMUSG00000066880	58	0.1	0.16	0.09	0.22	0.13	0.14
chr8	95484306	95485313	Slc6a2	ENSMUSG00000055368	-137	0.05	0.09	0.09	0.12	0.06	0.13
chr8	119681520	119682549	Gan	ENSMUSG00000052557	-1	0.12	0.23	0.15	0.18	0.15	0.19
chr8	123062582	123062822	Gse1	ENSMUSG00000031822	1373	0.06	0.1	0.09	0.12	0.08	0.09
chr8	42502095	42502543	Frg1	ENSMUSG00000031590	153	0.16	0.14	0.1	0.16	0.13	0.18
chr8	92871607	92872104	Tox3	ENSMUSG00000043668	170	0.15	0.14	0.08	0.09	0.18	0.08
chr8	119516959	119517525	Gcsh	ENSMUSG00000034424	195	0.26	0.3	0.13	0.18	0.27	0.16
chr8	35217452	35217915	Tmem66	ENSMUSG00000031532	66	0.04	0.11	0.09	0.17	0.07	0.18
chr8	41508769	41509654	Zdhc2	ENSMUSG00000039470	42	0.14	0.21	0.09	0.15	0.12	0.11
chr8	87550723	87551284	2310036O22Rik	ENSMUSG00000041203	271	0.25	0.23	0.09	0.22	0.27	0.16
chr8	124102350	124103029	Fbxo31	ENSMUSG00000031811	17	0.05	0.05	0.11	0.13	0.06	0.1
chr8	126329884	126330191	Rab4a	ENSMUSG00000019478	152	0.03	0.06	0.1	0.16	0.05	0.22
chr8	26629220	26629950	Fgfr1	ENSMUSG00000031565	321	0.12	0.2	0.12	0.18	0.13	0.18
chr8	73267911	73268490	Pde4c	ENSMUSG00000031842	1222	0.37	0.33	0.12	0.21	0.27	0.11
chr8	74011680	74011889	Gtpbp3	ENSMUSG00000007610	-218	0.25	0.11	0.14	0.12	0.31	0.08
chr8	83866329	83866577	Inpp4b	ENSMUSG00000037940	-2	1	0.17	0.1	0.09	0.28	0.08
chr8	124114137	124114809	Map1lc3b	ENSMUSG00000031812	105	0.17	0.15	0.11	0.14	0.15	0.16
chr8	69211821	69212070	Npy5r	ENSMUSG00000044014	48	0.11	0.12	0.13	0.17	0.04	0.25
chr8	87356043	87356617	Dand5	ENSMUSG00000053226	-190	0.28	0.07	0.07	0.16	0.18	0.13
chr8	107748967	107749317	D230025D16Rik	ENSMUSG00000031889	97	0.04	0.11	0.08	0.09	0.06	0.12
chr8	23703799	23704589	Vdac3	ENSMUSG00000008892	36	0.08	0.09	0.08	0.13	0.09	0.15
chr8	46418519	46418801	Cyp4v3	ENSMUSG000000079057	-90	0.08	0.09	0.13	0.24	0.16	0.29
chr8	73000508	73000964	Kihl26	ENSMUSG00000055707	106	0.06	0.15	0.11	0.13	0.08	0.15
chr8	75095808	75096078	Tmem38a	ENSMUSG00000031791	-59	0.2	0.19	0.16	0.16	0.41	NA
chr8	86535032	86536655	2210011C24Rik	ENSMUSG00000074217	-502	0.09	0.14	0.12	0.13	0.1	0.16
chr8	87426572	87427522	Klf1	ENSMUSG00000054191	1220	0.13	0.12	0.13	0.18	0.15	0.19
chr8	96910078	96910663	Herpud1	ENSMUSG00000031770	32	0.04	0.06	0.1	0.11	0.08	0.18
chr8	3500174	3500966	Mcoln1	ENSMUSG00000004567	113	0.1	0.2	0.12	0.15	0.14	0.15
chr8	87469629	87469960	Rtbdn	ENSMUSG00000048617	-1096	0.17	0.15	0.12	0.11	0.2	0.18
chr8	108489542	108490033	Slc12a4	ENSMUSG00000017765	157	0.05	0.08	0.09	0.12	0.07	0.11

chr8	109416908	109417810	Chtf8	ENSMUSG00000046691	-244	0.14	0.12	0.1	0.09	0.12	0.18
chr8	127316192	127318828	Trim67	ENSMUSG00000036913	591	0.13	0.12	0.12	0.16	0.12	0.15
chr8	32200078	32200548	Dusp26	ENSMUSG00000039661	203	0.09	0.05	0.07	0.16	0.07	0.16
chr8	48497756	48499280	Gm10083	ENSMUSG00000060559	35	0.09	0.12	0.11	0.14	0.1	0.17
chr8	114167271	114167876	Zfp1	ENSMUSG00000055835	230	0.09	0.21	0.12	0.15	0.11	0.13
chr8	86264915	86265224	Cd97	ENSMUSG00000002885	-1	0.06	0.08	0.09	0.11	0.05	0.1
chr8	96702796	96703455	Mt1	ENSMUSG000000031765	136	0.08	0.06	0.15	0.17	0.1	0.18
chr8	114516047	114516308	Adat1	ENSMUSG000000031949	-29	0.12	0.17	0.06	NA	0.25	0.33
chr8	126957651	126958682	Pgbd5	ENSMUSG000000050751	-330	0.08	0.1	0.08	0.13	0.08	0.11
chr8	23915940	23916206	Ap3m2	ENSMUSG000000031539	53	0.15	0.22	0.13	0.25	0.22	0.18
chr8	26212399	26212983	Plekha2	ENSMUSG000000031557	-234	0.26	0.22	0.17	0.21	0.25	0.16
chr8	47637095	47637547	Mif1ip	ENSMUSG000000031629	-88	0.18	0.12	0.13	0.15	0.16	0.17
chr8	63111094	63112301	Mfap3l	ENSMUSG000000031647	73	0.12	0.17	0.1	0.13	0.12	0.14
chr8	71317500	71318145	Ints10	ENSMUSG000000031864	-6	0.07	0.06	0.12	0.13	0.08	0.15
chr8	67212216	67212701	Sc4mol	ENSMUSG000000031604	-113	0.14	0.12	0.11	0.15	0.1	0.12
chr8	72519755	72520873	Gatad2a	ENSMUSG000000036180	-36	0.1	0.11	0.12	0.18	0.09	0.13
chr8	121918449	121919369	Mlycd	ENSMUSG000000074064	131	0.12	0.12	0.08	0.2	0.11	0.12
chr8	122223811	122224034	Atp2c2	ENSMUSG000000034112	13	0.12	0.17	0.09	0.09	0.15	0.17
chr8	4166553	4166994	Evi5l	ENSMUSG000000011832	206	0.52	0.63	0.11	0.19	0.46	0.27
chr8	73316049	73316630	Mast3	ENSMUSG000000031833	-7	0.09	0.05	0.1	0.12	0.08	0.1
chr8	85855824	85856618	Elmod2	ENSMUSG000000035151	82	0.08	0.1	0.11	0.14	0.07	0.13
chr8	37676631	37677177	Dlc1	ENSMUSG000000031523	24	0.05	0.06	0.07	0.08	0.08	0.22
chr8	72314915	72315666	Atp13a1	ENSMUSG000000031862	228	0.09	0.1	0.1	0.11	0.08	0.15
chr8	96958155	96958361	9330175E14Rik	ENSMUSG000000074153	-76	0.07	NA	0.14	0.12	0.13	0.09
chr8	124353072	124353610	Klhdc4	ENSMUSG000000040263	39	0.17	0.33	0.09	0.17	0.14	0.19
chr8	30329598	30330484	Unc5d	ENSMUSG000000063626	-231	0.08	0.08	0.11	0.22	0.09	0.17
chr8	90796227	90796753	Adcy7	ENSMUSG000000031659	188	0.09	0.1	0.11	0.13	0.11	0.12
chr8	91564906	91568244	Sall1	ENSMUSG000000031665	1486	0.08	0.1	0.1	0.16	0.08	0.12
chr8	98349268	98349483	Gm10094	ENSMUSG000000061104	121	0.88	0.88	0.5	0.48	0.93	0.77
chr8	108674129	108674427	Pla2g15	ENSMUSG000000031903	-21	0.19	0.36	0.08	0.21	0.25	0.17

chr8	123640112	123642093	Foxc2	ENSMUSG00000046714	1031	0.1	0.11	0.11	0.18	0.09	0.16
chr8	128946175	128946764	1810063B05Rik	ENSMUSG00000051671	68	0.22	0.41	0.12	0.16	0.25	0.21
chr8	47060482	47060908	1700029J07Rik	ENSMUSG00000071103	-89	0.19	0.36	0.14	0.15	0.21	0.23
chr8	73062590	73063833	Eil	ENSMUSG00000070002	-363	0.2	0.21	0.15	0.18	0.12	0.24
chr8	106694408	106695163	Bean1	ENSMUSG00000031872	372	0.21	0.39	0.21	0.15	0.23	0.15
chr8	24780088	24780327	Zmat4	ENSMUSG00000037492	77	0.23	0.14	0.13	0.24	0.2	0.23
chr8	73196956	73197605	Lsm4	ENSMUSG00000031848	133	0.09	0.36	0.09	0.17	0.11	0.13
chr8	90722882	90724474	Papd5	ENSMUSG00000036779	566	0.08	0.08	0.08	0.12	0.08	0.12
chr8	122434582	122435397	Usp10	ENSMUSG00000031826	275	0.1	0.11	0.09	0.16	0.09	0.16
chr8	108534808	108535433	Ddx28	ENSMUSG00000045538	266	0.07	0.11	0.14	0.23	0.09	0.14
chr8	125091578	125092283	Cdt1	ENSMUSG00000006585	15	0.11	0.12	0.09	0.14	0.12	0.12
chr8	36888630	36889912	Cldn23	ENSMUSG00000055976	342	0.08	0.09	0.1	0.14	0.09	0.16
chr8	73397172	73397456	Ccdc124	ENSMUSG00000007721	75	0.14	0.09	0.08	0.18	0.16	0.18
chr8	106966325	106966962	Dync1li2	ENSMUSG00000035770	304	0.09	0.15	0.1	0.13	0.08	0.18
chr8	32222222	32222765	Rnf122	ENSMUSG00000039328	201	0.13	0.13	0.11	0.23	0.11	0.13
chr8	72411773	72412039	Yjefn3	ENSMUSG00000048967	178	0.5	NA	0.5	NA	1	0.6
chr8	73012256	73012651	Tmem59l	ENSMUSG00000035964	-1196	0.35	0.26	0.13	0.36	0.31	0.27
chr8	23521953	23522242	Mrps31	ENSMUSG00000031533	285	0.09	0.06	0.09	0.18	0.1	0.09
chr8	77736687	77737967	Rasd2	ENSMUSG00000034472	-516	0.1	0.1	0.1	0.12	0.12	0.16
chr8	94325766	94326101	Irx3	ENSMUSG00000031734	33	0.15	0.12	0.1	0.17	0.17	0.18
chr8	96696229	96696745	Mt2	ENSMUSG00000031762	-31	0.07	0.07	0.06	0.1	0.08	0.17
chr8	113262682	113262999	Mtss1l	ENSMUSG00000033763	1823	0.8	0.83	0.38	0.45	0.78	0.63
chr8	24347785	24348377	Gins4	ENSMUSG00000031546	59	0.13	0.06	0.1	0.12	0.15	0.15
chr8	49075237	49076677	Wwc2	ENSMUSG00000031563	-60	0.17	0.17	0.14	0.2	0.18	0.18
chr8	74743574	74743961	Fam32a	ENSMUSG00000030309	138	0.07	0.1	0.14	0.22	0.08	0.24
chr8	80961119	80961333	Pou4f2	ENSMUSG00000031688	-682	0.18	0.27	0.12	0.15	0.2	0.22
chr8	128998231	128999029	Gm17296	ENSMUSG00000090290	335	0.06	0.06	0.06	0.11	0.06	0.11
chr8	112302422	112303259	Ap1g1	ENSMUSG00000031731	386	0.06	0.1	0.08	0.12	0.06	0.12
chr8	125736324	125736977	Chmp1a	ENSMUSG00000000743	10	0.18	0.2	0.1	0.16	0.17	0.13
chr8	34842251	34843059	1700104B16Rik	ENSMUSG00000049476	-369	0.13	0.38	0.17	0.26	0.14	0.17

chr8	72409905	72410192	Cilp2	ENSMUSG00000044006	1538	0.13	0.08	0.15	0.17	0.14	0.23
chr8	108939155	108939458	Zfp90	ENSMUSG00000031907	67	0.07	0.15	0.07	0.17	0.08	0.12
chr8	3516773	3517156	Pnpla6	ENSMUSG00000004565	1580	0.12	0.33	0.12	0.43	0.16	0.21
chr8	4238413	4239258	Map2k7	ENSMUSG00000002948	95	0.19	0.48	0.08	0.25	0.24	0.2
chr8	36650637	36651827	Mfhas1	ENSMUSG000000070056	380	0.14	0.11	0.1	0.15	0.14	0.12
chr8	73133151	73133753	Ssbp4	ENSMUSG000000070003	-1239	0.06	0.04	0.1	0.21	0.08	0.12
chr8	81344627	81345146	Lsm6	ENSMUSG000000031683	111	0.06	0.07	0.09	0.13	0.07	0.09
chr8	128421975	128422284	Pcnx12	ENSMUSG000000060212	64	0.09	0.16	0.14	0.25	0.1	0.19
chr8	34627489	34627924	Tex15	ENSMUSG000000009628	-90	0.04	0.06	0.11	0.09	0.05	0.12
chr8	59989945	59991673	Hmgb2	ENSMUSG000000054717	169	0.07	0.17	0.1	0.21	0.1	0.14
chr8	73029654	73029963	2810428115Rik	ENSMUSG000000058833	199	0.07	0.08	0.11	0.17	0.08	0.16
chr8	91220598	91221345	Cyld	ENSMUSG000000036712	44	0.28	0.19	0.14	NA	0.33	0.28
chr8	4324437	4325527	Elavl1	ENSMUSG000000040028	118	0.08	0.11	0.13	0.25	0.13	0.16
chr8	13200396	13200614	Grtp1	ENSMUSG000000038515	115	0.36	NA	0.43	1	0.43	0.33
chr8	97441395	97442146	Ccdc102a	ENSMUSG000000063605	-349	0.09	0.1	0.07	0.16	0.09	0.12
chr8	125201683	125202823	Cbfa2t3	ENSMUSG00000006362	-281	0.07	0.14	0.09	0.09	0.07	0.12
chr8	71404932	71405376	Lpl	ENSMUSG000000015568	598	0.25	NA	0.08	0.23	0.12	0.23
chr8	73920755	73921044	5430437P03Rik	ENSMUSG000000031820	145	0.5	0.29	0.1	0.31	0.31	0.29
chr8	63369022	63369475	2700029M09Rik	ENSMUSG000000038005	33	0.17	0.08	0.1	0.16	0.12	0.09
chr8	73992850	73993611	Dda1	ENSMUSG000000074247	132	0.12	0.13	0.15	0.14	0.12	0.15
chr8	113262299	113262516	Mtss1l	ENSMUSG000000033763	1390	0.88	0.82	0.59	0.56	0.86	0.88
chr8	3451857	3452227	Arhgef18	ENSMUSG000000004568	1284	0.94	0.93	0.87	0.9	0.96	0.93
chr8	112216651	112217640	2400003C14Rik	ENSMUSG000000031729	-8	0.07	0.06	0.1	0.22	0.08	0.15
chr8	87956132	87956897	4921524J17Rik	ENSMUSG000000036934	226	0.22	0.11	0.16	0.27	0.33	0.22
chr8	47556418	47557097	Acs1l	ENSMUSG000000018796	304	0.06	0.11	0.12	0.14	0.06	0.11
chr8	49195332	49195742	Dctd	ENSMUSG000000031562	170	0.23	0.21	0.09	0.14	0.16	0.14
chr8	121868360	121868678	Hsbp1	ENSMUSG000000031839	81	0.05	0.25	0.07	0.11	0.07	0.08
chr8	124806560	124806761	Zfpm1	ENSMUSG000000049577	619	0.25	0.18	0.12	0.24	0.27	0.08
chr8	63461511	63462506	Clcn3	ENSMUSG000000004319	28	0.09	0.12	0.09	0.17	0.09	0.14
chr8	73222577	73224305	Jund	ENSMUSG000000071076	584	0.08	0.13	0.11	0.12	0.09	0.14

chr8	74998607	74999425	Cherp	ENSMUSG00000052488	116	0.07	0.24	0.12	0.19	0.07	0.12
chr8	113782274	113783281	Glg1	ENSMUSG00000003316	323	0.11	0.11	0.11	0.22	0.11	0.17
chr8	3587582	3588213	Camsap3	ENSMUSG00000044433	447	0.15	0.14	0.11	0.22	0.14	0.1
chr8	32278976	32279574	Mak16	ENSMUSG00000031578	-79	0.08	0.13	0.12	0.21	0.07	0.13
chr8	74012589	74013395	Gtpbp3	ENSMUSG00000007610	372	0.27	0.46	0.24	0.35	0.28	0.36
chr8	24168704	24169357	Ank1	ENSMUSG00000031543	299	0.05	0.07	0.09	0.14	0.05	0.12
chr8	66684215	66684653	Tll1	ENSMUSG00000053626	356	0.19	0.15	0.13	0.19	0.19	0.16
chr8	87607141	87607412	Man2b1	ENSMUSG00000005142	108	0.05	0.07	0.16	0.07	0.07	0.15
chr8	122386094	122386389	Klhl36	ENSMUSG00000031828	36	0.08	0.08	0.08	0.1	0.06	0.21
chr8	3476035	3476340	1700019B03Rik	ENSMUSG00000040340	338	1	0.33	NA	NA	0.78	0.33
chr8	4253002	4253419	Snapc2	ENSMUSG00000011837	108	0.2	0.33	0.09	0.12	0.22	0.17
chr8	11478253	11478737	Rab20	ENSMUSG00000031504	143	0.17	0.09	0.1	0.16	0.17	0.13
chr8	11634787	11636044	Ankrd10	ENSMUSG00000031508	339	0.12	0.1	0.11	0.17	0.12	0.14
chr8	13287139	13288476	Tmco3	ENSMUSG00000038497	-206	0.18	0.12	0.21	0.17	0.18	0.22
chr8	14962535	14962751	Gm16350	ENSMUSG00000090024	-1057	0.89	0.96	0.84	0.97	0.89	0.95
chr8	23276620	23276885	Nek3	ENSMUSG00000031478	132	1	1	NA	1	1	NA
chr8	24260198	24260705	Gm15816	ENSMUSG00000086741	-394	0.13	0.25	0.08	0.17	0.12	0.14
chr8	26148776	26149281	Htra4	ENSMUSG00000037406	406	0.05	0.07	0.07	0.08	0.05	0.1
chr8	26707448	26708183	D830025C05Rik	ENSMUSG00000043794	331	0.12	0.12	0.1	0.15	0.11	0.11
chr8	27125621	27126066	Fnta	ENSMUSG00000015994	230	0.11	0.07	0.1	0.16	0.1	0.09
chr8	27268365	27269386	Thap1	ENSMUSG00000037214	191	0.17	0.12	0.07	0.16	0.18	0.13
chr8	28337783	28338715	Adrb3	ENSMUSG00000031489	717	0.08	0.11	0.15	0.16	0.08	0.12
chr8	37520818	37521420	6430573F11Rik	ENSMUSG00000039620	-92	0.06	0.06	0.13	0.12	0.06	0.08
chr8	41984335	41984628	Slc7a2	ENSMUSG00000031596	689	1	NA	0.62	1	1	0.87
chr8	46036969	46037238	Fat1	ENSMUSG00000070047	1541	1	1	0.98	1	1	1
chr8	48798499	48799906	Cdkn2aip	ENSMUSG00000038069	83	0.11	0.17	0.13	0.15	0.11	0.2
chr8	63471935	63472386	Nek1	ENSMUSG00000031644	168	0.14	0.27	0.07	0.12	0.17	0.15
chr8	63702571	63703438	Sh3rf1	ENSMUSG00000031642	335	0.09	0.18	0.09	0.13	0.09	0.17
chr8	63966634	63966890	Cbr4	ENSMUSG00000031641	196	0.06	0.17	0.11	0.15	0.07	0.18
chr8	69384022	69385081	Naf1	ENSMUSG00000014907	435	0.06	0.06	0.14	0.14	0.06	0.2

chr8	72839613	72839979	Lass1	ENSMUSG00000087408	110	0.1	0.06	0.05	0.11	0.09	0.07
chr8	72897306	72897555	Comp	ENSMUSG00000031849	-17	0.23	0.11	0.3	0.27	0.22	0.26
chr8	73220488	73220714	Jund	ENSMUSG00000071076	-1037	1	NA	0.44	1	1	1
chr8	73386880	73387139	A230052G05Rik	ENSMUSG00000020887	-17	0.1	NA	0.15	0.19	0.14	0.21
chr8	73989215	73989486	Mrpl34	ENSMUSG00000034880	525	0.33	0.29	0.17	0.17	0.27	0.15
chr8	74009459	74009926	Ano8	ENSMUSG00000034863	274	0.1	0.17	0.15	0.21	0.1	0.24
chr8	74115558	74116705	Pgls	ENSMUSG00000031807	56	0.15	0.12	0.12	0.25	0.15	0.19
chr8	74213045	74213400	Insl3	ENSMUSG00000079019	109	1	NA	NA	NA	1	NA
chr8	74249400	74249645	Fcho1	ENSMUSG00000070000	24	0.13	0.2	0.08	0.11	0.14	0.16
chr8	74944743	74945715	Eps15l1	ENSMUSG00000006276	144	0.33	0.4	0.27	0.29	0.38	0.31
chr8	75094632	75095227	9130011J15Rik	ENSMUSG00000044600	19	0.35	0.26	0.09	0.24	0.33	0.18
chr8	83537863	83539220	Usp38	ENSMUSG00000038250	264	0.13	0.14	0.13	0.14	0.13	0.13
chr8	85387339	85388469	Rnf150	ENSMUSG00000047747	190	0.07	0.09	0.09	0.15	0.07	0.12
chr8	85689335	85690176	Tbc1d9	ENSMUSG00000031709	-4	0.11	0.11	0.1	0.1	0.11	0.12
chr8	85913631	85913951	Clgn	ENSMUSG00000002190	25	0.12	0.28	0.21	0.71	0.25	0.17
chr8	86496240	86496953	Prkaca	ENSMUSG00000005469	-281	0.12	0.25	0.09	0.15	0.11	0.15
chr8	87364151	87364634	Rad23a	ENSMUSG00000003813	143	0.17	0.05	0.1	0.16	0.18	0.17
chr8	87493308	87493658	Rnaseh2a	ENSMUSG000000052926	-144	0.12	0.2	0.12	0.21	0.12	0.22
chr8	87514446	87514698	Hook2	ENSMUSG000000052566	78	0.8	NA	0.75	NA	1	NA
chr8	88364437	88364868	Itfg1	ENSMUSG000000031703	196	0.13	0.15	0.07	0.09	0.14	0.15
chr8	89147983	89148478	Lonp2	ENSMUSG000000047866	244	0.16	0.15	0.13	0.2	0.16	0.13
chr8	90642604	90642968	Tmem188	ENSMUSG000000036810	118	0.05	0.06	0.11	0.18	0.07	0.1
chr8	97399847	97400196	Dok4	ENSMUSG000000040631	191	0.07	0.2	0.18	0.14	0.08	0.14
chr8	106774750	106775158	Cklf	ENSMUSG000000054400	151	0.1	0.11	0.16	0.2	0.09	0.1
chr8	107800217	107800437	Nol3	ENSMUSG000000014776	-20	0.71	0.29	0.27	0.3	0.75	0.24
chr8	107813280	107814488	4931428F04Rik	ENSMUSG000000014837	-456	0.33	0.14	0.21	0.4	0.33	0.21
chr8	108224606	108225689	Acd	ENSMUSG000000038000	-163	0.14	0.1	0.12	0.2	0.13	0.16
chr8	108378680	108379855	Thap11	ENSMUSG000000036442	264	0.09	0.11	0.11	0.18	0.09	0.13
chr8	109206902	109207406	Tmco7	ENSMUSG000000041949	186	0.5	0.19	0.11	0.2	0.5	0.14
chr8	109561901	109562104	Gm16209	ENSMUSG000000083734	4	1	1	NA	NA	1	NA

chr8	111238367	111239279	Zfx3	ENSMUSG00000038872	279	0.13	0.11	0.07	0.1	0.13	0.14
chr8	112132358	112132686	Dhodh	ENSMUSG00000031730	1	0.08	0.08	0.1	0.15	0.08	0.12
chr8	112603597	112604028	Zfp612	ENSMUSG00000044676	148	0.07	0.12	0.11	0.14	0.08	0.17
chr8	113245193	113245432	Mtss1l	ENSMUSG00000033763	-64	0.1	0.17	0.07	0.15	0.1	0.19
chr8	113370896	113371191	Cog4	ENSMUSG00000031753	119	0.41	0.41	0.16	0.1	0.38	0.26
chr8	116729438	116729895	Vat1l	ENSMUSG00000046844	154	0.1	0.06	0.07	0.18	0.09	0.14
chr8	122136463	122136747	Adad2	ENSMUSG00000024266	-42	0.96	0.96	0.79	0.69	0.97	0.97
chr8	123631915	123632487	Mthfsd	ENSMUSG00000031816	-13	0.25	0.48	0.18	0.21	0.3	0.36
chr8	124805648	124806140	Zfpm1	ENSMUSG00000049577	-147	0.08	0.08	0.08	0.16	0.07	0.13
chr8	125897376	125898333	Tcf25	ENSMUSG00000001472	130	0.08	0.1	0.09	0.18	0.07	0.16
chr8	130880884	130881447	Nrp1	ENSMUSG00000025810	-1808	0.1	0.6	0.1	0.28	0.07	0.15
chr8	130882347	130882587	Nrp1	ENSMUSG00000025810	-506	0.11	0.05	0.16	0.19	0.11	0.07
chr8	3515318	3515566	Pnpla6	ENSMUSG00000004565	58	NA	0.1	0.1	0.5	1	0.11
chr8	3630823	3631224	Stxbp2	ENSMUSG00000004626	68	0.2	0.18	0.13	0.16	NA	0.21
chr8	4217071	4217359	BC068157	ENSMUSG000000064125	-63	NA	NA	0.5	NA	NA	NA
chr8	4493286	4493562	Lass4	ENSMUSG00000008206	-29	NA	NA	0.28	0.28	NA	0.21
chr8	11636466	11636671	Ankrd10	ENSMUSG00000031508	-814	0.09	0.12	0.11	0.2	NA	0.13
chr8	12915717	12915971	Gm15351	ENSMUSG000000086770	-86	NA	1	0.16	0.5	0.25	NA
chr8	14888714	14889037	Cln8	ENSMUSG00000026317	-129	NA	0.18	0.11	0.19	0.33	0.05
chr8	14911444	14911810	Arhgef10	ENSMUSG00000071176	-36	NA	NA	0.35	0.17	NA	0.15
chr8	23170593	23171358	Atp7b	ENSMUSG00000006567	-198	1	0.56	0.22	0.21	NA	0.28
chr8	23337705	23337969	Thsd1	ENSMUSG00000031480	52	1	NA	1	NA	NA	1
chr8	28238854	28239222	Brf2	ENSMUSG00000031487	66	NA	0.17	0.11	0.1	0.18	0.12
chr8	32261307	32261508	Tti2	ENSMUSG00000031577	619	0.5	NA	0.17	0.17	NA	0.15
chr8	35171216	35171644	Dctn6	ENSMUSG00000031516	87	NA	1	NA	1	0.56	NA
chr8	46035919	46036180	Fat1	ENSMUSG00000070047	487	NA	1	1	1	1	1
chr8	58773327	58773591	Hpgd	ENSMUSG00000031613	110	NA	0.12	0.07	0.37	1	0.1
chr8	71404546	71404753	Lpl	ENSMUSG00000015568	93	0.5	0.5	0.11	0.33	NA	0.26
chr8	72149073	72149462	Zfp868	ENSMUSG00000060427	177	0.14	NA	0.32	0.14	NA	0.2
chr8	72298510	72298854	Gm20422	ENSMUSG00000092544	103	NA	NA	NA	1	NA	1

chr8	72356438	72356787	Pbx4	ENSMUSG00000031860	89	NA	NA	0.15	0.5	0.11	0.15
chr8	72663115	72663801	2310045N01Rik	ENSMUSG00000002345	60	NA	1	0.27	0.83	0.25	0.25
chr8	73253991	73254198	Pde4c	ENSMUSG00000031842	83	1	0.33	0.11	0.19	NA	0.16
chr8	73267036	73267495	Pde4c	ENSMUSG00000031842	287	NA	NA	NA	1	NA	NA
chr8	73284557	73285149	Mpv17l2	ENSMUSG00000035559	-33	NA	NA	1	NA	NA	0.5
chr8	73293396	73293649	Pik3r2	ENSMUSG00000031834	41	NA	NA	NA	NA	NA	0.67
chr8	73380656	73380919	Kcnn1	ENSMUSG00000002908	120	NA	1	0.1	0.5	1	0.32
chr8	73421001	73421570	Rpl18a	ENSMUSG00000045128	57	NA	0.25	0.09	0.23	NA	0.13
chr8	74119808	74120147	Fam129c	ENSMUSG00000043243	-1570	NA	NA	0.16	0.25	NA	0.21
chr8	74200383	74200590	Jak3	ENSMUSG00000031805	43	1	NA	NA	NA	NA	NA
chr8	74233481	74233720	Fcho1	ENSMUSG00000070000	1405	0.8	0.5	0.5	NA	NA	0.38
chr8	74432570	74432777	Zfp882	ENSMUSG00000089857	117	0.33	NA	0.11	NA	NA	0.23
chr8	74474898	74475194	Zfp961	ENSMUSG00000052446	109	NA	NA	0.09	NA	NA	0.22
chr8	79425836	79426169	Nr3c2	ENSMUSG00000031618	-185	NA	NA	0.11	0.12	NA	0.12
chr8	80134187	80134420	Tmem184c	ENSMUSG00000031617	-179	NA	NA	0.22	NA	NA	0.17
chr8	83135166	83135425	Frem3	ENSMUSG00000042353	316	0.18	0.1	0.12	0.17	NA	0.24
chr8	85297845	85298135	Zfp330	ENSMUSG00000031711	69	NA	0.33	0.17	0.12	0.67	0.2
chr8	86118297	86118650	Tecr	ENSMUSG00000031708	-145	NA	0.3	0.07	0.29	0.26	0.16
chr8	86549868	86550166	Palm3	ENSMUSG00000047986	43	NA	NA	0.29	NA	NA	0.19
chr8	87324362	87324584	Nfix	ENSMUSG00000001911	-230	NA	0.41	0.1	0.11	0.04	0.09
chr8	87370424	87371288	Calr	ENSMUSG00000003814	-131	NA	NA	NA	NA	NA	0.2
chr8	87380797	87381122	Farsa	ENSMUSG00000003808	71	NA	NA	NA	NA	NA	0.5
chr8	96561147	96561428	Ogfod1	ENSMUSG00000033009	127	NA	0.21	0.07	0.21	0.14	0.13
chr8	97295927	97296206	Cx3cl1	ENSMUSG00000031778	-38	NA	NA	0.17	NA	0.2	0.15
chr8	98412000	98412414	Got2	ENSMUSG00000031672	240	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr8	105308211	105308448	Cdh11	ENSMUSG00000031673	682	NA	NA	0.17	0.38	NA	0.23
chr8	107115397	107115734	Pdp2	ENSMUSG00000048371	197	NA	0.53	0.15	0.17	NA	0.14
chr8	107778103	107778635	B3gnt9-ps	ENSMUSG00000069920	682	NA	0.17	0.07	0.16	NA	0.15
chr8	107995264	107995506	Tppp3	ENSMUSG00000014846	41	NA	0.5	0.24	0.12	1	0.23
chr8	108137832	108138432	Mir1966	ENSMUSG00000089432	-1234	0.5	0.46	0.15	0.5	NA	0.38

chr8	108375752	108375964	Cenpt	ENSMUSG00000036672	50	NA	1	NA	NA	NA	NA
chr8	109035282	109035598	Cdh3	ENSMUSG00000061048	627	NA	NA	0.15	NA	NA	NA
chr8	113370315	113370704	Cog4	ENSMUSG00000031753	9	NA	NA	0.25	NA	NA	0.25
chr8	116372088	116372754	Adamts18	ENSMUSG00000053399	94	0.5	0.5	0.16	0.04	NA	0.14
chr8	120325606	120326185	Mphosph6	ENSMUSG00000031843	-66	NA	0.14	0.13	0.11	0.17	0.18
chr8	121971547	121971794	Necab2	ENSMUSG00000031837	1009	1	NA	0.12	1	NA	NA
chr8	122480504	122480960	Usp10	ENSMUSG00000031826	626	NA	NA	0.75	1	1	1
chr8	125748670	125749120	Cdk10	ENSMUSG00000033862	154	0.4	0.5	0.14	1	NA	0.18
chr8	125759491	125759700	Spata2l	ENSMUSG00000033594	511	NA	NA	0.17	NA	NA	NA
chr8	126069601	126069854	n-R5s104	ENSMUSG00000075735	-131	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr8	127577930	127578684	Disc1	ENSMUSG00000043051	212	NA	1	1	NA	NA	NA
chr9	44575298	44575969	Arcn1	ENSMUSG00000032096	248	0.32	0.29	0.15	0.16	0.1	0.17
chr9	56482834	56483927	Lingo1	ENSMUSG00000049556	55	0.28	0.22	0.11	0.13	0.09	0.14
chr9	67678593	67679551	C2cd4a	ENSMUSG00000047990	1065	0.24	0.08	0.1	0.1	0.07	0.11
chr9	108393012	108393651	Usp19	ENSMUSG00000006676	311	0.3	0.1	0.08	0.16	0.1	0.16
chr9	54434087	54434773	Idh3a	ENSMUSG00000032279	142	0.41	0.18	0.08	0.14	0.12	0.15
chr9	91276269	91276948	Zic4	ENSMUSG00000036972	-640	0.5	0.16	0.08	0.11	0.11	0.14
chr9	42280102	42280437	Tbcel	ENSMUSG00000037287	32	0.55	0.22	0.14	0.29	0.16	0.14
chr9	64188279	64189133	Dis3l	ENSMUSG00000032396	-136	0.41	0.17	0.14	0.16	0.14	0.18
chr9	108499373	108500091	P4htm	ENSMUSG00000006675	199	0.35	0.21	0.16	0.16	0.12	0.18
chr9	119803865	119804651	Gm2449	ENSMUSG00000084857	-277	0.27	0.11	0.15	0.19	0.1	0.16
chr9	98742823	98743204	Prr23a	ENSMUSG00000091080	7	0.8	0.88	0.59	0.38	0.32	0.47
chr9	30938871	30939498	St14	ENSMUSG00000031995	197	0.4	0.16	0.1	0.15	0.11	0.14
chr9	58670037	58671973	Hcn4	ENSMUSG00000032338	-314	0.17	0.18	0.09	0.14	0.09	0.14
chr9	98765282	98765633	2410012M07Rik	ENSMUSG00000090470	271	0.9	0.47	0.21	0.69	0.4	0.3
chr9	122930228	122930710	Tmem42	ENSMUSG00000066233	25	0.38	0.11	0.07	0.12	0.07	0.11
chr9	108092361	108092913	Bsn	ENSMUSG00000032589	78	0.07	0.18	0.11	0.15	0.45	0.16
chr9	110207454	110208002	2610002l17Rik	ENSMUSG00000054836	32	1	0.25	0.15	0.25	0.05	0.37
chr9	123124807	123125195	Cdcp1	ENSMUSG00000035498	116	0.42	0.25	0.14	0.17	0.14	0.2
chr9	108166259	108166259	Dag1	ENSMUSG00000039952	134	0.21	0.08	0.05	0.11	0.08	0.08

chr9	59527911	59528544	Gramd2	ENSMUSG00000074259	276	0.25	0.13	0.18	0.12	0.09	0.17
chr9	45820607	45821521	Sik3	ENSMUSG00000034135	161	0.31	0.25	0.12	0.19	0.14	0.13
chr9	45636470	45636736	Cep164	ENSMUSG00000043987	118	0.27	0.33	0.2	0.19	1	0.22
chr9	86465174	86466017	Pgm3	ENSMUSG00000056131	-146	1	0.13	0.11	0.15	0.09	0.19
chr9	54996727	54997943	Ube2q2	ENSMUSG00000032307	133	0.24	0.18	0.07	0.14	0.12	0.11
chr9	123168725	123170083	Tmem158	ENSMUSG00000054871	503	0.37	0.18	0.1	0.2	0.14	0.15
chr9	108976279	108976837	Atrip	ENSMUSG00000025646	8	0.37	0.29	0.11	0.16	0.12	0.16
chr9	108480629	108481203	Wdr6	ENSMUSG00000066357	85	1	0.25	0.1	0.2	0.08	0.24
chr9	44187236	44187967	Hyou1	ENSMUSG00000032115	28	0.21	0.16	0.08	0.14	0.08	0.15
chr9	119002395	119002893	Plcd1	ENSMUSG00000010660	-30	0.37	0.25	0.14	0.15	0.15	0.14
chr9	86360662	86361258	Dopey1	ENSMUSG00000034973	199	0.23	0.22	0.09	0.09	0.1	0.13
chr9	51086669	51087388	2010007H06Rik	ENSMUSG00000044694	-1372	0.75	0.16	0.17	0.22	0.06	0.19
chr9	122203072	122203710	Ano10	ENSMUSG00000037949	101	0.39	0.2	0.08	0.12	0.12	0.09
chr9	57612246	57614004	Clk3	ENSMUSG00000032316	542	0.27	0.23	0.11	0.15	0.12	0.18
chr9	14849442	14849986	Panx1	ENSMUSG00000031934	208	0.1	0.2	0.09	0.18	0.23	0.13
chr9	69988860	69989534	Fam81a	ENSMUSG00000032224	188	0.28	0.11	0.08	0.14	0.1	0.15
chr9	106101304	106101670	Ppm1m	ENSMUSG00000020253	77	0.21	0.45	0.56	0.78	1	0.2
chr9	25289070	25289549	Eepd1	ENSMUSG00000036611	177	0.2	0.07	0.11	0.13	0.04	0.16
chr9	95537977	95538501	Pcolce2	ENSMUSG00000015354	219	0.28	0.24	0.13	0.1	0.08	0.1
chr9	45792557	45793057	Pafah1b2	ENSMUSG00000003131	60	0.05	0.27	0.07	0.14	0.16	0.12
chr9	95411708	95412724	2610101N10Rik	ENSMUSG00000032407	199	0.38	0.26	0.12	0.17	0.1	0.16
chr9	58335732	58336910	6030419C18Rik	ENSMUSG000000091354	-449	0.09	0.13	0.11	0.13	0.16	0.1
chr9	107436212	107436894	Tmem115	ENSMUSG00000010045	277	0.27	0.13	0.09	0.13	0.13	0.11
chr9	97933139	97934007	Clstn2	ENSMUSG00000032452	-171	0.22	0.16	0.12	0.11	0.12	0.14
chr9	70269167	70269404	Ccnb2	ENSMUSG00000032218	76	0.38	0.27	0.12	0.13	0.11	0.12
chr9	121206785	121207207	Trak1	ENSMUSG00000032536	376	0.09	0.1	0.15	0.2	0.21	0.13
chr9	53822562	53823161	Elmod1	ENSMUSG00000041986	247	0.5	0.2	0.1	0.12	0.06	0.2
chr9	66895897	66897451	Tpm1	ENSMUSG00000032366	251	0.23	0.14	0.1	0.16	0.1	0.11
chr9	53619418	53619930	Slc35f2	ENSMUSG00000042195	332	0.36	0.16	0.11	0.23	0.15	0.3
chr9	60642200	60642794	Uaca	ENSMUSG00000034485	142	0.28	0.09	0.15	0.14	0.14	0.14

chr9	62188573	62192506	Anp32a	ENSMUSG00000032249	1439	0.29	0.34	0.12	0.2	0.16	0.18
chr9	8003468	8004940	Yap1	ENSMUSG00000053110	-447	0.19	0.11	0.1	0.17	0.1	0.17
chr9	100977786	100978765	Msl2	ENSMUSG00000066415	-176	0.17	0.24	0.1	0.19	0.07	0.15
chr9	20969487	20970784	Pde4a	ENSMUSG00000032177	-23	0.15	0.24	0.11	0.16	0.25	0.18
chr9	106691228	106691600	Rad54l2	ENSMUSG00000040661	130	0.21	0.14	0.09	0.12	0.08	0.11
chr9	70526511	70527593	Adam10	ENSMUSG00000054693	248	0.22	0.16	0.1	0.13	0.11	0.13
chr9	72339560	72339842	Tex9	ENSMUSG00000090626	207	0.31	0.17	0.14	0.3	0.09	0.26
chr9	20986002	20986351	Pde4a	ENSMUSG00000032177	116	0.34	0.32	0.29	0.32	0.21	0.26
chr9	37155872	37156207	Ccdc15	ENSMUSG00000034303	-62	0.5	0.09	0.08	0.19	0.09	0.14
chr9	96619923	96620483	Zbtb38	ENSMUSG00000040433	-219	0.21	0.26	0.08	0.18	0.1	0.17
chr9	117781286	117782195	Gm16977	ENSMUSG00000085506	-522	0.34	0.13	0.14	0.15	0.14	0.18
chr9	44412162	44413510	Ddx6	ENSMUSG00000032097	-139	0.32	0.2	0.14	0.16	0.13	0.18
chr9	62658824	62659837	Fem1b	ENSMUSG00000032244	125	0.17	0.18	0.09	0.12	0.07	0.15
chr9	21854858	21856611	Elavl3	ENSMUSG00000003410	733	0.17	0.1	0.11	0.15	0.08	0.11
chr9	21116613	21116973	Ap1m2	ENSMUSG00000003309	-16	0.78	NA	0.65	0.7	0.33	0.27
chr9	78290324	78291075	E330016A19Rik	ENSMUSG00000032344	-7	0.5	0.2	0.14	0.18	0.17	0.2
chr9	86774337	86775696	Snap91	ENSMUSG00000033419	233	0.16	0.14	0.12	0.16	0.1	0.13
chr9	114640230	114640660	Cmtm6	ENSMUSG00000032434	124	0.31	0.15	0.13	0.29	0.12	0.17
chr9	44113368	44114060	Hinfp	ENSMUSG00000032119	40	0.36	0.19	0.1	0.15	0.14	0.11
chr9	18096419	18097058	Chordc1	ENSMUSG00000001774	27	0.25	0.21	0.14	0.23	0.11	0.14
chr9	62996476	62997219	Skor1	ENSMUSG00000022245	-79	0.21	0.07	0.07	0.18	0.09	0.11
chr9	110434404	110435813	Setd2	ENSMUSG00000044791	7	0.22	0.14	0.11	0.17	0.12	0.13
chr9	56923988	56924936	Sin3a	ENSMUSG00000042557	279	0.2	0.22	0.12	0.17	0.08	0.12
chr9	108462649	108463105	Impdh2	ENSMUSG00000062867	103	1	0.2	0.1	0.18	0.19	0.13
chr9	65238495	65239418	Kbtbd13	ENSMUSG00000054978	503	0.91	0.55	0.37	0.32	0.74	0.48
chr9	37464607	37464921	Tbrg1	ENSMUSG00000011114	-21	0.27	0.06	0.11	0.17	0.08	0.26
chr9	21314369	21314730	Tmed1	ENSMUSG00000032180	81	1	0.14	0.09	0.2	0.04	0.15
chr9	15083976	15084483	Med17	ENSMUSG00000031935	82	0.22	0.14	0.12	0.2	0.06	0.19
chr9	122026301	122027011	Snrk	ENSMUSG00000038145	255	0.23	0.14	0.07	0.14	0.11	0.09
chr9	66197803	66198856	Herc1	ENSMUSG00000038664	72	0.31	0.18	0.11	0.16	0.15	0.18

chr9	20189369	20189875	Zfp560	ENSMUSG00000045519	-1	0.3	0.15	0.08	0.17	0.08	0.17
chr9	106105337	106105666	Twf2	ENSMUSG00000023277	62	0.24	0.14	0.08	0.11	0.1	0.12
chr9	120480498	120480915	Rpl14	ENSMUSG00000025794	74	0.3	0.11	0.14	0.2	0.12	0.16
chr9	113935741	113935971	Fbxl2	ENSMUSG00000032507	-12	0.05	0.15	0.06	0.12	0.11	0.16
chr9	102737038	102737876	Ryk	ENSMUSG00000032547	210	0.32	0.25	0.08	0.14	0.21	0.13
chr9	24307449	24308042	Dpy19l1	ENSMUSG00000043067	-161	0.12	0.1	0.08	0.12	0.06	0.14
chr9	42913509	42914632	Arhgef12	ENSMUSG00000059495	-501	0.17	0.17	0.1	0.17	0.11	0.15
chr9	86358149	86358607	Ube2cbp	ENSMUSG00000032415	156	0.13	0.11	0.07	0.11	0.05	0.14
chr9	44607093	44607887	Tmem25	ENSMUSG0000002032	-209	0.22	0.17	0.08	0.2	0.1	0.11
chr9	74800482	74801142	BC031353	ENSMUSG00000034858	121	0.13	0.18	0.11	0.16	0.06	0.1
chr9	105545216	105545660	Pik3r4	ENSMUSG00000032571	113	0.23	0.31	0.15	0.14	0.59	0.14
chr9	44127648	44128436	C2cd2l	ENSMUSG00000032120	-168	0.25	0.19	0.12	0.2	0.15	0.17
chr9	100934963	100935379	Pccb	ENSMUSG00000032527	98	0.3	0.11	0.13	0.08	0.08	0.18
chr9	88376104	88378037	Syncrip	ENSMUSG00000032423	-101	0.2	0.14	0.1	0.15	0.11	0.15
chr9	110645226	110646574	Pth1r	ENSMUSG00000032492	290	0.26	0.28	0.14	0.25	0.09	0.21
chr9	29219335	29220341	Ntm	ENSMUSG00000059974	-49	0.28	0.32	0.15	0.23	0.14	0.16
chr9	105546898	105547261	Pik3r4	ENSMUSG00000032571	1754	0.92	0.99	0.86	0.89	0.99	0.98
chr9	21656814	21657208	Dock6	ENSMUSG00000032198	68	0.38	0.15	0.06	0.22	0.1	0.16
chr9	50576102	50576663	1110032A03Rik	ENSMUSG00000037971	-179	0.23	0.16	0.1	0.16	0.1	0.16
chr9	54612461	54612833	Crabp1	ENSMUSG00000032291	92	0.13	0.23	0.13	0.16	0.27	0.16
chr9	21961136	21961680	Pigyl	ENSMUSG00000010607	118	0.56	0.44	0.1	0.18	0.16	0.17
chr9	104955557	104955805	Mrpl3	ENSMUSG00000032563	112	0.16	0.14	0.13	0.4	0.04	0.1
chr9	57368869	57369620	Cox5a	ENSMUSG00000000088	205	0.14	0.12	0.09	0.11	0.07	0.14
chr9	58429856	58430659	Nptn	ENSMUSG00000032336	210	0.2	0.12	0.11	0.19	0.11	0.16
chr9	35007355	35007685	Tirap	ENSMUSG00000032041	-61	0.8	0.12	0.15	0.26	0.17	0.23
chr9	43551761	43552790	Pvrl1	ENSMUSG00000032012	-384	0.23	0.13	0.11	0.15	0.12	0.16
chr9	50411888	50412407	Sdhd	ENSMUSG00000000171	-193	0.29	0.35	0.11	0.15	0.18	0.22
chr9	78295893	78296628	Mto1	ENSMUSG00000032342	245	1	1	0.09	NA	0.09	0.12
chr9	94437507	94439489	1190002N15Rik	ENSMUSG00000045414	2	0.17	0.16	0.08	0.14	0.11	0.11
chr9	104164613	104165518	Dnajc13	ENSMUSG00000032560	195	0.15	0.1	0.12	0.19	0.08	0.14

chr9	87624320	87625884	Tbx18	ENSMUSG00000032419	993	0.14	0.13	0.07	0.13	0.09	0.13
chr9	14664505	14664852	Gpr83	ENSMUSG00000031932	24	0.26	0.12	0.08	0.18	0.12	0.14
chr9	44142502	44143664	H2afx	ENSMUSG00000049932	285	0.19	0.09	0.07	0.12	0.12	0.1
chr9	56265477	56266031	C230081A13Rik	ENSMUSG00000074305	103	0.16	0.13	0.11	0.2	0.06	0.11
chr9	64658923	64659857	Dennd4a	ENSMUSG00000053641	243	0.26	0.36	0.14	0.14	0.07	0.11
chr9	108208186	108209261	Tcta	ENSMUSG00000039461	-441	0.23	0.42	0.11	0.16	0.11	0.18
chr9	25059564	25060974	7-Sep	ENSMUSG00000001833	100	0.22	0.14	0.1	0.14	0.12	0.14
chr9	22215811	22216262	9530077C05Rik	ENSMUSG00000036411	15	0.83	0.55	0.13	0.16	0.38	0.11
chr9	28210827	28211295	Opcml	ENSMUSG00000062257	-321	0.18	0.1	0.15	0.21	0.06	0.14
chr9	106072956	106073604	Wdr82	ENSMUSG00000020257	20	0.22	0.09	0.09	0.13	0.1	0.11
chr9	106793885	106794892	Manf	ENSMUSG00000032575	-187	0.25	0.08	0.1	0.18	0.14	0.12
chr9	21229322	21229818	Dnm2	ENSMUSG00000033335	218	0.15	0.07	0.13	0.21	0.07	0.19
chr9	71958666	71960047	Tcf12	ENSMUSG00000032228	270	0.11	0.1	0.08	0.11	0.07	0.12
chr9	111213868	111215308	Trank1	ENSMUSG00000062296	345	0.14	0.15	0.11	0.11	0.1	0.11
chr9	123438698	123439315	Sacm1l	ENSMUSG00000025240	6	0.21	0.22	0.11	0.26	0.1	0.19
chr9	23026806	23028353	Bmper	ENSMUSG00000031963	59	0.16	0.17	0.11	0.16	0.09	0.09
chr9	44075965	44076309	Nlrx1	ENSMUSG00000032109	133	0.14	0.14	0.09	0.13	0.08	0.16
chr9	102255568	102257038	Ephb1	ENSMUSG00000032537	720	0.21	0.1	0.1	0.16	0.11	0.15
chr9	121668326	121669739	E530011L22Rik	ENSMUSG00000091138	-126	0.18	0.19	0.1	0.15	0.12	0.13
chr9	78243407	78244094	Ddx43	ENSMUSG00000070291	166	0.1	0.18	0.12	0.19	0.19	0.16
chr9	99258250	99258979	Esyt3	ENSMUSG00000037681	335	0.35	0.31	0.11	0.18	0.19	0.15
chr9	107453745	107454246	Rassf1	ENSMUSG00000010067	109	0.2	0.13	0.09	0.21	0.11	0.18
chr9	66822636	66823349	Lactb	ENSMUSG00000032370	226	0.52	0.25	0.14	0.16	0.27	0.18
chr9	18277988	18278233	Zfp558	ENSMUSG00000074500	-107	0.28	0.13	0.12	0.18	0.08	0.12
chr9	42751980	42753079	Grik4	ENSMUSG00000032017	47	0.12	0.16	0.12	0.18	0.08	0.13
chr9	66642995	66643771	Aph1b	ENSMUSG00000032375	-200	0.21	0.11	0.17	0.19	0.07	0.15
chr9	83039464	83040326	Hmgn3	ENSMUSG00000066456	182	0.18	0.13	0.09	0.1	0.09	0.13
chr9	91257185	91257441	Zic4	ENSMUSG00000036972	62	0.35	0.11	0.14	0.26	0.14	0.17
chr9	108008493	108008913	F630040L22Rik	ENSMUSG00000087645	1407	0.95	1	0.6	0.56	0.77	0.85
chr9	121619377	121619896	Deb1	ENSMUSG00000032526	129	0.23	0.23	0.3	0.29	0.09	0.16

chr9	122075661	122076080	Snrk	ENSMUSG00000038145	8	0.86	0.88	0.86	0.85	0.91	0.89
chr9	20871357	20871668	Zglp1	ENSMUSG00000079681	25	0.83	0.62	0.7	0.64	0.98	0.81
chr9	30729061	30730162	Adamts15	ENSMUSG00000033453	426	0.15	0.19	0.08	0.13	0.26	0.16
chr9	96789308	96790362	Acpl2	ENSMUSG00000043587	-3	0.23	0.25	0.12	0.15	0.11	0.17
chr9	121748072	121748657	Ccdc13	ENSMUSG00000079235	215	0.17	0.1	0.13	0.24	0.1	0.2
chr9	40494137	40494730	9030425E11Rik	ENSMUSG00000032024	315	0.18	0.26	0.13	0.15	0.09	0.1
chr9	43874912	43875327	Usp2	ENSMUSG00000032010	15	0.29	0.17	0.15	0.16	0.09	0.18
chr9	106062184	106062456	Glyctk	ENSMUSG00000020258	-1851	0.58	0.41	0.1	0.29	0.22	0.24
chr9	83818607	83818919	Bckdhb	ENSMUSG00000032263	6	0.12	0.13	0.09	0.12	0.05	0.07
chr9	88333352	88334257	Snx14	ENSMUSG00000032422	-68	0.52	0.21	0.31	0.12	0.26	0.31
chr9	77955852	77956588	Fbxo9	ENSMUSG0000001366	174	0.29	0.17	0.1	0.15	0.18	0.15
chr9	114752783	114753318	Cmtm8	ENSMUSG00000041012	220	0.2	0.11	0.11	0.17	0.11	0.13
chr9	108551021	108551868	Gm10621	ENSMUSG00000074075	273	0.15	0.19	0.26	0.24	0.24	0.17
chr9	118515716	118516445	Itga9	ENSMUSG00000039115	272	0.12	0.1	0.07	0.11	0.07	0.09
chr9	21921288	21921787	Elof1	ENSMUSG00000013822	55	0.06	0.09	0.08	0.2	0.21	0.12
chr9	108419006	108420262	Qrich1	ENSMUSG00000006673	216	0.08	0.11	0.1	0.11	0.13	0.14
chr9	32348057	32348974	Fli1	ENSMUSG00000016087	459	0.29	0.27	0.15	0.19	0.17	0.19
chr9	71333216	71333852	Polr2m	ENSMUSG00000032199	183	0.13	0.19	0.1	0.25	0.08	0.13
chr9	119846567	119846897	Gorasp1	ENSMUSG00000032513	-56	0.2	0.04	0.13	0.14	0.09	0.07
chr9	51856101	51857120	Rdx	ENSMUSG00000032050	564	0.19	0.12	0.07	0.11	0.1	0.12
chr9	55889617	55890136	Rcn2	ENSMUSG00000032320	224	0.38	0.67	0.13	0.24	0.09	0.16
chr9	95459615	95461284	Paqr9	ENSMUSG000000064225	213	0.12	0.18	0.11	0.17	0.18	0.13
chr9	66682229	66683196	Aph1c	ENSMUSG00000053040	-257	0.16	0.15	0.11	0.14	0.09	0.12
chr9	96096530	96097168	Tfdp2	ENSMUSG00000032411	155	0.26	0.25	0.16	0.21	0.15	0.14
chr9	108710585	108711046	Nckipsd	ENSMUSG00000032598	85	0.15	0.14	0.14	0.2	0.32	0.12
chr9	15513989	15514489	Slc36a4	ENSMUSG000000043885	57	0.13	0.21	0.11	0.11	0.07	0.12
chr9	20325644	20326204	Zfp266	ENSMUSG000000060510	-72	0.56	0.39	0.08	0.17	0.2	0.2
chr9	40964923	40965782	Ubash3b	ENSMUSG00000032020	233	0.15	0.23	0.1	0.14	0.07	0.13
chr9	70350873	70351684	Rnf111	ENSMUSG00000032217	-117	0.12	0.15	0.12	0.15	0.08	0.11
chr9	72772962	72773892	Pygo1	ENSMUSG00000034910	-25	0.21	0.22	0.1	0.15	0.14	0.13

chr9	107672698	107673436	Rbm5	ENSMUSG00000032580	266	0.24	0.46	0.11	0.26	0.04	0.16
chr9	120842296	120843673	Ctnnb1	ENSMUSG00000006932	466	0.13	0.08	0.09	0.15	0.08	0.13
chr9	77602323	77603030	Gclc	ENSMUSG000000032350	334	0.2	0.16	0.11	0.1	0.11	0.16
chr9	121613855	121614417	Sec22c	ENSMUSG000000061536	-39	0.25	0.25	0.11	0.19	0.1	0.18
chr9	77765079	77765823	Elovl5	ENSMUSG000000032349	280	0.09	0.1	0.07	0.13	0.19	0.1
chr9	40262923	40263732	Gramd1b	ENSMUSG000000040111	-72	0.12	0.1	0.11	0.12	0.06	0.09
chr9	89949360	89949566	Ctsh	ENSMUSG000000032359	88	1	0.1	0.09	NA	0.04	0.23
chr9	56712791	56713020	Cspg4	ENSMUSG000000032911	-6	0.22	0.19	0.1	0.12	0.06	0.24
chr9	99336693	99337589	Mras	ENSMUSG000000032470	-4	0.14	0.17	0.16	0.19	0.2	0.13
chr9	61794097	61794782	Kif23	ENSMUSG000000032254	103	0.16	0.1	0.1	0.17	0.34	0.12
chr9	107133599	107134471	Dock3	ENSMUSG000000039716	-122	0.15	0.09	0.08	0.13	0.08	0.16
chr9	114842492	114843152	Gpd1l	ENSMUSG000000050627	175	0.16	0.18	0.08	0.16	0.09	0.1
chr9	7836877	7837494	C330006D17Rik	ENSMUSG000000049742	-121	0.27	0.09	0.12	0.16	0.07	0.1
chr9	110760375	110760771	Prss50	ENSMUSG000000048752	102	0.23	0.21	0.14	0.2	0.14	0.11
chr9	57351757	57352547	Rpp25	ENSMUSG000000062309	243	0.14	0.32	0.12	0.17	0.23	0.15
chr9	67688059	67688454	Vps13c	ENSMUSG000000035284	53	0.71	0.38	0.23	0.13	0.46	0.16
chr9	20807164	20807848	Mrpl4	ENSMUSG000000003299	325	0.29	0.13	0.12	0.22	0.1	0.19
chr9	20264061	20264531	Zfp26	ENSMUSG000000063108	-25	0.29	0.13	0.08	0.12	0.11	0.11
chr9	110310212	110310875	Ptpn23	ENSMUSG000000036057	171	0.15	0.44	0.08	0.16	0.29	0.16
chr9	66767017	66767705	Rab8b	ENSMUSG000000036943	100	0.1	0.09	0.08	0.16	0.05	0.13
chr9	75862713	75862986	Hmgcl1	ENSMUSG000000007908	27	0.35	1	0.52	1	0.62	1
chr9	91273376	91274042	Zic4	ENSMUSG000000036972	229	0.15	0.12	0.08	0.14	0.07	0.1
chr9	98855409	98857864	Foxl2os	ENSMUSG000000074122	-907	0.15	0.16	0.12	0.16	0.1	0.17
chr9	92352529	92352899	Plscr4	ENSMUSG000000032377	482	0.5	1	0.15	0.1	0.13	0.12
chr9	44688895	44690363	Mll1	ENSMUSG000000002028	-272	0.14	0.13	0.1	0.14	0.09	0.15
chr9	20692546	20693014	Ppan	ENSMUSG000000004100	161	0.09	0.13	0.09	0.11	0.06	0.12
chr9	108468885	108470149	Ndufaf3	ENSMUSG000000070283	156	0.28	0.11	0.12	0.2	0.14	0.22
chr9	121904782	121905176	C85492	ENSMUSG000000066235	165	0.47	0.15	0.15	0.1	0.18	0.18
chr9	65141801	65142773	Clpx	ENSMUSG000000015357	220	0.24	0.3	0.13	0.21	0.16	0.17
chr9	20449179	20449480	Fbxl12	ENSMUSG000000066892	-143	1	0.05	0.15	0.13	0.06	0.16

chr9	119353954	119354295	Exog	ENSMUSG00000042787	83	0.17	0.06	0.1	0.1	0.07	0.11
chr9	106331807	106332200	Rpl29	ENSMUSG00000048758	133	0.29	0.24	0.11	0.13	0.05	0.29
chr9	96918456	96919524	Spsb4	ENSMUSG00000046997	193	0.38	0.15	0.18	0.15	0.21	0.15
chr9	120401499	120402202	Eif1b	ENSMUSG00000006941	126	0.19	0.09	0.08	0.12	0.14	0.09
chr9	79914451	79915744	Senp6	ENSMUSG000000034252	387	0.22	0.15	0.12	0.15	0.15	0.13
chr9	113650285	113651253	Clasp2	ENSMUSG000000033392	178	0.18	0.09	0.09	0.18	0.13	0.13
chr9	26806855	26807299	Acad8	ENSMUSG000000031969	13	0.05	0.17	0.12	0.21	0.29	0.1
chr9	123021969	123022628	Zdhhc3	ENSMUSG000000025786	-59	0.08	0.18	0.1	0.25	0.15	0.13
chr9	54711424	54711925	Ireb2	ENSMUSG000000032293	112	0.09	0.16	0.12	0.17	0.18	0.15
chr9	8901405	8902030	Pgr	ENSMUSG000000031870	268	0.12	0.06	0.12	0.07	0.07	0.1
chr9	65062942	65063468	Parp16	ENSMUSG000000032392	251	0.31	0.2	0.11	0.17	0.19	0.19
chr9	79566249	79567057	Col12a1	ENSMUSG000000032332	-352	0.24	0.21	0.16	0.12	0.13	0.16
chr9	108838666	108839205	Uqcrc1	ENSMUSG000000025651	211	1	0.09	0.07	0.11	0.07	0.16
chr9	106587653	106588370	Tex264	ENSMUSG000000040813	-13	0.25	0.22	0.13	0.15	0.14	0.15
chr9	15110590	15111036	Taf1d	ENSMUSG000000031939	155	0.18	0.35	0.09	0.18	0.1	0.13
chr9	69301444	69301932	Anxa2	ENSMUSG000000032231	165	0.09	0.15	0.12	0.08	0.05	0.13
chr9	100445767	100446762	Nck1	ENSMUSG000000032475	208	0.18	0.32	0.08	0.15	0.11	0.12
chr9	105396875	105397924	Atp2c1	ENSMUSG000000032570	-459	0.13	0.16	0.11	0.16	0.08	0.1
chr9	9238697	9239289	Arhgap42	ENSMUSG000000050730	20	0.52	0.37	0.11	0.26	0.2	0.17
chr9	14649712	14650204	Gm16302	ENSMUSG000000090023	-99	0.96	0.95	0.77	0.8	0.88	0.9
chr9	20531875	20532499	Olfm2	ENSMUSG000000032172	486	0.08	0.13	0.14	0.11	0.21	0.16
chr9	21397207	21398099	Yipf2	ENSMUSG000000032182	-430	0.11	0.1	0.09	0.18	0.06	0.14
chr9	24955589	24956525	Herpud2	ENSMUSG000000008429	223	0.18	0.11	0.08	0.15	0.12	0.15
chr9	26962612	26963093	Jam3	ENSMUSG000000031990	113	0.15	0.09	0.06	0.13	0.09	0.12
chr9	50535826	50536396	Dixdc1	ENSMUSG000000032064	-68	0.5	0.14	0.18	0.12	0.12	0.14
chr9	91258911	91260300	Zic1	ENSMUSG000000032368	1001	0.16	0.19	0.09	0.18	0.12	0.15
chr9	99039974	99040917	Pik3cb	ENSMUSG000000032462	-101	0.1	0.11	0.09	0.11	0.07	0.1
chr9	107456429	107457456	Rassf1	ENSMUSG000000010067	-45	0.18	0.17	0.09	0.14	0.12	0.13
chr9	30837723	30838904	Zbtb44	ENSMUSG000000047412	84	0.2	0.14	0.17	0.12	0.13	0.19
chr9	106270736	106271784	Dusp7	ENSMUSG000000053716	297	0.27	0.21	0.11	0.15	0.19	0.15

chr9	123587384	123588077	Ccr9	ENSMUSG00000029530	173	0.17	0.23	0.24	0.29	0.06	0.14
chr9	48642783	48644452	Zbtb16	ENSMUSG00000066687	433	0.16	0.19	0.09	0.14	0.22	0.12
chr9	71619040	71619603	Cgnl1	ENSMUSG00000032232	46	0.36	0.26	0.12	0.15	0.21	0.2
chr9	72509690	72510864	Nedd4	ENSMUSG00000032216	-87	0.2	0.15	0.09	0.17	0.06	0.12
chr9	120036618	120037281	Rpsa	ENSMUSG00000032518	65	0.18	0.14	0.1	0.13	0.08	0.1
chr9	121550748	121552229	Lyzl4	ENSMUSG00000032530	-274	0.16	0.18	0.16	0.12	0.09	0.15
chr9	20702708	20703173	Eif3g	ENSMUSG00000070319	104	0.15	0.2	0.1	0.23	0.1	0.15
chr9	36604458	36605026	Ei24	ENSMUSG00000062762	-89	0.23	0.13	0.08	0.14	0.15	0.14
chr9	50506780	50507456	Dixdc1	ENSMUSG00000032064	349	0.05	0.07	0.1	0.13	0.1	0.14
chr9	62827913	62829089	Pias1	ENSMUSG00000032405	185	0.23	0.14	0.15	0.17	0.16	0.16
chr9	63450271	63450712	Iqch	ENSMUSG00000037801	-201	0.11	0.14	0.08	0.09	0.07	0.11
chr9	85736380	85738096	Tpbp	ENSMUSG00000035274	779	0.24	0.32	0.16	0.15	0.17	0.14
chr9	14588859	14589454	Mre11a	ENSMUSG00000031928	58	0.16	0.13	0.11	0.26	0.07	0.14
chr9	49604895	49606625	Ncam1	ENSMUSG00000039542	1074	0.5	0.22	0.09	0.21	0.25	0.17
chr9	65435569	65436089	Pif1	ENSMUSG00000041064	796	0.11	0.12	0.18	0.11	0.07	0.13
chr9	81757148	81757612	Mei4	ENSMUSG00000043289	103	1	1	0.08	0.23	0.08	0.17
chr9	107838215	107838571	Camkv	ENSMUSG00000032936	142	0.19	0.11	0.11	0.16	0.1	0.2
chr9	108685969	108686287	Ip6k2	ENSMUSG00000032599	1	1	0.27	0.16	0.14	0.08	0.17
chr9	40608748	40609797	Hspa8	ENSMUSG00000015656	205	0.28	0.19	0.13	0.17	0.17	0.16
chr9	56919995	56921151	Sin3a	ENSMUSG00000042557	726	0.1	0.13	0.12	0.15	0.15	0.15
chr9	64100925	64101667	Map2k1	ENSMUSG00000004936	142	0.12	0.15	0.1	0.13	0.07	0.12
chr9	21042974	21043844	Keap1	ENSMUSG00000003308	367	0.21	0.21	0.1	0.18	0.16	0.17
chr9	65477760	65479042	Rbpms2	ENSMUSG00000032387	12	0.21	0.19	0.11	0.15	0.15	0.13
chr9	119231002	119232229	Oxsr1	ENSMUSG00000036737	-175	0.12	0.16	0.1	0.18	0.16	0.13
chr9	61218453	61219456	Gm10655	ENSMUSG00000074256	1046	0.22	0.08	0.16	0.1	0.14	0.12
chr9	72961212	72961588	Rsl24d1	ENSMUSG00000032215	167	0.12	0.25	0.12	0.15	0.06	0.14
chr9	95757906	95758665	Atr	ENSMUSG00000032409	269	0.19	0.21	0.1	0.18	0.13	0.17
chr9	99530001	99530463	Dzip1l	ENSMUSG00000037784	-30	0.44	0.1	0.11	0.14	0.26	0.11
chr9	99775508	99776838	Sox14	ENSMUSG00000053747	63	0.15	0.2	0.14	0.17	0.09	0.13
chr9	54613284	54613707	Crabp1	ENSMUSG00000032291	940	1	0.09	0.13	0.16	0.06	0.17

chr9	121627930	121629170	Nktr	ENSMUSG00000032525	263	0.15	0.23	0.14	0.21	0.1	0.14
chr9	57109331	57110620	1700017B05Rik	ENSMUSG00000032300	431	0.17	0.1	0.12	0.12	0.12	0.16
chr9	63604921	63606357	Smad3	ENSMUSG00000032402	162	0.11	0.17	0.12	0.12	0.15	0.14
chr9	72122483	72123209	Zfp280d	ENSMUSG00000038535	140	0.28	0.33	0.1	0.18	0.21	0.12
chr9	43892814	43893370	Usp2	ENSMUSG00000032010	59	0.12	0.19	0.16	0.19	0.2	0.15
chr9	107981488	107981728	Rnf123	ENSMUSG00000041528	-11	0.24	0.13	0.07	0.13	0.1	0.11
chr9	111020416	111021155	Lrrfip2	ENSMUSG00000032497	170	0.11	0.09	0.1	0.12	0.08	0.12
chr9	20836220	20836728	Icam5	ENSMUSG00000032174	-8	0.33	0.19	0.12	0.12	0.08	0.09
chr9	44773520	44773800	Ube4a	ENSMUSG00000059890	-58	0.12	0.19	0.08	0.1	0.07	0.14
chr9	78435413	78435979	Slc17a5	ENSMUSG00000049624	126	0.13	0.13	0.12	0.09	0.06	0.1
chr9	20446442	20446908	Fbxl12	ENSMUSG00000066892	82	0.1	0.18	0.14	0.18	0.2	0.14
chr9	46081229	46081571	Zfp259	ENSMUSG00000032078	141	0.13	0.13	0.14	0.08	0.07	0.08
chr9	50424885	50425693	AU019823	ENSMUSG00000059820	80	0.23	0.19	0.14	0.22	0.33	0.17
chr9	21069640	21070107	Atg4d	ENSMUSG00000002820	130	0.14	0.16	0.15	0.13	0.2	0.18
chr9	44863215	44863511	Mpzl3	ENSMUSG00000070305	94	0.33	0.33	0.16	0.18	0.09	0.23
chr9	36954043	36954499	Pknox2	ENSMUSG00000035934	580	0.37	0.26	0.11	0.15	0.25	0.16
chr9	44095680	44096437	Abcg4	ENSMUSG00000032131	163	0.07	0.2	0.07	0.15	0.11	0.16
chr9	79607297	79607769	Cox7a2	ENSMUSG00000032330	127	0.21	0.2	0.11	0.14	0.14	0.15
chr9	89803469	89805995	Rasgrf1	ENSMUSG00000032356	119	0.28	0.14	0.15	0.21	0.22	0.18
chr9	103104045	103104470	Srprb	ENSMUSG00000032553	202	0.15	0.28	0.14	0.26	0.26	0.21
chr9	105033714	105034177	Nudt16	ENSMUSG00000032565	190	0.16	0.25	0.2	0.21	0.1	0.13
chr9	106349722	106350076	Abhd14a	ENSMUSG00000042210	110	0.5	0.44	0.5	0.28	0.08	0.1
chr9	109833961	109835091	Mtap4	ENSMUSG00000032479	564	0.13	0.15	0.12	0.14	0.19	0.14
chr9	3199798	3200105	4930433N12Rik	ENSMUSG00000042360	-169	0.61	0.55	0.71	0.87	0.38	0.5
chr9	27106596	27108188	Igsf9b	ENSMUSG00000034275	579	0.11	0.07	0.12	0.17	0.08	0.16
chr9	48303151	48304030	Rbm7	ENSMUSG00000042396	-180	0.18	0.12	0.11	0.14	0.13	0.14
chr9	53055850	53056412	Ddx10	ENSMUSG00000053289	86	0.4	0.5	0.17	0.26	0.12	0.17
chr9	64233449	64235040	Megf11	ENSMUSG00000036466	754	0.12	0.11	0.09	0.15	0.15	0.12
chr9	64808580	64808960	2010321M09Rik	ENSMUSG00000034263	131	0.08	0.13	0.16	0.1	0.05	0.15
chr9	32503193	32503842	Ets1	ENSMUSG00000032035	-110	0.28	0.19	0.15	0.15	0.47	0.24

chr9	77960936	77961433	Ick	ENSMUSG00000009828	136	0.13	0.17	0.1	0.14	0.09	0.13
chr9	89599529	89600171	Tmed3	ENSMUSG000000032353	31	0.23	0.25	0.1	0.18	0.12	0.17
chr9	22272076	22272784	Rp9	ENSMUSG000000032239	351	0.1	0.12	0.1	0.12	0.07	0.12
chr9	30234531	30234981	Snx19	ENSMUSG000000031993	63	0.18	0.1	0.1	0.12	0.11	0.16
chr9	13630867	13632673	Cep57	ENSMUSG000000031922	-371	0.12	0.16	0.09	0.15	0.09	0.12
chr9	75473263	75474142	Lysmd2	ENSMUSG000000032184	163	0.26	0.11	0.08	0.1	0.19	0.13
chr9	106558156	106558410	Grm2	ENSMUSG000000023192	157	0.23	0.12	0.11	0.15	0.1	0.12
chr9	20456423	20456973	Pin1	ENSMUSG000000032171	124	0.12	0.07	0.1	0.1	0.07	0.14
chr9	47337814	47339957	Cadm1	ENSMUSG000000032076	629	0.14	0.12	0.12	0.16	0.12	0.15
chr9	54348832	54349430	Dmxl2	ENSMUSG000000041268	172	0.12	0.14	0.1	0.14	0.16	0.1
chr9	107471329	107471922	Hyal2	ENSMUSG000000010047	177	0.17	0.16	0.09	0.13	0.1	0.14
chr9	51572966	51574322	Arhgap20	ENSMUSG000000053199	202	0.18	0.27	0.09	0.15	0.14	0.15
chr9	35018411	35019249	Foxred1	ENSMUSG000000039048	-348	0.1	0.08	0.11	0.15	0.07	0.15
chr9	58402672	58403113	Cd276	ENSMUSG000000035914	47	0.12	0.14	0.11	0.1	0.06	0.12
chr9	62686576	62686792	Cln6	ENSMUSG000000032245	92	0.25	0.12	0.1	0.17	0.08	0.09
chr9	101153384	101154121	Ppp2r3a	ENSMUSG000000043154	410	0.26	0.22	0.1	0.14	0.18	0.14
chr9	35377247	35378115	Hyls1	ENSMUSG000000050555	1	0.17	0.1	0.08	0.13	0.11	0.17
chr9	50664912	50665580	Ppp2r1b	ENSMUSG000000032058	217	0.16	0.12	0.1	0.14	0.12	0.15
chr9	59504052	59505368	Pkm2	ENSMUSG000000032294	327	0.25	0.45	0.09	0.14	0.11	0.16
chr9	109777887	109778887	Cdc25a	ENSMUSG000000032477	304	0.14	0.14	0.1	0.14	0.18	0.15
chr9	50336483	50336888	Pts	ENSMUSG000000032067	61	0.6	0.52	0.15	0.24	0.3	0.22
chr9	60535791	60536032	Lrrc49	ENSMUSG000000047766	14	0.07	0.29	0.12	0.22	0.14	0.17
chr9	72286181	72286426	Mns1	ENSMUSG000000032221	-33	0.11	0.09	0.1	0.17	0.06	0.06
chr9	49148417	49149065	Drd2	ENSMUSG000000032259	9	0.09	0.21	0.21	0.19	0.13	0.15
chr9	57437224	57437611	Ulk3	ENSMUSG000000032308	158	0.25	0.18	0.11	0.4	0.19	0.11
chr9	64949022	64949739	Igdcc4	ENSMUSG000000032816	87	0.44	0.37	0.22	0.23	0.35	0.14
chr9	114548945	114549402	Cnot10	ENSMUSG000000056167	19	0.14	0.2	0.11	0.18	0.1	0.17
chr9	67607491	67608521	M5C1000I18Rik	ENSMUSG000000055125	9	0.1	0.09	0.12	0.16	0.07	0.14
chr9	69606979	69609052	Foxb1	ENSMUSG000000059246	732	0.1	0.1	0.11	0.17	0.08	0.16
chr9	59138836	59139817	Adpgk	ENSMUSG000000025236	-53	0.09	0.08	0.07	0.1	0.05	0.13

chr9	79640870	79641563	Tmem30a	ENSMUSG00000032328	21	0.12	0.08	0.1	0.13	0.09	0.1
chr9	96378647	96379160	Rnf7	ENSMUSG00000051234	104	0.36	0.47	0.16	0.33	0.53	0.33
chr9	20296960	20297350	Zfp426	ENSMUSG00000059475	-10	0.22	1	0.09	0.18	0.07	0.08
chr9	51975989	51976823	Zc3h12c	ENSMUSG00000035164	-190	0.11	0.17	0.07	0.16	0.08	0.11
chr9	8042441	8042712	9230110C19Rik	ENSMUSG00000053070	237	0.42	0.44	0.19	0.17	0.31	0.17
chr9	57556304	57556797	Edc3	ENSMUSG00000038957	203	0.33	0.18	0.1	0.16	0.17	0.15
chr9	98855074	98855276	Foxl2os	ENSMUSG00000074122	554	1	1	0.15	0.24	0.11	0.17
chr9	107888108	107888483	6230427J02Rik	ENSMUSG00000042106	-85	0.06	0.11	0.07	0.17	0.11	0.21
chr9	20757004	20757452	Dnmt1	ENSMUSG00000004099	89	1	0.24	0.12	0.14	0.14	0.11
chr9	26837065	26838447	Vps26b	ENSMUSG00000031988	-77	0.14	0.15	0.08	0.18	0.09	0.1
chr9	56842798	56843646	Ptpn9	ENSMUSG00000032290	447	0.12	0.19	0.11	0.12	0.08	0.12
chr9	69137452	69139207	Rora	ENSMUSG00000032238	840	0.14	0.17	0.1	0.15	0.1	0.15
chr9	74885432	74885954	Arpp19	ENSMUSG00000007656	209	0.14	0.12	0.09	0.14	0.1	0.13
chr9	80012742	80013165	Myo6	ENSMUSG00000033577	115	0.12	0.06	0.12	0.15	0.09	0.14
chr9	114277073	114277513	4930520O04Rik	ENSMUSG00000074039	-128	0.13	0.19	0.11	0.11	0.09	0.13
chr9	114299114	114299848	Crtap	ENSMUSG00000032431	312	0.15	0.24	0.1	0.13	0.06	0.21
chr9	122481323	122481841	9530059O14Rik	ENSMUSG00000086476	-33	0.1	0.19	0.13	0.13	0.07	0.11
chr9	50911504	50912152	Mir34b	ENSMUSG00000065492	-78	0.19	0.2	0.14	0.18	0.23	0.21
chr9	100543306	100544910	Stag1	ENSMUSG00000037286	241	0.13	0.31	0.13	0.15	0.16	0.17
chr9	107301921	107302383	Cacna2d2	ENSMUSG00000010066	209	0.22	0.24	0.11	0.09	0.19	0.07
chr9	123626495	123626924	Lztf11	ENSMUSG00000025245	-63	0.5	0.05	0.09	0.14	0.09	0.19
chr9	43942714	43943448	Mcam	ENSMUSG00000032135	340	0.23	0.11	0.12	0.16	0.14	0.23
chr9	59598488	59599392	Myo9a	ENSMUSG00000039585	237	0.22	0.2	0.12	0.2	0.16	0.11
chr9	74918734	74919730	Myo5a	ENSMUSG00000034593	410	0.25	0.48	0.17	0.31	0.34	0.16
chr9	92145206	92145495	Plscr1	ENSMUSG00000032369	455	0.21	0.54	0.11	0.24	0.11	0.2
chr9	113966356	113966859	Susd5	ENSMUSG00000086596	135	0.18	0.23	0.13	0.16	0.22	0.16
chr9	15161940	15162322	5830418K08Rik	ENSMUSG00000046111	101	0.29	0.35	0.14	0.15	0.4	0.16
chr9	21602884	21603358	Kank2	ENSMUSG00000032194	-142	0.5	0.06	0.14	0.11	0.1	0.14
chr9	50583313	50583979	Alg9	ENSMUSG00000032059	236	0.11	0.14	0.1	0.15	0.08	0.11
chr9	50816448	50817548	Sik2	ENSMUSG00000037112	43	0.15	0.18	0.11	0.18	0.13	0.15

chr9	59464819	59465541	Parp6	ENSMUSG00000025237	89	0.18	1	0.09	0.13	0.34	0.12
chr9	83699375	83700125	Elovl4	ENSMUSG00000032262	162	0.22	0.22	0.18	0.26	0.17	0.16
chr9	107489805	107490502	Ifrd2	ENSMUSG00000010048	104	0.17	0.16	0.12	0.26	0.13	0.12
chr9	21794336	21794662	Rgl3	ENSMUSG00000040146	-602	0.15	0.21	0.3	0.36	0.22	0.22
chr9	63867971	63871057	Smad6	ENSMUSG00000036867	352	0.16	0.13	0.11	0.15	0.18	0.13
chr9	108728122	108728529	Celsr3	ENSMUSG00000023473	-326	0.2	0.1	0.07	0.19	0.03	0.15
chr9	120486201	120486697	5830454E08Rik	ENSMUSG00000052658	-14	0.08	NA	0.1	0.08	0.2	0.17
chr9	121766131	121767081	Higd1a	ENSMUSG00000038412	512	0.1	0.15	0.09	0.13	0.08	0.13
chr9	4309133	4309885	Aasdhpt	ENSMUSG00000025894	-50	0.13	0.12	0.1	0.22	0.1	0.18
chr9	7184469	7185187	Dcun1d5	ENSMUSG00000032002	262	0.16	0.21	0.14	0.17	0.23	0.15
chr9	48793074	48793932	Usp28	ENSMUSG00000032267	13	0.18	0.13	0.11	0.14	0.1	0.15
chr9	63246576	63247227	2300009A05Rik	ENSMUSG00000032403	127	0.12	0.15	0.08	0.2	0.08	0.09
chr9	90008709	90009742	Morf4l1	ENSMUSG00000062270	433	0.2	0.21	0.16	0.2	0.3	0.23
chr9	106355755	106356482	Pcbp4	ENSMUSG00000023495	-70	0.22	0.43	0.13	0.21	0.26	0.13
chr9	21875226	21875945	Gm16845	ENSMUSG00000087161	109	0.24	0.28	0.16	0.18	0.16	0.24
chr9	53344643	53345749	Atm	ENSMUSG00000034218	-483	0.09	0.5	0.15	0.15	0.16	0.2
chr9	102910656	102911226	Slco2a1	ENSMUSG00000032548	124	0.09	0.17	0.2	0.18	0.12	0.24
chr9	119248738	119249118	Acaa1a	ENSMUSG00000036138	134	0.12	0.16	0.05	0.09	0.15	0.12
chr9	121186182	121187075	Ulk4	ENSMUSG00000040936	-340	0.2	0.18	0.16	0.16	0.16	0.18
chr9	45238319	45239660	Dscaml1	ENSMUSG00000032087	613	0.11	0.19	0.1	0.2	0.14	0.15
chr9	55389543	55390702	Isl2	ENSMUSG00000032318	-21	0.13	0.09	0.12	0.16	0.11	0.16
chr9	63225441	63225767	Map2k5	ENSMUSG00000058444	-112	0.09	0.07	0.08	0.11	0.07	0.12
chr9	83728116	83728541	Ttk	ENSMUSG00000038379	32	0.12	0.16	0.22	0.07	0.09	0.13
chr9	26541071	26541862	B3gat1	ENSMUSG00000045994	153	0.21	0.32	0.08	0.24	0.16	0.21
chr9	35074867	35075577	Fam118b	ENSMUSG00000050471	130	0.22	0.08	0.2	0.24	0.1	0.16
chr9	55174321	55174559	Nrg4	ENSMUSG00000032311	116	0.08	0.07	0.07	0.17	0.04	0.09
chr9	99143616	99144123	Cep70	ENSMUSG00000056267	-18	0.5	0.1	0.13	0.09	0.11	0.19
chr9	103904754	103905563	Nphp3	ENSMUSG00000032558	284	0.11	0.09	0.07	0.1	0.1	0.14
chr9	64880113	64880874	Dpp8	ENSMUSG00000032393	228	0.19	0.21	0.2	0.18	0.13	0.19
chr9	107240452	107240773	Hemk1	ENSMUSG00000032579	20	0.21	0.09	0.12	0.12	0.14	0.16

chr9	119311034	119312718	Acvr2b	ENSMUSG00000061393	314	0.28	0.3	0.13	0.13	0.23	0.18
chr9	98463697	98464522	4930579K19Rik	ENSMUSG00000051074	-79	0.33	0.5	0.11	0.17	0.11	0.17
chr9	107853181	107853612	Traip	ENSMUSG00000032586	102	0.11	0.13	0.11	0.24	0.16	0.31
chr9	6168469	6168869	Pdghd	ENSMUSG00000032006	57	0.5	0.38	0.24	0.12	0.11	0.13
chr9	37296635	37297740	BC024479	ENSMUSG00000042138	281	0.13	0.13	0.11	0.19	0.12	0.13
chr9	61761993	61762698	Rplp1	ENSMUSG00000007892	0	0.06	0.24	0.12	0.16	0.14	0.08
chr9	112137651	112138134	Arpp21	ENSMUSG00000032503	-370	0.1	0.09	0.1	0.1	0.13	0.1
chr9	120019420	120020014	Slc25a38	ENSMUSG00000032519	225	0.13	0.18	0.12	0.21	0.1	0.18
chr9	122859819	122860436	1110059G10Rik	ENSMUSG00000032551	-56	0.1	0.06	0.1	0.15	0.04	0.09
chr9	37228331	37228649	Robo3	ENSMUSG00000032128	1698	0.14	0.08	0.1	0.15	0.06	0.31
chr9	90165152	90165446	Tbc1d2b	ENSMUSG00000037410	308	0.12	0.19	0.08	0.11	0.09	0.08
chr9	107465548	107465862	Tusc2	ENSMUSG00000010054	119	0.12	0.11	0.07	0.09	0.1	0.2
chr9	82723261	82723919	Irak1bp1	ENSMUSG00000032251	177	0.29	0.23	0.11	0.16	0.2	0.13
chr9	121403398	121403818	Cck	ENSMUSG00000032532	1149	0.27	NA	0.13	0.12	0.19	0.09
chr9	21350796	21351920	Carm1	ENSMUSG00000032185	20	0.09	0.19	0.09	0.14	0.1	0.12
chr9	106787400	106787606	Rbm15b	ENSMUSG00000045365	1828	0.4	0.5	0.16	0.22	0.26	0.29
chr9	122832048	122832393	Zfp105	ENSMUSG00000057895	30	0.09	0.67	0.13	0.14	0.18	0.17
chr9	108472125	108472791	Dalrd3	ENSMUSG00000019039	235	0.25	0.27	0.14	0.15	0.13	0.13
chr9	110235767	110236241	Scap	ENSMUSG00000032485	212	0.15	0.09	0.09	0.11	0.13	0.09
chr9	105297417	105297975	Nek11	ENSMUSG00000035032	-108	0.26	0.68	0.12	0.23	0.2	0.14
chr9	14080590	14081216	Sesn3	ENSMUSG00000032009	158	0.22	0.31	0.11	0.18	0.27	0.11
chr9	20672977	20673421	A230050P20Rik	ENSMUSG00000038884	113	0.25	0.18	0.1	0.21	0.21	0.16
chr9	57492979	57493590	Csk	ENSMUSG00000032312	176	0.11	0.22	0.1	0.1	0.12	0.12
chr9	31193590	31194221	Nfrkb	ENSMUSG00000042185	128	0.11	0.18	0.08	0.14	0.13	0.1
chr9	48863518	48863938	Zw10	ENSMUSG00000032264	-9	0.13	0.12	0.19	0.13	0.07	0.19
chr9	66068425	66068673	Dapk2	ENSMUSG00000032380	-5	0.98	0.88	0.85	0.97	0.92	0.98
chr9	66793722	66794379	Rps27l	ENSMUSG00000036781	157	0.15	0.35	0.07	0.13	0.11	0.14
chr9	86910199	86910806	Ripply2	ENSMUSG00000047897	130	0.15	0.33	0.13	0.18	0.12	0.14
chr9	111173615	111174882	Mlh1	ENSMUSG00000032498	-210	0.12	0.12	0.09	0.13	0.08	0.13
chr9	118387598	118388604	Eomes	ENSMUSG00000032446	122	0.08	0.11	0.12	0.13	0.07	0.12

chr9	120212765	120213673	Myrip	ENSMUSG000000041794	165	0.11	0.06	0.12	0.13	0.13	0.16
chr9	20780348	20781304	S1pr2	ENSMUSG000000043895	411	0.14	0.13	0.09	0.12	0.11	0.11
chr9	97011012	97011797	Slc25a36	ENSMUSG000000032449	2	0.33	0.16	0.11	0.28	0.22	0.12
chr9	103663563	103664420	Tmem108	ENSMUSG000000042757	176	0.14	0.12	0.11	0.15	0.17	0.17
chr9	107996521	107996976	Apeh	ENSMUSG000000032590	63	0.08	0.15	0.1	0.15	0.11	0.09
chr9	21765982	21766321	Epor	ENSMUSG00000006235	1869	0.11	0.16	0.19	0.26	0.14	0.18
chr9	110378975	110379266	Klhl18	ENSMUSG000000054792	-26	0.15	0.27	0.13	0.16	0.13	0.1
chr9	113617000	113617494	Pdcd6ip	ENSMUSG000000032504	103	0.08	0.07	0.11	0.06	0.05	0.08
chr9	43047276	43048188	Oaf	ENSMUSG000000032014	167	0.09	0.12	0.13	0.11	0.12	0.13
chr9	102619927	102621280	Amotl2	ENSMUSG000000032531	605	0.34	0.19	0.14	0.21	0.3	0.17
chr9	53916002	53916311	Tnfaip8l3	ENSMUSG000000074345	62	0.5	0.21	0.14	0.2	0.15	0.17
chr9	71063111	71064473	Aldh1a2	ENSMUSG000000013584	196	0.13	0.17	0.11	0.15	0.11	0.13
chr9	110003427	110003638	Dhx30	ENSMUSG000000032480	59	0.25	0.12	0.09	0.14	0.06	0.21
chr9	42924212	42924683	Tmem136	ENSMUSG000000048503	206	0.17	0.23	0.09	0.17	0.12	0.17
chr9	35365819	35366303	Ddx25	ENSMUSG000000032101	-6	0.17	0.23	0.1	0.15	0.2	0.13
chr9	54546866	54547853	Dnaja4	ENSMUSG000000032285	38	0.14	0.17	0.11	0.17	0.15	0.13
chr9	68501352	68502769	Rora	ENSMUSG000000032238	467	0.09	0.16	0.09	0.14	0.08	0.14
chr9	96531129	96531993	Rasa2	ENSMUSG000000032413	394	0.12	0.14	0.11	0.11	0.13	0.12
chr9	44151994	44152332	Hmbs	ENSMUSG000000032126	148	0.07	0.08	0.09	0.12	0.06	0.09
chr9	66891337	66891865	Tpm1	ENSMUSG000000032366	-85	0.38	0.35	0.06	0.13	0.53	0.15
chr9	85220035	85221702	Fam46a	ENSMUSG000000032265	-137	0.17	0.09	0.18	0.22	0.27	0.17
chr9	108997596	108998490	Plxnb1	ENSMUSG000000053646	93	0.21	0.23	0.11	0.17	0.24	0.19
chr9	56978540	56979125	Man2c1	ENSMUSG000000032295	257	0.17	0.29	0.1	0.16	0.22	0.18
chr9	64129215	64129729	Tipin	ENSMUSG000000032397	58	0.07	0.05	0.11	0.16	0.14	0.13
chr9	96264033	96265288	Atp1b3	ENSMUSG000000032412	58	0.11	0.15	0.11	0.16	0.1	0.15
chr9	44225940	44226367	Ccdc84	ENSMUSG000000043923	-63	0.15	0.17	0.08	0.18	0.18	0.15
chr9	54407755	54407988	Cib2	ENSMUSG000000037493	154	0.22	0.13	0.09	0.14	0.17	0.17
chr9	85642510	85642986	Ibtk	ENSMUSG000000035941	82	0.09	0.12	0.09	0.15	0.08	0.15
chr9	108756384	108756997	Slc26a6	ENSMUSG000000023259	322	0.18	0.39	0.13	0.18	0.15	0.18
chr9	118415257	118416299	Golga4	ENSMUSG000000038708	385	0.25	0.35	0.1	0.18	0.19	0.17

chr9	57787739	57788830	Sema7a	ENSMUSG00000038264	364	0.07	0.13	0.07	0.09	0.08	0.12
chr9	56775964	56776410	Snx33	ENSMUSG00000032733	-9	0.09	0.1	0.12	0.17	0.1	0.14
chr9	62384310	62384955	Coro2b	ENSMUSG00000041729	135	0.17	0.19	0.12	0.16	0.19	0.12
chr9	99468715	99469412	Armc8	ENSMUSG00000032468	255	0.24	0.36	0.11	0.2	0.21	0.13
chr9	21741442	21741759	BC018242	ENSMUSG00000040563	123	0.16	0.35	0.12	0.1	0.11	0.09
chr9	34293676	34293921	Kirrel3	ENSMUSG00000032036	87	0.04	0.12	0.12	0.11	0.06	0.14
chr9	53474858	53475729	Cul5	ENSMUSG00000032030	-116	0.12	0.18	0.13	0.15	0.13	0.15
chr9	65907776	65908301	Ppib	ENSMUSG00000032383	62	0.11	0.14	0.06	0.15	0.14	0.1
chr9	21807091	21807454	Ccdc151	ENSMUSG00000039632	-194	0.14	0.1	0.08	0.1	0.05	0.11
chr9	35382047	35382248	Gm6762	ENSMUSG00000086984	101	0.33	0.57	0.2	0.11	0.12	0.15
chr9	44134999	44135246	Dpagt1	ENSMUSG00000032123	194	0.15	0.19	0.11	0.18	0.22	0.21
chr9	45762763	45763463	Sidt2	ENSMUSG00000034908	-53	0.08	0.13	0.09	0.13	0.07	0.07
chr9	102528105	102528978	Cep63	ENSMUSG00000032534	-188	0.1	0.15	0.12	0.16	0.11	0.12
chr9	107302613	107302827	Cacna2d2	ENSMUSG00000010066	320	0.1	0.07	0.1	0.18	0.06	0.1
chr9	13553549	13554018	Mttr2	ENSMUSG00000031918	222	0.13	0.13	0.1	0.1	0.11	0.15
chr9	107429484	107429703	Cacna2d2	ENSMUSG00000010066	605	0.22	NA	0.28	0.21	0.27	0.51
chr9	57385264	57385617	2310046O06Rik	ENSMUSG00000032305	105	0.55	0.59	0.21	0.22	0.51	0.12
chr9	110034127	110035028	Smarcc1	ENSMUSG00000032481	36	0.11	0.08	0.11	0.12	0.12	0.16
chr9	74709447	74711693	Onecut1	ENSMUSG00000043013	842	0.17	0.29	0.11	0.21	0.2	0.15
chr9	61874307	61874791	Paqr5	ENSMUSG00000032278	59	0.2	0.13	0.1	0.18	0.07	0.1
chr9	90057920	90058809	Adams7	ENSMUSG00000032363	402	0.16	0.11	0.14	0.1	0.11	0.23
chr9	95855070	95855512	Xrn1	ENSMUSG00000032410	112	0.09	0.22	0.14	0.11	0.25	0.16
chr9	107790308	107790624	Mon1a	ENSMUSG00000032583	6	0.13	0.17	0.1	0.14	0.16	0.12
chr9	110540902	110541134	Nbeal2	ENSMUSG00000056724	103	0.61	0.71	0.22	0.31	0.62	0.34
chr9	111592491	111592989	Stac	ENSMUSG00000032502	-11	0.13	0.12	0.07	0.16	0.1	0.07
chr9	21766967	21767187	Epor	ENSMUSG00000006235	943	0.14	NA	0.11	NA	0.2	0.27
chr9	44215218	44216017	Trappc4	ENSMUSG00000032112	-202	0.19	0.3	0.14	0.29	0.16	0.23
chr9	56008204	56008950	Tspan3	ENSMUSG00000032324	19	0.06	0.06	0.09	0.07	0.07	0.07
chr9	61969658	61970593	Mir5133	ENSMUSG00000092696	276	0.07	0.23	0.14	0.17	0.1	0.1
chr9	108242148	108242420	Gpx1	ENSMUSG00000063856	677	0.44	NA	0.29	0.15	0.36	0.2

chr9	8134104	8134575	AK129341	ENSMUSG00000040729	-45	0.13	0.21	0.09	0.12	0.11	0.08
chr9	45714429	45715338	Rnf214	ENSMUSG00000042790	-427	0.11	0.13	0.15	0.15	0.12	0.14
chr9	59387343	59387849	Hexa	ENSMUSG00000025232	122	0.12	0.1	0.09	0.14	0.11	0.14
chr9	75079755	75080144	Myo5c	ENSMUSG00000033590	128	0.16	0.17	0.18	0.2	0.15	0.23
chr9	92436831	92437605	Plod2	ENSMUSG00000032374	157	0.11	0.13	0.08	0.1	0.1	0.1
chr9	108362835	108363265	Ccdc71	ENSMUSG00000049305	201	0.18	0.14	0.09	0.16	0.21	0.13
chr9	44041869	44042095	Cbl	ENSMUSG00000034342	147	0.44	0.14	0.24	0.15	0.54	0.17
chr9	95745434	95745746	Pls1	ENSMUSG00000049493	115	0.08	0.11	0.12	0.24	0.06	0.09
chr9	110556176	110556811	Nbeal2	ENSMUSG00000056724	153	0.06	0.08	0.1	0.13	0.07	0.1
chr9	44516504	44516735	Phldb1	ENSMUSG00000048537	-109	0.23	0.19	0.18	0.24	0.17	0.3
chr9	55359549	55360263	Etfa	ENSMUSG00000032314	-291	0.14	0.16	0.13	0.13	0.13	0.16
chr9	77392209	77393136	Lrrc1	ENSMUSG00000032352	5	0.17	0.19	0.16	0.16	0.2	0.15
chr9	118058985	118059474	Cmc1	ENSMUSG00000039163	-31	0.11	0.13	0.1	0.17	0.11	0.11
chr9	122260561	122261305	Abhd5	ENSMUSG00000032540	207	0.11	0.08	0.08	0.14	0.1	0.11
chr9	21420720	21421099	Smarca4	ENSMUSG00000032187	201	0.2	0.09	0.09	0.19	0.15	0.09
chr9	44541766	44542619	Phldb1	ENSMUSG00000048537	1085	0.13	0.12	0.1	0.18	0.14	0.19
chr9	70504427	70505261	Fam63b	ENSMUSG00000042444	137	0.2	0.13	0.09	0.11	0.14	0.12
chr9	100979037	100979324	Msl2	ENSMUSG00000066415	729	0.07	0.13	0.12	0.18	0.03	0.09
chr9	114597585	114598495	Dync1li1	ENSMUSG00000032435	132	0.12	0.13	0.12	0.16	0.13	0.11
chr9	21722267	21722759	Rab3d	ENSMUSG00000019066	20	0.38	0.67	0.12	0.29	0.5	0.2
chr9	65427675	65428088	Plekho2	ENSMUSG00000050721	-34	0.09	0.12	0.12	0.13	0.08	0.11
chr9	103013983	103014957	Rab6b	ENSMUSG00000032549	66	0.08	0.14	0.12	0.11	0.08	0.14
chr9	14304700	14305376	Kdm4d	ENSMUSG00000053914	-194	0.33	0.26	0.14	0.17	0.31	0.13
chr9	22193257	22193921	Anln	ENSMUSG00000036777	61	0.06	0.14	0.09	0.15	0.07	0.1
chr9	58883515	58884988	Neo1	ENSMUSG00000032340	-3	0.13	0.1	0.09	0.12	0.14	0.15
chr9	75458539	75459153	Tmod2	ENSMUSG00000032186	286	0.09	0.22	0.09	0.17	0.09	0.11
chr9	106367069	106368065	Gpr62	ENSMUSG00000091735	704	0.08	0.1	0.1	0.17	0.08	0.19
chr9	20530889	20531519	Olfm2	ENSMUSG00000032172	1469	0.3	0.21	0.13	0.27	0.29	0.15
chr9	22064000	22064304	Zfp599	ENSMUSG00000062794	187	0.13	0.07	0.06	0.17	0.15	0.11
chr9	35089143	35089350	Gm5614	ENSMUSG00000066771	174	0.89	0.75	0.74	0.65	0.9	0.94

chr9	36953187	36953412	Pknox2	ENSMUSG00000035934	1552	0.33	0.45	0.13	0.64	0.43	0.22
chr9	65193826	65194901	Pdcd7	ENSMUSG00000041837	488	0.19	0.27	0.16	0.16	0.2	0.2
chr9	78328665	78329977	Eef1a1	ENSMUSG00000037742	210	0.09	0.14	0.08	0.18	0.1	0.15
chr9	31088139	31088963	Prdm10	ENSMUSG00000042496	428	0.18	0.17	0.14	0.14	0.18	0.13
chr9	74696138	74697419	Gm16551	ENSMUSG00000066477	534	0.14	0.31	0.14	0.2	0.15	0.13
chr9	100471167	100471589	Tmem22	ENSMUSG00000070287	126	0.2	0.69	1	0.88	0.14	0.11
chr9	81525282	81527144	D430036J16Rik	ENSMUSG00000085832	676	0.12	0.12	0.12	0.28	0.11	0.14
chr9	14185091	14185625	Endod1	ENSMUSG00000037419	328	0.08	0.08	0.08	0.1	0.08	0.08
chr9	20837513	20838208	Gm20603	ENSMUSG00000091118	-1059	0.22	0.33	0.1	0.18	0.17	0.23
chr9	20877533	20878025	Fdx11	ENSMUSG00000079677	179	0.17	0.43	0.1	0.2	0.11	0.16
chr9	20896108	20896571	1700084C06Rik	ENSMUSG00000086016	140	0.12	0.19	0.1	0.19	0.12	0.13
chr9	20954149	20954501	Cdc37	ENSMUSG00000019471	25	0.12	0.15	0.12	0.33	0.09	0.11
chr9	21171892	21172954	Ilf3	ENSMUSG00000032178	36	0.07	0.17	0.13	0.31	0.08	0.22
chr9	21527793	21528394	Gm16961	ENSMUSG00000086570	-199	0.17	0.07	0.16	0.12	0.12	0.26
chr9	21792506	21792724	Rgl3	ENSMUSG00000040146	1282	0.06	0.1	0.08	0.17	0.1	0.12
chr9	22030210	22030474	Zfp809	ENSMUSG00000057982	68	0.2	0.12	0.08	0.11	0.15	0.15
chr9	26563234	26563655	B3gat1	ENSMUSG00000045994	575	1	NA	1	NA	1	NA
chr9	30750105	30750929	Adamts8	ENSMUSG00000031994	370	0.12	0.08	0.12	0.09	0.11	0.09
chr9	31018661	31019692	Aplp2	ENSMUSG00000031996	220	0.29	0.49	0.13	0.17	0.29	0.18
chr9	36533857	36534316	Chek1	ENSMUSG00000032113	-127	0.14	0.14	0.09	0.21	0.12	0.21
chr9	36952784	36953026	Pknox2	ENSMUSG00000035934	1946	0.14	0.08	0.12	0.2	0.14	0.12
chr9	37240578	37240942	Robo3	ENSMUSG00000032128	-12	0.09	0.12	0.06	0.17	0.09	0.19
chr9	39999874	40000337	Zfp202	ENSMUSG00000025602	204	0.25	0.2	0.13	0.11	0.27	0.12
chr9	40076870	40077238	Scn3b	ENSMUSG00000049281	40	0.12	0.14	0.09	0.22	0.17	0.19
chr9	40772001	40772314	4931429I11Rik	ENSMUSG00000032023	44	0.05	0.39	0.07	0.09	0.05	0.12
chr9	42072161	42072591	Sc5d	ENSMUSG00000032018	-93	0.07	0.19	0.08	0.17	0.08	0.14
chr9	43851571	43851784	Thy1	ENSMUSG00000032011	210	1	NA	0.16	0.23	1	0.11
chr9	44169423	44169913	Vps11	ENSMUSG00000032127	85	0.11	0.19	0.12	0.14	0.1	0.26
chr9	44306521	44307261	Bcl9l	ENSMUSG00000063382	-328	0.15	0.71	0.14	0.18	0.17	0.12
chr9	44529265	44529522	Phldb1	ENSMUSG00000048537	77	0.08	0.11	0.07	0.1	0.08	0.1

chr9	44946398	44947069	Scr4b	ENSMUSG00000046480	213	0.12	0.16	0.12	0.14	0.12	0.11
chr9	45646737	45647024	Bace1	ENSMUSG00000032086	217	0.22	0.12	0.14	0.28	0.2	0.08
chr9	46091017	46091382	Bud13	ENSMUSG00000032077	108	0.07	0.05	0.12	0.13	0.08	0.06
chr9	48288448	48288818	Rexo2	ENSMUSG00000032026	83	0.09	0.09	0.09	0.06	0.09	0.12
chr9	51771176	51771743	Fdx1	ENSMUSG00000032051	192	0.09	0.2	0.09	0.14	0.07	0.09
chr9	53192052	53192684	Kdelc2	ENSMUSG00000034487	240	0.07	0.09	0.08	0.09	0.08	0.15
chr9	54134191	54134725	Gldn	ENSMUSG00000046167	165	0.09	0.07	0.15	0.14	0.11	0.25
chr9	54798567	54799080	Psma4	ENSMUSG00000032301	226	0.23	0.21	0.13	0.22	0.23	0.16
chr9	54874023	54874469	Chrna3	ENSMUSG00000032303	120	0.14	0.27	0.11	0.16	0.2	0.18
chr9	57315801	57316038	Scamp5	ENSMUSG00000040722	-88	0.09	NA	0.08	0.12	0.1	0.2
chr9	57408690	57409008	Scamp2	ENSMUSG00000040188	98	0.12	0.14	0.12	0.19	0.07	0.29
chr9	57684321	57684873	Arid3b	ENSMUSG0000004661	-84	0.25	0.21	0.11	0.13	0.14	0.14
chr9	58100872	58101229	Stoml1	ENSMUSG00000032333	79	0.13	0.21	0.1	0.25	0.1	0.19
chr9	59201006	59201290	Bbs4	ENSMUSG00000025235	167	0.42	0.45	0.21	0.44	0.41	0.29
chr9	59425681	59426453	Cellf6	ENSMUSG00000032297	343	0.06	0.57	0.08	0.11	0.04	0.24
chr9	60369568	60369935	Thsd4	ENSMUSG00000032289	102	0.08	0.08	0.06	0.1	0.07	0.07
chr9	60560830	60561264	Larp6	ENSMUSG00000034839	251	0.07	0.05	0.08	0.11	0.07	0.11
chr9	61220059	61222125	Tle3	ENSMUSG00000032280	902	0.23	0.29	0.13	0.18	0.22	0.15
chr9	62129872	62130100	Spesp1	ENSMUSG00000046846	0	0.83	0.87	0.79	0.87	0.83	0.87
chr9	64027057	64027361	Snapc5	ENSMUSG00000032398	105	0.25	0.33	0.1	0.21	0.14	0.15
chr9	64585107	64585624	Rab11a	ENSMUSG0000004771	65	0.25	0.23	0.13	0.15	0.14	0.17
chr9	64868867	64869624	Ptplad1	ENSMUSG00000033629	279	0.08	0.1	0.08	0.12	0.08	0.15
chr9	65283502	65283900	Mtfmt	ENSMUSG00000059183	112	0.11	0.24	0.11	0.14	0.11	0.12
chr9	65308674	65309149	Spg21	ENSMUSG00000032388	167	1	1	0.1	0.13	1	0.23
chr9	65757081	65757603	Csnk1g1	ENSMUSG00000032384	96	0.18	0.13	0.09	0.11	0.33	0.16
chr9	66005884	66006257	Dapk2	ENSMUSG00000032380	40	0.08	0.06	0.09	0.11	0.09	0.14
chr9	69837168	69837758	Bnip2	ENSMUSG00000011958	190	0.12	0.16	0.11	0.16	0.12	0.13
chr9	72654809	72655701	Prtg	ENSMUSG00000036030	174	0.11	0.25	0.09	0.13	0.11	0.12
chr9	72833011	72833900	Gm5918	ENSMUSG00000086158	-272	0.2	0.39	0.1	0.19	0.18	0.15
chr9	72951048	72951727	Gm20509	ENSMUSG00000092310	-149	0.2	0.16	0.14	0.19	0.14	0.2

chr9	75289121	75289790	Leo1	ENSMUSG00000042487	124	0.07	0.11	0.1	0.13	0.06	0.14
chr9	75406937	75407491	Tmod3	ENSMUSG00000058587	250	0.15	0.13	0.12	0.16	0.14	0.11
chr9	79567320	79567626	Col12a1	ENSMUSG00000032332	-835	0.24	0.15	0.13	0.24	0.25	0.14
chr9	82868682	82869423	Phip	ENSMUSG00000032253	-59	0.25	0.38	0.11	0.12	0.26	0.17
chr9	86589414	86590078	A330041J22Rik	ENSMUSG00000087466	171	0.07	0.14	0.1	0.15	0.08	0.11
chr9	86916777	86917190	Cyb5r4	ENSMUSG00000032872	134	0.19	0.23	0.16	0.14	0.16	0.19
chr9	88417715	88418267	Snhg5	ENSMUSG00000032424	-270	0.1	0.1	0.1	0.08	0.1	0.18
chr9	88753714	88753993	Gm17694	ENSMUSG00000090543	4	0.12	0.26	0.1	0.09	0.14	0.08
chr9	99476148	99476619	Dbr1	ENSMUSG00000032469	165	0.12	0.14	0.1	0.17	0.13	0.15
chr9	102408223	102408802	Ky	ENSMUSG00000035606	44	0.07	0.15	0.08	0.18	0.07	0.12
chr9	103207237	103207947	1300017J02Rik	ENSMUSG00000033688	-180	0.11	0.13	0.09	0.17	0.11	0.17
chr9	106149927	106150514	Alas1	ENSMUSG00000032786	-159	0.17	0.16	0.12	0.13	0.17	0.18
chr9	106379393	106379795	Rrp9	ENSMUSG00000041506	-6	0.09	0.21	0.1	0.15	0.09	0.19
chr9	106724098	106724951	Vprbp	ENSMUSG00000040325	319	0.29	0.46	0.15	0.16	0.23	0.18
chr9	106787962	106789808	Rbm15b	ENSMUSG00000045365	446	0.09	0.14	0.1	0.14	0.09	0.13
chr9	107095857	107096237	AA543401	ENSMUSG00000092125	923	1	0.96	0.93	0.97	1	0.97
chr9	107198877	107199332	Cish	ENSMUSG00000032578	63	0.09	0.1	0.1	0.2	0.1	0.13
chr9	107437286	107437607	Tmem115	ENSMUSG00000010045	1170	0.17	0.08	0.14	0.13	0.16	0.17
chr9	107537453	107537684	Gnai2	ENSMUSG00000032562	87	0.15	NA	0.07	0.09	0.15	0.13
chr9	107774675	107775194	Rbm6	ENSMUSG00000032582	160	0.13	0.1	0.12	0.11	0.13	0.16
chr9	107904629	107905519	4930535L15Rik	ENSMUSG00000093619	-339	0.1	0.15	0.11	0.14	0.09	0.11
chr9	108354624	108355020	Klhdc8b	ENSMUSG00000032609	-114	0.12	0.5	0.13	0.22	0.11	0.17
chr9	108564406	108564766	Slc25a20	ENSMUSG00000032602	157	0.33	0.3	0.22	0.12	1	0.27
chr9	108594306	108595338	Prkar2a	ENSMUSG00000032601	348	0.08	0.16	0.1	0.13	0.08	0.1
chr9	110019472	110020324	Dhx30	ENSMUSG00000032480	-307	0.12	0.23	0.11	0.13	0.11	0.1
chr9	110147509	110148343	Cspg5	ENSMUSG00000032482	1639	0.18	0.14	0.08	0.12	0.15	0.08
chr9	114690343	114691166	Cmtm7	ENSMUSG00000032436	193	0.08	0.12	0.12	0.13	0.07	0.14
chr9	116083783	116084557	Tgfbr2	ENSMUSG00000032440	213	0.11	0.14	0.08	0.12	0.11	0.12
chr9	119011774	119012086	Dlec1	ENSMUSG00000038060	303	0.1	0.15	0.08	0.14	0.14	0.17
chr9	119266572	119267029	Xylb	ENSMUSG00000035769	94	0.53	0.67	0.15	0.3	0.5	0.17

chr9	119487592	119488467	Scr5a	ENSMUSG00000032511	105	0.11	0.15	0.09	0.1	0.11	0.14
chr9	122795943	122796292	Zfp167	ENSMUSG00000063488	-1472	0.2	0.12	0.1	0.09	0.23	0.08
chr9	123760612	123761280	Fyco1	ENSMUSG00000025241	-164	0.2	0.27	0.14	0.17	0.18	0.16
chr9	7176711	7177070	Dync2h1	ENSMUSG00000047193	67	NA	0.1	0.14	0.11	0.54	0.21
chr9	7763787	7764494	Tmem123	ENSMUSG00000050912	99	NA	NA	0.15	NA	NA	0.22
chr9	7872571	7872824	Birc3	ENSMUSG00000032000	160	NA	NA	0.14	0.56	0.2	0.18
chr9	8543990	8544648	Trpc6	ENSMUSG00000031997	-113	NA	0.07	0.11	0.07	0.09	0.14
chr9	8900492	8900717	Pgr	ENSMUSG00000031870	136	NA	NA	0.1	0.24	NA	0.08
chr9	14418741	14419421	Amotl1	ENSMUSG00000013076	-51	NA	0.37	0.14	0.16	0.13	0.18
chr9	15432306	15432556	Ccdc67	ENSMUSG00000039977	-84	NA	1	1	NA	0.8	NA
chr9	20385713	20386129	Zfp846	ENSMUSG00000058192	152	NA	0.33	0.25	0.38	0.5	0.3
chr9	20411670	20412122	5730577103Rik	ENSMUSG00000062470	-23	0.43	0.35	0.07	0.09	NA	0.08
chr9	20682471	20683043	Angptl6	ENSMUSG00000038742	1414	NA	0.21	0.09	0.15	NA	0.24
chr9	20841185	20841549	Gm17470	ENSMUSG00000091919	859	0.23	0.49	0.17	0.28	NA	0.1
chr9	20842054	20842298	Gm17470	ENSMUSG00000091919	50	0.06	0.11	0.11	0.07	NA	0.08
chr9	21092116	21092765	Kri1	ENSMUSG00000035047	-25	NA	1	NA	NA	NA	1
chr9	21216636	21216918	Qtrt1	ENSMUSG0000002825	496	0.12	0.08	0.1	0.09	NA	0.18
chr9	21564394	21565100	Spc24	ENSMUSG00000074476	-17	NA	1	0.87	1	1	1
chr9	21760175	21760670	2310047B19Rik	ENSMUSG00000051238	225	NA	NA	0.06	0.11	NA	0.42
chr9	21889745	21890140	Ecsit	ENSMUSG00000066839	-123	NA	0.08	0.1	0.14	0.09	0.14
chr9	24500392	24500804	Dpy19l2	ENSMUSG00000085576	139	NA	NA	NA	0.5	NA	NA
chr9	24578553	24578963	Tbx20	ENSMUSG00000031965	-12	NA	0.33	0.1	0.16	1	0.1
chr9	33535801	33536005	Gm10698	ENSMUSG00000079884	72	NA	NA	0.78	1	NA	0.73
chr9	34924149	34924541	4930581F22Rik	ENSMUSG00000070315	32	NA	0.29	0.14	0.12	0.38	0.11
chr9	36575064	36575590	Stt3a	ENSMUSG00000032116	-169	NA	0.11	0.1	0.09	1	0.19
chr9	37062826	37063113	Slc37a2	ENSMUSG00000032122	30	NA	0.2	0.44	0.33	0.23	0.28
chr9	37237147	37237367	Robo3	ENSMUSG00000032128	462	NA	NA	NA	1	1	1
chr9	37337910	37338175	Esam	ENSMUSG0000001946	207	NA	0.5	0.06	0.5	NA	0.2
chr9	40338770	40339046	Gramd1b	ENSMUSG00000040111	60	NA	NA	0.12	1	NA	0.1
chr9	43013571	43013946	Pou2f3	ENSMUSG00000032015	8	NA	0.86	0.11	0.16	NA	0.32

chr9	43553341	43553712	Pvrl1	ENSMUSG00000032012	867	NA	0.18	0.09	0.12	0.27	0.15
chr9	44205016	44205534	Slc37a4	ENSMUSG00000032114	93	NA	0.14	0.16	1	0.11	0.21
chr9	44542978	44543273	Phldb1	ENSMUSG00000048537	152	NA	NA	0.36	0.15	NA	0.25
chr9	45077041	45077321	Il10ra	ENSMUSG00000032089	48	NA	NA	0.29	NA	NA	0.2
chr9	45178282	45178566	Fxyd6	ENSMUSG00000066705	156	NA	NA	0.14	0.11	0.37	0.12
chr9	46078189	46078499	Apoa5	ENSMUSG00000032079	1183	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr9	50369235	50369497	Tex12	ENSMUSG00000032065	7	1	NA	NA	NA	NA	NA
chr9	50467323	50467967	Dlat	ENSMUSG00000000168	240	NA	0.25	0.12	0.28	0.13	0.11
chr9	53418193	53418559	Acat1	ENSMUSG00000032047	59	NA	NA	0.06	0.07	NA	0.11
chr9	54765044	54765266	Agphd1	ENSMUSG00000035878	65	NA	0.25	0.08	0.14	NA	0.13
chr9	54829137	54829422	Chrna5	ENSMUSG00000035594	6	NA	0.92	0.08	0.2	NA	0.16
chr9	56785240	56785768	Imp3	ENSMUSG00000032288	197	NA	1	0.07	0.06	0.69	0.17
chr9	56798412	56798760	Snupn	ENSMUSG00000055334	-99	0.25	0.08	0.2	0.1	NA	0.17
chr9	57400338	57400606	Mpi	ENSMUSG00000032306	44	NA	NA	0.28	1	NA	0.24
chr9	62525498	62525747	Itga11	ENSMUSG00000032243	-11	NA	NA	NA	1	NA	NA
chr9	65246257	65246464	Rasl12	ENSMUSG00000041696	65	NA	NA	0.5	NA	NA	0.24
chr9	65477002	65477518	Rbpm2	ENSMUSG00000032387	-195	NA	NA	0.08	0.11	NA	0.17
chr9	65524246	65524586	Oaz2	ENSMUSG00000040652	61	NA	NA	0.09	0.15	0.08	0.18
chr9	65916955	65917685	Snx22	ENSMUSG00000039452	218	NA	0.2	0.25	0.22	NA	0.09
chr9	65972412	65972691	Snx1	ENSMUSG00000032382	53	NA	NA	NA	NA	NA	0.2
chr9	69245689	69246012	Narg2	ENSMUSG00000032235	137	NA	0.1	0.1	0.1	0.08	0.12
chr9	72379567	72379802	4930509E16Rik	ENSMUSG00000087091	-19	NA	NA	0.67	0.37	0.31	0.4
chr9	72806606	72806840	Gm20510	ENSMUSG00000089865	64	NA	1	0.15	0.28	NA	0.23
chr9	72887240	72887774	Pigb	ENSMUSG00000079469	-1	NA	0.67	0.11	0.24	0.38	0.18
chr9	72892503	72892859	Rab27a	ENSMUSG00000032202	9	0.2	NA	0.11	0.33	NA	0.21
chr9	75531670	75532007	Scg3	ENSMUSG00000032181	-35	NA	NA	NA	NA	NA	0.17
chr9	76171094	76171484	Hctr2	ENSMUSG00000032360	96	NA	0.06	0.1	0.19	0.1	0.15
chr9	78275265	78275572	Gm8093	ENSMUSG00000087052	104	NA	0.34	0.13	0.11	0.26	0.24
chr9	78669445	78669723	Gm8116	ENSMUSG00000059422	63	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr9	83334415	83334891	Lca5	ENSMUSG00000032258	-19	NA	0.4	0.1	0.14	0.2	0.13

chr9	83441734	83442240	Sh3bgrl2	ENSMUSG00000032261	53	NA	0.12	0.1	0.25	0.06	0.12
chr9	87150112	87150472	4922501C03Rik	ENSMUSG00000056919	-169	NA	NA	0.12	0.15	0.05	0.16
chr9	88221942	88222717	Nt5e	ENSMUSG00000032420	-118	NA	0.11	0.16	0.14	0.08	0.16
chr9	88494368	88494743	Gm17683	ENSMUSG00000091564	61	NA	0.22	0.18	0.1	NA	0.08
chr9	88614370	88614666	Gm10634	ENSMUSG00000074149	51	NA	NA	0.08	NA	NA	0.08
chr9	89105979	89106275	Mthfs	ENSMUSG00000066442	132	NA	NA	0.25	NA	NA	0.3
chr9	89517249	89517504	AF529169	ENSMUSG00000039313	448	NA	0.25	0.1	0.21	1	0.32
chr9	91256295	91256570	Zic4	ENSMUSG00000036972	-819	1	NA	0.23	0.39	NA	0.27
chr9	91260583	91260819	Zic1	ENSMUSG00000032368	-95	NA	NA	0.34	NA	NA	0.43
chr9	96019565	96020203	Gk5	ENSMUSG00000041440	103	NA	0.38	0.09	0.19	0.12	0.1
chr9	98196908	98197364	Nmnat3	ENSMUSG00000032456	134	NA	1	0.16	0.33	0.25	0.12
chr9	98501794	98502176	Mrps22	ENSMUSG00000032459	113	NA	NA	0.1	0.16	0.14	0.26
chr9	106269973	106270331	Dusp7	ENSMUSG00000053716	-811	NA	NA	NA	NA	1	NA
chr9	107428960	107429354	Cacna2d2	ENSMUSG00000010066	169	NA	NA	0.4	NA	NA	0.38
chr9	107483052	107483256	Hyal3	ENSMUSG00000036091	5	NA	0.33	0.13	0.2	0.5	0.15
chr9	107951386	107951913	Gmppb	ENSMUSG00000070284	49	NA	0.46	0.18	1	1	0.2
chr9	108012820	108013076	Bsn	ENSMUSG00000032589	-204	NA	NA	1	NA	NA	NA
chr9	108481382	108481620	Wdr6	ENSMUSG00000066357	-431	NA	NA	NA	NA	NA	1
chr9	108984639	108984937	Ccdc72	ENSMUSG00000091537	107	NA	0.08	0.09	0.13	0.07	0.13
chr9	110559025	110559371	Ccdc12	ENSMUSG00000019659	191	NA	NA	0.19	0.16	NA	0.15
chr9	110782465	110782944	Tmie	ENSMUSG00000049555	-87	NA	NA	0.12	0.67	NA	0.5
chr9	118834327	118834609	Gm16295	ENSMUSG00000087041	477	NA	NA	0.11	0.09	1	0.24
chr9	119065651	119066177	Acaa1b	ENSMUSG00000010651	297	NA	NA	0.27	0.29	0.5	0.12
chr9	119250628	119251085	Acaa1a	ENSMUSG00000036138	223	NA	NA	0.1	NA	NA	0.6
chr9	121686887	121687648	Kbtbd5	ENSMUSG00000074001	542	NA	NA	0.25	NA	NA	NA
chr9	122480534	122480793	9530059O14Rik	ENSMUSG00000086476	-952	NA	0.5	1	NA	NA	NA
chr9	122714644	122714976	D9Ert402e	ENSMUSG00000046603	153	NA	NA	0.09	0.23	0.16	0.09
chr9	122812419	122812654	A530083I20Rik	ENSMUSG00000086343	-234	NA	NA	0.17	NA	0.2	NA
chr9	123275872	123276249	Lars2	ENSMUSG00000035202	2	NA	NA	0.2	0.39	0.06	0.15

mMYCN1.diff	mMYCN2.diff	mSmoA1.diff	mSmoA2.diff	mMYCN1.pval	mMYCN2.pval	mSmoA1.pval	mSmoA2.pval	mMYCN1.anno	mMYCN2.anno	mSmoA1.anno	mSmoA2.anno
0.27	0.3	0.16	0.18	2.50E-13	6.10E-22	6.30E-11	1.00E-10	hyper1	hyper1	hyper1	hyper1
0.09	0.1	0.07	0.22	9.60E-27	3.70E-31	8.70E-12	5.40E-73	hyper1	hyper1	hyper1	hyper1
-0.03	0.18	0.1	0.2	0.16	9.40E-18	8.00E-17	2.40E-53	NA	hyper1	hyper1	hyper1
0.31	0.36	0.14	0.31	1.50E-49	1.60E-102	9.60E-22	1.40E-41	hyper1	hyper2	hyper1	hyper1
0.19	0.34	0.21	0.2	1.60E-12	2.10E-39	2.60E-13	8.20E-13	hyper1	hyper2	hyper1	hyper1
0.59	0.64	0.19	0.18	2.30E-80	9.90E-94	4.20E-13	2.60E-13	hyper2	hyper3	hyper1	hyper1
0	-0.17	0.06	0.31	0.17	0	4.20E-252	0	NA	hypo1	hyper1	hyper1
-0.32	-0.08	0.13	0.32	3.90E-32	0.0034	2.60E-10	3.20E-45	hypo1	NA	hyper1	hyper1
0.12	0.02	0.22	0.25	0.07	0.87	2.00E-11	2.60E-13	NA	NA	hyper1	hyper1
0.14	0.04	0.1	0.18	7.40E-08	0.0089	6.00E-13	9.60E-35	NA	NA	hyper1	hyper1
-0.03	0.02	0.13	0.11	0.34	0.44	7.40E-15	2.00E-13	NA	NA	hyper1	hyper1
0.09	0.06	0.2	0.22	6.30E-05	0.0041	9.80E-34	2.20E-35	NA	NA	hyper1	hyper1
0.01	0.01	0.2	0.18	0.58	0.49	1.70E-33	9.30E-21	NA	NA	hyper1	hyper1
0.14	0.19	0.21	0.32	0.12	0.00013	1.90E-11	8.20E-28	NA	NA	hyper1	hyper1
0.18	0.17	0.15	0.26	1.00E-06	1.80E-07	5.30E-11	1.30E-22	NA	NA	hyper1	hyper1
0.15	0.01	0.1	0.32	0.00013	0.55	4.60E-16	1.70E-91	NA	NA	hyper1	hyper1
0.41	-0.08	-0.13	0.29	4.50E-134	3.30E-09	7.30E-23	9.00E-86	hyper2	NA	hypo1	hyper1
0.17	0.18	0.05	0.14	5.40E-11	1.70E-14	0.0022	1.10E-12	hyper1	hyper1	NA	hyper1
0.17	0.21	-0.05	0.23	1.50E-23	1.80E-34	0.00069	9.30E-39	hyper1	hyper1	NA	hyper1
0.15	0.17	0.07	0.09	2.10E-18	1.10E-23	5.70E-08	4.80E-11	hyper1	hyper1	NA	hyper1
0.29	0.26	0.03	0.25	1.50E-29	7.60E-27	0.072	3.30E-34	hyper1	hyper1	NA	hyper1
0.34	0.25	0.01	0.17	9.60E-23	2.20E-13	0.63	4.50E-11	hyper2	hyper1	NA	hyper1
0.52	0.3	-0.08	0.17	5.40E-70	6.80E-28	0.00096	1.10E-13	hyper2	hyper1	NA	hyper1

0.14	0.18	-0.02	0.11	6.80E-09	1.10E-15	0.2	2.10E-12	NA	hyper1	NA	hyper1
0.17	0.33	0.04	0.19	1.20E-42	1.40E-146	0.0012	9.00E-41	hyper1	hyper2	NA	hyper1
0.35	0.35	0.05	0.18	3.10E-47	1.30E-45	0.0048	3.20E-20	hyper2	hyper2	NA	hyper1
0.22	0.11	0.1	0.24	5.10E-17	9.10E-05	0.00014	4.00E-15	hyper1	NA	NA	hyper1
0.41	0.23	-0.03	0.28	5.70E-32	1.60E-09	0.27	5.20E-23	hyper2	NA	NA	hyper1
-0.1	-0.11	-0.01	0.15	0.00072	4.30E-08	0.75	1.60E-13	NA	NA	NA	hyper1
0.08	0.17	0.03	0.27	0.49	0.022	0.24	2.10E-17	NA	NA	NA	hyper1
0.01	0	0.04	0.19	0.94	1	0.049	5.70E-15	NA	NA	NA	hyper1
0.03	-0.06	0.01	0.18	1	0.34	0.61	5.90E-12	NA	NA	NA	hyper1
0	0.07	-0.03	0.15	1	0.049	0.037	5.80E-16	NA	NA	NA	hyper1
0.59	0.15	-0.04	0.15	0.00011	0.14	0.014	3.00E-10	NA	NA	NA	hyper1
0.12	0.04	-0.01	0.14	0.016	0.21	0.65	4.70E-10	NA	NA	NA	hyper1
0.09	0.11	0.03	0.24	0.051	0.034	0.15	2.00E-21	NA	NA	NA	hyper1
-0.03	0.04	0.03	0.14	0.61	0.17	0.042	5.70E-14	NA	NA	NA	hyper1
0	0.15	0.06	0.25	1	0.0025	0.045	7.90E-13	NA	NA	NA	hyper1
-0.07	0.01	0	0.12	0.0017	0.86	0.84	5.50E-10	NA	NA	NA	hyper1
0.26	0.35	0	0.29	0.0023	0.00039	0.99	1.20E-15	NA	NA	NA	hyper1
-0.06	-0.02	0.02	0.12	0.19	0.92	0.34	3.10E-10	NA	NA	NA	hyper1
0.03	0.09	0	0.12	0.28	0.0023	0.83	1.20E-12	NA	NA	NA	hyper1
0.02	0.02	0	0.12	0.31	0.41	0.97	4.00E-11	NA	NA	NA	hyper1
0.14	0.08	0.16	0.32	3.30E-05	0.0068	1.60E-06	8.10E-18	NA	NA	NA	hyper1
-0.2	-0.18	0	0.11	0.0018	0.0021	0.81	1.10E-10	NA	NA	NA	hyper1
0.24	0.23	0.13	0.27	0.011	0.0049	3.50E-07	1.40E-19	NA	NA	NA	hyper1
0.12	-0.17	-0.02	0.14	0.14	0.00083	0.27	3.40E-10	NA	NA	NA	hyper1
0.07	0.07	0.11	0.19	0.41	0.51	5.10E-05	5.00E-11	NA	NA	NA	hyper1
0.02	0.02	0.01	0.23	0.53	0.62	0.39	3.00E-34	NA	NA	NA	hyper1
0.06	-0.04	0	0.27	0.63	0.43	0.96	1.30E-28	NA	NA	NA	hyper1
0	0	0.12	0.28	1	1	9.40E-07	2.80E-25	NA	NA	NA	hyper1
0.34	0.11	0.02	0.21	0.023	0.19	0.51	6.30E-15	NA	NA	NA	hyper1
0.12	0.02	0.05	0.22	0.089	0.51	0.013	5.80E-17	NA	NA	NA	hyper1

0.04	0.1	0	0.14	0.19	0.088	0.95	1.20E-11	NA	NA	NA	hyper1
0.02	-0.02	-0.03	0.16	0.56	0.29	0.021	6.30E-31	NA	NA	NA	hyper1
0.03	-0.03	0.02	0.07	0.15	0.013	9.10E-05	3.60E-39	NA	NA	NA	hyper1
0.12	0	0.05	0.3	0.27	1	0.32	6.10E-10	NA	NA	NA	hyper1
0.11	-0.02	0.13	0.25	0.32	0.53	4.00E-09	2.00E-24	NA	NA	NA	hyper1
0.03	-0.01	0.08	0.13	0.39	0.67	1.00E-08	2.00E-20	NA	NA	NA	hyper1
NA	NA	0.07	0.3	NA	NA	0.0025	3.00E-25	NA	NA	NA	hyper1
0.06	0	-0.01	0.15	0.0088	1	0.51	1.40E-10	NA	NA	NA	hyper1
-0.12	-0.16	-0.06	0.19	7.10E-05	2.70E-06	0.02	1.20E-12	NA	NA	NA	hyper1
0.17	0.15	-0.01	0.1	0.00033	0.00083	0.45	8.90E-10	NA	NA	NA	hyper1
0.09	0.15	-0.02	0.19	0.32	0.0098	0.4	1.60E-12	NA	NA	NA	hyper1
0.22	0.02	0.06	0.3	0.00015	0.82	0.097	9.00E-14	NA	NA	NA	hyper1
0.05	0.1	0.01	0.11	0.027	6.00E-04	0.3	1.80E-14	NA	NA	NA	hyper1
-0.03	-0.03	0.03	0.19	0.45	0.43	0.1	2.20E-16	NA	NA	NA	hyper1
0.05	0.02	0	0.19	0.02	0.15	0.81	1.40E-20	NA	NA	NA	hyper1
0.04	0	0.02	0.11	0.048	0.89	0.094	1.80E-15	NA	NA	NA	hyper1
0.29	0	0.01	0.15	0.00026	0.99	0.52	4.80E-13	NA	NA	NA	hyper1
0.12	0	-0.01	0.16	0.00056	1	0.39	1.20E-18	NA	NA	NA	hyper1
-0.01	0.01	-0.01	0.11	0.87	0.78	0.63	1.90E-14	NA	NA	NA	hyper1
-0.02	0.08	-0.02	0.29	0.87	0.03	0.56	9.40E-21	NA	NA	NA	hyper1
-0.09	0.05	-0.01	0.18	0.071	0.29	0.61	1.70E-12	NA	NA	NA	hyper1
0.11	0.11	0	0.2	0.18	0.043	0.97	4.30E-14	NA	NA	NA	hyper1
0.03	-0.04	-0.04	0.13	0.34	0.084	0.00024	1.30E-20	NA	NA	NA	hyper1
-0.06	-0.03	0.05	0.28	0.55	0.71	0.087	4.10E-13	NA	NA	NA	hyper1
0.04	0.06	0.01	0.12	0.72	0.16	0.38	8.00E-10	NA	NA	NA	hyper1
-0.06	0.07	0.03	0.12	0.059	0.046	0.08	8.50E-10	NA	NA	NA	hyper1
-0.03	-0.04	-0.01	0.13	0.096	0.01	0.55	6.60E-10	NA	NA	NA	hyper1
0.02	-0.03	0.01	0.12	0.76	0.84	0.38	1.80E-11	NA	NA	NA	hyper1
0.17	0.21	0.17	0.28	0.00014	1.60E-08	1.10E-09	9.80E-17	NA	NA	NA	hyper1
0.21	-0.01	-0.02	0.17	0.0015	0.85	0.38	5.80E-12	NA	NA	NA	hyper1

-0.05	-0.02	0	0.09	0.14	0.45	0.82	1.70E-11	NA	NA	NA	hyper1
0.08	0.08	0.03	0.21	0.36	0.22	0.17	1.60E-14	NA	NA	NA	hyper1
0.06	0.12	-0.03	0.17	0.36	0.075	0.065	1.20E-13	NA	NA	NA	hyper1
0.04	0.06	0.15	0.25	0.39	0.14	1.20E-07	3.10E-15	NA	NA	NA	hyper1
0.14	0.18	0.07	0.28	0.49	0.0026	0.011	4.10E-11	NA	NA	NA	hyper1
0	0.05	-0.02	0.07	0.95	0.012	0.021	2.10E-10	NA	NA	NA	hyper1
NA	NA	0.12	0.32	NA	NA	6.60E-05	1.80E-15	NA	NA	NA	hyper1
0.1	0.05	0.02	0.1	0.003	0.096	0.057	6.10E-11	NA	NA	NA	hyper1
0.08	0.08	-0.01	0.09	0.0087	0.0063	0.3	1.50E-11	NA	NA	NA	hyper1
0.15	0	-0.01	0.15	0.1	1	0.79	1.50E-12	NA	NA	NA	hyper1
0.04	-0.02	0.03	0.22	0.13	0.26	0.0034	1.10E-56	NA	NA	NA	hyper1
0.05	0.04	-0.05	0.13	0.28	0.11	0.0057	6.80E-10	NA	NA	NA	hyper1
-0.06	-0.06	-0.01	0.2	0.34	0.37	0.74	3.20E-10	NA	NA	NA	hyper1
NA	0.03	0.06	0.29	NA	1	0.023	4.70E-12	NA	NA	NA	hyper1
0.06	0.13	0.02	0.15	0.22	0.0013	0.34	6.00E-15	NA	NA	NA	hyper1
0.08	-0.02	0.04	0.26	0.27	1	0.095	1.70E-19	NA	NA	NA	hyper1
0.15	0.58	0.01	0.16	0.34	6.90E-05	0.66	5.70E-10	NA	NA	NA	hyper1
0	0.06	-0.03	0.12	1	0.058	0.029	1.10E-12	NA	NA	NA	hyper1
0	0.02	0	0.12	1	0.56	0.99	1.40E-10	NA	NA	NA	hyper1
0.41	0.25	0.07	0.18	0.0012	0.0039	0.005	6.20E-12	NA	NA	NA	hyper1
0.06	-0.02	-0.02	0.06	0.018	0.35	0.083	3.90E-10	NA	NA	NA	hyper1
0.16	-0.01	0.06	0.24	0.11	0.93	0.006	5.10E-25	NA	NA	NA	hyper1
0.06	0.08	0.17	0.19	0.26	0.011	1.80E-08	3.30E-11	NA	NA	NA	hyper1
0.17	0.15	0.16	0.31	0.34	0.021	9.80E-07	6.40E-16	NA	NA	NA	hyper1
0.01	-0.01	0.01	0.16	0.45	0.58	0.23	1.90E-36	NA	NA	NA	hyper1
0.01	0.02	0.02	0.09	0.77	0.29	0.14	7.70E-11	NA	NA	NA	hyper1
-0.04	0.13	0.02	0.2	0.82	0.013	0.27	6.40E-13	NA	NA	NA	hyper1
-0.01	0.06	0.06	0.28	0.88	0.056	0.033	6.10E-15	NA	NA	NA	hyper1
-0.01	0.06	0.03	0.18	1	0.32	0.088	3.70E-12	NA	NA	NA	hyper1
NA	NA	0.08	0.28	NA	NA	0.00066	7.70E-18	NA	NA	NA	hyper1

0.02	0.04	0.02	0.2	0.56	0.12	0.38	9.40E-13	NA	NA	NA	hyper1
0.2	0.01	0.15	0.31	0.004	0.99	1.70E-06	3.50E-18	NA	NA	NA	hyper1
0.04	0.08	0.02	0.15	0.097	0.00024	0.14	9.30E-22	NA	NA	NA	hyper1
0.19	0.26	0.1	0.21	0.2	0.11	1.00E-05	4.40E-14	NA	NA	NA	hyper1
0.03	0.09	0.01	0.13	0.61	0.057	0.61	3.30E-13	NA	NA	NA	hyper1
-0.02	0.29	-0.03	0.15	0.98	1.80E-07	0.24	2.30E-11	NA	NA	NA	hyper1
0	0	-0.01	0.17	1	1	0.68	2.30E-10	NA	NA	NA	hyper1
0.28	0.29	0.21	0.47	1.30E-82	7.50E-111	1.70E-44	3.30E-148	hyper1	hyper1	hyper1	hyper2
0.32	0.31	0.31	0.38	2.40E-15	7.30E-15	3.10E-19	7.70E-23	hyper1	hyper1	hyper1	hyper2
0.39	0.25	0.25	0.36	2.40E-32	3.10E-15	8.20E-14	6.40E-20	hyper2	hyper1	hyper1	hyper2
0.35	0.33	0.23	0.43	1.30E-34	4.10E-37	5.50E-13	6.70E-30	hyper2	hyper1	hyper1	hyper2
0	0.28	0.22	0.38	1	1.10E-14	1.20E-19	1.90E-38	NA	hyper1	hyper1	hyper2
0.1	0.23	0.28	0.37	0.0019	9.50E-15	1.80E-22	6.70E-33	NA	hyper1	hyper1	hyper2
0.06	0.13	0.11	0.33	4.10E-05	3.70E-15	2.50E-19	1.60E-111	NA	hyper1	hyper1	hyper2
0.28	0.41	0.3	0.44	2.30E-15	1.80E-32	1.90E-27	2.90E-53	hyper1	hyper2	hyper1	hyper2
0.35	0.41	0.14	0.44	1.50E-79	2.70E-108	8.30E-20	1.80E-99	hyper2	hyper2	hyper1	hyper2
0.43	0.37	0.32	0.46	8.50E-186	3.10E-152	4.20E-158	3.10E-274	hyper2	hyper2	hyper1	hyper2
0.42	0.61	0.19	0.43	4.30E-38	3.50E-71	1.30E-20	9.40E-66	hyper2	hyper3	hyper1	hyper2
0.05	0.07	0.26	0.52	0.11	0.023	5.80E-30	1.20E-78	NA	NA	hyper1	hyper2
NA	NA	0.22	0.34	NA	NA	2.30E-13	1.70E-27	NA	NA	hyper1	hyper2
0.03	0.02	0.22	0.39	0.75	0.97	1.40E-10	4.50E-23	NA	NA	hyper1	hyper2
0.19	0.05	0.16	0.4	0.00017	0.16	1.40E-23	3.70E-89	NA	NA	hyper1	hyper2
0.08	0.02	0.21	0.41	2.10E-05	0.25	1.30E-36	5.40E-109	NA	NA	hyper1	hyper2
0.24	0.34	0.44	0.44	0.00013	7.20E-11	5.90E-33	1.60E-30	NA	hyper2	hyper2	hyper2
0.7	0.75	0.51	0.46	6.20E-44	2.30E-48	2.70E-36	2.20E-24	hyper3	hyper3	hyper2	hyper2
0.4	0.26	0.21	0.34	1.60E-24	1.50E-11	1.70E-09	4.20E-17	hyper2	hyper1	NA	hyper2
0.13	0.19	0.15	0.33	5.60E-06	6.60E-11	3.70E-08	2.00E-20	NA	hyper1	NA	hyper2
0.03	0.22	0.15	0.46	0.38	5.70E-10	0.00011	1.40E-24	NA	hyper1	NA	hyper2
0.25	0.23	0.11	0.4	1.30E-09	3.10E-10	0.00014	2.10E-28	NA	hyper1	NA	hyper2
0.43	0.35	0.15	0.42	2.70E-39	1.60E-32	2.30E-09	4.40E-46	hyper2	hyper2	NA	hyper2

0.38	0.38	0.11	0.36	1.00E-15	1.50E-12	0.0016	8.20E-18	hyper2	hyper2	NA	hyper2
0.46	0.35	0.09	0.41	5.50E-83	1.20E-88	3.50E-07	2.50E-30	hyper2	hyper2	NA	hyper2
0.49	0.46	0.08	0.38	6.90E-20	1.60E-17	0.16	1.70E-11	hyper2	hyper2	NA	hyper2
-0.09	0.39	0.16	0.36	0.093	4.20E-17	3.50E-07	2.90E-24	NA	hyper2	NA	hyper2
0.35	0.54	0.23	0.34	3.80E-05	6.00E-14	4.00E-05	6.10E-11	NA	hyper2	NA	hyper2
0.16	0.11	0.11	0.35	1.50E-11	4.10E-08	1.50E-08	6.10E-53	hyper1	NA	NA	hyper2
0.55	-0.01	0.21	0.39	3.60E-15	1	9.30E-05	5.80E-13	hyper2	NA	NA	hyper2
0.3	0.13	0.16	0.36	0.00024	0.12	3.30E-05	1.10E-15	NA	NA	NA	hyper2
-0.11	0.01	0.29	0.55	0.039	1	1.20E-06	1.60E-21	NA	NA	NA	hyper2
-0.03	0.06	0.07	0.34	0.82	0.16	0.044	7.50E-12	NA	NA	NA	hyper2
-0.22	-0.2	0.17	0.37	0.026	0.14	4.30E-05	4.10E-17	NA	NA	NA	hyper2
0.09	0.04	-0.05	0.34	0.38	0.84	0.28	7.80E-13	NA	NA	NA	hyper2
0.18	0.1	0.06	0.33	5.60E-06	6.10E-05	0.00053	1.20E-49	NA	NA	NA	hyper2
-0.18	0	0.11	0.42	0.23	1	0.00031	3.90E-31	NA	NA	NA	hyper2
0.07	0.3	0.06	0.38	0.24	6.20E-05	0.061	2.20E-24	NA	NA	NA	hyper2
0.65	0.47	0.11	0.35	0.25	0.00025	0.00077	1.60E-21	NA	NA	NA	hyper2
NA	-0.6	0.19	0.42	NA	0.4	3.30E-06	8.10E-17	NA	NA	NA	hyper2
0.63	0.11	0.04	0.41	2.70E-07	0.16	0.11	2.00E-22	NA	NA	NA	hyper2
-0.11	0.05	0.16	0.35	0.18	0.67	3.80E-07	2.00E-22	NA	NA	NA	hyper2
-0.04	0.37	-0.02	0.41	0.63	0.00087	0.6	3.90E-13	NA	NA	NA	hyper2
-0.12	-0.16	0.29	0.4	0.25	0.082	1.80E-07	1.70E-10	NA	NA	NA	hyper2
-0.02	0	0.12	0.36	1	1	0.0067	1.50E-14	NA	NA	NA	hyper2
0.38	0.19	0.14	0.33	5.10E-07	3.50E-08	1.10E-06	2.60E-19	NA	NA	NA	hyper2
0.3	-0.05	-0.05	0.45	0.00079	0.69	0.13	5.00E-18	NA	NA	NA	hyper2
0.26	0.15	0.17	0.56	0.0029	0.066	0.0037	1.00E-16	NA	NA	NA	hyper2
0.2	0.22	0.19	0.35	0.1	0.04	0.00077	8.40E-11	NA	NA	NA	hyper2
0.16	-0.04	0.04	0.4	0.28	0.84	0.32	4.50E-12	NA	NA	NA	hyper2
-0.01	0.44	0.03	0.38	1	4.50E-05	0.19	3.40E-15	NA	NA	NA	hyper2
-0.02	-0.01	-0.02	0.34	0.51	0.7	0.52	2.80E-17	NA	NA	NA	hyper2
0.16	0.29	0.06	0.34	0.0019	1.10E-07	0.081	1.20E-13	NA	NA	NA	hyper2

0.16	0.23	0.24	0.64	7.90E-05	6.60E-05	3.70E-14	9.40E-65	NA	NA	hyper1	hyper3
0	-0.01	0.39	0.65	1	0.99	5.00E-18	1.10E-40	NA	NA	hyper2	hyper3
0	0.5	0.4	0.61	1	0.58	5.60E-07	7.00E-15	NA	NA	NA	hyper3
-0.13	-0.1	0.31	0.82	0.56	0.54	0.00017	1.70E-13	NA	NA	NA	hyper3
NA	NA	0.07	0.86	NA	NA	0.65	6.70E-10	NA	NA	NA	hyper3
-0.02	0.27	-0.21	-0.2	0.7	9.40E-18	2.20E-21	8.60E-18	NA	hyper1	hypo1	hypo1
0.04	-0.03	-0.15	-0.11	0.059	0.051	5.60E-29	1.10E-11	NA	NA	hypo1	hypo1
0.01	0	-0.29	-0.17	0.94	1	9.00E-47	7.00E-12	NA	NA	hypo1	hypo1
0.11	0.16	-0.28	-0.28	0.028	0.018	1.10E-13	6.60E-13	NA	NA	hypo1	hypo1
0	-0.04	-0.29	-0.12	0.95	0.022	2.40E-69	3.20E-10	NA	NA	hypo1	hypo1
0.07	0.04	-0.11	-0.07	6.80E-06	0.00024	2.10E-31	2.90E-14	NA	NA	hypo1	hypo1
-0.38	-0.23	-0.27	-0.31	9.00E-08	6.00E-04	5.60E-10	4.80E-12	NA	NA	hypo1	hypo1
-0.13	-0.08	-0.17	-0.21	1.10E-05	0.0013	6.00E-13	1.60E-15	NA	NA	hypo1	hypo1
0.08	0	-0.29	-0.22	0.19	1	1.80E-18	1.00E-10	NA	NA	hypo1	hypo1
-0.01	-0.03	-0.28	-0.31	1	0.71	5.50E-12	3.60E-12	NA	NA	hypo1	hypo1
-0.02	0	-0.19	-0.14	0.32	0.99	2.40E-37	3.10E-13	NA	NA	hypo1	hypo1
-0.03	-0.04	-0.32	-0.24	0.23	0.23	1.80E-27	4.60E-14	NA	NA	hypo1	hypo1
-0.11	-0.07	-0.24	-0.22	0.00082	0.032	2.70E-15	3.60E-13	NA	NA	hypo1	hypo1
0.08	0	-0.48	-0.31	0.099	1	5.00E-79	3.90E-24	NA	NA	hypo2	hypo1
0.01	-0.11	-0.35	-0.21	1	0.028	8.60E-23	6.70E-11	NA	NA	hypo2	hypo1
-0.11	-0.01	-0.35	-0.25	0.58	1	2.20E-29	4.20E-11	NA	NA	hypo2	hypo1
0.09	0.03	-0.36	-0.31	0.12	0.58	3.60E-29	5.30E-22	NA	NA	hypo2	hypo1
-0.08	-0.03	-0.08	-0.15	0.016	0.54	0.0032	8.10E-12	NA	NA	NA	hypo1
0.08	-0.03	-0.07	-0.12	0.26	0.56	0.00051	2.40E-13	NA	NA	NA	hypo1
-0.02	0.08	-0.11	-0.14	0.57	0.049	6.90E-06	7.40E-10	NA	NA	NA	hypo1
0.18	0.18	-0.22	-0.27	0.00016	0.00037	3.00E-09	2.40E-12	NA	NA	NA	hypo1
-0.41	-0.5	-0.4	-0.46	2.80E-05	6.20E-12	3.50E-20	3.40E-25	NA	hypo2	hypo2	hypo2
-0.6	-0.68	-0.49	-0.47	2.40E-38	9.80E-48	9.20E-20	2.00E-22	hypo2	hypo3	hypo2	hypo2
-0.28	-0.18	-0.4	-0.38	8.40E-13	1.30E-07	6.70E-50	1.20E-42	hypo1	NA	hypo2	hypo2
-0.5	-0.08	-0.55	-0.44	1.40E-17	0.1	1.30E-42	5.30E-25	hypo2	NA	hypo2	hypo2

0.07	0.06	-0.34	-0.42	0.033	0.11	7.60E-19	1.80E-19	NA	NA	hypo2	hypo2
-0.13	-0.24	-0.42	-0.54	0.0022	7.70E-07	8.40E-21	2.60E-27	NA	NA	hypo2	hypo2
-0.24	-0.06	-0.34	-0.38	7.90E-06	0.22	2.00E-10	2.10E-11	NA	NA	hypo2	hypo2
-0.01	0.03	-0.42	-0.37	1	0.86	5.80E-15	5.00E-12	NA	NA	hypo2	hypo2
0.04	0.04	-0.45	-0.57	0.37	0.26	4.10E-24	1.50E-30	NA	NA	hypo2	hypo2
0.05	0.19	-0.38	-0.35	0.48	5.50E-05	3.90E-19	7.30E-15	NA	NA	hypo2	hypo2
0.16	0.15	-0.45	-0.42	1.20E-06	3.50E-07	2.20E-61	5.40E-41	NA	NA	hypo2	hypo2
-0.13	-0.04	-0.36	-0.37	0.016	0.49	2.00E-27	1.30E-20	NA	NA	hypo2	hypo2
0.21	-0.15	-0.44	-0.52	5.90E-09	4.60E-05	1.80E-40	4.30E-66	NA	NA	hypo2	hypo2
-0.21	-0.05	-0.44	-0.58	0.00013	0.28	2.00E-12	1.00E-20	NA	NA	hypo2	hypo2
-0.24	-0.18	-0.52	-0.5	0.0098	0.033	3.30E-18	2.60E-17	NA	NA	hypo2	hypo2
0.07	-0.03	-0.51	-0.42	0.15	0.66	2.90E-28	3.20E-12	NA	NA	hypo2	hypo2
-0.1	-0.08	-0.55	-0.45	0.036	0.061	1.40E-43	2.90E-30	NA	NA	hypo2	hypo2
NA	-0.08	-0.43	-0.49	NA	1	6.60E-12	4.20E-12	NA	NA	hypo2	hypo2
0.08	-0.07	-0.42	-0.38	0.16	0.13	7.40E-44	2.90E-28	NA	NA	hypo2	hypo2
0.03	0.02	-0.56	-0.55	0.33	0.46	3.00E-117	8.40E-93	NA	NA	hypo2	hypo2
-0.22	-0.18	-0.45	-0.38	0.0044	0.012	2.20E-28	4.90E-15	NA	NA	hypo2	hypo2
0.02	0	-0.52	-0.51	0.96	1	1.20E-15	8.50E-15	NA	NA	hypo2	hypo2
0	-0.44	-0.56	-0.55	1	0.19	3.00E-20	8.90E-19	NA	NA	hypo2	hypo2
-0.44	-0.58	-0.61	-0.49	0.00016	8.60E-08	7.40E-22	7.60E-14	NA	NA	hypo3	hypo2
-0.52	-0.43	-0.32	-0.46	1.90E-17	8.90E-14	8.80E-09	6.40E-18	hypo2	hypo2	NA	hypo2
-0.43	-0.13	-0.24	-0.39	1.20E-09	0.071	6.50E-07	1.10E-15	NA	NA	NA	hypo2
-0.08	-0.08	-0.15	-0.34	0.065	0.037	0.00066	2.60E-11	NA	NA	NA	hypo2
-0.06	-0.04	-0.3	-0.41	0.46	0.68	2.70E-09	3.60E-13	NA	NA	NA	hypo2
NA	NA	-0.37	-0.5	NA	NA	3.40E-07	3.50E-10	NA	NA	NA	hypo2
NA	NA	-0.89	-0.93	NA	NA	3.30E-10	4.00E-15	NA	NA	hypo3	hypo3
0.39	0.39	-0.66	-0.69	0.017	0.011	6.60E-21	2.10E-21	NA	NA	hypo3	hypo3
0.12	-0.11	0.24	0.02	0.32	0.14	1.10E-12	0.66	NA	NA	hyper1	NA
0.89	NA	0.36	NA	0.00087	NA	1.00E-13	NA	NA	NA	hyper2	NA
0.18	-0.04	0.37	0.34	0.1	0.77	2.50E-12	8.90E-09	NA	NA	hyper2	NA

NA	NA	0.34	0.2	NA	NA	2.30E-10	0.00017	NA	NA	hyper2	NA
0.1	0.08	0.56	0.02	3.00E-05	5.10E-05	0	0.14	NA	NA	hyper2	NA
0.04	0.1	-0.07	-0.02	0.0092	1.60E-11	2.20E-11	0.032	NA	hyper1	hypo1	NA
0.28	0.4	-0.21	-0.04	4.30E-16	5.00E-31	1.00E-18	0.14	hyper1	hyper2	hypo1	NA
0.36	0.37	-0.15	-0.06	1.60E-36	9.70E-46	9.70E-12	0.0098	hyper2	hyper2	hypo1	NA
0.17	0.53	-0.12	-0.08	0.0019	1.60E-14	6.40E-10	2.10E-05	NA	hyper2	hypo1	NA
-0.16	-0.41	-0.32	-0.23	0.069	1.90E-25	3.90E-22	2.00E-09	NA	hypo2	hypo1	NA
-0.06	-0.01	-0.06	-0.01	0.00029	0.48	3.60E-12	0.56	NA	NA	hypo1	NA
-0.07	0.02	-0.08	-0.04	0.0026	0.36	1.20E-10	0.0088	NA	NA	hypo1	NA
0.03	0.08	-0.13	-0.01	0.051	1.60E-05	3.60E-12	0.77	NA	NA	hypo1	NA
0.05	-0.01	-0.14	-0.05	0.11	0.72	7.70E-14	0.012	NA	NA	hypo1	NA
0.03	0.06	-0.13	-0.07	0.33	0.042	6.20E-10	0.0042	NA	NA	hypo1	NA
0.03	0.02	-0.13	0.02	0.33	0.33	6.30E-17	0.4	NA	NA	hypo1	NA
-0.05	-0.08	-0.13	-0.05	0.44	0.066	4.50E-10	0.061	NA	NA	hypo1	NA
0.02	0.07	-0.28	-0.19	0.56	0.028	6.90E-23	2.10E-08	NA	NA	hypo1	NA
0.01	0.09	-0.1	-0.07	0.82	0.00016	5.70E-10	3.00E-04	NA	NA	hypo1	NA
0.16	0.17	-0.14	-0.07	1.90E-09	1.20E-09	2.10E-12	0.001	NA	NA	hypo1	NA
0.1	0.04	-0.13	-0.05	0.043	0.17	1.60E-10	0.058	NA	NA	hypo1	NA
0.03	0.04	-0.1	-0.05	0.2	0.081	9.30E-11	0.0054	NA	NA	hypo1	NA
-0.05	-0.06	-0.18	-0.07	0.57	0.34	1.00E-11	0.028	NA	NA	hypo1	NA
-0.03	0	-0.14	-0.07	0.59	1	8.10E-10	0.013	NA	NA	hypo1	NA
NA	NA	-0.25	-0.06	NA	NA	4.90E-10	0.44	NA	NA	hypo1	NA
0.06	0.07	-0.08	-0.02	1.80E-05	2.80E-07	5.10E-13	0.12	NA	NA	hypo1	NA
-0.15	-0.13	-0.16	-0.03	7.10E-05	7.00E-04	5.20E-10	0.42	NA	NA	hypo1	NA
0.08	0.01	-0.13	-0.11	0.00023	0.58	7.50E-10	2.90E-05	NA	NA	hypo1	NA
0.05	0.02	-0.07	-0.02	0.047	0.5	6.20E-11	0.061	NA	NA	hypo1	NA
-0.05	-0.05	-0.07	-0.01	0.38	0.19	7.00E-11	0.63	NA	NA	hypo1	NA
0.14	0.05	-0.11	-0.06	7.30E-07	0.019	2.80E-10	0.0018	NA	NA	hypo1	NA
0.07	0.09	-0.07	-0.01	2.90E-05	1.20E-08	7.30E-11	0.64	NA	NA	hypo1	NA
0.09	0.04	-0.15	-0.12	0.01	0.23	1.10E-15	9.70E-09	NA	NA	hypo1	NA

0.04	0.06	-0.1	0	0.048	3.40E-05	1.70E-12	0.98	NA	NA	hypo1	NA
0.02	0	-0.1	-0.04	0.97	1	1.50E-10	0.039	NA	NA	hypo1	NA
0	0.03	-0.06	-0.02	1	0.008	2.60E-10	0.033	NA	NA	hypo1	NA
0.03	0.06	-0.06	0.02	0.06	0.0032	1.50E-10	0.015	NA	NA	hypo1	NA
0.04	0.04	-0.08	-0.05	0.14	0.024	8.00E-10	6.00E-05	NA	NA	hypo1	NA
0.03	-0.03	-0.14	-0.08	0.65	0.55	2.10E-10	0.002	NA	NA	hypo1	NA
0.04	0.01	-0.07	-0.03	0.019	0.47	1.90E-10	0.0057	NA	NA	hypo1	NA
0.05	0.09	-0.11	-0.05	0.066	0.0015	1.20E-13	0.002	NA	NA	hypo1	NA
-0.02	0.03	-0.11	-0.03	0.47	0.57	8.60E-10	0.11	NA	NA	hypo1	NA
-0.24	-0.15	-0.11	-0.04	2.00E-07	0.02	2.20E-10	0.0073	NA	NA	hypo1	NA
0.22	-0.01	-0.12	-0.1	3.30E-06	0.69	4.00E-15	2.90E-07	NA	NA	hypo1	NA
0.07	0.03	-0.1	-0.04	0.00061	0.096	9.60E-18	0.0084	NA	NA	hypo1	NA
0.15	0.1	-0.09	-0.04	0.00082	0.00051	2.50E-10	0.0069	NA	NA	hypo1	NA
0.08	0.01	-0.1	-0.02	0.027	0.95	1.80E-10	0.26	NA	NA	hypo1	NA
-0.01	-0.07	-0.29	-0.23	0.98	0.087	3.90E-11	3.20E-07	NA	NA	hypo1	NA
-0.02	-0.16	-0.14	-0.03	0.88	0.093	9.00E-10	0.39	NA	NA	hypo1	NA
0.01	0.11	-0.08	-0.03	0.91	0.00021	3.40E-10	0.05	NA	NA	hypo1	NA
0.01	0.21	-0.21	-0.12	0.99	1.30E-05	1.70E-18	2.00E-04	NA	NA	hypo1	NA
-0.14	-0.14	-0.26	-0.18	0.00013	7.60E-05	3.10E-16	1.30E-09	NA	NA	hypo1	NA
0.16	0.07	-0.09	-0.03	0.00027	0.0021	1.60E-10	0.093	NA	NA	hypo1	NA
-0.19	0	-0.14	-0.11	0.0025	1	2.80E-16	1.30E-07	NA	NA	hypo1	NA
-0.29	NA	-0.24	-0.03	0.043	NA	2.20E-11	0.57	NA	NA	hypo1	NA
0.06	0.06	-0.11	-0.03	0.045	0.011	2.20E-10	0.15	NA	NA	hypo1	NA
0.05	0	-0.07	-0.01	0.046	0.91	1.50E-10	0.36	NA	NA	hypo1	NA
0.07	0.07	-0.1	-0.03	0.047	0.064	3.30E-10	0.15	NA	NA	hypo1	NA
-0.1	-0.06	-0.14	-0.12	0.076	0.51	2.70E-11	1.10E-06	NA	NA	hypo1	NA
-0.04	0.04	-0.08	0.02	0.16	0.11	5.10E-12	0.16	NA	NA	hypo1	NA
0.06	-0.03	-0.15	-0.11	0.17	0.3	6.60E-10	9.90E-06	NA	NA	hypo1	NA
0.07	0.15	-0.22	-0.03	0.29	0.02	2.70E-10	0.66	NA	NA	hypo1	NA
-0.02	-0.03	-0.11	-0.01	0.83	0.44	2.50E-14	0.71	NA	NA	hypo1	NA

0.09	0.07	-0.1	-0.04	0.0013	0.0019	2.90E-10	0.063	NA	NA	hypo1	NA
0.18	0.1	-0.13	-0.06	0.014	0.01	2.70E-11	0.0037	NA	NA	hypo1	NA
0.02	0.03	-0.1	-0.03	0.64	0.33	1.70E-10	0.068	NA	NA	hypo1	NA
0.1	0.04	-0.06	-0.01	1.30E-06	0.047	3.10E-10	0.29	NA	NA	hypo1	NA
0.15	0.09	-0.24	-0.16	0.00036	0.008	2.50E-22	3.20E-09	NA	NA	hypo1	NA
0.13	0.03	-0.16	-0.12	0.004	0.3	8.80E-12	7.90E-07	NA	NA	hypo1	NA
0.05	0.04	-0.09	-0.03	0.022	0.047	7.90E-11	0.051	NA	NA	hypo1	NA
-0.08	0.01	-0.3	-0.16	0.057	0.97	2.30E-15	4.10E-05	NA	NA	hypo1	NA
-0.14	-0.23	-0.2	-0.11	0.13	0.00098	4.60E-14	0.00039	NA	NA	hypo1	NA
0.04	0.03	-0.13	-0.01	0.38	0.62	8.90E-14	0.56	NA	NA	hypo1	NA
0.09	-0.09	-0.29	-0.17	0.51	0.67	4.70E-11	0.0027	NA	NA	hypo1	NA
0.19	0.01	-0.27	-0.24	0.62	0.88	2.20E-10	2.10E-07	NA	NA	hypo1	NA
-0.01	0.02	-0.11	-0.07	0.83	0.4	3.70E-12	0.00016	NA	NA	hypo1	NA
0.11	0.01	-0.3	-0.13	0.9	1	5.30E-13	0.0086	NA	NA	hypo1	NA
0.02	0.08	-0.12	-0.08	0.91	0.095	8.60E-11	0.0018	NA	NA	hypo1	NA
-0.1	NA	-0.22	-0.09	1	NA	2.60E-10	0.065	NA	NA	hypo1	NA
0.03	-0.01	-0.13	-0.09	1	0.96	4.70E-10	0.00017	NA	NA	hypo1	NA
0.01	0.01	-0.08	-0.02	0.8	0.56	5.70E-10	0.2	NA	NA	hypo1	NA
0	0.07	-0.07	-0.01	0.98	0.04	1.80E-11	0.71	NA	NA	hypo1	NA
0.16	-0.05	-0.1	-0.08	3.40E-07	0.031	1.60E-10	1.60E-07	NA	NA	hypo1	NA
0.07	0.08	-0.1	-0.08	0.0068	0.0017	4.00E-10	2.10E-06	NA	NA	hypo1	NA
-0.02	0.01	-0.07	-0.01	0.33	0.69	2.00E-11	0.42	NA	NA	hypo1	NA
0.1	0.02	-0.26	-0.16	0.34	0.73	2.10E-10	0.00057	NA	NA	hypo1	NA
-0.01	0.05	-0.07	-0.01	0.59	0.032	2.10E-11	0.63	NA	NA	hypo1	NA
-0.02	0.02	-0.2	-0.12	0.64	0.67	4.50E-14	0.00029	NA	NA	hypo1	NA
0.01	0.02	-0.12	-0.06	0.72	0.34	6.40E-11	0.0062	NA	NA	hypo1	NA
-0.01	-0.07	-0.16	-0.11	0.99	0.041	1.60E-20	1.80E-06	NA	NA	hypo1	NA
0.09	-0.01	-0.18	-0.05	2.40E-05	0.8	9.90E-43	0.00039	NA	NA	hypo1	NA
0.12	0.12	-0.1	-0.02	0.0011	0.00082	8.90E-10	0.31	NA	NA	hypo1	NA
0.11	0.01	-0.15	-0.16	0.0027	0.84	1.20E-10	1.70E-08	NA	NA	hypo1	NA

0.15	0.14	-0.13	-0.06	0.0029	0.0015	3.30E-19	0.00019	NA	NA	hypo1	NA
-0.04	-0.07	-0.1	0	0.21	0.0033	9.90E-11	1	NA	NA	hypo1	NA
-0.02	-0.1	-0.09	-0.06	0.53	2.70E-05	1.60E-14	3.90E-05	NA	NA	hypo1	NA
0.01	-0.03	-0.12	-0.08	0.75	0.46	5.60E-18	6.70E-06	NA	NA	hypo1	NA
-0.01	-0.08	-0.12	-0.1	0.9	0.0054	5.10E-12	4.10E-09	NA	NA	hypo1	NA
0	0.07	-0.06	0.02	0.91	0.00052	1.70E-10	0.14	NA	NA	hypo1	NA
0.08	0.09	-0.21	-0.14	0.94	0.17	8.20E-13	0.00098	NA	NA	hypo1	NA
0	0	-0.06	0.01	0.95	0.89	7.70E-17	0.56	NA	NA	hypo1	NA
0.02	0.04	-0.16	-0.09	1	0.43	3.70E-15	0.00015	NA	NA	hypo1	NA
0.02	-0.01	-0.33	-0.25	1	1	1.50E-13	7.70E-08	NA	NA	hypo1	NA
0.16	0.29	-0.14	-0.11	0.00077	1.20E-07	2.50E-10	2.30E-06	NA	NA	hypo1	NA
0.03	0.02	-0.07	-0.04	0.018	0.16	2.70E-16	1.50E-06	NA	NA	hypo1	NA
0.41	0.05	-0.23	0	1.30E-08	0.57	7.30E-10	1	NA	NA	hypo1	NA
0.08	0.05	-0.1	-0.03	0.018	0.019	1.70E-23	0.0064	NA	NA	hypo1	NA
-0.25	-0.34	-0.31	-0.16	0.14	0.027	5.20E-10	0.0045	NA	NA	hypo1	NA
-0.03	-0.01	-0.08	-0.03	0.29	0.37	4.00E-12	0.017	NA	NA	hypo1	NA
0.02	0.11	-0.07	0	0.36	7.50E-07	8.10E-11	0.95	NA	NA	hypo1	NA
0.09	0.03	-0.26	-0.19	0.48	0.8	5.50E-20	0.001	NA	NA	hypo1	NA
-0.01	0.02	-0.09	-0.01	0.8	0.49	7.90E-11	0.53	NA	NA	hypo1	NA
NA	0.06	-0.27	-0.22	NA	0.37	1.60E-20	1.30E-09	NA	NA	hypo1	NA
0.24	0.07	-0.13	-0.1	2.30E-06	0.07	4.60E-13	1.10E-05	NA	NA	hypo1	NA
-0.05	-0.05	-0.06	-0.01	0.00012	1.60E-06	3.40E-16	0.19	NA	NA	hypo1	NA
-0.08	0.04	-0.11	-0.03	0.0011	0.32	8.60E-10	0.26	NA	NA	hypo1	NA
-0.15	-0.14	-0.16	-0.1	0.047	0.019	1.50E-11	8.00E-04	NA	NA	hypo1	NA
-0.03	-0.03	-0.12	-0.07	0.19	0.39	1.40E-15	0.00041	NA	NA	hypo1	NA
0.02	0.01	-0.11	-0.09	0.3	0.77	2.40E-11	1.60E-06	NA	NA	hypo1	NA
-0.02	0.09	-0.12	-0.02	0.34	3.00E-04	5.90E-10	0.32	NA	NA	hypo1	NA
-0.06	0.4	-0.18	-0.14	0.58	2.40E-06	9.60E-18	9.20E-07	NA	NA	hypo1	NA
-0.01	0.02	-0.06	-0.01	0.63	0.12	6.30E-11	0.67	NA	NA	hypo1	NA
NA	0.29	-0.29	-0.17	NA	0.2	2.80E-11	0.017	NA	NA	hypo1	NA

0.05	0.02	-0.08	0	0.0011	0.15	5.10E-14	0.89	NA	NA	hypo1	NA
0.12	0.05	-0.1	-0.05	0.0088	0.14	1.90E-10	0.0024	NA	NA	hypo1	NA
-0.1	0.01	-0.12	-0.1	0.014	0.88	1.70E-12	8.70E-07	NA	NA	hypo1	NA
0.15	0	-0.1	-0.06	0.015	1	1.00E-09	0.00075	NA	NA	hypo1	NA
-0.07	-0.18	-0.31	-0.27	0.31	0.0044	4.70E-11	3.50E-09	NA	NA	hypo1	NA
0.03	0	-0.14	-0.12	0.73	1	2.70E-12	2.00E-07	NA	NA	hypo1	NA
-0.01	-0.07	-0.07	-0.02	0.76	1.20E-05	6.00E-10	0.094	NA	NA	hypo1	NA
-0.06	-0.09	-0.18	-0.09	0.86	0.32	9.80E-10	0.018	NA	NA	hypo1	NA
-0.05	0.85	-0.19	-0.19	0.96	0.0049	1.90E-11	2.10E-05	NA	NA	hypo1	NA
0.66	0.57	-0.37	-0.3	4.70E-21	7.30E-17	1.90E-14	1.90E-07	hyper3	hyper2	hypo2	NA
0.48	0.67	-0.4	-0.2	8.30E-12	4.30E-12	1.60E-17	0.00012	hyper2	hyper3	hypo2	NA
-0.61	NA	-0.43	-0.34	5.00E-16	NA	1.80E-13	3.60E-09	hypo3	NA	hypo2	NA
NA	0.02	-0.39	-0.28	NA	0.86	5.70E-14	7.70E-07	NA	NA	hypo2	NA
-0.35	-0.27	-0.35	-0.28	4.80E-06	0.00063	9.10E-14	4.40E-08	NA	NA	hypo2	NA
0.15	-0.03	-0.34	-0.17	0.74	1	5.30E-17	0.00037	NA	NA	hypo2	NA
0.23	0.15	-0.33	-0.22	5.00E-06	0.004	1.00E-11	0.00015	NA	NA	hypo2	NA
NA	0.09	-0.47	-0.39	NA	1	7.00E-11	0.0022	NA	NA	hypo2	NA
0.25	-0.11	-0.49	-0.37	0.024	1	1.30E-10	0.00052	NA	NA	hypo2	NA
0.25	0.17	0.09	0.1	2.80E-24	2.20E-13	7.50E-06	4.70E-06	hyper1	hyper1	NA	NA
0.18	0.16	-0.01	-0.01	2.10E-87	8.60E-77	0.0057	0.1	hyper1	hyper1	NA	NA
0.14	0.16	0.02	0.06	4.90E-14	2.00E-19	0.21	1.10E-05	hyper1	hyper1	NA	NA
0.24	0.18	0.04	0.06	8.60E-22	1.40E-18	0.087	0.0039	hyper1	hyper1	NA	NA
0.14	0.13	-0.05	-0.02	7.10E-12	4.30E-15	0.00025	0.1	hyper1	hyper1	NA	NA
0.3	0.21	0.03	0.06	1.80E-63	2.10E-37	0.14	0.001	hyper1	hyper1	NA	NA
0.16	0.14	-0.02	0.04	0	0	0.19	0.041	hyper1	hyper1	NA	NA
0.27	0.24	0	0.05	2.10E-24	3.50E-24	1	0.0023	hyper1	hyper1	NA	NA
0.14	0.11	-0.02	0.02	6.00E-12	4.30E-14	0.051	0.14	hyper1	hyper1	NA	NA
0.26	0.23	-0.05	0.06	4.50E-12	8.70E-11	0.036	0.014	hyper1	hyper1	NA	NA
0.1	0.1	0	0.04	3.90E-10	1.40E-13	0.93	0.036	hyper1	hyper1	NA	NA
0.12	0.21	-0.04	0.01	8.10E-13	3.00E-28	0.0017	0.35	hyper1	hyper1	NA	NA

0.24	0.23	-0.01	0.07	5.30E-11	1.50E-10	0.76	0.00049	hyper1	hyper1	NA	NA
0.3	0.21	-0.02	-0.07	1.50E-10	3.60E-10	0.53	0.0038	hyper1	hyper1	NA	NA
0.35	0.18	-0.05	-0.01	3.10E-21	4.80E-11	0.011	0.55	hyper2	hyper1	NA	NA
0.35	0.29	-0.06	-0.02	1.90E-13	3.00E-11	0.15	0.88	hyper2	hyper1	NA	NA
0.69	0.31	-0.05	-0.01	4.30E-05	1.80E-11	0.027	0.78	NA	hyper1	NA	NA
0.1	0.21	-0.06	-0.02	6.20E-05	7.20E-18	4.90E-07	0.16	NA	hyper1	NA	NA
0.04	0.1	-0.02	0.04	0.0059	1.00E-11	0.22	0.0058	NA	hyper1	NA	NA
0.12	0.3	-0.06	-0.02	0.013	3.50E-15	0.0058	0.32	NA	hyper1	NA	NA
0.07	0.27	-0.08	0.04	0.014	8.20E-12	1.10E-09	0.043	NA	hyper1	NA	NA
0.07	0.29	-0.05	0.02	0.026	2.40E-15	0.006	0.25	NA	hyper1	NA	NA
0.03	0.11	-0.06	0	0.027	7.90E-10	2.40E-05	0.84	NA	hyper1	NA	NA
0.08	0.25	-0.05	0.01	0.051	1.50E-10	0.00029	0.61	NA	hyper1	NA	NA
0.06	0.33	-0.06	0.05	0.11	2.40E-18	0.00025	0.026	NA	hyper1	NA	NA
0.04	0.27	0.02	0.08	0.41	7.90E-15	0.28	9.50E-07	NA	hyper1	NA	NA
-0.02	0.17	-0.05	-0.01	0.5	4.40E-10	0.00062	0.6	NA	hyper1	NA	NA
0.03	0.29	-0.05	0.04	0.84	3.00E-14	0.0058	0.1	NA	hyper1	NA	NA
0.12	0.22	-0.04	0.06	1.60E-06	1.50E-17	0.0055	9.10E-05	NA	hyper1	NA	NA
0.06	0.2	0	0.06	0.0031	3.80E-16	0.92	0.00081	NA	hyper1	NA	NA
0.07	0.2	-0.01	0.02	0.01	2.10E-11	0.79	0.41	NA	hyper1	NA	NA
0.05	0.3	0.02	0.05	0.15	2.60E-29	0.41	0.053	NA	hyper1	NA	NA
-0.03	0.21	-0.06	0.02	0.27	6.00E-18	0.0015	0.38	NA	hyper1	NA	NA
0.21	0.24	-0.12	0	5.10E-07	1.80E-13	6.30E-06	1	NA	hyper1	NA	NA
0.18	0.3	-0.06	-0.03	9.00E-04	3.00E-12	0.0033	0.24	NA	hyper1	NA	NA
0.06	0.17	-0.03	0.04	0.0016	4.90E-21	0.01	0.00053	NA	hyper1	NA	NA
0.12	0.18	-0.02	0.06	0.0049	6.80E-10	0.41	0.011	NA	hyper1	NA	NA
0.11	0.32	-0.04	-0.02	0.077	4.20E-10	0.13	0.49	NA	hyper1	NA	NA
-0.03	0.27	0.06	0.03	0.5	8.40E-14	0.00038	0.042	NA	hyper1	NA	NA
0.1	0.17	-0.02	0.01	7.10E-08	6.30E-17	0.066	0.56	NA	hyper1	NA	NA
0.09	0.14	-0.04	0	8.30E-05	1.90E-11	0.014	0.87	NA	hyper1	NA	NA
0.04	0.19	-0.02	-0.01	0.019	5.60E-23	0.096	0.31	NA	hyper1	NA	NA

0.02	0.23	-0.01	0.08	0.71	4.60E-14	0.63	1.20E-06	NA	hyper1	NA	NA
0.04	0.23	-0.06	0.01	0.78	3.50E-12	0.0082	0.67	NA	hyper1	NA	NA
0.09	0.09	-0.01	-0.02	4.10E-06	1.30E-11	0.64	0.18	NA	hyper1	NA	NA
0.14	0.2	0.04	0	0.0067	8.40E-11	0.26	1	NA	hyper1	NA	NA
0.1	0.24	-0.05	0.01	0.0082	8.50E-10	5.00E-04	0.48	NA	hyper1	NA	NA
0.09	0.3	-0.04	0.08	0.014	9.80E-13	0.1	0.013	NA	hyper1	NA	NA
0.03	0.15	-0.03	0	0.13	5.50E-15	0.0023	0.97	NA	hyper1	NA	NA
0.03	0.16	0.01	0.02	0.18	2.30E-10	0.62	0.11	NA	hyper1	NA	NA
0.03	0.17	-0.03	0.01	0.27	2.60E-17	0.0097	0.27	NA	hyper1	NA	NA
-0.02	0.26	-0.01	0.04	0.53	3.00E-10	0.64	0.00085	NA	hyper1	NA	NA
0.25	0.25	-0.06	0.08	6.50E-09	1.00E-10	0.011	0.0049	NA	hyper1	NA	NA
0.2	0.18	-0.01	0.02	6.00E-07	4.90E-12	0.49	0.25	NA	hyper1	NA	NA
0.12	0.18	-0.04	-0.01	1.40E-06	4.50E-13	0.036	0.75	NA	hyper1	NA	NA
0.08	0.18	-0.02	0	0.0072	8.40E-11	0.16	1	NA	hyper1	NA	NA
0.25	0.33	-0.08	-0.06	0.019	9.40E-12	0.00012	0.014	NA	hyper1	NA	NA
0.15	0.25	-0.03	0.02	0.026	4.10E-10	0.15	0.29	NA	hyper1	NA	NA
0.03	0.18	-0.03	0.02	0.17	4.20E-13	0.0057	0.26	NA	hyper1	NA	NA
0.14	0.18	-0.06	-0.02	6.60E-07	2.10E-15	4.30E-07	0.25	NA	hyper1	NA	NA
0.15	0.19	-0.07	0.01	9.20E-06	5.80E-10	2.30E-06	0.69	NA	hyper1	NA	NA
0.11	0.17	-0.01	0.06	5.50E-05	1.10E-14	0.37	1.30E-07	NA	hyper1	NA	NA
0.09	0.19	-0.06	0.02	0.00074	8.10E-23	2.00E-07	0.22	NA	hyper1	NA	NA
0.09	0.17	-0.01	0.03	0.0016	9.10E-12	0.31	0.04	NA	hyper1	NA	NA
0.07	0.23	0.01	-0.02	0.0027	4.50E-10	0.6	0.36	NA	hyper1	NA	NA
0.09	0.22	-0.01	0.04	0.21	1.70E-11	0.52	0.032	NA	hyper1	NA	NA
0.03	0.28	-0.04	-0.03	0.4	7.40E-27	0.039	0.18	NA	hyper1	NA	NA
0	0.09	-0.02	0.01	0.96	1.50E-12	0.0095	0.39	NA	hyper1	NA	NA
0.22	0.22	-0.05	-0.03	0.00033	1.80E-11	1.00E-05	0.0089	NA	hyper1	NA	NA
0.08	0.16	-0.03	-0.01	0.0012	1.50E-17	0.037	0.69	NA	hyper1	NA	NA
0.06	0.25	-0.06	0.01	0.13	1.20E-11	0.00066	0.54	NA	hyper1	NA	NA
0.14	0.22	-0.09	0	4.10E-06	9.00E-11	1.20E-05	1	NA	hyper1	NA	NA

0.06	0.14	-0.02	0	0.011	8.80E-10	0.18	0.88	NA	hyper1	NA	NA
0.1	0.33	-0.01	0.09	0.027	1.10E-14	0.9	0.0077	NA	hyper1	NA	NA
0.21	0.28	-0.06	-0.05	5.90E-09	7.20E-13	1.10E-05	0.0011	NA	hyper1	NA	NA
0.15	0.22	-0.01	0.03	7.70E-05	4.70E-10	0.76	0.061	NA	hyper1	NA	NA
0.07	0.12	-0.01	0.02	9.40E-05	5.20E-13	0.27	0.025	NA	hyper1	NA	NA
0.13	0.27	-0.09	0	0.00013	2.40E-13	2.40E-07	0.98	NA	hyper1	NA	NA
0.12	0.25	-0.06	0.01	0.00033	1.10E-14	0.0034	0.64	NA	hyper1	NA	NA
0.08	0.33	-0.02	0.05	0.0051	2.90E-23	0.33	0.0088	NA	hyper1	NA	NA
0.08	0.23	-0.02	0.05	0.01	4.10E-14	0.24	0.027	NA	hyper1	NA	NA
0.13	0.22	-0.04	-0.04	0.021	4.60E-13	0.053	0.048	NA	hyper1	NA	NA
0.13	0.19	-0.03	0.03	0.05	1.10E-10	0.06	0.05	NA	hyper1	NA	NA
0.03	0.18	-0.03	0.06	0.16	4.70E-14	0.014	8.60E-06	NA	hyper1	NA	NA
-0.16	0.22	-0.03	-0.02	1.80E-05	1.40E-13	0.12	0.25	NA	hyper1	NA	NA
0.08	0.16	-0.04	0.01	0.00024	2.70E-14	0.0066	0.46	NA	hyper1	NA	NA
0.04	0.09	-0.04	-0.02	0.002	4.80E-10	0.00038	0.042	NA	hyper1	NA	NA
0.03	0.1	-0.02	0	0.011	1.80E-18	0.23	1	NA	hyper1	NA	NA
0.06	0.32	-0.08	-0.05	0.15	3.30E-14	0.00012	0.05	NA	hyper1	NA	NA
-0.01	0.11	-0.04	0.04	0.49	2.20E-10	0.002	0.00095	NA	hyper1	NA	NA
0.16	0.15	-0.04	-0.03	5.30E-08	3.70E-13	0.0019	0.019	NA	hyper1	NA	NA
0.12	0.23	0.02	-0.01	2.20E-06	5.60E-17	0.57	0.85	NA	hyper1	NA	NA
0.18	0.27	-0.04	0.04	5.50E-06	6.00E-11	0.051	0.064	NA	hyper1	NA	NA
0.21	0.29	-0.14	-0.13	0.00018	1.70E-10	0.0034	0.013	NA	hyper1	NA	NA
0.05	0.11	-0.02	0.03	0.0093	2.60E-11	0.091	0.017	NA	hyper1	NA	NA
0.07	0.2	-0.04	-0.03	0.016	3.00E-12	0.049	0.085	NA	hyper1	NA	NA
0.05	0.24	-0.05	-0.01	0.027	7.00E-14	0.0053	0.74	NA	hyper1	NA	NA
-0.01	0.09	-0.05	0	0.58	6.30E-12	1.00E-09	0.86	NA	hyper1	NA	NA
0.19	0.14	0.02	0.07	6.50E-08	1.30E-10	0.21	0.00092	NA	hyper1	NA	NA
0.16	0.22	-0.01	0.05	7.90E-06	5.50E-11	0.64	0.008	NA	hyper1	NA	NA
0.07	0.15	-0.02	0.01	0.00069	7.90E-10	0.049	0.46	NA	hyper1	NA	NA
0.09	0.14	-0.04	0.02	0.00087	1.20E-11	0.0082	0.31	NA	hyper1	NA	NA

0.04	0.09	-0.03	0.01	0.0023	9.90E-12	0.012	0.34	NA	hyper1	NA	NA
0.09	0.13	-0.04	0.04	0.0026	2.00E-11	0.0024	0.02	NA	hyper1	NA	NA
0.05	0.3	-0.05	0.03	0.076	2.60E-12	0.00022	0.11	NA	hyper1	NA	NA
0.03	0.24	-0.04	0.03	0.26	1.90E-10	0.028	0.12	NA	hyper1	NA	NA
0.06	0.28	-0.1	-0.03	0.31	8.50E-10	0.00027	0.21	NA	hyper1	NA	NA
0.16	0.16	0.02	0.1	2.90E-05	6.70E-10	0.22	2.40E-08	NA	hyper1	NA	NA
0.08	0.15	-0.05	0	6.10E-05	1.10E-10	0.0028	0.84	NA	hyper1	NA	NA
0.21	0.29	-0.02	0.04	0.0011	2.40E-10	0.41	0.11	NA	hyper1	NA	NA
0.03	0.13	0.04	0.03	0.057	9.30E-15	0.0016	0.015	NA	hyper1	NA	NA
0.02	0.18	-0.03	0.11	0.36	7.10E-10	0.14	1.30E-06	NA	hyper1	NA	NA
0.02	0.2	-0.06	-0.03	0.48	1.50E-11	8.20E-06	0.019	NA	hyper1	NA	NA
0.08	0.17	-0.01	0.02	2.10E-07	2.20E-28	0.96	0.79	NA	hyper1	NA	NA
0.13	0.13	-0.04	0.02	2.60E-07	7.80E-10	0.0019	0.18	NA	hyper1	NA	NA
0.2	0.3	-0.07	-0.07	8.60E-05	1.00E-10	0.048	0.0093	NA	hyper1	NA	NA
0.12	0.23	-0.05	-0.01	0.0025	3.60E-11	0.013	0.57	NA	hyper1	NA	NA
0.14	0.25	-0.02	0.02	0.0025	3.00E-10	0.21	0.34	NA	hyper1	NA	NA
0.1	0.32	-0.04	0.01	0.011	3.50E-13	0.015	0.62	NA	hyper1	NA	NA
0.05	0.27	-0.05	-0.03	0.2	4.90E-14	0.039	0.27	NA	hyper1	NA	NA
0.04	0.24	0.07	0.1	0.03	3.20E-27	0.0023	2.40E-06	NA	hyper1	NA	NA
-0.02	0.14	-0.02	-0.04	0.1	2.70E-29	0.0094	0.25	NA	hyper1	NA	NA
0.05	0.31	0.09	0.15	0.17	2.20E-18	0.023	0.00052	NA	hyper1	NA	NA
0.17	0.24	-0.05	0.03	2.40E-09	2.70E-14	0.013	0.23	NA	hyper1	NA	NA
0.19	0.25	0.04	0.12	6.20E-08	4.50E-13	0.24	0.00041	NA	hyper1	NA	NA
0.12	0.16	-0.02	0.04	3.30E-07	2.40E-12	0.038	0.002	NA	hyper1	NA	NA
0.1	0.23	-0.02	0	7.70E-05	2.90E-16	0.15	0.76	NA	hyper1	NA	NA
0.05	0.3	-0.02	0	0.093	2.00E-17	0.26	0.84	NA	hyper1	NA	NA
-0.02	0.12	0.01	0.01	0.14	1.50E-18	0.52	0.52	NA	hyper1	NA	NA
-0.01	0.18	0.03	0.01	0.5	1.10E-13	0.071	0.36	NA	hyper1	NA	NA
0.01	0.18	-0.02	0	0.54	6.00E-11	0.23	0.98	NA	hyper1	NA	NA
0.24	0.39	-0.01	0.18	1.60E-14	1.90E-35	0.77	8.10E-08	hyper1	hyper2	NA	NA

0.25	0.47	-0.05	0.22	7.00E-16	2.60E-48	0.35	0.0033	hyper1	hyper2	NA	NA
0.28	0.37	0.16	0.18	1.80E-13	4.10E-24	8.20E-06	5.10E-08	hyper1	hyper2	NA	NA
0.25	0.5	-0.15	-0.07	4.20E-11	2.70E-12	3.80E-08	0.011	hyper1	hyper2	NA	NA
0.47	0.42	-0.01	0.03	1.60E-51	7.60E-37	0.56	0.3	hyper2	hyper2	NA	NA
0.34	0.46	-0.03	0.14	1.60E-28	3.10E-61	0.1	1.70E-08	hyper2	hyper2	NA	NA
0.54	0.42	0.16	0.26	4.50E-17	2.70E-13	0.00051	4.00E-08	hyper2	hyper2	NA	NA
0.44	0.44	-0.28	-0.24	1.60E-18	8.70E-19	1.50E-09	3.30E-07	hyper2	hyper2	NA	NA
0.6	0.55	-0.29	-0.19	1.60E-10	2.60E-10	2.20E-07	0.00042	hyper2	hyper2	NA	NA
0.47	0.49	0.16	0.21	8.60E-11	2.40E-12	1.00E-06	8.50E-05	hyper2	hyper2	NA	NA
0.41	0.46	-0.01	0.06	4.70E-57	3.30E-80	0.46	0.0029	hyper2	hyper2	NA	NA
0.45	0.42	-0.01	0.09	2.20E-16	5.40E-17	0.88	0.011	hyper2	hyper2	NA	NA
0.46	0.39	0.06	0.09	1.60E-20	7.40E-21	0.055	0.022	hyper2	hyper2	NA	NA
0.43	0.43	-0.09	-0.06	1.40E-13	4.30E-13	0.0023	0.11	hyper2	hyper2	NA	NA
0.59	0.48	0.04	0.1	1.40E-22	2.50E-17	0.55	0.071	hyper2	hyper2	NA	NA
0.38	0.36	-0.05	0	6.60E-47	1.20E-39	0.00025	0.85	hyper2	hyper2	NA	NA
0.42	0.45	-0.08	0	1.30E-44	1.80E-58	0.028	0.99	hyper2	hyper2	NA	NA
0.27	0.33	-0.13	0.01	2.00E-08	7.50E-12	0.0043	0.88	NA	hyper2	NA	NA
0.27	0.52	-0.04	-0.04	1.20E-06	1.30E-11	0.052	0.058	NA	hyper2	NA	NA
0.14	0.33	-0.03	0	0.02	7.90E-10	0.21	0.97	NA	hyper2	NA	NA
0.15	0.45	-0.01	0.1	0.11	1.50E-11	0.85	0.00011	NA	hyper2	NA	NA
0.05	0.41	-0.01	0.01	0.44	9.10E-14	0.97	0.79	NA	hyper2	NA	NA
0.07	0.58	-0.01	-0.01	0.15	9.90E-10	0.74	0.85	NA	hyper2	NA	NA
-0.04	0.38	-0.03	0.03	0.28	2.10E-14	0.093	0.19	NA	hyper2	NA	NA
0.07	0.58	0.04	-0.03	0.45	2.60E-11	0.16	0.45	NA	hyper2	NA	NA
0.58	0.53	-0.1	-0.21	5.80E-07	2.90E-10	0.054	2.00E-04	NA	hyper2	NA	NA
0	0.4	-0.04	-0.02	1	6.30E-11	0.18	0.57	NA	hyper2	NA	NA
0.1	0.46	-0.07	-0.06	0.25	6.30E-11	0.13	0.055	NA	hyper2	NA	NA
0.09	0.42	0.01	0.04	0.056	2.30E-13	0.62	0.17	NA	hyper2	NA	NA
-0.01	0.59	-0.02	0	1	1.60E-11	0.69	1	NA	hyper2	NA	NA
0.37	0.43	-0.16	-0.17	1.30E-08	6.40E-14	2.30E-05	1.30E-05	NA	hyper2	NA	NA

0.2	0.5	-0.04	0.05	0.099	8.10E-22	0.35	0.29	NA	hyper2	NA	NA
0.18	0.5	0.02	0.03	1.00E-07	3.10E-24	0.5	0.23	NA	hyper2	NA	NA
0.17	0.34	-0.03	-0.04	7.20E-05	4.20E-15	0.21	0.18	NA	hyper2	NA	NA
0.06	0.6	0.03	0.11	0.18	2.60E-10	0.42	0.0085	NA	hyper2	NA	NA
0.08	0.46	-0.1	0.13	0.2	5.00E-11	0.0057	0.0033	NA	hyper2	NA	NA
0.44	0.4	0.05	0.11	0.26	1.70E-10	0.052	0.00015	NA	hyper2	NA	NA
-0.07	0.6	0	0.01	0.75	8.00E-10	1	0.75	NA	hyper2	NA	NA
-0.2	0.43	-0.07	-0.01	6.60E-05	9.80E-10	0.0066	0.79	NA	hyper2	NA	NA
0.47	0.53	-0.07	0.22	4.90E-09	6.70E-11	0.099	1.30E-06	NA	hyper2	NA	NA
0.35	0.51	-0.06	0.16	5.90E-08	1.80E-17	0.16	0.0015	NA	hyper2	NA	NA
0.25	0.41	-0.01	0.09	0.00018	7.80E-10	0.85	0.018	NA	hyper2	NA	NA
0.32	0.47	-0.01	0.07	7.40E-05	3.30E-10	0.75	0.024	NA	hyper2	NA	NA
0	0.34	-0.03	0.01	1	5.20E-14	0.21	0.59	NA	hyper2	NA	NA
0.36	0.4	-0.08	0.02	3.10E-09	2.60E-10	0.0052	0.73	NA	hyper2	NA	NA
0.01	0.42	-0.12	-0.07	1	3.40E-12	0.00013	0.0012	NA	hyper2	NA	NA
0.03	0.4	-0.09	-0.07	0.65	3.70E-15	1.40E-05	0.007	NA	hyper2	NA	NA
0.04	0.53	0.01	0.02	0.68	2.40E-10	0.87	0.56	NA	hyper2	NA	NA
0.02	0.57	-0.02	0.03	0.99	1.90E-11	0.4	0.39	NA	hyper2	NA	NA
0.88	0.63	-0.08	0.38	1.30E-15	3.20E-11	0.51	1.60E-05	hyper3	hyper3	NA	NA
0.07	0.77	-0.05	0.16	0.4	2.70E-10	0.19	0.00034	NA	hyper3	NA	NA
NA	0.85	-0.01	0.01	NA	1.70E-10	0.97	1	NA	hyper3	NA	NA
0.07	0.75	-0.01	-0.11	1	1.10E-13	1	0.097	NA	hyper3	NA	NA
0.11	0.86	-0.05	-0.04	0.019	2.00E-17	0.014	0.083	NA	hyper3	NA	NA
-0.08	0.68	-0.04	0	0.39	4.30E-10	0.14	1	NA	hyper3	NA	NA
-0.07	0.85	0.03	0.03	0.25	1.20E-11	0.18	0.21	NA	hyper3	NA	NA
0.25	0.85	-0.01	0.22	0.00085	7.80E-12	0.91	2.30E-05	NA	hyper3	NA	NA
0.22	0.7	0.29	0.34	0.014	7.80E-10	0.0093	0.0019	NA	hyper3	NA	NA
0.13	0.7	0.05	-0.02	0.097	4.90E-11	0.25	0.53	NA	hyper3	NA	NA
-0.04	0.75	-0.02	0.05	0.12	0	0.25	0.00018	NA	hyper3	NA	NA
0.44	0.94	-0.13	-0.11	8.30E-06	7.80E-12	5.80E-05	0.0067	NA	hyper3	NA	NA

-0.23	-0.32	-0.16	-0.12	5.60E-10	7.40E-16	1.00E-04	0.0083	hypo1	hypo1	NA	NA
-0.19	-0.19	-0.03	0.01	2.80E-13	1.80E-11	0.032	0.42	hypo1	hypo1	NA	NA
-0.12	-0.15	-0.02	-0.02	3.00E-04	1.30E-11	0.25	0.34	NA	hypo1	NA	NA
-0.08	-0.1	-0.05	0.05	7.50E-08	5.70E-12	0.03	0.088	NA	hypo1	NA	NA
-0.43	-0.5	-0.15	0.04	2.30E-12	9.60E-20	0.0026	0.58	hypo2	hypo2	NA	NA
-0.5	-0.58	-0.17	-0.09	1.50E-10	1.80E-21	3.70E-05	0.034	hypo2	hypo2	NA	NA
-0.42	-0.37	0.06	0.16	6.00E-22	3.30E-15	0.15	0.00011	hypo2	hypo2	NA	NA
-0.39	-0.38	-0.1	0.08	2.40E-33	3.30E-26	0.0016	0.021	hypo2	hypo2	NA	NA
-0.63	-0.58	0.02	-0.05	1.30E-24	5.10E-24	0.82	0.32	hypo3	hypo2	NA	NA
-0.79	-0.46	-0.08	-0.05	3.20E-27	3.60E-12	0.019	0.14	hypo3	hypo2	NA	NA
-0.05	-0.35	-0.05	-0.05	0.43	3.70E-11	0.28	0.15	NA	hypo2	NA	NA
-0.07	-0.43	-0.04	-0.06	0.59	2.80E-31	0.19	0.013	NA	hypo2	NA	NA
-0.48	-0.48	-0.18	-0.37	1.30E-09	6.40E-12	0.0084	3.10E-07	NA	hypo2	NA	NA
-0.65	-0.64	-0.21	-0.12	3.80E-31	3.00E-22	2.20E-07	0.0056	hypo3	hypo3	NA	NA
0.2	0.06	-0.12	-0.07	2.20E-11	0.013	1.50E-07	0.031	hyper1	NA	NA	NA
0.17	0.01	-0.06	0.03	1.40E-12	0.46	9.80E-05	0.061	hyper1	NA	NA	NA
0.18	0	-0.03	0	2.70E-12	1	0.0043	0.9	hyper1	NA	NA	NA
0.26	0.25	-0.05	-0.01	9.20E-10	1.80E-06	0.0022	0.75	hyper1	NA	NA	NA
0.26	0.03	-0.01	0.04	4.60E-14	0.26	0.7	0.0016	hyper1	NA	NA	NA
0.15	0.13	-0.12	-0.03	3.00E-12	1.30E-09	1.80E-09	0.12	hyper1	NA	NA	NA
0.32	0.06	-0.08	-0.01	1.10E-10	0.074	0.00016	0.85	hyper1	NA	NA	NA
0.19	0.12	-0.03	0.01	8.50E-13	3.40E-09	0.015	0.45	hyper1	NA	NA	NA
0.26	0.17	-0.02	0.09	5.10E-11	1.80E-05	0.095	5.80E-06	hyper1	NA	NA	NA
0.14	-0.01	0.02	0.08	6.90E-11	0.84	0.22	8.50E-05	hyper1	NA	NA	NA
0.3	0.16	-0.01	0.14	1.00E-10	5.40E-06	0.63	2.10E-07	hyper1	NA	NA	NA
0.18	0.07	-0.04	0.04	1.60E-10	0.0061	0.00021	0.0029	hyper1	NA	NA	NA
0.14	0.03	-0.01	-0.01	1.70E-15	0.0012	0.24	0.08	hyper1	NA	NA	NA
0.31	0.17	-0.02	-0.02	5.30E-14	1.50E-05	0.39	0.31	hyper1	NA	NA	NA
0.18	0.03	-0.04	0.01	8.30E-14	0.015	0.012	0.55	hyper1	NA	NA	NA
0.22	0.24	-0.04	-0.02	5.10E-11	1.30E-05	0.095	0.5	hyper1	NA	NA	NA

0.13	0.09	-0.06	0.01	6.20E-10	8.20E-07	1.70E-05	0.71	hyper1	NA	NA	NA
0.32	0.19	-0.05	0.08	7.30E-10	1.40E-05	0.0098	0.00029	hyper1	NA	NA	NA
0.18	0.05	-0.05	-0.04	1.60E-12	0.0021	3.30E-05	2.90E-05	hyper1	NA	NA	NA
0.22	0	-0.03	0	3.60E-12	0.93	0.12	1	hyper1	NA	NA	NA
0.19	0.04	-0.03	0.01	7.20E-10	0.073	0.11	0.63	hyper1	NA	NA	NA
0.28	0.11	-0.05	-0.03	2.10E-31	6.30E-06	0.0023	0.069	hyper1	NA	NA	NA
0.19	-0.01	-0.03	0	1.20E-10	0.71	0.0089	0.89	hyper1	NA	NA	NA
0.27	0.07	-0.07	-0.02	7.80E-14	0.00012	7.10E-06	0.32	hyper1	NA	NA	NA
0.17	0.06	-0.01	0.03	2.90E-14	0.00012	0.42	0.0018	hyper1	NA	NA	NA
0.2	0.02	-0.04	0.02	4.30E-15	0.29	0.00095	0.081	hyper1	NA	NA	NA
0.22	0.07	-0.04	0.03	3.40E-17	0.00012	3.50E-06	0.0043	hyper1	NA	NA	NA
0.26	0.09	-0.05	0	2.30E-10	0.0083	0.0037	1	hyper1	NA	NA	NA
0.3	0.03	-0.03	0.06	2.30E-12	0.059	0.039	1.40E-05	hyper1	NA	NA	NA
0.15	0.02	0.01	0.04	3.00E-10	0.18	0.31	0.0054	hyper1	NA	NA	NA
0.22	0.04	-0.04	-0.02	2.90E-21	0.061	0.024	0.36	hyper1	NA	NA	NA
0.19	0.09	-0.01	0.01	6.30E-10	9.90E-05	0.53	0.57	hyper1	NA	NA	NA
0.24	0.16	0.06	0.07	1.20E-15	4.10E-09	0.0014	0.079	hyper1	NA	NA	NA
0.16	0.05	-0.04	0	5.80E-14	0.001	0.00032	0.67	hyper1	NA	NA	NA
0.14	0.05	-0.01	0.01	6.50E-13	0.0044	0.52	0.55	hyper1	NA	NA	NA
0.22	0.04	-0.04	0.05	2.40E-12	0.12	0.0084	0.009	hyper1	NA	NA	NA
0.22	0.19	0.17	0.34	2.20E-10	7.30E-08	9.60E-08	3.30E-06	hyper1	NA	NA	NA
0.27	-0.01	-0.04	0	4.50E-10	0.59	0.0046	0.99	hyper1	NA	NA	NA
0.24	0.04	-0.02	0.01	3.20E-21	0.04	0.24	0.86	hyper1	NA	NA	NA
0.14	0.09	-0.03	0.01	3.00E-15	3.70E-08	0.0013	0.17	hyper1	NA	NA	NA
0.29	0.23	-0.02	0.01	4.20E-12	1.20E-09	0.35	0.87	hyper1	NA	NA	NA
0.15	0.1	-0.04	0.02	3.10E-11	3.70E-09	0.00033	0.14	hyper1	NA	NA	NA
0.29	0.18	-0.07	0.02	9.20E-11	5.30E-07	4.50E-05	0.45	hyper1	NA	NA	NA
0.26	0.02	-0.05	-0.07	2.50E-10	0.38	0.041	0.0016	hyper1	NA	NA	NA
0.22	0.08	-0.06	0.01	5.30E-10	0.0067	9.50E-06	0.52	hyper1	NA	NA	NA
0.26	0.09	-0.06	-0.07	7.30E-10	0.0035	0.055	0.055	hyper1	NA	NA	NA

0.21	0.16	-0.01	-0.01	9.80E-10	5.80E-07	0.56	0.49	hyper1	NA	NA	NA
0.3	0.06	-0.02	0.03	1.90E-10	0.077	0.31	0.28	hyper1	NA	NA	NA
0.2	0.06	0.05	0.02	1.40E-23	0.0011	0.0041	0.24	hyper1	NA	NA	NA
0.12	-0.01	-0.04	0.01	2.50E-12	0.89	9.70E-05	0.31	hyper1	NA	NA	NA
0.18	0.01	-0.07	-0.07	3.50E-10	0.73	0.00013	0.00054	hyper1	NA	NA	NA
0.18	0.03	-0.03	0.02	5.70E-10	0.13	0.0018	0.15	hyper1	NA	NA	NA
0.58	0.12	0.06	0.21	3.20E-42	0.00058	0.24	4.80E-06	hyper2	NA	NA	NA
0.4	0.1	-0.17	-0.07	3.80E-18	0.039	6.50E-09	0.035	hyper2	NA	NA	NA
0.43	0.12	-0.07	-0.01	2.30E-10	0.00059	0.0014	0.93	hyper2	NA	NA	NA
0.44	-0.02	-0.03	0.04	3.50E-11	0.59	0.19	0.19	hyper2	NA	NA	NA
0.56	0.04	-0.09	-0.04	1.80E-17	0.11	6.40E-05	0.11	hyper2	NA	NA	NA
0.33	0.13	-0.05	-0.03	8.10E-12	0.0052	0.0061	0.17	hyper2	NA	NA	NA
0.47	0.02	0.03	0.06	2.80E-11	0.7	0.17	0.0019	hyper2	NA	NA	NA
0.45	0.18	-0.05	-0.03	5.20E-56	5.80E-06	0.11	0.32	hyper2	NA	NA	NA
0.36	0.04	-0.05	0.17	1.90E-21	0.27	0.027	1.10E-07	hyper2	NA	NA	NA
0.45	0.07	-0.05	0.02	8.00E-10	0.049	0.029	0.4	hyper2	NA	NA	NA
0.35	0.04	-0.03	0.02	2.90E-10	0.2	0.034	0.23	hyper2	NA	NA	NA
0.47	0.01	-0.04	-0.04	7.30E-20	0.82	0.23	0.22	hyper2	NA	NA	NA
0.55	0.84	-0.07	0.13	2.00E-10	0.031	0.24	0.13	hyper2	NA	NA	NA
0.47	0.15	-0.03	0.02	1.80E-14	5.50E-05	0.082	0.3	hyper2	NA	NA	NA
0.34	0.07	-0.07	0	3.70E-11	0.021	0.00067	1	hyper2	NA	NA	NA
0.53	0.09	-0.04	-0.01	4.30E-11	0.0053	0.038	0.55	hyper2	NA	NA	NA
0.44	0	-0.09	0.08	5.20E-15	1	0.027	0.052	hyper2	NA	NA	NA
0.51	0.26	-0.03	0.06	1.00E-10	4.00E-06	0.21	0.074	hyper2	NA	NA	NA
0.54	0.15	-0.07	0.23	4.10E-33	3.00E-04	0.091	6.20E-07	hyper2	NA	NA	NA
0.33	0.13	-0.01	0	3.10E-13	0.0025	0.77	0.87	hyper2	NA	NA	NA
0.53	0.36	-0.12	-0.1	1.20E-10	3.40E-08	0.045	0.14	hyper2	NA	NA	NA
0.52	-0.01	-0.02	0.07	1.30E-10	1	0.35	0.022	hyper2	NA	NA	NA
0.42	-0.03	-0.06	0.03	4.90E-10	1	0.01	0.42	hyper2	NA	NA	NA
0.33	0.01	-0.05	-0.02	8.40E-10	0.81	0.022	0.42	hyper2	NA	NA	NA

0.49	0.02	-0.07	0.01	4.70E-10	0.82	0.077	0.76	hyper2	NA	NA	NA
0.53	0.07	-0.01	0.03	3.20E-18	0.034	0.6	0.19	hyper2	NA	NA	NA
0.36	0.23	-0.09	-0.04	6.60E-13	4.70E-09	8.90E-07	0.083	hyper2	NA	NA	NA
0.38	0.04	-0.09	0.01	3.40E-11	0.12	3.70E-07	0.65	hyper2	NA	NA	NA
0.34	0.04	-0.06	0	1.40E-23	0.046	0.00011	0.84	hyper2	NA	NA	NA
0.43	0.62	0.04	-0.01	7.50E-12	0.00079	0.37	0.95	hyper2	NA	NA	NA
0.36	0.13	0	-0.01	1.70E-11	0.0014	1	0.93	hyper2	NA	NA	NA
0.38	0.25	-0.03	-0.01	1.80E-10	0.00055	0.48	0.92	hyper2	NA	NA	NA
0.48	0.19	-0.2	-0.19	5.60E-18	0.00022	8.20E-08	0.00012	hyper2	NA	NA	NA
0.46	0.04	-0.08	0.01	5.40E-20	0.066	1.50E-06	0.59	hyper2	NA	NA	NA
0.34	-0.01	-0.05	-0.04	2.20E-13	0.85	0.19	0.24	hyper2	NA	NA	NA
0.52	0.08	0.03	0	3.90E-11	0.05	0.38	1	hyper2	NA	NA	NA
0.66	0.37	0.04	0.09	4.20E-13	5.60E-05	0.17	0.0022	hyper3	NA	NA	NA
0.87	0.19	-0.1	-0.01	1.50E-21	2.00E-05	4.10E-07	0.86	hyper3	NA	NA	NA
0.93	0.17	0.21	-0.03	8.10E-13	7.00E-04	0.00033	0.41	hyper3	NA	NA	NA
0.64	0.03	-0.08	-0.07	6.50E-27	0.25	0.008	0.021	hyper3	NA	NA	NA
0.77	0.11	-0.01	0.05	2.50E-32	4.40E-05	0.72	0.051	hyper3	NA	NA	NA
0.81	0.59	-0.1	0.04	1.20E-10	1.10E-09	0.13	1	hyper3	NA	NA	NA
0.79	0.2	-0.04	0.05	1.70E-12	0.0039	0.084	0.11	hyper3	NA	NA	NA
0.72	0.18	-0.01	0.07	3.30E-11	0.00044	0.55	0.11	hyper3	NA	NA	NA
0.71	0.14	-0.07	0.22	7.90E-11	0.039	0.29	0.28	hyper3	NA	NA	NA
0.66	0.06	-0.1	-0.04	7.60E-12	0.5	0.0011	0.21	hyper3	NA	NA	NA
0.67	0.11	0	0.04	1.20E-11	0.0039	0.99	0.098	hyper3	NA	NA	NA
0.95	0.02	-0.03	0.02	9.70E-23	0.3	0.12	0.46	hyper3	NA	NA	NA
-0.24	-0.11	-0.03	-0.01	2.00E-23	0.00018	0.022	0.6	hypo1	NA	NA	NA
-0.32	-0.21	-0.06	0.01	6.50E-16	0.00012	0.0063	0.72	hypo1	NA	NA	NA
-0.47	-0.3	-0.21	-0.16	2.20E-11	1.60E-06	2.80E-06	0.0052	hypo2	NA	NA	NA
-0.53	0.14	0.04	0.12	2.50E-13	0.00011	0.21	4.30E-06	hypo2	NA	NA	NA
-0.59	-0.59	-0.12	-0.15	1.90E-10	6.60E-08	0.027	0.022	hypo2	NA	NA	NA
-0.73	-0.59	-0.07	-0.06	1.30E-14	3.10E-05	0.1	0.42	hypo3	NA	NA	NA

-0.93	-0.57	0.02	0.05	3.80E-13	0.0087	1	0.84	hypo3	NA	NA	NA
-0.36	-0.31	0.01	0.03	1.00E-09	8.00E-08	0.92	0.63	NA	NA	NA	NA
0.89	-0.02	-0.05	-0.04	1.60E-09	0.83	0.17	0.46	NA	NA	NA	NA
-0.5	-0.41	-0.06	-0.01	3.70E-09	2.10E-06	0.0081	0.82	NA	NA	NA	NA
0.55	0.22	-0.03	-0.06	7.00E-09	0.01	0.51	0.1	NA	NA	NA	NA
0.89	0.89	0.06	0.04	5.10E-08	2.60E-06	0.23	0.44	NA	NA	NA	NA
0.48	0.22	-0.1	-0.1	1.30E-07	0.00085	0.019	0.044	NA	NA	NA	NA
0.42	0.02	-0.01	0.06	4.80E-07	0.76	0.88	0.049	NA	NA	NA	NA
0.44	-0.02	-0.02	0.01	7.50E-07	0.64	0.37	0.82	NA	NA	NA	NA
-0.34	-0.33	-0.04	-0.02	1.00E-06	1.30E-07	0.47	0.79	NA	NA	NA	NA
0.19	0.01	-0.02	0.04	1.10E-06	0.67	0.41	0.18	NA	NA	NA	NA
0.12	0.12	-0.02	0.05	1.20E-06	6.70E-07	0.28	0.00094	NA	NA	NA	NA
0.09	0	-0.02	0.03	2.20E-06	0.95	0.021	0.014	NA	NA	NA	NA
0.28	0.14	-0.02	0	3.50E-06	0.086	0.42	1	NA	NA	NA	NA
0.29	0.3	-0.07	0	4.70E-06	2.40E-08	0.019	1	NA	NA	NA	NA
0.12	0.03	-0.02	0.07	6.30E-06	0.23	0.062	8.70E-07	NA	NA	NA	NA
0.22	0.02	-0.09	0	1.20E-05	0.73	2.30E-07	0.89	NA	NA	NA	NA
0.1	0.03	-0.04	-0.05	1.30E-05	0.14	0.0072	0.00054	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	-0.08	-0.04	1.30E-05	0.048	6.30E-07	0.012	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.05	-0.03	0	1.60E-05	0.021	0.0046	0.79	NA	NA	NA	NA
0.1	0.09	-0.04	0.03	1.80E-05	3.30E-05	0.015	0.14	NA	NA	NA	NA
0.25	0.1	-0.02	-0.06	1.90E-05	0.077	0.48	0.022	NA	NA	NA	NA
0.15	0.06	-0.04	-0.08	2.50E-05	0.044	0.43	0.096	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.03	0.02	2.80E-05	0.0017	0.0091	0.099	NA	NA	NA	NA
0.36	0.05	0.02	0.06	2.90E-05	0.15	0.41	0.0013	NA	NA	NA	NA
0.1	0.01	-0.03	-0.03	4.60E-05	0.78	0.14	0.071	NA	NA	NA	NA
0.09	0.1	0	0.03	5.60E-05	2.70E-06	0.84	0.031	NA	NA	NA	NA
0.14	0.11	-0.01	0	6.20E-05	0.00062	0.37	1	NA	NA	NA	NA
0.15	0	-0.03	0.03	7.60E-05	1	0.09	0.083	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.01	-0.03	0.01	8.80E-05	0.69	0.14	0.51	NA	NA	NA	NA

0.06	0.08	-0.01	0.02	0.00012	9.80E-09	0.37	0.16	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.04	0	0.00015	0.15	0.0062	1	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	0	0	0.00017	0.31	0.85	0.99	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	-0.08	0.02	2.00E-04	0.07	3.90E-06	0.35	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.07	-0.03	0.00022	0.0032	1.30E-07	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.05	-0.06	0	0.00022	0.068	0.0018	0.91	NA	NA	NA	NA
0.24	-0.08	-0.01	0.09	0.00022	0.045	0.77	0.00053	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.02	-0.04	-0.05	0.00024	0.75	0.22	0.022	NA	NA	NA	NA
0.09	0.08	0.01	0.04	0.00027	0.0012	0.8	0.012	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.02	-0.01	0.03	0.00032	0.49	0.58	0.1	NA	NA	NA	NA
0.26	0	-0.02	0.08	0.00032	1	0.42	0.00023	NA	NA	NA	NA
-0.24	-0.26	-0.07	-0.03	0.00038	8.90E-05	0.0045	0.17	NA	NA	NA	NA
0.14	0.03	-0.04	0.04	0.00044	0.35	0.22	0.24	NA	NA	NA	NA
0.13	0.08	0.04	0.07	0.00045	0.013	0.2	0.0024	NA	NA	NA	NA
0.09	0.11	-0.05	-0.03	0.00047	3.20E-05	0.017	0.07	NA	NA	NA	NA
0.35	0.02	-0.05	0.07	0.00047	0.57	0.066	0.016	NA	NA	NA	NA
0.07	0.12	0	0.09	0.00051	2.00E-07	0.96	5.10E-05	NA	NA	NA	NA
-0.81	-0.89	-0.08	0.05	0.00053	2.10E-06	0.006	0.33	NA	NA	NA	NA
0.09	0.02	-0.02	-0.01	0.00057	0.45	0.29	0.67	NA	NA	NA	NA
0.28	0.13	0.02	0.16	0.00057	0.027	0.63	0.00014	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.01	0.01	0.00061	0.8	0.19	0.3	NA	NA	NA	NA
0.19	0.76	-0.1	-0.03	7.00E-04	1.70E-07	0.00015	0.41	NA	NA	NA	NA
0.12	0.16	-0.02	0.06	0.00093	2.10E-06	0.3	0.0023	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.03	0.01	0.00093	0.16	0.00075	0.37	NA	NA	NA	NA
0.53	-0.13	0	0.1	0.001	0.15	1	0.052	NA	NA	NA	NA
0.11	0.06	-0.05	-0.02	0.0011	0.02	0.00094	0.25	NA	NA	NA	NA
0.11	0.04	-0.02	0	0.0011	0.05	0.097	0.85	NA	NA	NA	NA
0.16	0.02	-0.06	-0.01	0.0015	0.59	0.015	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.15	0.01	0.04	0.0016	1.00E-06	0.37	0.0077	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.03	-0.03	0.03	0.0017	0.15	0.004	0.005	NA	NA	NA	NA

0.06	0.03	-0.01	-0.02	0.0017	0.034	0.4	0.093	NA	NA	NA	NA
0.06	0.07	0.02	0.06	0.002	0.00074	0.17	6.90E-06	NA	NA	NA	NA
0.1	0.01	0.04	0.02	0.0022	0.86	0.082	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.15	0.01	-0.02	0.0025	6.40E-05	0.55	0.4	NA	NA	NA	NA
0.07	0.09	-0.12	-0.05	0.0031	0.0023	1.70E-05	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.15	0.05	0.03	0.0033	0.00042	0.035	0.24	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	-0.03	0.03	0.0034	0.002	0.00071	0.0098	NA	NA	NA	NA
0.91	0.91	-0.02	0.03	0.0035	0.00089	0.81	0.68	NA	NA	NA	NA
0.3	0.14	-0.06	-0.05	0.0039	0.0053	0.036	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.06	-0.02	0.01	0.0039	0.3	0.33	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.07	-0.2	-0.04	0.004	0.27	3.20E-09	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.05	0	0.03	0.0047	0.13	0.84	0.048	NA	NA	NA	NA
0.3	0.12	-0.02	0.01	0.0051	0.04	0.54	0.77	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.06	-0.04	0	0.0053	4.00E-04	0.00019	0.71	NA	NA	NA	NA
0.13	0.09	-0.13	-0.12	0.0054	0.07	0.00068	0.0094	NA	NA	NA	NA
0.14	0.09	-0.09	-0.07	0.0056	0.065	0.0097	0.018	NA	NA	NA	NA
0.14	0.05	0.04	0.02	0.0057	0.24	0.14	0.33	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	0	0.02	0.006	0.028	0.87	0.054	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.01	0.06	0.0061	0.053	0.32	0.00023	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.05	0	0.0061	0.64	0.0039	0.91	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.06	-0.03	0.0063	0.18	2.00E-04	0.069	NA	NA	NA	NA
-0.13	0.02	-0.04	0.09	0.0063	0.76	0.14	0.022	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.03	-0.05	-0.04	0.0065	0.51	0.001	0.0052	NA	NA	NA	NA
0.3	0	-0.03	0	0.0069	1	0.38	1	NA	NA	NA	NA
0.08	0.04	-0.05	-0.02	0.0069	0.26	0.021	0.32	NA	NA	NA	NA
0.55	0.13	-0.15	-0.05	0.007	0.76	0.026	0.67	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.03	0.03	0.03	0.0077	0.26	0.066	0.044	NA	NA	NA	NA
-0.24	-0.13	-0.02	-0.12	0.0078	0.099	0.69	0.0011	NA	NA	NA	NA
-0.89	-0.89	0	-0.02	0.0079	1.10E-06	1	0.7	NA	NA	NA	NA
0.1	0.08	0	0.03	0.0085	0.0055	1	0.3	NA	NA	NA	NA

-0.11	-0.01	-0.09	0	0.0088	0.98	4.70E-08	0.87	NA	NA	NA	NA
0.1	0.1	0.01	0.01	0.0092	0.0045	0.71	0.91	NA	NA	NA	NA
0.15	0.03	-0.06	-0.06	0.0093	0.46	0.11	0.035	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.12	-0.11	-0.09	0.0095	0.00037	1.80E-07	5.00E-05	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.03	-0.04	0.01	0.011	0.067	0.0019	0.63	NA	NA	NA	NA
0.14	0.07	0.01	0.01	0.013	0.15	0.74	0.55	NA	NA	NA	NA
0.04	0.06	-0.02	0.01	0.014	1.00E-04	0.035	0.6	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.18	-0.04	-0.04	0.014	3.90E-07	0.32	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.13	-0.18	0.02	0.015	0.078	1.60E-05	0.84	NA	NA	NA	NA
0.15	0.22	-0.04	0	0.015	0.00014	0.17	1	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.04	-0.05	0	0.015	0.016	6.90E-05	0.83	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.05	-0.03	-0.01	0.016	0.012	0.023	0.37	NA	NA	NA	NA
0.12	0.07	-0.02	0.07	0.016	0.21	0.62	0.081	NA	NA	NA	NA
0.11	0.01	0	0.02	0.017	0.9	1	0.63	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.02	-0.06	0.07	0.018	0.84	0.0025	0.019	NA	NA	NA	NA
0.42	-0.18	-0.05	0.05	0.018	0.075	0.031	0.07	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.02	-0.03	0.05	0.02	0.41	0.025	0.0058	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	0.04	0.02	0.02	0.028	0.15	0.55	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.01	0.07	0.023	0.38	0.39	4.00E-06	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.02	-0.02	0.025	0.2	0.26	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.05	0	0.04	0.026	0.036	0.99	0.07	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	-0.01	0.06	0.026	0.9	0.56	0.0033	NA	NA	NA	NA
0.11	0.05	-0.01	0.08	0.029	0.33	0.47	5.30E-06	NA	NA	NA	NA
0.17	0.21	0.07	0.19	0.03	0.00072	0.033	5.40E-08	NA	NA	NA	NA
0.09	0.07	-0.05	-0.03	0.031	0.05	0.017	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.18	-0.09	0.03	0.031	0.22	0.0031	0.43	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	0	0.01	0.031	0.24	1	0.52	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	0.03	0	0.031	0.28	0.19	1	NA	NA	NA	NA
0.08	0.14	-0.02	0.03	0.031	2.30E-05	0.34	0.12	NA	NA	NA	NA
0.22	0	0.05	0.07	0.033	1	0.025	0.003	NA	NA	NA	NA

-0.67	-0.39	-0.05	-0.04	0.033	0.099	0.19	0.5	NA	NA	NA	NA
-0.15	0	-0.08	0.02	0.034	1	1.60E-05	0.39	NA	NA	NA	NA
0.08	0.08	-0.02	0.08	0.035	0.018	0.17	2.70E-07	NA	NA	NA	NA
-0.38	-0.39	-0.01	0.03	0.035	0.024	1	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.13	-0.06	0.02	0.036	0.0011	0.0043	0.6	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.02	0	0.036	0.32	0.57	0.98	NA	NA	NA	NA
0.07	0	-0.04	0.06	0.036	1	0.085	0.018	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	0.02	0.11	0.036	0.17	0.36	5.20E-05	NA	NA	NA	NA
0.28	-0.02	-0.09	0.06	0.037	0.8	0.013	0.27	NA	NA	NA	NA
0.09	0.06	-0.04	0.01	0.037	0.19	0.058	0.64	NA	NA	NA	NA
0.06	0.11	-0.06	-0.01	0.037	5.90E-05	0.00017	0.64	NA	NA	NA	NA
0.13	0.05	-0.06	-0.01	0.038	0.38	0.0014	0.66	NA	NA	NA	NA
-0.21	0.37	-0.04	0.04	0.04	0.016	0.25	0.43	NA	NA	NA	NA
0.13	0.17	-0.01	0.07	0.041	0.0013	0.79	0.0058	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.05	-0.01	-0.01	0.044	0.047	0.55	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.34	0.1	-0.13	-0.36	0.044	1	0.095	0.00019	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.02	0.03	0.045	0.13	0.33	0.084	NA	NA	NA	NA
0.67	NA	-0.33	-0.19	0.045	NA	4.20E-06	0.089	NA	NA	NA	NA
-0.42	0.3	-0.02	0.15	0.046	1	0.66	0.074	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.02	-0.02	-0.01	0.046	0.54	0.37	0.55	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.02	-0.05	-0.04	0.047	0.4	0.019	0.024	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.06	-0.06	0.05	0.049	0.084	0.0071	0.049	NA	NA	NA	NA
0.11	0.02	-0.09	0.04	0.051	0.85	0.00024	0.24	NA	NA	NA	NA
0.15	-0.03	-0.04	0	0.055	0.44	0.07	0.99	NA	NA	NA	NA
0.22	0.05	-0.17	-0.11	0.055	0.46	0.00017	0.017	NA	NA	NA	NA
0.1	0	-0.04	-0.02	0.057	1	0.038	0.3	NA	NA	NA	NA
0.95	0.08	-0.09	-0.01	0.057	0.016	0.0076	0.96	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.11	0.02	0.04	0.058	0.02	0.43	0.052	NA	NA	NA	NA
0.09	0.09	-0.09	0.09	0.058	0.089	0.0025	0.05	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.02	0.05	0.059	0.16	0.049	0.00013	NA	NA	NA	NA

0.04	0.06	-0.06	-0.01	0.064	9.10E-05	3.70E-08	0.32	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.06	-0.06	0.03	0.064	0.096	3.00E-06	0.04	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.02	-0.02	0.065	0.58	0.075	0.11	NA	NA	NA	NA
0.03	0	0	0	0.068	0.91	1	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.03	0.04	0.069	0.23	0.0087	0.00014	NA	NA	NA	NA
0.31	0.12	-0.05	0.03	0.069	0.17	0.098	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.02	0.04	0.07	0.83	0.48	0.13	NA	NA	NA	NA
0.34	0.74	0.02	0.74	0.07	0.13	1	0.0097	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.1	-0.05	-0.03	0.071	9.00E-05	6.00E-04	0.042	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.02	-0.04	0.03	0.075	0.79	0.045	0.1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	-0.01	0.04	0.079	0.014	0.44	0.039	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.01	0.07	0.082	0.75	0.26	1.80E-07	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	0.08	0.08	0.083	0.82	6.40E-05	0.00017	NA	NA	NA	NA
0.04	0.06	0	0.01	0.085	0.0074	1	0.76	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.04	-0.01	0.088	0.32	0.32	0.9	NA	NA	NA	NA
0.15	0.1	-0.05	-0.03	0.088	0.1	0.059	0.15	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	-0.03	-0.04	0.089	0.27	0.16	0.063	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.03	-0.05	0.02	0.09	0.43	0.07	0.5	NA	NA	NA	NA
0.05	0.35	-0.1	-0.02	0.091	0.01	2.60E-09	0.48	NA	NA	NA	NA
0.13	0.11	-0.06	-0.07	0.093	0.088	0.042	0.021	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.03	0.06	0.098	0.59	0.26	0.016	NA	NA	NA	NA
0.07	0	-0.06	-0.02	0.098	1	0.0044	0.53	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.05	0.01	0.099	0.23	9.10E-06	0.35	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.15	-0.05	-0.02	0.099	0.011	0.056	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.04	-0.02	0.02	0.099	0.037	0.062	0.074	NA	NA	NA	NA
0.04	0.14	-0.02	0.04	0.1	8.60E-05	0.3	0.017	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.09	-0.06	0.01	0.1	0.019	0.007	0.87	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.15	-0.15	0.1	0.53	1.90E-07	8.70E-06	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.11	-0.06	-0.01	0.11	0.11	0.004	0.8	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	-0.01	0.03	0.11	0.0082	0.55	0.063	NA	NA	NA	NA

0.03	0.04	-0.01	-0.07	0.11	0.028	0.63	2.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.13	0.19	-0.01	0.12	0.12	0.23	0.68	4.90E-05	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.1	-0.01	0	0.12	0.33	0.77	1	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.03	-0.02	0.01	0.12	0.41	0.42	0.61	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.2	0.06	0.02	0.12	3.00E-05	0.039	0.52	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.03	0.02	0.13	0.99	0.026	0.22	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.01	-0.03	0.13	0.92	0.73	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.16	-0.09	-0.03	0.13	0.035	3.00E-04	0.24	NA	NA	NA	NA
0.2	0.2	0	0.15	0.13	0.09	1	1.80E-06	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.11	-0.06	0.13	0.34	5.10E-05	0.035	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.03	0.02	0.13	0.73	0.16	0.41	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.09	-0.04	0.14	0.2	0.00017	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.04	-0.02	0.12	0.14	0.35	0.46	0.00016	NA	NA	NA	NA
0.31	-0.05	0.04	0.04	0.14	1	0.66	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.02	0.02	0.14	1	0.15	0.23	NA	NA	NA	NA
0.11	0.12	-0.04	0.01	0.14	0.059	0.08	0.67	NA	NA	NA	NA
0.15	-0.06	-0.01	0.14	0.14	0.12	0.69	1.10E-05	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.04	0	0.05	0.14	0.24	0.82	0.0031	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.04	-0.05	0	0.14	0.11	1.30E-06	0.93	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.02	0.03	0.15	0.85	0.086	0.0054	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	0	0.07	0.15	0.46	1	0.00013	NA	NA	NA	NA
0.07	0	-0.04	-0.05	0.15	1	0.36	0.26	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.02	0	0.15	0.6	0.38	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.09	-0.05	-0.02	0.15	0.051	0.0078	0.37	NA	NA	NA	NA
0.05	0.14	-0.05	0.04	0.15	1.70E-05	0.015	0.088	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.05	0.01	0.15	0.055	0.0084	0.57	NA	NA	NA	NA
-0.2	-0.22	-0.05	-0.04	0.15	0.094	0.04	0.24	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.03	-0.02	0.16	0.0019	0.0018	0.16	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	0.02	0.07	0.17	0.82	0.54	0.025	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.11	-0.09	-0.17	0.17	0.028	0.011	7.00E-06	NA	NA	NA	NA

-0.91	-0.94	-0.01	-0.01	0.17	0.13	0.86	0.97	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.05	0.02	0.17	0.00045	0.018	0.42	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.11	-0.05	0.01	0.17	0.00018	0.018	0.64	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.03	-0.01	0.17	0.47	0.0051	0.49	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	0.02	0.05	0.18	0.16	0.36	0.0011	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.02	0.02	0.18	0.41	0.049	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.04	-0.1	-0.06	0.18	0.32	3.30E-06	0.039	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.03	-0.04	0	0.19	0.48	0.062	0.91	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.04	-0.01	0.1	0.19	0.39	0.38	3.30E-05	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.02	-0.02	0.19	0.21	0.3	0.35	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.14	-0.01	0.03	0.19	0.24	0.8	0.22	NA	NA	NA	NA
0.26	0.11	-0.1	0.12	0.2	0.14	0.014	0.0086	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.21	-0.24	0.2	0.57	1.50E-07	1.10E-08	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	0	0.05	0.2	0.27	0.98	0.012	NA	NA	NA	NA
0.11	0.09	-0.09	-0.04	0.2	0.63	0.031	0.34	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.04	0.03	0.2	0.89	0.12	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.12	-0.07	0	0.2	4.40E-05	0.0046	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.07	-0.03	0.2	0.5	9.50E-06	0.1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.02	-0.01	0.21	0.11	0.27	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.05	-0.17	-0.15	0.21	0.74	0.0054	0.0012	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.04	0.05	-0.01	0.21	0.18	0.18	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.03	-0.06	-0.08	0.22	0.6	0.27	0.029	NA	NA	NA	NA
-0.2	0	0.65	0.3	0.22	1	2.00E-04	0.079	NA	NA	NA	NA
0.14	0.18	0.07	0.16	0.22	0.33	0.19	0.0024	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.08	-0.05	0.02	0.22	0.091	0.1	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.05	0.01	0.09	0.22	0.041	0.58	0.00046	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.05	-0.05	0.03	0.23	0.00046	0.00017	0.028	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.12	0.03	0.01	0.23	0.003	0.34	0.83	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.06	-0.02	0.24	0.96	0.0082	0.58	NA	NA	NA	NA
0.16	0.15	0	0.12	0.24	0.21	1	0.0077	NA	NA	NA	NA

0.04	0.06	-0.07	0.06	0.24	0.015	1.10E-05	0.0063	NA	NA	NA	NA
0.27	0.01	-0.05	-0.02	0.24	1	0.033	0.62	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.02	0.01	0.24	0.21	0.055	0.46	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.03	-0.03	0.04	0.24	0.17	0.00073	0.00061	NA	NA	NA	NA
0.13	0	-0.03	0.08	0.24	1	0.68	0.049	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.05	-0.04	0.08	0.24	0.59	0.092	0.0095	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.02	-0.04	0	0.24	0.47	0.09	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.03	0.03	0.04	0.24	0.36	0.21	0.099	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.1	-0.1	0.24	0.77	0.0015	0.0016	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.11	0	0.03	0.25	0.073	1	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.04	0.05	0.15	0.26	0.35	0.27	0.0013	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.02	-0.01	0.02	0.26	0.54	0.61	0.071	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.01	0.03	0.26	0.82	0.35	0.016	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.02	-0.03	0.27	0.002	0.32	0.032	NA	NA	NA	NA
0.03	0.13	-0.01	0.05	0.27	3.10E-07	0.42	0.0057	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	-0.07	-0.02	0.27	0.9	0.0022	0.5	NA	NA	NA	NA
0.12	NA	-0.02	0.02	0.27	NA	0.39	0.59	NA	NA	NA	NA
0.27	0.07	-0.15	0	0.28	0.86	0.0072	1	NA	NA	NA	NA
0.15	0.11	-0.05	-0.05	0.28	1	0.38	0.28	NA	NA	NA	NA
0.1	0.14	-0.02	0.01	0.28	0.098	0.69	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.16	0	-0.07	-0.03	0.28	1	0.015	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.21	0.05	0.02	0.29	0.2	0.42	0.67	NA	NA	NA	NA
0.22	0.04	-0.07	0.11	0.29	1	0.19	0.21	NA	NA	NA	NA
0.04	0.06	0.01	0.05	0.29	0.15	0.64	0.058	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.01	0.05	0.3	0.13	0.8	0.014	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.27	-0.02	0.12	0.3	0.00025	0.51	7.20E-05	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.02	0.05	0.3	0.18	0.16	0.0052	NA	NA	NA	NA
0.08	0.02	-0.01	0.01	0.3	1	0.9	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.03	0.05	0.31	1	0.019	0.00036	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.1	-0.01	0.03	0.31	0.032	0.93	0.29	NA	NA	NA	NA

-0.04	0.12	0	0.06	0.31	0.011	1	0.084	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.05	-0.01	0.07	0.31	0.073	0.79	2.50E-05	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.07	0	0.32	1	0.021	1	NA	NA	NA	NA
0.25	0.01	-0.14	-0.12	0.32	1	0.24	0.77	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.15	0.06	0.07	0.32	0.15	0.11	0.049	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.05	-0.01	0.32	0.59	0.0016	0.49	NA	NA	NA	NA
-0.33	-0.54	0.01	0.11	0.32	0.061	0.76	0.00098	NA	NA	NA	NA
0.12	0.09	-0.01	0	0.32	0.37	0.81	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.05	0.04	0.06	0.32	0.13	0.025	1.40E-05	NA	NA	NA	NA
0.1	0.08	-0.08	0.02	0.33	0.75	0.0016	0.68	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.04	0	0.33	1	0.036	1	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.03	-0.11	-0.03	0.33	0.24	3.70E-09	0.29	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.07	-0.03	0.03	0.34	0.17	0.11	0.091	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	0.02	0.13	0.35	0.23	0.4	6.30E-08	NA	NA	NA	NA
-0.15	NA	-0.11	0.21	0.35	NA	0.78	0.088	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.02	0.01	0.35	0.73	0.088	0.69	NA	NA	NA	NA
0.24	-0.04	-0.05	0.05	0.35	0.92	0.2	0.28	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.01	0.07	0.37	0.85	0.72	0.00025	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.07	-0.01	0.03	0.37	0.00011	0.37	0.0055	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.03	0.01	0.37	0.58	0.18	0.77	NA	NA	NA	NA
0.04	0.06	-0.02	0.01	0.37	0.042	0.24	0.67	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.04	0.01	0.37	0.31	0.0066	0.77	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.05	-0.01	0.37	1	0.067	0.73	NA	NA	NA	NA
0.17	-0.03	-0.08	-0.12	0.37	0.82	0.33	0.18	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	-0.04	-0.04	0.37	0.28	0.086	0.035	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.03	-0.03	0.37	0.077	0.1	0.19	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.01	0.03	0.37	0.39	0.64	0.076	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.15	-0.06	0.03	0.37	0.04	0.072	0.56	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.04	0	0.38	0.97	0.0012	0.87	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.08	0.03	0.38	0.51	2.70E-09	0.14	NA	NA	NA	NA

0.06	-0.05	-0.06	-0.02	0.38	0.2	0.00076	0.31	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	-0.04	0	0.38	0.36	0.057	1	NA	NA	NA	NA
0.1	0.26	-0.06	0.22	0.38	0.0015	0.14	0.0013	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.2	-0.07	-0.06	0.38	0.043	0.035	0.028	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	-0.06	-0.03	0.38	0.46	0.0038	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.06	0.02	0.38	0.26	2.20E-05	0.24	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.02	0.01	0.39	0.69	0.15	0.49	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.05	0.01	0.39	0.9	0.028	0.82	NA	NA	NA	NA
0.43	-0.01	-0.05	-0.04	0.39	1	0.28	0.31	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.05	-0.05	0.1	0.39	0.24	0.012	3.50E-05	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.06	-0.09	-0.01	0.39	0.34	0.0016	0.85	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.03	-0.01	0.4	0.79	0.2	0.77	NA	NA	NA	NA
0.41	0.12	-0.01	0.05	0.4	0.32	0.92	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.02	0	0.4	0.022	0.044	0.89	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.15	0	0.05	0.4	0.0027	1	0.13	NA	NA	NA	NA
0.42	0.03	-0.07	-0.03	0.41	0.53	0.0053	0.22	NA	NA	NA	NA
0.07	0.1	-0.04	0.1	0.41	0.26	0.36	0.064	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.13	-0.02	0.07	0.42	5.90E-05	0.49	0.042	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	0	0.03	0.42	0.29	1	0.044	NA	NA	NA	NA
0.05	0.1	-0.05	0.06	0.43	0.054	0.033	0.077	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.12	-0.05	0.43	0.75	0.005	0.24	NA	NA	NA	NA
0.02	0.13	-0.04	0.1	0.43	0.00037	0.027	0.00035	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.1	-0.11	0.08	0.43	0.48	0.0055	0.21	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.01	0.1	0.44	0.96	0.82	8.30E-06	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.03	0.04	0.44	0.46	0.0055	0.0046	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.04	0	0.44	0.89	0.0011	0.9	NA	NA	NA	NA
0.04	0.35	0.03	0.01	0.44	6.60E-06	0.52	0.97	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.03	0	0.44	0.65	0.028	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.05	0.09	0.45	0.29	0.0022	0.00022	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.07	-0.04	0.07	0.45	0.42	0.16	0.094	NA	NA	NA	NA

0.05	-0.12	-0.07	-0.06	0.45	0.0054	0.00035	0.011	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.07	0	0.45	0.84	0.00019	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	0	0.07	0.45	0.25	0.95	0.00024	NA	NA	NA	NA
0.07	0.51	0.01	0.06	0.45	1.90E-07	0.85	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.01	0	0.46	0.37	0.23	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.07	0.02	0	0.46	0.3	0.61	1	NA	NA	NA	NA
0.2	0.12	0.01	-0.03	0.46	0.67	0.54	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.09	-0.09	0	0.46	0.24	9.10E-05	0.95	NA	NA	NA	NA
0.09	0.1	0.02	0.18	0.47	0.35	0.58	0.00011	NA	NA	NA	NA
0.04	0.21	-0.06	0.05	0.47	9.30E-05	0.0034	0.018	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.04	-0.16	-0.26	0.47	0.77	0.013	1.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.01	0.03	0.48	0.17	0.67	0.087	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.08	0.02	0.49	0.53	0.0046	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.05	0	0.49	1	0.079	0.96	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.04	-0.04	0.11	0.49	0.53	0.26	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.01	0.06	0.49	0.39	0.65	0.016	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.05	0.01	0.01	0.5	0.016	0.69	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.05	-0.01	0.51	0.78	0.0067	0.68	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.06	-0.03	0.51	0.48	1.50E-05	0.026	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	-0.02	0.02	0.51	0.7	0.38	0.39	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.03	0	0.51	1	0.0095	0.97	NA	NA	NA	NA
0.81	0.14	-0.01	0.09	0.51	1	0.93	0.41	NA	NA	NA	NA
0.09	0.4	0.02	0.01	0.51	0.08	1	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.06	-0.03	0.02	0.51	0.019	0.02	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.08	-0.07	0.07	0.52	0.12	0.0024	0.022	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.03	-0.01	0.01	0.52	0.25	0.6	0.64	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.06	-0.02	0.02	0.52	0.012	0.21	0.24	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.04	-0.04	0.52	0.76	0.027	0.034	NA	NA	NA	NA
0.04	0.12	-0.04	0.06	0.53	0.021	0.028	0.016	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.05	-0.03	0.06	0.53	0.03	0.15	0.028	NA	NA	NA	NA

0.03	-0.08	-0.04	0.04	0.53	0.0028	0.018	0.041	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.06	0	0.54	0.2	0.0075	0.91	NA	NA	NA	NA
0.39	0.02	-0.02	-0.05	0.54	0.61	0.54	0.041	NA	NA	NA	NA
0.05	0.13	-0.02	0	0.54	0.034	0.45	0.97	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.09	0.05	0.06	0.54	0.3	0.11	0.065	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.03	0	0.54	0.53	0.025	0.94	NA	NA	NA	NA
0.06	0	0	0.1	0.55	1	1	0.05	NA	NA	NA	NA
0.01	0.14	-0.02	0.06	0.55	1.20E-07	0.21	0.00012	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.07	0	0.02	0.55	0.56	1	0.77	NA	NA	NA	NA
0.06	0.16	-0.08	-0.01	0.55	0.031	0.00024	0.62	NA	NA	NA	NA
0.06	0.25	-0.03	0.12	0.56	0.00057	0.17	1.70E-05	NA	NA	NA	NA
0.04	0.14	-0.06	0.07	0.56	0.061	0.054	0.071	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	0.01	0.07	0.56	0.19	0.75	0.00071	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.08	-0.06	0.56	0.85	0.00018	0.013	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.02	0.03	0.56	0.78	0.23	0.058	NA	NA	NA	NA
0.15	0.2	0.08	0.12	0.56	0.29	0.2	0.013	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.13	0.05	0.1	0.58	0.048	0.062	0.00013	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.1	-0.12	-0.08	0.58	0.8	0.0012	0.082	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.08	-0.07	0.03	0.59	0.0086	7.70E-05	0.093	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.08	0.12	0.18	0.59	0.8	0.062	0.0012	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.11	-0.03	0.06	0.59	0.02	0.3	0.091	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.04	0.03	0.59	0.42	0.0081	0.09	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.04	0.04	0.6	0.00016	0.00019	0.0016	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.01	0.02	0.6	0.0043	0.56	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.04	0.01	0.61	0.57	0.00095	0.4	NA	NA	NA	NA
0.06	NA	-0.05	0.05	0.61	NA	0.088	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.11	-0.06	0.09	0.61	0.2	0.11	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.04	-0.01	0.61	0.16	0.081	0.55	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.02	-0.02	0.01	0.61	0.66	0.27	0.64	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.03	0.01	0.61	0.79	0.019	0.62	NA	NA	NA	NA

-0.07	-0.09	-0.05	-0.02	0.61	0.17	0.13	0.66	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.05	-0.01	0.61	0.065	1.10E-05	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.05	-0.02	0.61	1	0.00068	0.32	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.06	-0.06	-0.01	0.61	1	0.075	0.86	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.05	0.01	0.62	0.53	0.00012	0.39	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.16	0.01	0.12	0.62	0.011	0.85	0.00016	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	0.01	0.02	0.62	0.67	0.48	0.22	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.06	0.03	0.62	0.59	0.00082	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.09	-0.05	0.63	0.19	0.00025	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.02	-0.01	0.63	0.75	0.29	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.05	-0.02	0	0.63	0.00071	0.059	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.02	0	0.63	0.063	0.12	0.87	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.09	0	-0.01	0.64	0.11	1	0.89	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.02	0.12	0.64	0.15	0.43	3.30E-05	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.03	-0.05	0.03	0.65	0.35	0.045	0.19	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.09	-0.04	0.65	0.75	1.80E-09	0.032	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.02	0.04	0.66	0.68	0.37	0.026	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.02	0.05	0.66	0.79	0.13	0.00068	NA	NA	NA	NA
0.05	0.16	-0.04	-0.03	0.67	2.70E-06	0.097	0.23	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.06	0.03	0.67	0.024	0.00039	0.076	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.01	0.05	0.67	0.32	0.49	0.0072	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.01	0.01	0.67	0.78	0.58	0.86	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.03	0.05	0.68	0.59	0.067	0.012	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.23	-0.13	0.68	1	4.70E-09	0.01	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.02	0	0.68	0.015	0.033	0.97	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.03	0.01	0.06	0.68	0.29	0.56	0.001	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.05	0.03	0.69	0.72	0.014	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.08	-0.09	-0.1	0.69	0.28	0.0079	0.015	NA	NA	NA	NA
0.71	-0.1	-0.03	0.2	0.69	0.49	0.37	2.20E-05	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	-0.05	-0.03	0.7	0.024	0.014	0.16	NA	NA	NA	NA

-0.02	-0.01	-0.04	0.04	0.71	0.97	0.054	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.04	0.07	0.71	0.54	0.1	0.0091	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	0.02	0.09	0.72	0.1	0.46	3.20E-05	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.01	0.03	0.04	0.72	0.94	0.34	0.39	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	0	0.07	0.73	0.93	0.92	0.002	NA	NA	NA	NA
0.34	0.01	-0.03	-0.04	0.73	1	0.19	0.037	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.01	0.06	0.73	0.39	0.65	0.0045	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.01	0.07	0.74	0.83	0.72	0.0063	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	-0.04	-0.01	0.74	0.12	0.064	0.82	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	0.03	0.01	0.74	0.2	0.035	0.19	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.07	-0.04	-0.07	0.75	0.23	0.3	0.035	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.12	-0.01	0.04	0.75	0.13	0.8	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.05	0	0.08	0.76	0.03	0.96	0.013	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.13	0	0.12	0.76	0.8	1	0.035	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.01	-0.02	0.77	0.2	0.62	0.082	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	0.03	0.01	0.77	0.91	0.27	0.48	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.05	-0.04	0.77	0.73	0.0028	0.051	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	0.03	0.13	0.78	0.81	0.27	3.00E-05	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.09	-0.05	0.05	0.78	0.27	0.051	0.15	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.11	-0.02	0.03	0.78	0.15	0.5	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.08	-0.07	0.05	0.78	0.71	0.00018	0.091	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.08	0	0.78	0.00051	1.30E-09	0.89	NA	NA	NA	NA
0.01	0.11	-0.04	-0.01	0.79	2.00E-08	0.015	0.53	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.02	0.02	0.79	0.017	0.18	0.38	NA	NA	NA	NA
0.03	0.23	0.07	0.13	0.79	0.033	0.06	0.0016	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.01	-0.01	0.79	0.64	0.47	0.43	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.11	0.02	0.14	0.79	0.41	0.8	0.014	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.06	0.01	0.79	0.51	0.00015	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.02	0.02	0.8	0.53	0.38	0.46	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.07	0.02	0.8	0.68	5.50E-08	0.37	NA	NA	NA	NA

0.04	0.01	-0.06	0.03	0.8	0.92	0.14	0.56	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.05	0	0.8	0.32	0.068	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.04	0.03	0.81	0.41	0.00067	0.041	NA	NA	NA	NA
0.08	0.42	-0.02	-0.06	0.81	0.16	0.71	0.27	NA	NA	NA	NA
0.02	0.18	-0.1	-0.05	0.81	0.002	0.0059	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.11	0.01	0.06	0.81	0.00045	0.81	0.0017	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.06	-0.03	0.81	1	0.0021	0.2	NA	NA	NA	NA
0.18	0.02	0.03	0.06	0.82	1	0.49	0.3	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.04	0.01	0.82	1	0.2	1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.26	-0.11	-0.03	0.82	0.064	0.0024	0.51	NA	NA	NA	NA
0.22	0.13	-0.03	0.08	0.82	0.063	0.54	0.048	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.07	-0.01	0.82	0.31	0.00019	0.82	NA	NA	NA	NA
0.01	0.17	-0.04	0.06	0.83	2.00E-07	0.06	0.028	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	-0.09	-0.09	0.83	0.56	0.16	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.06	0.01	0.83	0.41	4.70E-06	0.69	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.02	0.04	0.84	0.94	0.14	0.0023	NA	NA	NA	NA
0.2	-0.05	-0.11	0.04	0.84	1	0.0013	0.51	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.04	0.02	0.84	1	0.3	0.49	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.2	-0.08	-0.1	0.84	0.00053	0.0041	0.00025	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.06	-0.07	0.85	0.82	0.049	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	0.02	-0.03	0.85	0.41	0.4	0.051	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.01	-0.01	0.85	0.5	0.71	0.64	NA	NA	NA	NA
0.01	0.2	-0.1	-0.04	0.86	9.80E-08	8.70E-05	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.04	-0.02	-0.07	0.86	0.66	0.7	0.066	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	-0.05	0.01	0.88	0.095	0.0037	0.7	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.07	-0.14	0.88	1	0.1	0.00049	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.04	0.04	0.88	0.6	3.00E-04	0.0015	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.01	0.03	0.88	0.25	0.18	0.007	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.02	0.03	0.89	0.82	0.34	0.05	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.02	-0.04	0	0.89	0.97	0.42	1	NA	NA	NA	NA

0.06	-0.03	-0.01	0.03	0.89	1	1	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.2	-0.05	-0.01	0.9	5.90E-08	0.0058	0.67	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	0	0.05	0.9	0.68	0.96	0.012	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.03	0	0.04	0.91	0.28	0.85	0.043	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.04	-0.03	0.91	0.095	0.0058	0.16	NA	NA	NA	NA
0.59	-0.05	-0.06	0.06	0.91	0.96	0.1	0.14	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.03	0	0.92	0.016	0.0058	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.09	0.09	0.92	0.88	0.032	0.1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.03	0.03	0.92	0.7	0.055	0.097	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.04	0.01	0.92	0.68	0.00093	0.41	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.04	-0.02	0.92	0.46	0.096	0.51	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.04	-0.06	0.93	0.15	0.27	0.0091	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.04	-0.01	0.93	0.32	0.036	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.04	0.08	0.93	0.53	0.019	0.0067	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.05	-0.02	0.02	0.93	0.95	0.69	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.08	-0.01	0.06	0.94	0.019	0.73	0.08	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.09	-0.15	0.94	0.93	0.13	0.0012	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.07	-0.03	0.94	0.5	3.60E-07	0.099	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.07	-0.09	0.94	0.47	0.016	0.0079	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.05	-0.03	0.05	0.95	0.74	0.44	0.34	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.03	-0.01	0.95	0.015	0.062	0.77	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.03	0.01	0.95	0.89	0.015	0.34	NA	NA	NA	NA
0	0.06	-0.06	0.02	0.95	0.035	1.40E-06	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.13	-0.07	0.12	0.95	0.004	0.00054	3.80E-05	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.08	-0.08	0.95	1	0.00032	2.70E-05	NA	NA	NA	NA
0	0.09	-0.03	0.01	0.95	0.0011	0.069	0.76	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.07	0.05	0.95	0.53	0.0072	0.034	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.01	0	0.96	0.52	0.47	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.05	-0.08	0.05	0.96	0.36	0.0068	0.11	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.05	-0.01	0.97	0.15	0.24	0.78	NA	NA	NA	NA

0.01	0	-0.01	-0.03	0.97	1	0.82	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.24	-0.08	-0.02	0.97	0.053	0.0027	0.46	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.03	0.06	0.97	1	0.078	0.0035	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	0.01	0.04	0.97	0.99	0.72	0.092	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.01	0.04	0.98	0.4	0.6	0.025	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.02	0.04	0.98	1	0.57	0.2	NA	NA	NA	NA
0	-0.03	-0.01	0	0.98	0.014	0.45	0.67	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.03	-0.04	0.98	1	0.05	0.0045	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.09	-0.05	-0.16	0.98	0.16	0.88	0.78	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.02	-0.01	0.98	0.85	0.18	0.69	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.05	-0.06	0.98	0.62	0.024	0.001	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.01	0	0.98	0.72	0.78	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	0	-0.03	0.98	1	1	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.33	-0.18	-0.05	0.99	0.0028	7.00E-06	0.74	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.07	-0.06	0.05	0.99	0.23	0.0042	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	-0.1	-0.12	0.99	0.7	0.063	0.0057	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.05	-0.04	0.99	0.46	0.014	0.045	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.06	0.01	0.99	0.64	4.30E-07	0.59	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	0	0.1	0.99	0.23	1	0.055	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.01	0.05	0.99	0.73	0.62	0.013	NA	NA	NA	NA
0.01	0.1	-0.12	-0.02	1	0.14	5.20E-05	0.66	NA	NA	NA	NA
0.01	0.15	0.02	0.06	1	0.49	0.78	0.36	NA	NA	NA	NA
0	0.09	-0.07	0.05	1	0.15	0.015	0.37	NA	NA	NA	NA
0	0.07	-0.04	-0.03	1	0.015	0.46	0.49	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.1	-0.12	1	1	9.00E-04	3.20E-05	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.03	0.04	1	0.15	0.12	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.1	-0.01	0.21	1	0.8	1	0.028	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.02	0.04	1	0.22	0.18	0.06	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.02	-0.07	0.06	1	0.69	0.0012	0.033	NA	NA	NA	NA
0.02	0.1	-0.06	0.06	1	0.48	0.073	0.14	NA	NA	NA	NA

0	0	-0.04	0.03	1	0.92	0.00034	0.025	NA	NA	NA	NA
0.01	0	0.02	0	1	1	0.35	1	NA	NA	NA	NA
-0.08	0	-0.06	0.14	1	1	0.8	0.2	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.02	0.01	1	0.49	0.28	0.46	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.05	-0.02	0.1	1	0.27	0.44	4.60E-06	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.03	0.04	1	0.66	0.24	0.17	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.13	-0.11	0.04	1	0.024	0.0036	0.4	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.01	0.07	1	0.81	0.72	0.069	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	-0.19	-0.13	1	0.66	0.00014	0.08	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.04	0.17	1	0.37	0.1	5.10E-07	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.04	0.03	1	0.88	0.062	0.34	NA	NA	NA	NA
0	-0.16	-0.06	-0.02	1	0.22	0.04	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.04	0.02	1	0.49	0.45	0.68	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.1	-0.05	-0.01	1	0.12	0.025	0.52	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.08	0	1	0.88	1.50E-05	1	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.01	-0.01	1	0.47	0.52	0.77	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.05	0.01	1	0.71	3.30E-06	0.47	NA	NA	NA	NA
0	-0.05	-0.13	0.02	1	0.15	0.0038	0.68	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.06	0	1	0.073	0.0032	0.88	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	-0.06	0.03	1	0.61	0.014	0.42	NA	NA	NA	NA
-0.5	-0.74	-0.06	-0.02	1	0.6	0.034	0.82	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.38	-0.06	0.01	1	2.10E-06	0.0023	0.8	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.02	0.03	1	0.99	0.044	0.016	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.07	-0.06	0.01	1	0.11	0.0029	0.72	NA	NA	NA	NA
0	0.04	0.01	0.05	1	0.15	0.82	0.022	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	0	0.01	1	1	1	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.84	0.13	0.13	1	1.00E-04	0.037	0.011	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.07	-0.01	0.06	1	0.74	0.8	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.32	-0.02	0.01	1	1.80E-07	0.67	0.8	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.06	0.01	0.11	1	0.4	0.62	0.00099	NA	NA	NA	NA

-0.03	-0.06	-0.08	0.24	1	0.95	0.068	0.0025	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.15	0.01	-0.02	1	1	1	0.72	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.04	0	1	0.85	0.005	0.87	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	-0.08	-0.2	1	1	0.46	0.0021	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	0.02	0.03	1	1	0.65	0.56	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.18	-0.08	0.1	1	0.06	0.0067	0.013	NA	NA	NA	NA
0.02	0.11	-0.02	-0.02	1	0.42	0.78	0.95	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.05	-0.03	0.17	1	0.28	0.15	8.90E-07	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.07	-0.09	0.02	1	0.2	2.00E-07	0.38	NA	NA	NA	NA
0.01	0	0	-0.07	1	1	1	0.36	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.07	-0.21	-0.08	1	0.93	2.30E-06	0.053	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.03	0.06	1	0.57	0.33	0.038	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.03	-0.03	1	0.041	0.21	0.17	NA	NA	NA	NA
0.02	0	0	0.02	1	1	0.99	0.6	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.03	0	0.04	1	0.66	1	0.27	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.02	-0.2	-0.07	1	1	1.30E-05	0.41	NA	NA	NA	NA
0.02	0.39	0.06	0.15	1	0.006	0.25	0.021	NA	NA	NA	NA
0.01	0.11	-0.05	0.02	1	0.015	0.48	0.75	NA	NA	NA	NA
0	0.47	-0.02	0.05	1	0.00073	0.6	0.16	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	0	0.01	1	1	1	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.03	-0.06	1	0.84	0.49	0.23	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.04	0.02	1	0.81	0.023	0.21	NA	NA	NA	NA
0.02	0.13	0	0.08	1	0.012	1	0.24	NA	NA	NA	NA
0.14	0.14	-0.04	-0.06	1	0.29	0.18	0.28	NA	NA	NA	NA
0.03	0.1	-0.03	NA	1	0.77	1	NA	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.06	-0.01	1	1	0.016	0.85	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.02	0.03	1	1	0.06	0.011	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.02	0	0.04	1	0.68	0.84	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.02	0.05	1	1	0.59	0.15	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	0.02	0.02	1	0.48	0.66	0.68	NA	NA	NA	NA

0.06	-0.14	-0.12	0.29	1	0.45	0.041	0.00023	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.08	0.02	1	0.38	6.50E-06	0.35	NA	NA	NA	NA
0.1	0.45	0.01	0.03	1	0.19	0.81	0.51	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.07	-0.12	1	0.59	0.43	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.04	0.05	1	0.69	0.027	0.024	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.16	-0.05	0.14	1	0.47	0.078	0.00019	NA	NA	NA	NA
0	0.06	-0.06	-0.01	1	0.062	0.014	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	-0.06	0.01	1	0.42	0.00034	0.46	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.09	0.02	1	0.66	4.30E-06	0.69	NA	NA	NA	NA
0	-0.04	-0.03	0.02	1	0.075	0.29	0.5	NA	NA	NA	NA
0.11	0.86	0.04	0.23	1	0.067	1	0.26	NA	NA	NA	NA
0	0.1	0	0.05	1	0.054	1	0.19	NA	NA	NA	NA
0	0.06	-0.02	0.06	1	0.11	0.43	0.0068	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.08	0.01	1	0.4	5.50E-05	0.62	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.11	NA	NA	1	0.027	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	0.25	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.05	0.27	NA	NA	0.21	0.26	NA	NA	NA	NA
NA	0	-0.02	0.14	NA	1	0.83	0.19	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	-0.05	NA	NA	NA	0.8	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.22	0.14	NA	NA	0.002	0.049	NA	NA	NA	NA
NA	0.07	-0.01	0.03	NA	0.36	0.85	0.43	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.08	NA	NA	NA	0.32	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.14	-0.09	NA	NA	0.62	0.99	NA	NA	NA	NA
NA	-0.09	-0.02	0.05	NA	0.45	0.53	0.16	NA	NA	NA	NA
NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.23	0.5	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.1	-0.1	-0.03	NA	0.84	0.16	0.81	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.09	NA	NA	NA	0.58	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.13	0.67	NA	NA	0.24	0.76	NA	NA	NA	NA

NA	NA	-0.12	-0.08	NA	NA	0.02	0.24	NA	NA	NA	NA
NA	-0.28	-0.05	-0.04	NA	0.12	0.3	0.43	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.57	0	NA	NA	0.53	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.07	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.03	-0.03	0.14	NA	0.91	0.27	4.40E-05	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	-0.04	NA	NA	0.83	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.33	-0.08	0.05	NA	0.83	0.0043	0.29	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	0.04	NA	NA	0.34	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.34	-0.3	NA	NA	0.029	0.18	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.83	NA	NA	1	0.61	NA	NA	NA	NA
NA	0.88	-0.02	-0.03	NA	0.34	0.95	0.88	NA	NA	NA	NA
NA	0.3	0.08	0.27	NA	0.028	0.53	0.091	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.07	-0.07	NA	NA	0.029	0.032	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.17	0.33	NA	NA	0.87	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.11	-0.07	0.08	NA	0.9	0.28	0.42	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.17	NA	NA	1	0.0061	NA	NA	NA	NA
NA	-0.15	-0.02	0.06	NA	0.83	0.51	0.27	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.33	NA	NA	NA	0.55	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.01	-0.13	-0.04	NA	1	0.0016	0.46	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.14	-0.17	NA	NA	0.77	0.3	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	NA	NA	NA	0.91	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	0.05	NA	NA	1	0.72	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.08	NA	NA	NA	0.47	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.11	0.4	NA	NA	0.78	0.0054	NA	NA	NA	NA
NA	0	-0.06	0	NA	1	0.08	0.97	NA	NA	NA	NA

NA	NA	-0.03	0.52	NA	NA	1	0.07	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.5	0	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.15	-0.04	-0.02	NA	0.22	0.28	0.7	NA	NA	NA	NA
NA	0.29	0.03	0.03	NA	0.92	0.66	0.67	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	0.9	NA	NA	1	5.40E-06	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	-0.07	NA	NA	0.011	0.2	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	-0.01	NA	NA	0.58	1	NA	NA	NA	NA
0.16	0.08	0.01	0.1	1.40E-09	0.00048	0.67	1.50E-09	NA	NA	NA	NA
-0.29	-0.36	0	0.04	4.20E-09	1.40E-08	0.94	0.14	NA	NA	NA	NA
0.19	0.07	-0.07	-0.03	5.60E-08	0.0045	0.00013	0.039	NA	NA	NA	NA
0.42	0.03	-0.03	0.09	2.10E-07	0.5	0.29	0.0013	NA	NA	NA	NA
0.21	0.14	-0.03	0	2.40E-07	0.00026	0.092	0.98	NA	NA	NA	NA
0.12	0.08	-0.06	-0.01	4.20E-07	0.00021	5.90E-05	0.69	NA	NA	NA	NA
0.12	0.01	-0.03	-0.01	6.10E-07	0.82	0.0012	0.2	NA	NA	NA	NA
0.17	0.04	-0.02	0.04	7.50E-07	0.081	0.19	0.003	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.04	-0.03	0.05	8.30E-07	0.2	0.077	0.0094	NA	NA	NA	NA
0.14	0.11	-0.04	-0.03	5.40E-06	7.20E-05	0.00081	0.035	NA	NA	NA	NA
0.22	0.05	-0.02	0.05	6.10E-06	0.073	0.35	0.0066	NA	NA	NA	NA
-0.48	-0.48	-0.01	0.06	6.30E-06	4.60E-09	0.92	0.094	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.14	-0.06	-0.03	7.40E-06	0.0016	0.013	0.19	NA	NA	NA	NA
0.44	0.28	-0.14	-0.07	8.70E-06	6.20E-05	1.90E-06	0.12	NA	NA	NA	NA
0.17	0.08	-0.05	0.04	8.80E-06	0.038	0.00077	0.0068	NA	NA	NA	NA
0.15	0.01	-0.02	-0.01	1.10E-05	0.73	0.049	0.56	NA	NA	NA	NA
0.24	0.09	-0.01	0	1.20E-05	0.1	0.44	0.85	NA	NA	NA	NA
0.28	0.47	-0.08	0.09	1.50E-05	1.70E-09	0.044	0.062	NA	NA	NA	NA
0.07	0.06	-0.01	0	3.20E-05	0.00031	0.61	0.79	NA	NA	NA	NA
0.14	0.06	-0.02	0.02	6.00E-05	0.014	0.18	0.19	NA	NA	NA	NA
0.15	0.07	-0.04	0.01	6.70E-05	0.042	0.055	0.81	NA	NA	NA	NA
0.1	0.06	-0.02	0.04	7.50E-05	0.00014	0.14	0.0029	NA	NA	NA	NA

0.18	0.07	-0.03	0	1.00E-04	0.043	0.26	0.93	NA	NA	NA	NA
0.08	0.09	-0.06	-0.01	0.00024	8.40E-06	3.90E-05	0.33	NA	NA	NA	NA
0.23	-0.02	-0.02	0.05	0.00025	0.65	0.16	0.0089	NA	NA	NA	NA
0.07	0.06	-0.04	-0.02	3.00E-04	0.00036	0.0066	0.16	NA	NA	NA	NA
0.25	0.02	0.02	0.16	0.00035	0.85	0.61	2.10E-05	NA	NA	NA	NA
0.15	0.14	-0.03	0	0.00039	1.00E-04	0.026	1	NA	NA	NA	NA
0.15	0.03	-0.05	-0.01	0.00042	0.28	0.0063	0.48	NA	NA	NA	NA
0.13	0.2	-0.06	0.01	0.00042	8.10E-07	0.0014	0.54	NA	NA	NA	NA
0.21	0.12	-0.02	0.11	0.00051	0.0045	0.45	0.0015	NA	NA	NA	NA
0.17	0.04	-0.04	0.03	0.00066	0.28	0.081	0.26	NA	NA	NA	NA
0.23	0.04	-0.06	0.08	0.00067	0.24	0.0014	0.00065	NA	NA	NA	NA
0.1	0.09	-0.02	0.04	0.00068	0.00021	0.17	0.0017	NA	NA	NA	NA
0.89	-0.04	-0.09	-0.1	0.00078	1	0.24	0.22	NA	NA	NA	NA
0.2	-0.04	-0.02	-0.02	0.00092	0.43	0.31	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.25	-0.15	-0.04	-0.03	0.00099	0.1	0.079	0.34	NA	NA	NA	NA
0.7	NA	-0.03	0	0.00099	NA	0.74	1	NA	NA	NA	NA
0.19	0.09	0.01	0.05	0.0011	0.0058	0.56	0.018	NA	NA	NA	NA
0.14	0.14	0.01	0.04	0.0011	6.10E-06	0.57	0.075	NA	NA	NA	NA
0.42	0.07	-0.07	0	0.0012	0.55	0.06	1	NA	NA	NA	NA
0.09	0	-0.05	-0.01	0.0013	0.99	0.00014	0.49	NA	NA	NA	NA
0.12	0.02	-0.07	-0.03	0.0016	0.57	7.00E-06	0.047	NA	NA	NA	NA
0.32	0.16	-0.03	0.06	0.0016	0.0065	0.22	0.047	NA	NA	NA	NA
0.09	0.02	-0.01	0	0.0018	0.33	0.62	1	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.01	0.02	0.0018	0.063	0.72	0.19	NA	NA	NA	NA
0.08	0.04	-0.04	0.02	0.0018	0.016	0.0085	0.19	NA	NA	NA	NA
0.27	-0.11	-0.02	0.07	0.002	0.037	0.4	0.0051	NA	NA	NA	NA
0.17	0.02	-0.06	0	0.0021	0.77	0.0042	1	NA	NA	NA	NA
0.09	0.07	-0.04	-0.04	0.0022	0.0041	0.02	0.026	NA	NA	NA	NA
0.09	0.08	-0.05	0	0.0024	0.087	0.03	1	NA	NA	NA	NA
0.18	-0.09	-0.07	0	0.0025	0.0068	0.00017	0.84	NA	NA	NA	NA

0.18	0.01	0.01	0.04	0.0026	0.77	0.6	0.012	NA	NA	NA	NA
-0.24	-0.32	-0.02	-0.11	0.0026	1.30E-05	0.78	0.0062	NA	NA	NA	NA
0.2	0.19	0.05	0.06	0.0027	0.015	0.3	0.26	NA	NA	NA	NA
0.1	0.21	-0.04	-0.01	0.0028	2.90E-08	0.0015	0.43	NA	NA	NA	NA
0.37	0.04	-0.1	0.1	0.0034	0.66	0.0043	0.017	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.04	-0.04	0.0039	0.35	0.027	0.038	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.04	0	0.0043	0.26	0.00036	0.78	NA	NA	NA	NA
0.27	0.05	0	0.01	0.0046	0.67	1	0.83	NA	NA	NA	NA
0.13	0.13	-0.04	0.03	0.0047	0.0016	0.34	0.59	NA	NA	NA	NA
0.59	0.73	0.04	0.12	0.0048	0.0036	0.22	0.00072	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	-0.03	0.07	0.0049	0.56	0.0077	3.70E-07	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	-0.03	0	0.005	2.80E-06	0.003	0.87	NA	NA	NA	NA
-0.55	-0.55	-0.01	0.13	0.0053	0.16	1	0.069	NA	NA	NA	NA
0.4	0.11	0.07	0.01	0.0053	0.21	0.51	1	NA	NA	NA	NA
0.13	0.06	-0.02	0.02	0.0058	0.2	0.3	0.25	NA	NA	NA	NA
0.31	0.04	-0.03	0.06	0.0059	0.5	0.26	0.086	NA	NA	NA	NA
0.15	-0.04	-0.03	-0.02	0.0059	0.44	0.18	0.23	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.02	0.04	0.0062	0.038	0.11	0.011	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.14	-0.04	-0.04	0.0063	4.90E-06	0.14	0.089	NA	NA	NA	NA
0.12	0.06	-0.01	0.03	0.0065	0.029	0.43	0.052	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.01	0.05	0.0069	0.028	0.18	1.10E-05	NA	NA	NA	NA
0.1	0.03	-0.02	-0.04	0.0069	0.11	0.13	0.0059	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.01	0.01	0.13	0.0071	0.9	0.76	1.40E-07	NA	NA	NA	NA
0.22	-0.02	-0.09	-0.1	0.0079	0.86	0.011	0.002	NA	NA	NA	NA
0.11	0.02	-0.08	0.01	0.008	0.48	1.60E-08	0.62	NA	NA	NA	NA
0.11	0.03	-0.01	0.06	0.0084	0.21	0.61	0.032	NA	NA	NA	NA
0.06	0.12	-0.05	0.02	0.0089	6.80E-08	0.00034	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.03	0	0.05	0.01	0.62	0.98	0.086	NA	NA	NA	NA
0.07	0.18	-0.06	0.03	0.01	2.80E-06	0.0085	0.32	NA	NA	NA	NA
0.08	0.08	-0.01	0.07	0.01	0.012	0.76	0.0023	NA	NA	NA	NA

-0.15	-0.17	-0.17	-0.17	0.012	0.01	3.10E-07	4.20E-06	NA	NA	NA	NA
0.07	0.08	-0.02	0	0.012	7.00E-04	0.079	0.9	NA	NA	NA	NA
0.15	0.31	-0.08	-0.04	0.012	2.70E-07	0.00011	0.079	NA	NA	NA	NA
0.16	0.12	-0.06	0.04	0.012	0.058	0.19	0.49	NA	NA	NA	NA
0.26	0.02	0.02	0.02	0.013	0.96	0.67	0.67	NA	NA	NA	NA
0.05	0.09	-0.06	-0.05	0.015	3.70E-07	2.90E-06	0.00017	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.01	0.02	0.015	0.3	0.56	0.2	NA	NA	NA	NA
0.08	0.06	-0.02	-0.04	0.017	0.0019	0.17	0.013	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	0.01	0.02	0.017	0.00096	0.46	0.032	NA	NA	NA	NA
0.1	0.09	0.07	0.08	0.017	0.071	0.011	0.0036	NA	NA	NA	NA
0.16	0.05	-0.03	0	0.017	0.37	0.094	0.99	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.03	0.01	0.018	0.52	0.07	0.65	NA	NA	NA	NA
0.21	-0.04	0	0.05	0.019	0.67	1	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.25	-0.23	0.01	0.13	0.019	0.22	1	0.0095	NA	NA	NA	NA
0.19	0.05	-0.02	0.02	0.021	0.51	0.55	0.7	NA	NA	NA	NA
0.09	0.09	-0.06	-0.04	0.022	0.014	6.30E-06	0.0048	NA	NA	NA	NA
0.16	0.19	-0.1	-0.09	0.023	0.00054	0.0015	0.0091	NA	NA	NA	NA
0.47	-0.1	-0.11	-0.03	0.023	0.007	0.00058	0.44	NA	NA	NA	NA
0.05	0.1	-0.03	0	0.024	7.50E-07	0.032	0.87	NA	NA	NA	NA
0.08	0.09	-0.01	0.02	0.024	0.0081	0.41	0.2	NA	NA	NA	NA
0.15	0.08	-0.06	-0.03	0.026	0.69	0.14	0.51	NA	NA	NA	NA
0.24	0.07	-0.03	-0.02	0.028	0.24	0.35	0.61	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.02	-0.05	0.01	0.03	0.53	0.0027	0.79	NA	NA	NA	NA
0.09	0.12	-0.02	0.02	0.031	6.10E-05	0.3	0.45	NA	NA	NA	NA
-0.3	0.12	-0.18	-0.15	0.032	0.84	0.028	0.26	NA	NA	NA	NA
0.08	0.22	-0.07	-0.09	0.032	9.00E-07	0.054	0.032	NA	NA	NA	NA
0.14	0.04	-0.02	0.05	0.032	0.3	0.2	0.011	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.02	-0.03	0.02	0.032	0.63	0.024	0.17	NA	NA	NA	NA
0.16	0.2	-0.12	-0.13	0.034	0.0038	0.00018	2.60E-06	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.05	-0.07	0.01	0.035	0.0062	4.00E-06	0.61	NA	NA	NA	NA

0.08	0.02	-0.05	-0.02	0.038	0.85	0.022	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.2	-0.14	-0.01	-0.03	0.039	0.23	0.95	0.3	NA	NA	NA	NA
0.12	0.05	-0.06	-0.1	0.04	0.4	0.081	0.00035	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	-0.06	-0.05	0.04	0.17	0.0029	0.002	NA	NA	NA	NA
0.67	0.07	-0.06	-0.03	0.041	0.99	0.28	0.63	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.04	-0.02	0.043	1	0.032	0.38	NA	NA	NA	NA
0.6	-0.17	-0.12	0.34	0.045	0.27	0.0077	0.0041	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	0.01	0.02	0.046	0.017	0.69	0.22	NA	NA	NA	NA
0.1	0	-0.02	0.03	0.047	1	0.23	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.13	-0.05	0	0.047	0.0092	0.049	1	NA	NA	NA	NA
0.47	0.28	-0.03	-0.01	0.049	0.28	0.3	0.76	NA	NA	NA	NA
0.12	0.04	-0.11	0.07	0.05	0.47	0.012	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.05	-0.08	0.05	0.052	0.19	0.00024	0.064	NA	NA	NA	NA
0.07	0	-0.03	0.05	0.052	1	0.023	0.002	NA	NA	NA	NA
0.1	0.06	-0.1	-0.05	0.054	0.18	3.30E-05	0.054	NA	NA	NA	NA
-0.49	-0.19	-0.01	0.1	0.054	0.5	0.86	0.0036	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.12	-0.05	0.03	0.058	0.00046	0.0032	0.093	NA	NA	NA	NA
0.06	0.13	-0.08	-0.04	0.06	0.0012	4.50E-09	0.017	NA	NA	NA	NA
0.22	-0.01	-0.05	0.07	0.062	0.94	0.17	0.071	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	-0.05	0	0.064	0.013	4.40E-06	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.22	-0.19	-0.07	-0.1	0.066	0.044	0.21	0.031	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.03	-0.04	0.067	0.77	0.011	0.0028	NA	NA	NA	NA
0.11	0.11	-0.07	0.01	0.069	0.0057	0.00022	0.72	NA	NA	NA	NA
0.3	-0.03	-0.03	0.02	0.069	0.79	0.36	0.71	NA	NA	NA	NA
0.2	-0.07	0.01	NA	0.074	0.62	1	NA	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.04	-0.06	0	0.078	0.39	0.0026	0.91	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	0.03	0.03	0.081	0.52	0.22	0.17	NA	NA	NA	NA
0.09	0.09	-0.07	-0.01	0.081	0.016	2.00E-04	0.61	NA	NA	NA	NA
0.21	0	-0.15	-0.02	0.082	1	3.80E-06	0.67	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.07	-0.05	0.087	0.039	2.60E-05	0.0017	NA	NA	NA	NA

0.25	0.24	-0.06	0.11	0.087	0.047	0.11	0.076	NA	NA	NA	NA
0.3	-0.05	-0.01	0.07	0.088	0.69	0.81	0.11	NA	NA	NA	NA
0.3	0.08	-0.02	-0.03	0.09	0.52	0.56	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.12	-0.04	-0.01	0.093	0.0032	0.04	0.81	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.02	-0.01	0	0.093	0.45	0.47	0.92	NA	NA	NA	NA
0.25	0.06	0	0.04	0.094	0.63	1	0.22	NA	NA	NA	NA
0.09	0.01	-0.02	0.06	0.095	0.87	0.28	0.00056	NA	NA	NA	NA
0.04	0.1	-0.04	-0.03	0.095	1.00E-07	0.0023	0.04	NA	NA	NA	NA
0.76	-0.06	-0.08	-0.03	0.097	0.3	0.017	0.34	NA	NA	NA	NA
0.06	0.09	0.01	0.07	0.1	0.0029	0.71	0.0015	NA	NA	NA	NA
0.23	0.22	-0.01	0.03	0.11	0.072	0.73	0.37	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.01	-0.05	0	0.11	0.72	0.0012	0.87	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.06	0.02	0.11	0.052	0.00013	0.31	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.05	-0.03	0.11	0.89	0.0062	0.064	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.16	-0.1	0	0.12	0.066	4.70E-05	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.09	-0.05	-0.05	0.12	0.012	0.0015	0.00084	NA	NA	NA	NA
0.1	0.09	-0.04	0.02	0.12	0.08	0.11	0.39	NA	NA	NA	NA
0.06	0.11	-0.06	-0.04	0.12	0.014	0.00027	0.025	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	-0.06	-0.05	0.12	0.88	0.0096	0.03	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.01	0.03	0.13	0.42	0.6	0.11	NA	NA	NA	NA
0.92	0.24	0.01	0.11	0.13	0.00028	0.89	0.0048	NA	NA	NA	NA
0.12	0.11	-0.01	0.02	0.13	0.25	0.97	0.64	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.05	0.04	0.13	0.37	0.0021	0.027	NA	NA	NA	NA
0.15	0.14	-0.02	0.01	0.14	0.27	0.58	0.95	NA	NA	NA	NA
0.36	0.36	-0.12	-0.07	0.14	0.28	0.46	0.81	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	-0.12	-0.17	0.14	0.81	0.013	0.0023	NA	NA	NA	NA
0.25	0.05	0.01	0.18	0.14	0.87	0.99	5.20E-08	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	0.02	0.04	0.14	0.1	0.28	0.0028	NA	NA	NA	NA
0.1	0.03	-0.1	-0.07	0.15	0.52	1.80E-09	7.70E-05	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.02	0	0.04	0.15	0.5	1	0.062	NA	NA	NA	NA

0.23	0.04	-0.11	-0.1	0.15	0.88	0.0076	0.036	NA	NA	NA	NA
0.09	0.15	0.03	0.09	0.16	0.011	0.33	0.01	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.11	-0.03	0.16	0.51	4.50E-09	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.2	-0.43	-0.09	-0.07	0.16	1.50E-05	0.1	0.35	NA	NA	NA	NA
-0.13	0.16	0.04	0.05	0.16	0.069	0.38	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.12	-0.05	-0.05	0.17	0.023	0.23	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.08	0	0.03	0.17	0.29	1	0.4	NA	NA	NA	NA
0.23	0.08	-0.11	-0.37	0.17	0.59	0.16	4.20E-07	NA	NA	NA	NA
0.14	0.23	0.01	0	0.17	0.059	0.9	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.11	-0.05	-0.02	0.18	1.10E-07	0.00034	0.3	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.06	0.04	0.18	0.26	0.0059	0.12	NA	NA	NA	NA
0.7	0.06	0.04	0.1	0.18	0.57	0.21	0.00058	NA	NA	NA	NA
-0.73	-0.8	-0.11	-0.09	0.18	0.28	0.06	0.84	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	0	0.06	0.18	0.81	0.91	0.011	NA	NA	NA	NA
0.04	0.13	-0.04	0.04	0.19	0.00086	0.011	0.028	NA	NA	NA	NA
0.9	0.02	-0.07	-0.04	0.19	0.69	0.0056	0.072	NA	NA	NA	NA
-0.55	-0.1	-0.15	0.02	0.19	1	0.00033	0.86	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.03	-0.01	0.19	1	0.18	0.75	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.02	0.02	0.2	0.18	0.091	0.12	NA	NA	NA	NA
0.09	0.09	0.02	0.03	0.2	0.089	0.44	0.21	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	-0.06	-0.03	0.21	0.12	0.0048	0.18	NA	NA	NA	NA
0.03	0.13	-0.04	-0.02	0.22	2.80E-09	0.0052	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.25	0	-0.15	0.15	0.22	1	0.017	0.078	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	0.01	0.14	0.22	0.31	0.67	1.90E-07	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.05	-0.02	0.04	0.22	0.041	0.059	0.016	NA	NA	NA	NA
0.04	0	0	0.03	0.22	0.99	0.94	0.084	NA	NA	NA	NA
0.22	0.09	-0.25	0.25	0.23	1	0.0018	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.09	0	-0.07	-0.15	0.23	1	0.19	0.009	NA	NA	NA	NA
0.07	0.29	-0.03	0.05	0.23	6.90E-07	0.022	0.038	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	-0.01	0.05	0.24	0.0011	0.64	6.40E-05	NA	NA	NA	NA

0.1	-0.15	-0.05	-0.05	0.24	0.052	0.0095	0.015	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.04	-0.04	-0.01	0.24	0.12	0.002	0.28	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	0	0.01	0.24	0.34	1	0.46	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.01	-0.05	0.02	0.25	0.91	0.005	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.04	-0.08	-0.02	0.25	0.2	4.30E-06	0.26	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.06	0	0.25	0.72	0.053	0.99	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.04	-0.01	0.25	0.51	0.0057	0.42	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.01	0.04	0.26	0.00047	0.68	0.0023	NA	NA	NA	NA
0.03	0.16	-0.04	0	0.26	9.40E-06	8.20E-05	0.82	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.01	0.02	0.26	0.94	0.5	0.32	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.04	0.01	0.26	0.38	0.019	0.56	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.17	-0.02	0.02	0.26	0.00039	0.13	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.06	-0.01	0.01	0.26	0.11	0.51	0.57	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.02	-0.03	0	0.26	0.57	0.079	0.99	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.09	0.02	0.03	0.26	0.053	0.39	0.29	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	-0.02	0.03	0.27	0.00051	0.094	0.031	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.02	-0.04	0.02	0.28	0.54	0.058	0.33	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.04	-0.02	0.28	0.11	0.0019	0.086	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	0.03	0.06	0.28	0.058	0.11	0.00016	NA	NA	NA	NA
0.28	0.53	-0.1	-0.06	0.28	0.45	0.1	0.17	NA	NA	NA	NA
0.22	0.36	-0.15	0.07	0.28	0.058	0.016	0.43	NA	NA	NA	NA
0.13	0.08	-0.05	-0.01	0.28	0.18	0.015	0.76	NA	NA	NA	NA
0.18	0.11	-0.06	0.03	0.29	0.47	0.62	0.85	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.02	0.01	0.3	0.52	0.41	0.72	NA	NA	NA	NA
0.11	0	-0.06	-0.05	0.3	1	0.012	0.044	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	0	0	0.3	0.43	1	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.05	-0.02	0.31	0.39	0.014	0.19	NA	NA	NA	NA
0.09	0.18	-0.03	0	0.31	3.20E-05	0.21	0.97	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.02	-0.13	0.04	0.31	0.98	0.00014	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.31	-0.25	0.06	0	0.31	0.51	0.25	1	NA	NA	NA	NA

-0.08	0.1	0	0.05	0.32	0.092	1	0.06	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.09	-0.05	0.32	0.49	0.016	0.24	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.04	-0.04	0	0.33	0.54	0.021	0.98	NA	NA	NA	NA
0.13	0.08	-0.06	0.09	0.34	0.43	0.087	0.03	NA	NA	NA	NA
0.1	0.06	-0.01	0.05	0.35	0.24	0.62	0.007	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.13	0.02	0.02	0.35	0.021	0.29	0.25	NA	NA	NA	NA
0.85	0.29	-0.09	-0.07	0.35	0.0056	0.069	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.16	-0.08	-0.06	0.35	0.05	0.00033	0.045	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.14	-0.02	-0.04	0.35	0.0012	0.56	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.16	0.12	-0.04	0.07	0.36	0.13	0.25	0.11	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.05	-0.08	-0.03	0.36	0.085	2.20E-07	0.046	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.02	-0.01	0.36	0.81	0.15	0.4	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.04	0.04	0.36	0.94	0.0045	0.017	NA	NA	NA	NA
0.08	0.01	0.03	0.08	0.36	1	0.24	0.0095	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.05	0	0.37	0.85	3.50E-05	0.88	NA	NA	NA	NA
0.1	0.01	-0.03	0.2	0.37	0.98	0.39	8.00E-07	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.01	0.05	0.37	0.15	0.74	0.015	NA	NA	NA	NA
0.08	0.07	-0.06	0.05	0.37	0.16	0.023	0.11	NA	NA	NA	NA
0.09	0.13	0	-0.02	0.37	0.2	0.88	0.43	NA	NA	NA	NA
0.07	0.32	-0.09	0.07	0.37	2.40E-05	0.0011	0.046	NA	NA	NA	NA
0.03	0.1	-0.03	0.02	0.37	0.00029	0.016	0.16	NA	NA	NA	NA
0.11	0.06	-0.09	0.01	0.38	0.38	0.00013	0.69	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.08	-0.03	0.38	1	0.017	0.37	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.01	0.04	0.38	0.58	0.39	0.0025	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.05	-0.04	0.02	0.38	0.074	0.013	0.34	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.08	-0.08	0.05	0.39	0.016	0.0017	0.077	NA	NA	NA	NA
0.07	0.23	-0.03	0.15	0.4	0.00012	0.35	6.60E-06	NA	NA	NA	NA
0.06	0.46	-0.04	0.04	0.4	0.00023	0.013	0.092	NA	NA	NA	NA
0.04	0.17	-0.01	0.06	0.4	0.00019	0.6	0.013	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.03	0.01	0.4	0.099	0.12	0.71	NA	NA	NA	NA

-0.04	-0.09	-0.07	0.01	0.4	0.0029	0.00025	0.7	NA	NA	NA	NA
0.04	0.08	-0.13	-0.07	0.41	0.022	6.60E-06	0.06	NA	NA	NA	NA
0.16	0.36	-0.05	0.04	0.41	2.60E-05	0.19	0.31	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.05	0.13	0.41	0.28	0.036	0.0065	NA	NA	NA	NA
0.08	0.06	-0.03	-0.02	0.42	0.12	0.4	0.55	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.1	0.02	0.07	0.42	0.21	0.44	0.0099	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.07	-0.04	-0.02	0.42	0.0041	0.026	0.34	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.06	0.04	0.42	1	0.18	0.15	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.13	-0.06	0.42	1	1.50E-08	0.12	NA	NA	NA	NA
0.82	-0.05	-0.14	0.05	0.42	1	2.10E-05	0.36	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.05	-0.06	-0.01	0.42	0.047	1.70E-05	0.8	NA	NA	NA	NA
0.22	NA	-0.03	-0.04	0.42	NA	0.86	0.84	NA	NA	NA	NA
0.05	0.11	-0.06	0.06	0.43	0.0021	7.30E-06	0.0037	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.05	-0.04	-0.01	0.44	0.081	0.0038	0.64	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.01	0	0.44	0.61	0.61	0.91	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.01	0.08	0.45	0.75	0.8	5.60E-05	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.06	-0.06	-0.04	0.45	0.29	0.019	0.15	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.02	0.02	0.45	0.43	0.35	0.57	NA	NA	NA	NA
0.28	-0.12	-0.01	0.18	0.45	0.59	0.89	2.00E-08	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.04	0.01	0.45	0.72	0.022	0.62	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	-0.07	-0.07	0.45	0.75	0.12	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.02	-0.11	-0.04	0.46	0.88	0.00026	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.07	0.05	0.08	0.46	0.29	0.066	0.0032	NA	NA	NA	NA
0.04	0.1	-0.06	0.02	0.46	0.15	0.015	0.51	NA	NA	NA	NA
0.83	0.03	0.26	0.23	0.47	1	0.35	0.082	NA	NA	NA	NA
0.03	0.23	-0.08	-0.04	0.47	0.055	0.012	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.07	-0.05	0.47	0.99	0.014	0.028	NA	NA	NA	NA
0.79	0.29	-0.09	-0.07	0.48	0.013	0.18	0.063	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.07	-0.07	-0.02	0.48	0.23	0.087	0.59	NA	NA	NA	NA
0.03	0.11	0	0	0.48	9.00E-04	0.95	0.91	NA	NA	NA	NA

0.06	0.28	-0.06	0.05	0.49	9.60E-07	0.0091	0.17	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.08	0.07	0.49	0.6	5.10E-05	0.0084	NA	NA	NA	NA
0.24	0.06	-0.05	0.04	0.49	0.56	0.07	0.28	NA	NA	NA	NA
0.09	0.08	-0.03	-0.01	0.49	0.47	0.48	0.96	NA	NA	NA	NA
0.08	0.5	-0.06	0.23	0.5	1.10E-05	0.26	0.00042	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.06	0.07	0.01	0.5	1	0.61	0.99	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	-0.01	0	0.5	0.56	0.98	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	0.01	0	0.51	0.28	0.38	0.83	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.05	-0.03	0.51	1	0.00051	0.096	NA	NA	NA	NA
0.04	0.08	-0.04	0.04	0.51	0.032	0.0066	0.042	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.02	0.02	0.11	0.51	1	0.32	0.0012	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.02	0.02	0.52	0.2	0.17	0.2	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	0	0.05	0.52	0.38	0.91	0.036	NA	NA	NA	NA
0.06	0.43	0	-0.01	0.52	7.80E-05	1	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.11	-0.07	0.53	0.16	1.20E-05	0.0092	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.04	0.02	0.53	0.24	0.0092	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.18	-0.06	0.06	0.53	0.68	0.072	0.2	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.05	0	0.53	0.3	2.80E-05	0.87	NA	NA	NA	NA
-0.06	0	-0.05	NA	0.53	1	0.19	NA	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.02	0.02	-0.02	0.53	0.95	0.66	0.6	NA	NA	NA	NA
0.07	0.15	-0.1	0.1	0.54	0.35	0.0013	0.034	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	0.07	0.11	0.54	0.92	0.0084	0.00022	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.01	0.01	0.55	0.096	0.62	0.52	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.06	-0.02	0.55	0.96	0.00077	0.51	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.03	-0.02	-0.01	0.55	0.56	0.44	0.86	NA	NA	NA	NA
0.02	0.12	-0.04	0.02	0.55	2.00E-05	0.00022	0.053	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.18	-0.03	0.03	0.55	0.2	0.32	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	-0.08	-0.05	0.56	0.96	1.10E-05	0.018	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.01	0.02	0.56	0.32	0.71	0.17	NA	NA	NA	NA
0.03	0.11	-0.01	0.02	0.58	0.022	0.78	0.29	NA	NA	NA	NA

0.04	0.08	-0.02	0.03	0.59	0.097	0.17	0.17	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.02	0.02	0.59	0.49	0.2	0.064	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	-0.03	0.02	0.59	0.66	0.093	0.47	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.02	0	0.6	0.97	0.38	0.85	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.01	0.04	0.6	0.43	0.64	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.16	-0.08	-0.04	0.6	0.0023	1.70E-05	0.086	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.04	-0.05	0.03	0.6	0.14	3.70E-06	0.041	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.02	-0.02	0.6	0.041	0.096	0.25	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.03	-0.04	0.02	0.6	0.25	0.0062	0.3	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.07	-0.04	0.6	0.96	2.70E-05	0.0079	NA	NA	NA	NA
0.02	0.11	-0.03	-0.04	0.6	4.50E-05	0.21	0.0029	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.03	-0.14	0.16	0.61	0.96	0.0049	0.11	NA	NA	NA	NA
0.25	0	0.01	0.08	0.61	1	0.64	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.06	0.01	0.06	0.61	0.2	0.65	0.05	NA	NA	NA	NA
0.38	-0.03	-0.07	0.09	0.62	0.75	0.075	0.073	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.05	0.07	0.01	0.63	0.87	0.16	0.83	NA	NA	NA	NA
0.11	0.19	0.48	-0.05	0.64	0.034	0.012	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	-0.08	-0.05	0.64	0.32	1.40E-06	0.0017	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.09	-0.03	0.02	0.64	3.90E-06	0.0029	0.12	NA	NA	NA	NA
0.02	0.18	-0.02	0.07	0.65	1.20E-06	0.26	0.0012	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.1	-0.03	0.01	0.65	0.073	0.11	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.11	-0.06	-0.04	0.65	0.089	0.068	0.51	NA	NA	NA	NA
0.18	0.19	0	0.52	0.66	0.25	1	9.00E-08	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.01	0.06	0.66	0.68	0.8	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.05	-0.07	0.67	0.61	0.0083	8.90E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	-0.06	-0.03	0.67	0.043	2.00E-05	0.089	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.09	-0.01	0.67	0.0062	3.20E-09	0.61	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.11	-0.1	0.68	0.93	0.018	0.0065	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.04	0.03	0.68	1	0.065	0.28	NA	NA	NA	NA
0.02	0.12	-0.04	0	0.69	0.033	0.043	0.86	NA	NA	NA	NA

0.02	0.07	-0.04	0.02	0.69	0.042	0.089	0.53	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.05	-0.04	0.05	0.69	0.49	0.14	0.11	NA	NA	NA	NA
0.13	0.04	-0.05	-0.09	0.69	1	0.65	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.04	-0.06	0.01	0.7	0.79	0.031	0.95	NA	NA	NA	NA
0.8	0.8	-0.01	0.79	0.7	0.28	0.98	0.012	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.02	-0.02	0.7	0.066	0.59	0.55	NA	NA	NA	NA
0.01	0.08	-0.02	0.05	0.71	0.0026	0.2	0.014	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.02	0.02	0.72	0.052	0.29	0.28	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.04	0.04	0.72	0.7	0.0042	0.01	NA	NA	NA	NA
0.11	0.01	-0.05	-0.08	0.73	1	0.35	0.09	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.03	0	0.06	0.73	0.87	1	0.045	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.04	-0.02	0.74	0.91	0.098	0.29	NA	NA	NA	NA
0.03	0.32	-0.13	-0.13	0.74	7.40E-08	0.00017	0.00028	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.11	0.01	0.75	1	0.012	0.95	NA	NA	NA	NA
0.03	0.11	-0.02	-0.01	0.75	0.002	0.25	0.49	NA	NA	NA	NA
0.17	-0.16	-0.05	0.13	0.75	0.49	0.31	0.037	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.07	-0.05	0.01	0.75	0.33	0.034	0.8	NA	NA	NA	NA
0.04	0.18	-0.05	0.04	0.76	0.05	0.036	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.07	-0.05	-0.01	0.77	0.0076	0.015	0.86	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.04	0.01	0.77	0.9	0.0038	0.34	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.09	-0.06	0	0.77	0.58	0.28	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.1	-0.04	0.03	0.77	0.0047	0.053	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.04	-0.01	0.77	1	0.03	0.56	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.08	0	-0.01	0.77	0.61	1	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.04	0.04	0.78	0.55	0.0011	0.0025	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.21	-0.05	0.02	0.78	0.059	0.21	0.79	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.03	0.01	0.78	0.73	0.066	0.45	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.02	0.02	0.78	0.15	0.37	0.39	NA	NA	NA	NA
0.02	0.2	-0.01	0.04	0.79	0.00015	0.32	0.031	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.07	-0.01	0.12	0.79	0.75	0.62	0.0015	NA	NA	NA	NA

-0.07	0.22	-0.07	-0.01	0.81	0.18	0.086	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.14	-0.03	0.02	0.81	7.10E-07	0.065	0.35	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	-0.07	-0.05	0.81	0.85	0.0056	0.025	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	0	0.02	0.81	0.039	0.86	0.095	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.09	-0.07	0	0.82	0.18	0.0028	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.04	-0.03	0.83	0.94	0.00053	0.004	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	0.04	0	0.84	0.81	0.15	0.96	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.06	0.01	-0.01	0.84	0.11	0.84	0.48	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.03	-0.02	0.86	0.071	0.14	0.39	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.04	0.02	0.86	1	0.074	0.56	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.18	-0.09	-0.08	0.86	0.14	0.14	0.26	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.03	-0.08	-0.01	0.86	0.44	0.0075	0.9	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.03	0.01	0.87	0.056	0.14	0.59	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.04	-0.05	0.03	0.87	0.87	0.18	0.57	NA	NA	NA	NA
0.12	0.01	0.02	0.04	0.87	0.86	0.3	0.038	NA	NA	NA	NA
0.05	0.1	-0.08	0.01	0.88	0.56	0.031	0.86	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.03	0.12	0.88	1	0.51	0.016	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.19	0.01	0.16	0.88	0.006	0.96	7.70E-08	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.06	-0.07	0.01	0.9	0.25	0.025	0.75	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.06	-0.01	0.9	0.55	0.033	0.73	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	0.01	0.02	0.91	0.63	0.87	0.57	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.09	-0.02	0.91	0.86	0.0017	0.62	NA	NA	NA	NA
-0.07	NA	-0.01	0.07	0.91	NA	0.74	0.01	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.01	0.03	0.91	0.62	0.73	0.088	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.01	-0.02	0.92	0.92	0.46	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.02	0	0.92	1	0.46	1	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.15	0	0.01	0.92	0.72	1	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.21	-0.03	0.06	0.93	0.032	0.065	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.01	0.13	-0.02	0.02	0.93	0.0039	0.77	0.66	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.06	-0.09	-0.05	0.94	0.15	1.40E-08	0.0092	NA	NA	NA	NA

-0.01	0.12	0.02	0.04	0.94	0.0053	0.25	0.019	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.8	-0.02	0	0.95	0.48	0.94	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.1	-0.09	0.95	1	0.013	0.044	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.08	-0.03	0.04	0.95	0.058	0.056	0.025	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.11	-0.04	0	0.96	0.35	0.015	0.93	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.04	-0.04	0.96	1	0.13	0.066	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.16	0.04	0.02	0.97	0.33	0.44	0.76	NA	NA	NA	NA
0.08	0.02	-0.13	-0.23	0.97	1	0.046	0.0042	NA	NA	NA	NA
0	0.09	-0.04	0.01	0.97	0.014	0.0016	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	0	0.04	0.98	0.96	1	0.73	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.01	0.04	0.98	0.78	0.86	0.053	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.01	0.04	0.98	0.76	0.95	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.03	-0.06	0.99	0.69	0.44	0.092	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.13	0.03	-0.03	0.99	1	0.43	0.32	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.19	-0.25	1	0.52	5.60E-05	2.40E-08	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.05	0.03	1	1	0.0024	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.31	-0.06	-0.12	1	0.39	0.54	0.026	NA	NA	NA	NA
0	0.14	0.03	0.08	1	0.25	0.46	0.017	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.02	0.02	1	0.3	0.58	0.57	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.08	-0.13	-0.06	1	0.056	2.70E-05	0.074	NA	NA	NA	NA
0.15	0.06	0.05	0.04	1	1	0.2	0.33	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.13	-0.09	1	1	0.00021	0.0029	NA	NA	NA	NA
0.01	0.12	-0.02	0.03	1	0.31	0.62	0.26	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.06	0.08	1	1	0.074	0.022	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.01	0.06	1	0.03	0.54	0.00015	NA	NA	NA	NA
0	0.07	-0.04	0.03	1	0.00036	0.0072	0.091	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.03	-0.05	1	0.87	0.38	0.062	NA	NA	NA	NA
0.04	NA	-0.02	0.01	1	NA	0.56	0.88	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.02	0.01	1	1	0.34	0.94	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	0.02	-0.02	1	0.93	0.27	0.18	NA	NA	NA	NA

-0.04	-0.03	0.07	NA	1	1	0.099	NA	NA	NA	NA	NA
0.04	NA	-0.13	-0.05	1	NA	0.29	0.87	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.01	0.07	1	0.14	0.75	0.0073	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.23	-0.2	1	0.47	3.10E-06	0.0013	NA	NA	NA	NA
0	0.13	-0.08	0.15	1	0.053	0.00031	1.40E-08	NA	NA	NA	NA
0	0.05	0.02	-0.02	1	0.31	0.58	0.51	NA	NA	NA	NA
0	0.15	-0.12	0.05	1	0.00028	0.0029	0.61	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	0	0.19	1	1	1	1.60E-05	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.03	0.03	0	1	1	0.69	1	NA	NA	NA	NA
0.09	0.53	-0.12	-0.02	1	0.1	0.039	1	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.02	-0.01	1	1	0.29	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.06	-0.01	0.1	1	0.49	0.78	0.024	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.15	-0.01	1	0.55	5.40E-07	0.88	NA	NA	NA	NA
0.01	0.29	0.01	-0.02	1	0.0013	0.99	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.05	-0.02	-0.03	1	1	0.74	0.58	NA	NA	NA	NA
0.01	0.13	0.03	0.18	1	0.15	0.39	6.60E-06	NA	NA	NA	NA
0.01	0.24	-0.1	0	1	0.023	5.00E-04	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.11	0	1	1	1.80E-05	0.96	NA	NA	NA	NA
0	NA	-0.2	NA	1	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.32	-0.09	-0.07	1	7.80E-05	0.01	0.13	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.1	-0.05	1	0.28	1.30E-06	0.064	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.05	-0.03	1	1	0.59	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.02	0.02	0.28	1	1	0.61	1.70E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.07	-0.09	1	0.88	0.0033	0.0019	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.09	0.04	1	1	0.12	0.87	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	0	0.13	1	1	1	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.07	-0.03	1	0.57	0.0057	0.35	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.09	-0.03	1	1	3.70E-07	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.1	-0.01	0.08	1	0.21	0.65	3.50E-06	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.06	-0.04	0.01	1	0.14	0.21	0.68	NA	NA	NA	NA

0	0.03	-0.03	0.02	1	0.36	0.11	0.2	NA	NA	NA	NA
0.04	0.29	-0.02	-0.02	1	6.30E-09	0.26	0.41	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.03	-0.01	-0.01	1	0.7	0.46	0.75	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.05	0.05	1	1	0.088	0.18	NA	NA	NA	NA
0.05	0.22	0.02	0	1	0.48	0.91	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.19	0.09	0.06	1	0.12	0.087	0.17	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.08	-0.05	1	1	0.015	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.11	0.07	1	0.54	5.10E-07	0.027	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.15	-0.04	0.01	1	0.0039	0.057	0.71	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.08	-0.09	-0.1	1	0.065	0.02	0.033	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	0.01	0.06	1	1	0.81	0.034	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.09	-0.04	-0.12	1	0.86	0.76	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.06	0.01	0.1	1	0.43	0.75	0.0018	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.01	0.02	1	1	0.3	0.1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.08	-0.06	0.08	1	0.11	0.038	0.032	NA	NA	NA	NA
0.01	0.21	-0.06	0.05	1	0.2	0.00071	0.053	NA	NA	NA	NA
0.01	0	0.01	0.02	1	1	0.56	0.45	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.12	-0.04	-0.08	1	0.64	0.7	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.17	0	-0.04	NA	1	1	1	NA	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	0.07	0.02	1	0.34	0.13	0.35	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.03	-0.09	0.03	1	0.36	0.00041	0.46	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.06	0.05	1	0.77	0.024	0.14	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.03	-0.03	1	1	0.22	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	-0.03	0	1	0.77	0.16	0.97	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.02	0.02	1	0.1	0.27	0.16	NA	NA	NA	NA
0.33	0.33	-0.09	-0.04	1	1	0.22	0.72	NA	NA	NA	NA
0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.03	0.04	1	0.49	0.16	0.16	NA	NA	NA	NA
0.04	0.29	-0.06	0.09	1	0.19	0.19	0.28	NA	NA	NA	NA
0.01	0.16	-0.04	0.07	1	0.13	0.54	0.22	NA	NA	NA	NA

-0.01	-0.04	-0.05	0.03	1	0.49	0.039	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.09	-0.09	1	0.9	0.0096	0.002	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.81	0.08	0.22	1	0.46	0.39	9.80E-06	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.1	-0.05	-0.01	1	0.003	0.0037	0.62	NA	NA	NA	NA
0.02	0.39	-0.04	0.06	1	0.0033	0.089	0.068	NA	NA	NA	NA
0	0.03	0.05	0.09	1	0.85	0.092	0.004	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.13	-0.06	NA	NA	0.01	0.45	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.26	-0.21	NA	1	0.00027	0.024	NA	NA	NA	NA
NA	0.21	-0.07	0.02	NA	0.00041	4.20E-05	0.32	NA	NA	NA	NA
NA	0.04	-0.01	-0.04	NA	1	0.93	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.17	-0.04	0.18	NA	1	0.35	0.0012	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	-0.02	NA	NA	0.71	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.07	0.11	0.27	NA	0.9	0.55	0.12	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.09	0.2	NA	NA	0.56	0.0013	NA	NA	NA	NA
NA	0.31	-0.55	-0.72	NA	0.55	0.25	0.057	NA	NA	NA	NA
NA	-0.15	-0.04	0.01	NA	0.59	0.66	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.11	-0.07	NA	NA	0.025	0.19	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	NA	NA	NA	0.44	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.16	-0.01	0.01	NA	5.60E-05	0.81	0.58	NA	NA	NA	NA
NA	0.06	-0.12	-0.04	NA	0.64	0.053	0.49	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	0.03	NA	NA	0.29	0.95	NA	NA	NA	NA
NA	0.01	-0.16	-0.15	NA	1	0.00065	0.0075	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	0.31	NA	NA	0.13	5.00E-04	NA	NA	NA	NA
NA	0.02	0.03	0.12	NA	0.96	0.39	0.0027	NA	NA	NA	NA
NA	0.34	-0.12	-0.03	NA	0.43	0.057	0.89	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	0.09	NA	NA	0.34	0.13	NA	NA	NA	NA

NA	0.12	-0.08	-0.07	NA	0.75	0.051	0.085	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.22	0.09	NA	NA	0.044	0.59	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	-0.08	NA	NA	0.45	0.065	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	0.3	NA	NA	0.91	0.02	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.07	NA	NA	NA	0.85	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.81	-0.18	0.04	NA	0.46	0.025	0.86	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	-0.01	NA	NA	0.57	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.08	-0.02	NA	NA	0.58	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	0.17	NA	NA	1	0.022	NA	NA	NA	NA
NA	-0.12	-0.41	-0.33	NA	1	0.026	0.18	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	0.22	NA	NA	0.63	0.00016	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.14	0.11	NA	NA	0.77	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	0.09	NA	NA	0.036	0.00077	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.08	NA	NA	1	0.75	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	-0.05	NA	NA	0.31	0.21	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.07	NA	NA	NA	0.76	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	0.06	NA	NA	0.74	0.88	NA	NA	NA	NA
NA	0.22	-0.01	0.01	NA	1	0.92	0.96	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.33	-0.19	NA	NA	0.11	0.44	NA	NA	NA	NA
NA	0	0.05	-0.02	NA	1	0.24	0.62	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	0.02	0.04	NA	1	0.77	0.23	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	0.01	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.16	NA	NA	NA	0.37	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.08	-0.01	0.04	NA	0.24	1	0.44	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.11	-0.1	NA	NA	0.046	0.091	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.08	0.05	NA	NA	0.94	1	NA	NA	NA	NA

NA	-0.09	-0.09	0.05	NA	0.43	0.0095	0.32	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.21	-0.18	NA	NA	0.001	4.40E-06	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.15	0.08	NA	NA	0.0031	0.42	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	0.05	NA	NA	0.25	0.2	NA	NA	NA	NA
NA	-0.05	-0.07	-0.06	NA	1	0.054	0.15	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.27	-0.23	-0.14	NA	1	0.067	0.62	NA	NA	NA	NA
NA	-0.03	-0.03	-0.03	NA	0.71	0.81	0.76	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.28	-0.23	NA	NA	9.80E-07	0.0013	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	-0.18	NA	NA	0.22	0.047	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	0.31	NA	NA	NA	0.18	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	-0.07	NA	NA	2.00E-07	0.028	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	0.06	NA	NA	0.99	0.68	NA	NA	NA	NA
0.44	0.22	0.09	0	1.20E-09	4.30E-06	0.045	1	NA	NA	NA	NA
0.24	0	-0.08	0.02	3.80E-09	1	0.0024	0.57	NA	NA	NA	NA
0.89	0.1	-0.05	-0.02	6.90E-09	0.16	0.064	0.83	NA	NA	NA	NA
-0.39	-0.4	-0.07	-0.02	7.60E-09	2.30E-08	0.011	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.41	-0.02	0.05	0.44	1.60E-08	0.99	0.14	1.20E-08	NA	NA	NA	NA
0.25	-0.01	-0.11	-0.02	4.60E-08	0.9	1.70E-09	0.56	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.01	-0.01	0	4.80E-08	0.55	0.8	0.94	NA	NA	NA	NA
0.23	0.24	0.11	-0.02	5.10E-08	2.00E-07	0.059	0.87	NA	NA	NA	NA
-0.39	-0.11	-0.21	-0.2	1.90E-07	0.15	5.20E-05	7.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.22	0.09	0	0.11	2.60E-07	0.0029	1	1.40E-05	NA	NA	NA	NA
-0.2	-0.13	-0.03	0.04	4.20E-07	0.00078	0.038	0.011	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	-0.02	0.01	4.80E-07	0.34	0.028	0.24	NA	NA	NA	NA
0.27	0.29	-0.05	0.06	4.80E-07	6.20E-08	0.18	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.12	-0.04	-0.02	5.90E-07	0.015	0.038	0.46	NA	NA	NA	NA
0.39	0.43	-0.03	-0.01	9.10E-07	2.30E-09	0.56	0.98	NA	NA	NA	NA

-0.09	0.02	-0.07	-0.05	1.30E-06	0.51	1.00E-05	0.0049	NA	NA	NA	NA
-0.62	-0.18	-0.04	0.05	1.70E-06	0.35	0.1	0.18	NA	NA	NA	NA
0.18	0.13	0	0.06	2.50E-06	4.60E-05	1	0.0031	NA	NA	NA	NA
0.16	0.05	-0.08	-0.01	2.90E-06	0.14	0.00058	0.74	NA	NA	NA	NA
0.9	-0.02	-0.03	-0.02	3.30E-06	0.9	0.92	0.72	NA	NA	NA	NA
-0.9	-0.87	-0.08	0.06	3.40E-06	0.00071	0.012	0.24	NA	NA	NA	NA
0.13	0.08	-0.02	-0.01	3.50E-06	0.00038	0.27	0.55	NA	NA	NA	NA
0.29	0.14	-0.04	0.07	3.60E-06	0.0087	0.15	0.073	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.1	-0.05	0.03	5.00E-06	0.0078	0.0022	0.11	NA	NA	NA	NA
0.17	0.02	-0.03	0.04	7.60E-06	0.65	0.4	0.3	NA	NA	NA	NA
0.43	0.03	-0.06	-0.03	8.10E-06	0.52	0.0041	0.24	NA	NA	NA	NA
0.09	0.01	-0.01	0.01	1.10E-05	0.83	0.35	0.54	NA	NA	NA	NA
0.15	0.03	-0.08	-0.02	1.20E-05	0.39	6.30E-09	0.22	NA	NA	NA	NA
0.12	0.03	-0.03	0.02	2.50E-05	0.057	0.23	0.48	NA	NA	NA	NA
0.11	0.11	-0.07	-0.06	2.80E-05	0.00064	7.80E-07	0.00025	NA	NA	NA	NA
0.41	0.04	-0.04	-0.04	3.50E-05	0.85	0.13	0.42	NA	NA	NA	NA
0.33	0	-0.03	-0.01	4.00E-05	1	0.38	0.85	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.03	0.02	5.50E-05	0.056	0.072	0.27	NA	NA	NA	NA
0.16	0.15	-0.07	-0.06	5.70E-05	1.30E-05	3.70E-05	0.0023	NA	NA	NA	NA
0.14	0.1	-0.06	0.02	6.70E-05	7.00E-04	0.011	0.52	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.12	-0.01	0.03	6.70E-05	6.60E-07	0.27	0.028	NA	NA	NA	NA
0.68	0.01	-0.14	-0.05	7.40E-05	1	3.30E-05	0.29	NA	NA	NA	NA
0.16	0.02	-0.04	0.03	8.90E-05	0.78	0.031	0.29	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	-0.01	0.03	8.90E-05	3.70E-05	0.53	0.03	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.07	-0.04	0	9.40E-05	0.00092	0.0031	0.86	NA	NA	NA	NA
0.16	0.07	-0.02	0.03	1.00E-04	0.015	0.29	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.04	0.04	0.04	0.00015	0.14	0.0052	0.0017	NA	NA	NA	NA
0.89	0.89	-0.03	-0.06	0.00017	0.00017	0.56	0.082	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.01	-0.04	-0.02	0.00018	0.96	0.0079	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.21	-0.09	-0.08	0.00019	2.90E-06	0.0068	0.034	NA	NA	NA	NA

0.39	0.1	0	0.06	0.00021	0.066	1	0.1	NA	NA	NA	NA
0.16	0	0	0	0.00023	1	1	0.99	NA	NA	NA	NA
0.64	0.64	-0.44	-0.39	0.00024	0.0029	0.0092	0.027	NA	NA	NA	NA
0.45	-0.03	-0.08	0.12	0.00025	1	0.0029	0.00061	NA	NA	NA	NA
0.11	0.06	-0.02	0.05	0.00025	0.043	0.31	0.015	NA	NA	NA	NA
0.07	0.09	-0.05	0.02	0.00039	0.00013	0.00026	0.28	NA	NA	NA	NA
0.13	0.05	-0.03	0.04	0.00039	0.15	0.15	0.076	NA	NA	NA	NA
0.13	0.1	-0.08	-0.06	0.00042	0.0055	2.30E-05	0.0017	NA	NA	NA	NA
0.18	-0.01	-0.06	0.03	0.00042	0.9	0.0084	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.02	-0.05	0	0.00048	0.6	0.042	1	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.02	-0.12	-0.01	5.00E-04	0.8	1.70E-07	0.85	NA	NA	NA	NA
0.11	0.15	-0.03	-0.02	0.00053	1.20E-06	0.091	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.9	-0.71	0.13	0.04	0.00056	0.012	0.062	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.16	0.01	0.06	0.13	0.00057	0.99	0.14	0.00018	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.11	-0.04	-0.04	0.00058	2.80E-06	0.044	0.039	NA	NA	NA	NA
-0.22	-0.06	-0.09	0	0.00059	0.66	0.00055	1	NA	NA	NA	NA
-0.17	0.05	-0.06	-0.01	0.00061	0.69	0.092	0.82	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.16	-0.02	-0.04	0.00068	2.40E-05	0.37	0.12	NA	NA	NA	NA
0.27	0.13	0	0.06	0.00072	0.11	1	0.065	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.01	0.04	0.00072	0.35	0.23	0.00018	NA	NA	NA	NA
0.11	0.1	-0.03	0.02	0.00084	0.03	0.013	0.3	NA	NA	NA	NA
0.11	0.06	-0.05	-0.01	0.00092	0.054	0.0021	0.49	NA	NA	NA	NA
0.26	-0.03	-0.14	-0.06	0.001	0.48	1.30E-09	0.028	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	0	0	0.001	0.37	0.95	0.87	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.03	-0.01	0.03	0.001	0.63	0.79	0.21	NA	NA	NA	NA
0.11	0.18	-0.08	-0.03	0.001	7.40E-06	3.20E-05	0.24	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.01	-0.06	-0.06	0.0011	0.6	5.70E-05	0.00015	NA	NA	NA	NA
-0.33	-0.19	0	0.14	0.0012	0.12	1	0.00079	NA	NA	NA	NA
0.18	0.05	-0.03	-0.01	0.0015	0.4	0.17	0.69	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.02	0.01	0.0015	0.0049	0.097	0.39	NA	NA	NA	NA

0.26	0.07	0.02	0.08	0.0016	0.27	0.59	0.0069	NA	NA	NA	NA
-0.66	-0.63	0.02	0.12	0.0016	0.0067	0.71	0.0058	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.03	0.03	0.0017	0.018	0.058	0.031	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.08	0	0.03	0.0017	0.023	0.98	0.11	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.04	0	0.0018	0.2	0.0054	1	NA	NA	NA	NA
0.22	0.03	-0.06	-0.03	0.0018	0.52	0.015	0.38	NA	NA	NA	NA
0.15	0.04	-0.02	0.02	0.0019	0.25	0.42	0.49	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.03	0	0.11	0.002	0.91	1	0.00033	NA	NA	NA	NA
0.11	0.09	-0.08	0.02	0.002	0.0013	1.10E-07	0.43	NA	NA	NA	NA
0.25	0.33	-0.06	0.03	0.0021	0.00039	0.029	0.31	NA	NA	NA	NA
0.26	-0.06	0.01	0.09	0.0021	0.06	0.83	2.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.04	-0.05	0.07	0.0021	0.23	0.006	0.00013	NA	NA	NA	NA
0.25	0.03	-0.07	0.06	0.0022	0.6	0.012	0.06	NA	NA	NA	NA
0.09	0.02	-0.04	0.01	0.0022	0.53	0.019	0.44	NA	NA	NA	NA
0.09	0.08	0.02	0.08	0.0022	0.0041	0.26	2.10E-05	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.04	0.04	0.0023	0.0014	5.00E-05	0.00085	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.04	-0.05	0.01	0.0023	0.089	0.00011	0.29	NA	NA	NA	NA
0.11	0.21	-0.09	-0.02	0.0024	6.30E-09	0.00014	0.57	NA	NA	NA	NA
0.15	-0.14	-0.07	-0.11	0.0025	0.0032	0.014	0.00019	NA	NA	NA	NA
0.1	0.01	-0.04	-0.01	0.0026	0.44	0.019	0.85	NA	NA	NA	NA
0.1	0	-0.04	0.01	0.0026	0.99	0.013	0.6	NA	NA	NA	NA
0.15	0.14	-0.02	-0.01	0.0027	0.0014	0.39	0.81	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	0	-0.01	0.0028	0.22	0.93	0.62	NA	NA	NA	NA
0.1	0.06	-0.07	-0.04	0.0028	0.09	3.70E-06	0.018	NA	NA	NA	NA
0.43	-0.01	-0.05	-0.03	0.0028	0.85	0.14	0.39	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.02	-0.02	0.003	8.00E-04	0.18	0.16	NA	NA	NA	NA
0.07	0.09	-0.06	-0.01	0.003	0.0029	0.00062	0.63	NA	NA	NA	NA
0.15	0.1	-0.01	0.11	0.0031	0.094	0.66	0.00017	NA	NA	NA	NA
0.12	0.02	-0.05	0.03	0.0031	0.47	0.038	0.22	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	0.02	0.07	0.0033	0.054	0.25	0.00018	NA	NA	NA	NA

-0.37	0.41	-0.08	-0.06	0.0036	0.084	0.23	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.05	-0.03	0	0.0037	0.028	0.072	0.9	NA	NA	NA	NA
0.1	0.06	-0.01	0.07	0.0039	0.082	0.5	0.00021	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.06	-0.01	0.07	0.004	0.26	0.6	0.016	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.15	-0.05	-0.04	0.0043	0.064	0.077	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.06	-0.03	0	0.0048	0.015	0.023	1	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.1	0.01	0.04	0.0057	0.031	0.88	0.11	NA	NA	NA	NA
0.2	0	-0.03	0.08	0.0059	1	0.25	0.021	NA	NA	NA	NA
0.13	0.09	-0.07	0.04	0.006	0.016	0.0018	0.049	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.22	-0.13	-0.07	0.006	0.09	0.00049	0.062	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.02	-0.02	-0.01	0.0061	0.15	0.37	0.52	NA	NA	NA	NA
0.09	0.14	-0.07	0.01	0.0064	0.0033	4.10E-05	0.57	NA	NA	NA	NA
0.35	-0.2	-0.01	0	0.0067	0.27	0.98	1	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.02	-0.05	0	0.0068	0.38	0.00021	1	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.05	-0.04	-0.04	0.007	0.5	0.099	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.04	-0.06	0	0.0071	0.062	0.00024	0.98	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	-0.08	-0.03	0.0072	3.10E-05	6.60E-09	0.094	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.04	-0.01	0	0.0077	0.39	0.55	1	NA	NA	NA	NA
0.14	0.26	-0.07	-0.06	0.0081	1.20E-08	0.1	0.13	NA	NA	NA	NA
0.1	0.07	0.03	0.02	0.0082	0.066	0.15	0.26	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.03	-0.01	0.0083	0.0015	0.0089	0.5	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.15	0	-0.05	0.0084	0.0076	1	0.041	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.01	-0.07	-0.03	0.0087	0.88	2.90E-05	0.15	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.02	-0.03	0.05	0.0088	0.81	0.38	0.29	NA	NA	NA	NA
0.24	0.01	-0.03	0.08	0.0092	1	0.64	0.14	NA	NA	NA	NA
0.11	0.22	-0.08	0.04	0.0096	1.90E-06	0.074	0.43	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.02	-0.05	0.01	0.01	0.82	0.028	0.62	NA	NA	NA	NA
0.82	NA	0.02	0.39	0.011	NA	0.75	3.50E-05	NA	NA	NA	NA
0.48	0.18	-0.13	0	0.012	0.18	7.10E-06	1	NA	NA	NA	NA
-0.83	-0.5	-0.26	-0.1	0.012	0.08	0.03	0.55	NA	NA	NA	NA

0.06	0.04	-0.05	0.02	0.013	0.046	0.00035	0.35	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.03	0.01	0.013	0.0098	0.0042	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.01	-0.09	-0.02	0.013	0.95	2.60E-08	0.31	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.03	-0.08	0.01	0.014	0.75	0.015	0.9	NA	NA	NA	NA
0.25	0.01	-0.07	0.07	0.014	1	0.13	0.15	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.02	-0.02	-0.01	0.014	0.58	0.44	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.14	-0.04	0.05	0.015	0.04	0.14	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.48	-0.39	-0.06	0.05	0.015	0.18	0.33	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.09	-0.07	-0.03	0.015	0.00046	0.00028	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.18	-0.02	0.05	0.016	3.80E-09	0.32	0.00095	NA	NA	NA	NA
0.14	0.16	0	0.04	0.016	0.0028	1	0.058	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.11	-0.05	-0.01	0.016	0.004	0.014	0.74	NA	NA	NA	NA
-0.22	-0.08	-0.06	0.05	0.017	0.43	0.0086	0.07	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	-0.06	-0.02	0.017	0.85	0.0068	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.08	-0.03	0.13	0.017	0.14	0.08	8.70E-09	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.01	0.03	0.04	0.017	0.9	0.12	0.025	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.03	-0.02	0	0.017	0.19	0.27	0.93	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.18	-0.06	-0.07	0.018	0.0043	0.021	0.0066	NA	NA	NA	NA
0.09	0.15	0.02	0.06	0.018	6.30E-05	0.48	0.014	NA	NA	NA	NA
0.05	0	0	0.01	0.019	1	0.9	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.03	0.08	0.1	0.019	0.36	0.00046	9.40E-06	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.09	-0.02	0.02	0.02	0.00034	0.17	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	-0.07	-0.01	0.022	0.91	9.30E-05	0.5	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.04	-0.15	-0.12	0.022	0.53	2.60E-08	2.60E-05	NA	NA	NA	NA
0.19	0.01	-0.06	0.02	0.022	1	0.0029	0.5	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.11	-0.05	-0.01	0.023	0.00065	0.0037	0.47	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.01	-0.03	0.11	0.023	1	0.31	8.20E-05	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.02	0.03	0.04	0.023	0.57	0.14	0.037	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.07	-0.01	0	0.023	2.40E-06	0.42	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.64	-0.16	-0.14	0.41	0.024	0.93	0.15	0.19	NA	NA	NA	NA

-0.07	-0.07	-0.07	-0.01	0.024	0.0027	2.00E-04	0.81	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.03	0	0.024	0.46	0.022	0.91	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	-0.07	-0.03	0.024	0.0026	1.00E-04	0.099	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.04	0.03	0.025	0.0035	0.028	0.13	NA	NA	NA	NA
0.85	0.2	-0.02	0.06	0.025	0.015	0.41	0.018	NA	NA	NA	NA
-0.2	0.08	0.03	0.05	0.026	0.36	0.71	1	NA	NA	NA	NA
-0.15	0	0	-0.05	0.026	1	1	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.12	-0.05	0.02	0.026	0.0069	0.019	0.55	NA	NA	NA	NA
-0.76	NA	0.03	0.9	0.027	NA	0.71	4.10E-06	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.09	-0.04	-0.01	0.028	0.0033	0.16	0.82	NA	NA	NA	NA
0.09	0.1	0.01	0.03	0.028	0.0014	0.78	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.06	-0.08	-0.02	0.028	0.12	2.10E-06	0.39	NA	NA	NA	NA
0.53	0.22	-0.05	-0.1	0.029	0.17	0.34	0.023	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.11	0.01	0.09	0.029	0.056	0.82	7.90E-05	NA	NA	NA	NA
0.23	0.07	0	0.1	0.029	0.1	0.89	7.10E-05	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.07	-0.03	-0.02	0.03	0.00017	0.031	0.27	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.03	-0.01	0.031	0.31	0.023	0.68	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.07	-0.06	0.031	0.19	0.023	0.067	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.04	-0.02	0.12	0.032	0.2	0.39	1.50E-05	NA	NA	NA	NA
-0.16	0.2	-0.01	0.01	0.032	0.017	0.56	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.04	-0.04	-0.01	0.032	0.42	0.037	0.74	NA	NA	NA	NA
0.19	0.04	-0.02	0.07	0.032	0.64	0.59	0.015	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.01	-0.01	0.07	0.033	1	0.41	0.00023	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.04	-0.02	-0.02	0.034	0.34	0.27	0.39	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.05	0.01	0.04	0.034	0.38	0.68	0.22	NA	NA	NA	NA
0.06	0.07	-0.02	0.03	0.036	0.0082	0.21	0.1	NA	NA	NA	NA
0.07	0.08	-0.05	-0.03	0.036	0.00049	0.0019	0.044	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.06	-0.07	-0.08	0.036	0.19	0.12	0.02	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.09	-0.04	-0.01	0.038	0.00055	0.028	0.59	NA	NA	NA	NA
0.14	0.03	-0.07	0.11	0.039	0.93	0.079	0.043	NA	NA	NA	NA

0.04	0.06	-0.03	0.09	0.04	0.0013	0.038	2.60E-07	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.02	-0.09	-0.03	0.04	0.53	5.40E-06	0.34	NA	NA	NA	NA
0.18	0.03	-0.04	-0.03	0.045	0.73	0.058	0.17	NA	NA	NA	NA
0.14	0.06	0	0.19	0.046	0.53	1	0.00012	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.04	0.03	0.12	0.049	0.7	0.13	0.00044	NA	NA	NA	NA
0.35	0.02	-0.03	-0.01	0.049	1	0.77	0.97	NA	NA	NA	NA
0.06	0.11	-0.05	0.04	0.05	0.00019	0.001	0.0089	NA	NA	NA	NA
0.17	0.04	0.03	0.11	0.05	0.5	0.1	7.50E-06	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.02	-0.02	0.01	0.051	0.95	0.46	0.83	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.04	0.02	0.052	0.7	0.09	0.32	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	0.02	0.02	0.054	0.027	0.38	0.36	NA	NA	NA	NA
0.09	0.11	-0.02	0	0.054	0.0052	0.46	1	NA	NA	NA	NA
0.13	0.05	-0.02	-0.06	0.054	0.44	0.81	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.13	0.03	0.03	0.054	0.014	0.22	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.02	-0.03	0.03	0.055	0.99	0.71	0.68	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.04	-0.01	0.057	0.71	0.17	0.83	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.01	-0.07	-0.05	0.057	0.83	7.00E-04	0.0088	NA	NA	NA	NA
0.28	0.03	-0.07	-0.01	0.059	0.78	0.035	0.85	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.06	0.05	0.06	0.92	7.30E-08	0.0037	NA	NA	NA	NA
0.05	0.1	-0.05	-0.05	0.06	0.00077	0.0027	0.003	NA	NA	NA	NA
0.06	0.1	-0.03	0.01	0.061	0.00064	0.16	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.05	-0.09	-0.06	0.061	0.21	0.029	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.03	-0.05	0.02	0.061	0.62	0.002	0.21	NA	NA	NA	NA
0.07	0.09	-0.04	0.08	0.062	0.018	0.02	0.00036	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.07	-0.01	0.01	0.064	0.42	0.85	0.9	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.18	-0.01	0.04	0.065	0.0071	0.93	0.29	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.06	-0.04	0.068	1.80E-06	4.70E-07	0.0011	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	0	0.01	0.069	0.26	0.98	0.67	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.02	-0.05	0.04	0.07	0.87	0.0065	0.019	NA	NA	NA	NA
0.12	NA	-0.09	0.02	0.071	NA	0.056	0.81	NA	NA	NA	NA

0.09	0.02	-0.09	-0.04	0.071	0.82	0.00072	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.02	0.08	0.072	0.59	0.23	1.40E-08	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.09	-0.01	-0.02	0.072	0.088	0.58	0.36	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.04	-0.01	0.14	0.072	0.53	0.63	1.80E-05	NA	NA	NA	NA
0.25	0.03	-0.01	0.18	0.074	0.95	0.86	5.80E-06	NA	NA	NA	NA
0.62	-0.06	0.07	0.18	0.075	0.84	0.37	0.0025	NA	NA	NA	NA
0.1	0.35	-0.06	0	0.075	4.20E-09	0.0014	0.86	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.02	-0.01	0.04	0.076	0.62	0.68	0.028	NA	NA	NA	NA
0.25	0.32	-0.02	0.06	0.077	0.038	0.6	0.066	NA	NA	NA	NA
0.04	0	0.03	0.05	0.078	0.86	0.092	0.0014	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.05	-0.05	0.03	0.078	0.049	0.00091	0.11	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.01	0.01	0.078	0.048	0.8	0.55	NA	NA	NA	NA
0.09	0.07	-0.04	-0.03	0.079	0.15	0.19	0.33	NA	NA	NA	NA
0.11	0.11	-0.06	-0.01	0.081	0.016	0.0033	0.62	NA	NA	NA	NA
0.23	0.31	0	0.22	0.081	7.80E-05	1	0.18	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.07	-0.03	0.05	0.082	0.22	0.14	0.022	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.17	-0.04	0	0.084	0.2	0.21	1	NA	NA	NA	NA
0.09	0.17	-0.01	-0.02	0.084	0.006	0.81	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	-0.03	0.04	0.085	0.38	0.027	0.011	NA	NA	NA	NA
-0.13	NA	-0.23	-0.07	0.085	NA	1.00E-06	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.03	0.03	0.086	0.68	0.062	0.07	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.06	-0.05	0	0.086	0.19	0.12	0.97	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.02	-0.05	0.02	0.088	0.19	0.00021	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.45	-0.53	0.14	0.66	0.089	0.011	0.47	0.0069	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.05	0.02	0.09	0.27	0.00041	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.05	-0.04	-0.01	0.094	0.046	0.041	0.8	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.01	-0.01	0.095	0.45	0.73	0.48	NA	NA	NA	NA
0.08	0.02	0.02	0.03	0.097	0.8	0.32	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.02	-0.02	0.02	0.097	0.77	0.22	0.18	NA	NA	NA	NA
0.07	0.08	-0.01	-0.04	0.097	0.084	0.79	0.099	NA	NA	NA	NA

0.32	-0.03	0.02	0.12	0.098	0.71	0.5	0.0072	NA	NA	NA	NA
0.09	0.11	0	0.09	0.1	0.018	0.96	0.00074	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.05	-0.01	0.1	0.1	0.11	0.5	1.70E-08	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.02	0.03	0.1	0.99	0.23	0.088	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.05	-0.02	0.02	0.1	0.0026	0.068	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.06	0	-0.07	-0.01	0.1	0.98	1.00E-06	0.83	NA	NA	NA	NA
-0.18	0.03	0.02	0.1	0.1	1	0.47	2.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.3	-0.31	-0.06	0.12	0.1	0.0036	0.11	0.036	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.1	0.02	0.05	0.1	0.0091	0.47	0.051	NA	NA	NA	NA
0.13	0.26	0.05	0.04	0.11	0.0098	0.43	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.22	-0.13	0.11	0.11	0.06	0.2	0.29	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.04	-0.03	0.11	0.44	0.005	0.05	NA	NA	NA	NA
0.08	0.14	-0.07	-0.03	0.12	0.0096	0.003	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.03	-0.02	0.12	0.97	0.15	0.3	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.02	0.06	0.12	0.93	0.14	0.001	NA	NA	NA	NA
0.08	0.12	-0.03	0.05	0.12	0.0071	0.39	0.063	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.03	0.02	0.05	0.12	0.49	0.6	0.1	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.03	0.03	0	0.12	0.14	0.17	0.98	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	0	0.04	0.12	0.43	1	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.04	-0.02	-0.07	0.12	0.14	0.41	0.00071	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.05	-0.06	0.04	0.12	0.1	0.067	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.06	-0.01	0.05	0.12	0.18	0.53	0.035	NA	NA	NA	NA
0.19	0.31	-0.09	0.25	0.13	7.00E-05	0.04	1.50E-06	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.02	0.05	0.13	0.034	0.0072	1.70E-08	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.07	-0.03	0.13	0.098	1.40E-05	0.064	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.03	-0.14	-0.14	0.13	0.39	5.50E-06	2.90E-06	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	-0.06	0	0.13	0.1	0.00026	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.58	-0.52	-0.04	0.26	0.13	0.16	0.31	0.0019	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.04	0.02	0.13	0.98	0.00063	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.05	-0.01	-0.01	0.13	0.084	0.66	0.59	NA	NA	NA	NA

-0.06	-0.01	-0.02	0.05	0.14	0.66	0.44	0.00042	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.12	0	0.04	0.14	0.025	1	0.02	NA	NA	NA	NA
0.16	0.13	0.05	0.01	0.14	0.0053	0.24	0.97	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.05	-0.01	-0.01	0.14	0.47	0.69	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.04	-0.01	0.14	0.94	0.045	0.68	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.08	-0.04	0.03	0.14	0.18	0.048	0.24	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	0.02	0.05	0.14	0.21	0.44	0.0043	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.03	0.01	0.03	0.14	0.21	0.59	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.08	-0.02	0.14	0.73	0.002	0.48	NA	NA	NA	NA
0.62	0.51	-0.02	0.26	0.14	0.002	0.67	0.21	NA	NA	NA	NA
0.41	0.17	-0.07	0.12	0.14	0.37	0.32	0.46	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.04	0.03	0.15	0.073	0.024	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.11	-0.03	0.14	0.15	0.47	0.47	0.0014	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	-0.02	-0.03	0.15	0.86	0.23	0.065	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	0	0.08	0.15	0.89	1	0.95	NA	NA	NA	NA
0.12	0.07	-0.08	-0.01	0.15	0.35	0.0042	0.87	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.03	0.05	0.11	0.15	0.64	0.21	0.015	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.03	0.01	0.15	0.069	0.0035	0.6	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	0.09	0.1	0.15	0.37	0.00011	0.00011	NA	NA	NA	NA
-0.23	0.02	0.03	0.08	0.16	1	0.52	0.034	NA	NA	NA	NA
-0.36	-0.02	-0.01	-0.06	0.16	1	0.79	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.01	-0.06	0.05	0.16	0.89	0.0067	0.017	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	0.01	0.04	0.17	0.9	0.79	0.023	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.13	-0.07	-0.06	0.17	0.088	0.00025	0.015	NA	NA	NA	NA
0.1	0.1	-0.06	0.06	0.17	0.05	0.0027	0.058	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.03	0	0.03	0.18	0.25	1	0.061	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.06	-0.08	-0.12	0.18	0.44	0.022	0.00063	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.13	-0.05	-0.03	0.18	0.012	0.025	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.04	0	0.18	0.32	0.035	0.93	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.01	-0.01	0.14	0.18	1	0.85	3.80E-05	NA	NA	NA	NA

-0.12	-0.07	-0.01	0.06	0.18	0.44	0.94	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.06	-0.09	-0.07	0.18	0.017	6.90E-06	0.0029	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	-0.02	0.02	0.18	0.48	0.079	0.21	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.01	0.03	0.18	0.41	0.72	0.089	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.08	0.03	0.05	0.18	0.0037	0.16	0.057	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.15	-0.03	-0.02	0.19	0.011	0.23	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.08	0.02	0.01	0.19	0.13	0.61	0.8	NA	NA	NA	NA
0.08	0.02	-0.06	-0.06	0.19	1	0.0079	0.029	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	-0.02	0.03	0.19	0.98	0.53	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.93	NA	-0.01	-0.01	0.19	NA	0.97	1	NA	NA	NA	NA
0.25	-0.02	0.02	0	0.19	0.94	0.52	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.07	-0.01	0.19	0.65	7.70E-05	0.79	NA	NA	NA	NA
0.15	0.4	-0.13	-0.06	0.19	0.00052	0.007	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.03	-0.04	0.05	0.19	0.35	0.0022	0.0046	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.07	-0.06	0.02	0.2	0.17	0.013	0.6	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.01	0.09	0.2	0.92	0.68	2.50E-05	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	0	0.03	0.2	0.44	1	0.02	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	-0.02	0.01	0.2	0.042	0.3	0.53	NA	NA	NA	NA
-0.07	0	-0.01	0.06	0.2	1	0.78	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.03	-0.03	0.05	0.2	0.5	0.26	0.13	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.05	0.03	0.21	0.99	0.027	0.3	NA	NA	NA	NA
0.9	NA	-0.08	0.17	0.21	NA	0.2	0.0017	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	0.01	0.05	0.21	0.44	0.39	0.0049	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	-0.02	0.03	0.21	0.76	0.79	0.67	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.14	-0.05	0.03	0.21	0.068	0.057	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.04	-0.01	0.01	0.21	0.015	0.6	0.46	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.02	0.11	-0.14	0.21	0.92	1	0.56	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.12	-0.09	-0.05	0.21	0.5	0.19	0.73	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.01	0.03	0.21	0.26	0.73	0.02	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.04	-0.09	-0.01	0.21	0.18	3.00E-08	0.7	NA	NA	NA	NA

0.05	-0.03	-0.04	0.02	0.21	0.34	0.017	0.36	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	-0.02	0.02	0.21	0.083	0.18	0.33	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.02	-0.01	0.21	1	0.11	0.33	NA	NA	NA	NA
0.9	-0.02	-0.05	0.17	0.22	0.94	0.79	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	-0.05	0.06	0.22	0.85	0.0056	0.0046	NA	NA	NA	NA
0.17	0.03	-0.1	-0.09	0.22	1	0.0082	0.019	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.02	-0.05	-0.04	0.22	0.86	0.28	0.4	NA	NA	NA	NA
0.05	0.22	-0.02	0.13	0.22	1.90E-05	0.41	3.70E-06	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.11	-0.04	0.03	0.22	0.0051	0.019	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.01	-0.08	0.19	0.22	1	0.09	0.0039	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.02	0.03	0.22	0.83	0.21	0.036	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	0	0.03	0.22	0.089	1	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.05	-0.01	0.03	0.23	0.17	0.79	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.09	0.05	0.12	0.23	0.3	0.072	5.00E-05	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.03	-0.05	0	0.23	0.59	0.014	0.89	NA	NA	NA	NA
0.31	-0.11	-0.13	-0.06	0.23	0.17	3.20E-09	0.047	NA	NA	NA	NA
0.07	0.26	-0.04	0.03	0.23	1.20E-06	0.19	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.05	-0.02	0.23	0.35	8.10E-05	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.06	0.02	0.08	0.24	0.59	0.6	0.0043	NA	NA	NA	NA
0.11	0	-0.03	-0.06	0.24	1	0.17	0.004	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	-0.07	-0.03	0.24	0.96	0.051	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.02	-0.09	-0.03	0.24	0.61	0.00099	0.39	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.08	-0.09	-0.04	0.24	0.18	6.80E-06	0.084	NA	NA	NA	NA
0.33	0.86	0	0.14	0.24	0.011	1	0.023	NA	NA	NA	NA
0.11	0.04	0	0.05	0.25	0.77	1	0.22	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	-0.01	0.02	0.25	0.29	0.74	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.13	0	-0.07	0.24	0.25	1	0.38	0.002	NA	NA	NA	NA
0.1	0.06	0	0.07	0.25	0.57	1	0.046	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.14	-0.06	-0.04	0.25	0.015	0.026	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.19	-0.07	0.04	0.25	0.22	0.035	0.27	NA	NA	NA	NA

0.06	0.01	-0.01	0.06	0.25	0.91	0.7	0.021	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.05	0.02	0.07	0.26	0.64	0.64	0.043	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.03	-0.01	0	0.26	0.31	0.76	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.21	NA	0.1	0.21	0.26	NA	0.087	4.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.04	-0.1	-0.06	0.26	0.21	0.00059	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	-0.02	0	0.26	0.4	0.27	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.03	0.01	0.26	0.096	0.23	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.01	-0.05	-0.03	0.26	0.86	0.031	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.03	-0.04	0.01	0.26	0.52	0.12	0.74	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.06	0.01	0.27	0.49	8.50E-05	0.71	NA	NA	NA	NA
0.07	0.19	-0.05	0.02	0.27	6.00E-04	0.17	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	-0.04	-0.02	0.27	0.00047	0.00013	0.17	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.06	-0.06	0.01	0.27	0.0056	6.60E-05	0.54	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	0	0.04	0.28	1	1	0.097	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.21	-0.05	-0.05	0.28	0.012	0.059	0.028	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.02	-0.08	-0.05	0.28	0.85	0.002	0.18	NA	NA	NA	NA
0.16	0.09	0	0.13	0.28	0.56	1	0.001	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.03	-0.04	-0.04	0.28	0.31	0.018	0.0058	NA	NA	NA	NA
0.89	-0.06	-0.21	-0.22	0.28	0.67	0.032	0.0093	NA	NA	NA	NA
-0.09	0	-0.09	0.04	0.28	1	0.0019	0.33	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.12	-0.07	0.28	1	2.20E-07	0.011	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.01	0.01	0.28	0.51	0.56	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.05	0	0.28	0.55	0.0013	1	NA	NA	NA	NA
-0.06	0	-0.03	0.01	0.28	1	0.068	0.83	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.06	-0.07	-0.04	0.29	0.18	0.00074	0.11	NA	NA	NA	NA
0.08	0.35	0.2	0.15	0.29	0.25	4.80E-06	0.00074	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.05	0.28	0.28	0.29	0.44	1.40E-08	4.00E-07	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.01	-0.04	0.01	0.29	0.97	0.13	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.21	-0.02	-0.08	0.29	1.20E-05	0.52	1.40E-05	NA	NA	NA	NA
0.04	0.13	0.02	0.06	0.29	0.0016	0.38	0.0025	NA	NA	NA	NA

-0.03	0.01	-0.08	-0.01	0.3	0.9	0.00023	0.79	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.02	0.04	0.3	0.015	0.13	0.01	NA	NA	NA	NA
-0.14	0.06	0	-0.01	0.3	0.84	1	0.75	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.01	0.04	0.31	0.91	0.57	0.057	NA	NA	NA	NA
0.08	0.19	-0.1	-0.04	0.31	0.02	5.60E-07	0.11	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.05	-0.03	0.31	0.15	0.027	0.25	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	-0.06	0	0.31	0.008	2.90E-05	0.88	NA	NA	NA	NA
0.15	NA	-0.05	-0.05	0.31	NA	0.095	0.06	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.05	0.03	0.31	0.37	0.0066	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.04	-0.02	-0.01	0.31	0.54	0.33	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.09	-0.03	0.01	0.31	7.40E-05	0.023	0.58	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	0.05	0.06	0.31	0.52	0.1	0.0017	NA	NA	NA	NA
0.12	0.12	-0.12	0	0.32	0.72	0.019	1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.12	0	0.01	0.32	0.0064	0.96	0.5	NA	NA	NA	NA
0.08	0.07	-0.03	0	0.32	0.42	0.45	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.02	0.02	0.32	0.096	0.41	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.06	-0.08	0.01	0.32	0.063	0.0035	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.05	0	0	0.01	0.32	1	1	0.52	NA	NA	NA	NA
0.5	NA	NA	NA	0.32	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.04	0.04	0.32	1	0.0093	0.043	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	0.03	0.06	0.33	0.81	0.19	0.0037	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.04	-0.05	0.1	0.33	0.67	0.2	0.013	NA	NA	NA	NA
0.22	0.23	-0.09	0.06	0.34	0.27	0.021	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	0.02	0.06	0.34	0.89	0.11	0.00011	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	0.02	-0.01	0.34	0.057	0.81	0.95	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	-0.05	-0.01	0.34	0.22	0.021	0.71	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.05	-0.02	0.02	0.34	0.11	0.23	0.22	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.01	0.08	0.34	0.72	0.31	2.20E-06	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.06	-0.05	0.04	0.34	0.22	0.014	0.18	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.02	0.03	0.35	0.014	0.15	0.097	NA	NA	NA	NA

-0.05	-0.08	0.01	0.06	0.35	0.0038	0.8	0.0023	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.02	0.03	0.35	1	0.41	0.095	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.09	-0.08	0.05	0.35	0.031	0.0049	0.053	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.01	0.02	0.35	0.67	0.34	0.075	NA	NA	NA	NA
0.27	0.19	-0.02	0.02	0.36	1	0.38	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.01	0.05	0.36	1	0.61	3.00E-05	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.06	-0.01	0.02	0.36	0.094	0.71	0.52	NA	NA	NA	NA
0.06	0.09	0.02	0	0.36	0.072	0.51	1	NA	NA	NA	NA
-0.14	0.1	-0.04	0.02	0.36	0.66	0.064	0.57	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.04	0	0.36	0.58	0.0016	0.85	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.03	0.01	0.36	1	0.05	0.6	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.01	-0.02	0.36	0.16	0.29	0.19	NA	NA	NA	NA
0.11	0.1	-0.02	0.03	0.36	0.39	0.67	0.64	NA	NA	NA	NA
-0.85	-0.8	0.04	0.08	0.36	0.46	0.2	0.026	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.13	0.01	0.01	0.37	0.00015	0.65	0.45	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.04	0.02	0.37	0.88	0.016	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.03	-0.01	0.05	0.37	0.7	0.65	0.01	NA	NA	NA	NA
-0.28	-0.57	-0.03	-0.03	0.37	0.014	0.78	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.08	-0.05	0.01	0.37	0.052	0.0043	0.51	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.02	-0.04	-0.01	0.38	0.44	0.069	0.7	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	0.01	0.03	0.38	0.0081	0.79	0.043	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.43	-0.2	0.23	0.38	0.002	0.056	1	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.05	-0.01	0.01	0.38	0.093	0.51	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	-0.02	0.02	0.39	0.11	0.16	0.08	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.04	-0.01	0.39	0.83	0.03	0.43	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.06	0	0.39	0.52	1.30E-05	0.92	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.02	0.03	0.39	0.67	0.51	0.15	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	0.02	0.06	0.39	0.81	0.81	0.2	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.06	-0.01	0.07	0.39	0.21	0.66	0.0045	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.11	-0.08	0.39	0.12	8.70E-08	1.70E-05	NA	NA	NA	NA

0.15	0	-0.02	-0.01	0.4	1	0.74	0.93	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.04	-0.01	0.4	0.57	0.0053	0.72	NA	NA	NA	NA
0.43	0.09	-0.07	-0.1	0.4	1	0.14	0.028	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.02	-0.02	0	0.4	0.54	0.44	1	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.08	0.03	0.4	0.83	5.00E-05	0.33	NA	NA	NA	NA
0.04	0.15	-0.08	-0.02	0.41	0.0019	0.0011	0.49	NA	NA	NA	NA
0.36	0.02	-0.05	-0.05	0.41	1	0.17	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.06	0.04	0.07	0.41	0.66	0.29	0.05	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.02	-0.02	0	0.41	0.36	0.08	0.87	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.03	0.01	0.41	0.7	0.013	0.52	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.01	0.06	0.42	0.15	0.69	9.80E-06	NA	NA	NA	NA
-0.13	NA	0	-0.04	0.42	NA	1	0.73	NA	NA	NA	NA
0.08	NA	-0.09	-0.02	0.42	NA	3.70E-05	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.21	-0.15	0.11	0.14	0.42	0.94	0.16	0.1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.08	0.05	0.42	0.34	1.60E-05	0.025	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.02	0.04	0.42	0.18	0.11	0.0081	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.08	-0.08	-0.01	0.42	0.016	0.0053	0.59	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.01	0.11	0.42	0.93	0.82	1.50E-06	NA	NA	NA	NA
-0.17	0.05	-0.08	0.03	0.42	0.64	0.004	0.56	NA	NA	NA	NA
0.04	0.06	-0.01	0.01	0.43	0.1	0.68	0.82	NA	NA	NA	NA
0.07	0.11	-0.13	-0.1	0.43	0.11	9.30E-05	0.39	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.1	-0.06	0.43	1	0.028	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	0.01	0.04	0.43	0.52	0.76	0.047	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.05	0	0.43	0.94	3.00E-04	0.95	NA	NA	NA	NA
0.28	0.1	-0.04	0.02	0.43	0.13	0.48	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.08	-0.03	0.05	0.43	0.031	0.2	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	0.02	0.05	0.44	0.41	0.089	0.00023	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.05	0.05	0.44	0.88	0.00099	0.0096	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.01	0.06	0.44	0.68	0.58	3.00E-07	NA	NA	NA	NA
0.01	0.08	-0.03	0.03	0.44	4.10E-05	0.015	0.019	NA	NA	NA	NA

0.03	0.01	-0.03	0.06	0.44	0.79	0.15	0.0051	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.04	0	-0.03	0.45	0.94	1	0.66	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.04	0.02	0.45	0.59	0.094	0.55	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.06	-0.03	0.45	0.71	0.00043	0.14	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.01	0.01	0.46	0.48	0.41	0.45	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	0.05	0.14	0.46	0.86	0.63	0.00062	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.04	-0.01	0.46	0.3	0.03	0.73	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.07	-0.03	0.01	0.46	0.062	0.44	0.86	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.03	0.06	0.46	0.065	0.023	0.00054	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.09	0.08	0.1	0.47	0.33	0.0065	0.004	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.04	0	0.47	1	0.015	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	-0.03	-0.01	0.47	0.031	0.26	0.59	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	0	0.03	0.47	0.035	0.96	0.056	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	-0.03	0	0.47	0.14	0.014	0.89	NA	NA	NA	NA
0.24	NA	-0.28	-0.29	0.48	NA	1.60E-05	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.21	0.1	0.13	0.48	0.043	0.023	0.0059	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.04	0	0.08	0.48	0.55	1	0.0011	NA	NA	NA	NA
0.02	0.1	-0.05	-0.02	0.48	0.00097	0.038	0.35	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.03	0.01	0.48	0.95	0.069	0.61	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.2	-0.05	-0.05	0.48	8.40E-08	0.015	0.013	NA	NA	NA	NA
0.22	0.05	NA	NA	0.48	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA
-0.16	0.1	0.05	0.37	0.48	0.63	0.35	1.80E-09	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.22	-0.03	-0.01	0.49	0.0049	0.78	1	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.17	-0.01	0.06	0.49	0.19	0.76	0.071	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.08	-0.05	0.05	0.5	0.33	0.81	0.26	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.04	-0.05	0.02	0.5	0.5	0.0034	0.25	NA	NA	NA	NA
0.03	0.15	-0.13	-0.09	0.5	0.0015	3.70E-08	0.00059	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.02	0.01	0.5	0.058	0.24	0.75	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.03	-0.08	-0.02	0.5	0.17	0.00013	0.53	NA	NA	NA	NA
0.07	0.06	0.05	-0.06	0.5	0.52	0.24	0.07	NA	NA	NA	NA

0.05	0.16	-0.1	-0.01	0.5	0.0057	5.70E-06	0.77	NA	NA	NA	NA
0.1	0.05	0	0.01	0.51	0.59	0.96	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.27	-0.28	0.02	0	0.51	0.46	0.46	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.03	-0.01	0.51	0.77	0.017	0.64	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.06	0	0.51	0.54	4.40E-09	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.15	0	0.09	0.51	0.00019	0.97	4.50E-06	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.03	0.01	0.51	0.87	0.0032	0.43	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.12	-0.13	0.51	0.98	0.00028	1.30E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.06	-0.04	0.52	0.4	0.00027	0.0083	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.04	0.04	0.52	1	0.01	0.039	NA	NA	NA	NA
0.06	0.07	0.08	0.3	0.52	0.41	0.071	8.90E-08	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.04	0	0.52	1	0.025	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.15	-0.01	0.09	0.53	0.015	0.62	0.00012	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	-0.02	-0.02	0.53	0.86	0.36	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.14	-0.06	-0.01	0.53	0.00017	0.0051	0.81	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.01	0.03	0.53	0.017	0.64	0.17	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.03	0.04	0.53	1	0.027	0.029	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.11	-0.08	0.08	0.53	0.014	0.0019	0.0091	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.06	0.04	0.53	0.85	0.019	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.06	0.01	0.53	0.99	0.0021	0.74	NA	NA	NA	NA
0.05	0.13	-0.02	0.04	0.53	0.0012	0.27	0.024	NA	NA	NA	NA
0.04	0.14	-0.04	0.03	0.53	0.0032	0.13	0.38	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.04	0.05	0.53	0.16	0.0019	0.0034	NA	NA	NA	NA
0.04	0.06	-0.1	-0.01	0.54	0.62	1.20E-05	0.81	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.03	0.03	0.54	0.11	0.24	0.18	NA	NA	NA	NA
0.05	0.27	0	0.02	0.54	0.00021	1	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.11	-0.08	-0.04	0.54	0.017	0.012	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.21	-0.06	0	0.54	0.0011	0.11	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.06	0.03	0.54	1	0.00041	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.04	0.02	0.54	0.92	0.0019	0.27	NA	NA	NA	NA

0.05	0.26	0.11	0.11	0.54	0.021	0.66	0.72	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	0.01	0.02	0.54	0.28	0.78	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.08	-0.01	-0.02	0.55	0.015	0.71	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.06	-0.04	0.03	0.55	0.35	0.068	0.15	NA	NA	NA	NA
0.08	0.25	-0.05	-0.03	0.55	0.00088	0.32	0.71	NA	NA	NA	NA
-0.4	-0.33	0.16	0.88	0.55	0.62	0.1	0.02	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.07	0.09	0.08	0.55	0.67	0.016	0.057	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.14	0	0.07	0.55	0.44	0.95	0.054	NA	NA	NA	NA
0.27	0.02	-0.02	-0.02	0.55	1	1	1	NA	NA	NA	NA
0.1	0.03	-0.1	-0.14	0.55	0.92	0.31	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.07	-0.04	-0.01	0.56	0.34	0.6	0.92	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.42	-0.13	0.01	0.56	3.60E-05	4.00E-04	0.89	NA	NA	NA	NA
0.78	NA	0.01	0.11	0.56	NA	1	0.05	NA	NA	NA	NA
0.39	0.89	-0.05	-0.01	0.56	7.30E-06	0.13	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.07	-0.07	-0.02	0.56	0.065	0.00046	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.14	0.1	-0.06	0.01	0.56	0.69	0.017	0.8	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	-0.02	0.02	0.56	0.00063	0.00058	0.014	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.04	0.01	0.57	0.87	0.016	0.49	NA	NA	NA	NA
-0.15	NA	-0.11	0.05	0.57	NA	0.01	0.76	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.03	0.01	0.57	0.77	0.45	0.86	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.02	0.09	0.05	0.57	0.76	0.023	0.25	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	0	0.07	0.57	0.096	0.97	0.039	NA	NA	NA	NA
-0.05	0	-0.12	-0.09	0.57	1	0.00061	0.023	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.02	0.02	0.57	0.48	0.74	0.55	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.06	-0.03	0.58	0.51	0.00052	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.06	-0.02	0.03	0.58	0.31	0.67	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.08	0.09	0.38	0.58	0.88	0.34	0.00034	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.1	-0.02	0.03	0.58	0.6	0.65	0.79	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.03	0.05	0.58	0.14	0.044	0.01	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.08	-0.01	0.01	0.59	0.015	0.35	0.41	NA	NA	NA	NA

-0.14	0.2	-0.01	-0.05	0.59	0.018	0.77	0.073	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	0.03	0.07	0.59	0.71	0.47	0.052	NA	NA	NA	NA
0.09	0.38	-0.02	0.09	0.59	0.046	0.48	0.0072	NA	NA	NA	NA
0.07	0.16	-0.06	0.02	0.6	0.053	0.00038	0.45	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.15	-0.04	0.07	0.6	0.014	0.1	0.023	NA	NA	NA	NA
-0.75	-0.79	-0.14	0.04	0.6	0.5	0.037	0.77	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.03	-0.08	-0.04	0.6	0.8	0.00064	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.05	0.01	0.6	0.36	0.0051	0.57	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.16	-0.01	0.03	0.6	0.039	0.82	0.25	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.07	-0.01	0.6	0.49	1.10E-05	0.49	NA	NA	NA	NA
0.05	0.14	-0.04	0.04	0.6	0.0012	0.015	0.039	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.1	0.01	0.1	0.6	0.21	0.76	4.90E-05	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.04	-0.03	0.6	0.34	0.1	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.02	0.04	0.08	0.6	0.67	0.028	2.60E-05	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.02	0.06	0.6	1	0.6	0.02	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	-0.04	0	0.6	0.00096	0.076	1	NA	NA	NA	NA
0.28	0.28	-0.07	0.49	0.61	0.13	0.67	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	-0.09	-0.06	0.61	0.92	0.014	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.15	NA	0.18	0.18	0.61	NA	0.00016	0.00023	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.19	-0.12	-0.09	0.61	0.088	0.0015	0.02	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.04	-0.05	0.01	0.61	0.21	0.00022	0.57	NA	NA	NA	NA
0.02	0.14	-0.02	0.02	0.62	0.0044	0.21	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.06	-0.08	0	0.62	0.15	2.60E-05	1	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.26	0.06	0.41	0.63	0.096	0.61	0.015	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	0	0.05	0.63	0.33	1	0.04	NA	NA	NA	NA
-0.23	-0.23	-0.07	0.04	0.63	0.42	0.23	0.62	NA	NA	NA	NA
0.22	-0.03	-0.02	0	0.63	1	0.62	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.08	-0.06	0.1	0.63	0.17	0.025	0.0098	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.03	0.02	0.63	0.05	0.023	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.05	-0.05	0.03	0.63	0.44	0.036	0.27	NA	NA	NA	NA

-0.13	-0.3	-0.02	-0.05	0.64	0.00039	0.81	0.24	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.04	-0.04	-0.02	0.64	0.85	0.0091	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.04	-0.04	0.64	0.97	0.2	0.077	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.1	-0.11	0.09	0.64	0.057	5.70E-06	0.0078	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.19	-0.05	-0.02	0.65	0.034	0.1	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.06	-0.05	-0.06	0.65	0.0015	0.0032	0.0019	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.06	0.02	0.65	0.88	0.0025	0.42	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.25	-0.01	0.04	0.65	0.0048	0.84	0.47	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.04	-0.05	0.03	0.65	0.058	0.00027	0.027	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.07	-0.14	-0.1	0.65	0.27	0.00018	0.026	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.1	-0.03	0.02	0.65	0.18	0.64	0.77	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	0.01	-0.03	0.65	0.2	1	0.46	NA	NA	NA	NA
-0.25	NA	-0.05	0.05	0.66	NA	0.86	1	NA	NA	NA	NA
-0.11	NA	-0.05	0.05	0.66	NA	0.14	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.08	-0.05	0.66	1	0.00016	0.03	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.11	-0.03	0.02	0.67	0.015	0.62	0.73	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.04	-0.06	0	0.67	0.27	0.2	1	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	-0.05	0.01	0.68	1	0.034	0.74	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.05	0.01	0	0.68	0.17	0.97	1	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.12	-0.06	0.08	0.68	0.5	0.0079	0.018	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	0.04	0.09	0.68	0.31	0.059	3.20E-05	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.17	0.02	0.02	0.69	1.30E-06	0.5	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	-0.02	0.03	0.69	0.28	0.17	0.039	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.05	0.01	0.05	0.69	0.36	1	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.03	0.05	0.69	0.43	0.00022	1.40E-05	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	0	0.11	0.69	0.85	1	5.60E-06	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.19	-0.04	0.16	0.69	0.16	0.29	0.0029	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.05	0	0.69	0.24	4.70E-06	0.99	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.01	0.04	0.69	0.035	0.6	0.066	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.06	-0.05	0.11	0.69	0.83	0.11	0.0015	NA	NA	NA	NA

0.01	0.04	-0.02	-0.01	0.69	0.23	0.37	0.81	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.07	0.01	0	0.7	0.071	0.9	1	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.01	0.01	0.7	0.96	0.7	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.08	0.01	0.03	0.7	0.23	0.97	0.32	NA	NA	NA	NA
-0.8	NA	-0.11	NA	0.7	NA	0.083	NA	NA	NA	NA	NA
-0.1	NA	-0.15	0.09	0.7	NA	0.0039	0.39	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.03	-0.04	0.7	0.88	0.28	0.14	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.06	-0.02	0.7	0.17	0.00017	0.24	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.04	0	0.7	0.18	0.016	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.08	0.06	-0.04	0.71	0.18	0.22	0.28	NA	NA	NA	NA
0.03	0.15	-0.03	-0.01	0.71	0.0042	0.2	0.49	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.06	0.05	0.04	0.72	0.052	0.025	0.036	NA	NA	NA	NA
0.04	0.49	0.36	0.1	0.72	2.90E-09	1.60E-07	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.02	0.02	0.73	0.97	0.21	0.2	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.05	-0.18	-0.12	0.73	0.8	0.0079	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.09	-0.07	-0.02	0.73	0.11	7.30E-05	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.06	0.02	0.73	0.65	0.026	0.56	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	-0.06	0.07	0.73	0.26	0.0065	0.0072	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.36	-0.01	-0.03	0.73	0.031	0.88	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	0.04	0.1	0.73	0.58	0.37	0.036	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.09	0	0.07	0.74	0.00054	0.85	4.90E-06	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.03	0.02	0.74	0.29	0.1	0.45	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.03	-0.01	0.74	0.0071	0.00059	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.06	0.02	0.75	0.7	8.80E-05	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.05	-0.03	0.08	0.75	0.32	0.082	0.0019	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.06	0.03	0.75	0.025	0.00017	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.07	-0.03	0.04	0.75	0.048	0.032	0.012	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.03	-0.01	0.05	0.75	0.72	0.52	0.052	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.01	0.09	0.75	1	0.76	0.00099	NA	NA	NA	NA
0.23	0.36	0.02	0.12	0.75	0.45	0.81	0.093	NA	NA	NA	NA

0.01	-0.01	-0.04	0.01	0.75	0.8	0.0025	0.6	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.13	-0.07	-0.05	0.76	0.00012	0.0066	0.034	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.03	-0.01	0.76	0.59	0.31	0.8	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.04	-0.03	0.76	0.19	0.052	0.24	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.05	-0.03	0.76	0.32	3.60E-05	0.072	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.24	-0.12	0.76	1	1.40E-06	0.00044	NA	NA	NA	NA
0.06	0.24	-0.05	0.13	0.76	0.54	0.11	0.0043	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.04	0.02	0.02	0.76	0.95	0.82	0.8	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.07	-0.02	0.02	0.76	0.019	0.23	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.09	0.02	0.76	0.91	0.013	0.74	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.09	-0.03	0.76	0.26	7.60E-08	0.057	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.01	0.03	0.77	1	0.31	0.079	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.04	-0.02	0.77	0.9	0.0021	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.03	-0.13	-0.09	0.77	0.88	0.011	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.03	0	0.77	0.94	0.25	0.94	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.05	0.05	0.77	0.041	0.022	0.081	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.03	-0.01	0.01	0.77	0.91	0.63	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.9	-0.02	0.05	0.77	1.90E-06	0.78	0.5	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	0.04	-0.01	0.78	1	0.27	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.22	-0.02	-0.06	0.78	0.081	0.78	0.5	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.06	0.04	0.78	0.58	5.10E-05	0.0027	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.07	-0.06	0.02	0.78	0.18	0.0024	0.43	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.06	-0.01	0	0.79	0.024	0.76	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.04	-0.01	0.79	0.0065	0.0067	0.44	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.04	-0.03	0.79	0.38	0.38	0.64	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.04	0.06	0.8	0.63	0.043	0.0076	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.04	0	0.8	0.38	0.011	0.79	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.1	-0.08	0.8	0.81	0.0041	0.073	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.04	0.02	0.8	0.71	0.039	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.02	-0.1	-0.11	0.8	1	0.0036	0.01	NA	NA	NA	NA

-0.1	-0.12	-0.09	0	0.8	0.59	0.00076	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.18	-0.09	0.8	1	1.50E-06	0.046	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	0	0	0.8	0.16	1	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.03	0.07	0.8	0.64	0.14	0.0047	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.02	0.04	0.81	0.45	0.38	0.089	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	0.03	0.07	0.81	0.53	0.092	1.20E-05	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	0	0.02	0.81	0.51	0.98	0.33	NA	NA	NA	NA
0.63	-0.03	0.71	0.71	0.81	1	0.049	0.1	NA	NA	NA	NA
0	-0.04	0	0.03	0.81	0.0085	0.9	0.053	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.03	0.01	0.82	0.85	0.083	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.27	-0.05	0.01	0.82	0.00032	0.046	0.81	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.12	-0.13	0.03	0.82	0.77	0.002	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.04	0.06	0.82	0.86	0.0026	6.60E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	-0.02	0.04	0.82	0.23	0.45	0.057	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.13	-0.03	-0.03	0.83	0.13	0.53	0.43	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.15	-0.06	NA	0.83	0.63	0.46	NA	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.02	0.05	0.83	0.58	0.46	0.051	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.24	-0.2	-0.18	0.83	0.24	4.00E-04	0.031	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	0	-0.02	0.83	0.32	0.95	0.18	NA	NA	NA	NA
0.02	0.27	-0.05	0.04	0.83	0.00018	0.13	0.38	NA	NA	NA	NA
0.05	0.18	0.07	0.2	0.83	0.29	0.14	0.00015	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.06	0.01	0.83	0.23	2.50E-06	0.73	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.06	-0.04	0.83	1	0.069	0.37	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.06	-0.06	0	0.84	0.72	0.2	1	NA	NA	NA	NA
-0.61	-0.69	0.17	0.1	0.84	0.72	0.021	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.16	-0.01	0.02	0.84	0.028	0.55	0.36	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	0	0.11	0.84	0.66	1	0.00038	NA	NA	NA	NA
0.02	0.13	-0.04	0.02	0.84	0.069	0.15	0.73	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.05	-0.04	0.84	0.44	0.0091	0.058	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.03	0.05	0.84	0.016	0.0017	1.10E-05	NA	NA	NA	NA

-0.01	0	-0.07	-0.04	0.84	0.91	0.00095	0.086	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.03	0.13	0.84	0.9	0.14	3.80E-07	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.05	-0.03	-0.01	0.85	0.0026	0.014	0.33	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.04	0.04	0.85	0.081	0.0092	0.038	NA	NA	NA	NA
0.04	0.44	0	0.13	0.85	0.0019	1	0.015	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.07	-0.02	0.85	0.98	1.50E-05	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.36	-0.04	0.07	0.85	0.017	0.65	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.03	-0.01	0.85	1	0.89	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.07	-0.08	0.85	1	0.00049	0.00042	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.1	-0.06	0	0.85	0.014	0.038	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0	0.02	0.01	0.85	1	0.6	0.9	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.05	-0.08	0	0.86	0.66	0.0094	1	NA	NA	NA	NA
0	0.06	-0.02	0.03	0.86	0.019	0.17	0.056	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.23	-0.1	-0.07	0.86	0.25	6.00E-04	0.043	NA	NA	NA	NA
0.01	0.08	0.02	0.03	0.86	0.2	0.77	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.1	-0.06	-0.03	0.86	0.097	0.052	0.34	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.06	0.17	0.86	1	0.65	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.07	-0.01	0.07	0.86	0.015	0.73	3.60E-08	NA	NA	NA	NA
0.02	0.11	-0.03	-0.04	0.87	0.094	0.42	0.24	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.04	-0.04	0.87	0.49	0.007	0.0026	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	-0.03	0.12	0.87	0.3	0.2	0.00021	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.01	0.05	0.87	0.98	0.79	0.022	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.1	-0.01	0.07	0.88	0.00015	0.66	2.60E-05	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	0	0.04	0.88	0.8	0.88	0.0031	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.02	0.02	0.88	0.96	0.066	0.15	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	-0.03	0	0.88	0.16	0.046	0.84	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.05	-0.04	0.89	0.7	0.00031	0.0023	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	0.02	0.01	0.89	0.32	0.64	0.9	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.21	-0.07	0.03	0.89	0.00031	0.00028	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.1	-0.08	-0.01	0.89	0.14	0.2	1	NA	NA	NA	NA

-0.01	0.04	-0.05	0.08	0.89	0.2	0.022	0.0023	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	0.07	0.12	0.89	0.72	0.28	0.071	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.11	-0.06	-0.01	0.89	0.00046	0.00029	0.66	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.05	0	0.9	0.1	0.0096	0.98	NA	NA	NA	NA
0.01	0.09	-0.02	0.03	0.9	0.0019	0.13	0.014	NA	NA	NA	NA
0.03	0.16	-0.05	0.01	0.9	0.14	0.082	0.79	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.11	0.01	0.08	0.9	0.021	0.87	0.0032	NA	NA	NA	NA
0.01	0.08	-0.01	0.01	0.9	0.0072	0.73	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	0.06	0.1	0.9	0.54	0.0094	2.30E-06	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.03	-0.12	-0.04	0.91	0.89	0.00052	0.42	NA	NA	NA	NA
0.1	0.5	0.05	-0.01	0.91	0.061	0.29	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	0	0.08	0.91	0.79	1	0.00024	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.12	-0.04	0	0.91	0.013	0.16	0.93	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.05	-0.04	0.07	0.92	0.7	0.24	0.031	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.03	0.01	0.92	0.99	0.055	0.7	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.02	-0.02	0.92	0.38	0.27	0.19	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	-0.09	-0.07	0.92	0.88	0.024	0.053	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.05	0.05	0.92	0.49	0.012	0.062	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	0.12	0.08	0.92	0.33	0.00027	0.014	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.07	-0.03	0.92	0.65	0.003	0.084	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.06	0	0.92	0.56	0.00015	0.86	NA	NA	NA	NA
0.02	0.31	-0.04	0.01	0.92	0.0023	0.048	0.85	NA	NA	NA	NA
0.29	-0.03	0.04	0.22	0.93	0.94	0.26	4.90E-09	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.06	0.04	0.93	0.23	0.0016	0.043	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.04	0.04	0.94	0.07	0.013	0.021	NA	NA	NA	NA
0.01	0.19	-0.07	0.11	0.94	0.038	0.0063	0.0014	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.02	-0.01	0.94	1	0.78	0.96	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.09	-0.07	0.94	1	4.60E-05	0.0011	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.31	0.07	0.08	0.94	0.4	0.19	0.05	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.09	0	0.94	0.76	0.007	1	NA	NA	NA	NA

0.06	0.34	-0.04	0.09	0.95	0.11	0.25	0.016	NA	NA	NA	NA
0.02	0.27	0.02	0.14	0.95	0.0038	0.86	0.1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.21	0.08	0.14	0.95	0.017	0.24	0.033	NA	NA	NA	NA
0.1	0.6	0.02	-0.01	0.95	0.034	1	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.08	0	0.12	0.96	0.24	0.91	3.90E-05	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.04	-0.07	-0.09	0.96	0.63	0.04	0.0076	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.09	-0.04	0.96	1	0.00053	0.12	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.06	-0.02	0.96	0.61	9.70E-05	0.35	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.04	-0.04	0.07	0.97	0.86	0.35	0.14	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.03	0.02	0.97	0.42	0.0057	0.083	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.01	-0.05	0.97	1	1	0.72	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.06	-0.03	0.05	0.97	0.083	0.16	0.034	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	-0.03	0.06	0.97	0.69	0.43	0.075	NA	NA	NA	NA
0.02	0.17	-0.01	-0.09	0.97	0.051	0.85	0.035	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.06	0.01	0.08	0.97	0.69	1	0.6	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.08	-0.06	0.97	0.59	0.042	0.55	NA	NA	NA	NA
0.06	0.26	-0.24	NA	0.97	0.1	0.0065	NA	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.02	0.01	0.08	0.97	0.71	0.46	6.10E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	0.12	-0.1	-0.05	0.97	0.051	0.00047	0.081	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.03	-0.05	0.97	1	0.47	0.13	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.02	0.03	0.98	0.74	0.29	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	0.03	0.13	0.98	1	0.54	0.001	NA	NA	NA	NA
0.02	0.6	0.1	0.38	0.98	1.50E-09	0.13	0.00011	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	0	-0.01	0.99	0.2	0.93	0.67	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.06	0	0.99	0.17	0.011	1	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.01	0.01	0.99	0.56	0.74	0.81	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.07	0.02	0.09	0.99	0.15	0.59	0.0055	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.05	-0.12	-0.09	0.99	0.72	1.20E-05	0.003	NA	NA	NA	NA
0	-0.1	-0.1	-0.06	1	0.019	0.00088	0.099	NA	NA	NA	NA
0	-0.03	-0.01	0.02	1	0.71	0.6	0.42	NA	NA	NA	NA

-0.07	-0.01	-0.05	0.01	1	1	0.062	0.88	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.11	-0.08	1	0.57	0.00015	0.01	NA	NA	NA	NA
0.01	0.08	-0.01	-0.01	1	0.24	0.83	0.71	NA	NA	NA	NA
-0.17	0.5	0.05	0.16	1	1	1	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.06	-0.01	0.14	1	0.26	0.7	4.00E-05	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.25	-0.06	0.43	1	0.36	0.35	1.40E-05	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.18	0	0.03	1	0.034	0.97	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.11	-0.03	-0.07	1	0.019	0.2	0.0052	NA	NA	NA	NA
0	0.06	-0.04	0.11	1	0.71	0.28	0.0064	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.01	0.12	1	0.61	0.7	0.00065	NA	NA	NA	NA
0	-0.15	-0.03	-0.01	1	0.00049	0.15	0.76	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	0.09	0.03	1	0.87	0.043	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.18	-0.06	0.07	1	0.86	0.068	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.01	0.02	1	1	0.84	0.78	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.03	0.02	0.12	1	1	0.76	0.0079	NA	NA	NA	NA
-0.25	NA	-0.01	0	1	NA	0.75	1	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.03	0.06	1	0.16	0.14	0.0041	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.03	0.09	1	0.27	0.099	0.00019	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.08	-0.12	1	0.78	0.01	0.00092	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.22	0.03	0.18	1	0.0054	0.38	4.80E-06	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.02	0.05	1	0.013	0.53	0.045	NA	NA	NA	NA
0	0.16	-0.03	0.02	1	0.023	0.45	0.66	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.04	-0.02	1	0.79	0.039	0.45	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.02	0.01	1	0.52	0.33	0.73	NA	NA	NA	NA
0	0.1	-0.15	-0.06	1	0.34	7.50E-06	0.19	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.07	-0.18	0.02	1	0.34	7.00E-07	0.88	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.01	0.01	1	0.66	0.51	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.19	-0.11	-0.05	1	0.37	0.072	0.49	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.03	-0.01	1	0.9	0.14	0.52	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.04	-0.08	-0.05	1	1	0.11	0.28	NA	NA	NA	NA

0	-0.01	-0.02	0.08	1	0.8	0.21	2.90E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.07	-0.08	-0.05	1	0.042	0.00043	0.045	NA	NA	NA	NA
0	0.19	-0.07	0.01	1	0.00012	0.00094	0.82	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.01	0.07	1	0.28	0.55	0.00053	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.05	0.01	-0.06	1	0.66	0.81	0.058	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.05	-0.02	1	0.66	0.22	0.62	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.05	0	1	0.11	0.00021	0.91	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.11	-0.05	0.05	1	0.056	0.12	0.2	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.08	0.01	1	1	0.079	1	NA	NA	NA	NA
-0.17	0	-0.02	NA	1	1	0.73	NA	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.13	-0.04	1	1	0.00058	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.08	0.03	0.2	1	0.78	0.47	6.70E-05	NA	NA	NA	NA
0	0.28	-0.07	-0.04	1	1.10E-05	0.0056	0.3	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.08	-0.01	1	0.82	2.70E-05	0.6	NA	NA	NA	NA
0	0	0.03	-0.04	1	1	0.46	0.24	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.12	-0.21	-0.09	1	0.56	8.70E-06	0.22	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.2	-0.11	-0.04	1	0.36	0.018	0.42	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.1	0	0.03	1	1	1	0.84	NA	NA	NA	NA
0	0.09	0.01	-0.04	1	0.12	0.88	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.17	-0.06	0.22	1	0.04	0.64	0.066	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.06	0.01	0.04	1	0.4	0.73	0.26	NA	NA	NA	NA
0.17	NA	-0.04	NA	1	NA	0.95	NA	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.07	-0.05	1	0.075	0.0019	0.13	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.08	-0.03	1	0.24	0.00053	0.2	NA	NA	NA	NA
0	0.02	0	0.05	1	0.68	0.89	0.00058	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.06	0.01	0.08	1	0.19	0.63	8.40E-05	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.09	-0.06	1	0.47	5.60E-06	0.0011	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.05	0	1	0.82	0.0038	0.92	NA	NA	NA	NA
0	0.07	-0.01	-0.03	1	0.045	0.88	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.04	NA	-0.03	0.11	1	NA	0.47	0.12	NA	NA	NA	NA

0.01	-0.12	0.01	0.07	1	0.37	0.78	0.054	NA	NA	NA	NA
0.01	0	0	0.08	1	1	0.96	0.0014	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.17	-0.03	0.07	1	0.0043	0.12	0.0077	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.03	0.02	1	0.55	0.31	0.6	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.08	-0.02	1	0.023	7.00E-09	0.23	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.01	0.04	1	0.45	0.32	0.0061	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.05	0.13	1	1	0.32	0.0054	NA	NA	NA	NA
0.02	NA	-0.04	0.02	1	NA	0.28	0.61	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.03	0	1	1	0.21	0.9	NA	NA	NA	NA
0	-0.03	-0.06	0.02	1	0.05	0.0013	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.1	-0.05	1	1	3.30E-05	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.12	0	0.02	1	0.4	1	0.99	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.08	-0.03	1	1	0.00026	0.38	NA	NA	NA	NA
0	0.16	-0.04	-0.01	1	5.30E-07	0.017	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.2	0	0.07	1	2.50E-05	1	0.0023	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.08	-0.05	0.05	1	0.5	0.056	0.16	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.08	-0.05	1	0.79	1.90E-06	0.012	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.02	0.02	1	1	0.67	0.65	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.09	-0.06	1	0.77	0.0039	0.071	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.04	-0.05	1	0.66	0.055	0.003	NA	NA	NA	NA
0.67	NA	-0.12	-0.04	1	NA	0.2	0.84	NA	NA	NA	NA
0	0.1	0.04	0.14	1	0.62	0.33	0.0015	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.03	0.01	1	0.81	0.066	0.68	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.16	-0.07	0.15	1	0.041	0.016	0.015	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.12	-0.1	1	1	0.00018	0.00091	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.05	-0.05	0	1	0.35	0.049	0.99	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.23	-0.09	-0.06	1	0.0048	8.10E-06	0.02	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	0.26	0	1	1	9.70E-05	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.06	-0.02	-0.05	1	0.6	0.63	0.076	NA	NA	NA	NA
0	0.22	-0.03	0.01	1	0.0015	0.29	0.87	NA	NA	NA	NA

-0.01	0.2	-0.05	0.01	1	0.17	0.079	1	NA	NA	NA	NA
0	0.06	-0.09	-0.06	1	0.26	2.20E-05	0.017	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	0.05	0.02	1	1	0.28	0.56	NA	NA	NA	NA
0.03	0.22	-0.07	-0.01	1	0.22	0.0038	0.66	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.12	-0.09	1	0.74	3.10E-05	0.00047	NA	NA	NA	NA
0	0	0.01	0.03	1	1	0.55	0.061	NA	NA	NA	NA
0	-0.03	-0.04	0.02	1	0.7	0.037	0.46	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	0.01	0.01	1	0.76	0.68	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.27	-0.03	0.03	1	0.00053	0.6	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.09	0	-0.01	1	0.28	1	0.97	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.01	0.04	1	0.34	0.84	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.06	0.04	0.09	1	0.26	0.34	0.024	NA	NA	NA	NA
0.04	NA	-0.02	-0.05	1	NA	0.79	0.32	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.04	0	1	0.93	0.002	0.82	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.04	0.06	1	0.61	2.00E-04	4.90E-05	NA	NA	NA	NA
0	0.09	-0.05	0.13	1	0.89	0.36	0.028	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.08	-0.06	1	0.79	0.088	0.22	NA	NA	NA	NA
0	-0.39	0.03	0.1	1	0.72	0.24	0.0054	NA	NA	NA	NA
0	0.35	-0.01	0.01	1	3.10E-07	0.8	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.08	0.01	1	1	0.00054	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.08	0.04	1	1	4.20E-05	0.087	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	0.06	0.18	1	1	0.066	4.70E-05	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	0	0.05	1	0.7	1	0.1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.18	-0.05	-0.01	1	0.62	0.24	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.11	-0.06	0.02	1	0.53	0.16	0.68	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.03	0.04	1	0.51	0.18	0.24	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.11	NA	1	1	0.69	NA	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.09	-0.02	1	0.31	0.00068	0.57	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.08	-0.13	-0.06	1	0.22	5.90E-07	0.038	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.1	-0.01	1	1	0.029	0.88	NA	NA	NA	NA

-0.03	0.06	-0.14	-0.07	1	0.81	5.60E-05	0.026	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	-0.01	0	1	1	0.86	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.06	0.03	-0.06	1	0.93	0.61	0.18	NA	NA	NA	NA
0.15	NA	0.03	-0.02	1	NA	0.18	0.35	NA	NA	NA	NA
0	0.26	-0.02	0.05	1	0.016	0.63	0.12	NA	NA	NA	NA
0	0	0.05	0.04	1	1	0.029	0.046	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.03	0.02	1	1	0.19	0.55	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	0.02	0.02	1	0.61	0.75	0.68	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.07	0.06	0.04	1	0.67	0.038	0.16	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.03	-0.01	1	0.84	0.013	0.36	NA	NA	NA	NA
NA	0	0.04	0.14	NA	1	1	0.47	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.07	0.18	NA	NA	0.3	0.055	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.15	-0.05	NA	NA	0.14	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.22	0.07	NA	NA	0.51	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0	0.67	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	NA	NA	NA	0.8	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.01	0.23	NA	1	0.92	2.30E-08	NA	NA	NA	NA
NA	0.1	-0.1	-0.05	NA	0.23	1.50E-06	0.02	NA	NA	NA	NA
NA	0.39	-0.08	0.1	NA	0.00021	0.0054	0.06	NA	NA	NA	NA
NA	-0.25	-0.05	0	NA	0.49	0.62	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	-0.02	NA	NA	0.45	0.73	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.06	NA	NA	NA	0.84	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.12	-0.07	-0.02	NA	0.17	0.0044	0.51	NA	NA	NA	NA
NA	-0.08	0.52	-0.31	NA	0.99	0.084	0.00021	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	0.08	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.79	-0.1	0.21	NA	0.089	0.0082	3.10E-06	NA	NA	NA	NA
NA	0.06	-0.02	-0.06	NA	0.8	1	0.26	NA	NA	NA	NA

NA	0.5	NA	0.4	NA	0.32	NA	0.44	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	0.03	NA	NA	0.54	0.5	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	NA	NA	NA	0.41	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.05	-0.03	-0.01	NA	1	0.61	0.83	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.01	-0.15	-0.08	NA	1	0.13	0.58	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.9	-0.02	-0.04	NA	0.011	0.99	0.48	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	-0.14	NA	NA	NA	0.6	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.18	0.41	NA	NA	0.19	0.035	NA	NA	NA	NA
NA	0.92	0	-0.04	NA	0.15	1	0.44	NA	NA	NA	NA
NA	-0.02	NA	-0.04	NA	1	NA	0.65	NA	NA	NA	NA
NA	0.01	0.06	0	NA	1	0.58	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.11	-0.07	NA	NA	1.50E-05	0.029	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.75	NA	NA	NA	0.63	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.06	0.12	NA	NA	0.11	0.0024	NA	NA	NA	NA
NA	0.12	-0.18	-0.13	NA	0.39	0.11	0.42	NA	NA	NA	NA
NA	-0.3	-0.07	0.03	NA	0.64	0.0084	0.54	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.02	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.05	-0.07	-0.05	NA	0.92	0.085	0.35	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.05	0.81	NA	NA	0.64	0.46	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.28	-0.1	NA	NA	0.41	0.84	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.05	0.71	NA	NA	1	0.78	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.05	0.01	0.05	NA	1	0.94	0.24	NA	NA	NA	NA

NA	-0.01	-0.08	-0.07	NA	1	0.023	0.022	NA	NA	NA	NA
NA	-0.15	0.02	0.05	NA	0.96	0.72	0.3	NA	NA	NA	NA
NA	0.25	0	0.07	NA	0.7	1	0.37	NA	NA	NA	NA
NA	0.19	-0.01	0.05	NA	0.18	0.95	0.034	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	0.14	NA	NA	0.12	0.00065	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	0.04	NA	NA	0.022	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	-0.02	NA	NA	0.92	0.97	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	0.08	NA	NA	0.82	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.45	-0.18	0.05	NA	0.048	0.24	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.32	-0.01	-0.01	NA	0.004	0.84	0.98	NA	NA	NA	NA
NA	-0.05	-0.04	0.88	NA	1	0.34	0.0093	NA	NA	NA	NA
NA	0.02	0.02	0.1	NA	1	0.91	0.067	NA	NA	NA	NA
NA	0.08	-0.07	0.02	NA	0.053	0.025	0.51	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.15	NA	NA	NA	0.48	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.22	NA	NA	NA	0.75	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.1	0.27	NA	1	0.01	0.00011	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	0.15	NA	NA	0.94	0.0075	NA	NA	NA	NA
NA	0.04	-0.12	0.06	NA	1	0.048	0.62	NA	NA	NA	NA
NA	0.34	0.06	0.02	NA	1.10E-06	0.45	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	0.14	NA	NA	1	0.47	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.06	-0.01	0.05	NA	0.12	0.87	0.3	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	-0.02	NA	NA	0.21	0.76	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.17	0.15	NA	NA	0.094	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.08	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.79	-0.82	NA	NA	0.55	0.55	NA	NA	NA	NA

NA	NA	-0.05	NA	NA	NA	0.41	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.05	-0.06	-0.08	NA	0.32	0.14	0.014	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.27	-0.17	NA	NA	0.00034	0.49	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.15	0.08	NA	NA	0.0021	0.64	NA	NA	NA	NA
NA	-0.09	-0.09	-0.06	NA	1	0.0049	0.14	NA	NA	NA	NA
0.33	0.03	-0.06	-0.06	1.00E-09	0.43	0.094	0.076	NA	NA	NA	NA
0.29	0.06	-0.03	0.07	1.80E-08	0.042	0.035	0.00038	NA	NA	NA	NA
0.47	0.02	-0.01	0.03	4.00E-08	0.81	0.82	0.28	NA	NA	NA	NA
0.22	-0.02	-0.02	0.04	1.10E-07	0.15	0.27	0.02	NA	NA	NA	NA
0.2	0.05	-0.03	0.01	5.80E-07	0.0073	0.11	0.67	NA	NA	NA	NA
0.21	0.16	-0.05	0.03	9.50E-07	2.40E-07	0.019	0.26	NA	NA	NA	NA
0.17	0.07	-0.05	-0.03	1.00E-06	0.014	0.0033	0.1	NA	NA	NA	NA
0.14	0.08	-0.03	0.06	1.50E-06	2.10E-05	0.025	0.00019	NA	NA	NA	NA
0.2	0.15	-0.02	0.05	3.70E-06	1.30E-05	0.14	0.0025	NA	NA	NA	NA
0.24	0.02	-0.03	0.05	1.30E-05	0.79	0.31	0.13	NA	NA	NA	NA
0.15	0.07	-0.03	-0.02	1.40E-05	9.60E-05	0.088	0.41	NA	NA	NA	NA
0.08	0.09	-0.07	-0.01	1.70E-05	2.90E-05	9.60E-09	0.39	NA	NA	NA	NA
0.1	0.01	-0.02	0.04	2.00E-05	0.77	0.1	0.022	NA	NA	NA	NA
0.08	0.06	0.02	-0.01	3.20E-05	0.00018	0.2	0.71	NA	NA	NA	NA
0.13	0.05	-0.06	-0.02	5.00E-05	0.051	0.0035	0.37	NA	NA	NA	NA
0.42	0.09	0	0.02	6.40E-05	0.012	0.95	0.54	NA	NA	NA	NA
0.12	0.1	0	0.05	7.30E-05	0.0017	0.94	0.0032	NA	NA	NA	NA
0.3	0.21	0	0.05	0.00011	4.80E-06	0.93	0.049	NA	NA	NA	NA
0.35	0.01	-0.03	0.04	0.00013	1	0.1	0.029	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	-0.03	0	0.00014	0.0038	0.0018	0.69	NA	NA	NA	NA
0.59	0.18	-0.03	0.07	0.00015	0.023	0.31	0.057	NA	NA	NA	NA
0.25	0.01	-0.01	-0.03	0.00017	1	0.92	0.42	NA	NA	NA	NA
0.26	0.37	-0.04	0.11	0.00018	3.00E-07	0.41	0.00027	NA	NA	NA	NA
0.18	0.06	-0.03	0	0.00019	0.11	0.19	1	NA	NA	NA	NA
0.15	0.02	-0.07	0.05	0.00026	0.44	2.40E-05	0.024	NA	NA	NA	NA

0.17	0.12	-0.1	-0.09	0.00028	0.0022	5.00E-06	1.80E-05	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.1	0.01	0.1	3.00E-04	2.00E-04	0.85	3.80E-05	NA	NA	NA	NA
-0.27	-0.18	-0.07	-0.05	0.00037	0.032	0.0057	0.018	NA	NA	NA	NA
0.11	0.22	0	0.03	0.00038	6.60E-07	0.98	0.04	NA	NA	NA	NA
0.16	0.18	-0.04	0.03	0.00038	3.50E-08	0.00067	0.068	NA	NA	NA	NA
0.95	0.2	-0.24	NA	0.00046	0.24	0.063	NA	NA	NA	NA	NA
0.1	0.25	-0.01	0.04	0.001	2.70E-09	0.61	0.00096	NA	NA	NA	NA
0.12	0.02	-0.01	-0.02	0.0011	0.35	0.86	0.46	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	0.01	0.02	0.0011	0.0013	0.27	0.069	NA	NA	NA	NA
0.2	-0.01	-0.03	-0.01	0.0012	0.75	0.066	0.46	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.07	-0.04	0.03	0.0015	0.24	0.11	0.2	NA	NA	NA	NA
0.08	0.09	-0.04	0	0.0024	0.0014	0.042	0.97	NA	NA	NA	NA
0.11	0.2	-0.04	0	0.0025	2.60E-06	0.0025	0.86	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	0	0.06	0.0025	0.00045	1	1.60E-06	NA	NA	NA	NA
0.06	0.11	-0.06	-0.02	0.0027	1.00E-08	2.40E-06	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.05	-0.1	-0.05	0.0028	0.089	1.90E-07	0.036	NA	NA	NA	NA
0.16	0.15	-0.14	-0.09	0.0031	3.00E-04	1.10E-07	0.005	NA	NA	NA	NA
0.21	-0.01	0.04	0.05	0.0031	1	0.25	0.094	NA	NA	NA	NA
0.34	0	-0.06	-0.03	0.0033	1	0.02	0.47	NA	NA	NA	NA
0.22	0.01	-0.03	0.06	0.0033	0.98	0.38	0.037	NA	NA	NA	NA
0.11	0	-0.05	-0.04	0.0033	1	0.00035	0.0088	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.06	-0.06	0	0.0041	0.043	0.00055	0.99	NA	NA	NA	NA
0.14	0.11	-0.01	-0.04	0.0045	0.093	0.71	0.18	NA	NA	NA	NA
0.18	0.3	0.14	0.2	0.0048	1.80E-06	0.00046	1.40E-05	NA	NA	NA	NA
0.34	0.05	-0.02	0.13	0.0053	0.49	0.47	0.00021	NA	NA	NA	NA
0.41	-0.39	-0.13	-0.08	0.0059	1.50E-06	0.00021	0.068	NA	NA	NA	NA
0.13	0.03	-0.07	0.03	0.007	0.29	1.50E-05	0.21	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.07	-0.05	-0.07	0.0072	0.0051	0.008	0.00022	NA	NA	NA	NA
0.16	0	-0.01	0.05	0.0072	1	0.93	0.084	NA	NA	NA	NA
0.18	-0.1	-0.01	0.02	0.0084	0.056	0.62	0.3	NA	NA	NA	NA

0.07	0.03	-0.02	0.03	0.009	0.21	0.08	0.02	NA	NA	NA	NA
0.2	0.01	-0.03	0.03	0.0095	0.99	0.25	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.63	-0.58	0.35	0.24	0.0099	0.021	0.0015	0.011	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.01	-0.07	0	0.012	0.51	1.00E-06	0.96	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	0	0.04	0.012	0.0047	0.87	0.002	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	-0.03	0.03	0.013	0.14	0.12	0.17	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.01	0.04	0.09	0.013	0.97	0.18	0.00081	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	0.01	0.04	0.014	9.90E-05	0.76	0.0028	NA	NA	NA	NA
0.44	0.29	-0.03	0.03	0.015	0.061	0.53	0.43	NA	NA	NA	NA
0.33	0.32	0.06	0.02	0.015	0.0015	0.16	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.11	-0.04	0	0.015	0.034	0.15	0.95	NA	NA	NA	NA
0.11	0.05	-0.01	0.04	0.015	0.2	0.75	0.059	NA	NA	NA	NA
0.09	0.18	-0.01	-0.01	0.016	6.10E-07	0.49	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.11	-0.01	0.01	0.016	0.00069	0.52	0.51	NA	NA	NA	NA
0.14	0.09	-0.01	-0.01	0.018	0.072	0.98	0.97	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.01	0	0.019	0.2	0.23	0.73	NA	NA	NA	NA
0.75	0.75	-0.02	0.3	0.02	0.0019	1	0.022	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	0.01	0.03	0.021	6.00E-04	0.42	0.011	NA	NA	NA	NA
0.09	0.13	-0.05	0.03	0.021	0.00079	0.0041	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.01	-0.04	0.03	0.021	0.99	0.026	0.12	NA	NA	NA	NA
0.11	0.02	-0.05	-0.02	0.022	0.48	0.088	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.12	-0.1	-0.1	0.023	0.022	4.90E-07	3.90E-06	NA	NA	NA	NA
0.55	0.72	0.35	NA	0.025	0.0062	0.24	NA	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	0.04	-0.04	0.027	0.2	0.2	0.016	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.04	0.05	0.03	0.027	0.41	0.042	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.01	-0.03	0	0.029	0.86	0.018	0.76	NA	NA	NA	NA
0.15	0.05	-0.05	0.04	0.036	0.37	0.16	0.18	NA	NA	NA	NA
0.11	0.17	-0.04	-0.02	0.041	9.80E-06	0.028	0.27	NA	NA	NA	NA
0.15	0.1	-0.09	-0.08	0.042	0.021	0.0044	0.0039	NA	NA	NA	NA
0.15	0.07	-0.07	-0.01	0.044	0.031	0.0018	0.81	NA	NA	NA	NA

0.04	0.04	-0.03	0	0.05	0.022	0.0079	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.01	-0.01	0.05	0.13	0.19	0.24	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.01	0.05	0.051	0.73	0.42	0.00034	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.03	0.02	0.053	0.0057	0.0037	0.062	NA	NA	NA	NA
0.85	0.85	0.56	0	0.055	3.60E-05	0.25	1	NA	NA	NA	NA
0.14	-0.01	-0.02	-0.01	0.055	0.81	0.24	0.44	NA	NA	NA	NA
0.29	0.04	-0.05	-0.08	0.057	0.47	0.22	0.043	NA	NA	NA	NA
0.1	0.03	-0.06	0	0.057	0.53	0.0023	1	NA	NA	NA	NA
0.3	0.62	-0.08	0.05	0.059	1.60E-09	0.024	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.13	-0.1	-0.04	0.06	0.016	5.80E-05	0.15	NA	NA	NA	NA
0.48	0.27	0.04	-0.03	0.061	0.27	0.41	0.67	NA	NA	NA	NA
0.38	0.08	-0.02	-0.03	0.061	0.37	0.5	0.37	NA	NA	NA	NA
0.24	0	0.06	0.07	0.063	1	0.11	0.076	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.02	-0.08	0.01	0.063	0.51	0.00018	0.59	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.09	-0.06	0.068	0.15	1.20E-05	0.0023	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.05	-0.03	0.074	0.59	0.023	0.21	NA	NA	NA	NA
0.13	0.05	-0.09	-0.01	0.079	0.29	1.60E-07	0.77	NA	NA	NA	NA
0.47	-0.1	0.06	-0.01	0.08	0.86	0.43	1	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.02	-0.01	-0.01	0.08	0.73	0.61	0.45	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.02	-0.03	0.01	0.08	0.64	0.092	0.59	NA	NA	NA	NA
0.18	0.18	-0.07	-0.01	0.081	0.036	0.0046	0.94	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	-0.04	0	0.084	0.013	0.076	0.86	NA	NA	NA	NA
0.15	0.31	0.05	-0.01	0.085	1.00E-07	0.084	0.63	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.08	-0.1	-0.05	0.085	0.27	0.0037	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.03	-0.06	-0.03	0.091	0.34	0.00012	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.19	0.05	0.04	0.093	0.00092	0.0053	0.069	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.01	0	0.02	0.096	0.91	1	0.61	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.03	-0.03	0	0.096	0.8	0.21	0.92	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.06	0	0.09	0.097	1	0.98	0.0077	NA	NA	NA	NA
0.15	-0.04	-0.02	0.03	0.1	0.5	0.56	0.16	NA	NA	NA	NA

0.04	-0.04	-0.05	0	0.1	0.05	1.90E-06	1	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.05	-0.03	0.01	0.1	0.11	0.021	0.45	NA	NA	NA	NA
0.16	0.17	-0.01	-0.02	0.1	0.045	0.8	0.74	NA	NA	NA	NA
0.12	0.14	-0.02	-0.01	0.1	0.047	0.29	0.59	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	0.01	0.02	0.11	0.16	0.75	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.02	0.01	0.11	0.98	0.13	0.67	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.06	-0.01	0.12	2.60E-07	0.00039	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.26	-0.03	0.1	0.12	0.00094	0.091	0.00071	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	0	0.07	0.12	0.095	0.93	3.50E-06	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.03	0.06	0.12	0.44	0.047	8.60E-05	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.01	-0.03	0.08	0.12	1	0.15	0.022	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.02	-0.05	0	0.12	0.82	0.00015	0.96	NA	NA	NA	NA
0.09	0.17	0.02	0.07	0.13	0.0016	0.56	0.0037	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.02	-0.04	0	0.13	0.9	0.019	0.87	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.04	-0.05	-0.02	0.14	0.066	7.00E-04	0.3	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	0.03	0.03	0.14	0.83	0.22	0.23	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.01	0.01	0.15	0.0038	0.35	0.68	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.03	0.02	0.12	0.15	0.7	0.37	3.30E-06	NA	NA	NA	NA
0.2	0.56	-0.01	0.05	0.16	0.00022	0.87	0.13	NA	NA	NA	NA
0.1	0.14	-0.03	-0.01	0.16	9.40E-05	0.19	0.84	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.02	0	0.17	0.13	0.054	0.75	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	0.01	0	0.18	0.55	0.52	1	NA	NA	NA	NA
0.13	0.16	-0.01	-0.02	0.18	0.022	0.91	0.69	NA	NA	NA	NA
0.13	0.1	-0.02	0.02	0.18	0.1	0.68	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.12	-0.05	0.06	0.19	0.095	0.0037	0.0077	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.03	0	0.05	0.19	0.86	0.97	0.12	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.03	-0.02	-0.01	0.19	0.33	0.26	0.4	NA	NA	NA	NA
0.2	0.24	-0.05	-0.08	0.19	0.45	0.19	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.04	-0.07	-0.04	0.2	0.4	4.40E-07	0.0091	NA	NA	NA	NA
0.09	0.51	0.01	0.07	0.2	0.0023	0.79	0.028	NA	NA	NA	NA

0.11	0.06	-0.05	-0.01	0.2	0.68	0.56	1	NA	NA	NA	NA
0.37	0.18	-0.12	-0.01	0.21	0.11	0.0048	0.94	NA	NA	NA	NA
0.09	0.15	-0.1	-0.13	0.21	0.043	0.049	0.0012	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	-0.06	-0.02	0.22	0.0044	0.00017	0.3	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.05	0.07	0.22	0.18	0.07	0.015	NA	NA	NA	NA
0.16	0.03	-0.1	-0.09	0.22	0.83	0.015	0.064	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.05	-0.01	0.22	0.3	0.00013	0.46	NA	NA	NA	NA
0.13	0.09	-0.06	-0.01	0.23	0.14	0.0032	0.64	NA	NA	NA	NA
0.12	0.02	-0.06	-0.01	0.23	0.83	0.11	1	NA	NA	NA	NA
0.23	NA	0.03	0.07	0.23	NA	0.82	0.41	NA	NA	NA	NA
0.06	0.1	-0.05	-0.01	0.23	0.087	0.011	0.83	NA	NA	NA	NA
0.09	0.02	-0.02	-0.01	0.24	0.93	1	1	NA	NA	NA	NA
0.08	0.22	-0.13	-0.06	0.24	0.0022	0.0054	0.21	NA	NA	NA	NA
0.06	0.09	0.01	0.05	0.24	0.41	0.85	0.066	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.01	0.01	0.25	0.82	0.63	0.59	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	-0.04	0.07	0.25	0.43	0.094	0.03	NA	NA	NA	NA
0.06	0.13	-0.04	0.06	0.25	0.01	0.11	0.033	NA	NA	NA	NA
-0.16	0.03	-0.02	0.1	0.27	1	1	0.88	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	0	0.04	0.27	0.28	0.88	0.0047	NA	NA	NA	NA
0.08	0.02	-0.04	0	0.28	0.68	0.2	0.98	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.06	0	0.28	0.54	0.08	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.05	0.01	0.28	7.00E-04	0.045	0.79	NA	NA	NA	NA
0.87	-0.01	-0.05	0.09	0.28	0.94	0.0063	0.0016	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.01	0.03	0.29	1	0.89	0.25	NA	NA	NA	NA
0.07	0.14	-0.04	0.02	0.29	0.0039	0.15	0.56	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.07	-0.01	0.09	0.29	0.38	0.63	0.0029	NA	NA	NA	NA
0.04	0.06	-0.03	0.06	0.29	0.073	0.045	0.00021	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.05	-0.03	0.29	0.48	0.0047	0.083	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.05	0.11	0.29	0.98	0.014	0.00024	NA	NA	NA	NA
0.04	0.1	0.04	0.2	0.3	0.018	0.5	0.0013	NA	NA	NA	NA

0.03	0.04	-0.04	-0.02	0.3	0.12	0.0012	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.21	-0.07	0	0.31	1.30E-07	0.00028	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.05	-0.03	0.03	0.32	0.33	0.066	0.22	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.04	-0.02	0.32	0.72	2.00E-04	0.096	NA	NA	NA	NA
0.07	0.15	-0.06	0.01	0.32	0.12	0.019	0.8	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.09	-0.05	-0.01	0.33	0.14	0.074	0.92	NA	NA	NA	NA
0.2	0.09	-0.14	0.24	0.34	0.82	0.61	0.26	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.02	-0.03	0.01	0.34	0.71	0.046	0.5	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.04	-0.03	0.06	0.34	0.33	0.045	0.0026	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.02	0.04	0.34	0.072	0.057	0.00027	NA	NA	NA	NA
0.13	0.02	-0.03	-0.03	0.35	0.87	0.22	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.06	0.03	0.35	1	0.0052	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.15	0.03	0.08	0.36	0.073	0.29	0.0042	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.01	-0.03	-0.02	0.37	0.84	0.19	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.02	0.03	0.06	0.37	0.76	0.35	0.15	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.02	-0.03	-0.02	0.37	0.53	0.081	0.37	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.04	0	0.37	0.76	0.0013	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	0.01	0.03	0.37	0.24	0.55	0.024	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.01	-0.03	0.39	1	0.64	0.055	NA	NA	NA	NA
0.75	0.75	-0.13	0.09	0.39	0.82	0.0076	0.14	NA	NA	NA	NA
0.29	0.15	0.07	0.06	0.39	0.4	0.016	0.06	NA	NA	NA	NA
0.06	0.15	0	0.09	0.39	0.0046	0.88	7.10E-06	NA	NA	NA	NA
0.13	0.1	-0.08	-0.04	0.4	0.93	0.027	0.45	NA	NA	NA	NA
0.2	0.59	-0.12	0.4	0.4	0.0082	0.067	0.00085	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.07	-0.07	0.4	0.38	6.70E-07	3.40E-05	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.01	0.05	0.4	0.006	0.5	0.0039	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.02	-0.05	-0.02	0.4	0.55	0.0069	0.34	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.02	0.05	0.13	0.41	0.73	0.037	1.10E-07	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.07	0.05	0.41	0.17	1.00E-07	0.002	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	0	0.01	0.42	0.13	0.86	0.64	NA	NA	NA	NA

0.03	0.08	-0.06	-0.06	0.42	0.0045	0.0024	0.0017	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.06	-0.08	NA	0.42	0.7	0.036	NA	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	0.01	0.05	0.42	0.016	0.45	0.00062	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.05	0	0.43	0.69	4.10E-06	0.88	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.03	-0.05	-0.01	0.44	0.68	0.16	0.95	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.02	0.03	0.44	0.38	0.15	0.059	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.04	0.02	0.45	0.011	0.023	0.4	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.04	-0.06	-0.02	0.45	0.28	0.019	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.27	-0.06	-0.01	0.46	1.00E-04	0.0012	0.85	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.17	-0.06	-0.11	0.46	0.051	0.25	0.003	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.04	-0.02	-0.01	0.46	0.38	0.46	0.81	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.06	-0.04	0.47	0.2	0.0067	0.074	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.05	-0.04	-0.01	0.47	0.3	0.064	0.69	NA	NA	NA	NA
0.04	0.19	-0.13	-0.14	0.48	0.67	6.10E-05	3.90E-06	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.09	-0.06	0.48	1	0.0023	0.016	NA	NA	NA	NA
0.14	0.12	0	-0.04	0.48	0.82	1	0.39	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.09	-0.09	-0.08	0.49	0.033	0.00027	0.0037	NA	NA	NA	NA
0.8	0.07	0.12	0.21	0.49	0.57	0.0061	5.70E-05	NA	NA	NA	NA
0.11	0.01	0.06	0.02	0.49	0.99	0.12	0.61	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.77	-0.14	-0.1	0.5	7.80E-09	0.007	0.13	NA	NA	NA	NA
0.05	0.11	-0.03	0.03	0.5	0.11	0.14	0.2	NA	NA	NA	NA
0.14	0.61	0.01	0.01	0.51	0.00052	0.71	0.9	NA	NA	NA	NA
0.06	0.16	-0.01	0.06	0.51	0.065	0.71	0.02	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.05	-0.01	0.51	0.039	0.00097	0.39	NA	NA	NA	NA
0.15	-0.08	-0.09	-0.06	0.51	0.52	2.70E-06	0.036	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.02	-0.02	-0.02	0.52	1	0.64	0.28	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.05	-0.02	0.53	0.012	0.0074	0.28	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.03	0.08	0.53	0.34	0.078	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.04	0.12	0.03	0.07	0.54	0.00017	0.21	0.00038	NA	NA	NA	NA
0.03	0.17	-0.04	0.02	0.54	0.0016	0.028	0.37	NA	NA	NA	NA

0.07	0.03	-0.06	-0.04	0.54	0.69	0.0045	0.32	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.03	0.02	0.54	0.37	0.042	0.24	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.04	0.04	0.55	0.8	1.00E-04	0.0047	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.03	-0.02	0.55	0.41	0.00099	0.015	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.03	0.07	0.56	0.049	0.032	4.90E-06	NA	NA	NA	NA
0.06	0.14	-0.1	-0.08	0.56	0.08	5.60E-05	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.03	0	0.56	0.23	0.2	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.55	0.02	0.01	0.57	4.00E-08	0.72	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.04	-0.12	-0.07	0.57	0.81	0.0012	0.16	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.04	-0.07	-0.05	0.58	0.16	0.00065	0.051	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.03	0.01	0.08	0.58	0.51	0.69	0.0026	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.03	-0.01	0.04	0.58	0.94	0.85	0.36	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.01	0.03	0.59	0.009	0.39	0.13	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.1	-0.09	0.6	0.31	3.20E-06	0.00022	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.05	-0.05	0.06	0.61	0.87	0.071	0.09	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.07	-0.02	0.07	0.61	0.059	0.35	0.012	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.04	-0.01	0.02	0.61	0.022	0.63	0.11	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.02	0.02	0.61	0.81	0.35	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.03	0	0.62	0.0022	0.00092	0.83	NA	NA	NA	NA
0.04	0.12	-0.01	0.26	0.63	0.15	0.81	5.70E-07	NA	NA	NA	NA
0.09	0.08	-0.07	0.01	0.63	0.33	0.0059	0.87	NA	NA	NA	NA
0.39	0.03	0.05	0.03	0.63	1	0.23	0.46	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.04	0.01	0.02	0.64	0.27	0.76	0.28	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	0.01	0.01	0.66	0.36	0.49	0.26	NA	NA	NA	NA
0.08	0.21	-0.08	-0.08	0.66	0.17	0.02	0.11	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.05	0	0.66	1	0.016	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	0.01	0.01	0.67	0.58	0.63	0.7	NA	NA	NA	NA
0.38	0.06	-0.05	0.09	0.67	0.95	0.016	0.00041	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.04	0.01	0.69	0.038	0.021	0.62	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.04	-0.06	0.69	0.31	0.14	0.011	NA	NA	NA	NA

-0.05	-0.06	0.07	0.03	0.69	0.64	0.14	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.1	-0.05	-0.07	0.69	0.21	0.11	0.019	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.1	0.04	0	0.7	0.033	0.18	0.98	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.04	-0.04	0.7	0.87	0.015	0.076	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	0.01	0	0.71	0.097	0.68	0.83	NA	NA	NA	NA
-0.73	-0.75	-0.02	0	0.71	0.82	1	1	NA	NA	NA	NA
0.06	NA	-0.04	0.08	0.71	NA	0.34	0.062	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.1	-0.04	0.13	0.72	1	0.15	3.20E-05	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.03	0.04	0.72	0.31	0.07	0.029	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.01	0.02	0.72	0.99	0.39	0.2	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	0.03	0.01	0.73	0.35	0.092	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.07	-0.07	-0.02	0.74	0.1	0.005	0.5	NA	NA	NA	NA
0.35	0.19	-0.07	-0.06	0.75	0.6	0.0048	0.13	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.03	-0.03	0.76	0.18	0.068	0.094	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.02	0.06	0.76	0.74	0.45	0.056	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.12	-0.09	0.77	0.59	2.10E-05	0.00018	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.03	0.06	0.77	0.78	0.047	1.50E-05	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.03	0	0.77	0.83	0.015	0.93	NA	NA	NA	NA
-0.64	-0.5	-0.23	-0.08	0.78	1	3.60E-05	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.05	0.01	0.78	0.029	4.60E-05	0.61	NA	NA	NA	NA
0.01	0.12	-0.05	-0.04	0.78	0.00011	0.00026	0.015	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.02	-0.05	-0.03	0.79	0.89	0.046	0.26	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.02	0	0.79	1	0.29	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.19	0.01	0.03	0.8	0.014	0.62	0.25	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.03	0.1	0.81	0.0042	0.085	1.30E-06	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	0.03	0.14	0.82	0.73	0.43	0.00069	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.05	0	0.83	0.0099	0.0011	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.06	-0.01	0.84	0.65	0.00039	0.66	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.16	0.03	0.01	0.84	0.31	0.37	0.94	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.01	0.01	0.85	0.32	0.89	0.58	NA	NA	NA	NA

0.02	0.02	-0.05	0.01	0.85	0.62	5.60E-05	0.41	NA	NA	NA	NA
0.04	0.18	0	0.04	0.86	0.00071	1	0.062	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.1	-0.05	0.01	0.87	0.00012	4.20E-05	0.28	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.04	-0.02	0.87	0.66	0.0086	0.085	NA	NA	NA	NA
0.01	0.11	0.03	0.08	0.88	0.00092	0.32	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.67	-0.24	0.05	-0.02	0.88	0.37	0.35	0.84	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	0	0.01	0.89	0.34	1	0.86	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	-0.06	-0.01	0.89	1	0.44	1	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.01	0.05	0.9	0.68	0.24	2.40E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	0	0.01	-0.02	0.9	1	0.82	0.46	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.07	0	0.9	0.78	3.70E-08	0.84	NA	NA	NA	NA
-0.14	0.16	-0.02	0.02	0.91	0.68	0.36	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	0.03	-0.01	0.91	1	0.44	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.03	0.03	0.92	0.57	0.22	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.05	0.04	0.01	0.93	0.97	0.73	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	0.01	0	0.93	0.13	0.56	0.87	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.05	-0.14	-0.07	0.93	0.44	3.00E-09	0.015	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.11	-0.02	0.05	0.95	0.0035	0.42	0.097	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.04	0.02	0.95	0.75	0.011	0.42	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.13	-0.01	0.06	0.96	1.70E-05	0.53	3.80E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	0	0.01	0.01	0.96	0.99	0.79	0.85	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	-0.04	0.12	0.97	0.5	0.031	2.80E-08	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.02	0.04	0.97	1	0.46	0.18	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.03	-0.03	0.99	0.52	0.0075	8.00E-04	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.02	0.04	0.99	0.38	0.17	0.028	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	-0.02	0	0.99	0.28	0.49	1	NA	NA	NA	NA
0	NA	-0.23	0.02	1	NA	0.035	1	NA	NA	NA	NA
0	-0.04	-0.06	0.03	1	0.15	2.90E-05	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.02	NA	-0.02	0.15	1	NA	0.88	0.09	NA	NA	NA	NA
0	0.23	0.04	0	1	3.00E-06	0.052	1	NA	NA	NA	NA

0.06	0	-0.02	0.05	1	1	0.54	0.053	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.03	0.05	1	1	0.074	0.01	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.1	-0.03	0.04	1	0.021	0.13	0.076	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.02	-0.03	1	1	0.73	0.38	NA	NA	NA	NA
0	0.13	-0.08	0.01	1	0.14	0.063	0.95	NA	NA	NA	NA
0	0.17	0	0.06	1	8.00E-06	0.96	0.0099	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.04	-0.02	1	1	0.044	0.44	NA	NA	NA	NA
0.5	-0.27	-0.11	0.2	1	0.27	7.00E-04	0.0032	NA	NA	NA	NA
0.13	0.29	0.01	0.07	1	0.029	1	0.054	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.06	-0.02	1	0.67	0.17	0.67	NA	NA	NA	NA
0.03	0.19	0.25	0.01	1	0.044	0.13	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.01	0.05	1	1	0.82	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.07	-0.04	1	0.51	0.0021	0.096	NA	NA	NA	NA
0	0	0	-0.05	1	1	1	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.02	0.02	1	1	0.75	1	NA	NA	NA	NA
-0.33	NA	-0.16	-0.15	1	NA	0.056	0.14	NA	NA	NA	NA
0	-0.03	-0.01	0.06	1	0.62	0.52	0.021	NA	NA	NA	NA
0.01	0.21	-0.06	-0.06	1	0.00099	0.005	0.0068	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.09	-0.06	1	0.48	0.001	0.017	NA	NA	NA	NA
0	-0.04	-0.03	0.02	1	0.13	0.05	0.32	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	-0.02	-0.01	1	0.22	0.38	0.93	NA	NA	NA	NA
0.03	0.1	-0.05	-0.07	1	0.25	0.064	0.0049	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.03	-0.03	-0.03	1	1	0.43	0.57	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.03	0.03	1	0.017	0.021	0.035	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.02	0.03	1	0.98	0.8	0.62	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.03	0.04	1	0.99	0.04	0.038	NA	NA	NA	NA
0	0.13	-0.07	0.03	1	0.02	0.0082	0.42	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.08	0.02	1	0.74	4.50E-05	0.4	NA	NA	NA	NA
0	0.06	0	0.08	1	0.15	0.86	0.00041	NA	NA	NA	NA
0.01	0.86	-0.02	0.49	1	0.00059	0.8	0.00011	NA	NA	NA	NA

NA	NA	0.28	0.42	NA	NA	0.3	0.077	NA	NA	NA	NA
NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.29	-0.01	0.06	NA	0.31	0.76	0.099	NA	NA	NA	NA
NA	0.05	0	0.03	NA	0.97	1	0.39	NA	NA	NA	NA
NA	0.01	-0.04	-0.02	NA	1	0.41	0.84	NA	NA	NA	NA
NA	0.66	-0.07	-0.07	NA	0.00054	0.0043	0.0093	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0.05	NA	NA	0.45	0.21	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.09	-0.09	-0.02	NA	0.58	0.085	0.7	NA	NA	NA	NA
NA	0.44	-0.1	-0.1	NA	9.80E-05	0.001	0.0017	NA	NA	NA	NA
NA	-0.14	-0.05	-0.06	NA	0.19	0.15	0.068	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.11	-0.09	NA	NA	0.00025	0.0018	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	0.04	NA	NA	0.65	0.5	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	-0.02	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.02	0.03	0.09	NA	1	0.71	0.17	NA	NA	NA	NA
NA	0.29	-0.05	-0.03	NA	0.66	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.09	NA	NA	1	0.43	NA	NA	NA	NA
NA	-0.33	-0.72	NA	NA	1	0.65	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.33	0	0.05	NA	0.21	1	0.52	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.18	-0.05	0.1	NA	0.0098	0.082	0.0012	NA	NA	NA	NA
NA	-0.03	-0.01	0.12	NA	0.95	0.94	0.005	NA	NA	NA	NA
NA	0.73	-0.05	-0.09	NA	0.16	0.34	0.18	NA	NA	NA	NA
NA	0.17	-0.04	-0.06	NA	0.25	0.26	0.049	NA	NA	NA	NA
NA	0.32	-0.14	-0.1	NA	0.094	0.002	0.084	NA	NA	NA	NA
NA	-0.75	-0.09	-0.03	NA	0.39	0.032	0.63	NA	NA	NA	NA

NA	-0.13	-0.01	0.01	NA	0.15	0.78	0.94	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.11	-0.2	NA	NA	0.38	0.049	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.08	0.1	NA	NA	0.77	0.94	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.13	-0.08	NA	NA	8.50E-05	0.068	NA	NA	NA	NA
NA	-0.03	-0.05	-0.05	NA	1	0.37	0.39	NA	NA	NA	NA
NA	0.19	-0.02	0.12	NA	0.037	0.53	0.00077	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.39	0.07	0.01	NA	6.60E-06	0.39	0.8	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0	NA	NA	0.66	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.42	-0.06	0.17	NA	0.74	0.083	0.017	NA	NA	NA	NA
NA	0.04	-0.01	-0.01	NA	0.47	0.74	0.89	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	-0.11	NA	NA	0.85	0.1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.02	-0.01	0.04	NA	0.6	0.54	0.051	NA	NA	NA	NA
NA	-0.07	-0.06	-0.01	NA	1	0.15	0.96	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.2	0.36	NA	NA	9.90E-06	0.00022	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	0.02	NA	NA	0.76	0.69	NA	NA	NA	NA
NA	0.5	-0.09	0.29	NA	0.82	0.059	0.04	NA	NA	NA	NA
NA	0.09	-0.01	-0.02	NA	1	0.87	0.59	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.09	-0.06	NA	NA	0.25	0.63	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.08	0.13	NA	NA	0.34	0.03	NA	NA	NA	NA
0.58	0.04	-0.03	0.04	2.70E-09	0.42	0.21	0.15	NA	NA	NA	NA
0.3	0.11	0.01	0.05	6.30E-09	0.011	0.64	0.048	NA	NA	NA	NA
-0.49	-0.54	-0.01	0.03	1.00E-08	2.10E-09	0.96	0.41	NA	NA	NA	NA
0.28	0.07	-0.05	0.03	1.70E-08	0.054	0.017	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.87	0	-0.05	-0.05	5.30E-08	1	0.5	0.55	NA	NA	NA	NA
0.23	0.08	-0.02	0.03	3.80E-07	0.005	0.21	0.12	NA	NA	NA	NA
0.25	0.13	-0.03	0.05	6.10E-07	0.00013	0.11	0.03	NA	NA	NA	NA
0.11	0.09	-0.02	0	1.10E-06	4.90E-07	0.07	0.94	NA	NA	NA	NA

0.13	0.09	-0.01	-0.01	1.30E-06	1.10E-06	0.77	0.7	NA	NA	NA	NA
0.11	0.13	-0.03	0.07	1.40E-06	6.50E-07	0.0035	4.60E-06	NA	NA	NA	NA
0.55	0.87	-0.05	-0.02	3.70E-06	0.32	0.16	0.76	NA	NA	NA	NA
0.13	0.02	-0.05	0.03	7.00E-06	0.45	0.0022	0.12	NA	NA	NA	NA
0.19	0.15	-0.04	-0.02	8.10E-06	2.10E-06	0.053	0.24	NA	NA	NA	NA
0.95	0.09	0.01	0.06	8.20E-06	0.39	0.71	0.029	NA	NA	NA	NA
0.25	0.09	-0.02	0.05	9.00E-06	0.00097	0.47	0.0085	NA	NA	NA	NA
0.34	-0.17	-0.04	0.01	9.40E-06	0.0067	0.24	0.74	NA	NA	NA	NA
0.54	0.39	-0.05	-0.03	1.30E-05	1.60E-07	0.055	0.46	NA	NA	NA	NA
0.35	0.07	-0.11	-0.01	1.50E-05	0.063	5.60E-08	0.65	NA	NA	NA	NA
0.28	0.03	-0.03	-0.01	1.90E-05	0.48	0.48	0.86	NA	NA	NA	NA
0.19	0	-0.02	0	3.50E-05	1	0.12	0.96	NA	NA	NA	NA
0.08	0.1	-0.03	0.05	4.20E-05	1.50E-08	0.013	1.30E-05	NA	NA	NA	NA
0.19	0.09	-0.01	0.06	5.00E-05	0.016	0.7	0.0035	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.03	-0.01	8.70E-05	0.0059	0.0068	0.46	NA	NA	NA	NA
0.15	0.11	-0.08	-0.01	1.00E-04	8.40E-07	1.80E-06	0.75	NA	NA	NA	NA
0.17	0.1	-0.04	0.01	0.00013	0.0084	0.026	0.51	NA	NA	NA	NA
0.08	0.04	-0.07	0.02	0.00014	0.032	3.30E-06	0.21	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.02	-0.01	0.06	0.00017	0.52	0.51	3.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.39	0.06	0.04	0.07	2.00E-04	0.29	0.018	5.50E-05	NA	NA	NA	NA
0.18	0.04	-0.06	-0.02	0.00021	0.23	0.00085	0.53	NA	NA	NA	NA
0.47	0.17	-0.06	0	0.00021	0.0076	0.15	1	NA	NA	NA	NA
0.14	0.01	-0.04	-0.01	0.00024	0.75	0.075	0.69	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.06	-0.02	0.00027	0.04	5.20E-08	0.061	NA	NA	NA	NA
0.11	0.01	-0.03	0.02	0.00028	0.51	0.0066	0.13	NA	NA	NA	NA
0.13	0.12	-0.03	0.03	0.00029	0.0015	0.12	0.22	NA	NA	NA	NA
0.26	0.32	-0.04	0.03	3.00E-04	1.80E-09	0.053	0.2	NA	NA	NA	NA
0.16	0.08	-0.05	-0.04	3.00E-04	0.047	0.00043	0.023	NA	NA	NA	NA
0.22	-0.04	-0.1	-0.07	0.00037	0.58	1.30E-08	0.00074	NA	NA	NA	NA
0.21	0.16	-0.05	-0.03	0.00045	0.0031	0.024	0.22	NA	NA	NA	NA

0.15	0.17	-0.02	0.04	0.00049	0.0029	0.43	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.17	0.02	0.01	0.00058	0.00012	0.59	0.81	NA	NA	NA	NA
0.28	0.02	-0.1	0	6.00E-04	0.82	0.013	1	NA	NA	NA	NA
0.17	0.08	-0.06	0.07	0.00063	8.00E-04	0.016	0.019	NA	NA	NA	NA
0.21	0.03	-0.06	-0.05	0.00063	0.5	0.0033	0.02	NA	NA	NA	NA
-0.3	-0.27	0.05	0.13	0.00086	0.00039	0.3	1.00E-05	NA	NA	NA	NA
0.17	0.02	-0.06	0.02	0.0014	0.71	0.0026	0.42	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.1	-0.06	-0.03	0.0014	0.0036	0.00018	0.14	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	-0.01	0.02	0.0014	0.14	0.64	0.31	NA	NA	NA	NA
0.19	0.22	-0.05	-0.02	0.0021	4.00E-05	0.061	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.07	-0.01	0.02	0.0028	0.22	0.85	0.53	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.07	-0.06	-0.01	0.003	0.16	7.90E-05	0.83	NA	NA	NA	NA
0.29	0.5	0	0.08	0.0031	3.80E-05	0.93	1.70E-05	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.03	-0.07	0.01	0.0031	0.78	0.00032	0.8	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.02	0.06	0.0034	0.94	0.056	6.20E-07	NA	NA	NA	NA
0.41	0.07	-0.12	0.02	0.0034	0.64	0.00017	0.64	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.16	-0.04	0.06	0.0049	0.0052	0.055	0.02	NA	NA	NA	NA
0.78	0.06	-0.09	0.8	0.0053	1	0.15	0.47	NA	NA	NA	NA
0.09	0.12	-0.04	0.08	0.0054	0.00094	0.014	2.20E-05	NA	NA	NA	NA
0.17	0.16	-0.04	-0.02	0.006	0.00061	0.0077	0.33	NA	NA	NA	NA
0.23	0.15	-0.03	0	0.0067	0.022	0.18	0.95	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.08	-0.05	0.0072	0.062	1.50E-08	0.00076	NA	NA	NA	NA
0.21	0.2	0.04	0.03	0.0086	2.60E-05	0.071	0.16	NA	NA	NA	NA
0.09	0.08	-0.05	0.01	0.0091	0.0083	0.0013	0.48	NA	NA	NA	NA
0.16	0.06	-0.02	0.07	0.0092	0.17	0.43	0.0092	NA	NA	NA	NA
0.1	0.15	0.01	0.03	0.01	3.40E-07	0.72	0.046	NA	NA	NA	NA
0.11	0.22	0	0.08	0.011	3.10E-08	0.99	0.054	NA	NA	NA	NA
0.21	-0.05	-0.01	0.01	0.011	0.82	0.72	0.82	NA	NA	NA	NA
0.19	NA	-0.05	-0.01	0.012	NA	0.1	0.91	NA	NA	NA	NA
0.13	0.05	-0.04	-0.01	0.012	0.3	0.04	0.86	NA	NA	NA	NA

0.04	0.03	-0.04	-0.03	0.012	0.18	0.0082	0.049	NA	NA	NA	NA
0.14	0.12	-0.01	0.02	0.013	0.0055	0.48	0.32	NA	NA	NA	NA
0.4	0.58	0.05	-0.1	0.017	0.0028	0.89	0.45	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	0	0.02	0.02	0.66	0.88	0.24	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.02	-0.05	-0.05	0.021	0.45	0.00069	3.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.14	0.27	-0.03	0.05	0.024	1.80E-07	0.42	0.18	NA	NA	NA	NA
0.16	0.19	-0.05	0	0.025	0.00024	0.03	0.94	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	-0.08	-0.06	0.032	0.011	0.00013	0.0013	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.05	0.02	0.02	0.032	0.16	0.39	0.24	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	-0.04	-0.03	0.033	0.19	0.012	0.14	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.01	0.01	0.034	0.54	0.26	0.53	NA	NA	NA	NA
0.08	0.13	-0.04	-0.01	0.036	0.0055	0.062	0.56	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.02	0.01	0.04	0.081	0.071	0.14	NA	NA	NA	NA
0.04	0	0	0.07	0.04	1	0.93	0.00028	NA	NA	NA	NA
0.08	0.07	-0.02	0.01	0.041	0.15	0.18	0.45	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.02	-0.01	0.041	0.3	0.55	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.16	-0.11	-0.04	0.041	0.00063	2.00E-07	0.076	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.08	0.02	0.044	0.13	0.0027	0.5	NA	NA	NA	NA
0.22	NA	-0.05	-0.03	0.044	NA	0.29	0.57	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.06	-0.03	-0.02	0.047	0.099	0.046	0.35	NA	NA	NA	NA
0.14	0.05	-0.05	0.01	0.048	0.44	0.15	0.92	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.02	0.06	0.048	0.99	0.16	0.0068	NA	NA	NA	NA
0.11	0.18	-0.03	0.01	0.048	1.40E-05	0.12	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.15	0.01	0.01	0.051	0.11	0.81	0.65	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.04	0.07	0.054	0.96	0.00029	4.10E-07	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	0	0.08	0.054	0.31	0.84	1.10E-06	NA	NA	NA	NA
-0.26	-0.33	-0.03	0.05	0.054	0.024	0.71	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.34	-0.02	0.01	0.054	0.016	0.6	0.85	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.05	-0.04	0.03	0.055	0.027	0.0037	0.068	NA	NA	NA	NA
0.13	0.02	-0.08	0.02	0.058	0.86	0.019	0.67	NA	NA	NA	NA

0.06	0.03	-0.01	0.06	0.059	0.38	0.68	1.80E-05	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.01	0.02	0.062	0.033	0.48	0.25	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.06	0.01	0.065	0.17	0.00053	0.74	NA	NA	NA	NA
0.23	-0.07	-0.02	0.05	0.069	0.12	0.49	0.076	NA	NA	NA	NA
0.22	0.19	-0.01	0.15	0.071	0.72	1	0.011	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.02	0.01	0.081	0.096	0.09	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.07	-0.03	0.07	0.083	0.24	0.11	0.00028	NA	NA	NA	NA
0.1	0.1	-0.02	0.08	0.083	0.012	0.28	0.00023	NA	NA	NA	NA
0.26	0.06	-0.03	0.01	0.083	0.26	0.17	0.74	NA	NA	NA	NA
0.11	0.01	-0.01	0.03	0.085	0.64	0.63	0.036	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.01	0.02	0.086	0.51	0.4	0.15	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.06	-0.02	0.04	0.088	0.0015	0.24	0.01	NA	NA	NA	NA
0.05	0.1	-0.02	0	0.091	6.60E-05	0.068	0.78	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.04	0.03	0.093	0.89	0.022	0.17	NA	NA	NA	NA
0.1	0.09	-0.02	0	0.098	0.0074	0.21	0.86	NA	NA	NA	NA
0.22	0.78	0.11	0.2	0.1	8.70E-08	0.18	0.1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	-0.03	0.01	0.1	0.1	0.071	0.52	NA	NA	NA	NA
0.09	0.44	0.01	0.05	0.12	7.30E-09	0.75	0.12	NA	NA	NA	NA
0.3	0.31	0.06	0.18	0.12	0.0086	0.4	0.034	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.04	-0.01	0	0.12	1	0.86	0.94	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	0	0	0.13	0.89	0.92	0.84	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.18	0.01	0.03	0.13	0.24	0.81	0.55	NA	NA	NA	NA
0.21	0.11	-0.01	0.14	0.13	0.16	0.71	0.002	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.02	0.02	0.14	0.51	0.26	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.1	-0.12	0	0.15	0.95	0.0017	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.05	-0.06	-0.04	0.15	0.029	0.0015	0.025	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	0.01	-0.02	0.15	0.86	0.68	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.03	-0.04	0.02	0.16	0.35	0.015	0.12	NA	NA	NA	NA
0.13	0.05	-0.01	0.01	0.16	0.38	0.88	0.97	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.03	-0.02	-0.01	0.16	0.46	0.24	0.56	NA	NA	NA	NA

-0.15	0.42	-0.01	0.11	0.17	0.0022	0.73	0.0013	NA	NA	NA	NA
0.08	0.06	-0.01	0.11	0.17	0.37	0.7	7.70E-07	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.02	-0.08	0.06	0.17	0.86	0.039	0.24	NA	NA	NA	NA
-0.4	-0.17	-0.08	-0.04	0.17	0.47	0.3	0.62	NA	NA	NA	NA
0.06	0.12	-0.03	0.01	0.17	0.00053	0.34	0.87	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	-0.08	0.07	0.17	0.097	5.90E-05	0.0076	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.1	-0.02	0.03	0.18	0.035	0.28	0.11	NA	NA	NA	NA
0.19	0.12	-0.02	-0.02	0.18	0.076	0.87	0.74	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.06	0.02	0.18	0.47	0.008	0.26	NA	NA	NA	NA
0.12	0.21	0.03	0.11	0.18	0.0036	0.38	0.00071	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.08	0	0	0.19	0.81	1	1	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.11	0.02	0.06	0.19	0.64	0.48	0.032	NA	NA	NA	NA
0.14	0.05	-0.01	0.01	0.2	0.53	0.84	0.74	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	0	0.02	0.21	5.20E-05	0.96	0.36	NA	NA	NA	NA
0.18	0.03	-0.06	0.1	0.21	0.91	0.09	0.0073	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.06	-0.06	-0.04	0.21	0.41	0.012	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.06	-0.04	0.01	0.21	0.38	0.0067	0.73	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.03	-0.02	0.21	0.65	0.023	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.29	-0.14	-0.16	0.49	0.21	0.2	0.17	0.53	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.06	0	0.21	0.55	7.60E-05	0.86	NA	NA	NA	NA
0.08	0.12	-0.06	0.01	0.22	0.091	0.056	0.92	NA	NA	NA	NA
0.24	0.21	0.08	0.07	0.22	0.21	1	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.1	-0.05	0.02	0.24	0.17	0.04	0.49	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.04	-0.01	0.06	0.24	0.32	0.49	0.0044	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.06	-0.07	0.03	0.25	0.045	0.00012	0.24	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.02	-0.04	0.01	0.25	0.57	5.30E-06	0.33	NA	NA	NA	NA
0.11	0.12	-0.04	0.03	0.25	0.21	0.36	0.42	NA	NA	NA	NA
0.12	0.14	-0.01	0.04	0.25	0.02	0.85	0.23	NA	NA	NA	NA
0.17	0.17	-0.08	0.01	0.26	0.18	3.40E-05	0.77	NA	NA	NA	NA
0.23	0	-0.05	-0.1	0.26	1	0.35	0.012	NA	NA	NA	NA

-0.12	0.07	-0.01	0.04	0.26	0.51	0.92	0.086	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.05	-0.04	-0.07	0.27	0.17	0.8	0.88	NA	NA	NA	NA
0.15	0.24	0.03	0.11	0.27	0.012	0.19	0.00014	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.12	-0.1	0.28	0.39	0.00011	0.0051	NA	NA	NA	NA
-0.8	-0.89	-0.02	0	0.28	0.0099	0.44	1	NA	NA	NA	NA
0.1	0.09	-0.07	-0.02	0.29	0.21	0.0036	0.55	NA	NA	NA	NA
0.09	0.06	-0.08	-0.01	0.29	0.11	0.0047	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.04	0.03	0.03	0.3	0.22	0.14	0.077	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.04	0	0.03	0.3	0.31	0.96	0.061	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.06	-0.01	0	0.3	0.23	0.47	0.97	NA	NA	NA	NA
-0.31	-0.35	-0.1	-0.01	0.31	0.025	0.0011	0.82	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.01	0.05	0.32	0.8	0.61	0.048	NA	NA	NA	NA
0.03	0.11	0	0.05	0.33	3.90E-05	1	0.0098	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	0	0.08	0.34	0.0049	0.9	1.90E-07	NA	NA	NA	NA
0.22	0.01	-0.12	-0.11	0.35	0.92	0.00089	0.00041	NA	NA	NA	NA
0.05	0.25	0	0.02	0.35	0.00016	0.85	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.15	0.05	0.06	0.35	0.0012	0.059	0.0079	NA	NA	NA	NA
0.06	0.16	-0.05	-0.04	0.35	0.00059	0.0053	0.024	NA	NA	NA	NA
0.17	0.21	-0.04	-0.09	0.35	0.0017	0.35	0.01	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.03	-0.03	0.04	0.35	0.53	0.047	0.052	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.13	-0.02	0.01	0.35	0.072	0.24	0.77	NA	NA	NA	NA
0.09	0.08	-0.03	-0.02	0.36	0.85	0.35	0.47	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.03	-0.04	0.02	0.36	0.17	0.0054	0.2	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.02	0.01	0.36	0.085	0.027	0.26	NA	NA	NA	NA
0.34	-0.16	-0.15	0.75	0.37	0.61	7.50E-05	0.0011	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.06	-0.01	0.37	0.57	2.00E-05	0.55	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.05	0	0.38	0.66	5.30E-08	0.9	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.01	-0.01	0.38	0.62	0.27	0.39	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.06	-0.02	0.39	0.62	1.00E-07	0.11	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.03	0.04	0.39	0.4	0.074	0.096	NA	NA	NA	NA

0.06	0.03	-0.04	0.02	0.39	0.91	0.054	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.07	-0.01	0.02	0.39	0.017	0.54	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.33	-0.75	NA	NA	0.4	0.0057	NA	NA	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.05	-0.02	0.02	0.4	0.22	0.24	0.39	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.03	-0.02	0.42	0.24	0.074	0.21	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.09	-0.09	-0.03	0.42	0.0013	4.60E-07	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	0.02	0.06	0.42	0.03	0.31	6.70E-05	NA	NA	NA	NA
0.57	0.57	-0.17	-0.13	0.42	0.044	0.11	0.15	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	0.02	-0.04	0.43	0.00062	0.11	0.012	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	0	0.01	0.43	0.79	1	0.59	NA	NA	NA	NA
0.02	0.1	-0.02	0.01	0.43	7.80E-05	0.044	0.53	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.03	-0.03	0	0.44	0.22	0.0066	0.77	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.02	-0.04	-0.05	0.45	0.74	0.07	0.022	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.07	0.04	0.45	0.15	1.10E-07	0.015	NA	NA	NA	NA
0.03	0	0	0.04	0.45	1	1	0.0051	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.01	0.01	0.45	0.81	0.42	0.45	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.03	-0.02	-0.04	0.45	0.25	0.32	0.00077	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	-0.01	0.04	0.46	0.39	0.63	0.032	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.06	0.01	0.46	0.15	0.03	0.84	NA	NA	NA	NA
-0.83	-0.75	0.19	-0.01	0.47	0.66	0.15	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.05	-0.03	0.48	0.21	0.02	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.03	0.03	0.48	0.39	0.016	0.03	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.05	0.02	0.01	0.49	0.9	0.48	0.8	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	-0.05	0	0.49	0.014	0.00013	0.82	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.04	-0.03	0.49	0.34	0.028	0.36	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	0	0.01	0.49	0.75	0.74	0.58	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.02	0.01	0.5	0.85	0.31	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.07	-0.03	0.02	0.51	0.69	0.37	0.63	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.07	-0.03	0.51	0.63	4.60E-07	0.045	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.04	0	0.51	0.97	0.0048	0.88	NA	NA	NA	NA

0.1	-0.05	-0.05	-0.01	0.53	0.27	0.0092	0.66	NA	NA	NA	NA
0.78	-0.06	0	0.21	0.54	0.83	0.99	4.90E-06	NA	NA	NA	NA
0.06	0.07	0	-0.05	0.54	0.51	1	0.011	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.27	-0.1	0.02	0.55	0.00063	0.00064	0.64	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.06	-0.03	0.02	0.55	0.71	0.22	0.65	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.02	0.04	0.56	0.0058	0.023	0.0012	NA	NA	NA	NA
-0.38	NA	-0.15	NA	0.56	NA	0.15	NA	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.03	-0.03	0.56	0.57	0.13	0.1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.03	0.03	0.57	0.34	0.037	0.14	NA	NA	NA	NA
0.18	-0.04	-0.01	0.05	0.58	1	0.87	0.087	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	0.01	0.02	0.58	0.88	0.42	0.11	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.02	0.03	0.58	0.89	0.071	0.01	NA	NA	NA	NA
0.8	NA	0	-0.05	0.59	NA	1	0.41	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	0	0	0.6	0.012	0.8	0.94	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.02	0.02	0.61	0.0074	0.1	0.23	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.05	0.08	0.05	0.61	0.82	0.0038	0.064	NA	NA	NA	NA
0.04	0.3	-0.06	0.07	0.62	6.00E-06	0.0017	0.0037	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.02	0.02	0.62	0.78	0.037	0.084	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.04	0.03	0.63	0.48	0.00074	0.022	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.03	0.02	0.64	1	0.44	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.04	-0.02	0.65	0.34	0.024	0.39	NA	NA	NA	NA
0.02	0.11	-0.04	0	0.65	0.00016	0.011	0.81	NA	NA	NA	NA
0.36	0.02	0	0.01	0.66	0.91	1	0.83	NA	NA	NA	NA
0.15	0.14	0	0.03	0.67	0.58	1	0.55	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.01	0.03	0.67	0.59	0.52	0.18	NA	NA	NA	NA
0.04	0.08	0.08	0.25	0.68	0.29	0.096	1.10E-07	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.06	-0.02	-0.01	0.68	0.43	0.37	0.54	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	0	-0.02	0.69	0.56	0.89	0.24	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.02	0.03	0.7	0.72	0.58	0.31	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	0.04	0.01	0.7	0.49	0.047	0.66	NA	NA	NA	NA

0.01	0.03	-0.04	0.01	0.7	0.24	0.0063	0.48	NA	NA	NA	NA
0.07	0.24	0.03	0.04	0.71	0.036	0.48	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.08	-0.01	0.06	0.71	0.082	0.77	0.00083	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.03	0.02	0.71	1	0.44	0.66	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.12	-0.12	0.71	0.072	0.00043	2.50E-05	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.11	0.05	0.07	0.71	0.28	0.15	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.09	-0.03	0.03	0.72	0.014	0.11	0.082	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.11	0.06	0.72	0.54	1.10E-07	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.12	0.09	0.1	0.73	0.71	0.14	0.028	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.04	-0.16	-0.08	0.74	1	2.60E-05	0.012	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.03	-0.01	0.05	0.74	0.8	0.73	0.24	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.04	-0.06	0.75	1	0.7	0.35	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.02	0.02	0.76	1	0.54	0.48	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	0.02	0.1	0.77	1	0.52	0.025	NA	NA	NA	NA
0.26	0.14	-0.07	-0.07	0.77	0.44	0.11	0.075	NA	NA	NA	NA
0.05	0.38	-0.12	0.38	0.78	0.0037	0.2	0.011	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.05	-0.05	0.78	1	0.0028	0.0097	NA	NA	NA	NA
-0.13	0.07	0.04	0.08	0.78	0.67	0.36	0.023	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	0.02	0.02	0.78	0.85	0.19	0.2	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.01	0.12	0.79	0.29	0.5	1.40E-08	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.09	0	0.79	0.39	2.10E-07	0.98	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.05	-0.01	0.8	1	0.017	0.7	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.04	0.01	0.81	0.6	0.02	0.66	NA	NA	NA	NA
0.01	0.11	0.01	0.08	0.82	0.022	0.65	2.80E-05	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.07	-0.06	-0.01	0.83	0.38	0.0044	0.74	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.1	-0.08	-0.06	0.84	0.65	0.0033	0.043	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.03	-0.03	0.85	0.0063	0.014	0.015	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.03	0	0.02	0.86	0.2	0.89	0.14	NA	NA	NA	NA
0.05	0.29	-0.02	0.05	0.86	1.20E-09	0.31	0.049	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.11	-0.13	-0.09	0.87	0.069	1.10E-07	3.50E-06	NA	NA	NA	NA

-0.01	0	0.01	0.05	0.88	1	0.67	0.00088	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.06	0.01	0.89	0.57	2.20E-06	0.31	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.04	0.12	0.89	0.8	0.28	0.004	NA	NA	NA	NA
0	0.07	-0.02	0.02	0.89	0.0029	0.061	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	0.02	0.03	0.9	0.14	0.38	0.11	NA	NA	NA	NA
0.01	0.12	-0.06	0.02	0.91	0.0013	0.0029	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.17	-0.05	0.05	0.91	0.0014	0.0015	0.033	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.07	-0.01	0.92	0.9	6.00E-05	0.5	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.14	-0.02	-0.02	0.92	1.90E-05	0.22	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	0.04	0.11	0.92	1	0.3	0.0043	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.07	-0.06	-0.02	0.93	0.0066	0.00026	0.23	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.04	0.02	0.93	0.92	0.00052	0.15	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.01	0.04	0.95	0.066	0.49	0.0013	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.08	0.01	-0.11	0.95	0.024	0.96	1.10E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.08	-0.04	0.95	0.026	1.90E-05	0.064	NA	NA	NA	NA
0.02	0.38	0.05	0.02	0.95	0.61	0.5	0.74	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	0.04	-0.06	0.96	1	0.29	0.28	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.06	-0.01	0.96	1	0.00046	0.67	NA	NA	NA	NA
0.03	0.12	-0.06	-0.08	0.96	0.061	0.058	0.0057	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.03	-0.05	0.96	0.53	0.17	0.026	NA	NA	NA	NA
0.01	0	0	0.07	0.96	0.91	0.99	0.00045	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.05	0.05	0.97	0.29	0.0011	0.0042	NA	NA	NA	NA
0.05	0.14	-0.06	0.06	0.97	0.025	0.067	0.19	NA	NA	NA	NA
0.09	0.43	-0.13	-0.07	0.98	0.4	3.00E-04	0.12	NA	NA	NA	NA
0	0.02	0.01	0.07	0.98	0.44	0.66	3.20E-07	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	0	-0.02	0.98	1	1	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.08	NA	-0.01	-0.09	0.99	NA	0.89	0.0087	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	-0.01	-0.04	1	0.88	0.92	0.25	NA	NA	NA	NA
0.04	0.13	-0.07	0.02	1	0.052	0.00016	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.67	NA	-0.15	-0.02	1	NA	0.00052	0.92	NA	NA	NA	NA

-0.07	0.33	0.03	-0.24	1	0.35	1	0.14	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	0.15	0.15	1	0.72	0.32	0.15	NA	NA	NA	NA
0.14	-0.75	0.57	0.57	1	0.013	0.029	0.9	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.07	-0.03	1	1	0.011	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.12	-0.07	1	1	0.0068	0.12	NA	NA	NA	NA
0.5	NA	0	NA	1	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
0	NA	-0.19	-0.11	1	NA	0.077	0.29	NA	NA	NA	NA
0	0.08	-0.02	0.08	1	1	0.52	0.028	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.07	-0.02	1	1	0.36	0.92	NA	NA	NA	NA
0	-0.04	-0.08	-0.03	1	0.34	0.0067	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.11	0.24	0.44	1	1	9.50E-05	1.30E-09	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.02	0.05	1	0.9	0.42	0.13	NA	NA	NA	NA
0.1	0.01	0.01	0	1	1	0.88	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.01	-0.02	1	1	0.93	0.59	NA	NA	NA	NA
0	0.06	-0.06	-0.02	1	0.28	0.02	0.54	NA	NA	NA	NA
0.02	0.3	-0.13	-0.14	1	0.28	7.00E-04	0.01	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.06	0.07	1	1	0.019	0.047	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.13	-0.14	-0.06	1	0.26	1.30E-07	0.024	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.07	0.01	-0.01	1	0.39	0.71	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.07	-0.02	0	1	0.41	0.57	0.9	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.14	-0.11	0.03	1	0.67	0.079	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.05	-0.06	1	0.84	0.28	0.18	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.1	-0.17	-0.1	1	0.74	0.083	0.63	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.02	-0.02	-0.06	1	1	0.49	0.019	NA	NA	NA	NA
-0.01	NA	-0.17	-0.05	1	NA	0.048	0.63	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.06	-0.05	0.08	1	0.6	0.21	0.031	NA	NA	NA	NA
0.01	0.37	-0.11	-0.02	1	0.037	1.50E-05	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	0.02	0.03	1	0.73	0.8	0.59	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.04	0.02	1	1	0.15	0.72	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.03	0	1	0.8	0.11	1	NA	NA	NA	NA

0.04	0.01	-0.05	0.04	1	1	0.098	0.47	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.03	0.06	1	0.92	0.13	0.0048	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.23	0	0.04	1	0.00011	0.94	0.19	NA	NA	NA	NA
0.1	NA	0.03	0.13	1	NA	0.65	0.054	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	0.01	0.09	1	1	0.72	0.0095	NA	NA	NA	NA
0	-0.1	-0.01	0.11	1	0.13	0.76	3.50E-09	NA	NA	NA	NA
0.01	0.3	-0.04	0.03	1	3.80E-06	0.16	0.4	NA	NA	NA	NA
0.03	0.13	0	0.01	1	0.093	1	0.93	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	-0.06	-0.05	1	0.23	0.0057	0.032	NA	NA	NA	NA
0.01	0.12	0.02	0.05	1	0.00027	0.36	0.033	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.31	-0.08	0.02	1	0.68	0.39	0.96	NA	NA	NA	NA
0.02	0.28	-0.12	-0.1	1	0.014	0.00081	0.0018	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.12	-0.07	0	1	1	0.27	1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.83	0.01	0.88	1	0.61	1	0.00011	NA	NA	NA	NA
0.02	0.14	0.01	0.08	1	0.95	0.73	0.052	NA	NA	NA	NA
0.01	0.1	-0.06	-0.05	1	0.2	0.027	0.085	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	0	0.02	1	0.72	1	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	-0.01	0	1	0.9	1	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.07	0.04	-0.03	1	0.76	0.51	0.6	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.01	0.09	1	0.85	0.75	0.05	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.01	-0.01	1	1	0.68	0.56	NA	NA	NA	NA
0.03	0.17	0.02	0	1	0.048	0.57	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.04	-0.26	NA	NA	1	0.53	NA	NA	NA	NA
NA	-0.44	-0.09	0.25	NA	0.031	0.13	0.079	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	-0.05	NA	NA	0.33	0.68	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.29	-0.18	NA	NA	0.00048	0.038	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.19	0.1	NA	NA	0.047	0.9	NA	NA	NA	NA
NA	0.23	-0.03	0.12	NA	0.0094	0.37	0.045	NA	NA	NA	NA
NA	0.19	-0.07	0.33	NA	1	0.79	0.35	NA	NA	NA	NA

NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	0.06	NA	NA	1	0.37	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.75	NA	NA	NA	0.015	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.17	NA	NA	NA	0.15	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	-0.01	NA	NA	0.96	0.84	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.54	0.92	NA	NA	0.0066	0.23	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.15	NA	NA	NA	0.69	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.04	0.27	NA	1	0.77	0.35	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.18	0.82	NA	NA	0.2	0.061	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	-0.16	NA	NA	0.28	0.0071	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	0.03	NA	NA	NA	0.95	NA	NA	NA	NA
NA	0.02	-0.13	NA	NA	1	0.097	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	0.36	NA	NA	1	0.038	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.08	0.7	NA	1	0.72	0.058	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	0.1	NA	NA	1	0.89	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.01	-0.14	-0.07	NA	1	0.0041	0.27	NA	NA	NA	NA

NA	NA	-0.05	0.15	NA	NA	0.23	6.00E-04	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	0.44	NA	NA	NA	0.48	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.52	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.87	-0.06	0.04	NA	0.41	0.044	0.35	NA	NA	NA	NA
NA	0.29	-0.05	0.06	NA	0.29	0.44	0.49	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.25	NA	NA	NA	0.83	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	-0.08	NA	NA	0.97	0.75	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	-0.04	NA	NA	1	0.35	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.25	NA	NA	NA	0.32	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0.06	NA	NA	0.49	0.32	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.1	NA	NA	NA	0.49	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.33	-0.17	-0.04	NA	0.47	0.013	0.56	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.07	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.57	-0.13	-0.11	NA	0.0072	3.20E-05	0.015	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	0.05	NA	NA	0.65	0.56	NA	NA	NA	NA
NA	0.24	-0.04	0.07	NA	0.063	0.42	0.59	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.67	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.21	-0.03	-0.04	NA	0.00013	0.5	0.18	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	NA	NA	NA	0.27	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	0	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.04	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.85	-0.26	-0.18	NA	0.00042	1.70E-08	0.0046	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	-0.03	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.79	-0.13	0.16	NA	0.15	0.62	0.6	NA	NA	NA	NA

NA	0.09	0.16	0.02	NA	1	0.038	0.83	NA	NA	NA	NA
NA	-0.35	-0.03	0.01	NA	0.45	0.48	0.98	NA	NA	NA	NA
NA	0.26	0	-0.03	NA	0.11	1	0.58	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	0.12	NA	NA	0.66	0.14	NA	NA	NA	NA
0.28	0.17	-0.04	-0.01	1.30E-09	5.00E-07	0.0056	0.38	NA	NA	NA	NA
0.71	-0.12	0	0.08	4.80E-09	0.086	0.96	0.0075	NA	NA	NA	NA
0.1	0.08	-0.03	-0.03	1.40E-08	6.20E-09	0.0018	0.0054	NA	NA	NA	NA
0.29	0.13	-0.05	-0.09	2.10E-08	0.00056	0.05	0.00045	NA	NA	NA	NA
0.13	0.11	-0.07	-0.04	4.30E-08	1.00E-07	2.10E-06	0.011	NA	NA	NA	NA
0.12	0.06	-0.07	-0.03	9.30E-08	0.0016	2.90E-08	0.015	NA	NA	NA	NA
0.38	0.07	-0.05	-0.09	1.50E-07	0.42	0.14	8.10E-06	NA	NA	NA	NA
0.22	0.25	-0.03	0	4.60E-07	1.90E-06	0.018	0.82	NA	NA	NA	NA
0.13	0.11	-0.02	0	4.80E-07	2.40E-07	0.2	0.95	NA	NA	NA	NA
0.35	0.28	-0.02	0.08	6.50E-07	2.60E-06	0.44	0.00084	NA	NA	NA	NA
0.66	0.12	-0.1	-0.03	1.20E-06	0.045	0.014	0.65	NA	NA	NA	NA
0.09	0.03	-0.04	-0.01	1.30E-06	0.012	3.80E-05	0.21	NA	NA	NA	NA
0.18	0.06	-0.02	0	1.80E-06	0.0049	0.035	0.83	NA	NA	NA	NA
0.15	0.06	-0.07	-0.02	3.50E-06	0.0098	2.10E-09	0.026	NA	NA	NA	NA
0.14	0.05	-0.05	-0.03	3.80E-06	0.0057	0.00058	0.08	NA	NA	NA	NA
0.09	0.08	-0.06	-0.03	6.30E-06	1.70E-07	1.90E-09	0.0023	NA	NA	NA	NA
0.18	0.11	-0.02	-0.06	6.80E-06	0.0015	0.51	0.00022	NA	NA	NA	NA
0.21	0.11	-0.06	-0.02	7.70E-06	0.0064	0.0036	0.42	NA	NA	NA	NA
0.57	0.16	0.03	0	1.10E-05	0.0048	0.39	1	NA	NA	NA	NA
-0.82	-0.5	-0.02	0.07	1.30E-05	0.043	0.5	0.027	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	-0.04	-0.03	1.50E-05	0.0016	0.00079	0.0013	NA	NA	NA	NA
0.15	0.12	-0.04	0.01	1.50E-05	0.00013	0.0036	0.37	NA	NA	NA	NA
0.14	0.06	-0.05	-0.08	2.20E-05	0.026	0.0036	7.50E-07	NA	NA	NA	NA
0.95	0.04	NA	-0.04	2.50E-05	0.78	NA	0.35	NA	NA	NA	NA
0.13	0.12	-0.05	-0.01	2.70E-05	5.10E-07	3.90E-05	0.47	NA	NA	NA	NA
0.16	0.01	-0.03	0.02	3.10E-05	0.64	0.0051	0.12	NA	NA	NA	NA

0.08	0.14	-0.05	0	8.00E-05	2.90E-09	4.00E-05	0.79	NA	NA	NA	NA
0.51	0.53	-0.11	0.03	1.00E-04	0.00054	0.043	0.97	NA	NA	NA	NA
0.08	0.12	-0.02	0.04	0.00011	1.20E-08	0.068	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.08	0.12	0	-0.01	0.00013	2.30E-06	1	0.72	NA	NA	NA	NA
0.17	0.18	-0.01	0.02	0.00014	2.00E-04	0.94	0.7	NA	NA	NA	NA
0.22	0.04	-0.02	0.04	0.00014	0.38	0.47	0.1	NA	NA	NA	NA
0.13	0.09	-0.04	0.03	0.00017	0.007	0.0035	0.054	NA	NA	NA	NA
0.12	0.01	-0.04	0.01	0.00023	0.61	0.00072	0.46	NA	NA	NA	NA
0.23	0.06	-0.07	-0.03	0.00024	0.18	0.0061	0.15	NA	NA	NA	NA
0.16	0.08	0	-0.01	0.00027	0.0016	1	0.45	NA	NA	NA	NA
0.14	0.04	0	-0.03	0.00049	0.25	1	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.78	0.1	-0.27	0	5.00E-04	1	0.25	1	NA	NA	NA	NA
0.28	0.19	-0.1	-0.06	0.00089	0.00087	4.40E-05	0.0078	NA	NA	NA	NA
0.12	0.07	0.01	-0.01	0.00092	0.0011	0.63	0.58	NA	NA	NA	NA
0.14	0.14	-0.1	-0.08	0.00097	4.70E-07	2.60E-07	3.30E-06	NA	NA	NA	NA
0.16	0.02	-0.02	0	0.0011	0.31	0.12	0.91	NA	NA	NA	NA
0.19	0.06	-0.07	-0.01	0.0011	0.36	1.20E-05	0.77	NA	NA	NA	NA
0.23	0.13	-0.02	0.02	0.0018	0.0021	0.22	0.25	NA	NA	NA	NA
0.18	0.23	-0.05	-0.06	0.0023	5.70E-06	0.024	0.0066	NA	NA	NA	NA
0.33	0.05	0.02	-0.01	0.0024	0.53	0.55	0.76	NA	NA	NA	NA
0.07	0.1	-0.01	0.03	0.0024	3.80E-06	0.35	0.0028	NA	NA	NA	NA
-0.5	NA	-0.02	0.31	0.0024	NA	1	0.061	NA	NA	NA	NA
0.32	0.03	0	0.07	0.0026	0.86	1	0.018	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.02	0.01	0.0028	0.064	0.014	0.32	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.02	0.03	0.0034	0.015	0.039	0.01	NA	NA	NA	NA
0.17	0.23	-0.01	0	0.0034	3.20E-07	0.55	1	NA	NA	NA	NA
0.13	0.05	-0.06	-0.07	0.0036	0.041	0.0025	1.40E-05	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.02	-0.04	-0.02	0.0059	0.89	0.031	0.32	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.04	-0.02	0.0061	0.15	0.0061	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.05	-0.05	-0.05	0.0065	0.21	0.0056	0.0028	NA	NA	NA	NA

0.13	0.05	0	0.04	0.0075	0.15	0.95	0.21	NA	NA	NA	NA
0.08	0.09	-0.06	0	0.0075	0.0047	0.0046	0.91	NA	NA	NA	NA
0.09	0.2	-0.06	-0.06	0.008	3.00E-07	2.90E-06	4.50E-05	NA	NA	NA	NA
0.14	0.07	-0.05	-0.01	0.0095	0.18	0.012	0.41	NA	NA	NA	NA
0.21	0	-0.04	-0.02	0.01	1	0.056	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.16	0.03	-0.06	0.04	0.011	0.79	0.0017	0.11	NA	NA	NA	NA
0.76	0.14	-0.17	-0.09	0.011	0.72	2.50E-07	0.0085	NA	NA	NA	NA
0.15	0.02	0.02	0.12	0.011	0.8	0.67	0.006	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.07	-0.04	0.012	0.29	1.30E-06	0.0039	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.01	0.02	0.012	0.0079	0.28	0.071	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.01	0.01	0.013	0.087	0.37	0.4	NA	NA	NA	NA
0.64	0.24	-0.06	0.08	0.015	0.059	0.077	0.24	NA	NA	NA	NA
0.17	0.18	-0.04	0.1	0.015	0.034	0.1	0.015	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	-0.03	-0.01	0.015	0.57	0.18	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.03	-0.15	-0.11	0.016	0.61	3.40E-05	0.0026	NA	NA	NA	NA
0.11	0.05	-0.14	-0.07	0.016	0.077	2.70E-07	0.014	NA	NA	NA	NA
0.32	0.03	-0.04	-0.01	0.018	1	0.2	0.98	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.08	-0.05	-0.01	0.018	0.079	0.024	0.57	NA	NA	NA	NA
0.11	0.03	-0.05	-0.01	0.019	0.15	0.0057	0.65	NA	NA	NA	NA
0.21	0.03	-0.1	-0.08	0.019	0.7	0.00023	2.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.09	0.01	-0.01	0.08	0.019	0.69	0.65	3.20E-08	NA	NA	NA	NA
0.05	0.12	-0.02	0.01	0.019	4.80E-08	0.035	0.47	NA	NA	NA	NA
0.07	0.12	-0.05	-0.01	0.019	8.90E-07	0.00014	0.43	NA	NA	NA	NA
0.12	0.03	-0.07	-0.03	0.021	0.35	0.031	0.39	NA	NA	NA	NA
0.07	0.06	-0.08	-0.02	0.022	0.013	2.10E-07	0.26	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.02	-0.05	-0.01	0.023	0.68	0.0035	0.5	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.03	0	0.024	0.15	0.0035	0.92	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.02	0.05	0.025	0.11	0.23	0.0011	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.1	-0.07	0.02	0.026	0.32	0.00019	0.43	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.02	0.01	0.027	0.097	0.058	0.48	NA	NA	NA	NA

0.08	0.07	-0.03	0.06	0.027	0.031	0.098	0.0025	NA	NA	NA	NA
0.1	0.03	-0.07	-0.08	0.027	0.3	3.90E-06	7.80E-07	NA	NA	NA	NA
0.14	0.19	-0.04	-0.03	0.028	0.00067	0.17	0.25	NA	NA	NA	NA
0.27	0.23	-0.06	0.04	0.03	0.018	0.089	0.33	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.03	0.01	0.031	0.13	0.0047	0.35	NA	NA	NA	NA
0.21	0.24	-0.06	0.01	0.032	9.10E-05	0.025	0.6	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.04	0	0.036	0.15	0.041	0.86	NA	NA	NA	NA
-0.27	-0.33	-0.01	-0.08	0.048	0.0023	0.98	0.15	NA	NA	NA	NA
0.71	0.18	-0.08	0.14	0.049	0.46	0.078	0.012	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.04	-0.04	-0.03	0.05	0.61	0.094	0.11	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.02	-0.01	0	0.056	0.63	0.59	1	NA	NA	NA	NA
0.31	-0.08	-0.09	-0.05	0.056	0.61	0.00056	0.078	NA	NA	NA	NA
0.07	0.08	-0.07	0.01	0.056	0.013	0.11	0.95	NA	NA	NA	NA
0.24	0.29	-0.05	-0.03	0.058	0.041	0.18	0.34	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.04	0	-0.03	0.06	0.021	0.84	0.031	NA	NA	NA	NA
0.08	0.16	-0.05	-0.02	0.065	1.80E-06	0.011	0.24	NA	NA	NA	NA
0.17	0.16	-0.08	-0.07	0.068	0.061	0.00082	0.0014	NA	NA	NA	NA
0.12	0	0	0.15	0.068	1	1	1.70E-08	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.06	-0.05	0.068	0.2	0.00035	0.00012	NA	NA	NA	NA
0.07	0.1	-0.06	0.03	0.069	0.0093	0.00037	0.062	NA	NA	NA	NA
0.12	0.28	-0.03	0.04	0.07	0.0011	0.13	0.026	NA	NA	NA	NA
0.07	0.21	0.01	0	0.07	2.70E-07	0.69	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.03	0	0.071	0.9	0.028	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.01	-0.06	-0.03	0.075	1	0.027	0.33	NA	NA	NA	NA
0.12	0	-0.06	-0.09	0.078	1	0.18	0.0062	NA	NA	NA	NA
0.12	0.07	-0.05	-0.03	0.079	0.081	0.0098	0.19	NA	NA	NA	NA
0.1	0.1	-0.08	-0.09	0.08	0.024	6.30E-06	9.20E-08	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.05	-0.03	0.04	0.083	0.3	0.19	0.027	NA	NA	NA	NA
0.05	0.11	-0.03	0.01	0.084	9.00E-05	0.079	0.65	NA	NA	NA	NA
0.05	0.12	-0.05	0.01	0.085	0.0044	0.0023	0.53	NA	NA	NA	NA

-0.75	-0.9	-0.05	-0.06	0.087	0.00068	0.45	0.38	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.03	-0.05	-0.01	0.088	0.11	0.00018	0.52	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.14	-0.03	-0.08	0.088	0.14	0.22	0.00063	NA	NA	NA	NA
0.11	0.27	-0.03	0.03	0.091	0.061	0.29	0.26	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.01	0.01	0.092	0.17	0.67	0.41	NA	NA	NA	NA
0.25	0.07	-0.03	0	0.095	0.42	0.42	1	NA	NA	NA	NA
0.13	0.03	0	0.01	0.096	0.7	0.98	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.04	-0.01	0.03	0.097	0.21	0.7	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.05	-0.09	-0.06	0.1	0.079	0.00014	0.0046	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	0.07	0.07	0.1	0.25	0.0066	0.0058	NA	NA	NA	NA
0.25	0.02	-0.13	0.05	0.1	1	0.0014	0.37	NA	NA	NA	NA
0.16	0.01	-0.09	-0.06	0.11	1	9.60E-06	0.0032	NA	NA	NA	NA
-0.21	-0.13	-0.08	0	0.11	0.096	0.013	1	NA	NA	NA	NA
0.07	0	0.01	0.03	0.11	1	0.52	0.016	NA	NA	NA	NA
0.1	0.14	-0.03	0	0.12	0.0053	0.11	0.93	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.02	-0.13	-0.12	0.12	0.91	0.00029	0.00048	NA	NA	NA	NA
0.05	0.11	-0.04	0.03	0.13	0.0033	0.0014	0.05	NA	NA	NA	NA
0.08	0.12	-0.08	-0.02	0.14	0.00017	5.20E-05	0.52	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.04	-0.03	0.02	0.14	0.26	0.02	0.22	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.06	0	0.15	0.56	0.0038	1	NA	NA	NA	NA
0.13	0.11	-0.07	-0.03	0.15	0.17	0.0037	0.32	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	0.03	-0.03	0.15	0.23	0.12	0.079	NA	NA	NA	NA
0.21	0.91	0.23	0.54	0.15	4.80E-09	0.17	0.0082	NA	NA	NA	NA
0.07	0.1	0	0.02	0.15	0.0084	1	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.03	0	0	0.15	0.79	0.81	0.85	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.16	-0.06	0.01	0.16	2.00E-05	0.002	0.66	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.04	0	0.16	0.88	0.044	0.95	NA	NA	NA	NA
0.14	0.08	-0.06	0	0.17	0.54	0.0053	0.99	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.04	0.01	0.02	0.17	0.17	0.79	0.44	NA	NA	NA	NA
0.16	0.01	-0.02	0.08	0.17	1	0.26	0.00037	NA	NA	NA	NA

0.02	0.07	-0.03	0.02	0.17	0.00021	0.0045	0.1	NA	NA	NA	NA
0.08	0.13	0.02	0.02	0.18	0.0084	0.47	0.43	NA	NA	NA	NA
0.27	NA	0.08	0.25	0.18	NA	0.18	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.04	-0.04	0.18	0.99	0.035	0.036	NA	NA	NA	NA
0.1	0.09	-0.04	-0.01	0.19	2.80E-07	0.00032	0.28	NA	NA	NA	NA
0.05	0.1	-0.02	0	0.19	0.043	0.13	0.91	NA	NA	NA	NA
0.12	0.42	-0.05	-0.02	0.19	0.013	0.06	0.38	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	-0.03	-0.02	0.19	0.0034	0.13	0.1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.04	0	0.21	0.41	0.017	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.03	0.02	0.03	0.22	0.41	0.3	0.15	NA	NA	NA	NA
0.08	0.12	-0.06	0	0.23	0.0014	0.0046	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.07	0.01	0.03	0.23	0.032	0.44	0.028	NA	NA	NA	NA
0.18	0.03	-0.14	-0.13	0.23	0.61	0.0057	4.00E-05	NA	NA	NA	NA
0.07	0.17	-0.02	-0.03	0.24	0.0042	0.43	0.23	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.01	0.03	0.24	0.22	0.44	0.036	NA	NA	NA	NA
0.1	0.07	-0.2	-0.21	0.24	0.25	9.30E-08	7.70E-09	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.13	-0.04	0	0.24	0.078	0.12	0.99	NA	NA	NA	NA
0.05	0.15	-0.03	0.07	0.25	0.00058	0.39	0.068	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.02	0.01	0.25	0.0021	0.26	0.51	NA	NA	NA	NA
0.27	-0.07	-0.06	-0.04	0.26	1	0.3	0.54	NA	NA	NA	NA
0.34	0	-0.01	0.08	0.26	1	0.73	0.0011	NA	NA	NA	NA
0.08	0.27	-0.04	-0.02	0.26	0.025	0.44	0.69	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.03	-0.01	0.26	0.027	0.047	0.32	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.05	-0.05	0.26	0.021	0.0014	2.50E-05	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	0.03	-0.01	0.26	0.24	0.14	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.05	-0.02	0	0.28	0.45	0.23	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.1	-0.03	-0.04	0.29	0.029	0.092	0.059	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.28	-0.02	0.02	0.29	0.00025	0.43	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.2	-0.03	-0.05	0.03	0.29	1	0.19	0.65	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.06	-0.07	0.29	1	0.0055	0.002	NA	NA	NA	NA

0.03	0.04	-0.05	0	0.31	0.53	0.025	1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.07	-0.05	-0.03	0.31	0.032	0.0016	0.023	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.02	0	0.08	0.31	0.94	1	0.04	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.03	0.02	0.05	0.32	0.44	0.18	9.20E-06	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.06	-0.05	0.32	3.00E-06	5.20E-09	6.70E-07	NA	NA	NA	NA
0.08	0.18	-0.09	0.01	0.33	0.025	9.20E-06	0.83	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.03	-0.03	0	0.33	0.84	0.29	0.98	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.04	-0.05	0.06	0.34	0.19	0.0015	0.00035	NA	NA	NA	NA
0.86	0.53	-0.01	0.07	0.34	0.00011	0.91	0.045	NA	NA	NA	NA
0.1	0.17	0.03	0.12	0.34	0.00013	0.37	0.00029	NA	NA	NA	NA
0.14	0.07	-0.09	-0.05	0.34	0.0041	1.10E-07	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.05	0.11	-0.03	0.01	0.35	0.014	0.11	0.85	NA	NA	NA	NA
0.12	0.07	-0.11	-0.04	0.35	0.26	1.30E-05	0.19	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.09	-0.05	0.06	0.35	0.22	0.18	0.18	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.1	-0.09	0.35	0.74	0.014	0.024	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.08	-0.02	0.03	0.35	0.31	0.27	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.4	0	-0.03	0.13	0.35	1	0.53	9.90E-05	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.02	0.01	0.36	0.26	0.29	0.62	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.02	-0.03	0.01	0.36	0.66	0.081	0.69	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.05	0	0.38	0.028	0.00022	0.86	NA	NA	NA	NA
0.16	0.04	0.01	-0.04	0.38	0.26	0.85	0.033	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	0	-0.01	0.38	0.53	0.82	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.45	0.01	0.05	0.4	0.021	0.8	0.11	NA	NA	NA	NA
0.85	-0.02	-0.08	0.06	0.41	1	0.11	0.32	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	0	0	0.42	0.59	0.98	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.13	-0.04	0.02	0.42	0.0031	0.0065	0.13	NA	NA	NA	NA
0.02	0.13	-0.05	-0.02	0.43	0.00041	0.00046	0.13	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.03	0.04	0.43	0.37	0.058	0.0026	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.02	0.02	0.45	0.79	0.26	0.24	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.05	0	0.01	0.47	0.46	0.95	0.57	NA	NA	NA	NA

0.02	0.03	0.04	-0.01	0.49	0.48	0.054	0.62	NA	NA	NA	NA
0.79	NA	0	0.05	0.5	NA	1	0.72	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	-0.02	0.01	0.5	0.42	0.38	0.88	NA	NA	NA	NA
0.06	0.19	-0.03	0.04	0.5	0.00044	0.11	0.044	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.12	-0.06	0	0.5	0.62	0.031	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.04	-0.09	-0.01	0.5	0.23	4.40E-06	0.84	NA	NA	NA	NA
-0.21	0.2	-0.48	-0.26	0.52	0.19	0.0016	0.19	NA	NA	NA	NA
0.01	0.08	-0.05	0	0.52	0.00014	6.30E-08	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.12	0.01	0.06	0.54	1.10E-08	0.82	0.0015	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.05	0.03	0.55	0.078	4.90E-06	0.027	NA	NA	NA	NA
0.25	NA	-0.03	0.07	0.55	NA	0.43	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.1	-0.01	0.01	0.56	0.014	0.57	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	0.02	0.04	0.56	0.46	0.0044	4.70E-05	NA	NA	NA	NA
0.04	0.47	-0.03	0.02	0.57	9.90E-07	0.12	0.46	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.07	-0.04	0.58	0.18	0.00023	0.045	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	-0.04	0.03	0.58	0.88	0.0064	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.24	-0.08	0.05	0.58	0.00077	0.00044	0.044	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.05	0.01	0.04	0.6	0.041	0.67	0.0038	NA	NA	NA	NA
0.05	0.08	-0.02	0.04	0.6	0.24	0.6	0.21	NA	NA	NA	NA
0.09	0.15	0	0.07	0.61	0.96	1	0.034	NA	NA	NA	NA
0.07	0.87	-0.11	-0.03	0.61	3.70E-06	7.10E-05	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	-0.1	-0.02	0.61	0.25	1.00E-09	0.3	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	-0.06	-0.02	0.62	0.0036	2.90E-06	0.046	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.05	-0.02	-0.01	0.62	0.0086	0.027	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.15	-0.02	0.05	0.64	0.094	0.54	0.12	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.01	0.02	0.65	0.14	0.68	0.26	NA	NA	NA	NA
0.37	0.24	0.03	0.11	0.65	0.034	0.57	0.018	NA	NA	NA	NA
0.03	0.13	-0.02	0.03	0.65	0.0034	0.15	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.06	-0.07	0.03	0.66	0.75	0.0015	0.29	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.02	-0.01	0.66	0.67	0.18	0.69	NA	NA	NA	NA

0.05	0.09	0.01	0.12	0.67	0.039	0.79	1.60E-06	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.03	0.02	0.67	0.91	0.022	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.06	-0.02	0.06	0.68	0.028	0.2	0.002	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.06	0.11	0.68	1	0.022	0.00052	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.04	-0.02	0.68	0.96	0.025	0.24	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.05	-0.01	0.68	0.084	1.00E-04	0.47	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.01	0.01	0.69	0.054	0.44	0.76	NA	NA	NA	NA
0.02	0.18	-0.06	-0.04	0.69	0.0016	0.0013	0.025	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.05	-0.01	0.7	0.96	0.085	0.8	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.01	-0.17	-0.2	0.7	0.95	0.13	0.018	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.02	0.04	0.7	0.75	0.21	0.03	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.05	-0.02	0.7	0.93	1.60E-05	0.099	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	-0.02	0.06	0.71	0.006	0.15	0.00048	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.04	-0.05	-0.06	0.71	0.52	0.02	0.0023	NA	NA	NA	NA
0.08	0.01	-0.05	-0.03	0.72	1	0.022	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.01	0.03	0.73	0.24	0.55	0.039	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.06	-0.04	-0.01	0.73	0.024	0.0014	0.39	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.02	0.02	0.73	0.1	0.62	0.52	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.05	-0.04	0.74	0.51	0.016	0.035	NA	NA	NA	NA
0.16	0.05	-0.04	-0.06	0.74	0.82	0.09	0.0063	NA	NA	NA	NA
0.05	0.22	0.01	-0.03	0.74	0.088	1	0.85	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.07	-0.01	0	0.74	0.002	0.71	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	-0.07	-0.03	0.75	0.54	0.0039	0.22	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.04	0.02	0.75	0.89	0.071	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.08	-0.1	-0.07	0.75	0.16	0.0017	0.025	NA	NA	NA	NA
0.03	0.15	-0.02	0.01	0.75	0.0038	0.39	0.81	NA	NA	NA	NA
0.06	0.13	-0.06	-0.03	0.75	0.0011	0.0059	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.01	0.03	0.77	1	0.61	0.19	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	0.02	-0.04	0.78	0.84	0.59	0.082	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.13	-0.08	-0.01	0.78	0.015	4.40E-05	0.68	NA	NA	NA	NA

-0.03	0.2	-0.05	0.08	0.78	0.0067	0.016	0.00047	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.02	0	0.8	0.63	0.17	0.85	NA	NA	NA	NA
0.02	0.16	-0.1	-0.05	0.8	0.0017	2.10E-07	0.0075	NA	NA	NA	NA
0.75	0.25	NA	NA	0.82	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.03	-0.03	0.82	0.011	0.048	0.032	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.11	-0.07	0.85	0.22	0.00031	0.019	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	0	0.04	0.85	1	1	0.24	NA	NA	NA	NA
0.2	-0.03	-0.06	-0.01	0.86	0.56	0.013	0.67	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	0.03	-0.06	0.89	0.2	0.28	0.0014	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.03	0.03	0.89	0.041	0.014	0.0073	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.05	-0.04	-0.03	0.9	0.078	0.077	0.13	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.02	0	0.9	0.66	0.14	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.14	-0.06	0.06	0.91	0.011	0.066	0.089	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	-0.04	0.01	0.91	0.47	0.36	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.03	-0.01	0.91	0.66	0.031	0.58	NA	NA	NA	NA
0.05	NA	-0.1	-0.16	0.91	NA	0.023	6.90E-06	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.01	0	0.93	0.63	1	1	NA	NA	NA	NA
0	0.03	0.01	0.01	0.93	0.18	0.39	0.5	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.05	-0.03	0.93	0.54	0.0058	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.05	-0.06	-0.02	0.94	0.8	0.19	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.07	-0.05	0.08	0.94	0.58	0.019	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.01	0.02	0.94	0.92	0.61	0.069	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.05	-0.03	0.95	0.71	0.0013	0.088	NA	NA	NA	NA
0.01	0.35	-0.04	-0.01	0.95	6.40E-09	0.061	0.65	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.02	-0.02	0.95	0.36	0.024	0.043	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.01	0.08	0.96	0.054	1	0.038	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.07	-0.04	0.96	0.021	2.60E-05	0.017	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	0	-0.01	0.96	0.5	0.89	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.33	-0.09	-0.09	0.97	0.00011	5.00E-04	0.00052	NA	NA	NA	NA
0.03	0.13	-0.13	0.1	0.98	0.14	0.00011	0.012	NA	NA	NA	NA

-0.03	-0.02	-0.04	0.02	0.98	0.93	0.02	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.05	0	0.99	0.85	0.0054	0.96	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.09	-0.01	0.02	0.99	0.5	0.83	0.53	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	-0.07	-0.07	1	0.55	0.0036	0.0014	NA	NA	NA	NA
0	-0.03	-0.14	-0.16	1	1	0.13	0.1	NA	NA	NA	NA
0.21	-0.1	0.02	0.2	1	0.85	0.8	0.017	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	0	0.07	1	0.21	0.87	0.00075	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.04	0.05	1	0.9	0.29	0.21	NA	NA	NA	NA
0.04	NA	0.01	-0.01	1	NA	0.92	0.86	NA	NA	NA	NA
0.05	0.32	-0.05	0.01	1	0.32	0.015	0.83	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	0.01	0.03	1	0.93	0.75	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.21	-0.08	-0.03	1	0.0011	0.0056	0.23	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.02	0.02	1	0.74	0.39	0.54	NA	NA	NA	NA
0.03	NA	-0.01	0.06	1	NA	0.82	0.058	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.04	0	0.11	1	0.84	1	0.00092	NA	NA	NA	NA
0.18	0.1	-0.01	0.02	1	0.92	0.77	0.71	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.1	-0.12	1	0.29	0.0077	0.00015	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.17	-0.1	-0.03	1	0.11	0.065	0.55	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.04	0.05	1	1	0.31	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.09	-0.03	0	1	0.44	0.56	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.04	-0.04	1	1	0.36	0.29	NA	NA	NA	NA
0.06	NA	-0.17	-0.08	1	NA	0.014	0.68	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	-0.04	0.08	1	0.86	0.26	0.016	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	0.02	0.01	1	0.028	0.26	0.7	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.13	-0.09	-0.03	1	0.5	0.087	0.56	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.11	-0.07	1	0.81	1.70E-05	0.008	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.12	-0.02	1	1	0.048	0.75	NA	NA	NA	NA
0.04	0.54	-0.06	-0.03	1	1.10E-08	0.011	0.36	NA	NA	NA	NA
0.06	0.13	0	0.03	1	6.00E-05	1	0.062	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.01	-0.01	1	1	1	0.88	NA	NA	NA	NA

0.01	NA	0	0.03	1	NA	1	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.26	-0.45	-0.17	1	0.28	1.20E-05	0.49	NA	NA	NA	NA
0	NA	-0.18	-0.05	1	NA	0.0034	0.38	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.04	-0.02	1	0.64	0.0029	0.098	NA	NA	NA	NA
0.01	0.47	0.06	-0.02	1	0.004	0.19	0.66	NA	NA	NA	NA
0.01	0.09	-0.07	-0.07	1	0.12	0.022	0.027	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.11	-0.06	1	1	0.00036	0.088	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.4	-0.04	-0.02	1	1.50E-08	0.11	0.59	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.08	-0.03	1	1	0.0073	0.22	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.05	-0.04	1	1	0.027	0.083	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.1	-0.06	1	0.3	0.01	0.069	NA	NA	NA	NA
0.01	NA	-0.08	-0.07	1	NA	0.014	0.015	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.08	0.03	0.07	1	0.74	0.33	0.019	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	0.02	0.02	1	1	0.53	0.33	NA	NA	NA	NA
0	0.12	-0.07	-0.02	1	0.00031	1.60E-05	0.15	NA	NA	NA	NA
0	0.08	-0.01	0.04	1	0.092	0.23	0.0061	NA	NA	NA	NA
0	-0.58	-0.05	0.04	1	0.9	0.88	0.91	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	0.87	NA	NA	1	1.60E-06	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.13	0.02	0.19	NA	0.73	0.47	4.00E-08	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.09	0.19	NA	NA	0.062	4.00E-06	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	0.22	NA	NA	0.94	1.60E-05	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.05	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.5	0.5	NA	NA	1	0.7	NA	NA	NA	NA

NA	NA	0.02	0.13	NA	NA	1	0.58	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.06	-0.03	0.11	NA	0.49	0.48	0.0066	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.05	-0.09	0.81	NA	0.23	0.78	0.45	NA	NA	NA	NA
NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.5	-0.24	0.13	NA	0.023	0.63	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.08	-0.02	NA	NA	0.78	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	0.86	NA	NA	0.97	0.00033	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	-0.12	NA	NA	0.021	0.059	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	0	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.51	-0.08	0.02	NA	0.0012	0.00017	0.57	NA	NA	NA	NA
NA	0.36	0.05	-0.06	NA	0.26	0.87	0.81	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0.04	NA	NA	0.36	0.63	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	NA	NA	NA	0.98	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	0.21	NA	NA	1	0.054	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.18	0.11	NA	NA	0.00014	0.013	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.2	0.01	0.01	NA	0.031	0.83	0.78	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.08	0.34	NA	NA	0.22	8.60E-06	NA	NA	NA	NA
NA	0.22	-0.1	-0.05	NA	0.012	0.073	0.45	NA	NA	NA	NA
NA	0.57	-0.21	NA	NA	0.15	0.025	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.25	0.22	NA	NA	0.37	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	-0.06	NA	NA	0.0022	0.12	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.92	0	NA	1	2.30E-09	1	NA	NA	NA	NA

NA	NA	-0.08	-0.08	NA	NA	0.034	0.048	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	0.05	NA	NA	0.57	0.2	NA	NA	NA	NA
NA	0.02	-0.1	-0.05	NA	0.99	0.00065	0.13	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	-0.03	NA	NA	0.5	0.56	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.09	-0.06	NA	NA	0.17	0.17	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	0.04	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.06	NA	NA	NA	0.51	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.18	0.09	NA	NA	0.18	0.82	NA	NA	NA	NA
NA	-0.16	-0.04	-0.01	NA	0.4	0.24	0.86	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	0.09	NA	NA	0.42	0.35	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0.78	NA	NA	0.93	0.091	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.15	NA	NA	1	6.20E-06	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.22	-0.12	NA	NA	0.36	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.09	0.37	NA	NA	0.9	0.35	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.23	NA	NA	NA	0.18	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.16	-0.12	NA	NA	0.00039	0.0027	NA	NA	NA	NA
NA	0.42	-0.04	-0.07	NA	6.30E-05	0.29	0.013	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.37	NA	NA	NA	0.15	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.07	0.04	NA	NA	0.45	0.42	NA	NA	NA	NA
NA	0.42	-0.14	0.03	NA	0.00058	1.60E-08	0.45	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.09	0.61	NA	NA	0.88	0.84	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	0	NA	NA	0.64	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	-0.03	NA	NA	0.4	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.12	-0.05	-0.01	1.60E-08	0.0012	0.0071	0.65	NA	NA	NA	NA
0.22	0.1	-0.02	0.06	2.90E-08	6.80E-05	0.38	0.0076	NA	NA	NA	NA

0.18	0.03	-0.03	0.03	7.10E-08	0.4	0.17	0.19	NA	NA	NA	NA
0.17	0.07	-0.04	0	1.60E-07	0.014	0.00036	0.81	NA	NA	NA	NA
0.49	0.4	-0.03	0.02	1.70E-07	0.00013	0.3	0.57	NA	NA	NA	NA
0.63	0.03	0	0.19	5.40E-07	0.67	0.99	2.00E-06	NA	NA	NA	NA
0.36	-0.06	0	0.04	7.10E-07	0.12	0.92	0.1	NA	NA	NA	NA
0.13	0.1	-0.05	0	1.90E-06	4.20E-05	3.60E-05	0.76	NA	NA	NA	NA
0.41	0.11	-0.02	0.06	4.00E-06	0.34	0.51	0.28	NA	NA	NA	NA
0.21	0	-0.07	0.04	5.00E-06	1	8.00E-05	0.14	NA	NA	NA	NA
0.22	0.07	-0.07	-0.07	8.30E-06	0.014	0.0017	0.00062	NA	NA	NA	NA
0.15	0.08	-0.05	0	9.30E-06	0.0017	0.015	0.93	NA	NA	NA	NA
0.16	0.02	-0.02	0.01	1.30E-05	0.3	0.2	0.49	NA	NA	NA	NA
0.11	0.01	-0.01	0.03	1.40E-05	0.44	0.65	0.043	NA	NA	NA	NA
0.9	0.01	0.04	0.03	1.70E-05	1	0.21	0.72	NA	NA	NA	NA
0.24	-0.01	-0.02	0.03	2.60E-05	0.93	0.46	0.55	NA	NA	NA	NA
0.23	0.11	-0.02	0.03	6.70E-05	0.023	0.6	0.41	NA	NA	NA	NA
0.4	-0.04	-0.02	0	0.00011	0.44	0.16	0.84	NA	NA	NA	NA
0.25	0.06	0.02	0.01	0.00013	0.29	0.7	0.86	NA	NA	NA	NA
0.41	0.01	-0.01	0.05	0.00015	1	0.72	0.12	NA	NA	NA	NA
0.14	0.14	-0.05	-0.03	0.00019	8.40E-07	0.00094	0.036	NA	NA	NA	NA
0.18	0.12	-0.03	0.03	0.00022	0.00063	0.072	0.18	NA	NA	NA	NA
0.19	0.1	0.01	0.09	0.00023	0.00066	0.67	3.30E-07	NA	NA	NA	NA
-0.24	0.12	-0.15	-0.15	0.00023	0.016	7.00E-06	4.70E-05	NA	NA	NA	NA
0.19	0.03	0.02	0.11	0.00026	0.47	0.2	1.50E-06	NA	NA	NA	NA
0.23	0	0.09	0.14	0.00027	1	0.024	0.00055	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.01	0.05	0.00044	4.80E-05	0.64	3.20E-06	NA	NA	NA	NA
0.23	0.41	-0.01	-0.01	0.00048	1.30E-09	0.76	0.76	NA	NA	NA	NA
0.18	0.03	-0.05	-0.03	0.00059	0.35	0.00091	0.14	NA	NA	NA	NA
0.2	0.07	0.04	0.07	0.00063	0.32	0.2	0.046	NA	NA	NA	NA
0.16	0.06	-0.01	0.07	0.00082	0.29	0.62	2.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.13	0.09	-0.03	0.01	0.00084	0.00044	0.12	0.39	NA	NA	NA	NA

0.71	0.13	-0.05	-0.03	0.00096	0.32	0.27	0.84	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.09	0.01	0.01	0.0011	0.063	0.81	0.58	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	-0.01	0.08	0.0013	0.018	0.28	1.80E-09	NA	NA	NA	NA
0.14	0.12	-0.03	-0.04	0.0014	0.0056	0.13	0.028	NA	NA	NA	NA
0.27	-0.05	0	0.05	0.0014	0.45	1	0.035	NA	NA	NA	NA
0.09	0.06	-0.04	-0.03	0.0014	0.022	0.021	0.14	NA	NA	NA	NA
0.27	0.1	0.01	0.03	0.0016	0.085	0.59	0.11	NA	NA	NA	NA
0.11	0.05	-0.05	-0.01	0.0017	0.047	0.0065	0.75	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	-0.02	0.02	0.0021	0.39	0.049	0.22	NA	NA	NA	NA
0.12	0.06	0	0.05	0.0021	0.04	1	0.42	NA	NA	NA	NA
0.09	0.09	-0.02	0.01	0.0023	0.0025	0.17	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.29	0.58	-0.05	0.06	0.0027	0.9	0.022	0.016	NA	NA	NA	NA
0.14	0.21	-0.07	-0.06	0.0035	2.00E-07	0.0025	0.023	NA	NA	NA	NA
0.14	0.05	-0.03	0.04	0.0036	0.13	0.17	0.15	NA	NA	NA	NA
0.17	0.02	-0.07	0.01	0.0039	0.53	8.20E-06	0.83	NA	NA	NA	NA
0.69	0.08	0.04	0.05	0.0041	0.54	0.29	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.26	0.03	0.05	-0.05	0.0043	1	0.4	0.21	NA	NA	NA	NA
0.16	0.07	0.01	0.03	0.0048	0.02	0.83	0.29	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.01	0.08	0.0051	0.029	0.55	2.20E-06	NA	NA	NA	NA
0.08	0.14	-0.01	0	0.0053	2.20E-07	0.67	0.85	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.1	-0.03	0.02	0.0054	0.23	0.33	0.71	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.04	0.03	0.0056	0.11	0.026	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.1	-0.05	0.06	0.0067	0.08	0.016	0.0051	NA	NA	NA	NA
0.11	0.15	-0.15	0.12	0.0069	0.0037	3.80E-06	0.015	NA	NA	NA	NA
0.22	0.61	-0.02	0.05	0.0069	1.90E-09	0.33	0.095	NA	NA	NA	NA
0.31	-0.03	0.02	0.02	0.0072	1	0.52	0.57	NA	NA	NA	NA
0.26	0.28	-0.08	0.06	0.0072	0.0032	0.0059	0.13	NA	NA	NA	NA
0.08	0	-0.05	-0.02	0.0097	1	0.021	0.43	NA	NA	NA	NA
0.15	0.09	0.02	0.01	0.01	0.011	0.2	0.64	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	0.04	0.02	0.01	0.14	0.043	0.14	NA	NA	NA	NA

-0.1	-0.01	-0.05	0.02	0.011	1	0.051	0.44	NA	NA	NA	NA
0.16	0.39	-0.04	0.01	0.011	1.10E-09	0.045	0.74	NA	NA	NA	NA
0.21	0	-0.22	-0.14	0.011	1	3.70E-09	0.0023	NA	NA	NA	NA
0.09	0.16	-0.04	-0.04	0.011	0.0017	0.042	0.029	NA	NA	NA	NA
0.09	0.17	-0.04	-0.01	0.012	0.0016	0.15	0.53	NA	NA	NA	NA
-0.31	-0.04	0.18	0.02	0.012	1	0.0018	0.74	NA	NA	NA	NA
0.6	0.21	-0.02	0.09	0.013	0.0065	0.35	0.0014	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.01	0.02	0.013	0.0069	0.52	0.29	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.02	-0.06	0.05	0.013	0.58	0.00024	0.0053	NA	NA	NA	NA
0.12	0.15	-0.07	-0.01	0.014	0.00013	0.00043	0.55	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.02	0.05	0.016	0.035	0.1	4.60E-06	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.05	-0.01	0.14	0.017	0.16	0.74	2.00E-06	NA	NA	NA	NA
0.09	0.08	-0.05	-0.04	0.018	0.03	0.024	0.046	NA	NA	NA	NA
0.08	0.07	-0.03	0	0.018	0.0053	0.042	0.94	NA	NA	NA	NA
0.13	0.04	-0.06	0.03	0.018	0.4	0.0086	0.32	NA	NA	NA	NA
0.12	0.18	-0.07	-0.03	0.018	0.0023	0.0032	0.3	NA	NA	NA	NA
0.35	NA	0	0.11	0.019	NA	1	0.0045	NA	NA	NA	NA
0.11	0.02	-0.03	0.07	0.019	0.64	0.14	0.00018	NA	NA	NA	NA
0.28	0.02	-0.04	0.01	0.019	0.87	0.03	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.03	-0.01	-0.01	0.02	0.42	0.66	0.77	NA	NA	NA	NA
0.08	0.12	0.05	0.06	0.022	1.80E-05	0.02	0.0074	NA	NA	NA	NA
-0.21	0.08	0.01	0.11	0.022	0.54	0.82	8.70E-05	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.18	-0.03	0.05	0.023	0.003	0.46	0.096	NA	NA	NA	NA
0.08	0.06	0.02	0.05	0.023	0.069	0.62	0.054	NA	NA	NA	NA
0.86	-0.02	-0.05	0.8	0.024	1	0.64	5.30E-06	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.01	-0.01	0.02	0.024	0.96	0.67	0.27	NA	NA	NA	NA
0.07	0.1	-0.01	0	0.025	0.00032	0.71	0.94	NA	NA	NA	NA
0.09	0.11	-0.05	0.03	0.027	0.0016	0.0098	0.12	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.06	0.01	0.029	1	1.70E-05	0.72	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.09	-0.01	0.05	0.029	0.016	0.53	0.018	NA	NA	NA	NA

-0.17	0.69	-0.05	0.08	0.031	0.69	0.095	0.046	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	0.01	0.05	0.032	0.13	0.49	2.80E-06	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.16	-0.04	0	0.033	6.30E-06	0.037	0.95	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.04	0.01	0.033	0.002	0.0065	0.72	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.04	0.02	0.034	0.92	4.10E-06	0.073	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.02	0.01	-0.02	0.034	0.58	0.83	0.093	NA	NA	NA	NA
0.18	-0.06	-0.02	0.1	0.037	0.77	0.31	0.001	NA	NA	NA	NA
-0.54	-0.23	-0.04	0.13	0.038	0.36	0.58	0.049	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	-0.08	0.02	0.04	1.70E-07	1.20E-09	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.21	-0.23	-0.09	-0.07	0.041	0.00041	0.00012	0.0077	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.03	-0.06	-0.08	0.043	0.65	0.0011	0.00019	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.05	-0.05	0.044	0.3	0.047	0.0081	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.06	0	0.047	0.1	1.70E-05	1	NA	NA	NA	NA
0.08	0.04	-0.02	0.05	0.047	0.091	0.34	0.0039	NA	NA	NA	NA
0.59	-0.12	-0.15	-0.1	0.051	0.37	0.0083	0.18	NA	NA	NA	NA
0.44	-0.12	0.33	0.17	0.053	0.57	0.0036	0.42	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.07	0.02	0.03	0.061	0.14	0.39	0.18	NA	NA	NA	NA
0.21	-0.1	-0.03	0.23	0.062	0.53	0.64	0.0076	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.03	-0.07	-0.03	0.064	0.4	2.00E-05	0.072	NA	NA	NA	NA
0.16	0.04	0.06	0.05	0.064	0.98	0.02	0.052	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.04	-0.04	-0.04	0.069	0.68	0.087	0.092	NA	NA	NA	NA
0.07	0.12	-0.04	-0.02	0.07	0.00046	0.043	0.41	NA	NA	NA	NA
0.09	0.02	-0.03	-0.04	0.073	0.71	0.11	0.048	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.03	-0.05	0	0.074	0.2	0.0012	0.82	NA	NA	NA	NA
0.14	0.07	0	0.02	0.075	0.56	0.97	0.31	NA	NA	NA	NA
0.09	0.03	-0.07	0.01	0.076	0.71	0.00028	0.73	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.05	-0.05	0.078	0.63	0.009	0.0015	NA	NA	NA	NA
0.79	0.22	0.02	0.01	0.081	0.12	0.74	0.81	NA	NA	NA	NA
0.11	0.13	-0.01	0.01	0.081	0.001	0.79	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.08	-0.02	0.01	0.083	0.026	0.26	0.47	NA	NA	NA	NA

0.04	0.02	-0.03	0.01	0.088	0.26	0.0033	0.32	NA	NA	NA	NA
-0.07	0	-0.07	-0.03	0.088	1	0.0062	0.27	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.05	-0.01	0	0.089	0.46	0.97	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.02	0.01	0.091	0.052	0.033	0.24	NA	NA	NA	NA
0.23	0.25	0.01	0.01	0.091	0.1	0.97	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	0	0.08	0.097	0.09	0.96	6.70E-07	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.05	-0.04	0.098	0.5	7.00E-04	0.002	NA	NA	NA	NA
0.49	-0.3	-0.06	-0.08	0.1	4.90E-06	0.055	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.1	0.03	-0.06	-0.05	0.1	0.55	0.0021	0.028	NA	NA	NA	NA
0.32	0.02	-0.04	0.02	0.11	0.79	0.38	0.58	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	-0.02	0.05	0.11	0.039	0.43	0.029	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.06	-0.01	0.11	0.00059	5.60E-07	0.44	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	-0.04	0.02	0.11	0.61	0.1	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.04	-0.06	-0.02	0.11	0.42	0.03	0.46	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.11	0.01	0.03	0.12	2.50E-05	0.56	0.032	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.05	0.12	0.12	0.074	0.21	0.055	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.04	-0.04	0.12	0.038	0.0095	0.021	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.03	-0.03	0	0.13	0.64	0.12	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.05	-0.01	0.13	6.00E-05	0.00054	0.69	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	0.04	0.03	0.14	0.33	0.016	0.12	NA	NA	NA	NA
0.08	0.08	-0.05	0.02	0.14	0.24	0.036	0.57	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	-0.07	0	0.14	0.46	2.10E-06	0.9	NA	NA	NA	NA
0.12	0.19	-0.02	0.06	0.14	0.036	0.64	0.21	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	0.01	0.08	0.14	0.63	0.64	0.0044	NA	NA	NA	NA
0.17	0.28	-0.09	0.01	0.15	0.00013	0.00048	0.79	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.08	-0.03	0	0.15	0.014	0.15	0.91	NA	NA	NA	NA
0.21	0.01	-0.07	-0.03	0.15	1	0.14	0.57	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.05	0	0.15	0.11	0.015	0.98	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.07	-0.02	0.16	0.12	0.00057	0.39	NA	NA	NA	NA
0.07	0.06	-0.08	0	0.16	0.21	0.00081	1	NA	NA	NA	NA

-0.29	-0.32	-0.01	0.07	0.16	0.15	1	0.4	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.08	-0.05	0.16	0.39	6.50E-08	0.005	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	-0.06	-0.07	0.17	0.26	0.0024	0.00086	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.07	0.01	0.02	0.17	0.044	0.61	0.26	NA	NA	NA	NA
0.13	0.01	-0.02	0.05	0.17	1	0.31	0.12	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.02	0.07	0.17	0.27	0.24	0.0014	NA	NA	NA	NA
0.09	0.23	-0.04	0	0.18	0.00012	0.033	0.93	NA	NA	NA	NA
0.08	0.21	-0.08	-0.03	0.18	0.0011	0.00078	0.37	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	0.11	0.11	0.18	0.32	0.00076	0.00015	NA	NA	NA	NA
-0.25	-0.31	0	0.15	0.18	0.011	1	3.10E-06	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.01	-0.01	0.13	0.19	1	0.63	0.00026	NA	NA	NA	NA
0.06	0.07	-0.02	0.01	0.19	0.036	0.046	0.45	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.11	-0.01	0.04	0.2	0.18	0.74	0.07	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	0.05	0.02	0.2	1	0.044	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	-0.01	0	0.2	0.92	0.94	1	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.01	0.03	0.2	0.012	0.73	0.099	NA	NA	NA	NA
0.07	0.22	0.01	0.11	0.21	2.10E-06	0.68	4.90E-08	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.02	0	0.04	0.21	0.9	0.93	0.097	NA	NA	NA	NA
0.39	NA	-0.05	0.02	0.21	NA	0.26	0.8	NA	NA	NA	NA
0.05	0.08	-0.04	0.03	0.21	8.00E-04	0.044	0.35	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	0	-0.02	0.21	0.12	1	0.5	NA	NA	NA	NA
-0.83	-0.59	-0.01	-0.04	0.21	0.41	0.98	0.9	NA	NA	NA	NA
0.1	0.13	-0.02	0.02	0.22	0.0025	0.53	0.55	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.07	0	0.22	0.47	6.70E-07	0.96	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	0	0.03	0.22	0.079	1	0.13	NA	NA	NA	NA
0.11	0.17	-0.02	-0.03	0.23	0.01	0.49	0.34	NA	NA	NA	NA
0.05	0.13	-0.01	0.02	0.24	4.00E-04	0.76	0.32	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.02	0	0.25	0.83	0.25	0.9	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.05	-0.02	0.05	0.25	0.38	0.22	0.046	NA	NA	NA	NA
0.05	0.1	0.06	0.04	0.26	0.011	0.00063	0.0062	NA	NA	NA	NA

0.04	0	-0.07	0	0.26	1	0.00012	0.91	NA	NA	NA	NA
0.14	0.84	-0.01	0.28	0.27	3.80E-05	0.84	3.10E-07	NA	NA	NA	NA
0.88	-0.01	0.01	0	0.27	0.95	0.94	1	NA	NA	NA	NA
0.29	0.17	-0.14	0.08	0.28	0.21	0.37	0.86	NA	NA	NA	NA
0.04	0.08	-0.02	0.04	0.28	0.038	0.32	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.01	-0.1	-0.04	0.28	0.93	0.00011	0.24	NA	NA	NA	NA
0.02	0.1	-0.03	0.03	0.29	3.70E-06	0.066	0.063	NA	NA	NA	NA
-0.06	0	-0.06	-0.03	0.29	1	2.70E-06	0.044	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	-0.03	0.03	0.29	0.28	0.012	0.043	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.06	-0.02	0.29	0.0028	0.015	0.53	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.01	-0.07	-0.01	0.29	1	0.049	0.89	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.05	0	0.3	0.45	0.023	0.92	NA	NA	NA	NA
0.14	-0.02	-0.04	0.01	0.3	0.52	0.17	0.6	NA	NA	NA	NA
0.12	0.22	-0.05	0.02	0.3	0.13	0.17	0.82	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	-0.03	0.02	0.31	0.12	0.088	0.38	NA	NA	NA	NA
0.21	0.04	-0.04	-0.04	0.31	0.77	0.31	0.28	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.04	0	0.31	0.33	0.023	0.93	NA	NA	NA	NA
0.88	0.88	-0.06	0.01	0.31	3.40E-06	0.16	1	NA	NA	NA	NA
0.12	0.01	-0.08	0.06	0.32	1	0.27	0.63	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.08	-0.02	0.03	0.32	0.043	0.33	0.087	NA	NA	NA	NA
0.86	NA	-0.05	-0.11	0.33	NA	0.58	0.11	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.05	-0.01	0.33	0.48	8.50E-06	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.12	-0.02	-0.02	0.33	0.41	0.67	0.54	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.01	0	0.33	0.45	0.36	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	-0.01	0.01	0.34	0.00041	0.49	0.41	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.01	0.03	0.34	0.74	0.61	0.084	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.09	-0.06	0.02	0.34	0.19	0.12	0.95	NA	NA	NA	NA
0.22	-0.08	-0.05	0.03	0.34	0.82	0.16	0.39	NA	NA	NA	NA
0.11	0.2	-0.02	0.01	0.35	0.0068	0.52	0.72	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.05	-0.04	0.27	0.36	0.59	0.27	5.00E-05	NA	NA	NA	NA

-0.04	-0.04	-0.04	0.02	0.36	0.061	0.013	0.23	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.05	-0.04	0.37	0.88	0.036	0.15	NA	NA	NA	NA
0.05	0.11	-0.01	0.06	0.37	0.0072	0.8	0.0012	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.24	-0.06	0.2	0.38	0.032	0.36	0.0083	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.02	0	0.38	0.55	0.04	0.84	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.01	0	0.04	0.38	1	0.98	0.029	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.03	0	0.39	0.47	0.007	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.67	NA	0.13	-0.01	0.39	NA	0.34	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.12	0.02	0.05	0.39	0.011	0.23	0.01	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.03	-0.04	-0.03	0.4	0.43	0.077	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.03	-0.01	0.4	0.33	0.022	0.66	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.04	0.01	0.04	0.4	0.28	0.88	0.12	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	-0.05	0.01	0.4	0.008	0.086	0.77	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	-0.02	0.02	0.41	2.00E-04	0.22	0.13	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.02	-0.09	0	0.41	1	0.014	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	-0.03	0	0.42	0.034	0.16	0.91	NA	NA	NA	NA
0.44	0.2	-0.06	-0.07	0.42	0.042	0.36	0.25	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	0.01	0.04	0.44	0.53	0.74	0.026	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.08	-0.12	-0.03	0.44	0.45	0.00085	0.71	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.03	-0.01	0.45	1	0.038	0.7	NA	NA	NA	NA
0.03	0.12	-0.06	0.01	0.45	0.0018	0.0012	0.79	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.03	-0.05	0.01	0.46	0.5	0.0081	0.73	NA	NA	NA	NA
0.09	0.15	-0.06	-0.05	0.46	0.12	0.27	0.31	NA	NA	NA	NA
0.1	0.38	-0.09	-0.04	0.46	0.01	0.0035	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.02	0.03	0.07	0.47	0.88	0.33	0.036	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.03	0.01	0.47	0.0046	2.90E-06	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	-0.08	-0.02	0.48	0.98	9.60E-07	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.06	-0.03	0	0.48	0.094	0.12	0.86	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.07	-0.02	0.48	0.84	0.001	0.52	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	0	0.03	0.49	0.4	1	0.18	NA	NA	NA	NA

-0.04	0.12	-0.04	-0.02	0.5	0.0099	0.26	0.61	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	0	0.04	0.5	0.0025	0.84	5.40E-05	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.01	0.11	0.5	0.3	0.77	9.20E-08	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.05	0	0.5	0.084	0.00091	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	-0.05	-0.02	0.51	0.12	0.009	0.39	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	0.01	0.07	0.52	0.77	0.84	0.0064	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.14	-0.09	-0.09	0.52	0.0099	0.0073	0.0028	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	0	0	0.52	0.54	1	0.8	NA	NA	NA	NA
0.05	NA	-0.04	0.04	0.53	NA	0.18	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.05	-0.09	-0.06	0.53	0.12	6.20E-05	0.045	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.12	0	0	0.53	0.021	1	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	0	0	0.53	0.099	0.87	0.8	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.21	-0.17	0.53	0.67	8.70E-09	1.60E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.07	-0.03	0.53	0.69	4.00E-09	0.0075	NA	NA	NA	NA
0.12	0.17	-0.06	0.03	0.53	0.57	0.075	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.02	-0.02	0.05	0.53	0.58	0.22	0.0043	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.03	0.01	0.53	0.014	0.079	0.53	NA	NA	NA	NA
0.25	0.25	-0.04	-0.06	0.54	0.33	0.14	0.073	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.12	-0.05	0	0.54	0.0072	0.11	1	NA	NA	NA	NA
-0.78	-0.21	0.11	0.4	0.55	1	0.31	0.00012	NA	NA	NA	NA
-0.8	NA	-0.11	-0.07	0.55	NA	0.021	0.26	NA	NA	NA	NA
0.09	0.42	-0.02	0.16	0.56	0.003	0.55	4.70E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	0.05	0.03	0.56	0.093	0.028	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.27	-0.11	-0.07	0.57	5.70E-06	0.0025	0.084	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.04	-0.01	0.57	0.92	0.11	0.8	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.08	-0.04	0.57	0.7	0.0098	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	-0.07	-0.04	0.58	0.031	5.30E-08	0.03	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	0	0.07	0.58	0.6	0.92	0.00021	NA	NA	NA	NA
-0.16	0.4	0.01	0.07	0.58	0.47	0.98	0.26	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.04	-0.01	0.59	0.39	0.049	0.65	NA	NA	NA	NA

0.02	0.07	-0.12	-0.05	0.59	0.087	1.60E-09	0.036	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	0	0.02	0.6	0.21	0.78	0.097	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.05	0	0.02	0.61	0.13	1	0.23	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.04	0.04	0.62	0.44	0.095	0.16	NA	NA	NA	NA
0.06	0.07	-0.05	0.01	0.62	0.4	0.0068	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.11	-0.05	0.01	0.62	0.0066	0.032	0.77	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.01	0.06	0.63	0.62	0.78	0.0021	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.08	-0.1	-0.03	0.63	0.41	3.40E-07	0.18	NA	NA	NA	NA
0.02	0.26	-0.02	-0.02	0.63	8.60E-06	0.25	0.52	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.06	0.02	0.63	0.0066	1.10E-05	0.31	NA	NA	NA	NA
0.22	-0.22	-0.03	0.06	0.63	0.0029	0.34	0.072	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.04	0.11	0.64	0.22	0.019	3.10E-07	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	0.03	0.03	0.64	0.43	0.12	0.091	NA	NA	NA	NA
0.04	0.1	-0.05	0.03	0.65	0.29	0.1	0.55	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.05	-0.01	-0.01	0.67	0.0074	0.54	0.83	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.56	-0.07	0.08	0.67	9.50E-05	0.16	0.16	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.05	0.03	0.67	0.012	5.00E-04	0.072	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.03	-0.02	0.08	0.68	0.39	0.089	4.20E-06	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	-0.02	-0.02	0.68	0.89	0.76	0.7	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.07	-0.01	0	0.69	0.048	0.43	0.86	NA	NA	NA	NA
0.03	0.14	-0.09	0.03	0.69	0.012	0.048	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.05	0	0.7	0.39	0.0066	0.9	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.04	0	0.7	1	0.037	0.88	NA	NA	NA	NA
0.03	0.29	-0.18	-0.23	0.7	0.00019	0.00034	4.80E-06	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.02	0.02	0.7	0.43	0.25	0.22	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	0	0.02	0.71	0.86	0.99	0.37	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.01	0.02	0.71	0.68	0.34	0.086	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.07	-0.03	0.01	0.71	0.29	0.31	0.67	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	0.01	0.02	0.71	0.67	0.48	0.11	NA	NA	NA	NA
0.04	0.13	-0.08	0	0.71	0.12	0.054	1	NA	NA	NA	NA

-0.02	0	-0.05	-0.03	0.72	1	0.008	0.15	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.05	-0.01	0.72	0.33	0.0016	0.5	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.11	-0.09	0.72	0.54	1.80E-06	0.0028	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.07	-0.01	0.03	0.74	0.34	0.7	0.22	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.01	0	0.74	0.0055	0.86	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.01	0.02	0.75	0.038	0.17	0.031	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.05	-0.01	-0.05	0.75	0.36	0.8	0.0092	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.04	-0.03	0.05	0.75	0.59	0.37	0.052	NA	NA	NA	NA
0.03	0.17	-0.12	-0.11	0.75	0.037	0.00017	0.0052	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.06	-0.09	0.04	0.77	0.28	4.00E-05	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.06	-0.02	0.77	0.65	0.00017	0.39	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	0	-0.01	0.77	0.13	1	0.9	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.1	-0.09	0.09	0.77	0.69	0.0053	0.15	NA	NA	NA	NA
0.18	0.8	-0.1	-0.04	0.77	0.17	0.015	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.02	-0.01	0.77	0.86	0.33	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.06	-0.02	-0.03	0.78	0.013	0.37	0.065	NA	NA	NA	NA
0.05	0.22	0.04	0.12	0.78	0.0097	0.086	1.70E-06	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.02	0	0.78	0.00021	0.22	0.83	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.06	0	0.78	0.93	0.056	1	NA	NA	NA	NA
0.23	0.07	-0.02	-0.02	0.79	0.41	0.44	0.67	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.02	-0.04	-0.01	0.79	1	0.2	0.87	NA	NA	NA	NA
-0.17	0.38	-0.88	-0.83	0.79	0.63	4.40E-05	7.10E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.07	-0.02	0.8	0.043	2.40E-06	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.03	0.01	0.81	0.2	0.0019	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.07	-0.06	-0.01	0.81	0.014	0.00035	0.49	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.06	-0.01	0.81	0.97	0.0063	0.77	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.02	-0.01	0.81	0.37	0.46	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.11	-0.03	0.02	0.82	0.63	0.37	0.62	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.12	-0.05	-0.03	0.83	0.11	0.012	0.31	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.03	0	0.83	1	0.033	1	NA	NA	NA	NA

0	0.02	-0.03	0.01	0.83	0.1	6.00E-04	0.38	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.05	-0.05	0.83	0.65	0.055	0.019	NA	NA	NA	NA
0.38	NA	0.03	0	0.84	NA	0.76	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.07	-0.03	0.17	0.85	0.52	0.38	0.00072	NA	NA	NA	NA
0.02	0.11	-0.02	-0.02	0.86	1.10E-05	0.54	0.29	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	0.02	0.05	0.86	0.92	0.39	0.03	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.04	0.04	0.86	0.6	0.0055	0.038	NA	NA	NA	NA
0.05	0.12	-0.09	-0.05	0.86	0.055	4.40E-06	0.044	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.12	-0.1	-0.22	0.87	0.085	0.032	1.40E-05	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.06	0.04	0.88	1	0.015	0.23	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.05	0.05	0.88	0.88	0.0017	0.0028	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.06	-0.03	0.04	0.88	0.073	0.025	0.032	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.05	-0.01	0.09	0.88	0.61	0.87	0.06	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.01	0.01	0.89	0.26	0.42	0.67	NA	NA	NA	NA
0.06	0.07	-0.04	-0.02	0.89	0.93	0.032	0.32	NA	NA	NA	NA
0.04	0.31	0.12	0.15	0.89	0.082	0.24	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	-0.01	0.02	0.89	0.1	0.48	0.33	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.06	-0.03	0.9	1.00E-04	0.00014	0.12	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	0.02	0.2	0.9	0.33	0.6	6.90E-09	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.01	0.01	0.91	0.38	0.68	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.02	0	0.91	0.64	0.4	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	0.02	-0.02	0.92	0.45	0.73	0.71	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.03	0.01	0.93	0.95	0.011	0.76	NA	NA	NA	NA
0.04	0.14	-0.06	-0.03	0.93	0.091	0.053	0.45	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.07	-0.04	0.02	0.93	0.017	0.016	0.29	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.07	-0.08	0.01	0.94	0.04	2.80E-06	0.63	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	0	0.02	0.94	0.13	1	0.17	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.07	-0.02	0.03	0.95	0.37	0.39	0.17	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.02	-0.01	0.95	0.036	0.13	0.34	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.03	-0.02	0.95	0.39	0.24	0.68	NA	NA	NA	NA

0.03	0.06	-0.02	0.02	0.95	0.058	0.16	0.25	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.03	0.01	0.95	0.12	0.011	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.21	-0.04	0.05	0.96	0.00019	0.097	0.09	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.05	-0.04	0	0.96	0.55	0.029	0.97	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.06	-0.1	-0.04	0.97	1	0.087	0.72	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.04	0.03	0.97	0.51	0.012	0.078	NA	NA	NA	NA
0.01	0.13	-0.02	0.06	0.98	0.00013	0.12	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.03	NA	-0.03	-0.08	0.98	NA	0.28	0.0068	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.06	-0.13	-0.06	0.98	0.27	1.60E-07	0.063	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.07	-0.01	0.99	0.35	1.30E-05	0.4	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.1	-0.04	0.99	0.25	0.011	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.05	0.03	1	0.78	0.00098	0.075	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.3	-0.15	0.39	1	0.19	0.00014	0.00034	NA	NA	NA	NA
0	NA	0.08	-0.03	1	NA	0.11	0.61	NA	NA	NA	NA
0	-0.04	-0.04	-0.02	1	0.018	0.0044	0.12	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	0.01	-0.03	1	0.68	0.83	0.28	NA	NA	NA	NA
0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0.01	0.23	-0.01	0.04	1	3.70E-05	0.68	0.052	NA	NA	NA	NA
0	0	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.05	-0.03	0.03	1	0.23	0.086	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	0.05	0.19	1	1	0.64	0.023	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.05	0.02	1	0.6	0.027	0.37	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.1	-0.06	1	0.58	0.00016	0.018	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.07	0.01	1	1	0.0045	0.74	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.02	0.07	1	0.38	0.12	2.30E-09	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.06	-0.03	1	0.9	0.075	0.29	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.03	-0.03	1	1	0.17	0.29	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.07	-0.03	0.1	1	0.38	0.55	0.0078	NA	NA	NA	NA
0	0.08	-0.03	0.01	1	0.012	0.17	0.6	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.03	0	1	1	0.18	0.97	NA	NA	NA	NA

0	0	-0.04	0.04	1	1	0.014	0.033	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	0.01	0.01	1	0.15	0.79	0.6	NA	NA	NA	NA
0	0.06	-0.02	0.03	1	0.056	0.1	0.029	NA	NA	NA	NA
0	-0.39	-0.59	-0.36	1	0.076	0.0015	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.46	0	0	1	9.40E-06	1	0.96	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.19	-0.08	-0.09	1	0.15	0.16	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.09	0.01	0.05	1	1	0.76	0.013	NA	NA	NA	NA
0.01	NA	-0.01	-0.11	1	NA	0.89	0.0071	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.07	-0.07	-0.01	1	0.32	0.00022	0.53	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.05	-0.02	1	1	0.018	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.05	-0.14	-0.06	1	1	0.00063	0.15	NA	NA	NA	NA
0.02	0.22	0.13	NA	1	0.3	0.53	NA	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.07	0.02	1	1	0.013	0.52	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.02	0.04	1	0.4	0.35	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.19	-0.18	1	1	0.0014	0.0081	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.04	0.01	1	0.77	0.044	0.85	NA	NA	NA	NA
0	0.09	-0.06	-0.01	1	0.0011	3.60E-06	0.45	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.02	0.07	1	0.76	0.24	0.00062	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.13	-0.09	-0.06	1	0.089	0.064	0.071	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.14	-0.01	-0.03	1	1	0.89	0.64	NA	NA	NA	NA
0	0.28	-0.14	-0.08	1	0.011	0.0018	0.16	NA	NA	NA	NA
0.08	0.28	-0.04	0.03	1	0.27	0.068	0.28	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.03	-0.06	-0.02	1	0.57	0.099	0.6	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.04	-0.01	1	1	0.052	0.59	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.17	-0.03	0.03	1	0.0061	0.46	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.08	-0.05	0.03	1	0.81	0.17	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.43	-0.01	0.3	1	0.0041	1	0.038	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.1	-0.01	0.06	1	0.76	0.65	0.032	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.12	-0.02	0.03	1	0.27	0.53	0.32	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.06	0.1	1	1	0.095	0.011	NA	NA	NA	NA

NA	0.8	-0.21	0.68	NA	0.034	0.00029	0.00016	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.27	NA	NA	NA	0.041	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.38	-0.01	0.09	NA	0.17	0.77	0.025	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	-0.13	NA	NA	0.86	0.79	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	0.08	NA	NA	0.28	0.17	NA	NA	NA	NA
NA	-0.12	-0.03	0.15	NA	1	0.44	0.05	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	0.1	NA	NA	1	0.69	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.17	0.06	NA	NA	0.34	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	0.12	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.07	-0.09	NA	NA	0.31	0.07	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	-0.03	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.19	-0.04	-0.03	NA	0.26	0.51	0.71	NA	NA	NA	NA
NA	0.18	0.01	0.03	NA	0.56	0.94	0.46	NA	NA	NA	NA
NA	-0.06	-0.02	0.23	NA	0.4	0.5	0.0015	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.18	-0.13	NA	NA	0.004	0.031	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	0.05	NA	NA	0.6	0.65	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	-0.01	NA	NA	0.75	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.27	-0.02	0.08	NA	0.2	0.16	0.00035	NA	NA	NA	NA
NA	0.12	-0.16	-0.17	NA	1	0.18	0.051	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	NA	NA	NA	0.78	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.26	0	0.07	NA	0.12	1	0.0023	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.07	0.17	NA	NA	0.061	0.043	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	0	NA	NA	0.9	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.34	-0.02	-0.03	NA	0.11	0.76	0.52	NA	NA	NA	NA
NA	0	0.08	0.11	NA	1	0.21	0.061	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.4	NA	NA	NA	0.00093	NA	NA	NA	NA	NA

NA	NA	-0.03	NA	NA	NA	0.79	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.04	-0.03	0.16	NA	0.85	0.25	0.00021	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.04	-0.03	NA	NA	0.58	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	0.18	NA	NA	0.4	0.025	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.33	-0.35	NA	NA	7.80E-08	3.10E-07	NA	NA	NA	NA
NA	0.75	0.07	0.82	NA	0.013	1	0.00095	NA	NA	NA	NA
NA	0.04	-0.24	-0.22	NA	1	7.70E-05	0.00016	NA	NA	NA	NA
NA	-0.38	-0.2	0	NA	0.67	3.70E-05	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	-0.11	NA	NA	0.27	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.18	0.04	0.11	NA	0.78	0.45	0.23	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.18	-0.14	NA	NA	0.071	0.49	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	-0.05	NA	NA	1	0.98	NA	NA	NA	NA
0.56	0.44	-0.07	0	4.40E-09	6.50E-06	0.00083	1	NA	NA	NA	NA
0.36	0.09	0.01	0.02	1.60E-08	0.13	0.66	0.3	NA	NA	NA	NA
0.12	0.03	-0.05	-0.02	7.80E-08	0.055	0.0011	0.12	NA	NA	NA	NA
0.31	0.01	-0.04	-0.06	1.50E-07	0.85	0.19	0.038	NA	NA	NA	NA
0.22	0.18	-0.07	-0.02	5.40E-07	9.80E-06	0.0014	0.32	NA	NA	NA	NA
0.17	0.12	-0.03	0.03	6.00E-07	1.30E-05	0.13	0.17	NA	NA	NA	NA
0.29	0.01	-0.05	0.07	8.30E-07	0.88	0.021	0.026	NA	NA	NA	NA
0.35	0.03	-0.05	-0.05	2.10E-06	0.87	0.031	0.04	NA	NA	NA	NA
0.17	0.06	-0.05	-0.03	8.40E-06	0.024	0.0011	0.059	NA	NA	NA	NA
0.18	0.03	-0.12	-0.09	1.00E-05	0.25	1.90E-08	0.00028	NA	NA	NA	NA
0.36	0.04	0.03	0.05	1.70E-05	0.85	0.41	0.12	NA	NA	NA	NA
0.11	0.09	-0.06	-0.02	1.70E-05	0.00034	0.00085	0.37	NA	NA	NA	NA
0.12	0.09	-0.04	0.02	2.90E-05	3.60E-05	0.00082	0.043	NA	NA	NA	NA
0.18	0.06	-0.08	-0.03	3.60E-05	0.026	1.00E-07	0.094	NA	NA	NA	NA
0.41	0.3	-0.05	-0.02	4.50E-05	1.20E-08	0.098	0.56	NA	NA	NA	NA
0.09	0.12	-0.03	0.05	5.10E-05	9.20E-05	0.27	0.097	NA	NA	NA	NA
0.37	0.05	0	0.07	5.40E-05	0.26	1	0.035	NA	NA	NA	NA

0.25	-0.04	0	0.02	0.00012	0.1	1	0.26	NA	NA	NA	NA
0.9	0.04	-0.08	-0.07	0.00013	0.48	0.081	0.24	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.06	-0.04	0.00016	0.055	5.70E-05	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.19	0.12	-0.09	0.03	0.00018	0.018	8.60E-06	0.17	NA	NA	NA	NA
0.17	0.03	-0.05	0.03	0.00023	0.28	6.20E-05	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.04	0	0.05	0.00028	0.27	0.98	0.011	NA	NA	NA	NA
0.14	0.14	0	0.07	0.00031	8.30E-06	0.93	4.20E-05	NA	NA	NA	NA
0.24	0.18	0.01	0.05	0.00042	0.0039	0.85	0.32	NA	NA	NA	NA
0.06	0.11	0.04	0.05	0.00049	4.70E-09	0.0039	0.00037	NA	NA	NA	NA
0.15	0.01	-0.03	0	0.00051	0.68	0.021	0.77	NA	NA	NA	NA
0.39	0.3	-0.04	-0.03	0.00072	0.0019	0.14	0.42	NA	NA	NA	NA
0.26	0.08	-0.06	0.02	0.00082	0.29	0.0013	0.39	NA	NA	NA	NA
0.49	0.11	0	-0.02	0.0011	0.89	1	0.73	NA	NA	NA	NA
0.12	0	-0.11	-0.08	0.0012	1	1.90E-07	0.00066	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	-0.05	0.01	0.0015	0.0029	4.30E-05	0.62	NA	NA	NA	NA
0.15	0.06	-0.05	0.01	0.0018	0.0025	7.00E-05	0.7	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.01	-0.01	0.03	0.0025	0.83	0.55	0.24	NA	NA	NA	NA
0.24	0.29	-0.02	-0.01	0.0026	0.0014	0.61	0.99	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	-0.05	0.03	0.0026	0.00031	1.70E-05	0.16	NA	NA	NA	NA
0.55	0.84	-0.1	-0.06	0.0029	1.00E-04	0.038	0.37	NA	NA	NA	NA
0.08	0.09	-0.02	0.01	0.003	9.20E-05	0.17	0.56	NA	NA	NA	NA
0.07	0.1	-0.03	0.03	0.0034	7.90E-05	0.055	0.2	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.01	-0.05	0.02	0.0038	0.65	2.40E-05	0.21	NA	NA	NA	NA
0.9	0.01	0.01	0.03	0.0039	1	0.65	0.21	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	-0.06	-0.03	0.0054	0.00042	0.00011	0.042	NA	NA	NA	NA
0.05	0.08	0	0.04	0.0063	6.60E-06	0.65	8.10E-05	NA	NA	NA	NA
-0.35	0.07	-0.05	0.01	0.0073	1	0.49	1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.02	0.02	0.0085	0.12	0.18	0.21	NA	NA	NA	NA
0.18	0.04	-0.07	0.02	0.0089	0.68	2.90E-05	0.46	NA	NA	NA	NA
0.14	0.21	0.07	0.01	0.009	8.40E-05	0.0078	0.72	NA	NA	NA	NA

0.03	0.01	-0.04	-0.01	0.0091	0.13	0.0093	0.64	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.02	0.01	0.0095	0.00016	0.043	0.55	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.1	-0.07	0	0.011	0.065	0.0042	0.99	NA	NA	NA	NA
-0.24	-0.13	-0.03	0.02	0.011	0.0042	0.54	0.62	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.05	-0.04	-0.02	0.011	0.027	0.17	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.88	0	-0.18	-0.13	0.012	1	0.058	0.57	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.12	-0.09	0.02	0.013	0.015	0.00025	0.56	NA	NA	NA	NA
0.15	0.02	-0.03	-0.04	0.013	0.57	0.1	0.063	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.03	0	0.02	0.013	0.28	0.99	0.36	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.02	0.01	0.014	0.13	0.073	0.51	NA	NA	NA	NA
0.24	-0.04	0.02	0.08	0.016	0.21	0.37	0.0012	NA	NA	NA	NA
0.57	0.43	-0.09	-0.01	0.016	0.012	0.016	0.92	NA	NA	NA	NA
0.15	0.1	-0.05	0	0.018	0.055	0.077	1	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.05	-0.04	0.02	0.58	0.00083	0.0072	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	0.01	0.04	0.021	0.79	0.65	0.031	NA	NA	NA	NA
0.23	-0.06	0	0.07	0.022	0.38	1	0.038	NA	NA	NA	NA
0.17	0.07	-0.05	0	0.022	0.098	0.065	0.97	NA	NA	NA	NA
0.15	0.31	-0.05	0.12	0.022	5.60E-07	0.12	0.0013	NA	NA	NA	NA
0.11	0.05	-0.06	0.12	0.022	0.35	0.027	2.00E-05	NA	NA	NA	NA
-0.26	NA	-0.09	-0.02	0.023	NA	0.041	0.84	NA	NA	NA	NA
-0.22	-0.26	0.11	0.03	0.024	0.0017	0.015	0.56	NA	NA	NA	NA
0.34	NA	-0.07	0.01	0.024	NA	0.27	0.93	NA	NA	NA	NA
0.64	-0.21	0.05	-0.08	0.025	0.0085	0.56	0.25	NA	NA	NA	NA
0.21	0.3	-0.02	0.07	0.025	0.00035	0.37	0.0071	NA	NA	NA	NA
0.47	0.17	0.02	0.31	0.026	0.43	0.69	4.90E-09	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.06	0.03	0.026	0.42	5.00E-04	0.25	NA	NA	NA	NA
0.11	0.03	-0.01	0.05	0.028	0.34	0.62	0.048	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.04	-0.06	0.029	0.44	0.065	0.0023	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.01	0.03	0.03	0.064	0.64	0.079	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	-0.07	0.04	0.032	0.44	0.00042	0.061	NA	NA	NA	NA

0.05	0.07	-0.03	-0.02	0.033	0.0061	0.024	0.09	NA	NA	NA	NA
0.16	0.15	0.04	0.02	0.033	0.0017	0.19	0.52	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	-0.05	-0.02	0.033	0.00043	7.90E-05	0.24	NA	NA	NA	NA
0.08	0.29	-0.03	-0.01	0.036	8.60E-08	0.2	0.79	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	-0.04	-0.01	0.037	0.13	0.041	0.76	NA	NA	NA	NA
0.04	0.1	-0.05	0.02	0.038	1.50E-06	0.0015	0.33	NA	NA	NA	NA
0.08	0.11	-0.04	-0.05	0.039	0.029	0.014	0.0059	NA	NA	NA	NA
0.5	0.1	-0.01	0.06	0.039	0.45	0.66	0.057	NA	NA	NA	NA
0.08	0.06	-0.05	0.04	0.044	0.074	0.011	0.1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	0.02	0.1	0.045	0.51	0.58	0.014	NA	NA	NA	NA
0.06	0.07	-0.04	0.03	0.045	0.074	0.04	0.17	NA	NA	NA	NA
0.14	0.02	0.06	0.11	0.045	0.83	0.013	5.20E-06	NA	NA	NA	NA
0.17	0.04	0.02	0.08	0.049	0.39	0.55	0.00044	NA	NA	NA	NA
0.21	0.15	0.03	0.14	0.051	0.21	0.6	0.025	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	-0.07	0.03	0.055	0.0084	4.30E-06	0.069	NA	NA	NA	NA
0.11	0.05	-0.04	0.01	0.056	0.062	0.042	0.68	NA	NA	NA	NA
0.15	0.13	-0.03	0.01	0.057	0.33	0.66	1	NA	NA	NA	NA
0.91	0.13	0.23	0.24	0.058	0.85	0.3	0.068	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.06	-0.04	-0.04	0.06	1.30E-06	0.0042	0.0057	NA	NA	NA	NA
0.12	0.03	-0.07	-0.02	0.061	0.37	7.70E-06	0.35	NA	NA	NA	NA
0.19	NA	-0.08	-0.04	0.062	NA	0.0033	0.24	NA	NA	NA	NA
0.06	0.09	-0.01	0.06	0.065	0.038	0.65	0.0026	NA	NA	NA	NA
0.09	0.01	0.09	0.08	0.074	1	0.0015	0.0018	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.11	-0.11	0.05	0.076	0.041	5.70E-05	0.15	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.02	-0.02	0.06	0.078	0.59	0.37	0.0063	NA	NA	NA	NA
0.08	0.09	-0.05	0	0.08	0.00052	0.00027	1	NA	NA	NA	NA
0.07	0.18	-0.01	0	0.087	1.20E-07	0.6	0.9	NA	NA	NA	NA
-0.22	-0.24	-0.11	-0.07	0.09	0.00046	4.30E-06	0.022	NA	NA	NA	NA
0.16	0.03	0.01	0.07	0.097	0.74	0.91	0.038	NA	NA	NA	NA
0.08	0.1	0	0.04	0.1	0.013	0.93	0.032	NA	NA	NA	NA

0.3	0.03	-0.02	0	0.1	1	0.81	1	NA	NA	NA	NA
0.11	0.16	-0.07	-0.05	0.1	0.018	0.0036	0.05	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.03	-0.01	0.03	0.11	0.58	0.54	0.086	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.14	-0.07	0	0.11	0.055	0.0017	0.97	NA	NA	NA	NA
0.21	0.06	-0.06	0.05	0.11	0.91	0.17	0.45	NA	NA	NA	NA
0.06	0.21	0.01	0.09	0.11	3.20E-05	0.66	0.00021	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	-0.01	0.03	0.11	0.1	0.73	0.044	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.04	0.06	0.11	0.24	0.058	0.002	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.04	0.01	0.11	0.4	0.016	0.86	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	-0.05	-0.03	0.11	0.015	0.0015	0.11	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	0.01	0.04	0.12	0.0082	0.69	0.015	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.08	-0.05	0.12	0.053	2.10E-05	0.0059	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.03	0.03	0.13	0.49	0.002	0.012	NA	NA	NA	NA
0.12	0	-0.1	-0.02	0.13	1	0.01	0.84	NA	NA	NA	NA
0.26	0.08	-0.04	-0.05	0.14	0.59	0.39	0.23	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	0.01	0.04	0.15	1.90E-05	0.39	0.0064	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.06	0.01	0.15	0.43	0.00057	0.71	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.02	0	0.15	0.4	0.14	0.79	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.01	0.05	0.15	1	0.8	0.039	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.11	-0.07	0.15	0.85	1.70E-08	0.00074	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.21	0.04	0.09	0.15	0.042	0.26	0.0071	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.02	0	0.15	0.46	0.11	0.93	NA	NA	NA	NA
0.48	NA	-0.08	0.03	0.15	NA	0.1	0.74	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	-0.02	0.01	0.16	0.15	0.13	0.45	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.01	-0.07	0.17	0.25	0.79	0.017	NA	NA	NA	NA
0.08	0.08	-0.06	-0.02	0.17	0.15	0.03	0.39	NA	NA	NA	NA
0.08	0.07	-0.06	-0.04	0.18	0.19	0.00092	0.063	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.13	-0.05	0.06	0.19	0.00034	6.70E-05	0.00098	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	0	0.02	0.19	0.0018	1	0.32	NA	NA	NA	NA
0.06	0.09	-0.07	0	0.19	8.90E-06	1.20E-05	0.81	NA	NA	NA	NA

0.91	NA	-0.08	0.01	0.21	NA	0.074	0.97	NA	NA	NA	NA
0.1	0.2	-0.04	0.09	0.22	0.00027	0.11	0.0056	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.08	0.16	0.22	0.9	0.12	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.03	0	0.03	0.23	0.42	0.96	0.16	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	0	0.03	0.24	0.33	0.98	0.17	NA	NA	NA	NA
0.06	0.15	-0.02	0.05	0.25	0.0018	0.29	0.01	NA	NA	NA	NA
0.11	0.05	-0.03	-0.03	0.26	0.39	0.6	0.53	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.02	-0.04	-0.01	0.26	0.85	0.011	0.47	NA	NA	NA	NA
0.06	0.26	-0.13	0.02	0.26	6.30E-06	4.10E-08	0.65	NA	NA	NA	NA
0.08	0.08	-0.05	-0.08	0.27	0.28	0.12	0.013	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.12	-0.06	-0.03	0.28	0.059	0.044	0.48	NA	NA	NA	NA
0.08	0	-0.01	0.09	0.3	1	0.8	1.50E-05	NA	NA	NA	NA
0.09	0.02	-0.1	-0.04	0.33	0.88	2.40E-06	0.13	NA	NA	NA	NA
0.1	0.06	-0.08	-0.07	0.33	0.17	0.027	0.074	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.08	-0.02	0.34	0.81	7.60E-05	0.46	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.01	0.02	0.35	0.28	0.17	0.065	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.02	0	0.35	0.19	0.12	0.87	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.03	0	0.36	1	0.063	0.91	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.02	-0.05	0.36	0.62	0.25	0.001	NA	NA	NA	NA
0.08	0.15	-0.08	0.02	0.36	0.054	0.00016	0.6	NA	NA	NA	NA
0.06	0.14	0	0.03	0.36	0.045	1	0.27	NA	NA	NA	NA
0.09	0.36	-0.08	0.03	0.36	0.0043	0.00091	0.32	NA	NA	NA	NA
-0.05	0	0.02	0.05	0.37	1	0.66	0.033	NA	NA	NA	NA
0.18	0.05	0.03	0.09	0.38	0.72	0.59	0.16	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.02	-0.07	-0.05	0.38	0.75	0.00086	0.019	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.05	-0.03	0.01	0.38	0.0091	0.093	0.5	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.05	0.01	-0.01	0.4	0.044	0.8	0.52	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	0.01	0.03	0.41	0.049	0.57	0.059	NA	NA	NA	NA
0.07	0	0.06	0	0.42	1	0.34	1	NA	NA	NA	NA
0.22	0.08	-0.08	0	0.42	0.64	0.17	1	NA	NA	NA	NA

-0.1	-0.1	-0.05	-0.05	0.42	0.062	0.052	0.067	NA	NA	NA	NA
0.11	0.07	0.08	0.17	0.42	0.37	0.023	2.50E-06	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.01	-0.07	-0.01	0.43	1	0.018	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.19	-0.08	0.02	0.43	0.066	0.00011	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.15	0.04	0.07	0.43	0.53	0.22	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.18	0.03	0.03	0.43	6.00E-04	0.25	0.23	NA	NA	NA	NA
0.15	0.14	-0.04	-0.02	0.43	3.00E-04	0.16	0.53	NA	NA	NA	NA
0.89	0.58	-0.24	-0.07	0.43	0.0097	0.002	0.53	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.05	-0.1	0.1	0.44	1	0.038	0.17	NA	NA	NA	NA
0.25	-0.13	-0.07	-0.13	0.45	0.66	0.43	0.14	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.01	0.06	0.45	0.25	0.54	0.0052	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.04	0.01	0.46	0.25	0.00062	0.72	NA	NA	NA	NA
0.05	0.1	-0.02	0	0.46	0.021	0.5	0.93	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.08	0	0.02	0.47	0.14	1	0.42	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	0	0	0.47	0.15	1	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.05	-0.03	-0.04	0.47	0.21	0.34	0.05	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.03	0	0.48	0.00048	0.031	0.95	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.06	0.05	0.48	0.89	0.0062	0.037	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.08	-0.03	0.49	0.71	6.40E-05	0.1	NA	NA	NA	NA
0.79	-0.03	-0.13	-0.1	0.49	0.64	2.40E-07	0.00041	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.06	-0.09	-0.09	0.49	0.46	0.00042	0.00096	NA	NA	NA	NA
0.04	0.24	-0.08	-0.06	0.5	7.90E-06	0.081	0.29	NA	NA	NA	NA
0.09	0	0.01	0.1	0.5	1	0.78	4.70E-05	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.07	-0.07	0	0.51	0.12	5.40E-05	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.16	-0.03	0.09	0.51	0.089	0.2	0.085	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	0	0.06	0.51	0.5	0.9	0.0059	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.03	0.06	0.52	0.91	0.075	7.80E-05	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.06	-0.09	-0.02	0.53	0.1	2.60E-06	0.52	NA	NA	NA	NA
0.07	0.22	0	0	0.53	0.00013	0.92	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0.1	-0.01	0.05	0.54	0.064	0.61	0.0091	NA	NA	NA	NA

0.06	0.04	-0.07	-0.06	0.54	0.69	0.022	0.038	NA	NA	NA	NA
0.39	0.14	-0.06	0	0.54	0.16	0.05	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	-0.01	0.02	0.55	0.0061	0.34	0.086	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.17	-0.06	-0.01	0.55	0.0059	0.00053	0.62	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.08	0.1	0.03	0.55	0.084	0.00013	0.29	NA	NA	NA	NA
0.06	0.11	-0.06	0.02	0.56	0.27	0.0035	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.19	0.01	-0.01	0.04	0.56	1	1	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.18	-0.08	-0.1	0.57	0.013	0.016	3.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.04	0.26	-0.1	-0.09	0.57	0.029	0.015	0.036	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.42	-0.07	0.01	0.58	6.10E-09	0.084	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.02	0.09	0.6	0.36	0.31	2.20E-05	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.04	-0.05	-0.04	0.6	0.39	0.073	0.098	NA	NA	NA	NA
0.04	0.06	-0.1	-0.03	0.6	0.39	8.60E-05	0.25	NA	NA	NA	NA
0.11	0.06	-0.11	-0.03	0.6	0.023	9.10E-08	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.04	0.01	0.6	0.8	0.0069	0.33	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	0.04	0.06	0.6	0.22	0.047	0.0013	NA	NA	NA	NA
0.05	0.15	-0.03	-0.04	0.61	0.026	0.22	0.078	NA	NA	NA	NA
-0.83	-0.75	-0.05	-0.05	0.61	0.82	0.36	0.5	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.5	-0.07	-0.04	0.62	2.00E-04	0.024	0.19	NA	NA	NA	NA
0.73	0.37	0	0.16	0.62	0.011	1	0.02	NA	NA	NA	NA
0.07	0.13	-0.09	-0.06	0.62	0.0026	3.80E-05	0.0075	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	0.01	-0.01	0.63	0.012	0.56	0.48	NA	NA	NA	NA
0.02	0.12	-0.03	0.01	0.63	1.40E-06	0.14	0.82	NA	NA	NA	NA
0.04	0.06	-0.04	-0.05	0.64	0.17	0.033	0.017	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.04	0.06	0.64	1	0.099	0.066	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.01	0.02	0.65	0.93	0.6	0.42	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.02	-0.08	-0.04	0.65	0.62	2.80E-06	0.035	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.08	0.07	0.68	0.51	0.00049	0.02	NA	NA	NA	NA
0.71	0.06	-0.2	0.04	0.69	0.84	0.084	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.11	0	0.09	0.69	0.00053	0.9	3.10E-07	NA	NA	NA	NA

0.03	0.02	0	0.19	0.69	0.86	0.96	1.70E-08	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.07	-0.04	0.7	0.49	0.00014	0.053	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.03	-0.04	-0.01	0.7	0.86	0.11	0.87	NA	NA	NA	NA
0.69	-0.18	-0.03	-0.02	0.71	0.2	0.62	0.62	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.03	-0.01	0.71	0.13	0.11	0.87	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.05	-0.04	0.02	0.71	0.79	0.07	0.43	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.02	0.03	0.72	0.16	0.41	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.19	-0.07	0	0.73	0.039	0.0047	0.95	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.06	0.01	0.13	0.73	0.06	0.84	8.20E-05	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.21	-0.02	0.06	0.73	4.20E-06	0.45	0.018	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.01	0	0.74	0.37	0.72	0.96	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.11	-0.07	0.74	0.88	3.20E-05	0.017	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	0.02	0.07	0.74	0.71	0.45	0.0053	NA	NA	NA	NA
-0.24	NA	0.05	0.13	0.74	NA	0.45	0.0085	NA	NA	NA	NA
0.02	0.11	-0.03	0.04	0.75	0.0065	0.17	0.048	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	0.01	0.06	0.76	0.66	0.46	0.0015	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.07	0.01	0.03	0.77	0.056	0.74	0.077	NA	NA	NA	NA
0.67	-0.25	-0.08	0.04	0.77	0.099	0.12	0.65	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.01	0.03	0.77	0.84	0.2	0.0071	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.07	-0.01	0	0.78	0.07	0.61	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.04	-0.03	0.04	0.79	0.57	0.088	0.05	NA	NA	NA	NA
0.05	0.13	-0.01	0.08	0.79	0.0094	0.85	0.003	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	0.01	0.06	0.79	0.38	0.86	0.12	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.03	-0.04	0	0.8	0.38	3.00E-04	0.94	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.22	-0.06	0.02	0.81	0.081	0.0041	0.47	NA	NA	NA	NA
0.01	0.1	0	0.11	0.81	0.037	1	0.0033	NA	NA	NA	NA
-0.5	-0.36	0	0.05	0.82	0.61	1	0.46	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	0.02	0.02	0.83	0.38	0.38	0.23	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	0.01	0.01	0.83	0.011	0.57	0.31	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.27	-0.08	-0.12	0.83	0.0017	0.028	0.00021	NA	NA	NA	NA

0	0.04	-0.04	0	0.83	0.0042	7.50E-05	0.75	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.02	-0.01	0.03	0.83	0.18	0.57	0.24	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.08	-0.02	0.87	0.74	6.40E-06	0.29	NA	NA	NA	NA
0.02	0.1	-0.02	-0.09	0.88	0.054	0.57	5.90E-05	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.03	0.03	0.89	0.22	0.092	0.078	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.02	0.06	0.89	0.59	0.18	0.0035	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.04	-0.07	0.9	0.68	0.17	0.013	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.26	-0.04	0.09	0.9	2.70E-07	0.03	0.0011	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.05	-0.02	0.91	0.14	0.00077	0.12	NA	NA	NA	NA
0.2	0.12	0.01	-0.02	0.92	0.26	0.91	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.1	-0.03	0	0.93	0.0052	0.1	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.08	-0.01	0.01	0.93	0.058	0.35	0.42	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.31	0.01	0.11	0.93	0.014	0.75	0.0062	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.02	-0.04	0.93	0.86	0.39	0.057	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.04	0.03	0.93	0.24	0.081	0.45	NA	NA	NA	NA
0.01	0.12	-0.04	0	0.93	0.0022	0.026	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.59	0.08	0.02	0.95	0.00015	0.002	0.71	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.08	-0.06	0.97	0.8	0.00079	0.019	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.01	0.05	0.97	0.67	0.42	0.042	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.05	-0.03	-0.02	0.98	0.86	0.37	0.47	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.02	0.02	0.99	0.27	0.36	0.3	NA	NA	NA	NA
0	0.04	0.03	-0.01	0.99	0.38	0.39	0.73	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.04	0.04	0.08	1	0.98	0.32	0.01	NA	NA	NA	NA
0.05	0.22	0.14	0.11	1	0.27	0.55	0.03	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.04	0.05	1	0.56	0.0013	0.00034	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.04	-0.06	0.04	1	0.89	0.031	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.15	-0.14	1	1	8.40E-05	0.00013	NA	NA	NA	NA
0.01	0.14	-0.06	0.05	1	0.046	0.041	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.07	-0.08	-0.03	1	0.23	0.0082	0.3	NA	NA	NA	NA
0.11	0.11	-0.02	0.04	1	0.52	0.63	0.36	NA	NA	NA	NA

0.02	0.09	-0.05	0	1	0.35	0.076	0.97	NA	NA	NA	NA
0	0.17	0.02	0.01	1	0.0043	0.68	0.92	NA	NA	NA	NA
0.02	0.1	-0.02	0.08	1	0.074	0.41	0.001	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.04	0.03	1	1	0.052	0.29	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.05	0.11	1	1	0.0019	4.60E-07	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.05	0.05	1	0.77	0.0014	0.046	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.03	0.09	1	0.41	0.51	0.017	NA	NA	NA	NA
0.07	NA	-0.04	0.02	1	NA	0.26	0.42	NA	NA	NA	NA
0.08	0.02	-0.14	-0.06	1	0.8	1.10E-05	0.093	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.02	-0.03	1	0.42	0.85	0.61	NA	NA	NA	NA
0.01	0.1	-0.03	0	1	0.081	0.16	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	-0.12	0.06	1	1	7.60E-05	0.23	NA	NA	NA	NA
0	NA	0	0.06	1	NA	1	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.02	-0.02	1	0.58	0.25	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.11	-0.12	-0.11	1	1	0.072	0.084	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.05	0.01	1	0.68	0.16	0.98	NA	NA	NA	NA
0	0.15	-0.15	-0.04	1	0.013	2.80E-06	0.35	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.01	-0.06	1	1	1	0.25	NA	NA	NA	NA
0.01	0.12	-0.06	0	1	0.015	0.0099	1	NA	NA	NA	NA
0	-0.05	-0.01	0.1	1	0.35	0.85	0.006	NA	NA	NA	NA
0	0.17	-0.01	-0.01	1	3.80E-05	0.67	0.57	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	0.02	0.08	1	0.76	0.69	0.047	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.1	-0.02	1	0.89	0.013	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.08	-0.05	0	1	0.28	0.026	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.06	0.01	1	0.8	0.021	0.79	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.11	-0.12	1	0.7	1.70E-05	3.30E-05	NA	NA	NA	NA
0.07	0.56	0.06	-0.02	1	0.005	0.5	0.85	NA	NA	NA	NA
0	0.09	-0.05	0.02	1	0.17	0.55	0.96	NA	NA	NA	NA
0.03	0.13	-0.03	0.03	1	0.016	0.25	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.04	0	0.03	1	0.56	0.91	0.15	NA	NA	NA	NA

NA	NA	0.08	0.21	NA	NA	1	0.34	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.12	0.01	NA	1	0.0035	0.96	NA	NA	NA	NA
NA	0.05	0.09	0.02	NA	0.9	0.016	0.46	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.07	0.01	NA	NA	0.17	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.92	-0.06	-0.09	NA	0.16	0.18	0.04	NA	NA	NA	NA
NA	-0.07	-0.04	0.07	NA	0.91	0.63	0.26	NA	NA	NA	NA
NA	0.01	-0.04	0.01	NA	1	0.45	0.99	NA	NA	NA	NA
NA	0.55	0.5	0.5	NA	1	0.28	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0.09	NA	NA	0.75	0.56	NA	NA	NA	NA
NA	0.11	0.05	0.14	NA	0.84	0.56	0.13	NA	NA	NA	NA
NA	0.02	-0.02	0.01	NA	0.34	0.69	0.96	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	0.04	NA	NA	0.28	0.4	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.07	NA	NA	NA	0.97	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.01	0.03	-0.05	NA	0.9	0.47	0.13	NA	NA	NA	NA
0.29	0.03	-0.07	-0.07	1.10E-08	0.4	0.021	0.025	NA	NA	NA	NA
0.54	0.18	-0.06	-0.04	1.40E-08	0.0088	0.047	0.19	NA	NA	NA	NA
0.31	0.07	-0.1	-0.05	4.80E-08	0.42	0.22	0.61	NA	NA	NA	NA
0.2	0.02	-0.01	0.01	8.50E-08	0.56	0.65	0.67	NA	NA	NA	NA
0.21	0.09	-0.03	0.02	1.80E-07	0.00078	0.089	0.37	NA	NA	NA	NA
0.17	0.06	-0.04	-0.03	3.10E-07	0.021	0.0098	0.019	NA	NA	NA	NA
0.16	0.04	-0.07	-0.01	3.40E-07	0.15	3.20E-07	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.22	-0.06	-0.03	0.01	5.10E-07	0.065	0.27	0.83	NA	NA	NA	NA
0.14	0.04	-0.01	0.02	6.60E-07	0.039	0.65	0.078	NA	NA	NA	NA
0.07	0.08	0	0.02	1.20E-06	1.30E-09	0.71	0.072	NA	NA	NA	NA
0.09	0.03	-0.02	0.02	1.20E-06	0.051	0.12	0.33	NA	NA	NA	NA
0.11	0	0	0.03	1.40E-06	0.93	0.94	0.039	NA	NA	NA	NA
-0.39	-0.41	-0.18	-0.1	2.40E-06	1.10E-08	0.0018	0.068	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.03	0.02	0.02	2.90E-06	0.64	0.4	0.17	NA	NA	NA	NA

0.28	0.02	0	0.01	4.10E-06	0.71	0.9	0.8	NA	NA	NA	NA
0.11	0.08	-0.03	-0.01	5.60E-06	0.00013	0.0037	0.56	NA	NA	NA	NA
0.24	0.22	-0.01	0.03	6.10E-06	1.10E-06	0.52	0.13	NA	NA	NA	NA
0.94	NA	0	NA	7.80E-06	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
0.37	0.08	-0.03	0.07	8.50E-06	0.083	0.05	7.40E-05	NA	NA	NA	NA
0.11	0.06	-0.04	0.01	1.20E-05	0.011	0.0041	0.38	NA	NA	NA	NA
0.26	0.17	-0.08	0.02	1.70E-05	0.00012	0.00068	0.67	NA	NA	NA	NA
-0.42	-0.31	-0.04	0.22	1.80E-05	0.0053	0.47	0.00069	NA	NA	NA	NA
0.05	0	0	0.03	1.80E-05	0.95	0.87	0.038	NA	NA	NA	NA
0.18	0.01	-0.03	0.01	2.00E-05	0.68	0.25	0.78	NA	NA	NA	NA
0.6	0	-0.07	0.1	2.10E-05	1	0.0071	0.067	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.07	-0.03	2.30E-05	0.8	9.70E-06	0.19	NA	NA	NA	NA
0.19	0.17	-0.02	0.04	2.60E-05	1.10E-07	0.18	0.041	NA	NA	NA	NA
-0.21	-0.22	-0.02	0.03	2.80E-05	3.60E-07	0.27	0.075	NA	NA	NA	NA
0.96	NA	0.05	0	3.20E-05	NA	0.19	1	NA	NA	NA	NA
-0.5	NA	-0.04	-0.02	3.60E-05	NA	1.10E-05	0.06	NA	NA	NA	NA
0.39	0.13	-0.03	0.02	5.70E-05	0.04	0.05	0.26	NA	NA	NA	NA
0.15	-0.06	-0.03	0.02	7.10E-05	0.034	0.22	0.46	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.16	-0.04	-0.02	0.00013	2.50E-06	0.0072	0.17	NA	NA	NA	NA
0.28	0.03	-0.04	0.01	0.00014	0.44	0.032	0.7	NA	NA	NA	NA
0.21	0.01	-0.04	0.04	2.00E-04	0.92	0.056	0.07	NA	NA	NA	NA
0.25	0.07	0.04	0.07	2.00E-04	0.19	0.56	0.15	NA	NA	NA	NA
0.22	-0.04	-0.08	-0.05	0.00022	0.33	8.80E-05	0.022	NA	NA	NA	NA
0.19	0.08	-0.04	-0.04	0.00027	0.078	0.027	0.052	NA	NA	NA	NA
0.29	0.16	-0.05	0.09	0.00034	0.0019	0.07	0.0056	NA	NA	NA	NA
0.66	0.05	-0.02	0.12	0.00038	1	0.59	0.012	NA	NA	NA	NA
0.29	0.14	-0.02	0.13	0.00049	0.055	0.57	0.0096	NA	NA	NA	NA
0.63	0.28	-0.06	-0.04	0.00054	0.18	0.18	0.54	NA	NA	NA	NA
0.11	0.1	-0.08	0.05	0.00055	0.017	3.20E-06	0.078	NA	NA	NA	NA
0.61	0.68	0.08	0.15	0.00057	0.011	0.39	0.14	NA	NA	NA	NA

0.1	0.03	-0.01	0.01	6.00E-04	0.2	0.64	0.52	NA	NA	NA	NA
0.64	0.05	-0.04	0	0.00061	1	0.18	1	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.05	-0.03	0.03	0.00066	0.21	0.0098	0.088	NA	NA	NA	NA
-0.24	-0.12	-0.07	0	0.00074	0.24	0.025	0.98	NA	NA	NA	NA
0.25	0.08	0.3	0.22	0.00078	0.24	4.30E-07	0.0063	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.04	-0.01	0.00079	4.20E-06	5.80E-09	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.59	-0.25	-0.03	0.02	8.00E-04	0.36	0.3	0.65	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.03	0	0.02	0.00082	0.19	0.87	0.4	NA	NA	NA	NA
0.1	0.09	-0.05	-0.01	0.00086	4.50E-05	0.00074	0.32	NA	NA	NA	NA
0.27	0.12	-0.02	0.04	0.00098	0.033	0.25	0.079	NA	NA	NA	NA
0.54	0.05	-0.02	0.01	0.001	0.37	0.58	0.86	NA	NA	NA	NA
0.16	0.03	0	0.07	0.0011	0.37	0.91	7.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.13	0.02	-0.05	-0.01	0.0012	0.47	0.0036	0.44	NA	NA	NA	NA
0.08	0.04	-0.06	-0.02	0.0013	0.055	4.20E-06	0.27	NA	NA	NA	NA
0.12	0	-0.03	0.01	0.0014	0.95	0.32	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.44	-0.45	0	0.04	0.0014	0.012	1	0.86	NA	NA	NA	NA
0.08	0.01	-0.04	0.01	0.0018	0.61	0.0097	0.42	NA	NA	NA	NA
0.13	0.02	-0.02	0.04	0.0019	0.55	0.23	0.0061	NA	NA	NA	NA
0.12	0.1	0	0	0.0022	0.0032	0.92	0.82	NA	NA	NA	NA
0.27	0	-0.04	-0.02	0.0025	1	0.16	0.42	NA	NA	NA	NA
0.55	0.1	-0.09	-0.03	0.0025	0.49	3.60E-05	0.27	NA	NA	NA	NA
0.9	0.21	-0.08	0.17	0.0028	0.39	0.063	0.0019	NA	NA	NA	NA
0.2	0	-0.04	-0.03	0.0029	1	0.13	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.01	-0.06	-0.03	0.0033	0.59	5.90E-08	0.047	NA	NA	NA	NA
0.1	0	-0.01	0.02	0.0034	0.96	0.51	0.14	NA	NA	NA	NA
0.13	0.06	-0.01	0.03	0.0036	0.024	0.28	0.057	NA	NA	NA	NA
0.08	0.09	-0.06	-0.03	0.004	2.20E-05	0.0015	0.19	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	-0.05	-0.02	0.004	0.00069	2.40E-05	0.1	NA	NA	NA	NA
0.58	0.03	-0.28	-0.02	0.0043	1	4.30E-07	0.87	NA	NA	NA	NA
0.25	0.23	-0.07	-0.09	0.0051	0.00022	0.094	0.047	NA	NA	NA	NA

0.07	0.04	-0.04	0.02	0.0053	0.017	0.0017	0.11	NA	NA	NA	NA
0.08	0.01	-0.03	-0.01	0.0056	0.85	0.056	0.65	NA	NA	NA	NA
0.25	0.24	-0.1	-0.09	0.0058	0.00085	0.0023	0.0058	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.03	-0.03	-0.01	0.0061	0.38	0.037	0.76	NA	NA	NA	NA
0.21	0.02	-0.1	-0.04	0.0063	0.83	1.70E-09	0.081	NA	NA	NA	NA
0.08	0.08	0	0.04	0.0067	0.012	1	0.02	NA	NA	NA	NA
0.27	0.04	-0.13	-0.08	0.0067	0.46	3.90E-05	0.052	NA	NA	NA	NA
0.15	0.2	-0.03	0.02	0.0077	7.60E-08	0.035	0.15	NA	NA	NA	NA
0.2	0.17	-0.05	0.02	0.0087	0.0045	0.13	0.68	NA	NA	NA	NA
0.2	0.21	0.02	0.04	0.0093	0.0054	0.55	0.16	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.01	-0.13	-0.12	0.0094	0.67	2.00E-08	6.60E-07	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.01	0	0.0094	0.68	0.41	0.91	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.02	0.02	0.01	0.87	0.05	0.059	NA	NA	NA	NA
0.11	0.07	-0.04	0.07	0.01	0.0012	0.0034	1.10E-05	NA	NA	NA	NA
0.08	0.1	-0.01	-0.01	0.011	4.10E-05	0.72	0.45	NA	NA	NA	NA
0.15	0.4	0.09	0.05	0.011	1.30E-07	0.0083	0.11	NA	NA	NA	NA
0.07	0.09	-0.01	0.02	0.012	6.50E-05	0.72	0.25	NA	NA	NA	NA
0.11	0.1	-0.05	0.03	0.013	0.0073	0.015	0.19	NA	NA	NA	NA
0.55	0.25	0	0.16	0.014	0.097	1	0.017	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.03	-0.01	0.015	0.89	0.089	0.73	NA	NA	NA	NA
0.1	0.1	-0.05	0	0.016	0.00054	0.0048	0.95	NA	NA	NA	NA
0.1	0.01	0.01	0.07	0.016	1	0.84	0.0086	NA	NA	NA	NA
0.17	-0.04	-0.06	-0.02	0.017	0.27	0.00036	0.23	NA	NA	NA	NA
0.2	0.15	-0.05	-0.01	0.018	0.049	0.0051	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.11	-0.04	-0.03	0.018	0.016	0.083	0.15	NA	NA	NA	NA
0.3	0.28	-0.04	0.34	0.018	0.012	0.67	0.0028	NA	NA	NA	NA
0.44	0.27	-0.07	-0.11	0.019	0.19	0.049	0.00042	NA	NA	NA	NA
0.18	0.24	-0.02	0.05	0.023	2.90E-05	0.4	0.01	NA	NA	NA	NA
0.22	0.05	-0.04	-0.01	0.023	0.4	0.15	0.67	NA	NA	NA	NA
0.11	0.09	-0.08	-0.02	0.023	0.0022	0.00037	0.5	NA	NA	NA	NA

0.07	0	-0.03	0.02	0.025	0.91	0.0071	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.21	0.18	-0.11	-0.01	0.026	0.22	3.40E-06	0.76	NA	NA	NA	NA
0.18	0.07	-0.06	-0.07	0.028	0.28	0.0064	0.0026	NA	NA	NA	NA
0.08	0.02	-0.04	0.02	0.029	0.49	0.00025	0.17	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.03	0.05	0.029	0.25	0.041	0.0039	NA	NA	NA	NA
0.24	0.03	-0.01	0.03	0.03	0.83	0.96	0.64	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.06	-0.03	0.031	0.18	0.00013	0.043	NA	NA	NA	NA
0.07	0.1	-0.03	0.02	0.031	0.00012	0.0067	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.07	0.01	0.08	0.032	0.12	0.82	2.70E-05	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	-0.06	-0.01	0.033	0.0014	3.80E-05	0.62	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.05	0	0.034	0.74	2.10E-05	0.92	NA	NA	NA	NA
0.05	0.09	-0.04	-0.02	0.037	6.90E-06	0.0033	0.24	NA	NA	NA	NA
0.12	0.06	-0.05	-0.01	0.04	0.063	0.03	0.63	NA	NA	NA	NA
0.09	0.13	0.03	0.02	0.044	7.60E-05	0.17	0.19	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.03	-0.01	0.044	0.2	0.07	0.67	NA	NA	NA	NA
0.11	0.01	-0.05	0.06	0.047	1	0.021	0.029	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	-0.02	0.04	0.049	0.23	0.25	0.022	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.02	-0.05	0.03	0.051	0.71	0.00049	0.14	NA	NA	NA	NA
0.14	0.08	-0.12	-0.06	0.052	0.27	1.80E-07	0.062	NA	NA	NA	NA
0.2	0.18	-0.01	0.02	0.054	0.094	0.81	0.49	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	0	0.04	0.056	0.14	1	0.19	NA	NA	NA	NA
0.19	0.18	0.02	0.05	0.057	0.031	0.69	0.17	NA	NA	NA	NA
0.22	0.34	0.03	0.01	0.063	0.0061	0.56	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	-0.04	-0.03	0.063	0.38	0.0021	0.06	NA	NA	NA	NA
0.11	0.02	-0.05	-0.04	0.064	0.53	0.0023	0.0071	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.27	0.06	0.09	0.065	8.50E-06	0.1	0.023	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.01	-0.04	0.02	0.066	1	0.17	0.66	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.01	-0.03	0	0.069	0.67	0.013	1	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.01	-0.06	0.02	0.076	0.99	2.90E-05	0.36	NA	NA	NA	NA
0.08	0.07	-0.05	-0.05	0.076	0.5	0.015	0.025	NA	NA	NA	NA

0.07	0.13	-0.1	-0.08	0.077	8.90E-07	2.50E-05	0.00096	NA	NA	NA	NA
0.04	0.12	-0.01	0.01	0.077	6.30E-06	0.41	0.58	NA	NA	NA	NA
0.1	0.15	-0.09	0.02	0.084	0.0011	2.70E-05	0.57	NA	NA	NA	NA
0.11	0.1	-0.04	0.01	0.088	0.039	0.13	0.82	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.05	0.02	0.089	1	0.00023	0.16	NA	NA	NA	NA
0.1	0	-0.01	0.05	0.09	1	0.6	0.017	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.02	0.07	0.091	0.13	0.46	0.0012	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.08	-0.04	0.091	0.12	1.00E-09	0.009	NA	NA	NA	NA
-0.25	-0.06	-0.03	0	0.092	0.6	0.29	1	NA	NA	NA	NA
0.13	0.08	0.02	0.03	0.092	0.13	0.53	0.23	NA	NA	NA	NA
0.28	NA	0.01	0.09	0.096	NA	0.87	0.0032	NA	NA	NA	NA
0.05	0.09	-0.06	-0.01	0.099	0.00083	5.40E-06	0.44	NA	NA	NA	NA
0.19	0.08	-0.01	0.03	0.1	0.54	0.87	0.68	NA	NA	NA	NA
0.13	0.03	-0.04	0.04	0.1	0.33	0.085	0.13	NA	NA	NA	NA
0.2	0.03	-0.07	-0.07	0.11	0.64	0.0068	0.0055	NA	NA	NA	NA
0.28	0.39	-0.04	0.05	0.11	0.001	0.034	0.013	NA	NA	NA	NA
0.15	-0.09	0.09	0.04	0.11	0.24	0.39	0.78	NA	NA	NA	NA
0.22	-0.04	0	0.04	0.11	0.92	1	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.15	-0.05	0.03	0.11	0.00024	0.0022	0.14	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.02	-0.06	-0.02	0.11	0.48	1.30E-07	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.21	-0.05	0	0.11	0.00018	0.088	0.9	NA	NA	NA	NA
0.15	0.06	0.02	-0.01	0.11	0.51	0.61	0.9	NA	NA	NA	NA
0.08	0	-0.05	-0.03	0.11	1	0.028	0.21	NA	NA	NA	NA
0.23	0.1	-0.07	-0.09	0.12	0.057	0.14	0.04	NA	NA	NA	NA
0.11	0.06	-0.03	-0.01	0.12	0.17	0.095	0.46	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.04	0.02	0.12	0.38	0.00086	0.2	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.02	0.07	0.12	0.97	0.13	0.00019	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	-0.03	0.05	0.13	0.13	0.06	0.014	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.03	0.06	0.13	0.045	0.011	3.30E-05	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.11	-0.04	0.13	1	0.00044	0.35	NA	NA	NA	NA

0.93	0.13	0.07	0.03	0.13	0.46	0.34	0.94	NA	NA	NA	NA
0.05	0.11	-0.03	0.03	0.13	1.30E-06	0.029	0.044	NA	NA	NA	NA
0.17	0.2	0.03	0.04	0.14	0.021	0.14	0.069	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.05	-0.06	0.02	0.14	0.034	0.00073	0.36	NA	NA	NA	NA
0.1	0.16	-0.03	0.04	0.14	1.40E-05	0.1	0.062	NA	NA	NA	NA
0.16	0.02	-0.04	-0.04	0.14	1	0.35	0.43	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.19	-0.08	-0.02	0.14	0.0014	0.00011	0.5	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.07	0.05	0.1	0.14	0.34	0.15	0.00087	NA	NA	NA	NA
0.07	0.14	-0.05	0.03	0.14	1.40E-06	0.00033	0.068	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.08	0.04	0.11	0.15	0.045	0.21	2.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.29	NA	0.02	0.01	0.15	NA	0.66	0.77	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.15	0.03	0.69	0.15	0.11	0.73	2.40E-05	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.02	-0.02	0.01	0.15	0.5	0.043	0.68	NA	NA	NA	NA
0.06	0.1	0	0.06	0.15	0.004	0.94	0.0015	NA	NA	NA	NA
0.35	NA	-0.39	0	0.15	NA	0.018	1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.14	0	0.03	0.16	0.011	1	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.25	-0.05	0	0.16	0.33	0.04	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	0.01	0.01	0.16	0.11	0.58	0.6	NA	NA	NA	NA
0.3	0.2	0.01	0.02	0.17	0.17	0.85	0.74	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.08	-0.05	0.18	1	3.90E-08	0.00031	NA	NA	NA	NA
0.16	0.09	-0.03	-0.02	0.18	0.34	0.2	0.48	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	-0.07	0.01	0.18	0.36	0.017	0.94	NA	NA	NA	NA
0.06	0.12	-0.04	0.05	0.18	0.0044	0.0015	0.0018	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.08	-0.03	0.02	0.19	0.07	0.12	0.49	NA	NA	NA	NA
-0.38	0.5	-0.13	-0.04	0.19	1	3.80E-06	0.37	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.04	0.04	0.19	0.73	0.059	0.07	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.01	-0.07	0.02	0.19	0.9	0.013	0.67	NA	NA	NA	NA
0.9	0.02	-0.24	-0.15	0.2	0.89	0.17	0.6	NA	NA	NA	NA
0.04	0.12	-0.05	0.02	0.2	0.00044	0.00012	0.25	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	-0.07	-0.03	0.2	0.0015	1.10E-05	0.12	NA	NA	NA	NA

0.04	0.01	-0.03	0.04	0.2	0.86	0.012	0.0059	NA	NA	NA	NA
0.04	0.06	-0.02	0.01	0.2	0.078	0.32	0.54	NA	NA	NA	NA
0.04	0.16	-0.04	-0.01	0.2	4.50E-05	0.0091	0.64	NA	NA	NA	NA
0.9	0.31	-0.06	0.01	0.21	0.0077	0.083	1	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.28	-0.46	NA	0.21	0.0089	2.80E-09	NA	NA	NA	NA	NA
0.47	-0.04	-0.1	-0.06	0.23	0.87	0.0019	0.22	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.08	0	0.23	0.52	5.90E-05	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.04	-0.06	-0.01	0.23	0.25	1.90E-05	0.54	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	-0.01	0.07	0.23	0.065	0.65	0.00019	NA	NA	NA	NA
0.39	-0.09	-0.04	0.02	0.23	0.7	0.57	0.86	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.02	0.01	-0.04	0.24	1	1	0.32	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.02	-0.05	-0.02	0.24	0.71	0.004	0.42	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.06	0.03	0.24	0.19	4.90E-07	0.016	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.04	0.02	0.25	0.41	0.00055	0.056	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.33	-0.07	-0.01	0.26	0.1	0.00018	0.66	NA	NA	NA	NA
0.16	NA	-0.01	0.08	0.27	NA	0.89	0.0041	NA	NA	NA	NA
0.06	0.07	-0.04	0.01	0.27	0.16	0.088	0.76	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.05	-0.04	0.02	0.27	0.079	0.0013	0.18	NA	NA	NA	NA
0.08	0.02	-0.03	-0.05	0.27	0.77	0.39	0.037	NA	NA	NA	NA
0.08	0.35	0	0.16	0.28	1.50E-07	0.93	1.70E-08	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.17	-0.02	0.05	0.28	0.0085	0.36	0.038	NA	NA	NA	NA
0.14	0.04	0.15	0.01	0.29	0.7	0.074	0.99	NA	NA	NA	NA
-0.14	0.05	0.01	0.04	0.29	0.36	0.97	0.2	NA	NA	NA	NA
0.08	0.02	-0.03	0.03	0.29	0.74	0.35	0.4	NA	NA	NA	NA
0.03	0.14	0	0.07	0.29	4.30E-06	0.87	0.00015	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.04	-0.05	0.05	0.3	0.23	0.00028	0.00065	NA	NA	NA	NA
0.06	0.39	-0.01	0.01	0.3	0.11	0.66	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	0	0.02	0.3	0.56	0.98	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.14	-0.07	0.01	0.3	0.016	0.00012	0.83	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	-0.08	-0.01	0.3	1	7.50E-05	0.7	NA	NA	NA	NA

0.19	0.35	-0.1	0.02	0.3	0.029	0.0023	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	-0.05	-0.03	0.31	0.51	0.008	0.2	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	-0.01	0.03	0.31	0.86	0.76	0.35	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.01	0.01	0.31	0.9	0.77	0.6	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.02	-0.01	0.04	0.31	0.98	0.76	0.27	NA	NA	NA	NA
0.87	0.48	-0.11	-0.03	0.31	0.00025	0.056	0.92	NA	NA	NA	NA
0.04	0.06	-0.02	0.04	0.32	0.067	0.19	0.07	NA	NA	NA	NA
0.85	0.16	0.04	0.05	0.33	0.11	0.22	0.094	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.03	-0.02	0.33	0.23	0.099	0.21	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.07	-0.05	0.34	1	0.00039	0.03	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.03	-0.02	0.34	0.14	0.021	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.06	-0.01	0.34	0.00041	2.60E-07	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.09	-0.06	0.02	0.35	0.032	1.00E-04	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.47	NA	0.06	0.37	0.35	NA	0.26	1.90E-06	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.05	-0.02	0.35	0.023	4.00E-04	0.27	NA	NA	NA	NA
0.16	0.36	-0.01	0.03	0.35	0.2	0.72	0.35	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.06	0.01	0.36	0.67	0.00038	0.75	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.05	0	0.36	0.67	1.10E-08	0.89	NA	NA	NA	NA
0.41	0.33	-0.01	0.24	0.36	6.00E-04	1	0.0072	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.05	0	0.14	0.37	0.28	0.95	9.00E-06	NA	NA	NA	NA
0.03	0.1	-0.04	-0.02	0.37	2.20E-06	0.00031	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.78	-0.06	0.17	0.38	2.80E-08	0.075	6.10E-07	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.04	0.06	0.38	1	0.069	0.018	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.05	0.02	0.39	0.26	0.0011	0.32	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.03	-0.12	-0.05	0.39	0.96	2.60E-05	0.22	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.02	-0.01	0.39	1	0.54	0.73	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.04	-0.02	0.39	0.17	0.0085	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.05	-0.01	0.39	0.68	0.016	0.56	NA	NA	NA	NA
-0.5	NA	0.04	0.05	0.39	NA	0.51	0.47	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.02	-0.04	-0.02	0.4	0.72	0.0022	0.25	NA	NA	NA	NA

0.16	0.22	-0.1	0.03	0.4	0.0013	0.00029	0.38	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.06	-0.02	0.41	0.21	0.011	0.42	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	0	0.05	0.42	0.018	0.95	0.034	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.04	0	0.42	0.85	0.15	1	NA	NA	NA	NA
-0.13	0.25	-0.06	0.06	0.42	0.26	0.0053	0.059	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.11	-0.16	-0.08	0.43	0.53	6.20E-07	0.016	NA	NA	NA	NA
0.05	0.37	-0.04	0.06	0.43	9.90E-05	0.076	0.057	NA	NA	NA	NA
0.86	0.03	0.01	0.05	0.44	1	0.91	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.04	-0.05	0	0.44	0.5	0.051	0.99	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.05	-0.01	0.44	0.99	9.40E-05	0.43	NA	NA	NA	NA
0.04	0.14	-0.06	-0.01	0.45	0.0063	7.10E-05	0.46	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.01	0.02	0.45	0.074	0.54	0.1	NA	NA	NA	NA
0.04	0.1	-0.07	-0.02	0.46	0.011	0.00014	0.48	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.09	-0.07	0.47	0.092	3.80E-09	4.60E-07	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.01	0.02	0.05	0.48	1	0.57	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	-0.01	0.05	0.48	0.15	0.31	0.00024	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	-0.02	-0.03	0.48	0.052	0.54	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.03	-0.03	0.03	0.48	0.81	0.23	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	0	0.04	0.49	0.87	0.95	0.014	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.01	0.04	0.49	0.3	0.5	0.01	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.04	0.01	0.49	0.73	9.40E-05	0.56	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	-0.06	-0.03	0.49	0.2	0.00065	0.11	NA	NA	NA	NA
0.03	0.22	-0.04	-0.02	0.5	4.70E-06	0.06	0.44	NA	NA	NA	NA
0.1	0.16	-0.06	-0.03	0.51	0.11	0.21	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.04	-0.06	0	0.51	0.16	0.00026	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.18	-0.04	0.01	0.52	0.00037	0.042	0.77	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.04	-0.06	-0.09	0.52	0.34	0.0037	1.00E-05	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	0.02	-0.03	0.54	0.13	0.66	0.35	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.04	-0.05	0	0.55	0.42	0.0065	1	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.1	-0.02	0.06	0.55	0.072	0.48	0.024	NA	NA	NA	NA

0.38	-0.12	-0.02	0.03	0.55	0.9	0.66	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.08	-0.05	0.11	0.56	0.27	0.024	4.10E-06	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	0.02	0.04	0.56	0.0097	0.11	0.0071	NA	NA	NA	NA
0.06	0.29	-0.04	-0.05	0.56	0.031	0.38	0.094	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.11	-0.01	0.05	0.57	0.46	0.8	0.047	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.03	-0.02	0.57	0.62	0.029	0.2	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.06	-0.1	-0.06	0.58	0.11	5.50E-07	0.011	NA	NA	NA	NA
0.02	0.1	-0.08	0.02	0.58	0.024	3.70E-06	0.45	NA	NA	NA	NA
-0.8	NA	NA	NA	0.59	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.02	-0.08	-0.02	0.59	1	8.90E-05	0.4	NA	NA	NA	NA
0.47	0.35	-0.17	-0.14	0.59	0.065	0.66	0.69	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.03	0.08	0.59	0.9	0.2	0.0083	NA	NA	NA	NA
0.05	0.15	-0.1	0.01	0.6	0.025	0.0011	0.79	NA	NA	NA	NA
-0.5	-0.67	-0.09	NA	0.61	0.21	0.81	NA	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.01	-0.07	0	0.61	1	0.0039	1	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.04	-0.13	-0.11	0.61	0.61	3.60E-06	3.80E-05	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.02	-0.06	0.05	0.62	0.83	0.0027	0.021	NA	NA	NA	NA
0.07	0.13	-0.14	-0.07	0.62	0.23	0.00062	0.18	NA	NA	NA	NA
0.02	0.22	-0.05	0	0.64	0.00027	0.019	0.89	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.04	0.04	0.65	0.44	0.032	0.053	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.09	-0.07	0.15	0.65	0.097	0.0036	1.40E-06	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.05	-0.06	0.66	1	0.046	0.012	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.03	0.03	0.66	1	0.14	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.04	-0.05	-0.05	0.67	0.36	0.035	0.054	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.09	-0.03	0.01	0.67	0.32	0.22	0.48	NA	NA	NA	NA
0.04	0.06	-0.08	0.03	0.67	0.7	0.0056	0.6	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.05	-0.05	0.12	0.68	0.33	0.0043	0.00011	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	-0.05	-0.03	0.69	0.9	0.042	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.03	0.01	0.69	1	0.18	0.85	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	-0.08	0.02	0.7	0.64	5.50E-05	0.37	NA	NA	NA	NA

0.01	0.03	-0.03	-0.02	0.7	0.3	0.031	0.29	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	0.05	0.15	0.7	0.0071	0.13	1.60E-06	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	-0.04	0	0.7	0.12	0.028	1	NA	NA	NA	NA
0.09	0.01	-0.13	-0.04	0.71	1	0.00012	0.38	NA	NA	NA	NA
0.01	0.12	-0.03	0.05	0.71	4.50E-06	0.059	0.0052	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.01	0.05	0.71	0.0041	0.12	2.30E-06	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.09	-0.05	0.71	0.27	5.10E-06	0.0087	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.01	0.06	0.72	0.96	0.7	0.002	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	-0.04	-0.04	0.72	0.024	0.23	0.27	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.03	0.04	0.72	3.10E-07	0.00086	0.0039	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.02	-0.01	0.06	0.73	1	0.85	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.08	0.02	0.08	0.73	0.62	0.31	0.0052	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.03	0	0.73	0.65	0.11	1	NA	NA	NA	NA
-0.14	0.26	-0.01	0.07	0.73	0.11	0.92	0.16	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.02	0.11	0.73	0.53	0.38	4.40E-07	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.06	-0.05	-0.05	0.74	0.9	0.098	0.24	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.06	-0.06	0.75	0.33	0.007	0.0097	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.25	-0.03	0.02	0.75	9.00E-04	0.2	0.54	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.05	0.04	0.76	0.38	0.023	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.14	0.01	0.01	0.77	0.16	0.77	0.93	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.03	-0.04	0.07	0.77	0.53	0.039	0.00075	NA	NA	NA	NA
0.33	0.06	-0.04	0.04	0.77	0.4	0.036	0.089	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.05	-0.02	0.77	0.87	0.0028	0.29	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.06	-0.26	-0.08	0.78	0.83	8.60E-08	0.25	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.02	0.03	0.78	0.4	0.46	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.05	-0.05	0	0.78	0.33	0.012	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.13	-0.04	0.79	0.8	0.00012	0.34	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.03	-0.02	0.79	0.38	0.15	0.44	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.05	0.03	0.09	0.79	0.38	0.12	2.10E-05	NA	NA	NA	NA
-0.25	-0.18	-0.1	-0.02	0.8	0.87	0.53	1	NA	NA	NA	NA

-0.01	0	-0.03	0.01	0.8	1	0.023	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.19	0.01	0.13	0.8	0.16	0.94	0.042	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.06	-0.05	0.81	0.73	0.065	0.077	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	-0.03	0.03	0.82	0.046	0.019	0.11	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.07	0	0.83	0.99	5.50E-08	0.8	NA	NA	NA	NA
0.01	0.11	-0.02	0.02	0.83	0.0059	0.41	0.38	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.05	-0.04	0.12	0.83	0.72	0.2	0.00043	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.01	0.02	0.83	1	0.62	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.05	0	0.04	0.83	0.00087	0.92	0.002	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.02	-0.04	0.84	1	0.48	0.071	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.32	-0.07	0.04	0.84	3.30E-08	0.0061	0.15	NA	NA	NA	NA
0.23	0.02	-0.08	-0.04	0.84	1	0.0068	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.01	-0.01	0.85	0.74	0.56	0.81	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	0.02	0.07	0.85	0.91	0.33	0.007	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.01	0.05	0.85	0.79	0.81	0.0054	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.11	-0.06	0.01	0.86	0.67	0.037	0.94	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.06	-0.05	0.01	0.87	0.51	0.01	0.84	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.03	0.02	0.88	0.17	0.25	0.58	NA	NA	NA	NA
0.19	0.36	-0.13	-0.07	0.88	0.43	0.0022	0.47	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.04	-0.1	-0.11	0.89	0.57	0.00019	3.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	0.01	0.06	0.9	1	0.8	0.22	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.03	-0.02	0.9	1	0.21	0.43	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.07	0	0.9	0.025	0.00029	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.11	-0.04	0	0.9	0.0037	0.012	0.87	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.02	0.01	0.91	0.59	0.24	0.56	NA	NA	NA	NA
0.14	-0.01	0.04	0.11	0.91	1	0.22	0.0012	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.07	-0.11	-0.03	0.91	0.047	0.00054	0.63	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.04	-0.06	-0.05	0.91	0.82	0.011	0.017	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.06	-0.05	0.02	0.91	0.21	0.0063	0.44	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.02	0.03	0.17	0.91	0.75	0.47	2.10E-05	NA	NA	NA	NA

0.01	0.01	-0.04	-0.04	0.93	0.92	0.002	0.0011	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.44	-0.02	0.01	0.95	0.013	0.63	0.99	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.09	-0.03	0.03	0.96	0.048	0.0092	0.15	NA	NA	NA	NA
0.01	0.28	-0.08	-0.04	0.96	9.30E-09	8.00E-06	0.11	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.12	-0.16	-0.08	0.97	0.41	5.20E-07	0.15	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.03	0.09	0.02	0.97	0.67	0.01	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.18	0.01	-0.11	0.97	0.13	1	0.053	NA	NA	NA	NA
0.28	0.12	-0.11	0.13	0.97	1	0.00011	0.0027	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.05	-0.02	0.97	0.97	0.0053	0.36	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	0.01	0	0.98	0.52	0.74	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	-0.05	-0.02	0.98	0.68	0.046	0.64	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.82	-0.08	-0.08	0.98	0.0017	0.21	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	0	0.04	0.98	0.51	1	0.43	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.18	-0.15	0.98	0.077	5.40E-09	9.60E-05	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	0.02	0.03	0.98	1	0.21	0.07	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	-0.03	-0.01	0.98	1	0.11	0.85	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	-0.02	0.01	0.98	0.18	0.35	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.04	0.05	0.99	0.83	0.0023	0.0089	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.45	-0.02	-0.01	0.99	0.28	0.36	0.77	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.06	-0.02	0.99	0.11	7.30E-06	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.12	-0.16	-0.08	1	0.68	8.70E-05	0.25	NA	NA	NA	NA
0	-0.06	-0.03	-0.02	1	0.058	0.089	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.07	0.03	0.04	1	0.69	0.26	0.18	NA	NA	NA	NA
0	0.1	-0.03	-0.01	1	0.02	0.089	0.44	NA	NA	NA	NA
0	-0.07	0	0.09	1	0.22	0.89	1.60E-05	NA	NA	NA	NA
0.05	0.09	-0.11	-0.06	1	0.91	0.0034	0.18	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.05	-0.01	1	1	0.086	0.83	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	-0.04	0.04	1	1	0.22	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.1	-0.22	-0.2	1	1	0.015	0.21	NA	NA	NA	NA
0	0.03	0	0.06	1	0.49	1	0.00042	NA	NA	NA	NA

-0.02	-0.18	-0.01	0.17	1	0.041	1	0.43	NA	NA	NA	NA
0.09	0.11	0.05	0.08	1	0.31	0.076	0.0017	NA	NA	NA	NA
0.01	0	0	0.01	1	1	1	1	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.04	0.02	1	0.41	0.0094	0.29	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.09	-0.06	1	0.8	0.025	0.23	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.05	-0.06	1	0.52	0.019	0.037	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.22	0.13	0	1	0.27	2.10E-05	1	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.01	0.01	1	1	0.74	0.65	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	-0.02	-0.01	1	0.038	0.62	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.21	0.29	0.18	1	0.31	0.00087	0.0094	NA	NA	NA	NA
0	NA	-0.07	0.1	1	NA	0.062	0.068	NA	NA	NA	NA
0	0.2	0.01	0.03	1	4.20E-05	0.53	0.043	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.02	0.03	-0.04	1	0.75	0.39	0.21	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.05	-0.02	1	0.98	0.028	0.44	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.1	-0.04	1	0.15	0.00019	0.37	NA	NA	NA	NA
0	0.07	-0.03	0.02	1	0.067	0.1	0.41	NA	NA	NA	NA
0	0.11	-0.07	-0.04	1	0.31	0.094	0.39	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.14	-0.03	0.08	1	0.074	0.31	0.018	NA	NA	NA	NA
0	-0.09	-0.07	0	1	0.00036	1.10E-09	0.94	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.06	0.02	1	0.9	0.0019	0.24	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.17	0.02	0.81	1	0.64	0.93	0.051	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.23	-0.04	0.08	1	0.27	0.43	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.48	-0.13	-0.09	1	5.20E-06	6.40E-05	0.026	NA	NA	NA	NA
0.04	0.91	-0.06	-0.04	1	0.17	0.17	0.56	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.04	-0.03	1	0.92	0.0019	0.062	NA	NA	NA	NA
0	-0.05	0.01	0.04	1	0.39	0.87	0.34	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.07	-0.02	1	0.89	0.1	0.74	NA	NA	NA	NA
0.02	NA	-0.1	0.08	1	NA	0.0036	0.031	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.04	0.06	1	0.93	0.55	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.08	0.02	0.05	1	0.022	0.31	0.039	NA	NA	NA	NA

0.02	0.36	-0.02	0.1	1	0.013	0.51	0.0019	NA	NA	NA	NA
-0.17	NA	-0.11	0.03	1	NA	0.0083	0.46	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.2	-0.03	1	1	0.005	0.83	NA	NA	NA	NA
0.18	0.01	-0.14	-0.07	1	1	1.70E-07	0.048	NA	NA	NA	NA
0.14	0.14	-0.13	0.14	1	1	0.025	0.04	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.1	-0.06	0.04	1	1	0.18	0.49	NA	NA	NA	NA
0.01	0.09	-0.07	-0.03	1	0.29	0.00029	0.26	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.07	0.03	0.05	1	0.45	0.49	0.36	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.12	-0.01	1	0.33	0.0048	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.05	0.04	1	1	0.24	0.46	NA	NA	NA	NA
0	0.09	-0.05	-0.04	1	0.019	0.016	0.076	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	0.11	0.11	1	0.41	8.10E-08	1.60E-07	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.01	0.07	1	0.62	0.9	0.014	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.07	-0.11	0.01	1	0.69	0.11	1	NA	NA	NA	NA
0.02	NA	-0.01	0.08	1	NA	0.85	0.052	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.06	0	1	0.76	4.60E-07	0.86	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.07	-0.08	0.05	1	0.34	0.003	0.11	NA	NA	NA	NA
0	0.03	0.04	0.14	1	0.83	0.19	5.80E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.09	-0.04	-0.01	1	0.28	0.54	1	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.01	0.01	1	0.85	0.64	0.56	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.09	-0.09	-0.03	1	0.16	0.0036	0.56	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.04	0.06	1	0.67	0.1	0.051	NA	NA	NA	NA
0	0.02	0	0	1	0.66	0.99	0.99	NA	NA	NA	NA
0.5	-0.25	-0.19	0.01	1	0.49	0.0024	1	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.07	0.06	1	1	0.16	0.42	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.08	0	1	1	0.0016	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.03	0.03	1	1	0.16	0.17	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.08	-0.07	-0.06	1	0.29	0.16	0.12	NA	NA	NA	NA
0.12	0.25	-0.09	-0.06	1	0.41	0.19	0.61	NA	NA	NA	NA
-0.08	NA	-0.03	-0.04	1	NA	0.5	0.32	NA	NA	NA	NA

0.17	-0.07	0.06	0.21	1	1	0.27	0.008	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.1	-0.14	-0.07	1	0.81	0.0048	0.43	NA	NA	NA	NA
0.3	-0.03	0.01	0.04	1	1	0.85	0.21	NA	NA	NA	NA
0.53	0.53	-0.58	0.09	1	0.51	0.0036	1	NA	NA	NA	NA
0	0.11	-0.01	0.05	1	0.55	0.74	0.027	NA	NA	NA	NA
0.1	NA	-0.01	0.08	1	NA	0.78	0.094	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.06	-0.02	1	0.072	2.60E-07	0.25	NA	NA	NA	NA
0	0.15	-0.04	-0.03	1	1.40E-06	0.021	0.17	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.02	0.02	1	0.73	0.21	0.17	NA	NA	NA	NA
0	0.06	-0.08	-0.04	1	0.12	1.00E-05	0.056	NA	NA	NA	NA
0.01	0.09	-0.02	0.01	1	0.044	0.1	0.57	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.08	-0.01	-0.03	1	0.91	0.76	0.55	NA	NA	NA	NA
0	0.08	-0.04	0.04	1	0.29	0.63	0.68	NA	NA	NA	NA
0.13	0.47	0.05	0.22	1	0.35	0.71	0.062	NA	NA	NA	NA
0.14	0.14	0	-0.03	1	0.34	1	0.87	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.05	0	1	0.59	0.00014	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0.01	NA	NA	0.11	0.93	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.04	0.07	NA	NA	0.63	0.29	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.35	NA	NA	NA	0.3	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.21	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.5	NA	NA	NA	0.48	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.08	NA	NA	NA	0.72	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.19	-0.06	0.15	NA	0.41	0.26	0.45	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	-0.26	NA	NA	1	0.81	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.06	0.14	NA	NA	0.27	0.025	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.07	0.17	NA	NA	0.26	0.011	NA	NA	NA	NA

NA	0.36	0	-0.1	NA	0.0021	1	0.12	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.12	-0.11	NA	1	0.067	0.059	NA	NA	NA	NA
NA	0.14	-0.03	-0.05	NA	0.47	0.3	0.055	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	0.09	NA	NA	0.44	0.34	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.13	-0.07	NA	NA	0.18	0.68	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.54	0	NA	NA	2.10E-05	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.18	-0.03	0.13	NA	0.082	0.28	0.00021	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	0.08	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.5	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.03	-0.01	0.1	NA	1	0.94	0.17	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0.09	NA	NA	0.27	0.0041	NA	NA	NA	NA
NA	0.25	-0.07	0.3	NA	1	0.36	0.0074	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.08	-0.09	NA	NA	0.36	0.2	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.15	NA	NA	NA	0.093	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.83	0.08	0.12	NA	0.12	0.84	0.84	NA	NA	NA	NA
NA	0	-0.18	-0.18	NA	1	2.80E-05	0.12	NA	NA	NA	NA
NA	0.32	0.01	0	NA	0.0054	0.83	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.35	NA	NA	NA	0.25	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.3	-0.07	0.13	NA	0.25	0.086	0.013	NA	NA	NA	NA
NA	0.5	-0.13	0.01	NA	0.61	3.00E-04	0.93	NA	NA	NA	NA
NA	0.06	0.03	0.22	NA	0.94	0.61	0.00048	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.04	0.04	NA	NA	0.57	0.48	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.32	-0.2	NA	NA	7.80E-05	0.092	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	0	NA	NA	0.88	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.11	NA	NA	NA	0.25	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	0.03	NA	NA	0.3	0.72	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	0.03	NA	NA	0.00076	0.62	NA	NA	NA	NA

NA	NA	NA	0.11	NA	NA	NA	0.097	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.08	-0.04	NA	NA	0.25	0.71	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.67	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.15	-0.02	-0.08	NA	0.071	0.6	0.0086	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.1	0.14	NA	NA	0.17	0.014	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.07	-0.04	-0.02	NA	0.45	0.097	0.56	NA	NA	NA	NA
NA	0.13	-0.01	0.15	NA	0.61	1	0.14	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.06	-0.05	0.03	NA	0.61	0.26	0.44	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.09	-0.03	NA	NA	0.051	0.72	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	-0.01	NA	NA	0.75	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.36	0	NA	NA	0.04	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.05	0.05	NA	NA	0.69	0.93	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	0.09	NA	NA	0.41	0.014	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	0.11	NA	NA	0.54	0.29	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.14	0.62	NA	NA	0.16	0.31	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.06	-0.06	-0.04	NA	0.45	0.12	0.4	NA	NA	NA	NA
NA	0.01	-0.05	-0.03	NA	1	0.31	0.43	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.27	-0.04	0.15	NA	0.0052	0.59	5.00E-04	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.04	-0.02	0.11	NA	1	0.98	0.36	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.11	0.29	NA	NA	0.1	8.30E-05	NA	NA	NA	NA
NA	0.88	0.05	0.05	NA	0.38	0.64	0.54	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.13	-0.03	NA	NA	0.3	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	0.29	NA	NA	0.97	0.0059	NA	NA	NA	NA

NA	0.08	-0.14	-0.08	NA	1	0.33	0.66	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	0.44	NA	NA	1	0.001	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0.85	NA	NA	1	0.47	NA	NA	NA	NA
NA	0.69	-0.07	0.01	NA	0.021	0.36	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.06	-0.03	0.05	NA	0.54	0.19	0.084	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.52	0.1	NA	NA	0.25	0.95	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.11	-0.11	NA	NA	0.11	0.11	NA	NA	NA	NA
NA	-0.41	0.02	0.09	NA	0.16	0.82	0.18	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.16	0	NA	NA	0.65	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	0.29	NA	NA	1	0.34	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	-0.07	NA	NA	0.17	0.64	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.38	NA	NA	NA	0.018	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.13	-0.1	NA	NA	0.94	1	NA	NA	NA	NA
0.11	0.12	-0.01	0.04	1.20E-08	3.70E-07	0.46	0.061	NA	NA	NA	NA
0.25	0.08	0	0.05	2.90E-08	0.0049	0.93	0.00067	NA	NA	NA	NA
0.26	0.08	0.15	0.16	5.80E-08	0.072	0.00022	0.00071	NA	NA	NA	NA
0.17	0.06	-0.07	0.05	1.30E-07	0.036	2.80E-06	0.012	NA	NA	NA	NA
0.45	0.09	-0.04	0.04	1.00E-05	0.067	0.082	0.14	NA	NA	NA	NA
0.2	0.04	-0.03	0.04	1.30E-05	0.14	0.054	0.011	NA	NA	NA	NA
0.25	0.16	-0.13	-0.06	1.40E-05	0.0049	1.40E-07	0.044	NA	NA	NA	NA
0.18	0.07	-0.03	0	1.40E-05	0.013	0.067	0.83	NA	NA	NA	NA
0.24	0.07	-0.04	0.08	1.50E-05	0.1	0.16	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.16	0.09	-0.05	0	2.30E-05	0.0042	0.00037	0.99	NA	NA	NA	NA
0.22	0.34	-0.05	0.01	4.30E-05	0.04	0.019	0.92	NA	NA	NA	NA
0.14	0.03	-0.05	-0.04	4.40E-05	0.59	0.0067	0.022	NA	NA	NA	NA
0.83	0	0.03	-0.01	6.40E-05	1	0.63	0.96	NA	NA	NA	NA
0.44	0.19	0.06	0.2	9.30E-05	0.12	0.52	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.3	-0.26	-0.01	-0.03	0.00012	5.70E-08	0.77	0.51	NA	NA	NA	NA
0.23	0.13	-0.08	-0.04	0.00017	0.0035	2.10E-07	0.012	NA	NA	NA	NA
0.25	0.11	-0.04	0.01	0.00024	0.078	0.027	0.61	NA	NA	NA	NA

0.52	0.47	0.19	0.22	0.00028	4.30E-06	9.60E-05	0.00014	NA	NA	NA	NA
0.15	0.02	-0.04	0.02	0.00032	0.59	0.18	0.45	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.04	-0.01	0.00036	0.47	0.00035	0.44	NA	NA	NA	NA
0.37	0.09	-0.04	0.03	0.00054	0.19	0.18	0.42	NA	NA	NA	NA
0.84	0.84	0.16	0.38	0.00056	0.38	0.092	5.10E-05	NA	NA	NA	NA
0.14	0	-0.04	0.05	0.00066	1	0.096	0.13	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.02	-0.01	0.00073	0.42	0.03	0.65	NA	NA	NA	NA
0.17	0.1	-0.04	-0.02	0.0011	0.0095	0.078	0.47	NA	NA	NA	NA
0.12	0.07	-0.02	0	0.0016	0.037	0.24	1	NA	NA	NA	NA
0.21	0.6	-0.04	0	0.0017	1.70E-06	0.058	0.98	NA	NA	NA	NA
0.36	0.06	-0.07	0.05	0.002	0.45	0.025	0.21	NA	NA	NA	NA
0.85	0.32	0	0.07	0.0022	0.00026	1	0.44	NA	NA	NA	NA
0.72	-0.06	-0.01	0	0.004	0.4	0.8	1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.04	0.05	0.0041	0.3	0.005	0.00035	NA	NA	NA	NA
0.14	-0.01	-0.04	0.01	0.0042	0.89	0.076	0.9	NA	NA	NA	NA
0.26	-0.07	-0.02	0.03	0.0043	0.36	0.55	0.33	NA	NA	NA	NA
0.16	0.13	0	0.03	0.0052	0.0012	0.98	0.027	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	0.06	0.14	0.0058	0.053	0.015	6.90E-05	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.03	0.02	0.04	0.006	0.25	0.37	0.0084	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.06	0	0.0062	0.88	4.20E-08	0.77	NA	NA	NA	NA
0.19	0.17	-0.02	0.05	0.0062	0.017	0.4	0.049	NA	NA	NA	NA
0.28	0.16	-0.03	0.05	0.0077	0.08	0.52	0.34	NA	NA	NA	NA
0.09	0.14	-0.05	-0.05	0.0077	0.00013	0.0037	5.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.73	-0.14	0.01	0.13	0.0082	0.71	0.72	1.90E-05	NA	NA	NA	NA
0.14	0	0.01	-0.05	0.0084	1	0.9	0.074	NA	NA	NA	NA
0.42	0.4	-0.03	-0.04	0.0091	1.30E-07	0.16	0.11	NA	NA	NA	NA
0.13	0.09	-0.1	-0.06	0.0098	0.052	0.0037	0.066	NA	NA	NA	NA
0.22	0.16	-0.02	0.17	0.0099	0.099	0.63	0.002	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.04	0.01	0.01	0.001	0.0041	0.49	NA	NA	NA	NA
0.09	0.03	-0.03	0.04	0.011	0.31	0.095	0.069	NA	NA	NA	NA

0.05	0.03	-0.01	0.02	0.011	0.029	0.28	0.038	NA	NA	NA	NA
0.07	0	0.01	0.04	0.012	1	0.51	0.011	NA	NA	NA	NA
0.52	0.52	0.11	0.13	0.013	0.0063	0.41	0.46	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.05	-0.04	0.06	0.014	0.057	0.072	0.0063	NA	NA	NA	NA
0.29	0.03	-0.07	0.01	0.014	0.85	0.001	0.83	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.01	-0.02	0.05	0.015	0.64	0.22	0.0014	NA	NA	NA	NA
0.07	0.08	-0.04	-0.01	0.015	0.00048	0.00041	0.43	NA	NA	NA	NA
0.21	0.07	-0.02	0.08	0.016	0.32	0.29	0.00058	NA	NA	NA	NA
0.09	0.01	-0.03	0	0.017	0.67	0.24	0.98	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	-0.03	-0.01	0.018	0.034	0.036	0.39	NA	NA	NA	NA
0.11	0.04	-0.03	0.03	0.019	0.33	0.026	0.098	NA	NA	NA	NA
0.1	0.06	-0.01	0.05	0.02	0.038	0.5	0.022	NA	NA	NA	NA
0.12	0.01	-0.06	-0.03	0.021	0.89	0.00099	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.03	-0.06	0.05	0.022	0.66	0.002	0.028	NA	NA	NA	NA
-0.13	0.05	0.01	0.05	0.023	0.6	0.8	0.074	NA	NA	NA	NA
0.11	0.19	-0.01	0.03	0.023	6.90E-05	0.65	0.17	NA	NA	NA	NA
0.17	0.13	-0.01	-0.03	0.026	0.024	0.73	0.13	NA	NA	NA	NA
0.14	0	0.04	-0.08	0.026	1	0.58	0.049	NA	NA	NA	NA
0.11	0.05	-0.06	0	0.026	0.1	0.00063	0.93	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.03	-0.02	0.01	0.028	0.18	0.2	0.42	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.05	-0.04	0.028	0.098	7.80E-05	0.00011	NA	NA	NA	NA
0.21	0.21	-0.13	0.01	0.031	0.12	0.0015	1	NA	NA	NA	NA
0.11	0.05	-0.01	-0.01	0.031	0.29	0.8	0.69	NA	NA	NA	NA
0.39	0.14	-0.04	0.1	0.032	0.14	0.21	0.028	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	-0.03	0.01	0.034	0.59	0.015	0.43	NA	NA	NA	NA
0.17	0.15	-0.03	0.04	0.035	0.0098	0.52	0.43	NA	NA	NA	NA
-0.43	-0.05	0.1	0.2	0.036	1	0.088	0.0061	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.17	-0.01	0.04	0.036	0.048	0.73	0.048	NA	NA	NA	NA
0.11	0.06	0.01	-0.01	0.037	0.055	0.61	0.5	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.02	0.01	0.037	0.5	0.38	0.46	NA	NA	NA	NA

0.27	0.13	0.03	0.04	0.038	0.031	0.27	0.12	NA	NA	NA	NA
0.08	0.18	-0.09	-0.11	0.038	2.80E-06	0.0043	0.0033	NA	NA	NA	NA
0.07	0.06	0	0.01	0.039	0.0041	0.95	0.55	NA	NA	NA	NA
0.15	0.08	-0.05	0.07	0.044	0.092	0.15	0.04	NA	NA	NA	NA
0.06	0.1	-0.03	0.01	0.045	5.80E-07	0.024	0.62	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.05	-0.05	-0.07	0.045	0.089	0.006	0.00029	NA	NA	NA	NA
-0.48	-0.18	-0.14	-0.03	0.046	0.52	3.30E-06	0.47	NA	NA	NA	NA
0.44	0.14	-0.02	0.14	0.047	0.23	0.96	0.043	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.06	-0.08	-0.05	0.047	0.039	2.00E-05	0.029	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	0	0.04	0.05	0.51	0.96	1.80E-05	NA	NA	NA	NA
-0.33	-0.07	0.06	0.04	0.071	0.97	0.15	0.17	NA	NA	NA	NA
0.1	0	-0.03	-0.01	0.072	1	0.098	0.77	NA	NA	NA	NA
0.1	0.2	-0.06	0.04	0.072	9.10E-05	0.04	0.3	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.04	0.01	0.074	0.16	0.27	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.12	-0.08	-0.09	0.078	0.024	0.00036	0.00023	NA	NA	NA	NA
0.08	0.12	0	0.04	0.079	0.004	0.92	0.13	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.02	0.03	0.085	0.18	0.17	0.039	NA	NA	NA	NA
0.82	0.48	0.01	0.07	0.088	0.26	0.98	0.27	NA	NA	NA	NA
0.08	0.08	-0.06	-0.05	0.09	0.23	0.016	0.013	NA	NA	NA	NA
0.67	0.5	0.23	0.47	0.097	0.24	0.00086	0.01	NA	NA	NA	NA
-0.05	0	-0.04	0.05	0.1	1	0.018	0.049	NA	NA	NA	NA
0.15	0.07	-0.11	0.05	0.1	0.4	2.00E-05	0.13	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	-0.06	0.02	0.1	0.12	5.20E-09	0.11	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.03	-0.04	0.03	0.11	0.07	0.0018	0.063	NA	NA	NA	NA
0.1	0.15	-0.02	0.12	0.11	0.011	0.39	2.20E-05	NA	NA	NA	NA
0.17	0.13	-0.05	-0.03	0.11	0.028	0.022	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.02	-0.06	-0.03	0.11	0.75	0.0038	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.03	-0.03	0	0.12	0.43	0.035	1	NA	NA	NA	NA
0.31	-0.01	-0.01	0.07	0.12	0.85	0.35	1.40E-05	NA	NA	NA	NA
0.14	0.02	-0.05	0.05	0.13	0.92	0.099	0.25	NA	NA	NA	NA

0.12	-0.03	-0.04	0.02	0.13	0.69	0.13	0.46	NA	NA	NA	NA
0.04	0.08	-0.03	0.05	0.13	0.0036	0.1	0.0027	NA	NA	NA	NA
0.5	0	-0.05	0.01	0.14	1	0.99	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.03	0.06	0.14	0.017	0.032	3.70E-06	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.1	-0.04	0.05	0.15	0.042	0.12	0.12	NA	NA	NA	NA
0.11	0.01	-0.06	-0.03	0.15	0.89	8.00E-04	0.2	NA	NA	NA	NA
0.21	-0.02	0	0.08	0.15	1	1	1	NA	NA	NA	NA
0.15	0.12	-0.07	-0.03	0.15	0.042	0.022	0.36	NA	NA	NA	NA
0.08	0	-0.01	0.02	0.15	1	0.58	0.46	NA	NA	NA	NA
0.39	0.01	-0.02	0.04	0.15	1	0.6	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.07	-0.01	0.02	0.17	0.36	0.56	0.49	NA	NA	NA	NA
0.32	0.09	0.03	0	0.17	0.71	0.36	1	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.03	-0.04	-0.01	0.17	0.65	0.058	0.64	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.03	0	0.18	0.82	0.098	1	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	-0.07	-0.03	0.19	0.48	2.30E-05	0.11	NA	NA	NA	NA
0.08	0	0.06	0.09	0.19	1	0.15	0.017	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.08	0.01	-0.03	0.2	0.2	0.92	0.23	NA	NA	NA	NA
0.18	-0.1	-0.01	0.03	0.2	0.47	0.97	0.49	NA	NA	NA	NA
0.05	0.16	-0.03	-0.01	0.21	9.10E-05	0.049	0.57	NA	NA	NA	NA
0.13	0.31	0.05	0.2	0.23	5.80E-06	0.39	0.0068	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.05	-0.06	-0.02	0.23	0.036	3.20E-05	0.17	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.06	0	0.23	0.0086	0.0011	0.96	NA	NA	NA	NA
0.5	NA	0.14	NA	0.24	NA	0.45	NA	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.12	-0.06	-0.03	0.24	0.088	0.0036	0.25	NA	NA	NA	NA
0.06	0.15	-0.02	0.1	0.24	0.00055	0.49	1.20E-05	NA	NA	NA	NA
-0.23	0.03	-0.04	0	0.25	0.93	0.18	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.04	0.02	0.25	1	0.16	0.59	NA	NA	NA	NA
0.1	0.1	-0.02	0.05	0.26	0.061	0.55	0.12	NA	NA	NA	NA
0.2	0.17	-0.01	-0.07	0.26	0.014	1	0.15	NA	NA	NA	NA
0.05	0.11	-0.1	-0.1	0.27	0.033	0.00051	7.00E-04	NA	NA	NA	NA

0.09	0.04	-0.06	0	0.28	0.61	0.034	1	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.06	-0.12	0.02	0.28	1	0.11	0.99	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	-0.03	0.11	0.28	0.68	0.27	2.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.01	0	0.02	0.28	1	0.97	0.53	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.05	0.06	0.28	0.87	2.50E-05	6.30E-06	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.07	-0.07	-0.02	0.28	0.11	0.0027	0.55	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.02	-0.06	0.02	0.29	0.48	0.0011	0.24	NA	NA	NA	NA
0.17	0.13	-0.08	0.03	0.29	0.00043	0.02	0.58	NA	NA	NA	NA
0.04	0.15	0.03	0	0.29	9.10E-06	0.38	1	NA	NA	NA	NA
-0.28	0.11	-0.02	0.07	0.3	0.92	0.76	0.15	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.04	0.04	0.3	0.75	0.18	0.33	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.08	-0.1	-0.03	0.3	0.065	2.60E-08	0.23	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.08	-0.03	-0.01	0.3	0.021	0.044	0.52	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.01	-0.01	0	0.31	1	0.84	1	NA	NA	NA	NA
0.13	0.06	-0.16	-0.01	0.31	0.52	2.20E-05	0.98	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	-0.07	-0.01	0.31	0.66	0.016	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.07	-0.02	-0.05	0.31	0.15	0.59	0.024	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.03	-0.02	0.31	0.00099	0.15	0.34	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.06	-0.05	0.31	0.0065	1.00E-04	0.0017	NA	NA	NA	NA
0.02	0	0.01	0	0.31	0.98	0.64	0.76	NA	NA	NA	NA
0.07	0	-0.01	0.03	0.32	1	0.5	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.02	-0.03	0.08	0.32	0.68	0.16	0.001	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.05	-0.02	0.32	0.73	0.019	0.34	NA	NA	NA	NA
0.25	0.25	0.12	0.28	0.32	0.87	0.48	0.31	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.04	-0.05	-0.05	0.32	0.54	0.019	0.047	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.02	0.02	0.32	0.0048	0.11	0.093	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	-0.06	0.02	0.33	0.93	3.00E-05	0.33	NA	NA	NA	NA
0.21	0.08	0.21	0.29	0.34	0.65	0.0016	0.00016	NA	NA	NA	NA
0.85	-0.02	-0.01	0.05	0.34	0.87	0.66	0.077	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.06	0.08	0.35	1	0.11	0.0066	NA	NA	NA	NA

0.11	-0.22	0.12	0.33	0.35	0.14	0.22	0.31	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	0.01	-0.03	0.35	0.018	0.58	0.13	NA	NA	NA	NA
0.05	0.19	-0.03	-0.03	0.38	9.30E-09	0.15	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.09	0	0.05	0.4	0.00054	0.78	5.60E-05	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	0.02	0.01	0.4	0.87	0.45	0.62	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	-0.05	-0.03	0.41	0.022	1.40E-05	0.033	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.05	0	-0.02	0.42	0.14	0.9	0.42	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.01	0.02	0.43	0.71	0.6	0.35	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.04	-0.02	-0.02	0.43	0.31	0.24	0.22	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	-0.05	0.04	0.43	0.46	0.27	0.43	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	-0.04	0.01	0.44	0.19	0.00031	0.71	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.03	0.02	0.44	0.013	0.11	0.33	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.02	0.02	0.44	0.021	0.094	0.058	NA	NA	NA	NA
0.13	0.04	-0.05	0.09	0.45	0.45	0.03	0.00027	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.05	0	0.45	0.38	0.0024	0.88	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	-0.03	0.02	0.45	0.45	0.052	0.15	NA	NA	NA	NA
0.06	0.19	0.02	0.06	0.46	0.019	0.59	0.009	NA	NA	NA	NA
0.09	0.01	0.07	0.08	0.47	0.89	0.018	0.00028	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.01	0.01	0.48	0.76	0.31	0.39	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	0	0.01	0.49	0.48	1	0.38	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.06	-0.08	0	0.49	0.046	1.90E-06	0.86	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.06	0.02	0.5	0.17	0.032	0.58	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.03	0.04	0.5	0.1	0.043	0.011	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.03	0	0.12	0.52	0.57	0.99	1.30E-06	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.07	-0.03	0	0.53	0.081	0.074	0.85	NA	NA	NA	NA
0.39	0.05	-0.06	0	0.54	0.62	0.014	0.99	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.1	-0.07	0.01	0.55	0.066	0.003	0.82	NA	NA	NA	NA
-0.13	0.08	-0.04	0.23	0.55	0.95	0.5	0.098	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.05	-0.06	0.01	0.55	0.26	0.014	0.68	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.04	-0.02	0.56	0.00076	0.00078	0.19	NA	NA	NA	NA

0.03	0.16	-0.04	0	0.57	3.00E-04	0.24	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.03	-0.01	0.61	0.56	0.088	0.72	NA	NA	NA	NA
-0.13	0.16	0.04	0.15	0.64	0.083	0.19	3.20E-05	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.04	0.04	0.64	0.48	0.11	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	-0.02	-0.03	0.65	0.044	0.078	0.028	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.05	-0.01	0.65	0.37	0.042	0.77	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.06	0	0.66	1	0.00042	0.89	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.03	0.01	0.66	0.53	0.29	0.66	NA	NA	NA	NA
-0.38	-0.05	0.04	0.27	0.67	1	0.64	0.0017	NA	NA	NA	NA
0.02	0.19	-0.04	0.05	0.69	7.00E-04	0.063	0.1	NA	NA	NA	NA
0.33	0.67	-0.11	0.29	0.69	0.32	0.061	0.014	NA	NA	NA	NA
0.01	0.11	-0.05	-0.01	0.71	0.002	0.023	0.55	NA	NA	NA	NA
0.09	0.03	0.01	-0.05	0.71	1	0.82	0.031	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.08	-0.03	0.71	0.89	9.20E-08	0.044	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.01	0	0.71	0.042	0.65	1	NA	NA	NA	NA
0.37	-0.06	-0.04	0	0.71	0.92	0.24	0.99	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.07	-0.01	-0.01	0.72	0.14	0.61	0.66	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.04	0.1	0.72	0.26	0.012	2.50E-08	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.74	-0.09	0.06	0.72	0.61	0.00026	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.13	-0.03	0.05	0.72	0.55	0.23	0.071	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.14	-0.06	0.2	0.73	0.34	0.14	0.031	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.05	0.05	0.74	0.47	0.043	0.098	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.13	-0.09	0.01	0.74	0.043	0.03	0.89	NA	NA	NA	NA
0.06	0.18	-0.09	0.02	0.74	0.035	0.03	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.01	-0.04	0.05	0.75	1	0.26	0.14	NA	NA	NA	NA
0.06	0	0.89	-0.02	0.75	1	0.22	0.72	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.05	-0.02	0.02	0.76	0.13	0.44	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.1	-0.03	0	0.76	0.00082	0.16	0.9	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.16	0.03	0	0.77	0.0041	0.45	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.03	0.03	0.78	0.63	0.12	0.21	NA	NA	NA	NA

0.03	0.16	0	0.01	0.78	0.09	1	0.73	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.03	-0.09	NA	0.8	1	0.33	NA	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.1	-0.08	0.05	0.8	0.0056	0.00046	0.05	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.09	0.04	0.03	0.81	0.11	0.23	0.62	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.3	-0.04	0.1	0.83	0.15	0.27	0.025	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	0	0.01	0.83	0.13	0.87	0.77	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.08	-0.08	0.83	0.9	0.00051	0.0046	NA	NA	NA	NA
0.09	0.07	0.06	0.12	0.83	0.9	0.23	0.0011	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	-0.02	0	0.86	0.36	0.25	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.04	-0.07	0.01	0.86	0.88	0.00012	0.56	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	-0.04	0.01	0.87	0.088	0.042	0.81	NA	NA	NA	NA
0.01	0.13	-0.03	-0.04	0.88	2.60E-05	0.015	0.0043	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.03	-0.04	-0.03	0.88	0.88	0.37	0.52	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.05	0.06	0.9	1	0.21	0.14	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.03	0.01	0.9	0.23	0.35	0.84	NA	NA	NA	NA
0.01	0.12	-0.04	0.08	0.91	0.00048	0.0015	8.70E-06	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.02	0	0.91	0.63	0.088	0.84	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.06	-0.02	0.95	1	0.00034	0.48	NA	NA	NA	NA
0	0.09	-0.04	0.04	0.95	0.00023	0.00023	0.00068	NA	NA	NA	NA
0.03	0.32	-0.09	-0.07	0.96	2.00E-07	0.00068	0.016	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.05	-0.02	0.97	1	0.022	0.29	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.04	0	0.97	0.62	0.016	0.95	NA	NA	NA	NA
0	0.14	-0.01	0	0.97	5.60E-05	0.64	0.93	NA	NA	NA	NA
0	0.08	-0.1	-0.04	0.97	0.0024	9.30E-08	0.071	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.02	-0.06	-0.01	0.98	0.21	0.00029	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.39	-0.09	0.18	0.98	0.092	0.011	0.036	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.04	-0.25	-0.15	1	0.97	0.0013	0.1	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.03	0.08	1	0.78	0.011	8.00E-08	NA	NA	NA	NA
0	0.08	-0.02	-0.02	1	3.70E-05	0.16	0.29	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.04	0.08	1	0.34	0.046	0.00078	NA	NA	NA	NA

0.02	0	-0.07	0.13	1	1	0.048	0.0055	NA	NA	NA	NA
0.02	0.12	-0.03	0.01	1	0.54	0.78	1	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.05	0.01	1	1	0.068	0.87	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.06	-0.02	1	0.43	0.0021	0.38	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.02	0.07	1	0.25	0.26	1.90E-05	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.11	-0.1	-0.02	1	0.003	3.00E-04	0.6	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.03	-0.09	-0.01	1	0.62	0.0012	0.82	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.45	-0.03	0.03	1	0.013	0.18	0.44	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.04	-0.03	0.05	1	0.61	0.31	0.2	NA	NA	NA	NA
0	0.63	-0.06	0.01	1	1.10E-09	0.00025	0.87	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.09	-0.02	1	1	0.0061	0.69	NA	NA	NA	NA
0	-0.08	-0.01	0.02	1	0.15	0.92	0.6	NA	NA	NA	NA
0.17	0.17	0.3	NA	1	1	0.17	NA	NA	NA	NA	NA
0	0.11	-0.02	0.03	1	2.60E-07	0.27	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.05	-0.12	1	0.93	0.31	7.30E-05	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.13	-0.04	0.05	1	0.013	0.029	0.079	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.01	-0.01	1	0.62	0.54	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.05	0.04	0.13	1	0.59	0.25	0.0099	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.02	-0.09	1	0.78	0.51	0.0021	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.05	-0.04	1	0.41	0.012	0.091	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.06	0.02	1	1	0.0043	0.52	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.15	0.05	0	1	0.48	0.42	1	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.2	-0.04	0.05	1	0.81	0.68	0.6	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.12	-0.08	-0.07	1	0.39	0.0039	0.022	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.04	0.02	1	1	0.015	0.36	NA	NA	NA	NA
0	0.07	-0.03	0.03	1	0.0034	0.061	0.096	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.06	0	1	0.96	0.0011	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.04	-0.17	-0.2	1	0.82	0.017	0.00013	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	0.01	0.04	1	0.6	0.48	0.033	NA	NA	NA	NA
0.01	0.14	-0.08	0.03	1	0.63	0.0061	0.48	NA	NA	NA	NA

NA	NA	0.08	-0.12	NA	NA	0.55	0.39	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	0.31	NA	NA	1	0.36	NA	NA	NA	NA
NA	-0.13	-0.09	-0.1	NA	1	0.038	0.0048	NA	NA	NA	NA
NA	-0.88	-0.08	-0.04	NA	0.047	0.69	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.79	-0.07	0.2	NA	0.024	0.48	0.21	NA	NA	NA	NA
NA	0	0.04	0.64	NA	1	1	0.29	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.06	-0.04	0.02	NA	0.19	0.13	0.47	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.1	0.27	NA	NA	0.39	5.30E-05	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	-0.01	NA	NA	0.33	0.95	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.29	0.5	NA	NA	0.97	0.82	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.06	NA	NA	NA	0.85	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.12	-0.02	0.03	NA	0.24	0.76	0.54	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.27	0.15	NA	NA	1.70E-05	0.048	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.09	0.06	NA	NA	0.04	0.61	NA	NA	NA	NA
NA	-0.13	-0.06	0	NA	0.5	0.096	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	0.09	NA	NA	1	0.58	NA	NA	NA	NA
NA	0.16	0.03	0.15	NA	0.67	0.71	0.016	NA	NA	NA	NA
NA	0.02	0.04	-0.02	NA	1	0.56	0.86	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.08	NA	NA	NA	0.62	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.18	-0.08	0	NA	2.00E-06	0.00018	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	-0.01	NA	NA	0.59	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.05	-0.06	0.06	NA	1	0.31	0.37	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.09	0.89	NA	NA	1	0.43	NA	NA	NA	NA
-0.19	0.08	-0.07	-0.01	1.00E-09	0.13	0.00019	0.67	NA	NA	NA	NA
0.16	0.06	-0.02	0.07	4.90E-09	0.00031	0.39	0.002	NA	NA	NA	NA
0.31	0.07	-0.1	-0.02	8.80E-08	0.24	0.00015	0.3	NA	NA	NA	NA
0.37	0.08	-0.07	0	4.50E-07	0.088	6.60E-06	0.95	NA	NA	NA	NA
-0.32	-0.04	-0.07	0.27	5.20E-07	0.79	0.3	8.80E-06	NA	NA	NA	NA

0.46	-0.04	-0.05	0.05	8.30E-07	0.9	0.043	0.19	NA	NA	NA	NA
0.13	0	-0.04	0	1.10E-06	0.84	6.40E-05	0.96	NA	NA	NA	NA
0.16	0.06	0	0.04	1.30E-06	0.017	0.96	0.014	NA	NA	NA	NA
0.12	0.1	-0.07	-0.05	2.10E-06	9.20E-05	0.00018	0.03	NA	NA	NA	NA
0.15	0.02	-0.06	-0.04	2.40E-06	0.43	2.00E-04	0.0093	NA	NA	NA	NA
0.41	0.03	-0.23	-0.15	3.30E-06	0.82	6.20E-08	0.00037	NA	NA	NA	NA
0.27	0.13	-0.05	0.12	4.20E-06	0.0055	0.0038	7.40E-06	NA	NA	NA	NA
0.4	0.23	-0.16	-0.05	4.60E-06	0.00081	1.70E-07	0.22	NA	NA	NA	NA
0.14	0.1	-0.04	0.02	5.00E-06	0.00033	0.017	0.25	NA	NA	NA	NA
0.22	0.15	0.02	0	5.60E-06	1.70E-05	0.49	0.9	NA	NA	NA	NA
0.13	0.03	-0.03	-0.03	6.30E-06	0.16	0.075	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.26	-0.24	-0.39	-0.11	1.20E-05	0.15	2.80E-09	0.054	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	-0.02	0.01	1.30E-05	0.0065	0.012	0.23	NA	NA	NA	NA
0.26	0.06	-0.1	-0.07	2.30E-05	0.09	9.00E-07	0.0036	NA	NA	NA	NA
0.33	0.28	-0.03	0.02	2.30E-05	6.40E-07	0.34	0.5	NA	NA	NA	NA
0.13	0.18	-0.01	0.04	2.30E-05	3.50E-07	0.67	0.15	NA	NA	NA	NA
0.16	0.09	-0.06	-0.06	3.30E-05	0.0089	0.0023	0.00059	NA	NA	NA	NA
0.25	0.16	-0.08	0.01	3.60E-05	4.80E-08	3.10E-06	0.81	NA	NA	NA	NA
-0.21	-0.15	0	0.12	4.20E-05	0.25	0.93	0.00013	NA	NA	NA	NA
0.43	0.02	-0.04	0.03	4.20E-05	1	0.032	0.3	NA	NA	NA	NA
0.36	0.01	-0.05	0.05	6.40E-05	1	0.089	0.17	NA	NA	NA	NA
0.2	0.27	-0.05	0.02	6.60E-05	1.60E-07	0.015	0.33	NA	NA	NA	NA
0.23	0.06	-0.01	0.03	0.00014	0.18	0.84	0.54	NA	NA	NA	NA
0.1	0.07	-0.06	-0.06	0.00014	0.00013	0.00029	0.00038	NA	NA	NA	NA
-0.31	-0.25	-0.02	0.08	0.00021	0.35	0.42	0.019	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.12	-0.06	-0.03	0.00028	0.0051	0.0032	0.23	NA	NA	NA	NA
0.15	0	-0.02	-0.01	0.00032	0.99	0.24	0.38	NA	NA	NA	NA
0.25	0.05	-0.03	0.04	0.00044	0.28	0.22	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.23	0.19	-0.19	-0.11	0.00064	0.074	2.40E-08	0.0028	NA	NA	NA	NA
0.13	0.12	-0.06	-0.01	0.00066	1.30E-06	1.00E-04	0.52	NA	NA	NA	NA

0.06	0.04	-0.03	-0.02	0.00074	0.0057	0.0042	0.049	NA	NA	NA	NA
-0.45	-0.47	-0.02	0.02	0.00076	0.00028	0.37	0.54	NA	NA	NA	NA
0.51	0.08	-0.02	0.04	0.00079	0.19	0.7	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.1	0	-0.04	0.06	0.0013	1	0.0046	0.0064	NA	NA	NA	NA
-0.36	-0.37	-0.02	0	0.0013	0.00026	0.3	0.95	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.01	-0.01	0.0015	0.15	0.43	0.51	NA	NA	NA	NA
0.21	0.07	-0.04	-0.01	0.0017	0.025	0.059	0.84	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	-0.03	0.02	0.0017	0.29	0.004	0.034	NA	NA	NA	NA
0.26	0.27	-0.08	0	0.0021	0.00028	0.0036	0.97	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.06	-0.07	-0.04	0.0022	0.11	2.10E-06	0.0088	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	0.02	0.03	0.0025	0.09	0.19	0.02	NA	NA	NA	NA
0.14	0.04	-0.08	0.06	0.0028	0.18	1.20E-07	0.0017	NA	NA	NA	NA
0.34	0.05	-0.11	-0.1	0.0029	0.094	1.50E-06	0.00019	NA	NA	NA	NA
0.21	0.21	-0.09	0	0.0031	0.001	0.001	0.94	NA	NA	NA	NA
0.09	0.08	-0.05	-0.02	0.0032	0.00038	0.00013	0.21	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.02	0	0.0032	0.65	0.043	0.7	NA	NA	NA	NA
0.39	0.31	-0.03	0.02	0.0034	3.20E-07	0.16	0.53	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.05	0.02	0.0044	0.12	6.60E-07	0.26	NA	NA	NA	NA
0.22	-0.03	0	0.02	0.0046	0.42	0.88	0.52	NA	NA	NA	NA
0.15	-0.02	-0.03	0.05	0.0047	0.64	0.082	0.0035	NA	NA	NA	NA
0.11	0.01	-0.12	-0.04	0.0048	0.91	3.20E-06	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.02	-0.04	-0.02	0.0051	0.48	0.002	0.26	NA	NA	NA	NA
0.08	0.06	-0.02	0.01	0.0051	0.0048	0.044	0.57	NA	NA	NA	NA
0.15	0.1	-0.04	-0.03	0.0052	0.12	0.039	0.29	NA	NA	NA	NA
0.17	0.03	0	0.05	0.0056	0.7	0.97	0.036	NA	NA	NA	NA
0.88	0.88	-0.1	-0.07	0.0057	0.33	0.23	0.57	NA	NA	NA	NA
0.69	0.17	-0.09	0.03	0.0057	0.54	0.044	0.71	NA	NA	NA	NA
0.16	0.15	-0.1	0	0.0059	0.0023	0.0041	1	NA	NA	NA	NA
0.11	0.14	-0.07	-0.04	0.0061	2.40E-05	0.00094	0.087	NA	NA	NA	NA
0.13	0.05	-0.05	-0.04	0.0062	0.27	0.058	0.12	NA	NA	NA	NA

0.12	0.03	-0.01	0.07	0.0063	0.35	0.47	9.50E-06	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.03	-0.08	-0.02	0.0065	0.36	1.20E-05	0.31	NA	NA	NA	NA
0.32	-0.17	0.14	0.18	0.0066	0.12	0.17	0.018	NA	NA	NA	NA
0.06	0.13	-0.05	-0.01	0.0067	1.90E-08	9.40E-08	0.27	NA	NA	NA	NA
0.06	0.07	-0.05	0.02	0.0073	0.00026	0.0015	0.33	NA	NA	NA	NA
0.08	0.14	-0.03	0	0.008	3.40E-06	0.038	0.84	NA	NA	NA	NA
-0.41	-0.14	NA	NA	0.0086	0.37	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0.16	0.04	0	0.15	0.009	0.57	1	2.00E-07	NA	NA	NA	NA
0.08	0.06	-0.05	-0.03	0.0091	0.013	0.0024	0.1	NA	NA	NA	NA
0.1	0.11	-0.03	0.06	0.01	0.005	0.089	0.0046	NA	NA	NA	NA
0.12	0.03	-0.03	0.04	0.012	0.43	0.17	0.049	NA	NA	NA	NA
0.34	0.23	0.04	0.1	0.012	0.014	0.15	0.00078	NA	NA	NA	NA
0.09	0	-0.02	-0.02	0.014	1	0.59	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.1	-0.03	0.01	0.014	4.00E-05	0.018	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.23	-0.22	-0.09	0.02	0.017	0.01	0.073	0.83	NA	NA	NA	NA
0.25	0.03	-0.06	-0.07	0.018	0.75	0.016	0.0072	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.03	-0.05	-0.02	0.018	0.21	2.10E-05	0.086	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	0.01	0.01	0.018	0.8	0.62	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.06	-0.11	-0.14	0.018	0.25	0.0024	6.80E-06	NA	NA	NA	NA
0.39	0.02	-0.07	0.3	0.021	1	0.36	0.0066	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.02	-0.03	0.03	0.022	0.32	0.0088	0.027	NA	NA	NA	NA
0.12	0.19	-0.03	0.05	0.023	0.00023	0.64	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.08	-0.01	0.07	0.023	0.4	0.87	0.036	NA	NA	NA	NA
0.06	0.09	-0.08	0.03	0.023	0.00019	1.80E-07	0.21	NA	NA	NA	NA
0.2	0.11	-0.01	0.15	0.023	0.31	0.66	3.70E-05	NA	NA	NA	NA
0.1	0.08	-0.08	0.01	0.024	0.003	0.0015	0.64	NA	NA	NA	NA
0.07	0.26	-0.04	0.05	0.025	5.00E-07	0.015	0.0088	NA	NA	NA	NA
-0.2	0.25	-0.07	-0.05	0.026	0.011	0.011	0.067	NA	NA	NA	NA
0.15	0.01	-0.07	0.01	0.026	0.83	0.00035	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.03	-0.08	-0.05	0.028	0.56	0.00031	0.032	NA	NA	NA	NA

0.08	0.01	-0.06	0.03	0.032	0.95	0.0023	0.28	NA	NA	NA	NA
0.28	0.08	-0.06	0.01	0.033	0.42	0.018	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.57	-0.3	0	0.08	0.038	0.71	1	0.029	NA	NA	NA	NA
0.09	0.14	-0.06	0.03	0.038	0.00039	0.00097	0.34	NA	NA	NA	NA
0.13	0.03	0.01	0.03	0.038	0.87	0.78	0.31	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.07	-0.07	0.041	0.12	0.00015	3.60E-06	NA	NA	NA	NA
0.56	0.17	-0.02	0.05	0.042	0.0029	0.32	0.049	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.1	-0.04	-0.02	0.043	0.0046	0.011	0.24	NA	NA	NA	NA
0.29	-0.04	-0.04	-0.04	0.044	0.73	0.11	0.085	NA	NA	NA	NA
0.1	0.18	-0.02	-0.02	0.046	0.00069	0.6	0.55	NA	NA	NA	NA
0.38	0.04	-0.03	-0.05	0.047	0.65	0.43	0.17	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	-0.02	0.01	0.047	0.0029	0.061	0.27	NA	NA	NA	NA
0.09	0.11	-0.09	0.03	0.051	0.013	2.00E-05	0.31	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.03	0.02	0.053	0.0043	0.043	0.28	NA	NA	NA	NA
0.1	0.01	-0.07	0.04	0.055	0.93	0.0011	0.086	NA	NA	NA	NA
0.16	0.46	-0.01	0.16	0.058	0.011	0.75	0.023	NA	NA	NA	NA
0.06	0.12	-0.01	0.04	0.061	5.80E-05	0.68	0.0061	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.04	0.01	0.063	0.18	1.20E-05	0.55	NA	NA	NA	NA
0.37	-0.1	0.07	0.14	0.065	0.31	0.0026	3.70E-07	NA	NA	NA	NA
0.07	0.08	-0.04	0.01	0.065	0.0013	0.00083	0.33	NA	NA	NA	NA
0.11	0.02	-0.02	0.01	0.067	0.69	0.19	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.14	0.06	-0.02	0.068	0.13	0.19	0.7	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.05	-0.03	0.068	0.71	0.00018	0.03	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.09	-0.04	0.09	0.068	0.02	0.047	6.00E-05	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.05	-0.02	0	0.072	0.32	0.12	0.8	NA	NA	NA	NA
0.16	0.11	0	-0.04	0.077	1	0.96	0.14	NA	NA	NA	NA
0.12	0.04	-0.02	-0.01	0.078	0.55	0.52	0.68	NA	NA	NA	NA
0.09	0.08	-0.07	-0.04	0.079	0.2	0.0044	0.092	NA	NA	NA	NA
0.12	0.04	-0.08	-0.05	0.081	0.4	0.00014	0.018	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.09	-0.03	0	0.081	0.0033	0.046	0.86	NA	NA	NA	NA

0.06	0.03	-0.06	0.01	0.082	0.45	0.0012	0.82	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.09	-0.06	0.02	0.087	0.064	0.0081	0.39	NA	NA	NA	NA
0.12	0.37	-0.04	0.01	0.088	4.40E-08	0.21	0.79	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.03	-0.03	0.02	0.09	0.39	0.042	0.24	NA	NA	NA	NA
0.27	0.03	-0.02	0.02	0.092	0.71	0.57	0.53	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	0	0.01	0.097	0.86	1	0.62	NA	NA	NA	NA
0.26	0.21	-0.02	0.02	0.099	0.00018	0.32	0.24	NA	NA	NA	NA
0.77	-0.1	-0.11	-0.01	0.11	0.31	0.00016	0.95	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.17	-0.04	0.05	0.11	0.074	0.18	0.14	NA	NA	NA	NA
0.42	0.14	-0.17	0.07	0.13	0.8	0.22	0.8	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	-0.06	-0.01	0.13	0.49	0.0089	0.76	NA	NA	NA	NA
0.17	-0.14	-0.02	0.01	0.13	0.05	0.66	0.87	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.05	-0.04	0.02	0.13	0.32	0.053	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.36	-0.43	-0.02	0.09	0.13	0.001	1	0.41	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.06	-0.03	0.13	0.43	0.0018	0.12	NA	NA	NA	NA
0.1	0.32	-0.08	-0.01	0.14	2.70E-05	0.008	0.69	NA	NA	NA	NA
0.22	-0.04	-0.03	-0.03	0.14	0.51	0.25	0.4	NA	NA	NA	NA
0.09	0.03	-0.04	0	0.14	0.55	0.038	0.99	NA	NA	NA	NA
0.1	0.1	-0.07	-0.06	0.15	0.023	0.0015	0.029	NA	NA	NA	NA
0.19	0.15	-0.01	-0.03	0.15	0.5	0.74	0.44	NA	NA	NA	NA
0.06	0.11	-0.03	0.03	0.15	0.011	0.063	0.24	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.01	-0.02	0.09	0.16	1	0.32	0.00015	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.15	-0.08	-0.02	0.16	0.031	0.00043	0.41	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	-0.02	0	0.16	0.82	0.12	0.8	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.07	-0.04	0.03	0.17	0.25	0.087	0.18	NA	NA	NA	NA
0.05	0.15	-0.07	0.02	0.17	5.70E-06	1.70E-06	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.04	0.02	0.17	0.75	0.00025	0.099	NA	NA	NA	NA
-0.13	0.17	-0.02	0.03	0.18	0.15	0.47	0.52	NA	NA	NA	NA
0.28	0.19	-0.02	0.02	0.18	0.069	0.57	0.57	NA	NA	NA	NA
0.07	0.2	-0.01	0.01	0.18	1.50E-05	0.6	0.73	NA	NA	NA	NA

0.21	0.06	0.03	0.04	0.19	0.44	0.41	0.27	NA	NA	NA	NA
0.04	0.06	-0.06	-0.03	0.19	0.042	0.00028	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.22	-0.06	-0.04	0.19	0.0032	0.042	0.15	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.03	-0.03	0.19	0.68	0.12	0.15	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	0	-0.04	0.2	0.42	0.96	0.052	NA	NA	NA	NA
0.92	0.02	-0.06	-0.01	0.21	1	0.47	0.93	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.04	-0.03	-0.02	0.21	0.11	0.37	0.72	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	0	0.03	0.21	5.40E-05	0.89	0.14	NA	NA	NA	NA
0.07	0.19	-0.01	0.05	0.21	6.40E-07	0.5	0.027	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.17	-0.04	-0.05	0.21	0.0011	0.17	0.091	NA	NA	NA	NA
0.23	0.18	0.08	-0.03	0.21	0.39	0.19	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.24	-0.19	-0.1	-0.09	0.22	0.069	0.006	0.028	NA	NA	NA	NA
0.89	-0.04	-0.09	0.1	0.22	0.97	0.00081	0.047	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.03	0.01	0.23	0.11	0.026	0.67	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	0.03	0.04	0.23	0.83	0.14	0.0079	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.04	-0.01	0.23	0.036	0.005	0.78	NA	NA	NA	NA
0.04	0.08	-0.02	0.03	0.23	0.017	0.18	0.085	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	0.02	0.06	0.23	1.00E-04	0.074	1.00E-06	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.14	-0.02	0	0.23	0.042	0.62	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.03	0.03	0.24	0.02	0.012	0.0077	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.01	0.04	0.25	0.48	0.48	0.0076	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.06	-0.01	0.26	0.66	4.20E-06	0.77	NA	NA	NA	NA
0.28	0.42	-0.02	0	0.26	0.077	0.82	0.95	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	0.01	0.05	0.26	0.99	0.65	0.013	NA	NA	NA	NA
0.03	0.18	-0.08	-0.07	0.26	2.60E-07	0.00038	0.0032	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.06	-0.01	0.26	0.35	5.50E-05	0.69	NA	NA	NA	NA
0.06	0.15	-0.02	-0.03	0.27	0.0053	0.41	0.43	NA	NA	NA	NA
0.05	0.11	-0.03	0.01	0.27	0.00051	0.28	0.69	NA	NA	NA	NA
0.26	NA	0.05	0.17	0.28	NA	0.3	8.00E-06	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	-0.03	0.05	0.28	0.65	0.48	0.16	NA	NA	NA	NA

0.06	0.13	0	0.05	0.29	0.037	0.95	0.025	NA	NA	NA	NA
0.11	0.08	0.01	0.09	0.3	0.19	0.88	0.0017	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.01	-0.04	0.15	0.31	1	0.42	0.0034	NA	NA	NA	NA
0.04	0.06	-0.07	0.03	0.31	0.042	1.40E-05	0.26	NA	NA	NA	NA
0.44	-0.17	-0.06	-0.05	0.31	0.22	0.092	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.07	-0.01	0.05	0.32	0.0011	0.42	2.70E-05	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.07	-0.04	0.32	0.0086	2.00E-04	0.01	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.05	-0.05	0.32	0.75	0.23	0.18	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.01	0.03	0.33	1	0.81	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.01	-0.05	-0.02	0.35	0.97	0.003	0.33	NA	NA	NA	NA
0.85	0.56	-0.02	0.15	0.35	0.0016	0.83	0.0036	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.01	0.02	0	0.35	1	0.51	0.99	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.03	0.01	0.35	0.62	0.028	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.06	0.02	0.36	0.64	0.00035	0.6	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.03	-0.01	0.38	0.77	0.02	0.31	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.02	-0.02	-0.04	0.38	0.73	0.61	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.21	NA	-0.09	-0.09	0.38	NA	0.21	0.16	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.03	-0.04	0.03	0.39	0.32	0.034	0.21	NA	NA	NA	NA
0.13	0	-0.06	0.07	0.39	1	0.00026	0.00037	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.01	-0.06	0.02	0.41	1	0.018	0.62	NA	NA	NA	NA
0.19	0.02	-0.02	0.02	0.41	1	0.38	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.13	-0.05	0	0.41	0.0063	0.11	1	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.03	-0.02	0.03	0.41	0.34	0.1	0.13	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	-0.03	0.03	0.42	0.027	0.025	0.044	NA	NA	NA	NA
0.02	0.1	-0.04	0.02	0.42	0.00012	0.00057	0.083	NA	NA	NA	NA
0.03	0	0.03	0.05	0.43	1	0.062	0.00046	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.23	-0.06	-0.05	0.43	5.20E-06	0.00036	0.0018	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.58	0.03	0.16	0.44	4.30E-09	0.2	1.50E-08	NA	NA	NA	NA
-0.07	0	0.09	0.17	0.44	1	0.0071	0.00022	NA	NA	NA	NA
0.41	0.02	0.05	0.03	0.45	0.84	0.096	0.19	NA	NA	NA	NA

-0.06	0.04	0.02	0.12	0.46	0.53	0.33	3.80E-07	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.07	-0.06	-0.04	0.46	0.29	0.23	0.4	NA	NA	NA	NA
0.03	0.15	-0.03	0.01	0.47	4.10E-07	0.018	0.32	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.05	0	0.07	0.47	0.32	0.95	0.00056	NA	NA	NA	NA
0.82	0.04	0.17	0.14	0.48	0.92	0.045	0.0078	NA	NA	NA	NA
-0.2	-0.23	0	0.11	0.49	0.24	1	0.011	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.07	-0.01	0.5	1	0.035	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.01	-0.01	0.51	0.28	0.73	0.64	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.04	0.01	0.51	0.17	0.001	0.69	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.07	-0.05	0.51	0.017	2.90E-06	0.00028	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.08	-0.06	0.03	0.52	0.19	1.00E-04	0.16	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.05	-0.01	0	0.52	0.44	0.82	0.96	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.05	0.01	0.52	0.68	2.40E-05	0.47	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.01	0.04	0.53	0.79	0.78	0.024	NA	NA	NA	NA
0.06	0.17	-0.02	0.06	0.54	7.10E-05	0.29	0.043	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.13	-0.01	0.12	0.54	0.012	0.64	1.60E-08	NA	NA	NA	NA
0.02	0.26	-0.06	0.01	0.54	1.60E-05	0.00013	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.06	-0.1	-0.16	0.55	0.44	0.059	0.011	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.04	0.05	0.56	0.15	0.25	0.11	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.02	0.03	0.57	1	0.39	0.15	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.05	-0.06	0.02	0.57	0.54	0.025	0.52	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.02	-0.02	-0.01	0.58	0.99	0.62	0.84	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.04	-0.05	-0.02	0.59	0.064	3.00E-05	0.088	NA	NA	NA	NA
0.04	0.22	0	0.04	0.59	0.00055	1	0.36	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.03	0.06	0.6	0.062	0.042	0.0025	NA	NA	NA	NA
0.07	0.15	0	-0.01	0.61	0.00087	1	0.77	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.03	0	0.61	0.76	0.18	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.15	-0.02	0.01	0.61	2.40E-06	0.32	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.04	-0.02	0.08	0.61	0.35	0.26	3.80E-05	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.09	0.04	0.03	0.61	0.058	0.077	0.23	NA	NA	NA	NA

-0.1	-0.4	0.04	-0.01	0.61	0.0067	0.21	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.24	-0.02	0	0.62	0.28	0.6	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.03	-0.01	0.62	0.012	0.15	0.6	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.07	-0.02	0.64	0.28	0.0021	0.45	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.05	0.03	0.65	0.35	0.0079	0.064	NA	NA	NA	NA
0.04	0.92	-0.02	0.13	0.65	0.15	0.58	0.00059	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.04	-0.05	0	0.66	0.52	0.026	0.99	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.04	-0.06	0.66	1	0.094	0.0094	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.06	-0.02	0.03	0.66	0.16	0.36	0.17	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.11	-0.09	0.66	0.67	0.00026	0.00019	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.08	-0.04	0.03	0.68	0.027	0.026	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.02	0.06	0.68	0.55	0.18	9.90E-05	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.01	0.04	0.69	0.52	0.82	0.091	NA	NA	NA	NA
0.05	0.1	0	0.04	0.69	0.32	0.95	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	-0.04	0	0.69	1	0.13	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.02	0.02	0.69	0.0087	0.39	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.05	-0.1	-0.09	0.71	0.19	0.00036	0.0039	NA	NA	NA	NA
0.05	0.15	0.04	0.06	0.71	7.20E-05	0.052	0.0073	NA	NA	NA	NA
0.02	0.18	-0.11	-0.07	0.71	8.20E-05	4.80E-09	0.0027	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.03	0.03	0.71	0.51	0.034	0.018	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.06	0.04	0.71	1	2.90E-05	0.027	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.36	0	0.05	0.72	0.0019	1	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.12	-0.1	-0.05	0.72	0.44	3.50E-05	0.085	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.07	0	0.01	0.72	0.13	0.92	0.81	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.03	0.04	0.73	0.62	0.031	0.0057	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.03	0.01	0.73	0.09	0.021	0.59	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.02	0.01	0.73	0.66	0.18	0.53	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.02	0	0.75	0.92	0.2	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.05	-0.03	0.03	0.76	0.3	0.059	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.07	0.04	0.03	0.76	0.0098	0.023	0.088	NA	NA	NA	NA

0.05	-0.04	-0.06	0.08	0.77	0.77	0.047	0.045	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.02	0.03	0.77	0.22	0.37	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.28	-0.03	0.01	0.78	0.11	0.32	0.7	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.05	0	0.78	1	0.00072	0.99	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	0.01	0.03	0.78	1	0.74	0.15	NA	NA	NA	NA
0.06	0	0.03	0.11	0.78	1	0.2	3.70E-06	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.03	0.04	0.79	0.18	0.06	0.0062	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.04	0.02	0.8	0.83	0.19	0.35	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.06	-0.06	-0.03	0.8	0.098	0.014	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.39	-0.02	0.23	0.81	0.00018	0.47	2.80E-07	NA	NA	NA	NA
0.26	0.59	-0.07	0.27	0.82	0.0086	0.088	0.032	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	0.08	0.16	0.82	0.91	0.0053	5.30E-06	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.04	0	0.01	0.85	0.99	1	0.84	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.03	0.01	0.85	0.98	0.00052	0.66	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.04	0.02	0.87	0.011	0.0035	0.32	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.07	-0.02	-0.05	0.87	0.14	0.46	0.021	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.03	0.02	0.88	0.54	0.086	0.33	NA	NA	NA	NA
0.02	0.39	-0.06	-0.01	0.9	2.00E-06	0.03	0.71	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.1	0	0.06	0.91	0.17	1	0.012	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.05	0.1	0.93	1	0.14	0.067	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.23	-0.07	-0.14	0.93	0.0037	0.025	0.024	NA	NA	NA	NA
0.11	0.15	0.06	0.05	0.94	0.015	0.3	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.2	-0.04	-0.03	0.94	2.20E-07	0.052	0.17	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.05	-0.09	-0.08	0.95	0.45	0.023	0.011	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.01	0.02	0.95	0.92	0.39	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.07	0.15	0.96	0.97	0.00019	1.40E-07	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.03	0.02	0.96	1	0.03	0.32	NA	NA	NA	NA
0.02	0.19	-0.04	0.02	0.98	0.00027	0.16	0.5	NA	NA	NA	NA
0	0.08	-0.02	0.01	0.98	0.0072	0.15	0.4	NA	NA	NA	NA
0.01	0.11	-0.06	-0.04	0.98	0.0047	0.0013	0.02	NA	NA	NA	NA

0.03	0.05	0.01	0.05	0.98	0.34	0.74	0.056	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.08	-0.06	0.99	0.4	4.70E-06	0.00088	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.04	-0.04	0.99	0.69	0.046	0.097	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.05	0.02	1	0.32	0.005	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.26	-0.03	0.07	1	0.03	0.18	0.016	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.26	-0.01	0.06	1	0.001	0.87	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.19	0.05	0.12	1	0.19	0.023	8.30E-05	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.04	0.01	1	0.66	0.1	0.74	NA	NA	NA	NA
0.02	0.42	0.01	0.05	1	0.092	1	0.36	NA	NA	NA	NA
0	NA	-0.01	0.05	1	NA	0.77	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.4	-0.67	-0.02	0.15	1	0.88	0.74	0.57	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.72	-0.03	-0.02	1	0.052	0.54	0.67	NA	NA	NA	NA
0	-0.5	-0.08	-0.13	1	0.45	0.86	0.46	NA	NA	NA	NA
0	0.08	-0.02	-0.02	1	0.014	0.39	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	0.05	0.03	1	1	0.33	0.68	NA	NA	NA	NA
0	0.26	-0.08	0.04	1	0.0013	0.00023	0.12	NA	NA	NA	NA
0.18	0.25	-0.04	-0.05	1	1	0.23	1	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.15	0	0.04	1	0.13	1	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.12	0.06	1	1	0.0024	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.01	0.02	1	0.73	0.8	0.46	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.01	0.03	1	0.31	0.68	0.1	NA	NA	NA	NA
0.19	0.36	-0.18	0.32	1	0.12	0.014	0.0084	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.03	-0.07	-0.08	1	1	0.44	0.59	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.06	0	1	1	0.00023	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.14	-0.07	0.02	1	0.28	0.06	0.68	NA	NA	NA	NA
0	0.01	0	0	1	0.85	1	1	NA	NA	NA	NA
0	-0.07	-0.03	0.06	1	0.17	0.089	0.0064	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	0	0.03	1	0.69	0.94	0.086	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.87	0.07	0.01	1	0.028	0.29	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.36	-0.03	-0.01	1	0.13	0.45	0.86	NA	NA	NA	NA

0.01	-0.04	0.03	0.1	1	0.24	0.16	2.50E-07	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.05	0.01	1	0.28	0.00018	0.72	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.06	0.02	1	0.018	0.0053	0.51	NA	NA	NA	NA
0	-0.07	-0.1	0.02	1	0.79	0.058	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.19	-0.04	0	1	0.088	0.12	1	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.17	-0.02	1	1	2.20E-06	0.71	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.05	-0.01	1	0.83	0.075	0.79	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.04	0.03	1	0.068	6.00E-05	0.015	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.05	0	1	0.69	3.00E-05	0.82	NA	NA	NA	NA
0	-0.03	0.01	0.16	1	1	0.93	4.50E-05	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.1	-0.08	0.09	1	0.12	2.10E-05	0.00019	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.05	0	1	0.85	0.075	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.17	0.15	1	1	2.30E-05	0.084	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.03	-0.01	1	1	0.15	0.71	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.04	-0.01	1	1	0.12	0.79	NA	NA	NA	NA
0.05	0.08	0.01	0.08	1	1	0.81	0.0016	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.02	0.08	1	0.23	0.66	0.044	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.03	0.02	1	0.0042	0.027	0.22	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.04	0.02	1	0.43	0.00022	0.21	NA	NA	NA	NA
0.05	0.91	0.03	-0.06	1	1.90E-05	0.46	0.14	NA	NA	NA	NA
0.04	0	0.05	0.06	1	1	0.38	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.15	-0.06	0.01	1	0.15	0.022	0.91	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.02	0.04	1	0.4	0.23	0.02	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.05	-0.06	1	0.31	0.37	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.24	-0.25	-0.06	0.04	1	1	0.019	0.22	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.11	0	0.02	1	0.96	1	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.35	-0.02	-0.01	1	0.0026	0.47	0.81	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	0	0.03	1	1	1	0.51	NA	NA	NA	NA
0	-0.26	-0.11	0.08	1	0.33	0.0025	0.17	NA	NA	NA	NA
0	0.15	-0.09	-0.08	1	6.70E-05	2.40E-05	0.00034	NA	NA	NA	NA

-0.01	0.05	-0.07	0.04	1	0.11	0.017	0.37	NA	NA	NA	NA
0.2	0.7	-0.14	NA	1	0.19	0.081	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.05	-0.07	-0.11	NA	0.25	0.083	2.70E-05	NA	NA	NA	NA
NA	0.86	-0.4	NA	NA	0.54	0.14	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.84	-0.01	0.34	NA	0.0042	0.99	3.30E-08	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.08	NA	NA	1	0.49	NA	NA	NA	NA
NA	-0.02	0	0.04	NA	1	1	0.74	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.07	0.08	NA	NA	0.1	0.19	NA	NA	NA	NA
NA	0	0.07	-0.06	NA	1	0.29	0.16	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	NA	NA	NA	0.053	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	NA	NA	NA	0.9	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.09	-0.04	NA	NA	0.008	0.4	NA	NA	NA	NA
NA	-0.21	-0.15	-0.05	NA	0.53	0.00041	0.51	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.3	0.11	NA	NA	2.10E-06	0.76	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.19	NA	NA	NA	0.62	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.01	-0.2	-0.21	NA	1	0.13	0.44	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.13	0.25	NA	NA	0.35	0.028	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.53	NA	NA	NA	0.013	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.05	-0.09	-0.02	NA	0.11	0.002	0.64	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.13	-0.09	NA	NA	0.014	0.44	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	-0.18	NA	NA	0.48	0.43	NA	NA	NA	NA
NA	-0.08	-0.07	0.04	NA	0.22	0.012	0.22	NA	NA	NA	NA
NA	0.02	-0.13	0.12	NA	1	0.023	0.069	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.31	0.5	NA	NA	0.42	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.13	0.04	0.06	NA	0.9	0.48	0.22	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.06	0	NA	NA	0.76	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	-0.02	NA	NA	0.85	0.45	NA	NA	NA	NA

NA	NA	-0.14	-0.06	NA	NA	0.059	0.71	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	0.31	NA	NA	NA	0.32	NA	NA	NA	NA
NA	0.13	-0.06	-0.01	NA	0.0039	0.0035	0.75	NA	NA	NA	NA
NA	-0.01	0.03	-0.06	NA	1	0.66	0.17	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	0	NA	NA	0.7	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.67	-0.04	0.06	NA	0.88	0.83	0.73	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.08	NA	NA	NA	0.82	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.31	-0.14	-0.05	NA	0.21	0.022	0.71	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	0.11	NA	NA	0.61	0.18	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.13	0.1	NA	NA	0.00092	0.09	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.43	NA	NA	NA	0.39	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.18	-0.12	NA	NA	0.97	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0.17	NA	NA	0.49	0.98	NA	NA	NA	NA
NA	0.69	-0.02	0.06	NA	0.72	0.55	0.15	NA	NA	NA	NA
NA	0.14	-0.07	0.24	NA	0.51	0.18	0.03	NA	NA	NA	NA
0.18	-0.02	-0.04	-0.02	1.40E-09	0.14	0.0036	0.19	NA	NA	NA	NA
0.42	0.07	-0.05	-0.03	4.70E-09	0.11	0.059	0.32	NA	NA	NA	NA
0.22	0.08	-0.01	-0.04	1.40E-08	0.00013	0.87	0.12	NA	NA	NA	NA
0.39	0.07	-0.01	0.07	2.20E-08	0.064	0.85	0.011	NA	NA	NA	NA
0.33	0.05	-0.06	0	4.50E-08	0.12	7.10E-06	0.96	NA	NA	NA	NA
0.16	0.03	-0.04	0.02	5.70E-08	0.21	0.037	0.2	NA	NA	NA	NA
0.68	0.17	-0.04	0.35	7.50E-08	0.025	0.18	1.20E-06	NA	NA	NA	NA
0.23	0.27	0.05	0.42	1.60E-07	1.60E-06	0.13	2.00E-07	NA	NA	NA	NA
0.29	0.09	-0.09	0	1.90E-07	0.04	1.10E-07	0.97	NA	NA	NA	NA
0.27	0.01	-0.06	-0.04	2.20E-07	0.9	0.01	0.085	NA	NA	NA	NA
0.81	-0.03	0	0.06	2.30E-07	0.58	1	0.039	NA	NA	NA	NA
0.41	0.09	-0.03	-0.07	2.50E-07	0.34	0.29	0.0025	NA	NA	NA	NA
0.35	0.03	-0.03	0.08	2.80E-07	0.35	0.26	0.019	NA	NA	NA	NA

0.17	-0.01	0.04	0.04	4.50E-07	0.85	0.0072	0.006	NA	NA	NA	NA
0.49	-0.01	-0.07	0.01	4.90E-07	0.99	0.11	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.22	-0.1	-0.22	-0.15	1.20E-06	0.037	0.00016	0.0099	NA	NA	NA	NA
0.14	0.01	-0.03	-0.02	1.40E-06	0.73	0.25	0.4	NA	NA	NA	NA
0.1	0.06	-0.06	0.04	2.90E-06	2.30E-05	5.30E-06	0.018	NA	NA	NA	NA
0.3	0.14	0.01	-0.03	3.20E-06	0.0021	0.89	0.34	NA	NA	NA	NA
0.37	-0.03	0.03	0.08	3.20E-06	1	0.25	0.0065	NA	NA	NA	NA
0.25	0.23	-0.04	0	3.60E-06	2.00E-04	0.32	1	NA	NA	NA	NA
0.21	0.05	0.01	0.05	5.60E-06	0.039	0.67	0.00094	NA	NA	NA	NA
0.24	0.04	-0.02	0.01	7.60E-06	0.11	0.44	0.67	NA	NA	NA	NA
0.88	0.02	0.01	0.08	7.80E-06	0.77	0.75	0.0064	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.01	-0.05	0.05	1.10E-05	0.64	0.00028	0.0032	NA	NA	NA	NA
0.2	0	0.05	0.04	1.20E-05	0.98	0.00093	0.023	NA	NA	NA	NA
0.19	0.17	-0.04	-0.03	1.30E-05	6.60E-07	0.024	0.064	NA	NA	NA	NA
0.94	0.52	-0.1	-0.1	1.30E-05	7.10E-07	0.12	0.089	NA	NA	NA	NA
0.95	0.12	-0.02	0.03	1.50E-05	0.00024	0.84	0.86	NA	NA	NA	NA
0.15	0.02	-0.02	0.08	1.60E-05	0.41	0.26	2.40E-06	NA	NA	NA	NA
0.13	0.23	-0.05	-0.04	2.20E-05	5.70E-08	0.0084	0.019	NA	NA	NA	NA
0.23	0.04	0.03	0.11	2.50E-05	0.23	0.12	2.10E-08	NA	NA	NA	NA
0.64	0.14	0.01	0.03	2.90E-05	0.31	0.8	0.41	NA	NA	NA	NA
0.18	-0.02	-0.02	-0.03	3.10E-05	0.61	0.16	0.091	NA	NA	NA	NA
0.16	0.05	0.03	0.01	3.40E-05	0.076	0.39	0.87	NA	NA	NA	NA
0.31	0.07	-0.03	0.13	4.20E-05	0.2	0.2	8.60E-08	NA	NA	NA	NA
0.41	0.13	-0.02	0	4.40E-05	0.98	0.54	1	NA	NA	NA	NA
0.21	0.03	-0.01	0.04	4.50E-05	0.46	0.79	0.11	NA	NA	NA	NA
0.39	-0.01	-0.01	0.18	5.00E-05	1	0.63	2.40E-06	NA	NA	NA	NA
0.1	0.09	-0.02	0.01	7.50E-05	9.60E-08	0.027	0.57	NA	NA	NA	NA
0.16	0.07	-0.05	-0.09	8.40E-05	0.049	0.041	1.80E-08	NA	NA	NA	NA
0.42	NA	-0.08	0.21	0.00011	NA	0.012	9.40E-06	NA	NA	NA	NA
0.28	0.1	0	0.1	0.00011	0.0019	0.86	0.00016	NA	NA	NA	NA

0.14	0.05	-0.03	0.01	0.00012	0.058	0.081	0.34	NA	NA	NA	NA
0.63	0.02	-0.05	-0.07	0.00012	1	0.46	0.25	NA	NA	NA	NA
0.27	0.1	0	-0.01	0.00013	0.01	0.94	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.67	-0.59	0.11	0	0.00014	0.0011	0.0011	0.93	NA	NA	NA	NA
0.36	-0.08	-0.03	0.02	0.00014	0.34	0.33	0.4	NA	NA	NA	NA
0.27	0.21	-0.08	-0.05	0.00014	0.00017	7.70E-05	0.066	NA	NA	NA	NA
0.14	0.01	0.01	-0.03	0.00015	0.81	0.75	0.26	NA	NA	NA	NA
0.11	0.03	-0.07	-0.03	0.00017	0.16	3.00E-05	0.029	NA	NA	NA	NA
0.14	0.21	-0.04	-0.01	0.00018	1.40E-07	0.049	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.27	-0.26	-0.05	0.09	2.00E-04	0.0012	0.011	0.00024	NA	NA	NA	NA
0.19	0.08	-0.05	0.04	0.00026	0.032	0.00068	0.03	NA	NA	NA	NA
0.19	0.03	0.01	-0.03	0.00026	0.43	0.94	0.27	NA	NA	NA	NA
0.14	0.03	-0.04	0.05	0.00029	0.4	0.0095	0.0013	NA	NA	NA	NA
0.17	0.01	-0.06	-0.03	3.00E-04	0.95	0.0014	0.27	NA	NA	NA	NA
0.17	0.01	-0.03	0.06	0.00031	0.91	0.042	0.00029	NA	NA	NA	NA
0.73	0.06	-0.08	-0.03	0.00031	0.91	0.03	0.6	NA	NA	NA	NA
0.17	0.06	-0.03	-0.04	0.00033	0.0047	0.32	0.059	NA	NA	NA	NA
0.11	0.02	-0.04	-0.02	0.00039	0.5	0.037	0.27	NA	NA	NA	NA
0.21	0.09	-0.01	0.05	4.00E-04	0.082	0.72	0.11	NA	NA	NA	NA
0.22	0.02	0.01	0.07	0.00042	0.64	0.61	0.021	NA	NA	NA	NA
0.15	0.14	-0.02	0	0.00056	4.60E-05	0.31	1	NA	NA	NA	NA
0.09	0.11	-0.01	-0.02	0.00056	0.00043	0.75	0.18	NA	NA	NA	NA
0.1	0.1	0	0	0.00062	0.0011	0.92	0.96	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.02	-0.03	0.03	0.00066	0.39	0.082	0.058	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.04	0.01	0.00068	0.0084	3.10E-05	0.46	NA	NA	NA	NA
0.15	0.07	-0.03	0	0.00073	0.054	0.25	1	NA	NA	NA	NA
0.15	0.06	0.02	0	0.00078	0.064	0.33	1	NA	NA	NA	NA
0.21	0.12	-0.12	0.05	0.00092	0.32	7.80E-05	0.1	NA	NA	NA	NA
0.19	0.01	0.01	-0.03	0.0011	0.83	0.81	0.3	NA	NA	NA	NA
0.18	0.22	-0.01	0	0.0011	1.50E-08	0.49	0.9	NA	NA	NA	NA

0.12	0.03	-0.04	0	0.0012	0.28	0.038	1	NA	NA	NA	NA
0.1	0.08	-0.05	0.06	0.0012	0.01	0.0026	0.0016	NA	NA	NA	NA
0.12	0.05	0	0.08	0.0013	0.078	0.98	3.00E-05	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.04	-0.02	0.0016	0.073	0.0015	0.19	NA	NA	NA	NA
0.22	0.22	-0.06	-0.03	0.0016	7.40E-07	0.04	0.44	NA	NA	NA	NA
0.42	-0.08	-0.03	-0.06	0.0019	0.15	0.68	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.04	0.01	0.06	0.002	0.5	0.79	0.0074	NA	NA	NA	NA
0.15	0.15	-0.02	0.06	0.002	2.40E-05	0.34	0.026	NA	NA	NA	NA
0.09	0.03	-0.02	0.02	0.002	0.087	0.055	0.076	NA	NA	NA	NA
0.45	-0.12	-0.03	-0.04	0.0021	0.089	0.66	0.53	NA	NA	NA	NA
0.13	0	-0.05	-0.03	0.0021	1	0.0017	0.029	NA	NA	NA	NA
0.27	0.11	-0.03	-0.02	0.0022	0.059	0.25	0.48	NA	NA	NA	NA
0.13	0.06	-0.02	0.01	0.0022	0.16	0.23	0.63	NA	NA	NA	NA
0.11	0.05	-0.04	-0.01	0.0022	0.1	0.018	0.49	NA	NA	NA	NA
0.2	0.08	-0.05	-0.01	0.0023	0.19	0.021	0.65	NA	NA	NA	NA
0.28	0.26	-0.04	0	0.0024	0.006	0.57	1	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.06	-0.05	0.06	0.0024	0.02	8.90E-05	4.00E-05	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.21	-0.13	-0.03	0.0026	2.60E-07	1.00E-04	0.63	NA	NA	NA	NA
-0.3	-0.13	0	0.17	0.0031	0.28	0.99	1.40E-05	NA	NA	NA	NA
0.35	-0.08	0.03	0.06	0.0032	0.28	0.51	0.23	NA	NA	NA	NA
0.13	0.04	-0.05	0.08	0.0036	0.29	0.015	0.0041	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.04	-0.03	0.06	0.0038	0.58	0.074	0.0056	NA	NA	NA	NA
0.09	0.13	-0.03	0.05	0.0039	3.30E-07	0.076	0.0056	NA	NA	NA	NA
0.1	0.21	-0.03	0.07	0.0041	4.70E-06	0.067	0.00026	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.04	-0.07	-0.02	0.0041	0.32	0.013	0.54	NA	NA	NA	NA
0.11	0.02	-0.1	-0.1	0.0042	0.36	4.70E-07	1.50E-06	NA	NA	NA	NA
0.12	0.05	-0.01	0.13	0.0043	0.19	0.69	4.80E-08	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	-0.05	-0.02	0.0045	3.60E-05	3.80E-05	0.18	NA	NA	NA	NA
0.19	0.05	-0.03	0.13	0.0046	0.17	0.19	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.01	-0.05	-0.06	0.0046	0.55	0.21	0.13	NA	NA	NA	NA

0.1	0.01	0.01	0.03	0.0047	0.73	0.34	0.014	NA	NA	NA	NA
0.12	0.09	-0.08	0.01	0.0047	0.0093	6.90E-05	0.79	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.03	-0.02	0.0058	0.51	0.034	0.12	NA	NA	NA	NA
0.32	0.09	-0.09	-0.07	0.0061	0.022	6.20E-05	0.0067	NA	NA	NA	NA
0.08	0.08	-0.05	0.02	0.0062	0.0027	0.00033	0.34	NA	NA	NA	NA
0.09	0.03	-0.05	-0.05	0.0067	0.69	0.027	0.043	NA	NA	NA	NA
0.22	0.06	-0.03	0.02	0.0068	0.3	0.23	0.67	NA	NA	NA	NA
0.08	0.07	-0.05	-0.04	0.0071	0.00089	0.00016	0.0055	NA	NA	NA	NA
0.14	0.17	0.02	0.05	0.0071	0.00023	0.4	0.021	NA	NA	NA	NA
0.08	0.07	-0.01	0.05	0.0075	0.014	0.47	0.0045	NA	NA	NA	NA
0.11	0.06	-0.03	0.03	0.0078	0.15	0.055	0.1	NA	NA	NA	NA
0.09	0.17	-0.07	-0.03	0.0081	1.40E-09	0.0049	0.26	NA	NA	NA	NA
0.11	0	0	0.06	0.0085	1	0.87	0.0059	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.03	-0.03	0.01	0.0085	0.37	0.046	0.82	NA	NA	NA	NA
0.17	0.28	-0.05	0.09	0.0086	4.70E-06	0.042	0.007	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.05	0.03	0.0087	0.29	1.40E-06	0.037	NA	NA	NA	NA
0.2	0.03	-0.05	0.01	0.0091	0.5	0.057	0.81	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.11	-0.08	-0.03	0.0094	0.025	0.017	0.5	NA	NA	NA	NA
0.2	0.03	-0.01	-0.02	0.0099	0.6	0.53	0.33	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.02	0.03	0.011	0.0061	0.03	0.0098	NA	NA	NA	NA
0.09	0.03	-0.02	0.05	0.011	0.047	0.04	0.0014	NA	NA	NA	NA
-0.12	0	-0.05	-0.01	0.011	1	0.015	0.8	NA	NA	NA	NA
0.09	0.1	-0.04	-0.06	0.012	0.31	0.26	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.25	0.28	-0.03	0.09	0.012	0.0034	0.29	0.0074	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.06	-0.02	0.012	4.80E-05	1.70E-07	0.2	NA	NA	NA	NA
0.1	0.16	-0.11	-0.09	0.012	3.70E-06	0.00081	0.0013	NA	NA	NA	NA
0.23	0.08	-0.14	-0.04	0.012	0.17	1.20E-06	0.41	NA	NA	NA	NA
0.88	0.21	-0.08	-0.03	0.012	1	0.26	0.8	NA	NA	NA	NA
0.16	0.13	-0.04	-0.04	0.013	0.023	0.033	0.049	NA	NA	NA	NA
0.17	0.14	0	0.01	0.013	0.00092	0.99	0.79	NA	NA	NA	NA

-0.17	-0.08	-0.04	-0.11	0.013	0.14	0.66	0.13	NA	NA	NA	NA
0.14	0.11	0.02	0.08	0.013	0.13	0.57	0.002	NA	NA	NA	NA
0.2	0.01	-0.14	-0.03	0.014	1	8.00E-09	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.51	-0.54	-0.05	-0.05	0.014	0.0015	0.47	0.35	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.02	-0.08	-0.13	0.014	0.66	0.0016	8.30E-06	NA	NA	NA	NA
0.35	0.39	-0.1	-0.08	0.014	0.002	0.00026	0.01	NA	NA	NA	NA
0.2	0.02	-0.02	0.06	0.014	0.84	0.39	0.023	NA	NA	NA	NA
0.43	0	-0.1	0.01	0.015	1	0.0021	0.86	NA	NA	NA	NA
0.08	0.11	-0.06	0.05	0.015	5.20E-05	0.074	0.12	NA	NA	NA	NA
0.28	-0.1	-0.03	-0.07	0.015	0.1	0.31	0.038	NA	NA	NA	NA
0.37	-0.01	-0.02	0.09	0.015	1	0.65	0.1	NA	NA	NA	NA
0.11	0.08	-0.06	-0.02	0.016	0.029	0.096	0.73	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	0	0	0.016	7.00E-06	0.98	0.84	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.11	-0.02	-0.01	0.016	0.0013	0.28	0.71	NA	NA	NA	NA
0.1	0.11	-0.03	0.01	0.016	0.044	0.047	0.45	NA	NA	NA	NA
0.05	0.09	-0.04	0.05	0.016	0.00022	0.00096	3.50E-05	NA	NA	NA	NA
-0.08	0	-0.05	0.03	0.017	1	0.0041	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.17	-0.11	0.01	0.017	0.0097	4.90E-05	0.73	NA	NA	NA	NA
0.08	0.01	-0.03	0.05	0.018	0.68	0.1	0.015	NA	NA	NA	NA
0.09	0.11	0	0.01	0.02	0.0075	0.78	0.53	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.04	-0.02	0.02	0.021	0.019	0.32	NA	NA	NA	NA
0.13	0.06	-0.06	0.01	0.02	0.17	0.00041	0.54	NA	NA	NA	NA
0.37	0.35	-0.1	-0.04	0.021	0.019	0.0013	0.52	NA	NA	NA	NA
0.42	0	-0.12	-0.09	0.021	1	5.20E-05	0.019	NA	NA	NA	NA
0.15	0.07	-0.03	0.07	0.022	0.071	0.17	0.0013	NA	NA	NA	NA
0.07	0.21	-0.09	-0.1	0.024	2.30E-07	0.0073	0.00099	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.01	-0.01	0.024	0.042	0.47	0.63	NA	NA	NA	NA
0.3	-0.11	-0.06	0.09	0.024	1	0.26	0.13	NA	NA	NA	NA
0.18	0.45	0.04	-0.03	0.024	1.50E-06	0.47	0.61	NA	NA	NA	NA
0.06	0.1	-0.03	-0.01	0.025	7.80E-05	0.055	0.65	NA	NA	NA	NA

0.08	0.05	-0.04	0.01	0.026	0.093	0.036	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.15	0.15	-0.04	0.06	0.027	0.035	0.24	0.19	NA	NA	NA	NA
0.08	0.02	-0.03	0	0.027	0.46	0.076	0.86	NA	NA	NA	NA
0.13	0.05	-0.03	-0.02	0.027	0.38	0.12	0.55	NA	NA	NA	NA
0.7	0.33	-0.11	0.03	0.027	0.19	0.068	0.67	NA	NA	NA	NA
0.24	0.37	-0.14	-0.04	0.027	2.50E-06	5.40E-06	0.64	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	-0.03	0.02	0.028	0.089	0.016	0.092	NA	NA	NA	NA
0.08	0.08	0.01	-0.02	0.03	5.70E-05	0.69	0.22	NA	NA	NA	NA
0.34	0.84	0.04	0.03	0.03	0.046	0.16	0.26	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.02	-0.07	-0.01	0.03	0.71	0.0033	0.72	NA	NA	NA	NA
0.28	0.12	0	0.05	0.03	0.31	1	0.2	NA	NA	NA	NA
0.15	0.05	-0.08	0	0.031	0.35	0.019	1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	0.01	0.05	0.031	0.36	0.36	2.20E-05	NA	NA	NA	NA
0.11	0.03	-0.05	0.03	0.031	0.28	6.50E-05	0.039	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	-0.05	0.07	0.031	0.027	0.0038	0.0044	NA	NA	NA	NA
0.28	0.23	0.02	0.06	0.033	0.04	0.28	0.001	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.14	0	0.1	0.034	0.016	0.88	8.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.09	0.02	0.01	0.06	0.034	0.39	0.61	0.00064	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	0.05	0	0.034	0.17	0.027	0.95	NA	NA	NA	NA
0.15	0.19	-0.01	0.01	0.035	0.00016	0.48	0.53	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.08	-0.01	0	0.035	0.5	0.6	0.91	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.02	-0.09	-0.03	0.036	0.38	1.50E-06	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.13	0.02	-0.01	0.03	0.037	0.96	0.87	0.57	NA	NA	NA	NA
0.39	0.83	0	0.04	0.037	0.0016	1	0.25	NA	NA	NA	NA
0.15	0.17	-0.11	0.03	0.037	0.0038	0.0031	0.51	NA	NA	NA	NA
0.07	0.17	-0.01	0.01	0.037	9.30E-05	0.87	0.81	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	0	0.02	0.037	0.0042	0.86	0.27	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.03	0	0.038	0.15	0.017	1	NA	NA	NA	NA
0.08	0.02	0.01	0.02	0.038	0.78	0.86	0.62	NA	NA	NA	NA
0.1	0.01	-0.08	-0.04	0.039	0.94	0.024	0.15	NA	NA	NA	NA

0.1	0.1	-0.02	0.06	0.039	0.0095	0.32	0.0014	NA	NA	NA	NA
-0.24	-0.2	-0.01	0.07	0.04	0.018	0.45	4.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.07	-0.02	0	0.041	0.31	0.41	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.13	-0.05	0	0.041	0.052	0.011	1	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.03	-0.07	0.01	0.042	0.44	5.70E-05	0.64	NA	NA	NA	NA
0.24	0.02	-0.07	0.08	0.042	1	0.068	0.58	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.04	0.04	0.042	0.95	0.041	0.11	NA	NA	NA	NA
0.11	0	-0.01	0.02	0.043	1	0.65	0.36	NA	NA	NA	NA
0.37	0	-0.06	-0.01	0.043	1	0.0062	0.89	NA	NA	NA	NA
0.13	0.16	0.01	0	0.044	0.013	0.86	0.94	NA	NA	NA	NA
0.15	0.1	-0.06	0.03	0.044	0.0079	0.00078	0.2	NA	NA	NA	NA
0.13	0.03	-0.02	-0.01	0.046	0.81	0.44	0.86	NA	NA	NA	NA
0.08	0.08	-0.06	0.01	0.05	0.043	0.0015	0.84	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.01	-0.05	0.02	0.051	0.94	0.023	0.52	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.01	-0.03	0.04	0.053	0.84	0.13	0.073	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.07	-0.02	0.053	0.0034	1.70E-06	0.33	NA	NA	NA	NA
0.05	0.08	-0.02	0	0.055	0.0017	0.23	0.84	NA	NA	NA	NA
0.55	-0.01	0.02	0.01	0.059	1	0.79	0.99	NA	NA	NA	NA
0.11	0.13	-0.03	0.03	0.059	0.0028	0.21	0.37	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	0	0.05	0.06	0.024	0.92	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.31	0	-0.06	0.12	0.06	1	0.026	0.0012	NA	NA	NA	NA
0.27	0.2	-0.06	-0.01	0.062	0.018	0.015	0.84	NA	NA	NA	NA
0.12	0.02	-0.02	0.04	0.062	0.8	0.56	0.19	NA	NA	NA	NA
0.06	0.07	-0.02	-0.02	0.063	0.0048	0.25	0.16	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	0	-0.02	0.063	0.79	1	0.39	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.04	-0.01	0.063	0.48	4.00E-04	0.65	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.04	0	0.064	0.092	0.0024	0.78	NA	NA	NA	NA
0.1	0	-0.04	-0.02	0.064	1	0.15	0.28	NA	NA	NA	NA
0.21	0.06	0.01	-0.02	0.064	0.53	0.84	0.55	NA	NA	NA	NA
-0.2	-0.19	-0.04	-0.01	0.066	0.059	0.082	0.57	NA	NA	NA	NA

0.06	0.05	-0.02	0.04	0.067	0.018	0.17	0.035	NA	NA	NA	NA
0.1	0.11	0	-0.01	0.068	0.00073	0.87	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.02	-0.08	0	0.068	0.8	0.0024	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.05	-0.01	0.069	0.15	8.70E-06	0.57	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.01	-0.02	0.07	0.07	1	0.4	0.00019	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.11	-0.02	-0.02	0.071	0.0018	0.47	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.08	0.01	0.11	0.071	0.15	0.7	6.40E-05	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.03	-0.04	-0.02	0.072	0.55	0.034	0.44	NA	NA	NA	NA
0.11	0.02	0.02	-0.02	0.072	0.6	0.61	0.39	NA	NA	NA	NA
0.07	0.09	-0.03	-0.04	0.073	0.011	0.16	0.079	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.01	0	0	0.073	0.92	1	0.91	NA	NA	NA	NA
0.18	0.14	-0.2	-0.07	0.073	0.056	0.00056	0.36	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	-0.07	-0.03	0.074	0.021	4.70E-07	0.029	NA	NA	NA	NA
0.19	0.34	0.02	0.13	0.074	1.90E-05	0.5	1.80E-06	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.04	-0.01	0.074	0.79	0.0045	0.49	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.04	0.09	0.01	0.076	0.38	0.0031	0.69	NA	NA	NA	NA
0.13	0.11	-0.04	0.04	0.076	0.015	0.0091	0.034	NA	NA	NA	NA
0.2	-0.07	-0.01	0	0.077	0.62	0.7	1	NA	NA	NA	NA
0.11	0.07	-0.09	-0.03	0.078	0.4	4.90E-05	0.42	NA	NA	NA	NA
-0.15	0.03	-0.04	0.2	0.078	1	0.39	0.43	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	-0.04	0.06	0.078	0.81	0.018	0.0021	NA	NA	NA	NA
0.11	0.06	-0.03	0.02	0.079	0.059	0.032	0.25	NA	NA	NA	NA
0.6	-0.18	-0.03	0.19	0.08	0.064	0.42	8.60E-05	NA	NA	NA	NA
0.32	0.46	0.12	0.21	0.082	0.01	0.023	0.00012	NA	NA	NA	NA
0.12	0.03	-0.11	-0.02	0.082	0.61	3.00E-07	0.41	NA	NA	NA	NA
0.42	-0.08	-0.09	-0.07	0.082	0.5	0.0092	0.069	NA	NA	NA	NA
0.14	0.27	-0.02	0.03	0.082	0.0031	0.46	0.23	NA	NA	NA	NA
0.16	0.02	-0.01	0.01	0.082	0.83	0.61	0.68	NA	NA	NA	NA
0.11	0.04	-0.08	-0.03	0.084	0.4	6.30E-05	0.22	NA	NA	NA	NA
0.05	0.08	-0.03	0.05	0.084	0.00017	0.0013	0.00031	NA	NA	NA	NA

0.12	0.03	-0.08	-0.02	0.086	0.63	0.032	0.61	NA	NA	NA	NA
0.13	0.14	-0.04	-0.05	0.088	0.13	0.27	0.16	NA	NA	NA	NA
0.14	0.08	0.06	0.24	0.088	0.24	0.11	3.70E-07	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.01	-0.02	0.09	0.0026	0.26	0.17	NA	NA	NA	NA
0.11	0.03	-0.02	-0.02	0.09	0.31	0.12	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.27	0.19	-0.32	-0.51	0.091	0.092	0.00015	1.70E-07	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.13	-0.04	0.04	0.092	0.0025	0.012	0.039	NA	NA	NA	NA
0.89	0.64	0.2	0	0.094	0.0052	0.00065	1	NA	NA	NA	NA
0.32	0.07	-0.09	0.05	0.095	0.39	1.40E-05	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.02	-0.03	-0.01	0.096	0.78	0.084	0.8	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.05	0.01	0.14	0.096	0.34	0.79	3.70E-05	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.01	0	0	0.097	0.96	0.97	0.99	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.05	-0.15	-0.11	0.098	0.43	3.20E-07	0.0015	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.19	-0.03	0.01	0.099	1.80E-08	0.071	0.52	NA	NA	NA	NA
0.08	0.13	0	0.05	0.1	0.0025	1	0.0098	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.04	-0.03	0.05	0.1	0.68	0.2	0.12	NA	NA	NA	NA
0.16	0	0.02	0.09	0.1	1	0.71	0.037	NA	NA	NA	NA
0.32	0.01	0.09	0.08	0.1	1	1	0.013	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.02	0.01	0.1	0.86	0.13	0.43	NA	NA	NA	NA
0.17	0.13	-0.04	0.01	0.1	0.11	0.074	0.69	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	0.02	-0.01	0.1	0.94	0.15	0.64	NA	NA	NA	NA
0.93	0.05	-0.16	-0.12	0.11	0.67	1.50E-05	0.00011	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.03	0.03	0.02	0.11	0.82	0.57	0.74	NA	NA	NA	NA
0.12	0.08	-0.05	0.01	0.11	0.36	0.041	0.87	NA	NA	NA	NA
-0.1	0	-0.05	0	0.12	1	0.023	0.97	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.03	-0.02	0.12	0.3	0.095	0.23	NA	NA	NA	NA
0.17	0.01	-0.01	0.03	0.12	0.8	0.47	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.01	0	0.02	0.12	1	0.96	0.49	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.04	-0.05	0.04	0.12	0.24	0.039	0.14	NA	NA	NA	NA
0.17	0.02	0	0.08	0.12	0.67	0.9	0.00054	NA	NA	NA	NA

0.07	-0.02	-0.03	0.03	0.12	0.73	0.31	0.28	NA	NA	NA	NA
0.07	0.16	-0.03	0.03	0.13	0.0011	0.04	0.099	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.02	-0.07	-0.01	0.13	0.62	0.02	0.83	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.05	-0.01	0.13	0.086	2.10E-05	0.42	NA	NA	NA	NA
0.09	0.08	-0.06	-0.05	0.13	0.12	0.04	0.077	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	-0.05	0.03	0.13	0.00048	0.00076	0.11	NA	NA	NA	NA
0.4	0.06	-0.08	-0.05	0.13	0.53	0.098	0.21	NA	NA	NA	NA
0.11	0.13	-0.07	0.04	0.13	0.096	0.0017	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.2	-0.21	-0.05	-0.06	0.14	0.16	0.11	0.088	NA	NA	NA	NA
0.17	-0.06	-0.01	0.05	0.14	0.56	0.74	0.14	NA	NA	NA	NA
0.18	0.2	0.07	0.02	0.14	0.062	0.16	0.84	NA	NA	NA	NA
0.06	0.25	-0.02	0.05	0.14	6.30E-05	0.54	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.19	-0.15	-0.09	0.14	0.089	0.0013	0.12	NA	NA	NA	NA
0.93	0.01	-0.14	0.27	0.14	1	3.20E-05	2.90E-09	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.01	0	0.14	0.0052	0.6	0.95	NA	NA	NA	NA
0.14	0.1	-0.08	0.04	0.14	0.062	0.026	0.33	NA	NA	NA	NA
0.07	0.06	-0.03	0.05	0.14	0.11	0.11	0.0076	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.01	-0.05	0.01	0.14	0.77	0.036	0.71	NA	NA	NA	NA
0.12	0.08	-0.04	0	0.14	0.085	0.029	1	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.02	-0.02	0.04	0.14	0.84	0.44	0.057	NA	NA	NA	NA
0.22	0.14	-0.08	-0.02	0.14	0.32	0.0088	0.72	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	0.01	0.06	0.14	0.27	0.61	0.0015	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.04	-0.08	-0.06	0.15	0.62	0.009	0.097	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.13	-0.04	0.01	0.15	0.091	0.12	0.71	NA	NA	NA	NA
0.06	0.09	-0.06	0.01	0.15	0.074	0.017	0.71	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.05	0	0.15	0.043	0.0017	0.98	NA	NA	NA	NA
0.21	0.05	0.01	0.07	0.15	0.86	0.86	0.0047	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.04	0.02	0.15	0.59	0.0095	0.37	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	-0.02	0.01	0.15	0.00012	0.07	0.49	NA	NA	NA	NA
0.04	0.12	-0.02	-0.07	0.16	0.0027	0.46	0.0021	NA	NA	NA	NA

0.07	0.07	-0.05	-0.04	0.16	0.61	0.098	0.38	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.06	-0.03	0.16	0.27	0.017	0.25	NA	NA	NA	NA
0.52	0.52	NA	NA	0.16	0.49	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0.12	0.09	-0.18	-0.16	0.17	0.038	8.80E-09	7.70E-06	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.08	-0.02	0.17	0.23	2.10E-06	0.36	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.07	-0.04	0.17	0.65	0.0011	0.16	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.03	0	0.02	0.17	0.72	0.99	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.05	-0.03	-0.08	0.18	0.29	0.41	0.057	NA	NA	NA	NA
0.15	0.2	0	0.01	0.18	0.00014	1	0.81	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.05	-0.03	0.18	0.65	0.00075	0.15	NA	NA	NA	NA
0.08	0.08	-0.05	-0.01	0.18	0.076	0.021	0.89	NA	NA	NA	NA
0.09	0.01	-0.02	0.03	0.18	0.76	0.45	0.12	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.04	-0.07	0.18	0.51	0.045	0.001	NA	NA	NA	NA
0.18	-0.1	0	0.01	0.19	0.016	0.91	0.56	NA	NA	NA	NA
0.16	0.04	-0.09	-0.04	0.19	0.81	0.028	0.46	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.02	0.01	0.19	0.39	0.15	0.66	NA	NA	NA	NA
0.11	0.61	-0.08	-0.12	0.19	0.011	0.18	0.00088	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.14	-0.08	-0.07	0.19	0.066	0.00088	0.013	NA	NA	NA	NA
0.24	0.2	-0.02	0	0.2	0.35	0.51	1	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.11	-0.04	0.02	0.2	0.066	0.048	0.51	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	0	0.05	0.2	0.11	1	0.021	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.04	0.05	0.2	0.0032	0.0025	0.0017	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.03	-0.07	-0.02	0.2	0.56	7.00E-06	0.2	NA	NA	NA	NA
0.91	-0.03	0	-0.02	0.2	0.95	1	0.57	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	0	0.05	0.21	0.36	0.81	7.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.09	0.02	-0.01	0.05	0.21	0.72	0.55	0.064	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.12	-0.15	-0.02	0.21	0.27	0.00056	0.72	NA	NA	NA	NA
0.05	0.12	-0.02	0.02	0.21	6.90E-06	0.35	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.14	0.06	-0.02	0.08	0.22	0.66	0.29	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.04	-0.08	0.03	0.22	0.25	0.031	0.6	NA	NA	NA	NA

0.09	-0.04	-0.01	0.03	0.22	0.27	0.74	0.2	NA	NA	NA	NA
0.27	0.21	-0.04	0.17	0.22	0.31	0.29	0.00068	NA	NA	NA	NA
0.04	0.13	-0.04	-0.05	0.22	4.20E-06	0.01	0.00014	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.04	-0.02	0.22	0.065	0.0017	0.14	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.05	-0.08	-0.04	0.23	0.16	5.20E-06	0.059	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.14	-0.04	-0.01	0.23	1.30E-05	0.032	0.69	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	-0.02	0.02	0.23	0.033	0.38	0.17	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	-0.06	-0.01	0.23	0.0015	0.00036	0.56	NA	NA	NA	NA
0.1	0.05	0.01	0.11	0.24	0.62	0.96	0.094	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	0	-0.01	0.24	0.047	0.78	0.54	NA	NA	NA	NA
0.21	NA	-0.05	-0.06	0.24	NA	0.057	0.068	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.04	0	0.24	0.68	0.036	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.02	-0.02	0.24	0.093	0.19	0.24	NA	NA	NA	NA
0.08	0.12	-0.06	0.02	0.24	0.25	0.0073	0.59	NA	NA	NA	NA
0.13	0.15	-0.1	-0.07	0.25	0.13	8.20E-05	0.017	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	-0.05	-0.02	0.25	0.22	0.0068	0.43	NA	NA	NA	NA
0.06	0.09	-0.08	-0.01	0.25	0.23	0.00052	0.83	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.03	-0.06	0.02	0.25	0.37	0.0086	0.32	NA	NA	NA	NA
0.22	0.02	-0.01	0.07	0.25	0.98	0.89	0.2	NA	NA	NA	NA
0.04	0.08	-0.06	0.01	0.25	8.00E-04	8.10E-08	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.03	-0.04	0.04	0.25	0.56	0.098	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.15	0.03	0.11	0.25	0.095	1	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.03	0.01	0.17	0.26	0.97	0.79	3.70E-09	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.01	-0.02	0.05	0.26	0.96	0.64	0.068	NA	NA	NA	NA
0.12	0.11	0.06	0.03	0.26	0.047	0.38	0.68	NA	NA	NA	NA
0.06	0.11	0.03	0.06	0.26	0.0012	0.39	0.035	NA	NA	NA	NA
0.88	0.02	-0.08	0	0.26	0.85	0.012	1	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.02	0.01	0.05	0.27	0.64	0.45	0.0039	NA	NA	NA	NA
0.09	0.18	0.09	0.15	0.27	0.012	0.011	7.70E-05	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.03	0.04	0.27	1	0.013	0.03	NA	NA	NA	NA

0.09	0.17	-0.01	0.08	0.27	6.70E-06	0.92	0.084	NA	NA	NA	NA
0.06	0.15	0.02	0.05	0.27	0.0011	0.33	0.016	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.07	-0.05	0.27	1	0.048	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.03	-0.02	0.27	0.65	0.0019	0.1	NA	NA	NA	NA
0.28	-0.07	-0.02	0	0.27	0.68	0.89	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.04	-0.03	0.05	0.27	0.3	0.0081	0.0035	NA	NA	NA	NA
0.06	0.12	-0.06	0	0.27	0.044	0.074	1	NA	NA	NA	NA
0.11	0.3	-0.15	-0.08	0.27	0.0033	0.0063	0.29	NA	NA	NA	NA
0.13	0.11	-0.11	0.06	0.28	0.48	4.20E-05	0.26	NA	NA	NA	NA
0.39	NA	-0.17	-0.03	0.28	NA	0.089	0.66	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.04	-0.05	0.01	0.28	0.28	0.013	0.81	NA	NA	NA	NA
0.07	0.09	-0.04	-0.05	0.28	0.038	0.15	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.1	-0.05	-0.01	0.28	0.0055	0.0027	0.71	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	0.02	0.03	0.28	0.0031	0.44	0.16	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.04	0.02	0.29	0.9	0.11	0.26	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.05	-0.16	-0.04	0.29	0.64	4.30E-08	0.35	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.03	0.07	0.29	0.00011	0.0028	2.90E-07	NA	NA	NA	NA
0.08	0.15	-0.05	0.09	0.29	0.48	0.22	0.082	NA	NA	NA	NA
-0.92	-0.83	0.13	0.24	0.29	0.61	0.34	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.03	0.01	0.29	0.63	0.043	0.68	NA	NA	NA	NA
0.03	0.1	-0.02	0.02	0.3	6.90E-05	0.19	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.05	0.04	0.04	0.3	0.079	0.052	0.06	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	0.02	0.03	0.31	0.14	0.068	0.00016	NA	NA	NA	NA
0.05	0.23	-0.06	-0.03	0.31	1.30E-08	0.024	0.2	NA	NA	NA	NA
0.1	0.15	-0.06	-0.07	0.31	0.017	0.049	0.02	NA	NA	NA	NA
0.08	0.11	0.04	0.06	0.31	0.035	0.11	0.0058	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.03	-0.04	0.07	0.31	1	0.64	0.44	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.04	0.01	0.32	0.68	0.029	0.63	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.03	0	0.32	0.12	0.004	0.78	NA	NA	NA	NA
0.09	0.11	-0.01	0.03	0.32	0.19	0.88	0.61	NA	NA	NA	NA

0.03	-0.05	-0.03	0.02	0.32	0.01	0.024	0.2	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.07	0	0.33	0.41	0.0063	0.94	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	0.07	0.1	0.33	0.93	0.13	0.037	NA	NA	NA	NA
0.04	0.14	0.05	0.12	0.33	0.00017	0.019	6.00E-08	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.05	-0.03	0.33	0.81	0.0013	0.035	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.05	-0.04	0.01	0.33	0.58	0.032	0.81	NA	NA	NA	NA
0.09	0.12	-0.03	-0.03	0.33	0.02	0.079	0.21	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.06	0.01	0.34	0.1	0.00016	0.82	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.08	-0.01	0	0.34	0.00097	0.7	0.98	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.07	-0.06	-0.09	0.34	0.074	4.10E-05	3.10E-09	NA	NA	NA	NA
0.04	0.16	-0.09	0	0.34	0.00065	2.20E-06	1	NA	NA	NA	NA
0.18	-0.04	-0.02	0.04	0.34	0.63	0.65	0.29	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.04	0.02	0.09	0.34	0.3	0.24	4.30E-08	NA	NA	NA	NA
0.04	0.1	-0.06	0.01	0.35	0.0027	6.00E-06	0.43	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.05	-0.04	0.35	1	1.00E-04	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.05	0.01	0.35	0.0053	0.00086	0.64	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.06	0	0.35	0.12	0.00034	0.91	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.01	0.04	0.35	0.016	0.68	0.081	NA	NA	NA	NA
0.15	0.88	-0.06	-0.09	0.35	0.012	0.11	0.016	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.03	-0.04	-0.05	0.35	1	0.19	0.28	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.05	0.01	0.35	0.27	7.20E-05	0.35	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.03	-0.02	0.36	0.058	0.17	0.22	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	0.01	0.08	0.36	0.58	0.82	0.00079	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	0.02	0.05	0.36	0.84	0.31	0.0049	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	-0.03	0	0.36	0.87	0.18	1	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.17	-0.09	0.14	0.36	0.00014	0.0082	0.0011	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.13	0.01	0.05	0.36	0.00011	0.72	0.0065	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.04	0.06	0.37	0.68	0.017	0.00029	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.02	0.04	0.37	0.26	0.13	0.014	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.16	-0.05	0.07	0.37	0.02	0.19	0.1	NA	NA	NA	NA

0.11	0.21	-0.09	0.09	0.37	0.0055	0.044	0.11	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.01	-0.02	0.37	0.16	0.47	0.059	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	-0.05	-0.02	0.37	0.69	0.061	0.63	NA	NA	NA	NA
0.11	0.17	-0.09	0.03	0.38	0.037	0.0032	0.49	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	0.01	0.07	0.38	0.37	0.83	0.00049	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.07	-0.04	0.38	0.76	0.00023	0.025	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.01	-0.02	0.38	0.035	0.47	0.13	NA	NA	NA	NA
0.14	0.04	-0.06	0.03	0.38	0.9	0.052	0.39	NA	NA	NA	NA
0.05	0.18	-0.05	-0.02	0.38	0.00044	0.0065	0.29	NA	NA	NA	NA
0.06	0.25	-0.05	0.01	0.39	7.50E-06	0.012	0.76	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.06	-0.03	0.39	1	0.013	0.18	NA	NA	NA	NA
0.18	0.55	-0.01	0	0.39	0.013	0.58	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	0.01	0.02	0.39	0.49	0.91	0.31	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.01	0.03	0.39	0.97	0.82	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.25	0	0.14	0.07	0.4	1	0.17	0.78	NA	NA	NA	NA
0.03	0.15	0.01	0.07	0.4	0.0013	0.56	0.00077	NA	NA	NA	NA
0.07	0.13	-0.02	-0.01	0.4	0.048	0.38	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.13	-0.18	-0.15	0.4	0.36	0.0053	0.055	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.1	-0.07	0.03	0.4	0.0018	0.0043	0.2	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.01	-0.01	0.4	0.49	0.63	0.48	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.09	-0.14	0.4	0.54	0.0034	1.90E-05	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.01	-0.07	0	0.41	1	0.0069	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	-0.1	0.08	0.41	0.12	4.60E-05	0.007	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	0	0.01	0.42	0.19	0.85	0.46	NA	NA	NA	NA
0.14	-0.12	0	0.01	0.42	0.23	1	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.05	0.1	0.87	0.42	0.66	0.4	8.60E-07	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.04	-0.03	0.42	0.94	0.0071	0.071	NA	NA	NA	NA
0.04	0.22	0	0.15	0.42	4.50E-06	1	2.70E-08	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.2	-0.14	-0.04	0.42	0.2	1.70E-06	0.31	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.05	0.02	0.42	0.1	0.0011	0.3	NA	NA	NA	NA

-0.05	-0.11	-0.04	-0.03	0.42	0.0064	0.0088	0.089	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.03	-0.04	0.43	0.0014	0.037	0.01	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.04	-0.04	0	0.43	0.051	0.0084	1	NA	NA	NA	NA
0.24	-0.05	-0.08	-0.04	0.43	0.44	0.001	0.2	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.01	0.01	0.43	0.0023	0.33	0.25	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.03	0	0.43	0.087	0.014	0.77	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	0.05	0.05	0.43	1	0.029	0.05	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.04	-0.03	-0.01	0.43	0.13	0.032	0.48	NA	NA	NA	NA
0.09	0.43	-0.11	0	0.43	9.80E-05	0.00033	1	NA	NA	NA	NA
0.07	0.19	-0.03	-0.02	0.44	0.023	0.35	0.65	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.04	-0.02	0.44	0.03	0.0016	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	0	0.01	0.44	0.37	0.96	0.83	NA	NA	NA	NA
0.06	0.16	-0.01	0.1	0.45	0.036	0.65	0.00049	NA	NA	NA	NA
0.14	-0.02	-0.06	0.01	0.45	1	0.0076	0.85	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.05	0.06	0.45	0.88	0.17	0.041	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.02	0	0.46	0.74	0.32	0.87	NA	NA	NA	NA
0.04	0.13	-0.02	0.04	0.46	1.30E-07	0.26	0.021	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.22	-0.02	-0.03	0.46	0.56	0.71	0.45	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.06	-0.03	0	0.46	0.18	0.036	1	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.08	-0.02	-0.01	0.47	0.25	0.56	0.71	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.06	-0.02	0.08	0.47	0.8	0.46	0.015	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.07	0.08	0.47	1	0.013	0.018	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.01	0.02	0.47	0.76	0.47	0.053	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.06	-0.01	0.47	0.46	0.043	0.9	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.06	-0.04	0.47	0.11	6.70E-07	5.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.04	-0.01	0.47	0.86	0.003	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.06	0.01	0.47	0.4	2.40E-07	0.35	NA	NA	NA	NA
0.07	0.09	-0.05	0.07	0.48	0.27	0.088	0.04	NA	NA	NA	NA
0.79	0.79	-0.04	0.08	0.49	0.49	0.58	0.089	NA	NA	NA	NA
0.08	0.08	-0.02	0.04	0.49	0.5	0.83	0.75	NA	NA	NA	NA

-0.06	0.1	0	0.04	0.49	0.37	0.97	0.11	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	0.02	0.11	0.49	0.02	0.66	0.00096	NA	NA	NA	NA
0.05	0.14	-0.03	0.02	0.49	0.0015	0.046	0.29	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.52	-0.04	0.03	0.49	0.061	0.41	0.55	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.03	0.02	0.5	0.93	0.06	0.26	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	0	-0.03	0.5	0.66	1	0.058	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.01	0.03	0.5	0.15	0.56	0.35	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.15	-0.03	0.5	0.41	1.30E-06	0.32	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	0.12	0.35	0.5	0.58	0.27	0.00062	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.2	0.02	0.09	0.5	0.028	0.74	0.059	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.02	0.04	0.5	0.11	0.26	0.02	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.06	-0.05	0.51	0.012	0.0062	0.013	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.06	-0.01	0.51	0.92	0.0016	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.14	0	0.02	0.51	0.23	0.97	0.55	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.03	0	0.02	0.51	0.51	1	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.17	-0.14	-0.09	0.51	0.3	1.40E-05	0.0038	NA	NA	NA	NA
0.06	0.26	-0.09	-0.01	0.52	0.00094	0.014	0.95	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.02	-0.06	-0.03	0.52	0.6	0.00022	0.04	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.07	-0.01	0.52	0.54	0.0082	0.72	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.06	-0.07	0.03	0.52	0.0067	0.00022	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.02	-0.04	-0.06	0.52	0.99	0.025	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.03	0.08	0.52	0.89	0.027	1.20E-05	NA	NA	NA	NA
0.05	0.2	0.05	0.08	0.52	0.00024	0.12	0.0031	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.04	-0.01	0.52	1	0.15	0.64	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.04	-0.04	-0.02	0.52	0.031	0.00093	0.11	NA	NA	NA	NA
0.03	0.13	-0.07	-0.05	0.53	7.90E-05	0.015	0.088	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.01	-0.04	0.53	1	0.86	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.15	-0.06	-0.01	0.53	0.013	0.0077	0.52	NA	NA	NA	NA
0.03	0.2	-0.09	-0.02	0.53	4.00E-04	0.00086	0.6	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.07	-0.05	-0.03	0.53	0.12	0.0099	0.13	NA	NA	NA	NA

-0.06	0.4	-0.05	-0.01	0.53	0.00013	0.08	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.06	-0.02	-0.01	0.53	0.23	0.41	0.71	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.74	-0.04	-0.03	0.53	3.60E-08	0.18	0.5	NA	NA	NA	NA
0.03	0.1	-0.04	-0.06	0.53	0.053	0.052	0.011	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.01	0.01	0.54	1	0.8	0.98	NA	NA	NA	NA
0.05	0.1	0.04	0.1	0.54	0.075	0.11	0.00028	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.02	0.05	0.54	0.81	0.36	0.0048	NA	NA	NA	NA
0.04	0.1	-0.03	0.03	0.54	0.031	0.065	0.14	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.03	-0.02	0.54	0.28	0.009	0.22	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.03	0	0.54	0.013	0.00088	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.41	-0.41	-0.07	0.01	0.55	0.58	0.067	0.85	NA	NA	NA	NA
0.07	0	-0.13	-0.04	0.55	1	0.00029	0.49	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.05	-0.01	0.55	0.12	0.053	0.87	NA	NA	NA	NA
0.04	0.16	0	0.03	0.55	0.033	0.99	0.39	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.01	0.03	0.55	0.57	0.47	0.13	NA	NA	NA	NA
0.5	0.5	0.18	0.05	0.56	0.0056	0.5	0.86	NA	NA	NA	NA
0.12	0.26	0.02	-0.01	0.56	7.80E-05	0.34	0.81	NA	NA	NA	NA
0.12	0.1	-0.05	0.18	0.56	0.18	0.2	0.22	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.02	-0.03	-0.01	0.56	0.84	0.21	0.69	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.04	-0.03	0.07	0.56	0.35	0.075	8.20E-05	NA	NA	NA	NA
0.02	0	0.01	0.03	0.56	1	0.8	0.41	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.04	-0.04	0.04	0.56	0.2	0.00087	0.0073	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.02	-0.03	0.04	0.57	1	0.32	0.16	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.04	-0.01	0.57	0.91	0.038	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	0.04	-0.01	0.58	0.34	0.26	0.83	NA	NA	NA	NA
0.04	0.15	-0.12	-0.03	0.58	0.0015	8.90E-08	0.32	NA	NA	NA	NA
-0.67	0	-0.13	NA	0.58	1	0.26	NA	NA	NA	NA	NA
0.11	0.33	-0.07	-0.01	0.58	0.015	0.28	0.96	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.07	-0.01	0.58	0.29	0.0021	0.86	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.01	0.06	0.59	0.053	0.57	2.70E-07	NA	NA	NA	NA

0.12	-0.07	-0.05	-0.01	0.59	0.81	0.045	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.1	0.01	0.06	0.59	0.11	0.55	0.0015	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	-0.04	-0.04	0.59	0.61	0.043	0.02	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	0.02	0.05	0.59	0.72	0.37	0.031	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.06	-0.12	-0.1	0.59	0.62	0.035	0.26	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.03	-0.01	0.59	0.42	0.084	0.5	NA	NA	NA	NA
0.08	0.02	0.04	0.02	0.59	1	0.16	0.57	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.12	-0.13	-0.05	0.59	0.43	0.022	0.61	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.05	-0.01	0.01	0.59	0.2	0.45	0.64	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.02	-0.1	0	0.59	1	0.029	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.03	-0.01	0.6	0.48	0.085	0.48	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.05	-0.01	0.06	0.6	0.23	0.54	8.70E-05	NA	NA	NA	NA
0.03	0.14	-0.04	0.07	0.61	0.014	0.17	0.0076	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.01	0.02	0.61	0.91	0.61	0.29	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.01	0.01	0.61	0.017	0.23	0.28	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.04	0.04	0.61	0.93	0.11	0.18	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.05	-0.05	0.06	0.62	0.12	0.053	0.042	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.02	-0.01	0	0.62	0.71	0.57	0.86	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.01	-0.03	0.62	0.065	0.61	0.013	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.04	-0.01	0.62	0.34	0.21	0.95	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.03	-0.02	0.62	0.83	0.27	0.54	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.02	0.01	0.62	0.66	0.23	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.07	-0.11	0.12	0.62	0.36	5.20E-05	0.0025	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.09	-0.01	0	0.63	0.19	0.74	0.99	NA	NA	NA	NA
0.02	0	0.05	0	0.63	0.98	0.039	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.02	-0.04	0.07	0.64	0.95	0.037	0.0025	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.08	-0.03	0.64	1	4.40E-05	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.19	-0.06	-0.03	0.64	0.14	0.071	0.38	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.01	0	0.65	0.00025	0.56	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.18	-0.06	0	0.65	0.027	0.037	1	NA	NA	NA	NA

0.02	-0.02	-0.04	0.05	0.65	0.18	0.0088	0.009	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	0.07	0.09	0.65	0.85	0.12	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.14	-0.02	-0.05	0.66	0.089	0.75	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.07	-0.02	0.02	0.66	0.01	0.22	0.18	NA	NA	NA	NA
0.16	0.49	-0.25	-0.11	0.66	0.0062	0.0022	0.51	NA	NA	NA	NA
0.71	-0.19	-0.02	0.04	0.66	0.0057	0.78	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.05	-0.06	0.01	0.66	0.12	0.0077	0.77	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.08	-0.04	0.01	0.67	0.12	0.13	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	-0.06	0.03	0.67	0.053	0.00017	0.14	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	0	0.04	0.67	0.16	0.91	0.012	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.03	0.06	0.67	0.28	0.33	0.027	NA	NA	NA	NA
0.06	0.09	-0.06	-0.07	0.67	0.13	0.48	0.45	NA	NA	NA	NA
0.12	0.12	-0.09	0.04	0.67	0.38	0.047	0.51	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.07	0.02	0.67	1	1.20E-07	0.18	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	0.04	0.12	0.68	1	0.39	0.0058	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.04	-0.04	0.68	0.8	0.13	0.053	NA	NA	NA	NA
0.73	0.73	-0.08	-0.24	0.68	0.21	0.35	0.012	NA	NA	NA	NA
0.09	0	-0.06	0.05	0.68	1	0.24	0.46	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	0.02	-0.03	0.68	0.95	0.33	0.2	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.04	0.02	0.68	0.0071	0.0016	0.13	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.04	0	0.03	0.68	0.38	0.93	0.19	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.05	0.01	0.01	0.68	0.76	0.97	0.92	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.02	0.06	0.03	0.69	0.81	0.11	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.06	-0.12	-0.05	0.69	0.17	1.20E-08	0.075	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.03	0.01	0.02	0.69	0.88	0.87	0.6	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.07	-0.02	0.69	0.36	4.20E-06	0.24	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.02	0.04	0.69	1	0.49	0.02	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.05	0.05	0.69	0.57	0.014	0.01	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.02	0.01	0.69	0.52	0.19	0.53	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.11	-0.09	-0.19	0.7	0.1	0.11	0.0027	NA	NA	NA	NA

-0.05	0.17	-0.07	0.01	0.7	0.00022	0.00012	0.69	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	0.01	-0.02	0.7	0.84	0.9	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.25	-0.18	0	0.7	0.4	0.49	1	NA	NA	NA	NA
-0.06	0	-0.1	0.05	0.71	1	0.00042	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.05	-0.05	-0.06	0.71	0.42	0.009	0.0034	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.04	0.08	0.01	0.71	0.29	0.0061	0.89	NA	NA	NA	NA
0.03	0.15	-0.01	0.04	0.71	0.011	0.73	0.1	NA	NA	NA	NA
0.7	NA	0.03	0.14	0.72	NA	1	0.044	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.01	0.02	0.72	0.69	0.62	0.21	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.04	0.02	0.72	0.33	0.027	0.4	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.03	-0.01	0.72	1	0.072	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.17	0.06	0.05	0.73	0.1	0.23	0.5	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	-0.09	-0.08	0.73	0.91	1.70E-05	0.00076	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.03	-0.05	0.03	0.73	0.58	0.12	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.21	0.03	-0.01	0.73	0.00045	0.6	0.83	NA	NA	NA	NA
0.03	0.11	-0.01	0.07	0.73	0.045	0.81	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.01	0.04	0.12	0.74	1	0.035	2.80E-06	NA	NA	NA	NA
0.12	0.04	-0.05	0.08	0.74	0.95	0.24	0.5	NA	NA	NA	NA
0.01	0	0.01	0.01	0.74	1	0.73	0.75	NA	NA	NA	NA
0.02	0.15	0	0.06	0.74	0.00065	0.87	0.012	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.15	-0.03	0.03	0.75	0.25	0.37	0.59	NA	NA	NA	NA
0.07	0.1	-0.02	0.1	0.75	0.13	0.34	0.0013	NA	NA	NA	NA
0.01	0.12	-0.01	0.03	0.75	3.00E-07	0.28	0.022	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.03	-0.03	-0.03	0.75	0.48	0.13	0.18	NA	NA	NA	NA
0.03	0.19	-0.03	0.01	0.75	0.0051	0.37	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.06	-0.23	-0.21	0.75	0.55	0.004	0.03	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.05	0.06	-0.04	0.75	0.29	0.16	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.07	-0.06	0	0.75	0.13	0.022	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.04	-0.03	0.76	0.73	0.095	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.02	-0.01	0.76	0.72	0.45	0.62	NA	NA	NA	NA

0.03	0.1	-0.04	0.15	0.76	0.032	0.095	4.60E-05	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.21	0.02	0.04	0.76	0.014	0.44	0.12	NA	NA	NA	NA
0.22	0	-0.15	0.12	0.76	1	5.40E-05	0.025	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.01	0.04	0.76	0.13	0.68	0.0095	NA	NA	NA	NA
0.01	0.08	-0.02	-0.02	0.77	0.0094	0.29	0.33	NA	NA	NA	NA
0.11	0.1	-0.07	0.06	0.77	0.33	0.077	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	-0.04	-0.01	0.78	0.26	0.011	0.86	NA	NA	NA	NA
0.02	0.56	-0.09	0.01	0.79	4.00E-08	0.0019	0.72	NA	NA	NA	NA
0.02	0.12	0.01	0.04	0.79	5.00E-04	0.67	0.036	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.18	0.04	0.08	0.79	0.018	0.28	0.024	NA	NA	NA	NA
0.37	0.37	-0.06	0.01	0.79	0.11	0.088	0.83	NA	NA	NA	NA
0.33	0.04	0.05	0.04	0.79	0.73	0.39	0.4	NA	NA	NA	NA
0.05	0.16	-0.05	-0.01	0.79	0.0016	0.046	0.97	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.07	-0.2	-0.07	0.79	0.3	1.90E-05	0.2	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.01	0.06	0.8	1	0.73	0.00096	NA	NA	NA	NA
0.16	0.19	-0.01	-0.05	0.8	0.0066	0.86	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.08	-0.02	0.07	0.8	0.25	0.66	0.054	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.04	-0.02	0.8	0.045	0.023	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.03	0	0.8	0.43	0.071	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.02	-0.07	0.04	0.81	1	0.011	0.83	NA	NA	NA	NA
0.63	0.63	-0.04	0.05	0.81	0.81	0.6	0.49	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	0.03	0.06	0.81	1	0.8	0.44	NA	NA	NA	NA
0.04	0.14	-0.11	0.03	0.81	0.4	0.013	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.07	-0.05	-0.04	0.82	0.78	0.13	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.04	-0.12	-0.11	0.82	1	0.14	0.2	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	0	0	0.82	0.43	0.92	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.14	-0.09	0.82	1	4.80E-05	0.0021	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.06	0.01	0.82	0.46	2.30E-07	0.53	NA	NA	NA	NA
0.08	0.09	-0.01	0.16	0.83	0.37	0.82	2.30E-06	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.06	-0.1	-0.12	0.83	0.93	0.011	0.0099	NA	NA	NA	NA

0.02	-0.03	-0.02	0.05	0.83	0.61	0.42	0.074	NA	NA	NA	NA
0.13	NA	-0.12	0.02	0.83	NA	0.076	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.04	0.05	0.83	0.21	0.008	0.019	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.05	-0.03	0	0.83	0.49	0.25	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.36	-0.02	-0.02	0.84	0.082	0.59	0.55	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	-0.04	-0.02	0.84	0.02	0.027	0.38	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.03	-0.07	-0.01	0.85	0.4	5.70E-05	0.43	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.07	-0.08	0.08	0.85	0.66	0.018	0.16	NA	NA	NA	NA
0.25	-0.01	-0.11	0.05	0.85	1	0.001	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.05	NA	-0.03	0.06	0.85	NA	0.39	0.08	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.07	-0.01	0.05	0.85	0.008	0.12	1.80E-06	NA	NA	NA	NA
-0.11	0	0.03	-0.04	0.85	1	0.5	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.04	0.02	0.85	0.046	0.00069	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.14	-0.04	0	0.85	1.30E-06	0.0017	0.73	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.03	-0.02	0.04	0.85	0.46	1	0.46	NA	NA	NA	NA
0.02	0.12	-0.04	0.11	0.85	0.00022	0.039	0.00015	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.06	0.02	0.86	0.97	0.0046	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.06	-0.02	0.86	0.62	0.00034	0.5	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.13	-0.03	0.09	0.86	0.24	0.39	0.039	NA	NA	NA	NA
0.09	0.36	0.29	0.16	0.86	0.23	0.0068	0.024	NA	NA	NA	NA
0.22	0.2	-0.06	0.02	0.86	0.22	0.023	0.58	NA	NA	NA	NA
0.01	0.12	-0.04	0	0.86	0.0022	0.046	1	NA	NA	NA	NA
0.07	NA	0	0.04	0.87	NA	1	0.57	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.03	-0.04	0.87	1	0.2	0.081	NA	NA	NA	NA
0.32	NA	-0.13	0.17	0.88	NA	0.0044	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	-0.04	0	0.88	0.22	0.039	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.04	0.02	0.88	1	0.029	0.35	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.42	-0.11	0.05	0.88	0.073	0.0072	0.38	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.14	-0.01	0.1	0.88	0.024	0.51	4.00E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.07	-0.01	0.88	0.019	3.10E-06	0.83	NA	NA	NA	NA

-0.01	-0.02	-0.01	0.06	0.89	0.57	0.75	0.0074	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.1	-0.04	0.01	0.89	0.14	0.21	0.74	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.01	-0.01	0.89	0.38	0.86	0.79	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.01	-0.05	0.9	0.89	0.67	0.042	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.01	0.12	0.9	0.8	0.58	1.50E-06	NA	NA	NA	NA
0.02	0.48	-0.08	0	0.9	7.90E-07	0.012	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.08	-0.07	-0.03	0.9	0.016	0.012	0.35	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.02	-0.02	0.9	0.5	0.55	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.05	0.05	0	0.9	0.46	0.34	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	0.01	0.07	0.9	0.18	0.78	0.01	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.07	-0.07	0.9	0.61	0.0011	0.00041	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.01	0.02	0.91	0.065	0.54	0.24	NA	NA	NA	NA
0.01	0.2	-0.01	0.1	0.91	0.00045	0.71	0.0057	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	0.03	0.05	0.91	0.93	0.49	0.071	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	-0.08	0.02	0.91	0.22	3.20E-06	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	-0.09	-0.02	0.92	0.21	2.10E-05	0.43	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.35	-0.02	0.23	0.92	0.059	0.93	0.039	NA	NA	NA	NA
0.15	0.18	-0.02	0.03	0.92	0.0043	0.24	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.06	-0.02	0.05	0.92	0.13	0.22	0.0073	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.09	-0.01	-0.01	0.93	0.058	0.8	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.06	-0.03	0.93	0.18	0.0023	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	0	0.02	0.93	1	1	0.55	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	-0.01	0.05	0.93	0.12	0.61	0.0013	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	-0.04	0	0.93	0.59	0.29	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.02	0.03	0.93	0.93	0.53	0.37	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.04	0	0.93	0.055	0.044	0.96	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.08	-0.09	0.93	1	0.00049	7.80E-06	NA	NA	NA	NA
0.06	0.09	-0.04	0.01	0.94	0.28	0.16	0.74	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	0.01	0.04	0.94	0.19	0.8	0.011	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	0.06	-0.02	0.94	0.77	0.23	0.62	NA	NA	NA	NA

-0.25	-0.5	-0.1	-0.09	0.94	0.32	0.024	0.039	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.01	0.05	0.94	0.16	0.37	0.0016	NA	NA	NA	NA
0.02	0.24	0.02	0.03	0.94	2.40E-05	0.44	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	0	0	0.94	0.32	0.9	0.82	NA	NA	NA	NA
0.07	0.12	0.02	0.06	0.95	0.083	1	0.62	NA	NA	NA	NA
0.01	0.19	-0.04	-0.03	0.95	0.00053	0.025	0.061	NA	NA	NA	NA
0.06	0.1	-0.19	-0.14	0.95	0.76	0.0031	0.17	NA	NA	NA	NA
0.01	0.29	-0.02	-0.04	0.96	9.90E-07	0.39	0.023	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	0.01	-0.01	0.96	0.46	0.78	0.6	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.09	-0.05	-0.03	0.96	0.038	0.02	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.02	NA	-0.02	0.05	0.96	NA	0.76	0.38	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.05	0	0.96	0.34	0.00019	0.8	NA	NA	NA	NA
0.12	0.14	-0.02	-0.12	0.97	0.18	0.7	0.00084	NA	NA	NA	NA
-0.03	NA	-0.09	-0.01	0.97	NA	0.00047	0.79	NA	NA	NA	NA
0	0	0	-0.01	0.97	1	1	0.63	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.04	-0.03	0.97	1	0.0075	0.062	NA	NA	NA	NA
0.01	0.1	-0.03	0.1	0.97	0.17	0.25	0.00011	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.06	0.02	0.98	0.14	0.0033	0.34	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.02	0.07	0.98	0.22	0.26	7.30E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.03	-0.04	0.98	0.88	0.02	0.007	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.01	0.05	0.98	0.73	0.73	0.036	NA	NA	NA	NA
0.02	0.11	0.02	0.05	0.98	0.14	0.69	0.039	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.03	-0.01	0.99	1	0.26	0.81	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.02	0	0.99	0.83	0.49	0.88	NA	NA	NA	NA
0.02	0.17	0.01	0.03	0.99	0.0067	0.6	0.17	NA	NA	NA	NA
0	0.07	-0.04	0.06	0.99	0.014	0.028	0.005	NA	NA	NA	NA
0.01	0.08	0.03	0.04	0.99	0.029	0.15	0.017	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.1	-0.04	0.99	0.52	1.90E-05	0.16	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.07	-0.04	0.99	0.98	0.00054	0.088	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.06	-0.04	1	0.47	0.00041	0.069	NA	NA	NA	NA

0	0.04	-0.06	0.02	1	0.27	6.00E-04	0.6	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.06	-0.11	-0.05	1	0.26	0.00087	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.07	-0.15	-0.13	1	0.7	3.60E-08	0.001	NA	NA	NA	NA
0	0.09	0.08	0.06	1	0.77	0.036	0.031	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.05	-0.03	0.02	1	0.58	0.51	0.66	NA	NA	NA	NA
0.13	NA	-0.07	0.05	1	NA	0.12	0.52	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	0.03	0.06	1	0.42	0.37	0.026	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	0.1	0.01	1	0.55	0.0024	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.26	-0.07	0.02	1	0.012	0.0028	0.59	NA	NA	NA	NA
0.25	0.75	0.09	-0.02	1	0.12	0.54	0.78	NA	NA	NA	NA
0.02	0.47	-0.01	0.11	1	1.20E-06	0.72	0.00026	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.01	0.03	1	0.34	0.37	0.11	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	0	0	1	0.64	1	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	-0.07	0.07	1	0.31	0.00011	0.023	NA	NA	NA	NA
-0.5	-0.8	-0.01	0.31	1	0.7	1	0.0046	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	-0.07	0.02	1	0.15	0.0029	0.49	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.06	-0.02	0	1	0.34	0.48	1	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.07	-0.02	1	0.87	0.0016	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.03	-0.12	-0.02	1	0.85	0.0076	0.78	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.14	-0.06	1	0.8	0.00034	0.17	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.05	-0.01	1	0.95	0.032	0.67	NA	NA	NA	NA
0.01	0.09	-0.08	-0.01	1	0.018	1.40E-05	0.76	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.04	-0.04	-0.06	1	0.42	0.18	0.029	NA	NA	NA	NA
0.09	0.09	-0.33	-0.27	1	0.7	1.30E-06	0.075	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	0	-0.01	1	0.72	1	1	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.05	0	1	0.93	0.24	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.15	-0.06	1	0.85	1.50E-06	0.11	NA	NA	NA	NA
0.11	0.02	-0.16	0	1	1	0.0025	1	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.05	-0.04	0.07	1	0.58	0.073	0.012	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	0.01	0.08	1	0.91	0.88	0.00056	NA	NA	NA	NA

0.01	-0.03	-0.04	-0.01	1	0.31	0.096	0.53	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.03	0.02	1	0.86	0.66	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	-0.04	0.05	1	1	0.35	0.25	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.1	-0.04	1	0.85	0.001	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.09	0.03	1	1	0.015	0.55	NA	NA	NA	NA
0	0.17	-0.06	-0.03	1	0.018	0.0034	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.07	-0.02	0.05	1	0.11	0.33	0.014	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.03	0.05	1	0.1	0.12	0.0053	NA	NA	NA	NA
0.11	0.06	-0.01	0	1	1	0.78	1	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.02	-0.01	1	0.06	0.31	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.05	0	1	0.49	0.047	1	NA	NA	NA	NA
0	0	0.03	0.05	1	1	0.23	0.02	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.08	0.01	1	0.22	5.40E-07	0.62	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	0.01	-0.03	1	0.63	1	0.64	NA	NA	NA	NA
0	0.14	0	0.03	1	6.50E-05	0.97	0.037	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.07	-0.04	1	0.9	0.15	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.01	NA	-0.18	0.05	1	NA	0.00078	0.6	NA	NA	NA	NA
0.01	0.16	-0.01	0.01	1	0.0036	0.66	0.57	NA	NA	NA	NA
0	0.08	-0.08	-0.02	1	0.005	8.20E-07	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.2	-0.09	1	0.98	1.90E-05	0.11	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.08	-0.06	1	0.71	0.059	0.33	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	0	0.06	1	0.47	0.9	0.0023	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	-0.08	0.1	1	1	0.15	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.04	0.01	1	1	0.23	0.93	NA	NA	NA	NA
0	0.14	0	0.08	1	0.013	0.8	2.10E-05	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.05	0.07	1	1	0.084	0.063	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.02	0.07	1	0.54	0.22	0.0018	NA	NA	NA	NA
0	0.08	-0.06	-0.02	1	0.3	0.0056	0.34	NA	NA	NA	NA
0	0.06	0.02	0.1	1	0.27	0.45	0.00035	NA	NA	NA	NA
0	0.1	0.01	0.09	1	0.0026	0.72	0.00014	NA	NA	NA	NA

0	-0.07	-0.03	0.11	1	1	0.73	0.0074	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.03	0	1	1	0.44	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	0	0.02	1	0.13	0.98	0.29	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.08	-0.02	1	0.44	3.30E-06	0.17	NA	NA	NA	NA
0	0	0.26	0.63	1	1	0.17	0.81	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.11	-0.03	0	1	0.0026	0.057	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.05	0.02	1	0.91	0.13	0.52	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.08	0.06	1	0.89	0.0013	0.11	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.07	-0.1	1	0.93	0.066	0.076	NA	NA	NA	NA
0	-0.8	-0.1	-0.05	1	0.47	0.0015	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.04	-0.02	1	0.9	0.098	0.51	NA	NA	NA	NA
0.16	0.33	-0.03	NA	1	0.066	0.71	NA	NA	NA	NA	NA
0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.19	0.08	0.07	1	0.092	0.0046	0.00099	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.03	0.01	1	0.58	0.22	0.81	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.03	-0.01	1	0.85	0.51	0.92	NA	NA	NA	NA
0	0.12	0.01	0.08	1	0.00013	0.62	3.20E-05	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.09	0.01	0.04	1	0.87	0.92	0.37	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.03	-0.02	1	0.52	0.05	0.16	NA	NA	NA	NA
0	0.11	0.11	0.12	1	0.031	0.00093	0.00016	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.02	-0.04	0.07	1	1	0.24	0.13	NA	NA	NA	NA
0.12	0.04	-0.06	NA	1	1	0.15	NA	NA	NA	NA	NA
-0.02	NA	0.04	0.06	1	NA	0.18	0.074	NA	NA	NA	NA
0.03	0.2	-0.05	0.04	1	0.11	0.13	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	0	0.05	1	0.74	1	0.32	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.07	-0.09	-0.05	1	0.46	0.028	0.24	NA	NA	NA	NA
0.15	0.72	0.02	0.07	1	9.50E-06	0.51	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.12	0.01	-0.01	1	1	0.69	0.77	NA	NA	NA	NA
0.01	NA	-0.07	-0.03	1	NA	0.064	0.56	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.02	0.06	1	0.83	0.33	0.0041	NA	NA	NA	NA

-0.01	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0	0.25	-0.03	-0.03	1	0.0017	0.31	0.15	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	0.02	0.09	1	0.65	0.58	0.0017	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	-0.07	0.04	1	0.73	0.0014	0.19	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.01	0.03	1	1	0.95	0.37	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.02	-0.04	1	1	0.41	0.078	NA	NA	NA	NA
0	NA	0.02	NA	1	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
0	0.02	0	-0.01	1	1	1	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.15	-0.1	-0.06	1	0.00036	2.70E-07	0.015	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.05	-0.04	1	1	0.0068	0.027	NA	NA	NA	NA
0	0.18	-0.1	-0.03	1	2.80E-05	1.30E-08	0.12	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.07	-0.11	-0.1	1	0.52	0.0053	0.098	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.05	-0.02	1	0.93	0.026	0.29	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.03	-0.05	1	0.8	0.24	0.0074	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.06	-0.02	0.01	1	0.58	0.46	0.77	NA	NA	NA	NA
0	0.07	-0.02	0.04	1	0.0075	0.28	0.02	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.03	0.06	1	0.73	0.1	0.00054	NA	NA	NA	NA
0	0.09	-0.01	0.04	1	0.0025	0.54	0.019	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	-0.07	-0.05	1	0.77	0.00066	0.014	NA	NA	NA	NA
0	NA	0.2	NA	1	NA	0.7	NA	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.03	0.07	1	1	0.54	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.11	0	0.01	1	0.04	1	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.13	0	-0.01	1	0.23	1	1	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.13	-0.06	0	1	0.53	0.44	1	NA	NA	NA	NA
0	0.06	-0.08	-0.16	1	0.21	0.014	3.30E-05	NA	NA	NA	NA
0	0.33	-0.07	-0.04	1	0.057	0.18	0.55	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.03	0.12	1	1	0.29	5.00E-05	NA	NA	NA	NA
0	-0.09	-0.05	-0.02	1	0.18	0.25	0.57	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.05	-0.01	1	0.87	0.00033	0.56	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.06	0	0.03	1	0.76	1	0.11	NA	NA	NA	NA

NA	NA	0.01	0.11	NA	NA	1	0.079	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	-0.02	NA	NA	0.7	0.89	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.13	-0.03	NA	NA	0.044	0.82	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.33	NA	NA	1	0.02	NA	NA	NA	NA
NA	-0.02	-0.07	0.06	NA	0.93	2.50E-06	0.0021	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.04	0.01	NA	NA	0.46	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.05	-0.23	-0.06	NA	1	0.0084	0.82	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.07	-0.03	NA	NA	0.3	0.77	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.05	NA	NA	1	0.33	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.8	NA	NA	NA	0.018	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	0	NA	NA	0.054	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.29	-0.06	-0.03	NA	0.16	0.39	0.75	NA	NA	NA	NA
NA	0	0	0.07	NA	1	1	0.029	NA	NA	NA	NA
NA	-0.03	-0.01	-0.04	NA	1	1	0.52	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0	NA	NA	0.44	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	-0.02	NA	NA	1	0.8	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.29	0.29	NA	NA	0.23	0.23	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.14	0.7	NA	NA	0.028	0.67	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.04	0.07	NA	NA	0.34	0.25	NA	NA	NA	NA
NA	0.34	0.04	0.18	NA	1.80E-06	0.44	0.0036	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	-0.11	NA	NA	0.65	0.33	NA	NA	NA	NA
NA	0.17	-0.01	0.04	NA	0.012	0.77	0.23	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	-0.05	NA	NA	0.66	0.23	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	0.03	NA	NA	0.54	0.69	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.6	NA	NA	NA	0.55	NA	NA	NA	NA	NA

NA	0.09	-0.07	-0.02	NA	0.39	0.12	0.95	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	0.09	NA	NA	1	0.28	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.77	-0.02	-0.03	NA	0.11	0.43	0.27	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	0.08	NA	NA	0.74	0.16	NA	NA	NA	NA
NA	0.2	0.02	0.04	NA	0.41	0.68	0.71	NA	NA	NA	NA
NA	-0.67	-0.13	-0.01	NA	0.0016	0.014	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.16	-0.08	0.2	NA	0.55	0.041	0.00022	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.33	0.06	0.54	NA	1	0.41	0.0056	NA	NA	NA	NA
NA	0.2	0.01	0.01	NA	0.12	0.94	0.94	NA	NA	NA	NA
NA	0.1	-0.03	0.02	NA	0.13	0.4	0.85	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.21	0.51	NA	NA	0.18	0.00064	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	NA	NA	NA	0.17	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.36	0.08	0	NA	0.92	0.42	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.32	0.01	0.19	NA	0.57	0.87	1.50E-07	NA	NA	NA	NA
NA	0.02	-0.01	0.03	NA	1	0.85	0.15	NA	NA	NA	NA
NA	0.2	0	0	NA	0.15	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.11	-0.09	-0.05	NA	1	0.006	0.3	NA	NA	NA	NA
NA	0.51	-0.18	-0.19	NA	1.30E-07	0.0022	0.00045	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	0.12	NA	NA	1	0.17	NA	NA	NA	NA
NA	-0.06	-0.13	0.79	NA	1	0.068	3.30E-05	NA	NA	NA	NA
NA	0.05	-0.09	-0.09	NA	0.89	0.074	0.043	NA	NA	NA	NA
NA	0.54	0.15	0.12	NA	0.0022	0.13	0.097	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.22	NA	NA	NA	0.53	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.22	0.18	NA	NA	0.13	1	NA	NA	NA	NA

NA	NA	-0.06	-0.01	NA	NA	0.42	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.17	0.06	0.03	NA	0.47	0.41	0.81	NA	NA	NA	NA
NA	0.02	-0.02	0.1	NA	1	0.93	0.11	NA	NA	NA	NA
NA	0.08	-0.09	-0.1	NA	0.66	0.0049	0.018	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	-0.06	NA	NA	0.0081	0.28	NA	NA	NA	NA
NA	-0.41	0.48	0.08	NA	0.016	0.13	0.84	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.28	0.1	NA	NA	7.00E-05	0.95	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	0.86	NA	NA	0.7	6.10E-07	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.02	-0.15	-0.14	NA	0.81	0.0057	0.0046	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.14	0.23	NA	NA	0.12	0.14	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	0.02	0.11	NA	1	0.83	0.062	NA	NA	NA	NA
NA	0.01	-0.06	0.06	NA	1	0.31	0.37	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.09	0.84	NA	NA	1	0.0075	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	0.04	NA	NA	0.8	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.1	0.33	NA	NA	1	0.49	NA	NA	NA	NA
NA	0	0	0.01	NA	1	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	0.79	NA	NA	1	0.15	NA	NA	NA	NA
NA	0.12	0.01	0.17	NA	1	0.84	0.00018	NA	NA	NA	NA
NA	0.1	-0.09	0.36	NA	1	0.55	0.13	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	0.16	NA	NA	0.0061	0.3	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.11	0.08	NA	NA	0.68	0.63	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.75	NA	NA	1	0.01	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.12	-0.02	NA	NA	0.00017	0.62	NA	NA	NA	NA
NA	0.25	-0.13	-0.06	NA	0.32	0.067	0.45	NA	NA	NA	NA
NA	0.64	NA	NA	NA	0.83	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.19	-0.07	NA	NA	0.056	0.87	NA	NA	NA	NA

NA	-0.01	0.02	-0.02	NA	1	0.94	0.6	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.32	0.02	0.79	NA	0.29	0.83	0.073	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.02	0	NA	0.84	0.86	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.19	-0.12	0.21	NA	0.61	0.47	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.12	-0.05	0	NA	0.19	0.29	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	-0.03	NA	NA	0.68	0.57	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0.24	0.16	-0.03	-0.05	1.70E-09	1.40E-08	0.29	0.014	NA	NA	NA	NA
0.19	0.06	-0.05	0.02	2.50E-08	0.023	0.012	0.36	NA	NA	NA	NA
0.22	0.02	-0.04	-0.01	3.10E-08	0.67	0.031	0.55	NA	NA	NA	NA
0.56	-0.01	-0.08	0.08	4.30E-08	0.91	0.029	0.14	NA	NA	NA	NA
0.18	0.08	-0.06	-0.01	9.10E-08	0.012	9.50E-06	0.39	NA	NA	NA	NA
-0.37	-0.14	-0.11	0	1.80E-07	0.16	0.046	1	NA	NA	NA	NA
-0.14	0.01	0	0.08	3.60E-07	0.9	0.85	0.00042	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.01	-0.06	-0.05	4.10E-07	0.73	0.00015	0.0012	NA	NA	NA	NA
0.18	0.12	-0.01	0.04	7.30E-07	4.30E-06	0.38	0.02	NA	NA	NA	NA
0.23	0.1	-0.21	-0.21	1.10E-06	0.042	6.50E-08	3.20E-07	NA	NA	NA	NA
0.14	0.04	-0.04	0.01	1.70E-06	0.16	0.018	0.81	NA	NA	NA	NA
0.16	0.05	-0.04	0	2.00E-06	0.019	0.0048	0.79	NA	NA	NA	NA
0.17	0.08	0.01	-0.02	2.50E-06	0.018	0.51	0.25	NA	NA	NA	NA
0.15	0.05	-0.04	0.01	2.80E-06	0.037	0.17	0.64	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.15	-0.01	0.03	3.60E-06	0.0014	0.55	0.096	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.02	-0.03	0.04	5.10E-06	0.7	0.15	0.094	NA	NA	NA	NA
0.2	0.15	-0.09	-0.05	6.50E-06	0.00046	2.70E-07	0.0094	NA	NA	NA	NA
0.46	0.07	-0.03	0.13	8.80E-06	0.53	0.37	0.00061	NA	NA	NA	NA

0.05	0.04	-0.01	0.04	9.70E-06	0.00015	0.099	1.50E-06	NA	NA	NA	NA
0.23	0.19	-0.01	-0.03	1.10E-05	0.00038	0.77	0.42	NA	NA	NA	NA
0.19	0.06	-0.03	-0.01	1.70E-05	0.058	0.24	0.59	NA	NA	NA	NA
0.69	0.36	0.05	0.13	2.00E-05	0.00095	0.13	0.069	NA	NA	NA	NA
0.54	0.09	-0.12	-0.08	2.30E-05	1	0.00018	0.033	NA	NA	NA	NA
0.17	0.11	-0.06	0.05	2.40E-05	0.0033	0.00065	0.0074	NA	NA	NA	NA
0.25	0.29	-0.07	0.14	3.30E-05	7.10E-06	0.015	0.0036	NA	NA	NA	NA
0.19	0.05	-0.08	-0.02	4.30E-05	0.25	0.0021	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.11	-0.05	-0.01	5.20E-05	8.70E-05	0.00011	0.56	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.04	-0.08	-0.02	6.40E-05	0.33	6.10E-09	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.25	-0.02	0.08	0.06	9.60E-05	0.98	0.086	0.48	NA	NA	NA	NA
0.15	0.03	-0.01	0.03	0.00018	0.31	0.88	0.14	NA	NA	NA	NA
0.31	0.23	0.19	0.09	0.00019	0.0097	0.0022	0.12	NA	NA	NA	NA
0.12	0.06	0.02	0.04	0.00031	0.045	0.21	0.013	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.05	-0.01	0.1	0.00033	0.2	0.46	2.50E-06	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.04	-0.02	0.00034	0.073	0.034	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.09	-0.01	0.02	0.00034	0.00019	0.54	0.15	NA	NA	NA	NA
0.08	0.07	-0.03	-0.01	0.00036	0.00078	0.016	0.46	NA	NA	NA	NA
0.16	0.05	-0.04	-0.01	0.00037	0.08	0.014	0.69	NA	NA	NA	NA
0.36	0	-0.09	-0.02	0.00041	1	0.057	0.53	NA	NA	NA	NA
0.09	0.01	-0.01	0.03	0.00044	0.57	0.47	0.093	NA	NA	NA	NA
0.08	0.04	0.02	-0.01	0.00048	0.084	0.46	0.58	NA	NA	NA	NA
0.26	0.01	-0.07	0.05	0.00062	1	0.0058	0.39	NA	NA	NA	NA
0.28	-0.02	-0.06	-0.03	0.00067	0.7	0.0085	0.29	NA	NA	NA	NA
0.16	0.05	0.04	0.13	0.00081	0.2	0.11	6.30E-07	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.01	-0.02	0.05	0.00086	0.71	0.13	0.0078	NA	NA	NA	NA
0.2	0.25	-0.03	-0.04	0.00087	4.50E-07	0.42	0.25	NA	NA	NA	NA
0.13	0.2	-0.07	-0.04	0.00088	4.50E-09	4.30E-06	0.045	NA	NA	NA	NA
0.11	0.1	-0.03	0.04	0.0011	0.00068	0.03	0.004	NA	NA	NA	NA
0.16	0.17	-0.01	0.01	0.0013	0.0014	0.92	0.99	NA	NA	NA	NA

-0.15	-0.15	-0.02	0.09	0.0014	0.00075	0.5	0.028	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.03	-0.05	-0.01	0.0014	0.16	1.90E-05	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.15	-0.13	-0.05	0.0015	0.00045	0.0073	0.22	NA	NA	NA	NA
0.11	0.08	-0.04	0.07	0.0015	0.088	0.044	0.0046	NA	NA	NA	NA
0.09	0.07	-0.04	0.02	0.0016	0.003	2.20E-06	0.047	NA	NA	NA	NA
0.33	-0.02	-0.02	-0.05	0.0016	0.71	0.82	0.29	NA	NA	NA	NA
0.22	0.09	-0.06	0.06	0.0017	0.17	0.0017	0.0058	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.04	0.03	0.07	0.0017	0.68	0.35	0.043	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.05	0.02	0.0021	0.017	0.00087	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.06	-0.03	0.02	0.0025	0.091	0.0053	0.081	NA	NA	NA	NA
0.1	0.14	-0.01	0.05	0.0028	1.90E-06	0.56	0.002	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.04	-0.03	0.0031	0.00031	0.0011	0.025	NA	NA	NA	NA
0.26	0.07	0.02	0.08	0.0033	0.46	0.65	0.0097	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.08	0	0.05	0.0037	0.0055	0.85	0.0059	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.02	-0.02	0.03	0.0039	0.39	0.15	0.021	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.04	-0.01	0.004	0.53	0.00022	0.57	NA	NA	NA	NA
0.08	0.12	-0.03	-0.01	0.004	2.00E-04	0.09	0.78	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.04	-0.03	0.0042	0.057	0.16	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.43	-0.17	-0.22	-0.29	0.0047	0.36	0.035	0.015	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.08	-0.02	0.0049	0.086	1.80E-07	0.3	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.04	-0.01	0.0052	0.004	0.00071	0.57	NA	NA	NA	NA
0.11	0.08	-0.05	0.02	0.0061	0.017	0.0073	0.47	NA	NA	NA	NA
0.11	0.1	-0.03	0.04	0.0063	0.013	0.068	0.014	NA	NA	NA	NA
0.36	0.48	0.04	NA	0.0067	0.00031	0.8	NA	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.1	-0.02	0.02	0.0068	0.0021	0.073	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.36	-0.41	-0.09	0.01	0.0068	0.00037	0.073	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.01	0.01	0.0075	0.0088	0.64	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.05	-0.01	0.02	0.0076	0.044	0.43	0.072	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.05	-0.04	0.05	0.0082	0.2	0.02	0.022	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	0	0.03	0.0088	0.00016	0.84	0.092	NA	NA	NA	NA

0.06	0.1	-0.05	0.01	0.0096	6.20E-06	0.0023	0.63	NA	NA	NA	NA
0.81	-0.02	-0.01	0.07	0.0099	1	0.98	0.091	NA	NA	NA	NA
0.18	0.03	-0.05	-0.01	0.01	0.71	0.11	0.81	NA	NA	NA	NA
-0.21	0.22	0.01	0.04	0.011	0.04	0.75	0.34	NA	NA	NA	NA
0.48	0.62	-0.1	0.17	0.011	0.00017	0.51	0.53	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.04	0.03	0.011	0.046	0.011	0.091	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.01	-0.05	0.011	0.0039	0.78	0.0075	NA	NA	NA	NA
0.17	0.08	-0.05	-0.02	0.012	0.47	0.17	0.78	NA	NA	NA	NA
0.12	0.1	0	0.1	0.012	0.031	1	6.50E-06	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.03	-0.05	0	0.012	0.16	0.0015	0.94	NA	NA	NA	NA
0.12	0.08	-0.08	0.01	0.013	0.025	5.00E-09	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.02	-0.01	0.01	0.014	0.59	0.77	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.1	-0.03	0.12	0.015	0.1	0.22	4.10E-06	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	0.01	0.09	0.015	0.56	0.72	8.00E-07	NA	NA	NA	NA
0.89	0.05	0.02	0.04	0.015	0.64	0.83	0.56	NA	NA	NA	NA
0.12	0.03	-0.02	0.05	0.017	0.5	0.3	0.03	NA	NA	NA	NA
0.07	0.11	-0.04	0.02	0.018	0.00026	0.053	0.42	NA	NA	NA	NA
0.08	0.13	-0.05	-0.01	0.021	7.00E-04	6.70E-05	0.75	NA	NA	NA	NA
0.13	0.11	-0.02	0.07	0.021	0.028	0.49	0.015	NA	NA	NA	NA
0.19	0.15	-0.05	0.01	0.021	0.09	0.026	0.74	NA	NA	NA	NA
0.3	0.18	-0.01	-0.06	0.022	0.44	1	0.61	NA	NA	NA	NA
-0.54	-0.38	-0.06	0.16	0.022	0.0049	0.35	0.0095	NA	NA	NA	NA
0.17	0.16	-0.07	-0.02	0.024	0.044	0.3	0.86	NA	NA	NA	NA
0.07	0.08	-0.05	0.12	0.024	0.0096	0.012	6.90E-08	NA	NA	NA	NA
0.07	0	-0.01	0.01	0.024	1	0.84	0.86	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.04	-0.01	0.026	0.049	0.028	0.74	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	-0.04	0.05	0.027	0.035	0.0062	0.0053	NA	NA	NA	NA
0.05	0.09	-0.06	-0.03	0.028	0.00016	1.00E-04	0.011	NA	NA	NA	NA
0.64	0.46	0.05	0.07	0.029	0.032	0.39	0.087	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	0.04	0.02	0.03	0.28	0.045	0.12	NA	NA	NA	NA

-0.09	-0.03	-0.02	0.07	0.031	0.76	0.38	0.0031	NA	NA	NA	NA
0.14	-0.04	-0.05	-0.03	0.033	0.56	0.0098	0.12	NA	NA	NA	NA
0.07	0.12	-0.01	0.03	0.034	0.00012	0.62	0.13	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	0.01	-0.01	0.035	0.88	0.9	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.02	-0.01	0.1	0.035	0.68	0.67	1.60E-08	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.23	0.01	0.09	0.036	0.11	0.96	0.023	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.05	-0.02	-0.01	0.036	0.2	0.17	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.03	-0.04	0	0.038	0.49	0.11	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.08	0	-0.06	0.04	0.038	0.97	2.90E-07	0.004	NA	NA	NA	NA
0.22	0.23	-0.22	-0.07	0.039	0.063	0.002	0.44	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.02	0.07	0.041	0.64	0.31	0.00048	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.08	-0.07	-0.02	0.042	0.0015	0.00037	0.22	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	-0.05	0	0.042	0.0027	0.0012	1	NA	NA	NA	NA
-0.21	0.27	-0.02	0.07	0.044	0.75	0.47	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	0.03	0.14	0.046	0.79	0.24	5.60E-08	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	-0.04	-0.02	0.048	0.014	0.057	0.29	NA	NA	NA	NA
0.05	0.08	0.02	0.05	0.049	0.095	0.55	0.075	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.03	-0.02	-0.03	0.049	0.54	0.28	0.028	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.06	-0.06	-0.03	0.05	0.1	0.014	0.25	NA	NA	NA	NA
0.09	0	-0.02	0.02	0.052	1	0.25	0.31	NA	NA	NA	NA
0.1	0.1	-0.04	0	0.052	0.019	0.12	1	NA	NA	NA	NA
0.08	0.2	-0.03	-0.09	0.052	7.00E-07	0.44	0.0082	NA	NA	NA	NA
0.08	0	-0.02	0.1	0.054	1	0.5	0.00018	NA	NA	NA	NA
0.31	0.12	-0.03	0.59	0.055	0.46	1	0.0026	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.05	-0.03	0.057	0.95	3.80E-05	0.043	NA	NA	NA	NA
0.11	0.04	-0.09	0.02	0.057	0.48	0.00077	0.68	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	0	0.03	0.058	0.22	1	0.13	NA	NA	NA	NA
0.81	0.81	0.16	0.77	0.058	0.058	0.012	3.40E-08	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.02	0	0.12	0.062	0.89	0.89	1.50E-08	NA	NA	NA	NA
0.05	0.11	-0.04	-0.03	0.063	1.20E-05	0.011	0.047	NA	NA	NA	NA

-0.17	-0.18	-0.11	-0.09	0.064	0.028	0.059	0.1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.12	-0.06	0	0.067	8.20E-08	0.0056	0.97	NA	NA	NA	NA
0.08	0.11	-0.02	0.02	0.067	4.40E-05	0.2	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.05	0	-0.03	-0.03	0.068	0.95	0.11	0.13	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.01	0.02	0.068	0.18	0.73	0.23	NA	NA	NA	NA
0.08	0	0.08	0	0.069	1	0.024	0.99	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.03	-0.04	0.05	0.071	0.27	0.036	0.021	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.07	0.02	0.072	4.80E-05	1.70E-08	0.24	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.05	-0.1	-0.08	0.073	0.11	0.00017	0.0056	NA	NA	NA	NA
-0.15	0	0.03	0	0.073	1	0.44	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.02	0	0.074	0.41	0.18	0.94	NA	NA	NA	NA
0.09	0	-0.02	-0.02	0.076	1	0.37	0.58	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.06	0	0.081	0.32	3.90E-05	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.07	-0.05	0.05	0.085	0.74	0.089	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.02	-0.04	0.02	0.086	0.56	0.0014	0.08	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.03	-0.02	0.086	0.27	0.056	0.079	NA	NA	NA	NA
0.09	0.08	-0.07	-0.03	0.088	0.027	9.10E-05	0.15	NA	NA	NA	NA
0.15	0.45	-0.01	0.04	0.089	3.90E-05	0.86	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.51	0.2	-0.06	0.05	0.09	1	0.12	0.37	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	-0.05	0.02	0.095	0.13	0.0083	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	0.01	0.03	0.097	0.77	0.44	0.12	NA	NA	NA	NA
0.95	0.95	-0.18	-0.16	0.097	0.097	0.0064	0.022	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.02	0.03	0.1	0.64	0.37	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.02	-0.02	0.03	0.11	0.17	0.13	0.062	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.05	-0.07	0.11	0.44	0.0028	0.00017	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.03	-0.02	0.04	0.11	0.44	0.19	0.037	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.02	-0.07	-0.03	0.11	0.49	0.0016	0.19	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.04	0	0.11	0.91	0.19	0.95	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.09	0.03	0.01	0.11	0.04	0.13	0.84	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	-0.05	-0.06	0.11	0.79	0.053	0.043	NA	NA	NA	NA

0.06	0.03	-0.01	0	0.11	0.95	0.74	0.98	NA	NA	NA	NA
0.07	0.08	0.02	0.08	0.12	0.065	0.38	0.00052	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.13	-0.02	0.01	0.12	9.80E-05	0.048	0.43	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.07	-0.03	0.12	0.04	0.00035	0.15	NA	NA	NA	NA
0.38	-0.01	-0.08	-0.02	0.12	0.81	0.0017	0.67	NA	NA	NA	NA
0.13	0.28	0.02	0.1	0.12	0.0037	0.25	1.50E-05	NA	NA	NA	NA
-0.1	0	-0.16	0.67	0.13	1	0.094	0.23	NA	NA	NA	NA
0.09	0	0	-0.03	0.13	1	0.97	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.05	0	-0.06	-0.02	0.13	1	0.0019	0.27	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.06	0.04	0.13	0.19	6.10E-07	0.023	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	0	0.02	0.13	0.93	0.96	0.08	NA	NA	NA	NA
0.37	NA	-0.07	0.08	0.14	NA	0.35	0.33	NA	NA	NA	NA
0.12	0.04	-0.1	-0.02	0.14	0.79	0.021	0.81	NA	NA	NA	NA
0.1	0.06	-0.16	-0.14	0.14	0.62	9.80E-06	0.00025	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.36	-0.04	0.06	0.14	0.03	0.33	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.02	-0.05	-0.02	0.15	0.94	0.24	0.76	NA	NA	NA	NA
0.06	0.09	0.03	0.01	0.15	0.058	0.22	0.61	NA	NA	NA	NA
0.08	0.12	-0.04	-0.06	0.15	0.00074	0.16	0.033	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.01	-0.05	0.09	0.16	1	0.22	0.0074	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.05	0	0.16	0.044	9.00E-05	0.85	NA	NA	NA	NA
0.5	NA	0.09	NA	0.16	NA	0.7	NA	NA	NA	NA	NA
-0.23	-0.11	-0.06	-0.12	0.16	0.45	0.71	0.46	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.03	0.02	0.17	1	0.0011	0.024	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.16	0.02	0.04	0.17	0.059	0.89	0.48	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.05	-0.05	0.01	0.17	0.23	0.0039	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.04	-0.04	0.04	0.18	0.053	0.0061	0.0045	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	0.01	-0.04	0.18	0.024	0.68	0.04	NA	NA	NA	NA
0.12	0.13	-0.14	-0.13	0.18	0.054	0.0046	0.014	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.02	0.01	0.05	0.19	0.65	0.75	0.0083	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.06	-0.04	0.03	0.19	0.57	0.15	0.45	NA	NA	NA	NA

-0.15	-0.11	-0.06	-0.01	0.19	0.49	0.15	0.91	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.06	0	0.19	0.19	0.017	0.94	NA	NA	NA	NA
0.1	0.07	0.01	0.11	0.2	0.14	0.95	0.018	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.07	-0.04	0.01	0.2	0.0079	0.0015	0.57	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.07	-0.02	0.11	0.2	0.31	0.78	0.024	NA	NA	NA	NA
-0.21	-0.07	-0.05	-0.02	0.2	0.67	0.21	0.64	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.03	-0.04	0.2	0.0068	0.065	0.00034	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.1	-0.05	0.01	0.21	0.00011	0.00053	0.74	NA	NA	NA	NA
-0.22	0.25	-0.02	-0.01	0.21	0.25	0.73	0.9	NA	NA	NA	NA
0.15	0.12	-0.13	-0.11	0.21	0.13	2.00E-05	2.00E-05	NA	NA	NA	NA
0.1	0.13	-0.06	-0.02	0.21	0.11	0.0019	0.39	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.04	-0.06	0.01	0.21	0.45	0.00011	0.73	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.02	0.02	0.22	0.52	0.2	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.13	-0.06	0	0.22	0.32	0.15	1	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.01	0	0.23	1	0.74	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	0	0.03	0.23	0.22	0.93	0.09	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.02	0	0.07	0.23	0.68	0.95	0.0016	NA	NA	NA	NA
-0.08	NA	0	0.03	0.23	NA	1	0.4	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.05	-0.03	-0.05	0.24	0.21	0.29	0.038	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.03	0.05	0.24	0.18	0.28	0.32	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.05	-0.01	0.24	0.019	0.035	0.65	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.02	0.03	0.25	0.51	0.092	0.002	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	-0.06	-0.05	0.25	0.00081	0.017	0.048	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.03	-0.02	0.04	0.25	0.46	0.24	0.011	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.03	-0.01	0.11	0.25	0.55	0.62	1.50E-07	NA	NA	NA	NA
0.17	0.06	-0.07	-0.06	0.26	0.92	0.028	0.078	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.01	0.02	0.26	0.9	0.68	0.32	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.01	-0.05	-0.02	0.26	1	0.059	0.53	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.06	-0.02	0.26	1	0.0024	0.38	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.01	-0.01	0.27	1	0.93	0.92	NA	NA	NA	NA

0.16	-0.1	0.06	0.18	0.27	0.36	0.12	9.40E-08	NA	NA	NA	NA
-0.21	-0.21	-0.09	-0.05	0.27	0.15	0.023	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.11	-0.04	0.01	0.28	0.0041	0.12	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.21	-0.01	0.05	0.28	4.20E-05	0.67	0.0063	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.1	-0.05	0.19	0.29	0.11	0.27	0.94	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.06	-0.03	0.29	0.088	0.044	0.5	NA	NA	NA	NA
-0.37	-0.66	-0.03	0.03	0.29	0.029	0.49	0.6	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	-0.09	0.05	0.3	0.75	0.0056	0.27	NA	NA	NA	NA
0.16	0.03	0.03	-0.03	0.3	1	0.68	0.66	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.1	0.02	-0.03	0.3	0.037	0.54	0.44	NA	NA	NA	NA
0.07	0.13	-0.07	0.03	0.31	0.0071	0.0031	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.07	NA	-0.05	0.07	0.31	NA	0.2	0.11	NA	NA	NA	NA
0.23	0.13	0.04	0.07	0.31	0.53	0.7	0.22	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	0	0.01	0.31	0.036	0.9	0.26	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	-0.05	0.01	0.32	0.00039	0.0019	0.67	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.01	0.01	0.32	0.0026	0.32	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.09	-0.11	-0.19	0.32	0.16	0.011	3.10E-05	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.02	0.03	0.32	0.54	0.18	0.093	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.1	-0.06	-0.05	0.32	0.11	0.035	0.11	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.03	0.02	0.32	0.05	0.027	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.06	-0.02	0.05	0.32	1	0.63	0.17	NA	NA	NA	NA
0.05	0.21	-0.02	0.03	0.33	2.30E-07	0.47	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.08	-0.03	-0.06	0.33	1	0.74	0.29	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.08	-0.02	0.33	0.98	0.00094	0.72	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.01	0.03	0.34	0.93	0.59	0.062	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.04	-0.02	0.03	0.34	0.21	0.47	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.09	0.07	0.16	0.34	0.18	0.17	0.00014	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.04	-0.02	0.35	1	0.28	0.81	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	0.01	0.03	0.35	0.0017	0.5	0.0015	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.01	-0.08	-0.09	0.36	1	0.0011	0.00046	NA	NA	NA	NA

0.1	-0.01	-0.07	0.01	0.36	1	0.092	0.95	NA	NA	NA	NA
0.12	0.03	-0.25	-0.18	0.36	0.82	4.20E-09	4.70E-05	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.1	-0.04	0.37	0.98	0.00031	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.04	-0.01	0.37	0.76	0.012	0.6	NA	NA	NA	NA
-0.88	-0.58	0.05	0	0.38	0.94	0.87	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.03	-0.01	0.01	0.38	0.51	0.82	0.67	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.03	0.07	0.39	0.067	0.18	0.0026	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.05	0.02	0.39	0.1	1.00E-05	0.27	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.01	0.01	0.39	0.95	0.41	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	0.02	-0.01	0.4	0.00091	0.37	0.71	NA	NA	NA	NA
0.11	0.01	0.1	-0.04	0.4	1	0.021	0.35	NA	NA	NA	NA
0.03	0.14	-0.05	-0.03	0.4	0.00014	0.021	0.17	NA	NA	NA	NA
0.24	0.19	-0.04	0.02	0.4	0.32	0.27	0.77	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.08	0.01	0.02	0.4	0.11	0.94	0.62	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.16	0	0.04	0.41	0.0066	0.8	0.017	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.09	-0.06	-0.02	0.41	0.018	0.04	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.03	0	-0.06	0.41	0.45	0.93	0.012	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.02	-0.06	0.1	0.41	0.67	0.0056	0.0014	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.05	0.03	-0.04	0.41	0.44	0.26	0.017	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	-0.11	0.03	0.41	1	0.01	0.6	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.08	-0.05	-0.02	0.41	0.89	0.097	0.47	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.02	-0.02	0.41	0.73	0.17	0.21	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	0.06	0.1	0.41	0.61	0.088	0.0061	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.2	-0.1	-0.07	0.42	6.00E-04	4.80E-06	0.0096	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.05	0.11	0.43	0.23	0.00016	1.60E-08	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	-0.01	0.03	0.43	0.015	0.58	0.069	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.02	0	0.44	0.73	0.042	1	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.06	-0.01	0.06	0.44	0.24	0.62	0.038	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.02	0.03	0.45	0.17	0.11	0.051	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.05	0.03	0.46	0.79	0.023	0.39	NA	NA	NA	NA

-0.06	-0.02	-0.02	0.05	0.46	1	0.49	0.088	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.03	-0.02	0.46	0.026	0.23	0.4	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.2	-0.03	0.47	0.33	0.00056	0.83	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	-0.01	0.01	0.47	0.00022	0.4	0.3	NA	NA	NA	NA
0.05	0.13	-0.04	0.01	0.48	0.14	0.43	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.05	-0.02	-0.02	0.48	0.64	0.4	0.28	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.06	-0.01	0.48	0.71	2.60E-06	0.57	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.06	-0.02	0.48	1	4.80E-05	0.21	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	-0.01	0.05	0.48	0.43	0.56	0.061	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.04	0	0.49	0.88	0.00031	0.79	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.33	-0.01	0.05	0.49	0.0012	0.67	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.04	0.06	0.49	0.56	0.003	2.80E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.03	0.06	0.49	0.0021	0.19	0.0043	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.07	-0.01	0.01	0.5	0.3	0.72	0.64	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	-0.02	0.03	0.5	0.0079	0.38	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	-0.05	0.01	0.51	0.67	0.0023	0.63	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.04	0	0.51	0.0061	0.00051	0.83	NA	NA	NA	NA
0.05	0.11	0.02	0.02	0.51	0.0053	0.48	0.45	NA	NA	NA	NA
0.12	0.29	-0.07	-0.12	0.51	0.09	0.18	0.026	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.06	-0.08	-0.05	0.52	0.51	0.19	0.51	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.02	-0.01	0.52	0.093	0.27	0.67	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.04	0	0.52	0.013	0.018	0.95	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.06	0.02	0.53	0.79	0.00035	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.05	-0.02	0.53	0.84	1.80E-06	0.076	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	0	0.03	0.53	0.73	1	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.33	NA	0.03	0.07	0.54	NA	0.72	0.31	NA	NA	NA	NA
0.03	0.16	-0.01	-0.07	0.54	6.60E-06	1	0.0069	NA	NA	NA	NA
0.04	0.21	-0.08	-0.06	0.54	1.10E-05	0.011	0.073	NA	NA	NA	NA
-0.16	0	-0.07	-0.03	0.54	1	0.14	0.62	NA	NA	NA	NA
0.03	0.17	-0.13	-0.01	0.54	0.0051	7.00E-07	0.95	NA	NA	NA	NA

-0.17	-0.6	-0.21	0	0.54	0.015	0.23	1	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.1	-0.04	0.03	0.54	0.28	0.08	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.01	-0.02	0.54	0.71	0.59	0.45	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.04	-0.05	0.02	0.56	0.1	0.043	0.41	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.03	0.02	0.56	0.00065	0.0024	0.014	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.11	-0.05	0.01	0.57	0.003	0.031	0.68	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.03	-0.02	0.58	0.93	0.2	0.21	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.02	0	0.58	1	0.42	0.91	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.03	-0.03	0.01	0.59	0.53	0.15	0.59	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.03	-0.04	0.59	0.45	0.3	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.09	-0.1	-0.01	0.6	0.13	0.00043	0.77	NA	NA	NA	NA
0.06	0.19	-0.06	-0.07	0.6	0.043	0.025	0.01	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.06	-0.02	0.61	1	1.50E-06	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.06	-0.05	0.61	0.33	7.70E-06	0.00017	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.04	0.02	0.62	0.018	0.002	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.05	0.05	-0.01	0.62	1	0.39	0.84	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.02	-0.01	0.62	0.003	0.28	0.6	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.04	-0.08	0.04	0.62	0.82	0.22	0.32	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.05	-0.02	-0.04	0.63	0.52	0.57	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	0.02	0.04	0.64	0.27	0.17	0.00087	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	-0.03	0.02	0.64	0.3	0.079	0.2	NA	NA	NA	NA
0.07	0.34	0.01	0.14	0.65	0.00094	1	9.60E-05	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.04	0.02	0	0.65	0.15	0.26	0.95	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.04	0.09	0.66	0.3	0.29	0.012	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.07	-0.05	0.67	1	0.0011	0.031	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.02	-0.01	0.04	0.67	0.68	0.38	0.018	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	0.01	0.04	0.68	0.64	0.7	0.0057	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.34	-0.02	0.01	0.68	0.00015	0.49	0.84	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.15	-0.1	0	0.69	0.36	0.097	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.03	0.01	0.7	0.05	0.27	0.9	NA	NA	NA	NA

-0.04	-0.07	0.03	0.01	0.71	1	0.43	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	0.01	0.09	0.72	0.96	0.69	0.00069	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.04	0.03	0.72	0.013	0.0015	0.12	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	0	-0.02	0.72	0.96	1	0.52	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.06	-0.07	-0.03	0.72	0.014	0.00013	0.12	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.1	-0.04	0.73	0.69	0.00042	0.19	NA	NA	NA	NA
0.07	0.06	0.03	0.09	0.73	0.3	0.45	0.033	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.01	0.01	0.74	0.39	0.63	0.76	NA	NA	NA	NA
0.14	0.08	0.04	0.14	0.75	0.13	0.17	1.30E-05	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.03	0.04	0.76	0.54	0.13	0.043	NA	NA	NA	NA
0.09	0.48	0.05	0.07	0.76	0.057	0.73	0.62	NA	NA	NA	NA
0.13	0.47	0.02	-0.18	0.76	0.18	1	0.034	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.07	-0.05	0.76	0.53	8.10E-05	0.0061	NA	NA	NA	NA
0.04	NA	-0.08	0.02	0.77	NA	0.13	0.95	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.02	-0.01	0.77	0.00096	0.036	0.32	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.04	0.01	0.78	0.15	0.0046	0.36	NA	NA	NA	NA
0.21	0.38	-0.08	-0.03	0.78	0.28	0.033	0.77	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	0	0.09	0.78	0.18	0.99	7.50E-05	NA	NA	NA	NA
-0.67	-0.67	-0.06	0.1	0.79	0.88	0.041	0.027	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.05	-0.02	0.79	0.82	0.059	0.37	NA	NA	NA	NA
0.15	0.02	-0.05	-0.09	0.8	1	0.52	0.11	NA	NA	NA	NA
0.02	0.17	-0.01	0	0.8	0.049	0.92	0.97	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	0.03	-0.05	0.8	0.87	0.84	0.27	NA	NA	NA	NA
0.01	0.11	-0.04	0.04	0.81	0.0018	0.004	0.013	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.12	-0.1	-0.13	0.81	0.69	0.00095	0.00092	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.03	-0.07	0	0.82	0.6	0.0058	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.03	0	0.05	0.83	0.93	1	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.06	-0.08	-0.06	0.83	0.36	0.021	0.06	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.12	-0.06	0.01	0.83	0.17	0.00014	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.17	0.33	0.04	-0.1	0.84	0.81	0.56	0.036	NA	NA	NA	NA

0.01	0.01	-0.06	0	0.84	0.67	1.10E-05	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.06	-0.03	0.86	0.37	0.00033	0.18	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.02	0.01	0.87	0.07	0.045	0.41	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.04	-0.01	0.87	0.99	0.042	0.61	NA	NA	NA	NA
0.16	0.24	-0.01	0.09	0.87	0.26	0.89	0.098	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.13	-0.02	0.13	0.87	0.024	0.38	3.20E-07	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	0	0.1	0.87	1	1	0.00019	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.06	0.02	0.88	0.94	0.00046	0.35	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	0.02	0.03	0.88	0.79	0.25	0.073	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.01	0.01	0.88	0.82	0.36	0.51	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.05	0	0.88	1	0.064	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.02	0.06	0.88	1	0.26	3.30E-05	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.13	-0.02	0	0.89	0.0019	0.45	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.04	-0.02	0.89	0.15	0.0015	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.12	-0.06	-0.03	0.9	0.02	0.023	0.27	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.03	-0.01	0.9	0.66	0.036	0.67	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.02	-0.01	0.02	0.9	1	0.83	0.78	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	0	-0.03	0.9	0.92	0.94	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.08	-0.03	0.03	0.9	0.6	0.097	0.21	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.04	0	0.15	0.91	0.98	1	0.001	NA	NA	NA	NA
0.02	0.18	-0.03	-0.11	0.91	0.026	0.8	0.0025	NA	NA	NA	NA
0	0.09	0.01	0.03	0.92	9.70E-06	0.47	0.19	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.05	-0.05	0.04	0.93	0.093	0.023	0.13	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	0.02	0.02	0.93	0.78	0.56	0.38	NA	NA	NA	NA
0.02	NA	-0.05	-0.06	0.93	NA	0.14	0.05	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.03	-0.03	0.93	0.91	0.47	0.45	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.13	-0.02	0.03	0.93	7.00E-05	0.19	0.13	NA	NA	NA	NA
0.21	0.21	0.11	0.14	0.94	0.22	0.24	0.17	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.03	-0.05	0.03	0.94	0.86	0.099	0.53	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.1	-0.05	0	0.95	0.025	0.047	1	NA	NA	NA	NA

0.02	0.03	-0.03	0.1	0.95	0.87	0.23	0.0051	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.08	0	0.12	0.96	0.21	1	8.10E-06	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.05	0.03	0.96	0.016	7.30E-05	0.039	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.21	-0.06	0.01	0.96	2.50E-06	0.0036	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.17	-0.04	0	0.96	0.012	0.043	0.95	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.14	-0.04	0	0.96	7.90E-05	0.0019	0.86	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	0	0.01	0.97	0.85	1	0.71	NA	NA	NA	NA
-0.03	NA	-0.07	0.09	0.97	NA	0.15	0.078	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.06	-0.01	0.99	1	0.015	0.66	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.02	-0.03	-0.01	0.99	0.76	0.44	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.36	0.02	0.04	1	3.50E-05	0.67	0.37	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.08	-0.05	1	0.78	0.015	0.13	NA	NA	NA	NA
0.02	NA	-0.05	-0.02	1	NA	0.33	0.58	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.01	0.08	1	0.43	0.68	2.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.05	-0.05	1	1	0.0035	0.042	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.15	-0.02	0.04	1	0.002	0.41	0.043	NA	NA	NA	NA
0	0.41	-0.08	-0.01	1	0.00012	0.00051	0.73	NA	NA	NA	NA
0	0.15	0	0.05	1	0.011	0.95	0.055	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.01	0.01	1	1	0.51	0.54	NA	NA	NA	NA
0	NA	-0.08	-0.15	1	NA	0.24	0.0057	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.05	0.12	1	1	0.033	0.00049	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.1	-0.07	1	1	0.18	0.074	NA	NA	NA	NA
0	0.08	-0.06	-0.01	1	0.034	0.013	0.8	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.01	0	1	1	0.72	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.3	-0.06	-0.04	1	2.70E-05	0.021	0.18	NA	NA	NA	NA
0	0.09	-0.05	0.01	1	3.70E-07	0.019	0.76	NA	NA	NA	NA
0	0.11	0	0.08	1	0.074	1	0.028	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.05	0.02	1	1	0.034	0.66	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.22	0	0.02	1	0.037	1	0.55	NA	NA	NA	NA
0.03	0.41	-0.06	-0.01	1	2.70E-05	0.43	0.94	NA	NA	NA	NA

0	-0.85	-0.01	0.36	1	5.30E-06	0.99	0.039	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.03	-0.02	1	0.12	0.2	0.25	NA	NA	NA	NA
0	0.03	0.04	0.06	1	0.56	0.0058	0.00038	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.4	0.12	-0.06	1	0.89	0.34	0.71	NA	NA	NA	NA
-0.02	NA	-0.05	0.05	1	NA	0.042	0.17	NA	NA	NA	NA
0.01	0.11	-0.03	-0.04	1	0.012	0.11	0.036	NA	NA	NA	NA
0	0.06	0.01	0.01	1	0.061	0.71	0.69	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.1	-0.05	1	0.94	0.23	0.68	NA	NA	NA	NA
0	0.27	-0.16	0.21	1	5.90E-08	4.00E-06	4.00E-09	NA	NA	NA	NA
0.5	0.3	-0.06	0.06	1	0.51	0.31	0.46	NA	NA	NA	NA
0.17	0.5	-0.22	-0.05	1	0.7	0.00073	0.7	NA	NA	NA	NA
0	0.2	0	0.05	1	0.00051	0.91	0.014	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	0.01	0.06	1	1	0.93	0.059	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	0.05	0	1	0.57	0.63	1	NA	NA	NA	NA
0	0.14	-0.04	0.01	1	0.032	0.44	0.85	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.02	-0.01	1	0.64	0.6	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.17	-0.01	0.04	1	0.021	0.83	0.079	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.01	0.03	1	1	0.69	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.67	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.05	-0.14	-0.01	1	1	0.00055	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	0.11	0.07	1	0.65	0.0026	0.0077	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.07	0.01	-0.02	1	0.31	0.82	0.48	NA	NA	NA	NA
0	0.1	-0.05	0.01	1	0.052	0.095	0.74	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	0.03	0.15	1	0.65	0.27	1.60E-06	NA	NA	NA	NA
0	0.19	-0.01	-0.02	1	1.90E-06	0.7	0.46	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.02	0	1	0.65	0.27	0.85	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	0.02	-0.02	1	0.86	0.84	0.76	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.05	0.04	1	0.76	0.024	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.11	-0.04	0.01	1	0.34	0.14	0.77	NA	NA	NA	NA
0.08	0.11	-0.01	0.1	1	0.72	0.83	0.0049	NA	NA	NA	NA

0	0.19	-0.04	0.03	1	6.80E-07	0.013	0.079	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.05	0	1	0.75	0.0065	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	0.05	0.06	1	1	0.48	0.24	NA	NA	NA	NA
0.09	NA	0.03	NA	1	NA	0.83	NA	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	-0.05	-0.02	1	1	0.081	0.72	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.16	-0.13	0.08	1	0.32	3.10E-06	0.076	NA	NA	NA	NA
0	0.07	-0.07	0.02	1	0.051	2.50E-05	0.5	NA	NA	NA	NA
0	0.09	-0.03	-0.03	1	0.0029	0.048	0.068	NA	NA	NA	NA
0.08	0	-0.02	0.05	1	1	0.72	0.089	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.07	0.12	1	0.98	0.55	0.39	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.12	-0.13	1	0.91	0.087	0.055	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.03	-0.04	0.01	1	0.92	0.091	0.79	NA	NA	NA	NA
0	0.04	0	-0.01	1	0.19	1	0.79	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	0	-0.01	1	0.6	1	0.77	NA	NA	NA	NA
0.03	NA	-0.06	0.1	1	NA	0.52	0.2	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.03	0	1	0.053	0.023	0.93	NA	NA	NA	NA
-0.01	NA	-0.14	0.02	1	NA	4.10E-05	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.08	0	1	1	0.011	0.96	NA	NA	NA	NA
0.07	0.06	-0.13	-0.05	1	0.65	0.00039	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.35	-0.06	0.15	1	1.10E-05	0.094	9.20E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.05	-0.13	1	1	0.02	3.50E-05	NA	NA	NA	NA
0.17	-0.12	-0.06	0.05	1	1	0.14	0.57	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.04	-0.02	1	1	0.049	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	0.03	0.05	1	1	0.47	0.086	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	0.07	NA	NA	0.83	0.9	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	0.33	NA	NA	0.8	0.014	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.08	-0.05	NA	NA	0.075	0.46	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	-0.03	NA	NA	0.77	0.93	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0.21	NA	NA	0.93	0.13	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.18	0.01	NA	NA	3.30E-09	1	NA	NA	NA	NA

NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.13	-0.08	NA	NA	0.00025	0.032	NA	NA	NA	NA
NA	0.76	-0.03	-0.05	NA	1.00E-05	0.55	0.15	NA	NA	NA	NA
NA	-0.5	-0.02	0	NA	0.56	0.82	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.04	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.09	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.01	-0.08	-0.04	NA	0.98	0.013	0.26	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	0.16	NA	NA	0.81	0.0036	NA	NA	NA	NA
NA	-0.02	0	-0.04	NA	0.93	1	0.5	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	-0.06	NA	NA	NA	0.86	NA	NA	NA	NA
NA	-0.13	0.15	NA	NA	1	0.26	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	-0.07	NA	NA	7.70E-05	0.073	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.13	NA	NA	NA	0.047	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.09	NA	NA	NA	0.0039	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	NA	NA	NA	0.92	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.08	-0.06	NA	NA	0.15	0.24	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0.13	NA	NA	0.15	0.00083	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.15	-0.02	NA	NA	0.0024	0.82	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.12	NA	NA	NA	0.35	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.09	-0.08	NA	NA	0.22	0.013	NA	NA	NA	NA
NA	0.08	-0.04	-0.02	NA	1	0.71	0.91	NA	NA	NA	NA
NA	-0.04	-0.01	0	NA	0.65	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	0.89	NA	NA	NA	0.43	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.01	-0.04	NA	1	0.85	0.064	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.24	0.05	NA	NA	0.014	0.68	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	0.08	0.02	NA	0.91	0.11	0.91	NA	NA	NA	NA

NA	NA	-0.02	NA	NA	NA	0.92	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.05	0	0.02	NA	1	1	0.62	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.5	0.5	NA	NA	1	0.024	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.13	NA	NA	NA	0.36	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.88	0.03	0.07	NA	0.023	0.35	0.017	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	0.11	NA	NA	0.82	0.21	NA	NA	NA	NA
NA	0.06	0.01	0.04	NA	0.23	0.69	0.095	NA	NA	NA	NA
NA	0.17	-0.09	-0.1	NA	0.85	0.095	0.39	NA	NA	NA	NA
NA	0.5	-0.34	0.44	NA	0.32	0.00019	0.0011	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.17	0.03	NA	NA	0.0071	0.68	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.05	NA	NA	NA	0.78	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.3	-0.09	-0.06	NA	0.55	0.012	0.076	NA	NA	NA	NA
NA	0.53	0.02	0.32	NA	0.07	0.85	2.40E-06	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.32	NA	NA	NA	0.39	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	0.06	NA	NA	0.037	0.49	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.06	-0.06	NA	NA	0.72	0.77	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.07	NA	NA	NA	0.62	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.23	NA	NA	NA	0.00041	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	NA	NA	NA	0.41	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	-0.06	NA	NA	0.0022	0.00038	NA	NA	NA	NA
NA	0.02	-0.15	-0.09	NA	0.93	0.00014	0.17	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	NA	NA	NA	0.21	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.07	NA	NA	NA	0.57	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	0.68	NA	NA	0.39	0.026	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0.1	NA	NA	0.66	0.043	NA	NA	NA	NA
NA	-0.92	-0.03	-0.04	NA	0.037	0.63	0.46	NA	NA	NA	NA
0.69	0.04	-0.08	0.04	1.90E-09	0.66	0.006	0.32	NA	NA	NA	NA

0.63	0.46	-0.11	-0.12	4.30E-09	2.10E-05	7.60E-06	1.50E-06	NA	NA	NA	NA
0.3	-0.03	-0.13	-0.1	1.10E-08	0.49	5.10E-06	0.00021	NA	NA	NA	NA
0.59	-0.05	-0.01	0.08	1.90E-08	0.2	0.67	0.00068	NA	NA	NA	NA
0.14	0	-0.08	-0.07	1.00E-07	0.84	3.00E-08	2.60E-07	NA	NA	NA	NA
0.31	0.11	0	-0.02	1.10E-07	0.063	0.98	0.66	NA	NA	NA	NA
0.18	0.05	-0.05	0	1.20E-07	0.026	0.0094	0.87	NA	NA	NA	NA
0.29	0.04	-0.01	0.05	2.10E-07	0.35	0.8	0.018	NA	NA	NA	NA
-0.52	-0.46	0.02	0.01	3.70E-07	0.13	0.72	0.96	NA	NA	NA	NA
0.31	0.09	0	-0.02	3.80E-07	0.039	0.99	0.57	NA	NA	NA	NA
0.21	0.11	-0.01	0.06	3.90E-07	0.00018	0.48	0.00032	NA	NA	NA	NA
0.17	0.06	-0.07	0.02	4.10E-07	0.0065	3.30E-05	0.38	NA	NA	NA	NA
0.14	0.02	0.01	0.02	4.90E-07	0.25	0.45	0.067	NA	NA	NA	NA
0.22	0.22	-0.03	0.11	9.20E-07	6.50E-07	0.18	3.50E-06	NA	NA	NA	NA
0.2	0.08	-0.01	0.07	1.00E-06	0.005	0.42	0.00044	NA	NA	NA	NA
0.11	0.06	0	0.01	1.30E-06	0.00015	0.82	0.45	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.05	-0.01	1.30E-06	0.00037	0.00011	0.32	NA	NA	NA	NA
0.33	0.15	0.04	0.03	1.40E-06	0.01	0.062	0.085	NA	NA	NA	NA
0.23	0.05	0.02	-0.01	1.50E-06	0.096	0.38	0.59	NA	NA	NA	NA
0.35	0.1	-0.06	0.05	3.40E-06	0.16	0.00017	0.013	NA	NA	NA	NA
0.14	0.14	0.03	0.07	4.10E-06	2.10E-09	0.13	1.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.01	-0.02	-0.02	4.10E-06	0.57	0.25	0.37	NA	NA	NA	NA
0.94	NA	0.03	0.11	7.10E-06	NA	0.61	0.0025	NA	NA	NA	NA
0.71	0	0.03	0.05	8.50E-06	1	0.19	0.02	NA	NA	NA	NA
0.34	0.1	-0.05	0.09	8.70E-06	0.0031	0.026	0.00039	NA	NA	NA	NA
0.71	-0.03	0.04	0.01	1.00E-05	1	0.26	1	NA	NA	NA	NA
0.38	-0.04	-0.01	0.06	1.10E-05	0.25	0.72	0.035	NA	NA	NA	NA
0.71	-0.05	-0.04	0.01	1.30E-05	0.5	0.34	0.94	NA	NA	NA	NA
0.1	0.1	-0.02	0	1.40E-05	3.40E-06	0.34	0.97	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.01	-0.04	0.01	1.60E-05	0.71	3.30E-06	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.23	-0.06	-0.02	-0.04	1.70E-05	0.57	0.53	0.1	NA	NA	NA	NA

0.23	0.04	0.01	-0.01	1.70E-05	0.55	0.64	0.51	NA	NA	NA	NA
0.2	0.06	-0.07	-0.03	2.60E-05	0.017	0.00017	0.12	NA	NA	NA	NA
0.09	0.06	-0.02	0.01	2.80E-05	0.00093	0.18	0.36	NA	NA	NA	NA
0.12	0.01	-0.04	-0.02	3.10E-05	0.64	0.029	0.26	NA	NA	NA	NA
0.27	0.06	-0.01	0	3.10E-05	0.17	0.77	1	NA	NA	NA	NA
0.26	0.05	-0.09	-0.02	3.30E-05	0.21	4.70E-05	0.37	NA	NA	NA	NA
0.21	0.1	-0.01	0.03	3.70E-05	0.00069	0.75	0.1	NA	NA	NA	NA
0.32	-0.09	-0.09	0.02	5.20E-05	0.073	5.80E-06	0.44	NA	NA	NA	NA
0.16	0.03	0.02	0.05	5.30E-05	0.19	0.39	0.0072	NA	NA	NA	NA
0.18	0.13	0.02	0.02	6.00E-05	1.00E-04	0.27	0.33	NA	NA	NA	NA
0.31	-0.02	-0.01	0.03	6.10E-05	0.8	0.79	0.32	NA	NA	NA	NA
0.12	0.06	-0.07	-0.04	8.80E-05	0.0064	0.0064	0.17	NA	NA	NA	NA
0.29	0.17	-0.04	0	9.40E-05	0.00011	0.036	0.97	NA	NA	NA	NA
0.21	0.23	0.02	0.07	9.60E-05	5.60E-06	0.38	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.12	0.07	-0.06	0.06	0.00013	0.0015	0.0041	0.046	NA	NA	NA	NA
0.13	0.08	-0.06	-0.02	0.00013	0.03	0.03	0.56	NA	NA	NA	NA
0.17	0.02	0	0.06	0.00014	0.62	1	0.018	NA	NA	NA	NA
0.87	0.09	-0.03	0.04	0.00014	0.22	0.38	0.32	NA	NA	NA	NA
0.35	0.1	0.01	-0.02	0.00014	0.016	0.47	0.39	NA	NA	NA	NA
0.14	0.09	0.11	0.04	0.00016	0.014	8.90E-06	0.1	NA	NA	NA	NA
0.88	0.5	0.12	0.32	0.00017	0.12	0.019	0.00019	NA	NA	NA	NA
0.18	0.03	-0.09	0.02	0.00023	0.37	1.30E-05	0.41	NA	NA	NA	NA
0.15	0.02	-0.06	-0.04	0.00024	0.58	0.00068	0.035	NA	NA	NA	NA
0.37	0.02	-0.04	-0.02	0.00025	0.65	0.014	0.26	NA	NA	NA	NA
0.2	0.05	-0.09	-0.04	0.00026	0.62	0.0015	0.18	NA	NA	NA	NA
0.35	0.16	0.1	0.38	0.00027	0.024	0.18	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.25	0.07	-0.06	0.09	3.00E-04	0.18	0.0069	0.00018	NA	NA	NA	NA
0.29	0.04	-0.08	-0.04	0.00037	0.65	0.021	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.27	-0.01	-0.03	-0.02	0.00038	1	0.33	0.57	NA	NA	NA	NA
0.29	0.02	-0.11	-0.03	0.00038	0.87	1.30E-06	0.34	NA	NA	NA	NA

0.17	0.08	-0.05	-0.06	0.00041	0.0078	0.072	0.006	NA	NA	NA	NA
0.25	-0.04	-0.03	-0.01	0.00042	0.29	0.31	0.66	NA	NA	NA	NA
0.13	0.14	-0.03	0	0.00042	1.50E-08	0.12	0.93	NA	NA	NA	NA
-0.33	0.07	-0.08	-0.17	0.00044	0.41	0.12	0.0011	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.07	-0.01	0.00044	0.1	1.10E-09	0.61	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.02	-0.09	-0.04	0.00054	0.28	1.90E-06	0.08	NA	NA	NA	NA
0.22	-0.05	-0.03	-0.03	0.00061	0.21	0.31	0.34	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	0	0.03	0.00066	0.0076	0.74	0.0012	NA	NA	NA	NA
0.06	0.09	-0.05	0	0.00067	7.50E-08	4.60E-07	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.58	-0.87	-0.06	0.08	0.00074	3.80E-07	0.0077	0.025	NA	NA	NA	NA
0.19	0.13	-0.03	0.01	0.00077	0.036	0.16	0.72	NA	NA	NA	NA
0.35	0.04	-0.04	0.01	0.00081	0.31	0.092	0.79	NA	NA	NA	NA
0.14	0.07	-0.05	-0.01	0.00089	0.021	0.0022	0.68	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	0	-0.01	9.00E-04	0.049	1	0.59	NA	NA	NA	NA
0.12	0.01	-0.04	-0.02	0.00091	0.86	0.052	0.39	NA	NA	NA	NA
0.18	0.03	-0.07	0.05	0.00092	0.57	0.00013	0.048	NA	NA	NA	NA
0.36	0.02	-0.05	0.01	0.00093	0.84	0.048	0.73	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.04	-0.04	0.03	0.00099	0.043	0.0025	0.029	NA	NA	NA	NA
0.23	-0.04	-0.07	0.01	0.001	0.3	0.00071	0.83	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	0.04	0.01	0.0014	0.072	0.16	0.58	NA	NA	NA	NA
0.29	0.04	-0.04	-0.01	0.0015	0.75	0.25	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.09	0	-0.06	-0.01	0.0015	1	3.70E-05	0.78	NA	NA	NA	NA
0.1	0	-0.01	0.04	0.0017	1	0.54	0.039	NA	NA	NA	NA
-0.26	-0.29	-0.02	-0.11	0.0018	0.00017	0.87	0.079	NA	NA	NA	NA
0.88	0.75	0.11	0.35	0.0018	0.00043	0.41	3.90E-07	NA	NA	NA	NA
0.29	0.02	-0.1	-0.07	0.0019	0.83	1.10E-05	0.009	NA	NA	NA	NA
0.1	0.07	-0.04	-0.01	0.002	0.0018	0.0036	0.26	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.05	0	0.002	0.02	3.30E-05	0.95	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.01	0	0.002	0.0011	0.73	0.85	NA	NA	NA	NA
0.1	0.06	-0.02	0.01	0.0021	0.0022	0.18	0.31	NA	NA	NA	NA

0.3	0.16	-0.04	-0.02	0.0021	3.40E-05	0.13	0.35	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	0.01	0.03	0.0021	0.14	0.42	0.011	NA	NA	NA	NA
0.83	-0.13	-0.08	0.01	0.0023	0.058	0.0015	0.93	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.03	-0.03	0.0023	0.35	0.013	0.012	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.01	-0.04	-0.01	0.0023	0.86	0.0054	0.41	NA	NA	NA	NA
0.91	-0.05	-0.02	0.01	0.0025	0.72	0.44	0.9	NA	NA	NA	NA
0.13	0.11	-0.06	-0.08	0.0025	0.0021	0.005	0.0038	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.02	-0.06	-0.01	0.0026	0.23	7.40E-08	0.57	NA	NA	NA	NA
0.09	0	-0.02	0.03	0.0027	0.87	0.022	0.022	NA	NA	NA	NA
0.17	0.01	-0.04	0	0.0029	0.93	0.17	0.97	NA	NA	NA	NA
0.62	0.62	-0.17	-0.05	0.0029	0.83	1.80E-07	0.41	NA	NA	NA	NA
0.23	0.21	-0.01	0.05	0.003	3.90E-06	0.8	0.021	NA	NA	NA	NA
0.11	0	-0.03	-0.02	0.0031	1	0.038	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.42	-0.12	-0.09	0.0034	4.30E-09	0.00013	0.037	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.17	-0.04	-0.22	0.004	0.0019	0.74	0.019	NA	NA	NA	NA
0.5	-0.04	-0.03	0	0.0042	1	0.53	0.99	NA	NA	NA	NA
0.32	0.29	0	-0.07	0.0046	0.2	1	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.54	-0.54	-0.12	-0.08	0.0048	0.00014	0.00022	0.014	NA	NA	NA	NA
0.14	0.21	-0.07	0.03	0.0049	6.40E-06	0.061	0.52	NA	NA	NA	NA
0.28	0	-0.08	-0.05	0.0053	1	0.00091	0.019	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.06	-0.01	0.0053	0.76	3.60E-05	0.59	NA	NA	NA	NA
0.17	0.05	-0.02	0.1	0.0061	0.098	0.27	1.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.09	0.01	-0.01	0.01	0.0062	0.75	0.57	0.25	NA	NA	NA	NA
0.15	0	0.02	0.06	0.0063	1	0.35	0.003	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.01	0	0.09	0.0065	0.98	0.9	5.00E-05	NA	NA	NA	NA
0.15	0.01	-0.01	0.07	0.0068	0.86	0.75	0.0011	NA	NA	NA	NA
-0.32	0.49	-0.03	0.05	0.0068	0.0053	0.52	0.38	NA	NA	NA	NA
0.13	0.04	-0.05	-0.02	0.0069	0.31	0.038	0.51	NA	NA	NA	NA
0.13	0.13	-0.09	-0.05	0.007	0.00013	4.50E-09	0.01	NA	NA	NA	NA
0.15	-0.01	-0.01	0	0.0071	1	0.72	0.98	NA	NA	NA	NA

0.09	0.02	-0.04	-0.02	0.0073	0.52	0.0089	0.38	NA	NA	NA	NA
0.15	0.11	-0.02	0.04	0.0075	0.026	0.53	0.24	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.01	-0.06	-0.02	0.0077	0.73	0.00026	0.42	NA	NA	NA	NA
0.09	0.06	-0.02	0.08	0.008	0.011	0.52	3.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.09	0.03	-0.01	0.01	0.0088	0.19	0.46	0.62	NA	NA	NA	NA
0.45	-0.16	-0.04	0.14	0.0094	0.0025	0.27	0.0034	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.12	-0.05	-0.07	0.0096	0.024	0.062	0.013	NA	NA	NA	NA
0.31	0.14	0	0.04	0.0097	0.15	1	0.14	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.02	-0.04	0.01	0.0099	0.38	0.00078	0.75	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.07	-0.01	0.04	0.01	0.14	0.78	0.11	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.03	-0.02	-0.01	0.01	0.29	0.22	0.54	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.01	0.01	0.011	7.00E-07	0.6	0.71	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.03	-0.02	0.06	0.011	0.37	0.54	0.1	NA	NA	NA	NA
0.49	0	0.03	0.05	0.011	1	0.17	0.0017	NA	NA	NA	NA
0.07	0	-0.04	-0.04	0.011	1	0.049	0.031	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.05	-0.02	0.011	0.23	0.0019	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.04	-0.08	0.07	0.011	0.4	0.1	0.1	NA	NA	NA	NA
0.88	0.03	0.11	0.12	0.011	1	0.025	0.022	NA	NA	NA	NA
0.39	0.12	-0.07	-0.05	0.012	0.18	0.073	0.52	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.06	-0.09	0.06	0.012	0.14	0.00035	0.038	NA	NA	NA	NA
0.13	0.05	-0.14	0.08	0.012	0.28	3.50E-09	0.19	NA	NA	NA	NA
0.09	0.08	-0.03	0	0.013	0.0035	0.018	1	NA	NA	NA	NA
0.08	0.19	-0.03	0.04	0.013	5.00E-08	0.18	0.13	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.1	-0.02	0.02	0.013	0.00076	0.29	0.43	NA	NA	NA	NA
0.1	0.16	-0.01	0.05	0.014	0.0063	0.78	0.026	NA	NA	NA	NA
0.09	0.14	-0.06	0.02	0.014	1.40E-07	0.00011	0.33	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	0	0.03	0.014	0.13	0.84	0.036	NA	NA	NA	NA
0.17	-0.1	-0.22	-0.2	0.014	0.05	3.30E-07	4.00E-05	NA	NA	NA	NA
0.07	0.09	0.01	0.01	0.015	0.019	0.81	0.51	NA	NA	NA	NA
0.14	0.14	0	0.04	0.015	0.0013	1	0.11	NA	NA	NA	NA

0.23	-0.21	0.04	0.09	0.015	6.30E-08	0.052	6.70E-05	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.03	-0.02	0.09	0.016	0.59	0.39	0.00076	NA	NA	NA	NA
0.06	0.07	-0.04	0.02	0.016	0.0014	0.00096	0.14	NA	NA	NA	NA
0.12	0	-0.05	0.03	0.016	0.98	0.00039	0.027	NA	NA	NA	NA
0.11	0.02	0	0.03	0.017	0.49	1	0.068	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.06	-0.02	0.03	0.017	0.064	0.58	0.5	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	-0.05	0	0.017	0.012	3.50E-05	0.88	NA	NA	NA	NA
0.16	0.05	-0.02	0.06	0.017	0.27	0.33	0.0024	NA	NA	NA	NA
0.61	0.18	0.01	-0.03	0.017	0.041	0.89	0.27	NA	NA	NA	NA
0.09	0.07	-0.06	-0.03	0.017	0.035	0.00048	0.25	NA	NA	NA	NA
0.09	0	-0.06	-0.02	0.018	1	4.00E-07	0.11	NA	NA	NA	NA
0.19	0.21	0.02	0.04	0.018	1.40E-05	0.37	0.17	NA	NA	NA	NA
0.07	0.06	-0.01	0.06	0.019	0.026	0.85	0.1	NA	NA	NA	NA
0.12	0.02	-0.02	0.05	0.019	0.47	0.32	0.021	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	0	0	0.019	0.021	1	0.81	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.01	-0.04	0	0.019	0.86	0.094	0.97	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	-0.04	0.02	0.02	0.4	0.13	0.64	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.02	0.01	0.021	0.065	0.073	0.69	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.07	-0.02	0.02	0.021	0.01	0.23	0.31	NA	NA	NA	NA
0.14	0.14	0.03	0.07	0.021	0.033	0.4	0.032	NA	NA	NA	NA
0.1	0.09	-0.03	0.05	0.022	0.0013	0.11	0.0062	NA	NA	NA	NA
0.08	0.01	-0.01	0.03	0.023	0.67	0.68	0.17	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.01	-0.03	0.03	0.023	0.99	0.03	0.086	NA	NA	NA	NA
0.42	0	0.02	0.09	0.024	1	0.46	0.0031	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.05	0.03	0.024	0.67	1.30E-05	0.027	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.01	-0.18	-0.15	0.024	1	2.40E-05	0.0018	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.04	-0.02	0.01	0.024	0.16	0.26	0.75	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.02	-0.03	0.05	0.025	0.63	0.031	0.0016	NA	NA	NA	NA
0.26	0.05	-0.16	-0.03	0.028	0.41	2.10E-08	0.35	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.03	-0.02	0.01	0.028	0.046	0.21	0.65	NA	NA	NA	NA

0.08	0.1	-0.01	0	0.028	0.00012	0.58	0.99	NA	NA	NA	NA
0.06	0.09	-0.01	-0.01	0.029	2.00E-04	0.6	0.32	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.06	-0.04	0.02	0.029	0.023	0.0018	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.1	-0.01	0.06	0.029	0.6	0.79	0.026	NA	NA	NA	NA
0.14	0.04	-0.06	0.03	0.029	0.52	0.046	0.56	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.01	-0.02	0.06	0.031	0.78	0.34	0.0014	NA	NA	NA	NA
0.04	0.08	0.01	0	0.031	3.10E-05	0.63	0.75	NA	NA	NA	NA
0.17	0.09	-0.02	0.13	0.032	0.23	0.61	0.015	NA	NA	NA	NA
0.11	0.05	-0.08	-0.05	0.032	0.16	0.00087	0.036	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.04	0.02	0.034	0.27	0.0066	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.12	0.05	0	0.035	0.61	0.32	1	NA	NA	NA	NA
0.08	0.02	-0.02	-0.01	0.036	0.41	0.35	0.42	NA	NA	NA	NA
0.13	0.2	0.02	0.1	0.037	0.00017	0.42	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.02	-0.03	0.04	0.041	0.4	0.017	0.0051	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.04	0.01	0.041	5.40E-07	0.021	0.66	NA	NA	NA	NA
0.36	0.26	0.06	-0.04	0.042	0.061	0.33	0.11	NA	NA	NA	NA
0.33	0.09	-0.02	0.32	0.043	0.81	1	0.015	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.02	-0.05	-0.02	0.043	0.39	0.016	0.34	NA	NA	NA	NA
0.13	0.04	-0.04	-0.02	0.044	0.51	0.24	0.57	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.08	-0.05	0.03	0.045	0.0022	6.50E-05	0.056	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.02	-0.01	0.045	0.96	0.039	0.4	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.05	0.02	0.046	0.066	0.00025	0.32	NA	NA	NA	NA
0.08	0.06	-0.04	-0.01	0.046	0.13	0.0092	0.67	NA	NA	NA	NA
-0.31	-0.17	-0.07	-0.03	0.046	0.72	0.11	0.45	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.01	0	0.047	0.035	0.32	0.83	NA	NA	NA	NA
0.1	0.07	-0.03	0.03	0.048	0.1	0.12	0.087	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	-0.06	0.03	0.049	0.0052	1.90E-05	0.061	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.06	-0.01	0.05	0.015	5.50E-08	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.06	-0.18	-0.13	0.051	0.31	1.60E-05	0.0011	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	0.01	0.02	0.051	0.71	0.63	0.041	NA	NA	NA	NA

0.07	0.02	-0.01	0.06	0.053	0.44	0.51	4.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.1	-0.05	-0.05	0.054	0.00088	0.0016	0.0085	NA	NA	NA	NA
0.43	0.5	-0.09	-0.02	0.055	0.046	0.00069	0.53	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.02	-0.01	-0.03	0.056	0.81	0.82	0.11	NA	NA	NA	NA
0.4	0.5	0.15	0.6	0.056	0.00045	0.046	2.30E-06	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.04	0.05	0.056	0.3	0.00053	3.60E-05	NA	NA	NA	NA
0.23	0.1	-0.01	0.04	0.057	0.22	0.81	0.29	NA	NA	NA	NA
0.45	0.26	-0.06	0.04	0.06	0.43	0.013	0.32	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.1	-0.04	-0.04	0.06	0.3	0.032	0.04	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	-0.08	-0.04	0.061	0.011	5.20E-08	0.022	NA	NA	NA	NA
0.13	0.22	-0.06	-0.02	0.062	6.00E-05	0.0035	0.4	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.1	-0.08	0.063	1	8.40E-07	5.40E-05	NA	NA	NA	NA
0.18	0.13	0.02	0.03	0.063	0.015	0.66	0.34	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.01	-0.06	0.02	0.064	0.68	3.20E-05	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.13	-0.01	-0.05	0.064	0.11	0.94	0.24	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.06	-0.02	0.064	0.27	3.70E-07	0.084	NA	NA	NA	NA
0.1	0.01	-0.09	-0.03	0.064	0.99	0.0022	0.36	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.04	0.04	0.065	0.74	0.041	0.26	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.02	-0.03	0.065	0.94	0.29	0.015	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	0	-0.01	0.065	0.038	1	0.73	NA	NA	NA	NA
0.17	0.1	-0.09	0	0.066	0.18	3.60E-05	1	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.05	-0.09	0.08	0.067	0.4	0.0024	0.018	NA	NA	NA	NA
-0.37	NA	-0.22	-0.13	0.067	NA	0.052	0.26	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.02	-0.03	-0.03	0.068	0.28	0.18	0.14	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.03	-0.02	0	0.07	0.19	0.26	1	NA	NA	NA	NA
0.2	0.26	-0.08	-0.01	0.074	0.012	0.16	0.91	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	-0.03	-0.03	0.075	0.0023	0.0071	0.017	NA	NA	NA	NA
0.11	0.18	0.02	0.12	0.077	1.40E-05	0.52	0.00033	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	-0.05	0.06	0.079	0.00011	0.02	0.0047	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	-0.01	0.01	0.085	1.10E-07	0.64	0.42	NA	NA	NA	NA

-0.25	-0.21	0.02	0.09	0.087	0.018	0.83	0.19	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.06	-0.01	0.06	0.088	0.25	0.73	0.00067	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.02	-0.03	-0.03	0.088	1	0.36	0.39	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.02	0.04	0.089	0.03	0.24	0.054	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.05	-0.01	0.01	0.089	0.63	0.89	0.9	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.09	-0.06	0	0.093	0.17	0.019	1	NA	NA	NA	NA
0.31	0.23	-0.08	-0.03	0.095	0.014	0.011	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.13	-0.08	-0.08	0.098	0.11	0.014	0.07	NA	NA	NA	NA
0.08	0.04	-0.07	0	0.1	0.31	2.40E-05	0.98	NA	NA	NA	NA
0.11	0.01	-0.07	0.03	0.1	0.84	0.0018	0.29	NA	NA	NA	NA
0.05	0.19	-0.06	0.01	0.1	5.00E-07	0.00066	0.63	NA	NA	NA	NA
0.15	0.02	0.02	0	0.1	0.78	0.45	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	-0.06	-0.01	0.11	0.012	0.00098	0.72	NA	NA	NA	NA
0.57	0.25	0.04	0.06	0.11	0.8	0.51	0.46	NA	NA	NA	NA
0.52	0.14	0.01	0.11	0.11	0.11	0.86	3.20E-06	NA	NA	NA	NA
0.11	0.02	-0.06	-0.03	0.11	1	0.031	0.45	NA	NA	NA	NA
0.24	-0.02	-0.05	0.06	0.11	1	0.02	0.043	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.05	-0.04	-0.01	0.11	0.0048	0.025	0.77	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	-0.03	0	0.12	3.60E-08	0.0032	0.67	NA	NA	NA	NA
0.17	0.14	-0.17	-0.11	0.12	0.0065	0.0037	0.0036	NA	NA	NA	NA
0.09	0.03	-0.1	-0.03	0.12	0.63	5.70E-05	0.36	NA	NA	NA	NA
0.08	0.04	-0.05	0.01	0.12	0.14	0.0015	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.03	0	0.12	0.93	0.005	0.93	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.13	-0.03	0.01	0.13	0.015	0.34	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	-0.07	-0.01	0.13	0.74	5.10E-06	0.42	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	-0.01	0.05	0.14	0.0035	0.68	0.0014	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	-0.01	0.02	0.14	0.00092	0.6	0.44	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	-0.01	0	0.14	0.092	0.74	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.07	0.03	0.14	0.017	1.00E-07	0.031	NA	NA	NA	NA
0.27	0.13	0.09	0.08	0.14	0.56	0.22	0.3	NA	NA	NA	NA

0.03	0.06	-0.03	0.06	0.15	0.0024	0.03	2.20E-05	NA	NA	NA	NA
0.15	0.34	0.04	0.14	0.16	0.00074	0.29	0.00013	NA	NA	NA	NA
0.1	0.01	-0.03	0.03	0.16	0.95	0.06	0.14	NA	NA	NA	NA
0.08	0.11	-0.06	-0.02	0.16	0.0016	0.0021	0.42	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.03	-0.06	-0.01	0.16	0.12	2.00E-04	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.05	-0.14	-0.03	0.16	0.56	0.0061	0.6	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.01	-0.07	-0.03	0.16	0.91	6.70E-05	0.18	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	0.01	0.01	0.17	0.3	0.59	0.82	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.06	0.01	0.17	0.85	0.00077	0.7	NA	NA	NA	NA
0.1	0.06	0.01	0.06	0.17	0.014	0.55	0.00076	NA	NA	NA	NA
0.11	0.01	-0.09	0.04	0.17	1	0.0074	0.39	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.03	0.01	0.04	0.17	0.071	0.36	0.011	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.01	0	0.17	0.97	0.41	0.99	NA	NA	NA	NA
0.05	0.18	-0.02	0	0.18	1.60E-06	0.44	1	NA	NA	NA	NA
0.9	0.18	-0.03	0.06	0.19	0.0033	0.12	0.0077	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.08	-0.03	0	0.19	0.023	0.2	0.86	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.04	0	0	0.19	0.038	0.91	0.94	NA	NA	NA	NA
0.26	0.03	-0.03	-0.04	0.19	0.77	0.35	0.12	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.09	-0.05	0.19	0.76	5.00E-08	0.0097	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.08	-0.02	0.03	0.19	0.16	0.43	0.43	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.07	-0.01	0.03	0.19	0.026	0.62	0.11	NA	NA	NA	NA
0.92	0.29	-0.07	-0.08	0.2	0.11	0.84	0.53	NA	NA	NA	NA
0.49	0.07	0.06	0.13	0.2	0.54	0.083	0.0017	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.24	-0.11	0	0.2	0.0061	0.00053	1	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.01	-0.07	-0.08	0.2	0.85	5.30E-05	2.50E-05	NA	NA	NA	NA
0.08	0.04	-0.18	-0.13	0.2	0.83	0.0023	0.035	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.04	0.03	0.01	0.2	0.49	0.24	0.88	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.01	-0.04	0	0.2	0.93	0.017	1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.06	-0.01	0.2	0.24	0.0031	0.76	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.01	0.01	0.21	0.00068	0.73	0.29	NA	NA	NA	NA

0.07	-0.02	-0.06	0	0.21	0.32	8.50E-07	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.24	-0.09	-0.04	0.04	0.21	0.33	0.095	0.33	NA	NA	NA	NA
0.12	0.05	0	0.07	0.22	0.37	0.93	0.0012	NA	NA	NA	NA
0.17	-0.03	-0.11	-0.07	0.22	0.85	0.00094	0.14	NA	NA	NA	NA
0.15	0.28	-0.08	-0.02	0.22	0.00011	7.00E-04	0.42	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.02	-0.06	-0.04	0.22	0.47	0.00013	0.02	NA	NA	NA	NA
0.09	0.02	-0.04	0.01	0.22	0.23	0.011	0.74	NA	NA	NA	NA
0.07	0.09	-0.05	0.01	0.22	0.0074	0.0051	0.65	NA	NA	NA	NA
0.07	0.26	0.04	0.06	0.22	0.047	0.44	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.06	-0.02	0.08	0.22	0.43	0.24	0.00099	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.01	-0.04	-0.04	0.22	0.69	0.03	0.039	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.04	-0.02	0.22	0.77	0.096	0.57	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.04	0	0.22	0.66	0.0013	0.95	NA	NA	NA	NA
0.05	0.2	-0.04	0.05	0.23	2.80E-05	0.16	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.06	0.01	0.23	0.97	6.50E-05	0.75	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.09	-0.01	0.23	0.98	9.40E-09	0.69	NA	NA	NA	NA
0.03	0.16	-0.01	0.04	0.23	7.70E-09	0.4	0.003	NA	NA	NA	NA
0.08	0.01	-0.1	0.01	0.23	0.84	5.90E-08	0.59	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.06	-0.03	0.23	0.08	1.90E-08	0.0075	NA	NA	NA	NA
0.04	0.12	-0.06	-0.01	0.23	2.10E-05	0.0054	0.84	NA	NA	NA	NA
-0.16	0.13	-0.01	0.32	0.24	0.12	0.9	7.80E-05	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.05	0.03	0.24	0.58	0.0015	0.082	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.03	-0.06	-0.02	0.24	0.14	3.10E-08	0.093	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.02	0	0.01	0.24	0.94	1	0.75	NA	NA	NA	NA
0.08	0	-0.05	0.05	0.24	1	0.041	0.075	NA	NA	NA	NA
0.08	0.07	-0.07	0.03	0.25	0.018	0.016	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.03	0	0.11	0.25	0.61	0.98	0.00078	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.01	0.04	0.26	0.22	0.65	0.03	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.04	-0.11	-0.06	0.26	0.076	1.60E-06	0.011	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.04	-0.05	-0.02	0.26	0.4	0.0064	0.44	NA	NA	NA	NA

-0.08	-0.01	-0.04	0.03	0.27	1	0.2	0.51	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.07	-0.04	0.27	0.44	0.00013	0.086	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.1	-0.02	0.04	0.27	0.14	0.38	0.15	NA	NA	NA	NA
0.14	0.03	-0.05	-0.1	0.28	0.42	0.092	0.0023	NA	NA	NA	NA
-0.14	0.04	-0.05	-0.06	0.28	1	0.23	0.13	NA	NA	NA	NA
0.14	0.08	-0.05	0.08	0.28	0.57	0.14	0.032	NA	NA	NA	NA
0.08	0.26	-0.14	0.01	0.29	0.00036	0.00015	0.84	NA	NA	NA	NA
-0.17	0.11	-0.08	-0.02	0.29	0.48	0.00072	0.65	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.03	0.01	0.29	5.80E-05	0.12	0.64	NA	NA	NA	NA
0.67	NA	0	0.06	0.29	NA	1	0.27	NA	NA	NA	NA
0.02	0.1	-0.02	0.07	0.3	1.00E-04	0.21	0.00017	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	0.03	0.07	0.3	0.7	0.36	0.013	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.12	0	0.03	0.3	0.079	0.92	0.28	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.01	-0.01	0.3	1	0.36	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.13	-0.05	-0.03	0.3	0.0016	0.0066	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.03	-0.05	-0.01	0.3	0.35	0.00026	0.74	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.09	-0.02	-0.02	0.3	0.24	0.41	0.45	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.02	-0.04	0.3	0.84	0.4	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.3	-0.7	-0.2	-0.2	0.31	0.011	0.061	0.021	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.04	0.03	0.31	0.6	0.11	0.27	NA	NA	NA	NA
0.35	0.13	-0.18	0	0.31	0.77	6.10E-05	1	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.03	-0.02	0.04	0.31	0.63	0.48	0.066	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.05	0.02	0.07	0.32	0.01	0.46	0.004	NA	NA	NA	NA
0.5	NA	NA	NA	0.32	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0.21	0.13	-0.01	0.19	0.32	0.097	0.85	3.20E-06	NA	NA	NA	NA
-0.05	0	-0.01	0.02	0.32	0.96	0.77	0.46	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.05	-0.03	0.32	0.59	0.0071	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.1	-0.09	-0.03	0.32	0.64	0.22	0.93	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.07	-0.04	0.32	0.34	1.60E-07	0.0044	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	-0.04	0.01	0.32	0.94	0.19	0.81	NA	NA	NA	NA

-0.05	0.05	-0.02	0.03	0.33	0.3	0.27	0.2	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	0	0.03	0.33	0.3	0.93	0.25	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.06	-0.01	0.33	0.11	0.0049	0.72	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	-0.02	0.05	0.34	0.88	0.31	0.012	NA	NA	NA	NA
0.86	0.26	0.09	0.15	0.34	0.066	0.29	0.025	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.02	0.05	0.34	0.83	0.095	8.00E-05	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.02	-0.06	0.34	0.31	0.47	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.05	0.04	0.04	0.34	0.16	0.44	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.02	0.01	0.35	0.06	0.13	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.06	-0.06	0.14	0.35	0.046	0.11	0.00036	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	0.02	0.01	0.35	0.21	0.25	0.45	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	0.02	0.12	0.35	0.23	0.38	2.20E-06	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.06	0.04	0.36	0.9	3.10E-06	0.012	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.04	-0.01	0.37	0.096	0.017	0.57	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.01	0.02	0.03	0.38	1	0.87	0.67	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.01	-0.03	0.38	0.015	0.6	0.021	NA	NA	NA	NA
0.08	0.14	0.03	0	0.38	0.00023	0.12	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.07	0.01	0.38	0.71	1.10E-06	0.77	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.01	0.04	0.08	0.38	0.94	0.59	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.28	-0.01	0.05	0.38	0.028	0.7	0.12	NA	NA	NA	NA
0.11	0.07	-0.07	0	0.38	0.15	0.0028	0.96	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.03	-0.12	-0.11	0.39	0.57	0.00013	0.00024	NA	NA	NA	NA
0.85	0.08	0.01	-0.03	0.39	0.56	1	0.82	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.02	0.04	0.39	0.16	0.059	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	-0.03	-0.03	0.39	0.054	0.26	0.24	NA	NA	NA	NA
0.12	0.06	-0.01	-0.01	0.4	0.54	0.77	0.95	NA	NA	NA	NA
-0.07	0	0	-0.04	0.4	1	1	0.24	NA	NA	NA	NA
0.08	0.07	-0.06	-0.04	0.4	0.23	0.0027	0.085	NA	NA	NA	NA
-0.15	0.09	-0.27	-0.42	0.4	1	0.34	0.011	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.05	-0.03	0.4	0.48	0.036	0.23	NA	NA	NA	NA

-0.02	0.01	-0.03	-0.01	0.41	0.85	0.11	0.48	NA	NA	NA	NA
0.1	0.16	-0.02	0	0.41	0.053	0.26	1	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.07	-0.01	0.41	0.77	0.00075	0.9	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.04	-0.07	-0.03	0.41	0.48	0.028	0.35	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.03	-0.02	0.41	0.83	0.16	0.38	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.1	-0.02	0	0.41	4.70E-07	0.18	0.95	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.02	-0.02	0.02	0.41	0.76	0.67	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.06	-0.03	-0.03	0.41	0.0049	0.028	0.03	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.03	-0.05	-0.05	0.41	0.39	0.014	0.045	NA	NA	NA	NA
0.15	0.03	0.02	0.01	0.42	0.77	0.83	1	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.03	0.01	0.09	0.42	0.73	0.61	5.90E-08	NA	NA	NA	NA
0.17	0.17	0	-0.05	0.43	0.39	1	0.72	NA	NA	NA	NA
0.05	0.09	0.02	0	0.43	0.088	0.48	0.94	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.03	0.02	0	0.43	0.57	0.62	1	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.04	-0.05	0.44	0.21	0.0078	0.0014	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.01	0.02	0.44	0.015	0.55	0.39	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.11	-0.07	0.44	1	1.00E-05	0.015	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.01	-0.08	0.44	0.17	0.77	0.055	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.07	-0.08	-0.05	0.44	0.69	0.056	0.27	NA	NA	NA	NA
0.03	0.12	-0.01	0.05	0.44	6.30E-05	0.42	0.0057	NA	NA	NA	NA
-0.25	-0.17	0.04	-0.01	0.45	1	0.82	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.04	0.04	0.45	0.46	0.0092	0.0099	NA	NA	NA	NA
0.03	0	0	0.02	0.46	1	1	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.05	0.02	0.46	0.9	0.031	0.59	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.04	-0.05	-0.04	0.46	0.15	0.002	0.062	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.02	-0.09	-0.08	0.46	1	0.017	0.032	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.01	0.01	0.46	0.76	0.53	0.51	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.03	0.02	0.46	0.42	0.0011	0.12	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	-0.02	0.01	0.47	0.0089	0.39	0.46	NA	NA	NA	NA
0.15	-0.03	-0.06	-0.03	0.47	0.52	0.014	0.2	NA	NA	NA	NA

0.07	0.12	-0.02	0.02	0.47	0.019	0.4	0.55	NA	NA	NA	NA
0.19	0.47	-0.01	0.08	0.47	0.0024	0.78	0.037	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.04	0	0.47	0.44	0.0031	0.87	NA	NA	NA	NA
0.07	0	-0.04	0.06	0.47	1	0.022	0.002	NA	NA	NA	NA
0.09	0.08	0.02	0.03	0.48	0.52	0.58	0.6	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.04	-0.01	0.48	0.00067	0.0071	0.72	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.01	0.12	0.48	1	0.89	0.001	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.02	-0.04	0.48	0.79	0.75	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.09	0	0	0.48	0.00036	0.95	0.8	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.04	-0.01	0.49	0.53	0.00023	0.37	NA	NA	NA	NA
0.04	0.08	-0.02	-0.06	0.49	0.033	0.68	0.037	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	-0.03	0.05	0.49	0.00014	0.022	0.00075	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	0.03	0.05	0.5	0.9	0.21	0.023	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.14	-0.05	-0.01	0.5	2.80E-07	0.021	0.57	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.02	0	0.5	0.8	0.37	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.1	-0.03	0.02	0.5	0.0014	0.1	0.4	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.07	-0.03	0.5	0.28	1.50E-07	0.019	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.06	-0.04	0	0.5	0.065	0.049	1	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.07	0.03	0.01	0.5	0.41	0.35	0.98	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.03	-0.02	0.5	0.48	0.072	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	-0.06	0.02	0.52	0.34	0.00025	0.43	NA	NA	NA	NA
0.24	0.88	-0.06	0.02	0.52	0.48	0.58	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.05	0.03	0.52	1	0.0043	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.1	-0.03	0.01	0.52	9.60E-05	0.048	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.33	-0.23	NA	NA	0.52	0.64	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0.57	-0.13	-0.03	-0.08	0.53	0.98	0.86	0.94	NA	NA	NA	NA
0.07	0.51	-0.01	0.15	0.53	0.0055	1	0.022	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.06	0	0.53	0.13	2.00E-06	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.01	0.03	0.53	0.045	0.62	0.01	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	0	0.05	0.53	0.27	1	0.0035	NA	NA	NA	NA

0.03	-0.01	-0.07	-0.05	0.53	0.91	0.03	0.11	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.06	0.06	0.53	0.13	0.002	0.0076	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.05	0.03	0.53	0.55	0.32	0.62	NA	NA	NA	NA
0.04	0.14	-0.02	0.06	0.54	0.011	0.56	0.077	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.01	-0.02	0.54	0.49	0.71	0.45	NA	NA	NA	NA
0.12	0.04	0.02	0.02	0.54	0.88	0.77	0.8	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.05	-0.05	0.09	0.54	0.62	0.054	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.06	0.01	0.54	0.51	0.01	0.79	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.04	0	0.55	0.88	0.0084	0.95	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.04	0.01	0.55	0.58	0.0014	0.44	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	0	0.02	0.55	0.025	0.89	0.27	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.06	0.02	0.57	0.77	1.90E-05	0.35	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.06	-0.01	0.04	0.57	0.075	0.74	0.061	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.06	-0.06	0	0.57	0.84	0.32	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.13	-0.05	0	0.57	7.60E-05	0.015	0.88	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.07	0.01	0.04	0.58	0.014	0.71	0.092	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.07	-0.01	0.58	0.28	5.90E-05	0.61	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.09	-0.13	-0.1	0.58	0.51	0.0089	0.022	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.04	-0.11	-0.05	0.58	0.26	2.50E-06	0.037	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.04	0.03	0.58	0.68	0.18	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.03	0	0.04	0.58	0.76	1	0.31	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.02	0.02	0.59	0.79	0.046	0.023	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	-0.07	-0.06	0.59	0.67	0.017	0.012	NA	NA	NA	NA
0.02	0.18	-0.09	-0.06	0.59	2.80E-06	0.0029	0.072	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.03	-0.06	0.03	0.59	0.9	0.045	0.42	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.16	-0.07	-0.03	0.59	0.27	0.11	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.08	0.01	0.09	0.6	0.082	0.77	1.10E-06	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.08	-0.02	-0.01	0.6	0.021	0.4	0.61	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.1	-0.1	0.02	0.6	0.21	0.0091	0.77	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.02	0	0.6	0.24	0.54	1	NA	NA	NA	NA

0.03	0.03	-0.03	0.02	0.6	0.13	0.04	0.15	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	-0.05	0.01	0.6	1.90E-05	2.40E-05	0.4	NA	NA	NA	NA
0.04	0.08	0	0.05	0.61	0.0014	1	0.0083	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.06	0.03	0.61	0.66	0.046	0.38	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.03	0	0.61	0.19	0.16	0.92	NA	NA	NA	NA
0.03	0.13	-0.06	-0.06	0.62	0.12	0.0031	0.014	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.01	-0.04	0.62	0.41	0.66	0.024	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.1	-0.09	0.02	0.63	0.011	0.00085	0.46	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	0.01	0.16	0.63	1	1	1.20E-08	NA	NA	NA	NA
0.15	0.21	0.11	0.82	0.63	0.069	0.89	0.0033	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.07	0	0.63	0.36	0.00011	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.11	-0.02	-0.01	0.63	3.30E-05	0.34	0.56	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	0	0.05	0.63	0.19	0.99	4.10E-05	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.06	0.03	0.64	0.36	0.00024	0.17	NA	NA	NA	NA
0.38	-0.03	-0.06	-0.01	0.64	0.81	0.032	0.82	NA	NA	NA	NA
0.1	0.03	-0.06	0.07	0.64	0.7	0.045	0.049	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.02	0.01	0.65	0.13	0.3	0.44	NA	NA	NA	NA
0.03	0.11	-0.01	0.01	0.65	0.049	0.81	0.55	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.04	-0.14	-0.13	0.65	0.87	0.00011	0.051	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.04	-0.01	0.65	0.49	0.026	0.47	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	0	0.04	0.65	0.0046	0.83	0.009	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	-0.05	0	0.65	0.069	0.0024	0.95	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.07	-0.04	0.04	0.66	1	0.084	0.38	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.03	0.02	0.66	0.16	0.014	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.08	-0.09	0	0.66	0.73	2.00E-05	0.99	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.02	-0.1	0.01	0.66	0.99	6.40E-05	0.73	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.04	-0.03	0.66	0.18	0.0072	0.063	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.17	-0.04	-0.03	0.66	0.0028	0.12	0.4	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.02	0	0.67	1	0.4	1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.1	0	0.67	1	0.24	1	NA	NA	NA	NA

0.06	0.03	-0.08	-0.15	0.67	0.69	0.37	0.048	NA	NA	NA	NA
0.08	NA	-0.03	-0.04	0.67	NA	0.79	0.87	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	0.02	0.02	0.68	0.75	0.35	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.03	-0.07	0	0.68	0.68	0.025	1	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.03	-0.02	0.07	0.68	0.41	0.22	0.0013	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.06	-0.09	-0.06	0.68	0.0069	2.60E-05	0.0015	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.05	-0.03	0.69	0.075	0.00095	0.032	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.05	0.02	0.69	0.94	0.017	0.26	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.04	0.09	0.69	0.84	0.055	0.0059	NA	NA	NA	NA
0.15	NA	-0.04	NA	0.69	NA	0.46	NA	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.09	-0.09	0.69	0.28	0.00058	0.0062	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.11	0.01	0.04	0.69	0.0023	0.77	0.25	NA	NA	NA	NA
0.04	0.1	-0.07	-0.02	0.69	0.074	0.0021	0.45	NA	NA	NA	NA
0.25	0.91	0.05	0.12	0.7	4.50E-07	0.2	0.00015	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.38	-0.06	0.02	0.7	2.00E-04	0.092	0.74	NA	NA	NA	NA
0.36	0.86	-0.05	0.07	0.7	0.00038	0.079	0.054	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	0.01	0	0.7	0.054	0.36	0.79	NA	NA	NA	NA
0.69	-0.05	-0.08	0	0.7	0.93	0.19	1	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.08	0.03	0.06	0.71	0.35	0.27	0.048	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.28	-0.17	-0.14	0.71	1.30E-07	0.00028	0.00097	NA	NA	NA	NA
0.05	0.08	-0.07	0.1	0.71	0.076	0.0066	0.0051	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.01	0.01	0.71	0.3	0.58	0.63	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.02	0.02	0.72	0.74	0.34	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.03	0.04	0.72	0.56	0.056	0.056	NA	NA	NA	NA
0.02	0.15	-0.03	0.06	0.73	5.70E-05	0.074	0.0011	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.01	-0.06	0.02	0.73	0.93	0.06	0.67	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.05	0.01	0.73	0.9	2.70E-05	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.07	0.02	0.02	0.73	0.03	0.32	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	0.01	0	0.73	0.052	0.64	0.88	NA	NA	NA	NA
0.4	0.28	-0.05	-0.05	0.73	0.18	0.19	0.33	NA	NA	NA	NA

-0.04	0.2	-0.02	0.02	0.73	0.023	0.56	0.59	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.06	-0.11	-0.06	0.74	0.59	0.029	0.36	NA	NA	NA	NA
0.06	0.33	-0.02	-0.05	0.74	0.0098	0.56	0.098	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.03	0.03	0.07	0.75	0.71	0.42	0.073	NA	NA	NA	NA
0.18	0.2	0.01	-0.01	0.75	0.03	0.91	0.93	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.04	-0.06	0.75	1	0.075	0.00072	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.02	-0.01	0.76	0.082	0.23	0.36	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.01	0.01	0.06	0.76	1	0.64	0.0053	NA	NA	NA	NA
0.05	0.14	-0.04	0.27	0.76	0.34	0.42	0.00026	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.03	-0.03	0.76	0.014	0.11	0.2	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	0	0.02	0.76	0.73	0.97	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.09	NA	-0.04	0.02	0.76	NA	0.47	0.76	NA	NA	NA	NA
0.11	0.36	-0.08	0.02	0.77	0.092	0.00023	0.55	NA	NA	NA	NA
0.11	0.07	0.13	0.02	0.77	0.61	0.0029	0.91	NA	NA	NA	NA
0.02	0.16	-0.04	0	0.77	0.0059	0.016	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0.27	0	0.08	0.77	0.00021	0.85	0.00049	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.07	-0.02	0.77	0.3	3.40E-06	0.16	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.03	0.08	0.78	0.064	0.5	0.13	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.05	-0.11	0	0.78	0.63	0.00063	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.07	-0.01	0.05	0.78	0.44	0.88	0.2	NA	NA	NA	NA
0.2	0.07	-0.35	-0.24	0.79	1	8.90E-06	0.0025	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.11	0.09	0.07	0.79	0.4	0.017	0.024	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.2	-0.03	-0.04	0.8	1	0.26	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.03	-0.06	0	0.81	0.68	0.18	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.33	-0.04	0.18	0.81	1.10E-07	0.39	3.40E-06	NA	NA	NA	NA
0.16	0.15	-0.03	0.05	0.81	0.15	0.37	0.091	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.05	0.04	0.81	0.48	0.012	0.088	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	0	0.04	0.82	0.014	1	0.002	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.01	0.04	0.82	0.32	0.58	0.077	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	0.01	0.05	0.82	0.79	0.51	0.0095	NA	NA	NA	NA

0.16	0	-0.01	0.07	0.83	1	0.68	0.0024	NA	NA	NA	NA
0.35	-0.28	-0.41	0.26	0.83	0.074	4.30E-06	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.04	0	0.84	0.4	0.0039	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.1	0.05	0.84	0.99	0.024	0.38	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.03	0.06	0.84	0.57	0.082	0.00012	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.08	-0.02	0.85	0.2	8.40E-08	0.37	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.08	-0.02	0.85	1	0.0016	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.04	-0.03	0.85	0.81	0.022	0.072	NA	NA	NA	NA
0.01	0.08	-0.01	0	0.86	0.00026	0.64	0.99	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.06	0.12	0.86	0.64	0.022	2.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.1	-0.05	-0.07	0.87	0.39	0.43	0.17	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.16	-0.14	0.87	0.9	1.10E-07	1.10E-07	NA	NA	NA	NA
0.09	0.13	-0.15	-0.12	0.87	0.33	4.20E-05	0.0014	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.07	0.04	0.01	0.87	0.31	0.44	0.82	NA	NA	NA	NA
0.01	0.11	-0.02	0	0.87	0.00039	0.14	0.84	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.1	0.02	0.02	0.87	0.33	0.59	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.05	-0.01	0.87	0.65	0.06	0.71	NA	NA	NA	NA
0.02	0.26	0	0	0.88	1.10E-06	1	1	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.68	-0.19	-0.15	0.89	0.044	0.058	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	-0.02	0.09	0.9	0.19	0.27	4.70E-07	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.03	0.01	0.9	0.68	0.022	0.66	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	0	0.03	0.9	0.54	1	0.053	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.03	0	0.9	0.73	0.0096	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.25	0.5	-0.08	NA	0.9	1	0.56	NA	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.05	0.1	0.91	0.88	0.047	0.026	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.06	0	0.03	0.91	0.11	1	0.079	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.02	0.01	0.91	0.34	0.12	0.75	NA	NA	NA	NA
0.15	-0.05	0.19	0.34	0.91	0.65	0.017	1.90E-05	NA	NA	NA	NA
-0.62	NA	0.02	0.1	0.91	NA	0.67	0.059	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.2	0.03	-0.01	0.92	0.00055	0.53	0.96	NA	NA	NA	NA

0.14	0.02	-0.06	0	0.92	0.91	0.068	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.2	-0.17	0.92	0.95	1.80E-09	3.50E-05	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	-0.03	0.03	0.92	0.036	0.082	0.098	NA	NA	NA	NA
0.36	0.19	0.12	0.17	0.92	0.57	0.055	0.0042	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.02	-0.01	0.03	0.92	0.8	0.69	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.05	-0.04	0.02	0.92	0.011	0.00058	0.3	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.05	0	0.92	0.77	0.037	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.04	0.06	0.93	0.68	0.065	0.0055	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.07	0.02	0.93	0.82	0.026	0.7	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.04	0.06	0.93	0.71	0.06	0.025	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.06	0.05	0.93	1	0.00021	0.0042	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.03	-0.02	0.93	0.84	0.41	0.36	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.04	0	0.94	0.1	0.025	1	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	-0.01	0.08	0.94	0.17	0.4	5.10E-07	NA	NA	NA	NA
0.01	0.1	0.01	0	0.94	9.60E-06	0.74	0.8	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.3	-0.1	0.52	0.95	0.19	0.004	4.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.06	-0.01	0.02	0.95	0.51	0.57	0.41	NA	NA	NA	NA
0.05	NA	0.05	0.29	0.95	NA	0.11	1.00E-09	NA	NA	NA	NA
0.03	0.12	-0.03	0.04	0.95	0.0079	0.18	0.15	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.03	-0.03	0.07	0.95	0.57	0.057	2.20E-05	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	0.01	0	0.96	0.19	0.87	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.13	-0.03	0.01	0.96	0.0062	0.18	0.66	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.08	-0.12	-0.09	0.96	0.77	0.0078	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.29	0	-0.01	0.97	0.0024	0.93	0.99	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.06	-0.05	0.97	0.88	0.012	0.041	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.07	0.01	0.97	1	6.40E-06	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.09	-0.13	-0.08	0.97	0.024	1.60E-05	0.029	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	0.02	0.03	0.98	0.22	0.42	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.17	-0.05	-0.05	0.99	0.025	0.2	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.07	-0.05	-0.02	0.99	0.64	0.017	0.43	NA	NA	NA	NA

0	0.05	-0.04	-0.01	0.99	0.022	0.045	0.53	NA	NA	NA	NA
0.09	0	-0.02	-0.04	0.99	1	0.45	0.11	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.08	-0.04	0.99	0.31	0.0026	0.17	NA	NA	NA	NA
0.03	0.29	-0.08	0.03	1	0.042	0.034	0.4	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	0.01	0.13	1	0.99	0.74	2.30E-07	NA	NA	NA	NA
0.06	NA	-0.13	-0.03	1	NA	0.074	0.86	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.09	-0.04	1	1	0.004	0.19	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.08	-0.04	1	1	0.00049	0.13	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	0.01	-0.04	1	0.69	0.96	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	0.02	-0.05	1	1	0.73	0.16	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.11	-0.03	0.05	1	0.029	0.17	0.033	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.02	-0.01	1	0.73	0.44	0.8	NA	NA	NA	NA
0	0.13	-0.04	0.04	1	0.014	0.058	0.045	NA	NA	NA	NA
0.06	0.31	-0.05	0	1	0.0058	0.38	1	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.03	0.03	1	0.61	0.15	0.17	NA	NA	NA	NA
0	-0.48	0.38	-0.19	1	0.15	1	0.3	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.01	0	1	0.37	0.54	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.05	-0.02	1	0.87	0.057	0.6	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.04	0.01	1	0.92	0.12	0.76	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.12	-0.08	1	0.48	4.10E-07	0.0014	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.01	0	1	0.23	0.51	0.87	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.02	-0.08	-0.01	1	0.66	0.00012	0.74	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.03	0.03	1	0.29	0.29	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	0.01	0.08	1	1	0.83	0.043	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.05	-0.05	0.08	1	0.86	0.31	0.026	NA	NA	NA	NA
0.13	0.13	-0.06	-0.12	1	0.64	0.33	0.014	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.05	0.03	1	0.2	9.40E-06	0.03	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	0.02	0.03	1	0.94	0.26	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.11	0.03	0.25	1	0.18	0.7	5.90E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	0.21	0.04	1	0.92	0.41	0.38	NA	NA	NA	NA

-0.01	-0.03	-0.01	0.01	1	0.29	0.58	0.5	NA	NA	NA	NA
0.03	NA	-0.04	0.47	1	NA	0.68	4.20E-06	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.03	0.05	1	0.76	0.18	0.12	NA	NA	NA	NA
0.09	0.07	-0.14	-0.12	1	0.81	0.03	0.0077	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.08	0.02	1	1	0.71	0.83	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.09	0.01	1	0.61	0.026	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.03	0.03	1	1	0.17	0.24	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	-0.03	-0.03	1	1	0.51	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.13	-0.02	0.12	1	0.34	0.63	0.00045	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.45	-0.02	0.12	1	0.028	0.59	0.0019	NA	NA	NA	NA
0.03	0.11	-0.04	0.07	1	0.15	0.23	0.1	NA	NA	NA	NA
0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.07	-0.06	0.04	1	0.15	0.03	0.13	NA	NA	NA	NA
0	0.09	-0.03	0.01	1	0.0044	0.32	0.67	NA	NA	NA	NA
0.04	0.08	0.09	0.01	1	1	0.046	0.88	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.1	-0.06	1	0.53	4.40E-06	0.0096	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.07	-0.04	1	1	0.00011	0.068	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.06	0.03	0.03	1	0.86	0.47	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.22	-0.19	1	1	8.70E-05	0.0031	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	0	0.09	1	0.25	0.88	0.0012	NA	NA	NA	NA
0	-0.09	-0.02	0.03	1	0.27	0.32	0.26	NA	NA	NA	NA
0.03	NA	0.02	-0.04	1	NA	0.87	0.53	NA	NA	NA	NA
0.1	0.35	-0.05	0.12	1	1.50E-05	0.25	0.018	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.03	0.08	1	1	0.59	0.16	NA	NA	NA	NA
0.01	0.23	-0.03	0.07	1	0.0032	0.26	0.015	NA	NA	NA	NA
0.07	0.06	-0.06	-0.06	1	0.97	0.019	0.021	NA	NA	NA	NA
0.05	0.15	-0.02	-0.01	1	0.11	0.47	0.84	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.02	-0.01	1	1	0.78	0.84	NA	NA	NA	NA
0	0.2	-0.04	0	1	0.032	0.11	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.1	-0.05	-0.04	1	0.54	0.096	0.28	NA	NA	NA	NA

0.01	0.19	-0.06	-0.03	1	0.04	0.11	0.37	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.06	-0.03	1	0.79	0.064	0.59	NA	NA	NA	NA
0.11	0.3	-0.02	0.02	1	0.00015	0.52	0.54	NA	NA	NA	NA
0	-0.03	-0.08	-0.08	1	0.55	0.01	0.018	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.01	0.1	1	0.71	0.81	0.018	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	-0.03	0.08	1	0.91	0.65	0.089	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.33	-0.04	0.03	1	0.058	0.3	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.06	-0.04	0.1	1	0.57	0.12	0.0035	NA	NA	NA	NA
0.08	0.21	-0.01	0.21	1	0.37	1	0.0041	NA	NA	NA	NA
0.18	-0.2	-0.13	0.06	1	0.08	0.046	0.71	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.04	0	1	0.98	0.18	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.27	-0.07	0.04	1	0.39	0.1	0.39	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	0.02	0.09	1	0.84	0.54	0.014	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	0.02	NA	1	0.67	0.94	NA	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	0.02	0.07	1	0.77	0.39	0.00051	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	-0.03	0.04	1	0.9	0.46	0.52	NA	NA	NA	NA
0	-0.05	-0.09	-0.06	1	0.16	0.0071	0.14	NA	NA	NA	NA
0	-0.05	-0.05	0.01	1	0.022	8.10E-06	0.35	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.04	-0.03	1	1	0.26	0.35	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.05	-0.04	1	0.48	0.027	0.059	NA	NA	NA	NA
0	0.06	-0.02	0	1	0.055	0.31	0.98	NA	NA	NA	NA
0	0.09	-0.05	-0.04	1	0.0064	0.065	0.064	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.04	0	1	0.93	0.12	0.99	NA	NA	NA	NA
-0.33	-0.31	-0.21	0.17	1	1	0.8	1	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.05	-0.05	1	0.91	0.12	0.055	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.06	0.02	1	1	0.0031	0.54	NA	NA	NA	NA
0.06	0.29	0.07	0.05	1	0.00036	0.046	0.12	NA	NA	NA	NA
0.04	0.12	-0.02	0.06	1	0.26	0.51	0.11	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.02	-0.06	-0.01	1	0.76	0.0056	0.77	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.03	0	1	0.55	0.25	1	NA	NA	NA	NA

-0.01	-0.02	0.03	-0.01	1	0.71	0.27	0.75	NA	NA	NA	NA
0.3	-0.03	-0.07	0.05	1	1	0.4	1	NA	NA	NA	NA
0	-0.03	-0.07	0.09	1	0.6	0.0033	0.0033	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.22	-0.04	0.11	1	0.002	0.23	0.019	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.83	0.2	0.18	1	0.41	0.0018	0.0031	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.1	-0.07	0	1	0.017	2.80E-05	0.95	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.01	0.02	1	0.88	0.43	0.23	NA	NA	NA	NA
0.05	NA	0	0.06	1	NA	1	0.47	NA	NA	NA	NA
0	-0.08	0.04	-0.02	1	0.62	0.94	0.96	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	0.07	NA	NA	0.66	0.029	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	0.15	NA	NA	1	0.23	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.14	-0.05	NA	NA	0.017	0.45	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.05	0.28	NA	NA	0.8	0.019	NA	NA	NA	NA
NA	0.09	-0.03	0.06	NA	0.56	0.55	0.39	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.18	0.34	NA	NA	0.0074	0.22	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	0.02	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.29	NA	NA	NA	0.058	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	0.28	NA	NA	1	9.10E-05	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.05	0.77	NA	NA	0.84	0.13	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.42	NA	NA	NA	0.23	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.41	-0.1	-0.02	NA	0.31	0.58	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	NA	NA	NA	0.61	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.21	-0.1	0.02	NA	0.16	0.00026	0.84	NA	NA	NA	NA
NA	-0.01	-0.02	0.03	NA	1	0.55	0.41	NA	NA	NA	NA
NA	-0.25	-0.02	-0.02	NA	1	0.98	0.97	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.39	-0.05	-0.02	NA	0.13	0.058	0.52	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA

NA	-0.36	0.08	-0.1	NA	0.0024	0.43	0.29	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.13	-0.05	NA	NA	0.51	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.5	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.08	-0.1	-0.05	NA	0.29	0.12	0.49	NA	NA	NA	NA
NA	0.24	NA	NA	NA	0.04	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	0.06	NA	NA	1	0.35	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	NA	NA	NA	0.94	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.04	0.01	NA	NA	0.83	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.09	-0.05	NA	NA	0.012	0.16	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.62	0.29	NA	NA	0.85	0.46	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.75	NA	NA	1	0.097	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.12	-0.05	NA	1	5.30E-05	0.13	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	0.17	NA	NA	1	0.25	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.14	-0.03	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.18	-0.05	NA	NA	4.80E-05	0.28	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.19	-0.22	NA	NA	0.082	0.0036	NA	NA	NA	NA
NA	-0.09	-0.09	-0.06	NA	0.22	0.011	0.07	NA	NA	NA	NA
NA	0.06	-0.02	0	NA	0.28	0.58	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.13	-0.06	NA	NA	0.0088	0.29	NA	NA	NA	NA
NA	0	0.08	0.37	NA	1	0.97	0.2	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.14	-0.11	NA	NA	0.00023	0.00045	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.04	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.28	NA	NA	NA	0.02	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.28	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.14	-0.13	-0.06	NA	0.51	0.018	0.57	NA	NA	NA	NA

NA	-0.02	-0.1	0.01	NA	0.96	4.10E-05	0.85	NA	NA	NA	NA
NA	-0.01	-0.12	-0.16	NA	1	0.11	0.09	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	0.44	NA	NA	NA	0.11	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	0.69	NA	NA	NA	0.00013	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	-0.14	NA	NA	0.23	0.68	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.17	0.17	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.01	-0.09	-0.01	NA	1	9.50E-05	0.88	NA	NA	NA	NA
NA	0.09	-0.11	-0.02	NA	0.87	5.40E-06	0.74	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	0.1	NA	NA	0.1	0.018	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	0.11	NA	NA	0.25	0.16	NA	NA	NA	NA
0.55	0.14	0.06	0.04	2.10E-09	5.00E-04	0.17	0.36	NA	NA	NA	NA
0.56	0.13	-0.05	0	2.90E-09	0.0055	0.021	0.9	NA	NA	NA	NA
0.89	0.54	0.14	0.21	4.10E-09	2.90E-09	0.041	0.00016	NA	NA	NA	NA
0.28	0.16	-0.06	0	1.20E-08	4.00E-06	0.00058	0.92	NA	NA	NA	NA
0.38	0.16	-0.09	-0.06	2.10E-08	0.0049	0.001	0.067	NA	NA	NA	NA
0.57	0.12	0	0.1	5.10E-08	0.71	1	0.0034	NA	NA	NA	NA
0.63	-0.08	-0.06	0	6.60E-08	0.067	0.13	1	NA	NA	NA	NA
0.32	0.26	-0.03	0.02	1.00E-07	7.10E-06	0.057	0.42	NA	NA	NA	NA
0.13	0.07	-0.03	0.02	1.10E-07	6.40E-05	0.024	0.091	NA	NA	NA	NA
0.28	0.12	-0.03	-0.01	1.20E-07	0.00016	0.072	0.41	NA	NA	NA	NA
0.1	0.05	-0.04	0	2.40E-07	5.20E-05	0.00039	1	NA	NA	NA	NA
0.18	0.08	0.03	0.04	2.40E-07	0.00059	0.21	0.033	NA	NA	NA	NA
0.2	0.13	-0.05	-0.02	3.30E-07	7.40E-07	0.0017	0.17	NA	NA	NA	NA
0.13	0	0.01	0.02	6.30E-07	1	0.69	0.25	NA	NA	NA	NA
0.15	0.04	-0.02	0.03	7.20E-07	0.037	0.16	0.04	NA	NA	NA	NA
0.19	0.16	-0.05	-0.02	8.70E-07	1.30E-05	0.0059	0.27	NA	NA	NA	NA
0.23	0.09	0	0.06	1.10E-06	0.0035	1	0.0021	NA	NA	NA	NA
0.4	0.35	-0.02	0.15	1.80E-06	1.20E-06	0.73	0.0039	NA	NA	NA	NA

0.34	0.07	-0.02	0.08	2.20E-06	0.13	0.27	0.0041	NA	NA	NA	NA
0.14	0.03	-0.06	-0.02	3.10E-06	0.15	2.00E-05	0.24	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.01	-0.06	0.01	3.30E-06	0.69	0.00043	0.78	NA	NA	NA	NA
0.54	0.06	-0.17	-0.14	3.80E-06	0.72	6.60E-07	0.025	NA	NA	NA	NA
0.56	0	-0.05	-0.04	4.50E-06	1	0.19	0.35	NA	NA	NA	NA
0.1	0.07	-0.03	0.01	5.60E-06	0.0042	0.022	0.42	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.05	-0.01	6.00E-06	0.015	4.30E-06	0.47	NA	NA	NA	NA
0.33	0.68	-0.04	0.01	7.80E-06	0.00028	0.098	0.75	NA	NA	NA	NA
0.21	0.15	0.03	0.16	9.50E-06	0.00027	0.26	1.70E-08	NA	NA	NA	NA
0.2	0	-0.02	0.02	1.20E-05	1	0.29	0.37	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.02	-0.03	-0.01	1.30E-05	0.065	0.00016	0.11	NA	NA	NA	NA
0.13	0.04	0	0.03	1.40E-05	0.14	0.8	0.044	NA	NA	NA	NA
0.37	0.18	0.02	0.15	1.70E-05	0.016	0.8	0.0045	NA	NA	NA	NA
0.1	0.13	-0.07	-0.05	1.80E-05	3.90E-09	4.80E-06	0.0027	NA	NA	NA	NA
0.16	0.02	-0.02	-0.01	1.90E-05	0.51	0.38	0.49	NA	NA	NA	NA
0.21	0.11	-0.02	0.02	2.40E-05	0.0013	0.074	0.23	NA	NA	NA	NA
0.34	0.06	-0.03	-0.02	2.60E-05	0.18	0.49	0.58	NA	NA	NA	NA
0.26	0.08	-0.05	0.01	2.70E-05	0.28	0.61	0.97	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.05	0	-0.02	3.10E-05	0.25	0.97	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.2	-0.08	0	0.03	3.20E-05	0.14	1	0.19	NA	NA	NA	NA
0.1	0.08	-0.04	0	4.00E-05	0.0063	0.0037	0.91	NA	NA	NA	NA
0.25	0.02	-0.03	-0.05	4.70E-05	0.8	0.61	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.51	-0.18	0.01	0.21	4.80E-05	0.39	0.88	2.50E-07	NA	NA	NA	NA
0.15	0.08	-0.03	0.02	5.30E-05	0.034	0.04	0.32	NA	NA	NA	NA
0.35	0.17	-0.01	0.06	5.90E-05	0.017	0.72	0.0054	NA	NA	NA	NA
0.13	0.16	-0.01	0.05	6.50E-05	1.20E-07	0.77	0.015	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	0	0.04	7.10E-05	0.0069	1	0.019	NA	NA	NA	NA
0.15	0.13	-0.03	0.03	7.10E-05	1.20E-05	0.047	0.013	NA	NA	NA	NA
0.17	0.11	0	0.05	7.50E-05	0.00074	1	0.023	NA	NA	NA	NA
0.25	0.06	-0.02	0	7.50E-05	0.21	0.53	0.89	NA	NA	NA	NA

0.15	0.02	-0.01	0.03	7.70E-05	0.76	0.67	0.16	NA	NA	NA	NA
0.17	0.06	0.03	0.03	0.00012	0.16	0.061	0.1	NA	NA	NA	NA
0.19	0.03	-0.01	0	0.00015	0.6	0.81	1	NA	NA	NA	NA
0.18	0.06	-0.08	0.02	0.00018	0.1	1.60E-07	0.45	NA	NA	NA	NA
0.34	0.12	-0.07	-0.04	0.00025	0.39	0.25	0.54	NA	NA	NA	NA
0.19	0.05	-0.03	0.05	0.00026	0.047	0.15	0.0054	NA	NA	NA	NA
0.14	0.04	-0.04	-0.02	0.00027	0.063	0.0023	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.28	-0.25	-0.01	0.08	0.00027	0.00015	0.83	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.14	0.08	-0.02	0.06	4.00E-04	0.0028	0.2	0.0028	NA	NA	NA	NA
-0.12	0	-0.09	-0.03	4.00E-04	1	9.30E-08	0.2	NA	NA	NA	NA
0.1	0.03	-0.06	-0.05	0.00046	0.045	2.30E-08	1.20E-05	NA	NA	NA	NA
0.4	-0.11	-0.03	0.03	0.00046	0.013	0.094	0.1	NA	NA	NA	NA
0.42	0.09	-0.05	0.05	6.00E-04	0.23	0.059	0.12	NA	NA	NA	NA
0.27	0.06	0.03	0.05	0.00061	0.027	0.15	0.038	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.03	0.02	0.00067	0.31	0.01	0.088	NA	NA	NA	NA
0.08	0.07	-0.02	-0.04	7.00E-04	9.10E-05	0.18	9.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.13	0.01	-0.02	-0.03	0.00075	0.83	0.42	0.14	NA	NA	NA	NA
0.2	0.11	-0.02	0.05	0.00079	0.015	0.23	0.003	NA	NA	NA	NA
0.13	0.02	-0.02	0.02	0.00095	0.61	0.23	0.25	NA	NA	NA	NA
0.19	0.05	0.13	0	0.0011	0.19	8.30E-05	0.98	NA	NA	NA	NA
0.16	0.02	-0.04	0.03	0.0011	0.66	0.019	0.16	NA	NA	NA	NA
0.24	0.12	-0.08	0.02	0.0012	0.011	0.0017	0.49	NA	NA	NA	NA
0.12	0.12	0.03	0.07	0.0013	2.00E-05	0.048	6.30E-05	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.01	-0.05	-0.01	0.0013	0.77	0.0017	0.72	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	0.01	0.04	0.0014	0.22	0.74	0.0096	NA	NA	NA	NA
0.05	0.08	-0.02	-0.01	0.0014	8.40E-08	0.033	0.48	NA	NA	NA	NA
0.2	0.03	-0.07	0.05	0.0015	1	0.065	0.2	NA	NA	NA	NA
0.12	0.07	-0.01	0.02	0.0015	0.035	0.66	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.35	-0.06	-0.26	-0.17	0.0017	0.62	7.10E-08	0.00011	NA	NA	NA	NA
0.27	0.15	-0.04	0.02	0.0017	0.0014	0.11	0.37	NA	NA	NA	NA

0.14	0.1	-0.03	0.01	0.0018	0.0019	0.11	0.71	NA	NA	NA	NA
0.15	0.22	-0.03	0.07	0.0023	1.20E-06	0.13	0.013	NA	NA	NA	NA
0.17	-0.05	-0.03	0	0.0023	0.15	0.021	1	NA	NA	NA	NA
0.59	0.12	0.09	-0.04	0.0025	0.3	0.079	0.23	NA	NA	NA	NA
0.08	0.01	-0.06	0	0.0025	0.51	4.70E-05	0.97	NA	NA	NA	NA
0.07	0	-0.05	0.01	0.0026	0.86	1.60E-05	0.38	NA	NA	NA	NA
0.2	0.03	-0.02	0.11	0.003	0.62	0.32	3.60E-05	NA	NA	NA	NA
0.19	0	-0.05	0.02	0.0033	1	0.0097	0.52	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.2	0.05	0.1	0.0037	0.012	0.15	0.0057	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.03	-0.01	0.0038	0.2	0.036	0.45	NA	NA	NA	NA
0.17	0.04	0.03	0.04	0.0038	0.33	0.17	0.026	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.01	-0.06	0.1	0.0039	0.97	0.011	0.0038	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.02	-0.04	0.0044	0.1	0.15	0.0064	NA	NA	NA	NA
0.13	0.01	-0.05	0.03	0.0049	0.92	0.016	0.45	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.05	-0.01	0.0051	0.23	1.60E-06	0.65	NA	NA	NA	NA
0.91	0	-0.13	-0.07	0.006	1	0.00037	0.099	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.02	-0.02	0	0.0064	0.15	0.24	0.94	NA	NA	NA	NA
-0.46	-0.47	-0.03	0.03	0.0066	0.0025	0.61	0.61	NA	NA	NA	NA
0.29	0.06	-0.04	0.02	0.0067	0.48	0.18	0.62	NA	NA	NA	NA
0.11	0.07	-0.05	-0.03	0.0071	0.0094	0.00038	0.06	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.11	-0.06	-0.06	0.0081	0.009	0.087	0.062	NA	NA	NA	NA
0.16	0.15	-0.04	0.08	0.0088	0.093	0.064	0.0057	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	-0.02	-0.02	0.0089	0.55	0.074	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.03	-0.02	0.05	0.0089	0.55	0.23	0.011	NA	NA	NA	NA
0.22	0.04	0.02	0.02	0.0095	0.24	0.42	0.6	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.06	0	0.0097	0.057	0.006	0.99	NA	NA	NA	NA
0.09	0.03	-0.01	-0.03	0.011	0.41	0.47	0.07	NA	NA	NA	NA
0.23	-0.02	-0.05	-0.06	0.011	0.9	0.3	0.021	NA	NA	NA	NA
0.08	0.13	-0.06	-0.05	0.011	9.40E-06	0.052	0.093	NA	NA	NA	NA
0.19	0.05	-0.02	-0.01	0.011	0.61	0.17	0.75	NA	NA	NA	NA

0.09	0.06	0	0.06	0.012	0.059	1	0.0042	NA	NA	NA	NA
-0.53	-0.56	0	0.02	0.012	4.80E-05	1	0.68	NA	NA	NA	NA
0.12	0.08	-0.07	-0.07	0.012	0.0086	0.011	0.0015	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.04	0.02	0.012	0.00019	5.00E-07	0.093	NA	NA	NA	NA
0.16	0.07	-0.01	-0.02	0.012	0.19	0.91	0.6	NA	NA	NA	NA
0.25	-0.03	-0.11	-0.06	0.013	0.93	5.40E-06	0.037	NA	NA	NA	NA
0.75	0.75	-0.03	0.03	0.015	0.0024	0.37	0.48	NA	NA	NA	NA
0.09	0.07	-0.03	0.04	0.015	0.052	0.087	0.024	NA	NA	NA	NA
0.29	0.01	-0.07	0.05	0.016	1	0.0022	0.066	NA	NA	NA	NA
0.3	0.33	-0.04	0.11	0.016	0.79	0.49	0.056	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	-0.06	0	0.017	0.75	4.00E-05	0.97	NA	NA	NA	NA
0.6	0	0	0.11	0.017	1	1	0.005	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	0	0.06	0.018	0.0032	0.98	9.40E-06	NA	NA	NA	NA
0.67	0.39	0.11	0.23	0.018	0.095	0.57	0.21	NA	NA	NA	NA
0.1	0	-0.03	0.02	0.018	0.96	0.069	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.09	-0.09	-0.06	0.019	0.34	0.011	0.092	NA	NA	NA	NA
0.06	0.15	-0.04	-0.03	0.019	7.90E-08	0.085	0.077	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.03	-0.04	0.03	0.019	0.13	9.50E-05	0.0065	NA	NA	NA	NA
0.18	-0.01	-0.02	-0.02	0.019	1	0.44	0.55	NA	NA	NA	NA
0.13	0.11	-0.05	0.03	0.02	0.024	0.0087	0.13	NA	NA	NA	NA
0.23	0.01	-0.04	0.07	0.02	1	0.13	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.01	0	0.02	0.00022	0.39	0.8	NA	NA	NA	NA
0.23	0.04	-0.03	0	0.021	0.54	0.24	1	NA	NA	NA	NA
0.09	0.11	0.01	0.04	0.021	0.0042	0.74	0.058	NA	NA	NA	NA
0.12	0.01	-0.04	0.02	0.021	0.56	0.022	0.4	NA	NA	NA	NA
0.26	-0.04	0.02	0.03	0.022	0.64	0.73	0.53	NA	NA	NA	NA
0.15	0.07	-0.08	0.02	0.022	0.085	0.00029	0.55	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.03	-0.01	0.023	0.08	0.034	0.5	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	-0.05	-0.03	0.024	0.16	0.017	0.11	NA	NA	NA	NA
0.13	0.09	-0.05	0.02	0.025	0.0071	0.0052	0.25	NA	NA	NA	NA

0.08	-0.03	-0.03	-0.01	0.025	0.16	0.11	0.46	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.01	0.01	0.025	0.04	0.33	0.39	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.08	-0.03	0	0.025	0.00038	0.062	0.86	NA	NA	NA	NA
0.13	0.1	-0.05	-0.07	0.026	0.12	0.17	0.018	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.03	0.01	0.027	0.75	0.0033	0.28	NA	NA	NA	NA
0.16	0.22	-0.02	0.1	0.027	0.0049	0.65	0.055	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.02	0	0.09	0.027	0.67	0.84	4.70E-08	NA	NA	NA	NA
0.14	0.09	0.03	0.06	0.03	0.14	0.2	0.045	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.06	0	0.01	0.031	0.33	1	0.6	NA	NA	NA	NA
0.12	0.11	-0.11	-0.02	0.032	2.90E-05	4.50E-09	0.48	NA	NA	NA	NA
0.11	0.17	-0.14	-0.08	0.034	0.0017	2.30E-09	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.24	0.06	-0.04	0.03	0.034	0.34	0.14	0.36	NA	NA	NA	NA
0.07	0.11	-0.04	-0.01	0.034	3.00E-05	0.00071	0.58	NA	NA	NA	NA
0.44	-0.06	-0.03	0.06	0.035	0.9	0.074	0.013	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	0.02	0.01	0.036	0.58	0.5	0.96	NA	NA	NA	NA
0.08	0.01	-0.04	0.03	0.036	0.75	0.017	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.01	-0.05	-0.02	0.036	0.87	0.0055	0.57	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.03	-0.03	0.07	0.036	0.29	0.075	0.00021	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.04	-0.02	0	0.037	0.16	0.3	0.98	NA	NA	NA	NA
0.37	0.24	-0.04	-0.06	0.037	0.32	0.41	0.42	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.02	-0.04	0	0.038	0.24	2.40E-05	0.74	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.04	0.02	0.039	7.10E-05	0.0027	0.073	NA	NA	NA	NA
0.1	0.15	0	0.03	0.042	0.00034	1	0.13	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.05	0	0.042	0.16	0.0038	0.97	NA	NA	NA	NA
0.09	0.06	-0.05	-0.04	0.042	0.1	0.01	0.016	NA	NA	NA	NA
0.08	0.01	-0.06	0.03	0.042	0.96	0.00024	0.15	NA	NA	NA	NA
0.15	0	0.01	0.16	0.043	1	0.84	5.60E-05	NA	NA	NA	NA
0.09	0.11	0.01	0.05	0.046	0.0019	0.69	0.0093	NA	NA	NA	NA
-0.75	-0.42	-0.06	-0.01	0.047	0.15	0.22	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.05	0.01	0.047	0.072	0.0014	0.73	NA	NA	NA	NA

0.16	0.05	-0.06	0.11	0.048	0.69	0.0088	9.50E-06	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.01	-0.06	0	0.05	0.86	0.00043	1	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.01	0.06	0.051	0.0052	0.63	8.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.04	-0.03	0.053	0.63	0.0057	0.062	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.08	-0.03	0.053	0.66	3.50E-06	0.12	NA	NA	NA	NA
0.31	0.11	-0.01	0.03	0.054	0.03	0.84	0.43	NA	NA	NA	NA
0.08	0.09	-0.07	-0.05	0.055	0.00064	0.0012	0.036	NA	NA	NA	NA
0.08	0	-0.06	-0.05	0.058	1	4.00E-05	0.0048	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.02	-0.02	0.059	0.32	0.37	0.43	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.05	-0.03	0.062	1	2.60E-06	0.0045	NA	NA	NA	NA
0.31	0.24	-0.04	0.31	0.062	0.023	0.51	0.031	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.03	0.04	0.063	0.0024	0.014	0.00078	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.08	-0.02	0.064	0.47	5.80E-05	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.03	-0.07	-0.02	0.064	0.64	0.00045	0.45	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.1	-0.04	0.068	0.091	2.00E-08	0.028	NA	NA	NA	NA
0.17	0.08	-0.03	0.03	0.068	0.33	0.13	0.29	NA	NA	NA	NA
0.1	0.16	0	0.01	0.071	0.035	0.98	0.96	NA	NA	NA	NA
0.26	0.11	-0.06	-0.03	0.073	0.12	0.00037	0.044	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.02	0.05	0.073	0.21	0.25	0.01	NA	NA	NA	NA
0.1	0.14	0	0.05	0.073	3.90E-05	0.9	0.012	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.19	0.01	0.06	0.073	0.0044	0.73	0.034	NA	NA	NA	NA
0.38	0.23	0.12	0.03	0.076	0.0085	0.26	0.9	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	-0.08	-0.01	0.078	0.88	1.80E-05	0.56	NA	NA	NA	NA
0.27	0.16	-0.02	0.01	0.08	0.22	0.66	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.06	-0.04	0.03	0.083	0.19	0.19	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.08	NA	0.05	0.03	0.084	NA	0.18	0.35	NA	NA	NA	NA
0.32	NA	-0.08	0.08	0.088	NA	0.088	0.21	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	0.03	0.02	0.089	0.0088	0.19	0.13	NA	NA	NA	NA
0.05	0.17	-0.07	-0.05	0.09	0.14	0.002	0.043	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.03	0.01	0.03	0.091	0.35	0.62	0.23	NA	NA	NA	NA

-0.13	-0.21	-0.02	0	0.091	0.00011	0.24	1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.03	0.02	0.094	0.093	0.034	0.24	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.04	0	0.095	0.12	0.0042	0.77	NA	NA	NA	NA
0.1	0.03	0	0.05	0.098	0.43	1	0.00032	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.11	-0.08	-0.1	0.098	0.018	0.014	3.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.13	0.13	-0.12	0.21	0.1	0.44	0.3	0.042	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.01	0.05	0.1	0.45	0.46	0.0076	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.03	-0.06	0.01	0.1	0.12	3.20E-06	0.56	NA	NA	NA	NA
0.06	0.09	-0.04	0.01	0.1	0.012	0.011	0.55	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.06	-0.03	-0.01	0.1	0.24	0.23	0.52	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.02	0.04	0.1	0.33	0.041	0.0074	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.09	-0.02	0.02	0.1	0.091	0.1	0.23	NA	NA	NA	NA
0.37	-0.02	0.03	0.01	0.11	1	0.63	1	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.04	-0.05	-0.03	0.11	0.3	0.0036	0.21	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.04	0.03	0.11	0.058	3.30E-05	0.011	NA	NA	NA	NA
-0.07	NA	-0.04	0.06	0.11	NA	0.21	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.06	-0.01	0.02	0.11	0.61	0.82	0.51	NA	NA	NA	NA
0.13	0	-0.04	0.06	0.11	1	0.18	0.16	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.06	0.06	0.12	0.056	2.10E-05	0.0016	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.06	-0.07	0.06	0.13	0.5	0.0068	0.041	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.03	0.03	0.04	0.13	0.49	0.2	0.059	NA	NA	NA	NA
0.11	0.18	-0.03	0.14	0.13	0.0081	0.57	0.0035	NA	NA	NA	NA
0.09	0.01	-0.12	-0.09	0.13	0.97	2.20E-06	9.90E-05	NA	NA	NA	NA
0.07	0	0.01	-0.02	0.13	1	0.83	0.29	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.06	0.01	0.05	0.13	0.1	0.74	0.0019	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.07	-0.03	0.14	0.37	2.10E-05	0.066	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	0	-0.01	0.14	0.55	0.93	0.51	NA	NA	NA	NA
0.08	0.01	-0.01	0.02	0.14	0.94	0.64	0.49	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.07	0.02	0.04	0.14	0.45	0.53	0.057	NA	NA	NA	NA
-0.21	0.05	-0.11	-0.13	0.14	0.82	0.018	0.0051	NA	NA	NA	NA

0.17	0.11	-0.05	0.07	0.14	0.28	0.079	0.037	NA	NA	NA	NA
0.14	0.15	-0.04	0.04	0.15	0.00091	0.027	0.14	NA	NA	NA	NA
0.04	0.1	-0.05	0.03	0.15	6.50E-08	3.80E-05	0.03	NA	NA	NA	NA
0.04	0.1	-0.04	0.04	0.15	0.00097	0.011	0.17	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.04	-0.04	0.15	0.019	0.0064	0.00073	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.09	-0.01	0.15	0.34	1.30E-09	0.75	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.02	-0.05	-0.02	0.16	0.4	0.0088	0.39	NA	NA	NA	NA
-0.21	-0.22	-0.03	-0.08	0.16	0.17	0.76	0.044	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.02	0.03	0.16	0.66	0.043	0.0051	NA	NA	NA	NA
0.33	-0.11	-0.03	-0.05	0.16	0.1	0.57	0.11	NA	NA	NA	NA
0.09	0	-0.01	0.05	0.16	1	0.73	0.098	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	0.02	0.04	0.16	0.034	0.43	0.047	NA	NA	NA	NA
0.24	0.13	-0.05	0.01	0.16	0.26	0.081	0.82	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	0	-0.01	0.16	0.97	1	0.71	NA	NA	NA	NA
0.14	0.16	-0.01	-0.04	0.16	0.064	0.77	0.069	NA	NA	NA	NA
0.12	0.02	-0.07	-0.01	0.17	0.76	7.30E-07	0.52	NA	NA	NA	NA
0.05	0.15	-0.02	0.03	0.17	8.00E-06	0.047	0.016	NA	NA	NA	NA
0.18	0.01	-0.06	-0.02	0.17	1	0.0061	0.5	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.02	0.01	0.17	0.32	0.16	0.72	NA	NA	NA	NA
0.23	0.1	-0.07	0.03	0.17	0.48	0.012	0.37	NA	NA	NA	NA
0.27	0.77	-0.07	-0.03	0.17	3.50E-05	0.0056	0.37	NA	NA	NA	NA
0.04	0.12	-0.02	0.04	0.17	0.00015	0.28	0.029	NA	NA	NA	NA
0.11	0.06	-0.03	-0.02	0.18	0.26	0.31	0.49	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.2	-0.06	-0.02	0.18	1.00E-05	1.20E-05	0.21	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.04	0.02	-0.04	0.18	0.52	0.69	0.3	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.04	-0.01	0.18	0.016	0.063	0.61	NA	NA	NA	NA
0.18	0.83	-0.09	-0.05	0.19	0.00098	0.036	0.31	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.04	0.01	0.19	0.89	0.069	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.07	-0.05	0.03	0.2	0.024	0.00022	0.17	NA	NA	NA	NA
0.22	0.19	-0.06	-0.08	0.2	0.29	0.16	0.16	NA	NA	NA	NA

-0.21	-0.26	0.05	-0.02	0.2	0.015	0.68	0.96	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.01	-0.05	-0.07	0.2	1	0.061	0.0024	NA	NA	NA	NA
0.09	0.06	-0.08	0.03	0.21	0.8	1.00E-04	0.29	NA	NA	NA	NA
0.16	0.14	-0.02	0.06	0.21	0.12	0.37	0.0043	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.03	-0.03	0	0.21	0.31	0.16	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.06	0	0.21	0.66	0.0015	1	NA	NA	NA	NA
0.14	0.07	0.06	0.09	0.22	1	0.079	0.0063	NA	NA	NA	NA
0.11	0.07	0.04	0.13	0.22	0.38	0.44	0.0069	NA	NA	NA	NA
0.15	0.14	-0.1	-0.02	0.22	0.0046	3.50E-09	0.41	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.05	-0.02	0.22	0.97	0.026	0.49	NA	NA	NA	NA
0.11	0.06	-0.05	0	0.22	0.21	0.036	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.05	0.08	0.14	0.22	0.065	5.00E-04	1.40E-07	NA	NA	NA	NA
0.06	0.12	-0.11	-0.07	0.22	0.043	3.70E-07	0.018	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.06	-0.02	0.22	0.0062	4.50E-06	0.086	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.01	-0.11	-0.04	0.22	0.87	1.90E-07	0.089	NA	NA	NA	NA
0.09	0.15	-0.02	0.02	0.23	0.035	0.43	0.39	NA	NA	NA	NA
0.11	0.09	0	0	0.23	0.025	0.96	0.98	NA	NA	NA	NA
0.1	0.08	0.04	0.03	0.23	0.13	0.21	0.24	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.01	0.01	0.23	0.44	0.35	0.13	NA	NA	NA	NA
0.92	0.92	-0.08	0.36	0.23	0.015	0.66	0.0078	NA	NA	NA	NA
0.07	0.22	-0.06	0	0.23	1.00E-04	0.0042	0.95	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	-0.01	-0.02	0.24	0.19	0.71	0.26	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.06	0	0.24	1	1.60E-07	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.08	0	0.07	0.24	0.1	0.91	0.0027	NA	NA	NA	NA
0.05	0.17	0.04	0.07	0.24	0.00012	0.26	0.04	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.16	0	-0.02	0.24	0.038	1	0.68	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	0.01	0	0.24	0.45	0.69	0.87	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.09	-0.15	-0.2	0.24	0.29	0.067	0.018	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.07	-0.01	0.24	0.67	1.10E-05	0.71	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.02	0.03	0.25	0.083	0.075	0.012	NA	NA	NA	NA

0.5	0.17	0.25	0.23	0.25	0.9	0.047	0.22	NA	NA	NA	NA
0.18	0.09	-0.04	0.14	0.25	0.61	0.26	0.019	NA	NA	NA	NA
0.08	0.16	-0.03	-0.03	0.25	0.006	0.19	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.04	-0.09	-0.06	0.26	0.12	0.0015	0.0069	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.05	-0.01	0.26	0.78	0.00063	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.04	-0.01	0.26	0.47	0.0072	0.46	NA	NA	NA	NA
0.11	0.05	0.03	0.03	0.26	0.59	0.47	0.39	NA	NA	NA	NA
0.19	0.04	-0.06	-0.06	0.27	0.85	0.24	0.25	NA	NA	NA	NA
0.1	0.94	0.05	0.02	0.27	0.11	0.51	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.09	-0.05	-0.04	0.27	0.00014	0.066	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.04	-0.04	0.04	0.28	0.64	0.27	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.06	-0.02	0.06	0.28	0.085	0.32	0.0056	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.01	0	0.28	0.85	0.32	0.96	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.04	0.02	0.28	0.005	3.10E-05	0.16	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.06	0.02	0.28	0.85	0.00013	0.23	NA	NA	NA	NA
0.08	0.04	-0.02	0.05	0.28	0.28	0.36	0.029	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.04	0.02	0.29	0.95	0.017	0.47	NA	NA	NA	NA
0.05	0.08	-0.03	-0.03	0.29	0.016	0.1	0.11	NA	NA	NA	NA
0.06	0.07	0	0.07	0.29	0.2	0.96	0.0094	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	0	0.06	0.29	0.26	0.75	9.20E-07	NA	NA	NA	NA
0.06	0.1	-0.05	0.06	0.29	0.025	0.068	0.1	NA	NA	NA	NA
0.18	0.29	-0.11	-0.04	0.29	0.00084	3.90E-06	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.03	-0.03	0.04	0.29	0.69	0.021	0.025	NA	NA	NA	NA
0.05	0.08	0	0.04	0.29	0.086	1	0.17	NA	NA	NA	NA
0.09	0.12	-0.02	0.03	0.3	0.065	0.21	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.03	-0.06	0.03	0.3	0.23	7.80E-05	0.17	NA	NA	NA	NA
0.07	0.12	-0.07	-0.09	0.3	0.12	0.15	0.057	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.04	-0.01	0.3	0.25	0.033	0.49	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.06	0	0.31	1	2.20E-05	0.97	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.06	-0.02	0.04	0.31	0.018	0.17	0.04	NA	NA	NA	NA

0.03	0	-0.08	-0.03	0.31	1	7.50E-07	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.05	-0.08	0.02	0.31	0.27	5.80E-06	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.19	-0.08	-0.04	0.31	0.011	6.10E-05	0.031	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.04	0.02	0.32	0.0065	0.00099	0.1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.03	0.04	0.32	0.011	0.016	0.0014	NA	NA	NA	NA
0.13	0.07	-0.01	0.07	0.32	0.079	0.85	0.0037	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.02	0.02	0.32	0.93	0.11	0.21	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.05	-0.07	0.03	0.32	0.47	0.00024	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.05	-0.06	-0.05	0.32	0.33	0.0095	0.026	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.07	0.07	0.33	0.37	0.0072	0.14	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.01	0.08	0.33	0.3	0.76	0.00042	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.03	0.01	0.33	0.9	0.1	0.64	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.02	0	0.33	0.22	0.4	0.95	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.03	-0.04	0.33	1	0.2	0.22	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.02	-0.05	0.33	0.73	0.26	0.03	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.03	-0.06	-0.02	0.34	0.32	0.0016	0.28	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	0	0	0.34	0.0033	0.85	0.86	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.11	-0.1	-0.08	0.34	0.34	0.027	0.07	NA	NA	NA	NA
0.17	0.65	-0.09	0.12	0.35	0.12	0.043	0.047	NA	NA	NA	NA
-0.36	-0.17	-0.09	-0.11	0.36	1	0.19	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	-0.01	0.02	0.36	0.9	0.81	0.24	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.09	-0.1	-0.07	0.36	0.011	0.019	0.056	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.03	-0.06	-0.07	0.36	0.91	0.032	0.01	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.04	-0.06	0.36	0.55	0.11	0.016	NA	NA	NA	NA
-0.18	0.02	-0.14	-0.04	0.36	1	0.00031	0.35	NA	NA	NA	NA
0.07	0.91	-0.01	0.02	0.36	0.0049	0.92	0.86	NA	NA	NA	NA
-0.3	0.09	-0.09	-0.07	0.36	0.77	0.2	0.2	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	-0.01	0.04	0.37	5.60E-05	0.25	0.0094	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.03	-0.03	-0.06	0.37	0.53	0.34	0.014	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.06	-0.02	0.04	0.37	0.059	0.36	0.034	NA	NA	NA	NA

0.05	0.02	-0.03	0	0.37	0.56	0.043	1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.03	0	0.38	1	0.2	0.94	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.02	-0.05	-0.07	0.38	0.83	0.11	0.014	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	-0.06	0.01	0.38	0.11	0.0019	0.81	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.02	0.01	0.38	0.59	0.32	0.9	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.1	-0.03	-0.01	0.38	0.16	0.21	0.69	NA	NA	NA	NA
0.05	0.12	-0.05	0	0.38	0.0056	0.0042	0.87	NA	NA	NA	NA
0.12	0.05	-0.1	-0.06	0.38	0.59	9.50E-07	0.018	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	-0.01	0.05	0.38	0.19	0.25	0.00087	NA	NA	NA	NA
0.06	0.24	-0.1	-0.07	0.38	0.0033	0.00034	0.025	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.02	0.05	0.38	0.03	0.39	0.0091	NA	NA	NA	NA
0.09	0.07	-0.1	-0.02	0.38	0.39	0.0015	0.55	NA	NA	NA	NA
0.05	0.17	-0.08	0	0.38	2.00E-04	5.10E-05	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.03	-0.01	0.38	0.5	0.011	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.05	-0.05	0.01	0.39	0.62	0.023	0.73	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	0.03	0.05	0.39	1	0.19	0.028	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.09	-0.09	0.39	0.37	0.00031	0.00017	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.03	-0.01	0.4	0.006	0.055	0.4	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.03	-0.03	0.04	0.4	0.53	0.19	0.026	NA	NA	NA	NA
-0.13	0.02	0.01	0.02	0.4	0.88	0.75	0.37	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.06	0	0.41	0.93	0.00058	0.99	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.07	0.01	0.41	0.83	0.033	0.89	NA	NA	NA	NA
0.06	0.09	-0.03	0.09	0.41	0.004	0.14	0.00097	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	-0.02	0.06	0.42	0.64	0.26	0.002	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.03	0.01	0.42	0.88	0.0046	0.29	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.08	-0.02	0.03	0.42	0.018	0.37	0.13	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.13	-0.09	0.42	0.94	2.80E-07	0.00023	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.03	0	0.43	0.87	0.048	0.99	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.01	0.01	0.08	0.43	0.78	0.98	0.021	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.03	0.02	0.43	0.52	0.52	0.68	NA	NA	NA	NA

0.04	0.08	-0.09	-0.03	0.43	0.043	0.0032	0.25	NA	NA	NA	NA
0.06	0.28	-0.02	0.05	0.43	3.80E-05	0.48	0.16	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.07	0.08	0.43	0.45	0.0015	0.0033	NA	NA	NA	NA
-0.86	-0.75	-0.13	0.24	0.44	0.6	0.034	1	NA	NA	NA	NA
0.1	0.06	-0.07	-0.07	0.45	0.062	0.031	0.0059	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.05	-0.11	0	0.45	0.29	4.20E-08	1	NA	NA	NA	NA
0.81	0	-0.03	0.05	0.45	1	0.29	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	0.01	0.08	0.45	0.52	0.85	0.00015	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.04	0.06	0.46	0.85	0.0087	8.20E-05	NA	NA	NA	NA
0.8	0.8	-0.07	-0.02	0.47	0.0017	0.45	0.98	NA	NA	NA	NA
0.83	-0.12	-0.13	-0.16	0.47	0.42	0.0091	0.017	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.06	-0.04	-0.04	0.47	0.02	0.032	0.081	NA	NA	NA	NA
0.07	0.24	-0.03	0.02	0.47	1.70E-05	0.16	0.56	NA	NA	NA	NA
0.14	0.06	-0.14	-0.07	0.47	0.13	0.02	0.047	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.1	-0.05	0.48	0.6	1.40E-06	0.044	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.2	0.05	0.08	0.48	0.014	0.17	0.045	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.05	-0.01	0.05	0.48	0.15	0.54	0.0091	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.1	-0.07	0.48	1	8.60E-09	0.00028	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.01	0	0.05	0.49	1	1	0.18	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.04	0	0.49	0.0024	0.011	0.99	NA	NA	NA	NA
0.04	0.1	-0.07	0.02	0.49	0.18	3.10E-05	0.56	NA	NA	NA	NA
-0.81	0	-0.1	-0.1	0.49	1	0.13	0.084	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.07	-0.04	0.5	1	0.003	0.4	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.15	-0.09	0.01	0.5	0.14	0.0034	0.9	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.1	0	0.5	0.36	5.70E-05	0.95	NA	NA	NA	NA
0.03	0.1	-0.04	0.02	0.5	0.0029	0.043	0.34	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.09	-0.03	0.5	0.9	1.40E-05	0.22	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.07	0.01	0.5	0.92	2.70E-08	0.38	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	0	0.01	0.51	0.034	1	0.86	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.04	-0.02	0.52	0.82	0.18	0.44	NA	NA	NA	NA

0.14	0.21	-0.11	0.04	0.52	0.21	0.00019	0.24	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.01	0.02	0.52	0.28	0.87	0.6	NA	NA	NA	NA
0.4	0.6	-0.25	NA	0.52	0.12	0.00046	NA	NA	NA	NA	NA
0.06	0.14	-0.03	0.02	0.52	0.0033	0.083	0.27	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.05	0	0.53	0.95	0.00014	0.9	NA	NA	NA	NA
0.1	0.18	-0.05	0	0.53	0.51	0.23	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.06	0.03	0.53	0.36	1.30E-05	0.16	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.06	0.02	0.53	0.51	0.0046	0.35	NA	NA	NA	NA
0.16	0.66	-0.02	-0.04	0.53	0.24	0.58	0.3	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	-0.03	0.09	0.53	0.13	0.057	3.00E-06	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.03	0.05	0.53	0.031	0.14	0.029	NA	NA	NA	NA
0.07	0.2	0.02	0.19	0.54	0.09	0.98	0.12	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.08	-0.04	0.54	0.4	5.20E-06	0.047	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	0.02	-0.03	0.55	0.59	0.43	0.016	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.06	-0.03	0.55	0.87	5.70E-05	0.12	NA	NA	NA	NA
0.27	0.09	-0.03	0.06	0.55	0.3	0.22	0.08	NA	NA	NA	NA
0.03	0.22	0.02	0.13	0.56	0.00011	0.76	0.0069	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.04	-0.01	0	0.56	0.35	0.44	0.78	NA	NA	NA	NA
0.05	0.12	0.03	0.01	0.56	0.068	0.44	0.87	NA	NA	NA	NA
0.11	0.73	-0.02	-0.01	0.57	2.80E-09	0.49	0.84	NA	NA	NA	NA
0.15	0.17	-0.1	-0.05	0.57	0.088	1.40E-05	0.075	NA	NA	NA	NA
0.05	0.1	-0.05	0.01	0.57	0.096	0.012	0.8	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.09	-0.03	0.01	0.57	0.043	0.11	0.36	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.03	0	0.57	1	0.076	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.04	-0.02	0.58	0.45	0.0013	0.16	NA	NA	NA	NA
0.1	0.32	-0.01	0.05	0.58	0.0042	0.87	0.28	NA	NA	NA	NA
0.14	0.15	0.04	0.03	0.58	0.028	0.28	0.52	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.08	0	0.1	0.58	0.077	0.98	2.60E-07	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.06	0.03	0.58	0.031	0.00039	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.06	-0.03	0.03	0.58	0.96	0.6	0.52	NA	NA	NA	NA

0.06	0.02	-0.03	0.03	0.59	0.89	0.094	0.23	NA	NA	NA	NA
0.8	0.8	-0.1	0.09	0.59	0.59	0.56	0.64	NA	NA	NA	NA
0.46	NA	0.05	0.23	0.6	NA	0.54	0.0026	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.03	-0.01	0.04	0.6	1	0.8	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.03	-0.01	0.09	0.61	0.96	0.71	0.0034	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.02	-0.02	0.61	0.61	0.62	0.55	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.06	-0.06	0.01	0.61	0.29	0.0053	0.7	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.06	-0.02	0.62	0.12	5.40E-05	0.22	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.08	-0.09	0.62	0.032	0.0068	0.0013	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.04	0	0.63	0.14	0.034	1	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.09	-0.01	0.06	0.63	0.39	0.59	0.0081	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.09	0	0.05	0.63	0.19	1	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.02	0	0.09	0.64	0.94	1	0.00038	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.03	-0.05	0.01	0.64	0.1	0.086	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.08	-0.04	0.01	0.65	0.13	0.049	0.6	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.06	0	0.66	0.61	2.40E-05	0.84	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.01	0.08	0.66	0.0043	0.52	0.0037	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.01	-0.01	0.66	0.45	0.68	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.04	-0.01	0.66	1	0.085	0.82	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	-0.04	-0.02	0.66	0.073	0.11	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.05	-0.05	-0.03	0.67	0.25	0.0081	0.071	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.04	-0.04	0.67	0.94	0.13	0.26	NA	NA	NA	NA
0.08	NA	-0.06	0.05	0.67	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.05	-0.02	0.68	0.068	3.80E-05	0.069	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.09	-0.02	0.68	0.74	3.50E-06	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	-0.01	-0.05	0.69	0.14	0.81	0.12	NA	NA	NA	NA
0.01	0.11	-0.03	-0.01	0.69	0.00028	0.029	0.49	NA	NA	NA	NA
0.35	0.04	-0.08	0.01	0.7	0.56	0.00014	0.88	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.06	-0.07	0.01	0.71	0.35	0.014	0.79	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.06	0.01	0.71	0.54	0.00096	0.6	NA	NA	NA	NA

0.04	0.04	0.02	0.23	0.71	0.61	0.61	1.20E-09	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	0.02	0.02	0.71	1	0.88	0.8	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.02	0.06	0.71	0.14	0.21	4.10E-06	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.05	-0.02	0.05	0.72	0.2	0.21	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.02	0.07	0.06	0.72	1	0.8	0.82	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.09	0.01	0.72	0.22	1.80E-07	0.74	NA	NA	NA	NA
0.01	0.08	-0.02	-0.01	0.72	2.30E-05	0.06	0.61	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.08	-0.05	0.04	0.72	0.021	0.0091	0.12	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	0.02	0.02	0.72	0.64	0.44	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.02	0.01	0.72	0.54	0.37	0.43	NA	NA	NA	NA
0.69	0.46	0.04	0.09	0.72	0.012	0.33	0.039	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.03	0.02	0.73	0.59	0.11	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	0	0.02	0.74	0.73	1	0.3	NA	NA	NA	NA
0.06	0.22	0.02	-0.03	0.74	0.0085	0.74	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.26	0.14	0.19	0.49	0.74	1	0.082	8.40E-07	NA	NA	NA	NA
0.03	0.15	-0.11	-0.03	0.74	0.18	0.00013	0.45	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.07	0	0.06	0.74	0.0093	0.94	0.015	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.05	-0.07	0.74	1	0.26	0.057	NA	NA	NA	NA
0.69	0	-0.07	-0.11	0.75	1	0.35	0.055	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.06	-0.07	-0.03	0.75	0.28	0.00015	0.11	NA	NA	NA	NA
0.03	0.3	0.03	0.25	0.75	0.00034	0.54	2.00E-06	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.12	-0.09	-0.04	0.75	0.23	0.049	0.59	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.09	-0.05	0.75	0.68	0.00024	0.037	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.03	-0.03	0.76	0.35	0.088	0.083	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.09	-0.05	0.76	0.93	1.60E-06	0.017	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.01	0.03	0.76	0.72	0.68	0.18	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.11	-0.01	0.77	0.52	2.00E-05	0.79	NA	NA	NA	NA
0.07	0.87	0.06	0.03	0.77	0.34	0.11	0.54	NA	NA	NA	NA
0.02	0.24	-0.03	-0.01	0.77	0.00012	0.24	0.62	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.07	-0.05	0.01	0.77	0.12	0.041	0.87	NA	NA	NA	NA

0.65	0.45	-0.05	0.2	0.78	0.15	0.66	0.077	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.05	-0.01	0.78	0.37	0.0026	0.64	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.48	0.11	-0.07	0.78	8.40E-05	0.038	0.017	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.18	-0.08	-0.06	0.79	0.00016	0.035	0.23	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	-0.04	0	0.79	0.05	0.028	0.89	NA	NA	NA	NA
0.08	0.06	-0.01	0.15	0.8	0.32	0.73	3.10E-07	NA	NA	NA	NA
0.08	0.11	-0.03	0.07	0.8	0.48	0.75	0.18	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.08	0.11	0.81	0.78	0.00081	0.0047	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.08	-0.07	-0.01	0.81	0.0079	1.50E-06	0.75	NA	NA	NA	NA
0.02	0.11	0.01	0.06	0.81	0.015	0.64	0.013	NA	NA	NA	NA
0.33	-0.08	-0.01	0.17	0.81	0.81	0.59	2.90E-08	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.18	0.04	0.82	1	0.0056	0.67	NA	NA	NA	NA
0.03	0.13	-0.04	0.03	0.82	0.0059	0.5	0.55	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.03	-0.01	0.82	0.32	0.071	0.7	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.03	-0.07	-0.06	0.82	0.66	0.038	0.018	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.02	0.08	0.83	0.24	0.47	0.053	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	0	-0.01	0.83	0.99	1	0.54	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.03	0.03	0.84	0.53	0.0049	0.036	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	-0.1	0.11	0.84	0.62	4.60E-05	3.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.1	0.06	0.05	0.84	0.2	0.06	0.034	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.08	-0.06	0.85	0.28	1.80E-05	0.0037	NA	NA	NA	NA
0.08	0.07	-0.05	0.07	0.85	0.81	0.25	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.22	NA	-0.21	NA	0.85	NA	0.23	NA	NA	NA	NA	NA
0.08	NA	-0.06	0.11	0.85	NA	0.035	0.014	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.03	0.03	0.85	0.22	0.049	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.11	NA	-0.01	-0.03	0.85	NA	1	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.14	-0.02	0	0.86	0.25	0.46	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0.22	0	0.02	0.86	0.017	0.98	0.43	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.04	-0.11	0.86	1	0.16	5.30E-06	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.09	-0.05	0.86	1	0.00063	0.067	NA	NA	NA	NA

0.07	0.4	-0.08	0.1	0.86	0.0073	0.4	0.41	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.16	-0.06	-0.02	0.86	0.014	0.016	0.55	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	0.02	0.07	0.86	0.79	0.27	4.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	0.01	0.01	0.86	0.81	0.98	0.72	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.04	-0.02	0.86	0.057	0.0024	0.24	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	-0.06	-0.05	0.87	0.034	0.02	0.13	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.18	-0.1	0.87	0.64	2.20E-07	0.023	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.06	0.02	0.87	1	0.018	0.63	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.06	-0.05	0.05	0.88	0.74	0.0034	0.042	NA	NA	NA	NA
0.1	0	-0.1	0.08	0.88	1	0.061	0.13	NA	NA	NA	NA
0.06	0.09	-0.02	-0.01	0.88	0.7	0.49	0.76	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.06	-0.01	0.88	0.87	0.011	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.11	0.02	0.05	0.88	0.44	0.61	0.069	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.28	-0.01	0	0.88	0.0011	0.74	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.02	0	0.89	1	0.16	1	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.16	-0.06	-0.02	0.89	0.4	0.0032	0.69	NA	NA	NA	NA
0.16	0.02	-0.05	0.03	0.89	0.92	0.052	0.42	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.06	0.06	-0.02	0.89	0.78	0.52	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.03	0.07	0.89	1	0.19	0.024	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.16	-0.04	0.89	1	0.0055	0.55	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.06	0	0.11	0.89	0.49	1	0.00033	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.07	0.03	0.02	0.9	0.39	0.53	0.49	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.01	-0.01	0.07	0.9	1	0.82	0.058	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	-0.04	-0.02	0.9	0.075	0.0011	0.092	NA	NA	NA	NA
-0.2	NA	-0.26	-0.09	0.9	NA	0.0022	0.42	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.02	0.03	0.91	0.78	0.34	0.26	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.04	-0.02	0.91	0.64	0.00016	0.12	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.1	0.01	0.92	0.93	9.00E-04	0.86	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.12	-0.04	0.92	1	2.00E-05	0.3	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.05	0.01	0.92	0.89	0.0051	0.58	NA	NA	NA	NA

0.03	0.08	-0.04	0.12	0.92	0.17	0.2	0.0027	NA	NA	NA	NA
0.36	0.26	-0.1	-0.04	0.92	0.44	0.00025	0.28	NA	NA	NA	NA
0.02	0.52	-0.05	-0.03	0.93	9.30E-05	0.11	0.45	NA	NA	NA	NA
0.14	0.34	-0.01	0.05	0.93	5.00E-04	0.83	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.03	0.03	0.93	0.98	0.5	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.04	0	0.93	0.81	0.031	0.98	NA	NA	NA	NA
0.15	0.08	-0.29	0.5	0.93	0.95	0.17	0.6	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.15	-0.05	-0.02	0.94	8.50E-05	0.013	0.47	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.05	0.03	0.94	0.9	0.18	0.53	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.06	-0.04	0.94	1	0.00019	0.065	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.04	-0.01	0.94	1	0.03	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.02	-0.01	0.94	0.59	0.57	0.87	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	0.05	0.04	0.95	0.016	0.0079	0.045	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.02	-0.02	0.11	0.95	0.92	0.6	0.0042	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.06	-0.05	0.03	0.96	0.2	0.088	0.51	NA	NA	NA	NA
0.04	0.19	-0.03	0.03	0.96	0.0029	0.14	0.29	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	-0.06	0.04	0.96	1	0.093	0.37	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.07	-0.04	0.96	0.065	7.30E-05	0.029	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.01	0.06	0.96	0.023	0.31	7.10E-06	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	0	0.01	0.96	0.92	0.91	0.64	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	0.09	0.02	0.96	0.63	0.0014	0.52	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.24	-0.09	0.04	0.97	0.15	0.072	0.25	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.03	0	0.97	0.87	0.32	1	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.04	0.01	0.97	0.9	0.0066	0.48	NA	NA	NA	NA
0.01	0.11	-0.03	0.1	0.97	0.00019	0.085	5.10E-06	NA	NA	NA	NA
0.01	0.14	-0.04	0.03	0.98	0.017	0.069	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.04	-0.12	-0.13	0.99	0.52	0.00087	0.00084	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.12	0.06	-0.01	0.99	0.48	0.0066	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.01	0.03	0.99	1	1	0.52	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	0	0.06	0.99	0.097	0.98	0.06	NA	NA	NA	NA

0	0.17	-0.04	0.01	1	1.80E-08	0.045	0.55	NA	NA	NA	NA
0	0.14	-0.12	0.18	1	0.065	1.50E-05	0.00047	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.1	-0.02	0.12	1	0.16	0.12	5.90E-09	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.02	-0.09	1	0.84	1	0.19	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.03	0	1	1	0.27	0.95	NA	NA	NA	NA
0	-0.09	-0.05	0.13	1	1	0.029	0.00036	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	0.03	0.05	1	0.26	0.33	0.065	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.09	0	1	1	2.60E-05	0.96	NA	NA	NA	NA
0	0.06	-0.04	-0.01	1	0.056	0.044	0.44	NA	NA	NA	NA
0	NA	-0.2	NA	1	NA	0.0018	NA	NA	NA	NA	NA
-0.04	NA	0.03	-0.04	1	NA	0.71	0.36	NA	NA	NA	NA
0	0.08	0.02	0.04	1	0.00059	0.08	0.001	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.02	0.04	1	0.36	0.5	0.62	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.08	-0.02	1	0.81	0.021	0.65	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.08	0.01	1	1	0.005	0.88	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.05	0.06	1	0.28	0.0091	0.011	NA	NA	NA	NA
0.01	0.15	-0.01	0.02	1	0.4	0.73	0.49	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	0.01	0.04	1	1	0.76	0.19	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.04	0.03	1	0.84	0.00085	0.064	NA	NA	NA	NA
-0.3	-0.38	0	0.06	1	0.65	1	0.06	NA	NA	NA	NA
0	0.05	0	0.02	1	0.056	0.8	0.044	NA	NA	NA	NA
0.43	-0.28	-0.05	-0.04	1	0.083	0.079	0.16	NA	NA	NA	NA
0.01	0.21	-0.11	-0.1	1	0.41	0.0045	0.0034	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.04	-0.03	1	1	0.34	0.49	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.02	0.03	1	0.021	0.23	0.057	NA	NA	NA	NA
0	-0.04	-0.11	-0.05	1	0.8	5.60E-06	0.031	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.17	-0.13	-0.1	1	0.058	2.60E-06	1.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.01	-0.03	1	1	0.83	0.18	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.05	-0.01	1	1	0.083	0.92	NA	NA	NA	NA
0	-0.05	0.01	-0.01	1	0.28	0.85	0.67	NA	NA	NA	NA

0	0.03	-0.05	0.01	1	0.55	0.029	0.68	NA	NA	NA	NA
0	-0.08	-0.02	-0.02	1	0.05	0.5	0.61	NA	NA	NA	NA
0	-0.04	-0.01	0.05	1	0.065	0.26	0.00051	NA	NA	NA	NA
0.01	0.09	0.1	NA	1	0.66	0.041	NA	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.08	0.03	1	0.56	5.50E-08	0.077	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.08	-0.06	1	1	0.0049	0.015	NA	NA	NA	NA
0.01	0	0.01	0.19	1	1	0.88	0.00022	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.01	0.05	1	0.38	0.51	0.0099	NA	NA	NA	NA
0.13	0.03	-0.05	0.02	1	0.84	0.15	0.64	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.04	0.01	1	0.0075	0.00076	0.48	NA	NA	NA	NA
0	-0.13	-0.01	0.08	1	0.014	0.69	0.0027	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.1	-0.05	-0.04	1	0.11	0.028	0.06	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	0.01	0.11	1	1	0.71	0.0019	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.02	0.02	1	0.73	0.27	0.45	NA	NA	NA	NA
0	0.11	-0.11	-0.03	1	0.0055	4.50E-06	0.35	NA	NA	NA	NA
0.01	0.13	-0.05	0.02	1	0.0057	0.017	0.49	NA	NA	NA	NA
0.01	0.12	-0.01	0.05	1	0.21	0.81	0.027	NA	NA	NA	NA
0	0.06	-0.03	-0.04	1	0.35	0.29	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	-0.01	0.03	1	1	0.74	0.14	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.04	0.01	1	0.54	0.025	0.89	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	0.04	0.06	1	0.91	0.062	0.028	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	-0.09	-0.06	1	1	0.16	0.39	NA	NA	NA	NA
0	-0.06	0	0.02	1	0.27	0.96	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	0.01	0.02	1	0.95	0.87	0.62	NA	NA	NA	NA
0	0.2	-0.05	0.01	1	0.094	0.14	0.81	NA	NA	NA	NA
0.5	-0.29	-0.03	0.05	1	0.077	1	0.57	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.1	-0.01	1	0.68	0.00015	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.09	-0.08	1	0.51	6.20E-05	0.00063	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.05	0.03	0.04	1	0.42	0.39	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.04	-0.01	1	1	0.26	0.74	NA	NA	NA	NA

0.01	0.03	-0.13	-0.08	1	0.77	5.20E-06	0.0052	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.02	0	0.02	1	0.7	1	0.55	NA	NA	NA	NA
0	-0.56	0.02	0.79	1	0.96	0.89	1.20E-05	NA	NA	NA	NA
0.33	0.03	0	0	1	1	1	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.1	-0.08	-0.12	1	1	0.045	1.00E-04	NA	NA	NA	NA
0	NA	-0.49	0.37	1	NA	0.0044	0.75	NA	NA	NA	NA
0.08	0.02	-0.08	0.2	1	1	0.081	0.0078	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.01	0.02	1	0.13	0.46	0.25	NA	NA	NA	NA
0	-0.03	-0.03	0.12	1	0.82	0.36	0.0064	NA	NA	NA	NA
0	-0.4	-0.41	-0.08	1	0.67	0.073	0.88	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	0.01	0.1	1	0.82	0.86	0.0036	NA	NA	NA	NA
-0.25	-0.25	-0.08	-0.07	1	1	0.16	0.28	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	0	0.04	1	1	0.98	0.18	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.09	-0.05	1	1	9.80E-05	0.084	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.02	0.03	1	0.57	0.64	0.47	NA	NA	NA	NA
0.02	0.18	-0.04	-0.01	1	0.093	0.22	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.89	0.03	-0.02	1	2.70E-07	0.48	0.52	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.07	-0.03	1	0.61	1.60E-07	0.042	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.02	-0.04	-0.14	1	1	0.86	0.16	NA	NA	NA	NA
0	0.03	0.02	0.05	1	0.71	0.55	0.09	NA	NA	NA	NA
0.01	0.11	-0.09	0	1	0.062	0.00055	0.99	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.03	-0.06	1	0.81	0.47	0.035	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.05	-0.01	1	0.33	3.00E-04	0.4	NA	NA	NA	NA
0	-0.04	0.02	0.15	1	0.58	0.54	6.50E-05	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.15	-0.13	NA	1	0.46	0.023	NA	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.05	0.02	1	1	0.017	0.63	NA	NA	NA	NA
0	NA	NA	0	1	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.1	-0.03	0.01	1	0.23	0.12	0.73	NA	NA	NA	NA
0	-0.12	-0.05	-0.01	1	0.0067	0.076	0.8	NA	NA	NA	NA
-0.04	NA	-0.12	-0.18	1	NA	0.057	0.0057	NA	NA	NA	NA

0.08	0.06	-0.08	-0.01	1	0.39	0.012	0.84	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.07	-0.07	-0.03	1	0.008	0.0015	0.32	NA	NA	NA	NA
0.01	0.23	-0.06	-0.06	1	0.02	0.023	0.0084	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.11	-0.01	1	0.95	1.80E-05	0.94	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.02	0.03	1	0.99	0.091	0.055	NA	NA	NA	NA
0.06	0.19	-0.02	0.17	1	0.95	0.28	2.20E-05	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.16	-0.17	NA	NA	0.0028	0.54	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	0.08	NA	NA	0.23	0.12	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.15	NA	NA	NA	0.16	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.05	-0.02	0.07	NA	0.66	0.5	0.11	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	-0.03	NA	NA	0.96	0.8	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.18	NA	NA	NA	0.64	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.25	0.4	-0.02	NA	1	0.0029	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.25	-0.02	0.13	NA	0.6	0.51	0.0012	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.18	-0.07	NA	NA	0.0012	0.29	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.17	0.08	NA	0.96	5.60E-06	0.31	NA	NA	NA	NA
NA	0.35	-0.08	0	NA	0.37	0.22	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.11	NA	NA	NA	0.61	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.09	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.22	-0.04	NA	NA	0.051	0.78	NA	NA	NA	NA
NA	0.57	-0.1	-0.02	NA	1.60E-06	0.13	0.75	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.31	0.33	NA	NA	0.1	0.35	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	-0.09	NA	NA	0.7	0.24	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.16	-0.33	NA	NA	0.34	0.077	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.42	-0.18	NA	NA	0.0025	0.26	NA	NA	NA	NA
NA	-0.5	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.04	0	0	NA	0.79	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.08	-0.08	-0.01	NA	1	0.27	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	0.04	NA	NA	0.99	0.28	NA	NA	NA	NA

NA	0.17	-0.02	0.16	NA	0.65	0.63	7.80E-07	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.07	-0.11	NA	NA	0.56	0.42	NA	NA	NA	NA
NA	0.15	-0.03	-0.1	NA	0.042	0.57	0.037	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.05	-0.02	NA	NA	0.75	0.97	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.19	-0.12	NA	NA	0.0016	0.52	NA	NA	NA	NA
NA	0.09	-0.09	0.01	NA	0.49	0.035	0.83	NA	NA	NA	NA
NA	0.48	-0.03	0.21	NA	1.40E-07	0.45	3.80E-05	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.09	-0.13	NA	NA	0.22	0.075	NA	NA	NA	NA
NA	0.04	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.3	0.04	0.32	NA	0.068	0.5	0.061	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.18	0.15	NA	NA	0.5	0.4	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	0.06	NA	NA	0.9	0.66	NA	NA	NA	NA
NA	0.06	-0.16	-0.11	NA	0.19	1.70E-05	0.0078	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.6	NA	NA	NA	0.95	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.03	0.02	NA	0.92	0.17	0.47	NA	NA	NA	NA
NA	0.32	-0.03	0.05	NA	0.15	0.37	0.19	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.56	0.02	0.08	NA	0.0057	1	0.25	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.16	0.01	NA	NA	0.00017	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.15	-0.08	NA	NA	0.0056	0.27	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	-0.06	NA	NA	1	0.36	NA	NA	NA	NA
NA	0.12	0.03	0.23	NA	0.0016	0.57	1.70E-06	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	0.03	NA	NA	0.4	0.54	NA	NA	NA	NA
NA	0.09	-0.07	0.03	NA	1	0.11	0.51	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.05	0	NA	0.69	0.073	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.09	-0.03	0.35	NA	1	0.53	8.00E-04	NA	NA	NA	NA
NA	0.07	-0.01	0.05	NA	0.67	0.98	0.45	NA	NA	NA	NA

NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.8	-0.5	NA	NA	0.053	0.16	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.07	-0.06	-0.04	NA	0.39	0.1	0.29	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	-0.13	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.09	-0.08	0.03	NA	0.17	0.085	0.62	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0.03	NA	NA	0.62	0.54	NA	NA	NA	NA
NA	0	0.01	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.04	-0.05	0.08	NA	0.66	0.0042	0.0037	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.88	-0.05	0.28	NA	0.31	0.51	0.32	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	0.16	NA	NA	0.33	0.024	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	0.01	NA	NA	0.52	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.05	-0.04	NA	0.72	0.047	0.14	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.2	NA	NA	NA	0.79	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.07	NA	NA	NA	0.21	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	-0.04	NA	NA	1	0.65	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	-0.01	NA	NA	0.93	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.02	-0.02	0	NA	1	0.83	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.08	-0.07	NA	NA	0.1	0.071	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.05	0.01	NA	NA	0.51	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.11	-0.03	NA	NA	0.00011	0.44	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.23	NA	NA	NA	0.00013	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	0.01	NA	NA	0.65	1	NA	NA	NA	NA

NA	NA	-0.04	0.04	NA	NA	0.9	0.4	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.1	NA	NA	NA	0.38	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.09	NA	NA	NA	0.79	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.59	-0.06	0.02	NA	0.023	0.59	0.91	NA	NA	NA	NA
NA	0.13	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.06	-0.1	-0.03	NA	0.23	0.00032	0.49	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.5	NA	NA	NA	0.6	NA	NA	NA	NA	NA
0.6	0.05	-0.05	0.01	1.70E-09	0.25	0.086	0.84	NA	NA	NA	NA
0.84	0.1	-0.14	-0.03	6.70E-09	0.24	1.50E-09	0.53	NA	NA	NA	NA
0.2	0.14	-0.13	-0.07	8.80E-09	8.40E-06	1.10E-06	0.015	NA	NA	NA	NA
0.26	0.06	0.01	0.05	9.10E-09	0.031	0.54	0.00038	NA	NA	NA	NA
0.7	0.17	-0.1	0.19	1.40E-08	0.032	0.21	0.16	NA	NA	NA	NA
0.4	0.13	0.01	0.05	2.40E-08	0.085	0.87	0.026	NA	NA	NA	NA
0.43	0.19	-0.06	0.03	2.90E-08	0.0094	0.0014	0.089	NA	NA	NA	NA
0.09	0.01	0	0.04	2.00E-07	0.41	0.89	0.00086	NA	NA	NA	NA
0.85	0.01	-0.01	0.01	2.30E-07	1	0.68	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.4	-0.39	-0.03	0.01	5.10E-07	1.60E-06	0.29	0.68	NA	NA	NA	NA
0.13	0.01	-0.06	-0.02	6.80E-07	0.49	2.40E-08	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.12	0	0.06	7.70E-07	0.00073	0.83	5.50E-06	NA	NA	NA	NA
0.41	0.38	-0.1	-0.03	1.20E-06	5.40E-05	0.00041	0.45	NA	NA	NA	NA
-0.22	0.12	0	0.03	1.30E-06	0.017	0.97	0.24	NA	NA	NA	NA
0.44	-0.01	0.02	0.04	1.60E-06	0.9	0.58	0.071	NA	NA	NA	NA
0.3	0.1	-0.12	-0.11	3.20E-06	0.018	3.10E-09	4.40E-07	NA	NA	NA	NA
-0.45	-0.25	-0.06	-0.01	5.90E-06	0.017	0.024	0.82	NA	NA	NA	NA
-0.26	-0.04	0.03	0.07	6.70E-06	0.72	0.27	0.013	NA	NA	NA	NA
0.17	-0.01	-0.06	-0.04	9.30E-06	0.89	0.00012	0.027	NA	NA	NA	NA
0.49	-0.02	-0.04	0.02	1.10E-05	0.79	0.13	0.57	NA	NA	NA	NA
0.09	0.06	-0.02	0.02	1.40E-05	6.20E-05	0.11	0.2	NA	NA	NA	NA

0.26	0.16	-0.07	-0.05	2.10E-05	0.0015	0.0084	0.1	NA	NA	NA	NA
0.35	0.05	-0.05	-0.06	2.40E-05	0.47	0.11	0.066	NA	NA	NA	NA
0.11	0.11	-0.03	-0.01	2.50E-05	1.00E-04	0.018	0.63	NA	NA	NA	NA
0.38	-0.06	-0.06	-0.06	2.70E-05	0.45	0.1	0.026	NA	NA	NA	NA
0.37	0.1	-0.13	-0.1	3.00E-05	0.082	6.10E-08	5.60E-05	NA	NA	NA	NA
0.17	0.2	-0.07	-0.06	4.40E-05	2.20E-05	1.00E-04	0.0064	NA	NA	NA	NA
0.2	0.06	-0.04	0.01	6.50E-05	0.18	0.0051	0.51	NA	NA	NA	NA
0.13	0.09	-0.06	-0.03	9.80E-05	0.02	0.0034	0.24	NA	NA	NA	NA
0.16	0.09	-0.02	0.01	0.00011	0.00023	0.22	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.22	-0.25	-0.07	-0.05	0.00012	0.011	0.00082	0.056	NA	NA	NA	NA
0.21	0.11	-0.06	0	0.00013	0.07	0.038	1	NA	NA	NA	NA
0.12	0.07	-0.04	-0.01	0.00015	0.038	0.0013	0.43	NA	NA	NA	NA
0.37	0.25	-0.05	0.03	0.00019	0.044	0.12	0.44	NA	NA	NA	NA
0.29	0.11	-0.1	-0.03	2.00E-04	0.078	0.00018	0.37	NA	NA	NA	NA
0.23	0.14	-0.05	-0.01	0.00025	0.0044	0.002	0.61	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.16	-0.08	0.05	0.00025	0.0047	4.20E-05	0.04	NA	NA	NA	NA
0.11	0.2	0	0.04	0.00027	2.10E-09	0.86	0.057	NA	NA	NA	NA
0.11	0.17	-0.05	-0.02	0.00035	4.80E-07	0.00071	0.21	NA	NA	NA	NA
0.1	0.07	-0.03	-0.01	0.00036	0.031	0.024	0.38	NA	NA	NA	NA
0.28	-0.02	-0.05	-0.03	0.00058	0.84	0.027	0.12	NA	NA	NA	NA
0.1	0.08	0.02	0.04	0.00074	0.0067	0.55	0.085	NA	NA	NA	NA
0.1	0.01	-0.03	0.01	0.00078	0.8	0.015	0.54	NA	NA	NA	NA
0.16	0.06	-0.04	0.02	0.00078	0.11	0.041	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.02	-0.09	0	8.00E-04	0.62	0.0036	1	NA	NA	NA	NA
0.58	0.09	-0.01	0.06	0.00087	0.24	0.52	0.015	NA	NA	NA	NA
0.14	-0.01	-0.06	-0.04	9.00E-04	0.84	0.00073	0.033	NA	NA	NA	NA
0.31	0.07	0.03	0.01	0.00093	0.041	0.27	0.65	NA	NA	NA	NA
0.14	0.2	0.01	0.03	0.001	2.00E-08	0.78	0.075	NA	NA	NA	NA
0.09	0.03	-0.03	0.01	0.0012	0.14	0.11	0.43	NA	NA	NA	NA
0.29	0.2	-0.13	-0.08	0.0013	0.0015	0.00012	0.055	NA	NA	NA	NA

0.08	0.07	-0.02	0.05	0.0014	0.0049	0.16	5.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.03	-0.08	0.02	0.0014	0.28	0.0018	0.59	NA	NA	NA	NA
0.64	0.1	-0.07	0.09	0.0017	0.066	0.1	0.093	NA	NA	NA	NA
0.17	0.08	-0.01	0.01	0.002	0.052	0.82	0.75	NA	NA	NA	NA
0.23	0.16	-0.08	-0.1	0.002	0.013	0.15	0.084	NA	NA	NA	NA
0.1	0.19	-0.02	0.03	0.0022	1.00E-09	0.24	0.062	NA	NA	NA	NA
0.8	0.13	-0.1	-0.01	0.0023	0.67	0.022	0.93	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.03	-0.01	0.0023	0.017	0.028	0.61	NA	NA	NA	NA
0.4	0.08	0.09	0.05	0.0024	0.48	0.014	0.17	NA	NA	NA	NA
0.44	0.05	-0.12	0.3	0.0025	0.76	2.90E-05	4.20E-06	NA	NA	NA	NA
-0.67	-0.17	0.03	0.37	0.0034	1	0.53	2.20E-07	NA	NA	NA	NA
0.44	0.31	-0.04	0.08	0.0034	0.00095	0.075	0.0073	NA	NA	NA	NA
0.12	0.03	-0.05	-0.06	0.0042	0.43	0.026	0.0078	NA	NA	NA	NA
0.19	0.08	-0.06	-0.03	0.0054	0.29	0.023	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.13	-0.06	-0.05	0.0054	2.50E-05	3.00E-04	0.0026	NA	NA	NA	NA
0.17	0.11	-0.04	0.04	0.0062	0.0087	0.042	0.067	NA	NA	NA	NA
0.74	0.04	-0.01	0.01	0.0062	0.82	0.66	0.85	NA	NA	NA	NA
0.1	0.05	-0.01	0.01	0.0062	0.29	0.43	0.46	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.01	-0.01	0.02	0.0063	0.62	0.25	0.13	NA	NA	NA	NA
0.32	0.15	-0.04	-0.01	0.0063	0.26	0.089	0.9	NA	NA	NA	NA
0.06	0.11	0.01	0.01	0.0064	1.50E-05	0.61	0.46	NA	NA	NA	NA
0.24	0.04	-0.05	0.03	0.0064	0.24	0.0023	0.085	NA	NA	NA	NA
-0.25	0.16	0	0.11	0.0065	0.29	1	0.0025	NA	NA	NA	NA
0.13	0.12	-0.01	0.03	0.0067	0.017	0.83	0.15	NA	NA	NA	NA
0.06	0.11	-0.04	0.01	0.0069	3.00E-07	0.0037	0.51	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.06	0.02	0.007	0.31	0.0015	0.38	NA	NA	NA	NA
0.24	-0.03	-0.05	-0.01	0.0073	0.59	0.072	0.69	NA	NA	NA	NA
0.14	0.06	0.01	0.02	0.008	0.15	0.86	0.34	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.01	-0.01	0.03	0.0082	0.61	0.69	0.041	NA	NA	NA	NA
0.11	0.03	-0.04	0.01	0.0085	0.43	0.086	0.64	NA	NA	NA	NA

0.07	-0.02	-0.03	0.01	0.0095	0.94	0.15	0.85	NA	NA	NA	NA
0.17	0.15	-0.03	0.02	0.0099	0.0068	0.29	0.41	NA	NA	NA	NA
0.27	0.13	0	0.04	0.01	0.0062	1	0.13	NA	NA	NA	NA
0.51	-0.01	-0.06	0.01	0.01	1	0.082	1	NA	NA	NA	NA
-0.37	NA	0.03	0.66	0.011	NA	0.82	8.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.21	0.34	-0.04	-0.01	0.011	0.28	0.4	1	NA	NA	NA	NA
0.1	0.14	-0.04	-0.02	0.011	0.00015	0.053	0.41	NA	NA	NA	NA
0.12	0.16	-0.04	0	0.011	0.0031	0.22	1	NA	NA	NA	NA
-0.13	0.02	-0.09	-0.04	0.014	0.9	0.0017	0.34	NA	NA	NA	NA
0.09	0.07	-0.07	0	0.014	0.051	0.0066	0.96	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.01	0.02	0.014	0.13	0.33	0.019	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	-0.05	0	0.015	0.00056	2.40E-06	0.86	NA	NA	NA	NA
0.07	0.19	-0.02	0.05	0.016	0.0015	0.21	0.0036	NA	NA	NA	NA
0.14	0.05	-0.06	-0.01	0.017	0.13	0.0037	0.65	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.04	-0.08	-0.02	0.017	0.16	3.70E-05	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.01	0.05	0.05	0.019	0.99	0.085	0.032	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.01	0.01	0.03	0.019	1	0.75	0.098	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	-0.08	-0.05	0.019	0.66	4.90E-09	0.0028	NA	NA	NA	NA
0.08	0.06	-0.04	-0.01	0.023	0.0074	0.015	0.76	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.05	-0.02	0.024	0.12	0.0035	0.25	NA	NA	NA	NA
0.28	-0.09	-0.06	-0.02	0.024	0.049	0.014	0.5	NA	NA	NA	NA
0.2	0.04	0.01	0.05	0.025	0.92	0.79	0.059	NA	NA	NA	NA
0.06	0.18	-0.03	0.04	0.028	3.30E-06	0.13	0.11	NA	NA	NA	NA
0.07	0.14	-0.1	0.06	0.03	0.026	8.00E-05	0.071	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.04	0.04	0.03	0.94	0.0029	0.012	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.03	-0.01	0.05	0.032	0.29	0.65	0.00037	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.02	-0.02	0	0.032	0.84	0.33	0.93	NA	NA	NA	NA
0.09	0.09	-0.01	-0.01	0.032	0.015	0.84	0.9	NA	NA	NA	NA
0.23	0.2	0.06	0.1	0.032	0.00049	0.019	0.0055	NA	NA	NA	NA
0.2	0.02	0	-0.03	0.032	0.94	1	0.59	NA	NA	NA	NA

-0.11	-0.05	-0.01	0.03	0.033	0.67	0.53	0.094	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.05	-0.04	0.06	0.033	0.074	0.045	0.004	NA	NA	NA	NA
0.11	0.08	-0.06	0	0.034	0.017	0.019	0.99	NA	NA	NA	NA
0.66	-0.12	-0.04	0.01	0.034	0.36	0.31	0.95	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	-0.03	0.02	0.034	0.0014	0.021	0.17	NA	NA	NA	NA
0.07	0.17	0.01	0.02	0.035	9.10E-08	0.68	0.36	NA	NA	NA	NA
0.31	0.28	-0.05	-0.04	0.036	0.06	0.47	0.55	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.01	0.03	0.037	0.2	0.62	0.022	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.05	-0.01	0.038	0.19	7.60E-06	0.31	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.01	-0.01	0.042	0.026	0.59	0.88	NA	NA	NA	NA
0.2	0.48	-0.03	0.23	0.043	4.30E-05	0.68	0.046	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.03	-0.04	0.01	0.044	0.18	0.0024	0.61	NA	NA	NA	NA
-0.13	0.07	-0.04	0	0.045	0.17	0.0092	0.94	NA	NA	NA	NA
0.13	0.06	-0.03	0.01	0.046	0.081	0.06	0.82	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.03	-0.07	-0.04	0.046	0.25	2.60E-05	0.05	NA	NA	NA	NA
0.11	0.03	-0.03	0.04	0.048	0.38	0.11	0.05	NA	NA	NA	NA
0.22	0.28	-0.03	0.06	0.048	6.00E-05	0.17	0.023	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	-0.01	0.01	0.049	0.83	0.53	0.74	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.03	0	0.052	0.1	0.085	0.98	NA	NA	NA	NA
0.23	0.31	0	0.03	0.054	0.00063	1	0.46	NA	NA	NA	NA
0.34	0.14	-0.04	-0.01	0.055	0.53	0.12	0.7	NA	NA	NA	NA
0.27	0.01	-0.07	0	0.057	1	0.022	0.98	NA	NA	NA	NA
0.19	0.19	0.1	0.01	0.062	0.35	0.03	0.85	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.03	-0.02	0	0.063	0.32	0.028	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.24	-0.32	-0.04	-0.01	0.065	1.20E-05	0.11	0.93	NA	NA	NA	NA
0.08	0.01	-0.05	-0.01	0.067	0.82	0.00075	0.76	NA	NA	NA	NA
0.05	0.08	-0.02	0.03	0.068	4.00E-05	0.048	0.01	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	0	0.03	0.069	0.68	1	0.044	NA	NA	NA	NA
0.12	0.09	0.01	0.04	0.075	0.21	0.67	0.14	NA	NA	NA	NA
0.12	NA	-0.06	0.04	0.075	NA	0.034	0.15	NA	NA	NA	NA

0.14	0.08	0	0.01	0.076	0.23	1	0.61	NA	NA	NA	NA
0.05	0.09	-0.03	0.01	0.077	5.50E-06	0.06	0.41	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.03	-0.02	0.077	3.50E-05	0.17	0.13	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.06	0.02	0.06	0.079	0.0084	0.35	0.00053	NA	NA	NA	NA
0.09	0.09	0.05	0.07	0.079	0.088	0.4	0.2	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	0	0.04	0.081	0.081	0.69	1.90E-06	NA	NA	NA	NA
0.15	-0.04	0.02	0.06	0.083	0.63	0.26	0.0024	NA	NA	NA	NA
-0.14	0.05	0.04	0.09	0.086	1	0.11	5.60E-05	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	-0.02	0.04	0.087	0.0087	0.13	0.0041	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.06	0	0.088	0.85	0.002	0.96	NA	NA	NA	NA
0.14	0.05	0	-0.06	0.093	0.18	0.97	0.0099	NA	NA	NA	NA
0.43	0.1	-0.05	0.09	0.094	0.93	0.27	0.034	NA	NA	NA	NA
0.06	0.22	-0.02	-0.02	0.095	9.60E-05	0.24	0.35	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	-0.07	0.02	0.095	0.54	0.0013	0.43	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.06	-0.04	0.01	0.097	0.79	0.24	0.81	NA	NA	NA	NA
0.21	0.15	0	-0.03	0.1	0.073	1	0.39	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	0.02	0.05	0.1	0.019	0.13	0.00038	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	-0.03	0.01	0.11	3.10E-06	0.033	0.46	NA	NA	NA	NA
0.13	0.08	-0.01	0	0.11	0.37	0.97	1	NA	NA	NA	NA
0.12	0.25	-0.05	0.02	0.11	1.10E-05	0.18	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.43	0.08	-0.13	-0.19	0.11	1	0.15	0.0033	NA	NA	NA	NA
0.14	0.08	-0.01	0.02	0.11	0.26	0.45	0.25	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.03	0.04	0.11	0.79	0.018	0.034	NA	NA	NA	NA
0.1	0.11	-0.05	0.02	0.11	0.0075	0.027	0.38	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.06	0	0.11	0.61	5.40E-07	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.09	0.01	0.05	0.12	0.23	0.88	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.18	0.03	0.02	0.12	0.09	0.34	0.61	NA	NA	NA	NA
0.04	0.06	-0.03	0	0.12	0.0095	0.035	1	NA	NA	NA	NA
0.08	0.13	-0.04	0	0.12	0.029	0.14	0.96	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.04	0.03	0.12	0.12	0.015	0.17	NA	NA	NA	NA

0.1	0.15	-0.01	0.04	0.12	0.015	0.87	0.12	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.05	-0.17	-0.08	0.12	0.65	0.022	0.25	NA	NA	NA	NA
0.08	0.1	0.01	0.09	0.13	0.059	0.39	1.10E-07	NA	NA	NA	NA
0.18	0.07	-0.04	-0.02	0.14	0.13	0.066	0.29	NA	NA	NA	NA
0.07	0.06	-0.04	0.05	0.14	0.16	0.026	0.0058	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.11	0	0.03	0.14	0.01	0.93	0.23	NA	NA	NA	NA
0.12	0.17	-0.03	0.14	0.14	0.024	0.41	0.0074	NA	NA	NA	NA
0.19	0.23	-0.07	-0.15	0.14	0.098	0.58	0.14	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.02	-0.01	0	0.14	0.73	0.71	0.85	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.11	-0.02	0.08	0.14	0.12	0.49	0.0037	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.03	-0.02	0.14	0.83	0.27	0.43	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.06	0	0.01	0.14	0.054	1	0.73	NA	NA	NA	NA
0.07	0.13	0	0	0.15	0.0019	0.89	0.82	NA	NA	NA	NA
0.11	0.05	-0.01	0.12	0.15	0.099	0.85	0.00016	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.03	0.04	0.15	0.3	0.08	0.16	NA	NA	NA	NA
0.08	0.09	0.01	0.09	0.15	0.13	0.88	0.00028	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.04	-0.01	0.15	0.46	0.0054	0.46	NA	NA	NA	NA
0.07	0.92	-0.03	0.07	0.15	0.0012	0.63	0.24	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.02	-0.01	0.16	1	0.14	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.06	-0.03	-0.01	0.16	0.015	0.04	0.49	NA	NA	NA	NA
0.05	0.18	-0.02	-0.01	0.16	1.00E-05	0.46	0.7	NA	NA	NA	NA
0.07	0.23	-0.03	0	0.17	1.30E-05	0.3	0.95	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.04	-0.07	0.09	0.17	0.95	0.0082	0.09	NA	NA	NA	NA
0.07	0.29	-0.03	-0.02	0.18	2.20E-09	0.13	0.42	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.01	0.04	0.18	0.22	0.59	0.093	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.27	-0.07	-0.01	0.18	0.012	0.036	0.61	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.04	-0.01	0.18	0.13	4.00E-05	0.46	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.05	-0.04	0.02	0.19	0.13	0.014	0.25	NA	NA	NA	NA
0.09	0.1	-0.03	-0.02	0.19	0.064	0.21	0.39	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.02	0.04	0.19	0.87	0.41	0.12	NA	NA	NA	NA

-0.04	-0.01	-0.02	0.01	0.19	0.82	0.16	0.42	NA	NA	NA	NA
0.13	0.04	-0.01	0.04	0.2	0.81	0.85	0.17	NA	NA	NA	NA
0.03	0.11	-0.04	0.01	0.2	9.70E-09	0.00051	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.03	-0.1	-0.08	0.21	0.9	6.00E-05	0.0021	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	-0.05	-0.02	0.21	0.35	0.002	0.27	NA	NA	NA	NA
0.07	0.2	0.01	0.06	0.21	2.70E-06	0.56	0.00061	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.02	-0.04	0.03	0.22	0.85	0.029	0.24	NA	NA	NA	NA
0.9	0.11	-0.04	0.16	0.22	0.31	0.36	0.0019	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	-0.07	-0.05	0.22	0.46	0.053	0.16	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.07	0	0.22	0.9	0.027	1	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	-0.01	0.04	0.23	0.27	0.42	0.031	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	-0.01	-0.02	0.23	0.00063	0.55	0.19	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	-0.02	0.09	0.24	1	0.14	2.60E-06	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.06	-0.04	0.02	0.24	0.06	0.0033	0.37	NA	NA	NA	NA
0.05	0.13	-0.09	-0.05	0.24	0.0024	1.40E-05	0.023	NA	NA	NA	NA
-0.17	0.54	-0.03	-0.15	0.25	0.0052	0.66	0.00074	NA	NA	NA	NA
0.18	0.06	-0.08	0	0.25	0.92	0.0063	0.97	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	-0.07	-0.02	0.25	0.67	0.00018	0.37	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	-0.04	-0.01	0.25	0.036	0.1	0.7	NA	NA	NA	NA
0.07	0.19	-0.06	-0.03	0.26	0.00087	0.0033	0.26	NA	NA	NA	NA
0.07	0.18	-0.04	0.01	0.26	0.078	0.086	0.67	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	-0.06	0.06	0.26	0.72	0.00083	0.02	NA	NA	NA	NA
0.93	0.09	-0.01	0.11	0.26	0.63	0.75	1.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.01	-0.06	-0.01	0.27	0.97	0.0045	0.84	NA	NA	NA	NA
0.64	NA	-0.08	-0.02	0.27	NA	0.014	0.55	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.27	-0.02	0.09	0.28	0.0016	0.62	0.019	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.03	0.06	0.28	0.94	0.017	2.00E-04	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.06	-0.02	0.28	0.87	0.0052	0.59	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.04	-0.01	0.01	0.28	0.6	0.53	0.87	NA	NA	NA	NA
0.11	0.12	-0.09	-0.11	0.28	0.23	0.0097	0.0026	NA	NA	NA	NA

0.06	-0.04	-0.05	0.04	0.29	0.4	0.00098	0.11	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.04	-0.01	-0.01	0.29	0.33	0.63	0.88	NA	NA	NA	NA
0.08	0.08	-0.03	0.02	0.3	0.33	0.64	0.7	NA	NA	NA	NA
0.11	0.13	-0.03	0.05	0.3	0.068	0.49	0.083	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.07	-0.04	0.31	0.55	0.091	0.25	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.04	-0.03	0.31	0.56	0.012	0.048	NA	NA	NA	NA
0.32	0	-0.07	-0.06	0.31	1	0.012	0.22	NA	NA	NA	NA
0.05	0	0.08	0.13	0.32	1	0.0015	5.90E-07	NA	NA	NA	NA
-0.71	-0.83	-0.05	0.05	0.32	0.054	0.99	0.95	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.01	-0.05	0.06	0.32	0.88	0.0029	0.0078	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	-0.03	0.02	0.33	0.95	0.24	0.39	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.08	-0.04	0.06	0.33	0.1	0.081	0.021	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.19	0.01	0.12	0.34	0.026	0.73	1.20E-06	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.19	-0.11	-0.07	0.34	0.0093	2.60E-05	0.041	NA	NA	NA	NA
0.12	0.02	-0.09	-0.06	0.35	0.77	0.018	0.25	NA	NA	NA	NA
0.09	0.33	-0.12	-0.03	0.35	0.0011	1.50E-06	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.01	-0.02	0.01	0.36	1	0.06	0.67	NA	NA	NA	NA
0.13	0.06	-0.06	0.06	0.37	0.73	0.014	0.18	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.04	-0.05	0.37	0.0075	0.064	0.015	NA	NA	NA	NA
0.08	0.06	0	0.03	0.37	0.51	1	0.58	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.02	-0.02	0.37	0.00064	0.2	0.15	NA	NA	NA	NA
0.07	0.12	-0.03	0	0.37	0.017	0.13	0.87	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.14	-0.03	0.03	0.38	0.0078	0.11	0.24	NA	NA	NA	NA
0.16	0.2	0.05	0.15	0.38	0.5	0.85	0.072	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.08	-0.02	0.38	0.7	1.40E-07	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.07	0.06	0.02	0.38	0.89	0.2	0.54	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	0	0.04	0.39	0.035	0.92	0.012	NA	NA	NA	NA
0.21	0.08	-0.03	0.03	0.39	0.079	0.19	0.39	NA	NA	NA	NA
0.15	0.11	-0.03	0.02	0.39	0.23	0.2	0.52	NA	NA	NA	NA
0.14	0.08	-0.04	-0.03	0.39	0.8	0.57	0.38	NA	NA	NA	NA

0.24	-0.19	-0.05	-0.01	0.39	0.053	0.2	0.86	NA	NA	NA	NA
0.03	0.1	0.02	0.12	0.39	0.023	0.78	0.059	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.12	-0.01	0.13	0.4	0.037	0.98	0.0069	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.06	-0.04	0.05	0.4	0.17	0.008	0.0062	NA	NA	NA	NA
0.28	0.06	-0.06	0.07	0.4	0.97	0.016	0.018	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.01	0.01	0.4	0.19	0.84	0.7	NA	NA	NA	NA
0.17	-0.22	-0.08	0.04	0.41	0.11	0.014	0.48	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.03	0.04	0.41	0.043	0.0049	0.0087	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.03	-0.05	0.42	0.00097	0.0046	6.10E-08	NA	NA	NA	NA
0.02	0.15	0	0.04	0.42	1.80E-07	1	0.0031	NA	NA	NA	NA
0.2	0.22	-0.04	-0.02	0.43	0.32	0.58	0.89	NA	NA	NA	NA
0.09	0.24	-0.09	-0.09	0.43	0.0052	0.004	0.014	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	0.01	0.04	0.43	0.92	0.75	0.012	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	-0.03	0.07	0.44	0.0019	0.17	0.0027	NA	NA	NA	NA
0.13	0.08	-0.01	0.11	0.44	1	0.73	0.00077	NA	NA	NA	NA
-0.28	-0.07	-0.05	0.03	0.44	1	0.08	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.04	-0.07	-0.02	0.44	0.65	0.18	0.74	NA	NA	NA	NA
0.42	0.17	0.03	-0.05	0.45	0.15	0.7	0.53	NA	NA	NA	NA
-0.05	NA	-0.05	-0.01	0.45	NA	0.097	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.19	-0.03	0.09	0.45	0.00062	0.15	0.00074	NA	NA	NA	NA
0.26	0.42	-0.01	0.04	0.45	0.6	0.59	0.066	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.02	-0.07	0.03	0.46	0.75	0.029	0.57	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.06	-0.07	0.07	0.46	0.52	0.046	0.16	NA	NA	NA	NA
0.07	0.17	-0.1	0	0.47	0.018	1.10E-06	0.97	NA	NA	NA	NA
0.05	0.2	-0.01	0.01	0.47	0.0012	0.51	0.83	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	0.01	0.04	0.47	0.2	0.59	0.0033	NA	NA	NA	NA
0.04	0.08	-0.08	0.09	0.47	0.02	0.00035	0.0024	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.12	0	-0.02	0.47	0.039	1	0.45	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.06	-0.01	0.04	0.47	0.4	0.94	0.28	NA	NA	NA	NA
0.05	0.1	-0.14	-0.06	0.47	0.013	0.0013	0.22	NA	NA	NA	NA

-0.06	0.01	0.01	0.01	0.48	1	0.73	0.76	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.06	-0.02	0.48	0.42	0.0056	0.37	NA	NA	NA	NA
0.14	0.12	0.01	0.01	0.48	0.14	0.9	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.04	0.02	0.48	1	0.031	0.18	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.02	0.01	0.48	0.38	0.07	0.56	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.03	0.03	0.49	0.072	0.05	0.047	NA	NA	NA	NA
0.14	-0.07	0.03	0.02	0.49	0.58	0.1	0.28	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.03	0.02	0.49	0.88	0.61	0.6	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	0	0.01	0.49	0.11	0.73	0.42	NA	NA	NA	NA
0.03	0.12	-0.09	-0.07	0.49	0.0024	2.90E-06	0.00087	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.09	-0.05	-0.05	0.49	0.52	0.071	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.68	-0.02	0.2	0.5	3.40E-05	0.83	0.0018	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.08	-0.04	0.07	0.5	0.48	0.21	0.066	NA	NA	NA	NA
-0.35	-0.5	-0.11	-0.02	0.5	0.081	0.23	1	NA	NA	NA	NA
0.09	0.01	-0.12	0	0.5	1	4.30E-06	0.98	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	-0.04	0.05	0.5	0.022	0.052	0.067	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.01	0.04	0.51	0.57	0.35	0.0094	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	0.03	0.03	0.51	1	0.63	0.61	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.02	-0.03	0.06	0.51	0.83	0.15	0.016	NA	NA	NA	NA
0.79	0.18	-0.07	0.08	0.51	0.35	0.07	0.12	NA	NA	NA	NA
0.04	0.13	-0.11	-0.01	0.51	0.6	0.00015	0.81	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	0	0.02	0.52	0.00012	0.99	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.06	-0.06	0	0.52	0.21	0.0043	0.97	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.13	0.11	0.36	0.52	0.21	0.056	3.90E-09	NA	NA	NA	NA
0.06	0.27	-0.11	-0.08	0.53	0.00019	0.0044	0.021	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	0.21	-0.01	0.53	0.81	0.11	0.97	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.1	0.05	0.53	0.95	2.10E-05	0.13	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.04	0	0.53	0.85	0.0012	0.98	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.03	-0.02	0.08	0.53	1	0.73	0.095	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.06	-0.04	0.53	0.4	0.00012	0.018	NA	NA	NA	NA

0.16	NA	-0.08	0	0.53	NA	0.0024	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.03	-0.01	0.54	0.43	0.21	0.67	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.2	-0.16	0.54	0.64	2.30E-07	0.00014	NA	NA	NA	NA
-0.77	-0.63	-0.05	-0.02	0.54	0.81	0.055	0.56	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.02	0.02	0.55	0.32	0.35	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.1	-0.05	-0.09	0.55	0.0083	0.15	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.02	0.04	0.55	0.87	0.35	0.11	NA	NA	NA	NA
0.43	-0.35	0.43	0.2	0.55	0.36	0.0038	0.21	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.14	-0.13	-0.04	0.56	0.0031	1.00E-07	0.12	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	-0.04	0.04	0.56	0.0025	0.0059	0.052	NA	NA	NA	NA
0.07	0.13	-0.06	0.11	0.56	0.11	0.017	0.0018	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.05	-0.03	0.56	0.84	6.60E-05	0.03	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.08	-0.05	0.57	0.9	7.00E-04	0.1	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.02	-0.04	0.01	0.57	0.79	0.017	0.6	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.01	0.02	0.57	0.00074	0.43	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	-0.09	-0.07	0.58	1	0.00014	0.062	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.02	0.01	0.1	0.58	0.92	0.71	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.04	0	0.58	0.96	0.087	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	-0.03	0.02	0.59	0.032	0.1	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.69	0.01	0.09	0.59	0.073	0.69	0.0035	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.04	0.01	0.61	0.96	0.063	0.67	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.26	0.03	0.08	0.61	0.00051	0.31	0.0073	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.04	-0.04	0.02	0.61	0.42	0.077	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	0	-0.01	0.61	1	1	0.48	NA	NA	NA	NA
0.02	0	0.01	0.03	0.62	1	0.66	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.12	-0.01	0.05	0.63	0.00075	0.29	0.0017	NA	NA	NA	NA
-0.37	-0.55	-0.06	0.08	0.64	0.00031	0.013	0.017	NA	NA	NA	NA
0.07	NA	-0.11	-0.01	0.65	NA	0.0058	0.85	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	0.02	0.02	0.65	0.39	0.27	0.3	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.03	-0.04	0.65	0.87	0.05	0.054	NA	NA	NA	NA

-0.01	-0.01	-0.06	0	0.65	0.87	0.009	0.98	NA	NA	NA	NA
0.25	-0.03	-0.06	0.02	0.66	1	0.14	0.68	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	-0.12	-0.09	0.66	0.5	9.60E-05	0.004	NA	NA	NA	NA
0.08	0.06	-0.02	0.03	0.68	0.36	0.46	0.39	NA	NA	NA	NA
0.11	0.08	-0.1	-0.1	0.69	0.31	0.021	0.041	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.04	0.08	0.7	1	0.12	0.0066	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	-0.01	0.01	0.71	0.061	0.5	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.16	0.06	0.08	0.71	0.12	0.074	0.007	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	-0.05	0	0.71	0.0019	0.0033	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.04	-0.04	0.71	0.28	0.12	0.098	NA	NA	NA	NA
0.01	0.2	-0.02	-0.02	0.72	7.90E-07	0.45	0.5	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.01	-0.01	0.72	0.062	0.49	0.48	NA	NA	NA	NA
0.05	0.14	-0.11	-0.14	0.73	0.14	0.0064	0.0026	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.07	-0.06	0	0.73	0.38	0.055	0.95	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.01	0.01	0.73	0.17	0.59	0.65	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	-0.06	-0.01	0.73	0.85	0.015	0.65	NA	NA	NA	NA
0.1	0.4	-0.02	0	0.73	0.035	0.89	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	NA	0.05	0.15	0.74	NA	0.092	0.0012	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.08	-0.01	0.74	0.3	8.00E-05	0.63	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.04	0.01	0.1	0.75	0.41	0.82	2.30E-05	NA	NA	NA	NA
0.03	0.17	0.05	-0.01	0.75	5.00E-05	0.13	0.74	NA	NA	NA	NA
0.16	0.1	-0.21	-0.01	0.75	1	6.00E-04	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.08	0	0.04	0.76	0.14	0.97	0.089	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.03	0.01	0.76	0.79	0.16	0.57	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.05	-0.07	-0.08	0.76	0.62	0.021	0.00037	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.21	-0.05	0.03	0.76	1.70E-06	0.0017	0.18	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.13	0.03	-0.08	0.77	0.069	0.71	0.21	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	0.01	0.05	0.77	0.35	0.71	0.00036	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.11	-0.02	0.1	0.77	0.014	0.24	0.00033	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	-0.06	-0.03	0.78	0.0032	1.00E-04	0.077	NA	NA	NA	NA

0.01	0.01	-0.05	-0.02	0.78	0.7	0.00038	0.23	NA	NA	NA	NA
0.03	0.2	0.04	0.04	0.79	0.0013	0.057	0.015	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.05	-0.08	-0.02	0.79	0.36	0.0041	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.06	-0.04	0.8	0.11	5.20E-05	0.0034	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.01	0.01	0.81	0.89	0.66	0.84	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.07	-0.03	-0.01	0.82	0.06	0.039	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.05	0.02	0.82	0.57	0.017	0.48	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.04	0.08	0.09	0.82	0.53	0.1	0.029	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	-0.11	-0.07	0.83	0.059	4.50E-05	0.03	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.04	0	0.83	1	0.015	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.01	0.03	0.83	0.81	0.85	0.13	NA	NA	NA	NA
0.01	0.08	-0.03	0.01	0.83	0.33	0.2	0.9	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	0	0.01	0.83	0.44	0.97	0.56	NA	NA	NA	NA
0.03	0.1	0.01	0.13	0.83	0.12	0.75	4.60E-05	NA	NA	NA	NA
0.02	0.12	-0.02	0.01	0.84	0.094	0.23	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.07	-0.04	0.06	0.84	0.54	0.25	0.12	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.01	-0.08	0.85	1	0.88	0.018	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.01	-0.03	0.85	0.56	0.65	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.14	-0.04	-0.02	0.85	3.50E-07	0.00045	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.14	-0.04	0	0.86	0.22	0.14	1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.16	-0.02	0.02	0.86	0.0048	0.59	0.69	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.1	-0.03	-0.01	0.86	0.12	0.28	0.84	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.05	-0.04	0.86	0.58	0.26	0.57	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.13	0.04	0	0.86	0.0099	0.081	1	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.04	-0.02	0	0.88	0.96	0.81	1	NA	NA	NA	NA
-0.12	NA	-0.18	-0.11	0.88	NA	0.013	0.34	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.06	-0.09	0.89	1	0.02	0.00068	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.08	-0.03	-0.03	0.89	0.2	0.23	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	0.02	0.06	0.89	1	0.46	0.096	NA	NA	NA	NA
0.02	0.2	0	0.03	0.89	0.00091	0.91	0.11	NA	NA	NA	NA

-0.01	0.06	-0.05	0	0.9	0.0079	0.0013	0.88	NA	NA	NA	NA
0.02	0.44	0	0.03	0.9	1.60E-05	1	0.58	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	0	0.05	0.9	0.65	1	0.16	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.04	-0.06	0	0.9	0.73	0.00049	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.02	-0.01	0.92	1	0.55	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.1	0.01	0.05	0.92	2.00E-04	1	0.46	NA	NA	NA	NA
0.02	0.17	-0.05	0.04	0.92	0.061	0.023	0.2	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.09	0.08	0.92	0.14	1.00E-06	0.0023	NA	NA	NA	NA
0.05	0.08	-0.05	0.04	0.94	0.16	0.0018	0.057	NA	NA	NA	NA
0.03	0.12	-0.04	0.04	0.94	0.12	0.16	0.099	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.16	-0.01	0.03	0.95	0.12	1	0.49	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.06	-0.01	0.95	0.3	0.00027	0.42	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.04	-0.06	0.96	0.19	0.0098	0.00025	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.05	-0.01	0.97	0.66	0.042	0.66	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	0.06	0.07	0.97	1	0.054	0.0074	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.06	-0.03	-0.03	0.97	0.048	0.099	0.14	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	0	-0.06	0.98	0.85	1	0.083	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.07	-0.02	0.98	1	0.0046	0.53	NA	NA	NA	NA
0	0.06	-0.02	0.03	0.99	0.06	0.21	0.08	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.09	-0.03	-0.03	0.99	0.35	0.68	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.38	0.01	0.01	1	0.3	0.97	0.97	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	-0.09	-0.05	1	0.23	0.088	0.42	NA	NA	NA	NA
0	0.05	0	0.01	1	0.75	1	0.99	NA	NA	NA	NA
0.5	0.05	-0.08	0.08	1	1	0.065	0.31	NA	NA	NA	NA
0	-0.03	-0.07	-0.01	1	0.44	1.40E-07	0.59	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.02	-0.04	-0.04	1	1	0.69	0.49	NA	NA	NA	NA
0.08	NA	0.06	0.12	1	NA	0.1	0.022	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.05	-0.01	1	1	0.033	0.74	NA	NA	NA	NA
-0.2	-0.27	0.11	0.3	1	1	0.82	0.16	NA	NA	NA	NA
0	0.05	0.03	0.07	1	0.13	0.29	0.009	NA	NA	NA	NA

0	0.03	-0.02	0	1	0.26	0.027	0.83	NA	NA	NA	NA
0	0.2	0.02	0.07	1	8.90E-05	0.61	0.04	NA	NA	NA	NA
0.02	NA	-0.05	-0.03	1	NA	0.5	0.63	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.02	0.01	1	0.58	0.23	0.46	NA	NA	NA	NA
0	-0.11	-0.13	-0.1	1	0.23	8.30E-06	8.00E-05	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.21	-0.09	0	1	0.11	0.042	1	NA	NA	NA	NA
0	0.29	-0.07	0.04	1	0.33	0.0094	0.3	NA	NA	NA	NA
0.05	0.36	-0.11	-0.13	1	1.70E-05	0.00056	4.50E-05	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.23	-0.03	0.14	1	0.081	0.45	0.00051	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.15	0	0.09	1	0.26	1	0.0021	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.09	0	0.09	1	0.96	1	0.01	NA	NA	NA	NA
0	0.23	0.04	-0.01	1	0.00063	0.41	0.83	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.08	-0.03	-0.03	1	0.92	0.45	0.43	NA	NA	NA	NA
0.09	NA	0.07	0.23	1	NA	0.38	0.004	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.02	0.04	1	0.81	0.22	0.034	NA	NA	NA	NA
0	-0.13	0	0.02	1	0.006	1	0.27	NA	NA	NA	NA
0.09	0.13	0.01	0.04	1	0.094	0.93	0.45	NA	NA	NA	NA
0	-0.17	0.04	0.11	1	1	0.57	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.33	0.02	0.8	1	0.00088	0.77	0.0088	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.11	-0.03	1	0.66	0.00055	0.42	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.05	0.04	1	0.74	0.007	0.07	NA	NA	NA	NA
0.02	0.11	-0.02	0.04	1	1	0.52	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.09	-0.03	0.15	1	0.37	0.59	0.0031	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.32	-0.34	1	1	4.40E-05	2.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.1	0.04	NA	1	0.78	0.77	NA	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.14	-0.02	0.06	1	0.029	0.39	0.029	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.12	0.67	1	1	0.13	0.0012	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.02	-0.08	-0.02	1	0.54	5.10E-06	0.39	NA	NA	NA	NA
0.3	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.1	-0.13	1	0.9	4.40E-06	9.10E-08	NA	NA	NA	NA

-0.04	-0.01	-0.04	0.01	1	1	0.35	0.93	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.03	-0.03	1	0.94	0.2	0.18	NA	NA	NA	NA
0	0.11	-0.08	0.01	1	0.099	0.0075	0.89	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.06	-0.01	1	0.11	0.0021	0.89	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.03	0.02	1	1	0.17	0.44	NA	NA	NA	NA
0.04	0.22	0.03	0.09	1	0.0019	0.56	0.0032	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.12	-0.05	0.03	1	0.49	0.16	0.42	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.01	0.07	1	0.88	1	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.03	0.04	1	0.78	0.079	0.04	NA	NA	NA	NA
0.01	0.14	0.04	0.07	1	0.12	0.27	0.031	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.06	-0.07	-0.04	1	0.63	0.0033	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.2	-0.14	-0.07	1	0.25	1.30E-05	0.052	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.18	-0.07	0.01	1	0.12	0.00083	0.8	NA	NA	NA	NA
0	-0.53	0.06	0.31	1	0.0029	0.83	0.11	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.01	0.04	1	0.08	0.8	0.042	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.04	-0.07	0.1	1	0.63	0.12	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.08	0.03	0.03	1	0.47	0.25	0.22	NA	NA	NA	NA
0	NA	-0.12	-0.13	1	NA	0.16	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	0.02	0.05	1	0.45	0.76	0.41	NA	NA	NA	NA
0.05	0.3	-0.06	-0.12	1	0.57	0.3	0.0026	NA	NA	NA	NA
0.07	0.16	0.05	-0.06	1	0.82	0.34	0.046	NA	NA	NA	NA
0	0.19	-0.06	0.06	1	0.085	0.056	0.21	NA	NA	NA	NA
0.26	0.24	-0.15	-0.13	1	0.11	0.00085	0.092	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.23	-0.06	-0.03	1	0.0047	0.025	0.34	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.03	0.02	1	0.17	0.046	0.14	NA	NA	NA	NA
0.52	-0.21	-0.12	0.04	1	0.16	3.40E-08	0.16	NA	NA	NA	NA
0	-0.03	-0.01	-0.02	1	0.33	0.86	0.5	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	0	0.07	1	0.79	1	0.085	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.01	-0.03	1	0.28	0.84	0.46	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.12	0.01	1	0.44	7.30E-05	0.93	NA	NA	NA	NA

0.02	0.05	0.01	-0.05	1	0.86	0.91	0.08	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.02	-0.01	1	1	0.44	0.87	NA	NA	NA	NA
0.01	0.12	-0.04	0.02	1	0.037	0.039	0.35	NA	NA	NA	NA
0.03	0.13	-0.05	0.02	1	0.22	0.012	0.56	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.06	-0.01	1	1	0.061	0.98	NA	NA	NA	NA
0	-0.04	-0.03	0.01	1	0.38	0.075	0.38	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	0.13	NA	NA	1	0.085	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.05	-0.06	-0.02	NA	0.16	0.0022	0.42	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	0.39	NA	NA	0.37	0.33	NA	NA	NA	NA
NA	0.94	-0.03	0.04	NA	0.22	0.53	0.48	NA	NA	NA	NA
NA	-0.33	-0.11	NA	NA	0.65	0.49	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.07	0.1	NA	0.82	0.048	0.11	NA	NA	NA	NA
NA	0.16	-0.17	0.06	NA	0.97	0.0017	0.4	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.11	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.08	0.2	NA	NA	0.46	0.27	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	0	NA	NA	0.3	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.18	0.06	NA	NA	0.0043	0.48	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.05	0.06	NA	NA	0.41	0.31	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.08	NA	NA	1	0.084	NA	NA	NA	NA
NA	0.29	-0.02	0.02	NA	0.006	0.58	0.83	NA	NA	NA	NA
NA	0.24	-0.04	0.05	NA	0.063	0.12	0.093	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.05	0.4	NA	NA	0.29	3.90E-06	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	0	NA	NA	0.88	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.09	NA	NA	NA	0.18	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.16	0.5	NA	NA	0.068	0.00083	NA	NA	NA	NA
NA	0	0.5	0.57	NA	1	0.48	0.15	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.14	NA	NA	NA	0.099	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	0	NA	NA	0.93	1	NA	NA	NA	NA

NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.08	-0.01	0.36	NA	1	1	0.022	NA	NA	NA	NA
NA	0	-0.13	-0.03	NA	1	0.0081	0.85	NA	NA	NA	NA
NA	0.1	-0.05	-0.08	NA	0.73	0.33	0.2	NA	NA	NA	NA
NA	0.69	-0.27	0.19	NA	0.054	9.10E-06	0.22	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.12	0.16	NA	NA	0.07	0.0075	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.09	-0.06	NA	NA	0.069	0.47	NA	NA	NA	NA
NA	0.86	0.1	NA	NA	6.30E-06	0.39	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.14	NA	NA	1	0.0092	NA	NA	NA	NA
NA	0.15	-0.04	-0.08	NA	0.9	0.44	0.14	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.56	-0.02	0.01	NA	1.10E-05	0.38	0.81	NA	NA	NA	NA
NA	-0.43	-0.08	0.07	NA	0.011	0.46	0.6	NA	NA	NA	NA
NA	0.83	-0.07	0.28	NA	0.0044	0.092	3.30E-05	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	0.29	NA	NA	1	0.15	NA	NA	NA	NA
NA	0	0.07	-0.02	NA	1	0.34	0.73	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.04	-0.07	-0.05	NA	0.14	0.017	0.15	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.15	NA	NA	1	0.08	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.33	0.05	NA	NA	0.014	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.09	0.11	NA	1	0.066	0.083	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	0.12	NA	NA	0.73	0.043	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.21	-0.04	NA	NA	0.1	0.97	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	0.23	NA	NA	1	0.0094	NA	NA	NA	NA
NA	0.82	0.02	0.04	NA	0.0065	0.86	0.51	NA	NA	NA	NA

NA	NA	0.12	NA	NA	NA	0.34	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.2	0	NA	NA	0.45	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.25	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.07	-0.04	0.09	NA	0.42	0.39	0.015	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.07	NA	NA	NA	0.62	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	0.18	NA	NA	0.82	0.05	NA	NA	NA	NA
NA	-0.02	-0.1	-0.03	NA	1	0.015	0.58	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	0.01	NA	NA	0.14	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.08	-0.02	0.04	NA	1	0.69	0.56	NA	NA	NA	NA
NA	-0.01	-0.01	0.03	NA	1	0.81	0.24	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.23	NA	NA	NA	0.15	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	0	NA	NA	0.68	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.6	NA	NA	NA	0.12	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0	NA	NA	0.95	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	0.01	NA	NA	0.84	0.92	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	-0.06	NA	NA	0.4	0.17	NA	NA	NA	NA
NA	0.33	0.04	NA	NA	0.81	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.22	0.07	0.24	NA	0.77	0.083	9.50E-07	NA	NA	NA	NA
NA	0.56	-0.18	-0.11	NA	3.80E-05	0.00042	0.1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.07	0.17	NA	NA	0.39	0.0029	NA	NA	NA	NA
NA	0.06	-0.12	0.01	NA	0.7	0.00027	0.87	NA	NA	NA	NA
-0.49	-0.39	-0.11	-0.07	8.60E-08	0.001	0.031	0.28	NA	NA	NA	NA
0.33	-0.07	-0.06	0.05	1.70E-07	0.043	0.044	0.14	NA	NA	NA	NA
0.2	-0.01	0	0.06	1.80E-07	0.82	1	0.0011	NA	NA	NA	NA
0.11	0.08	-0.01	0	2.40E-07	4.50E-05	0.55	0.81	NA	NA	NA	NA
0.19	0.02	0	-0.04	3.10E-07	0.47	1	0.38	NA	NA	NA	NA
0.21	0.16	-0.04	0.04	5.60E-07	1.30E-05	0.038	0.035	NA	NA	NA	NA
0.23	0.1	-0.02	0.02	6.80E-07	0.0062	0.16	0.14	NA	NA	NA	NA

0.37	0.08	-0.05	0	9.70E-07	0.052	0.012	0.91	NA	NA	NA	NA
0.18	0.04	-0.06	0.04	2.60E-06	0.32	0.016	0.099	NA	NA	NA	NA
0.81	0	-0.08	0.02	6.00E-06	1	0.013	0.63	NA	NA	NA	NA
0.14	0.07	-0.08	-0.06	6.50E-06	0.028	5.50E-08	0.0012	NA	NA	NA	NA
0.54	0.04	-0.09	-0.03	6.60E-06	0.81	0.0011	0.59	NA	NA	NA	NA
0.1	0.05	-0.02	0.01	6.70E-06	0.031	0.12	0.71	NA	NA	NA	NA
0.68	-0.07	-0.06	0.1	7.90E-06	0.065	0.015	0.0025	NA	NA	NA	NA
0.1	0.05	-0.02	0.06	8.40E-06	0.008	0.32	0.00089	NA	NA	NA	NA
0.12	0.01	-0.03	0.03	9.70E-06	0.86	0.038	0.19	NA	NA	NA	NA
0.42	0.09	-0.02	0.06	1.30E-05	0.24	0.62	0.16	NA	NA	NA	NA
0.21	0.2	-0.01	0.03	2.20E-05	2.50E-06	0.76	0.066	NA	NA	NA	NA
0.3	0.22	0	0.08	3.50E-05	0.0023	1	0.0097	NA	NA	NA	NA
0.16	0.06	-0.07	0	4.10E-05	0.031	0.00042	1	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.04	-0.03	0	4.50E-05	0.2	0.042	1	NA	NA	NA	NA
0.72	0.15	-0.02	0.04	5.50E-05	0.01	0.32	0.18	NA	NA	NA	NA
0.25	0.22	-0.02	-0.03	6.30E-05	4.70E-06	0.5	0.45	NA	NA	NA	NA
0.24	0.12	-0.01	0.06	6.30E-05	7.20E-06	0.27	9.60E-07	NA	NA	NA	NA
0.37	0.17	-0.1	0.02	7.30E-05	0.045	0.077	0.8	NA	NA	NA	NA
0.12	0.06	-0.01	0.05	0.00013	0.021	0.52	0.00084	NA	NA	NA	NA
0.52	-0.05	-0.07	0.01	0.00014	0.77	0.012	0.84	NA	NA	NA	NA
0.11	0.05	-0.03	-0.01	0.00015	0.0074	0.098	0.52	NA	NA	NA	NA
0.17	0.27	-0.04	-0.02	0.00023	1.50E-08	0.01	0.35	NA	NA	NA	NA
0.17	0.09	0	0	0.00023	0.0021	0.95	0.81	NA	NA	NA	NA
0.2	0.04	-0.07	0.04	0.00025	0.27	0.087	0.44	NA	NA	NA	NA
0.61	0.13	-0.14	0.06	0.00027	0.48	0.0049	0.55	NA	NA	NA	NA
0.11	0.02	-0.08	-0.06	0.00027	0.66	0.021	0.085	NA	NA	NA	NA
0.37	0.25	-0.01	0.09	0.00028	0.0039	0.9	0.00017	NA	NA	NA	NA
0.61	0.49	0.01	0.09	0.00028	0.0042	0.9	0.15	NA	NA	NA	NA
0.15	0.07	-0.02	-0.04	0.00039	0.04	0.43	0.22	NA	NA	NA	NA
0.18	0.07	-0.04	0.09	0.00052	0.086	0.11	0.016	NA	NA	NA	NA

0.17	0.06	-0.08	0	0.00053	0.047	3.60E-05	0.9	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.09	-0.01	-0.01	0.00054	0.19	0.69	0.72	NA	NA	NA	NA
0.18	0.08	0.02	0.07	0.00059	0.013	0.25	0.0017	NA	NA	NA	NA
0.11	0.04	-0.01	0.03	0.00061	0.13	0.71	0.18	NA	NA	NA	NA
0.14	0	-0.05	0.04	0.00063	0.99	0.00093	0.0096	NA	NA	NA	NA
0.24	-0.02	-0.01	0.08	0.00067	0.72	0.7	0.0065	NA	NA	NA	NA
-0.88	-0.82	-0.06	0.02	0.00071	0.00078	0.0013	0.42	NA	NA	NA	NA
0.14	0.09	0.07	0.08	0.00073	0.0055	0.0047	0.0041	NA	NA	NA	NA
0.09	0.07	-0.02	0	0.00074	0.0018	0.11	0.85	NA	NA	NA	NA
0.17	0.01	-0.08	-0.03	0.00075	0.91	0.034	0.57	NA	NA	NA	NA
0.31	0.21	0.05	0.01	0.00082	0.012	0.3	0.82	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.11	-0.06	0.01	0.00085	0.0057	0.0025	0.53	NA	NA	NA	NA
0.19	0.02	-0.02	0.03	0.00089	0.49	0.2	0.077	NA	NA	NA	NA
0.11	0.04	-0.01	0.03	0.00092	0.11	0.59	0.14	NA	NA	NA	NA
0.26	-0.01	-0.14	0.1	0.0011	1	4.50E-08	0.0046	NA	NA	NA	NA
0.2	0.17	-0.04	0.03	0.0011	0.00053	0.067	0.3	NA	NA	NA	NA
0.19	0.14	-0.08	-0.01	0.0012	0.0011	3.00E-06	0.63	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.01	-0.07	0	0.0012	0.6	2.20E-09	0.78	NA	NA	NA	NA
0.3	-0.01	0.01	0.05	0.0017	1	0.85	0.14	NA	NA	NA	NA
0.11	0.07	0	0.03	0.0019	0.054	1	0.18	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.04	-0.01	0.0019	0.0034	5.50E-05	0.37	NA	NA	NA	NA
0.08	0	-0.01	0.02	0.0021	1	0.29	0.32	NA	NA	NA	NA
0.26	-0.2	-0.03	0.13	0.0022	5.80E-07	0.46	0.00038	NA	NA	NA	NA
0.19	0.03	-0.02	0.05	0.0023	0.66	0.56	0.044	NA	NA	NA	NA
0.51	0.01	-0.03	0.01	0.0025	1	0.26	0.82	NA	NA	NA	NA
0.46	0.18	-0.01	0.29	0.0027	0.65	1	0.0071	NA	NA	NA	NA
0.32	0.24	-0.03	0.11	0.0027	0.018	0.53	0.098	NA	NA	NA	NA
0.43	0.17	-0.06	0.07	0.0028	0.035	0.044	0.076	NA	NA	NA	NA
0.9	0.09	-0.04	-0.04	0.0028	0.045	0.21	0.15	NA	NA	NA	NA
0.34	-0.03	-0.03	0.04	0.0028	0.51	0.1	0.037	NA	NA	NA	NA

0.07	0.1	-0.02	0.02	0.0028	9.10E-06	0.18	0.17	NA	NA	NA	NA
0.2	0	0.02	0.09	0.0032	1	0.45	0.00097	NA	NA	NA	NA
-0.23	0.21	0.03	0.01	0.0033	0.024	0.65	0.79	NA	NA	NA	NA
0.55	0.21	0.12	0	0.0036	0.35	0.27	1	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.02	-0.06	0.06	0.0037	0.64	0.038	0.088	NA	NA	NA	NA
0.12	0	-0.02	0	0.004	1	0.22	0.8	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.03	-0.04	0.03	0.0041	0.4	0.012	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.22	-0.1	-0.23	-0.16	0.0043	0.13	2.30E-08	6.50E-05	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.1	0	0.02	0.0045	0.09	1	0.48	NA	NA	NA	NA
0.15	0.19	-0.07	-0.09	0.0045	1.40E-07	0.00024	6.40E-06	NA	NA	NA	NA
0.26	0.05	-0.05	0.02	0.0046	0.84	0.39	0.96	NA	NA	NA	NA
0.22	-0.02	-0.04	0.01	0.0047	0.81	0.083	0.82	NA	NA	NA	NA
0.13	0	0	0	0.0051	1	1	0.98	NA	NA	NA	NA
0.23	0	-0.11	0.03	0.0053	1	2.00E-05	0.35	NA	NA	NA	NA
0.09	0.13	-0.01	0.08	0.0053	3.20E-05	0.73	6.10E-05	NA	NA	NA	NA
0.12	0.14	-0.06	0.03	0.0064	0.0019	0.00028	0.21	NA	NA	NA	NA
0.89	0.39	-0.09	0.33	0.0065	5.30E-05	0.047	0.0026	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.03	-0.08	-0.04	0.0065	0.17	4.80E-06	0.0075	NA	NA	NA	NA
0.88	0.22	-0.06	0.08	0.0071	0.006	0.036	0.74	NA	NA	NA	NA
0.95	0.14	-0.1	-0.08	0.008	0.24	0.00086	0.015	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.01	-0.06	-0.05	0.008	0.75	0.012	0.025	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.03	-0.02	0.008	0.07	0.07	0.23	NA	NA	NA	NA
0.15	0.1	-0.08	0.21	0.0082	0.099	0.043	2.00E-06	NA	NA	NA	NA
0.89	-0.01	0.05	0.06	0.0087	0.99	0.21	0.031	NA	NA	NA	NA
0.1	0.01	-0.01	0.03	0.0088	0.87	0.44	0.0046	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.22	0.03	0.14	0.0089	9.40E-06	0.29	8.20E-05	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.02	-0.06	0.01	0.0091	0.51	0.00012	0.7	NA	NA	NA	NA
0.09	0.02	-0.06	-0.01	0.0092	0.4	2.60E-06	0.24	NA	NA	NA	NA
0.78	0.03	-0.1	0.22	0.0092	1	0.0041	0.00041	NA	NA	NA	NA
0.66	0.08	-0.13	-0.05	0.0099	0.57	0.051	0.69	NA	NA	NA	NA

0.12	0.07	-0.04	0.04	0.01	0.005	0.00035	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.19	0.02	0.04	0.05	0.01	0.92	0.051	0.022	NA	NA	NA	NA
0.09	0.06	-0.04	-0.02	0.011	0.024	0.0046	0.33	NA	NA	NA	NA
0.1	0.09	-0.04	0	0.011	0.013	0.00035	0.85	NA	NA	NA	NA
0.08	0	-0.06	0.02	0.011	1	0.00042	0.41	NA	NA	NA	NA
0.4	-0.09	-0.06	0.02	0.011	0.068	0.063	0.65	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.01	-0.02	0.012	0.0038	0.59	0.19	NA	NA	NA	NA
0.14	0.21	-0.06	-0.05	0.012	0.0012	0.07	0.035	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.01	-0.01	0.013	0.07	0.65	0.62	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.04	-0.02	-0.01	0.014	0.079	0.077	0.42	NA	NA	NA	NA
0.12	0	-0.06	0	0.014	1	0.00036	0.99	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.04	-0.05	-0.03	0.014	0.042	0.00078	0.046	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.09	-0.01	0.08	0.015	0.02	0.49	7.30E-05	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.06	-0.02	0.02	0.015	0.001	0.14	0.13	NA	NA	NA	NA
0.14	0.14	0.02	0.05	0.015	0.092	0.52	0.032	NA	NA	NA	NA
-0.24	-0.2	-0.09	0.06	0.015	0.056	0.0084	0.13	NA	NA	NA	NA
0.27	0.11	0.02	0.09	0.017	0.19	0.43	0.00027	NA	NA	NA	NA
0.25	0.2	0.02	0.03	0.017	0.0037	0.67	0.46	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.07	0	0.017	0.15	0.0056	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	0.03	0.05	0.018	0.27	0.021	1.70E-06	NA	NA	NA	NA
0.13	0.09	-0.02	0.12	0.018	0.077	0.17	2.10E-09	NA	NA	NA	NA
0.14	0.01	-0.01	0	0.018	0.95	0.71	0.88	NA	NA	NA	NA
0.14	0.29	-0.01	0.1	0.018	4.10E-06	0.77	0.00018	NA	NA	NA	NA
0.33	0.04	0	0.12	0.018	0.77	1	0.019	NA	NA	NA	NA
0.22	-0.05	-0.08	0.09	0.019	0.97	0.045	0.2	NA	NA	NA	NA
0.13	0.02	0	0	0.019	0.55	1	0.96	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.09	0	0.04	0.019	0.074	0.93	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.02	0	0	0.019	0.89	1	0.98	NA	NA	NA	NA
0.26	-0.04	0.03	-0.02	0.021	0.81	0.43	0.57	NA	NA	NA	NA
0.14	0.11	0.02	0.07	0.021	0.047	0.18	3.90E-05	NA	NA	NA	NA

0.06	0.03	-0.05	-0.04	0.022	0.08	0.013	0.045	NA	NA	NA	NA
0.12	0.03	-0.05	-0.03	0.022	0.39	0.18	0.36	NA	NA	NA	NA
0.15	0.09	-0.05	0.01	0.022	0.077	0.0036	0.56	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.04	0.03	0.023	0.052	0.031	0.24	NA	NA	NA	NA
-0.25	-0.23	-0.03	0.17	0.023	0.0059	0.4	0.00037	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	-0.05	0	0.023	0.022	0.0036	0.84	NA	NA	NA	NA
-0.83	-0.74	-0.09	0.05	0.023	0.039	0.013	0.35	NA	NA	NA	NA
0.33	0.32	0.19	0.27	0.024	0.0035	0.0031	3.60E-05	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.02	0.01	0.01	0.024	0.61	0.54	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.17	0.02	-0.01	0.025	0.00016	0.54	0.9	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	-0.04	0.01	0.025	0.71	0.063	0.77	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.04	0.01	0.027	0.21	0.02	0.8	NA	NA	NA	NA
0.21	0.15	0.03	0.01	0.028	0.00025	0.36	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.11	-0.05	0.09	0.028	0.021	0.062	0.018	NA	NA	NA	NA
0.11	0.22	-0.04	-0.01	0.029	0.00029	0.07	0.81	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	0.03	0.02	0.03	0.31	0.35	0.62	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.01	-0.08	0.01	0.03	0.8	1.20E-06	0.63	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.06	-0.05	0.032	0.0056	1.00E-05	0.001	NA	NA	NA	NA
0.15	0.31	0.11	0.14	0.033	5.10E-09	0.062	0.074	NA	NA	NA	NA
0.15	0.05	-0.01	0.06	0.034	0.19	0.65	0.023	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.02	0.03	0.034	0.61	0.18	0.021	NA	NA	NA	NA
0.11	0.06	-0.02	0.07	0.034	0.19	0.92	0.36	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	-0.02	0	0.036	4.80E-05	0.14	0.92	NA	NA	NA	NA
0.11	0.13	0	0.02	0.036	0.002	0.87	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.06	-0.06	0.02	0.038	0.12	0.0063	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.23	-0.18	0.05	0.11	0.038	0.046	0.13	0.0065	NA	NA	NA	NA
0.06	0.13	-0.04	-0.01	0.04	1.30E-06	0.092	0.71	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.02	-0.02	0.05	0.042	0.57	0.44	0.04	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.16	-0.01	0.05	0.043	0.00032	0.66	0.072	NA	NA	NA	NA
-0.25	-0.23	-0.21	-0.26	0.043	0.011	0.0065	0.0012	NA	NA	NA	NA

0.1	0.03	-0.02	0.06	0.044	0.58	0.46	0.011	NA	NA	NA	NA
0.19	0.01	-0.05	-0.02	0.044	1	0.028	0.73	NA	NA	NA	NA
0.17	0.11	-0.07	0.06	0.044	0.31	0.034	0.25	NA	NA	NA	NA
0.15	-0.14	0.02	0.06	0.044	0.0069	0.38	0.039	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.01	0.04	0.045	0.81	0.31	0.00094	NA	NA	NA	NA
0.07	0	-0.03	0.03	0.047	1	0.14	0.12	NA	NA	NA	NA
0.13	0.06	-0.04	-0.02	0.048	0.4	0.038	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.27	-0.19	-0.11	0.048	0.00016	0.00011	0.036	NA	NA	NA	NA
0.14	-0.05	0.02	0.07	0.051	0.31	0.41	0.00042	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.03	0.02	0.051	0.25	0.0081	0.25	NA	NA	NA	NA
0.11	0.02	-0.01	0.03	0.052	0.71	0.88	0.18	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	-0.04	0	0.054	0.012	0.016	1	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.12	-0.08	-0.12	0.055	0.14	0.041	0.003	NA	NA	NA	NA
0.55	-0.14	0.01	0	0.055	0.16	0.83	1	NA	NA	NA	NA
0.17	-0.06	-0.16	-0.16	0.056	0.61	0.022	0.021	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.07	-0.1	-0.03	0.056	0.34	0.00024	0.36	NA	NA	NA	NA
0.08	0.07	-0.07	-0.01	0.056	0.025	0.0023	0.73	NA	NA	NA	NA
0.14	0	-0.05	0	0.057	1	0.0025	0.92	NA	NA	NA	NA
0.12	0.37	-0.03	-0.09	0.058	1.70E-08	0.63	0.014	NA	NA	NA	NA
0.21	0.26	-0.1	0.02	0.059	0.0088	0.034	0.74	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.04	0.03	0.05	0.06	0.11	0.0026	1.10E-05	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.03	0	0.061	0.53	0.016	0.98	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.01	0.03	0.062	0.23	0.47	0.017	NA	NA	NA	NA
-0.39	-0.34	-0.12	-0.11	0.063	0.11	0.46	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.41	-0.05	0.1	0.064	3.20E-05	0.64	0.29	NA	NA	NA	NA
-0.24	-0.01	-0.22	-0.1	0.065	1	0.0027	0.17	NA	NA	NA	NA
0.39	NA	-0.02	0.05	0.065	NA	0.79	0.39	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.02	-0.05	0.03	0.066	0.74	0.014	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.13	-0.13	-0.15	0.067	5.00E-05	1.10E-06	5.50E-09	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.06	-0.09	-0.02	0.07	0.2	0.00018	0.6	NA	NA	NA	NA

-0.06	-0.03	0	0.03	0.071	0.37	0.98	0.054	NA	NA	NA	NA
0.06	0.1	-0.08	-0.02	0.074	2.20E-05	2.60E-06	0.4	NA	NA	NA	NA
0.11	0.03	-0.09	-0.01	0.074	0.48	2.30E-06	0.58	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.06	-0.01	0.076	0.03	1.00E-09	0.58	NA	NA	NA	NA
0.07	0.2	-0.02	0.05	0.079	5.40E-06	0.24	0.0042	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.03	-0.11	-0.02	0.082	0.77	0.00031	0.55	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.01	0	0.084	0.11	0.71	0.92	NA	NA	NA	NA
0.13	0.08	-0.08	-0.05	0.085	0.41	0.0018	0.086	NA	NA	NA	NA
0.13	0.15	-0.06	0	0.087	0.03	0.0045	1	NA	NA	NA	NA
0.09	0.06	-0.05	-0.03	0.087	0.03	0.03	0.39	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.08	-0.01	0.088	0.8	5.40E-07	0.76	NA	NA	NA	NA
0.11	0.29	-0.08	-0.06	0.089	8.30E-08	0.0015	0.037	NA	NA	NA	NA
0.08	0.04	-0.04	0.03	0.09	0.4	0.0045	0.083	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	-0.06	0.03	0.09	0.39	0.0065	0.35	NA	NA	NA	NA
0.08	0.15	-0.08	-0.01	0.091	0.003	0.00074	0.72	NA	NA	NA	NA
0.28	0.03	-0.15	0.01	0.091	1	0.014	1	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.05	-0.02	0.01	0.092	0.49	0.22	0.58	NA	NA	NA	NA
0.13	0.16	-0.05	0.01	0.093	0.018	0.65	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.07	0	0.094	0.03	1.10E-05	0.96	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.08	0.02	0.05	0.096	0.012	0.38	0.0029	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.05	0.02	0.097	0.37	0.063	0.57	NA	NA	NA	NA
0.08	0.06	-0.05	0.02	0.097	0.13	0.0031	0.37	NA	NA	NA	NA
0.13	0.13	0.04	0.06	0.097	0.015	0.2	0.027	NA	NA	NA	NA
0.93	0.01	-0.06	-0.04	0.098	0.9	0.0039	0.07	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	-0.03	0.04	0.098	0.92	0.089	0.028	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	-0.07	-0.03	0.098	0.042	2.30E-06	0.077	NA	NA	NA	NA
0.04	0.06	-0.04	-0.04	0.099	0.009	0.12	0.048	NA	NA	NA	NA
0.05	0.11	-0.03	0.03	0.1	3.20E-05	0.088	0.095	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.06	0.01	0.1	0.016	1.60E-07	0.35	NA	NA	NA	NA
0.11	0.08	0.01	-0.03	0.11	0.074	1	0.4	NA	NA	NA	NA

0.07	0.03	0	0.11	0.12	0.45	1	3.80E-06	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	0	0	0.12	0.55	0.93	0.83	NA	NA	NA	NA
0.93	0	-0.05	0.02	0.12	1	0.46	0.78	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.04	0.07	0.13	0.91	0.041	0.001	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.09	0	0.06	0.13	0.0022	0.82	0.0014	NA	NA	NA	NA
0.05	0.22	-0.06	0.04	0.13	2.70E-08	0.00031	0.094	NA	NA	NA	NA
0.14	0.08	-0.02	0.02	0.13	0.41	0.35	0.73	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.16	0	0.04	0.13	3.00E-06	0.95	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.16	-0.07	0.03	0.14	3.70E-05	0.0025	0.39	NA	NA	NA	NA
0.39	0.19	-0.08	0.06	0.14	0.65	0.0054	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.11	-0.02	0.03	0.14	0.26	0.74	0.38	NA	NA	NA	NA
0.1	0.06	-0.11	-0.03	0.14	0.49	2.50E-06	0.31	NA	NA	NA	NA
0.12	0.11	0	0.01	0.14	0.00022	0.88	0.6	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.02	-0.03	0.02	0.14	0.67	0.37	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.14	0.05	0.14	0.14	0.01	0.07	3.80E-08	NA	NA	NA	NA
0.17	0.04	-0.05	-0.08	0.15	0.48	0.056	0.0032	NA	NA	NA	NA
0.16	0.32	0	0.07	0.15	0.0036	1	0.018	NA	NA	NA	NA
0.23	0.56	-0.04	0.09	0.15	0.0015	0.51	0.18	NA	NA	NA	NA
0.3	-0.06	0.03	0.32	0.15	0.8	0.78	1.20E-07	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.1	-0.18	-0.14	0.15	0.02	2.70E-08	0.00012	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.04	-0.07	-0.01	0.15	0.19	4.90E-08	0.41	NA	NA	NA	NA
0.11	0.18	-0.01	0.07	0.15	0.02	0.76	0.0069	NA	NA	NA	NA
0.22	0.07	-0.06	0.07	0.15	0.64	0.057	0.03	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.02	-0.01	0.15	0.33	0.46	0.67	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.02	0.03	0.16	0.79	0.3	0.19	NA	NA	NA	NA
0.36	0.22	0.04	0.04	0.16	0.38	0.23	0.74	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.01	-0.03	0.06	0.17	1	0.28	0.077	NA	NA	NA	NA
-0.2	-0.17	-0.01	0.07	0.17	0.025	0.75	0.037	NA	NA	NA	NA
0.14	0.01	-0.02	0.1	0.18	0.92	0.58	9.90E-05	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.03	0.02	0.05	0.18	0.48	0.27	0.0028	NA	NA	NA	NA

-0.06	-0.08	0	-0.02	0.18	0.061	0.95	0.17	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.04	0	0.18	0.25	0.0016	1	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	0.04	-0.02	0.18	0.72	0.18	0.48	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.06	-0.03	0.18	0.00068	0.00011	0.08	NA	NA	NA	NA
0.12	0.09	-0.08	0.04	0.18	0.28	0.00046	0.14	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	0.01	0.03	0.19	0.31	0.74	0.35	NA	NA	NA	NA
0.05	0.14	-0.01	0.03	0.19	0.00041	0.66	0.26	NA	NA	NA	NA
0.18	0.07	-0.04	-0.05	0.19	0.05	0.081	0.012	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.11	0.05	0.03	0.19	0.008	0.058	0.22	NA	NA	NA	NA
0.12	0.11	-0.05	0.02	0.19	0.24	0.1	0.55	NA	NA	NA	NA
0.08	0	-0.01	0.01	0.19	1	0.72	0.79	NA	NA	NA	NA
-0.05	0	-0.03	0.02	0.19	1	0.29	0.43	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.05	0	-0.01	0.2	0.54	0.96	0.68	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.04	-0.02	0.2	0.53	0.02	0.36	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	0	0	0.2	2.70E-07	0.96	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.03	-0.1	-0.06	0.2	0.28	1.00E-06	0.0066	NA	NA	NA	NA
0.2	-0.07	-0.01	0	0.2	0.39	0.76	0.95	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	-0.09	-0.09	0.2	0.8	0.0072	0.011	NA	NA	NA	NA
0.13	0	0.03	0.02	0.21	1	0.63	0.8	NA	NA	NA	NA
0.07	0.11	-0.03	0.06	0.21	0.0073	0.39	0.19	NA	NA	NA	NA
0.1	0.05	0.01	0.01	0.22	0.31	0.61	0.62	NA	NA	NA	NA
0.04	0.18	-0.02	-0.03	0.22	2.50E-07	0.42	0.13	NA	NA	NA	NA
0.19	0.08	-0.08	-0.03	0.22	0.61	0.00063	0.41	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.05	-0.03	0.22	0.72	0.015	0.22	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.06	-0.02	0.22	0.86	5.60E-06	0.31	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	-0.03	0.02	0.22	0.17	0.058	0.46	NA	NA	NA	NA
0.12	0.1	-0.07	-0.01	0.23	0.14	0.0088	0.9	NA	NA	NA	NA
-0.25	-0.16	-0.08	-0.01	0.23	0.3	0.0063	0.72	NA	NA	NA	NA
0.05	0.1	0.03	0.02	0.23	0.01	0.15	0.46	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.03	-0.03	0.06	0.24	0.47	0.15	0.0088	NA	NA	NA	NA

0.02	0	-0.05	-0.02	0.24	0.87	4.70E-09	0.095	NA	NA	NA	NA
0.9	0.28	0.05	0.07	0.25	0.034	0.23	0.2	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.03	0.07	0.25	1	0.024	7.70E-07	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.05	-0.01	0.25	0.00059	0.0012	0.46	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.07	-0.03	0.25	6.60E-06	9.60E-05	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.26	-0.1	0.02	0.22	0.25	0.85	0.98	0.011	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.04	-0.02	0.02	0.25	0.056	0.2	0.083	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.04	0.02	0.25	0.12	0.051	0.34	NA	NA	NA	NA
0.13	0	-0.06	-0.04	0.26	1	0.0088	0.16	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.06	-0.02	0.27	1	9.70E-05	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.2	-0.2	0.03	0.22	0.27	0.31	0.37	3.20E-06	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.05	-0.07	0.27	0.5	0.12	0.044	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.07	-0.04	-0.17	0.27	0.34	0.75	0.039	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.01	0.02	0.27	0.35	0.32	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.09	-0.05	-0.01	0.27	0.063	0.015	0.81	NA	NA	NA	NA
0.13	0.3	-0.01	0.08	0.27	0.035	1	0.16	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.06	0.04	0.28	0.61	0.28	0.61	NA	NA	NA	NA
-0.36	0.25	-0.1	0.76	0.28	0.45	0.2	6.90E-06	NA	NA	NA	NA
0.11	0.16	-0.13	-0.16	0.28	0.012	0.0014	0.00023	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.7	0	0.05	0.28	2.40E-06	1	0.046	NA	NA	NA	NA
-0.15	0.06	-0.01	-0.01	0.28	0.82	0.94	0.85	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.11	-0.04	-0.1	0.28	0.09	0.6	0.14	NA	NA	NA	NA
0.04	0.08	-0.09	-0.09	0.28	0.025	0.16	0.16	NA	NA	NA	NA
0.8	0.69	-0.05	-0.13	0.28	0.046	0.5	0.054	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.05	0	0.13	0.29	0.47	0.97	1.10E-06	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.03	0.02	0.29	0.6	0.03	0.36	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	-0.04	0.03	0.29	0.14	0.091	0.25	NA	NA	NA	NA
0.15	0.22	-0.12	0.14	0.3	0.1	0.045	0.24	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.01	0.05	0.31	1	0.59	0.00011	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.08	-0.02	0.03	0.31	0.2	0.53	0.18	NA	NA	NA	NA

-0.02	0.03	-0.03	0.04	0.31	0.077	0.082	0.033	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	-0.04	0.05	0.32	0.15	0.42	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.07	-0.03	-0.01	0.32	0.63	0.47	0.91	NA	NA	NA	NA
0.23	0.11	-0.01	0.06	0.32	0.58	0.7	0.069	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.02	-0.07	-0.05	0.33	0.89	0.00078	0.074	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.03	-0.04	-0.04	0.34	0.35	0.19	0.21	NA	NA	NA	NA
0.06	0.15	-0.06	-0.03	0.34	8.20E-06	7.90E-05	0.038	NA	NA	NA	NA
0.86	0.01	-0.02	-0.08	0.34	1	1	0.57	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.33	0.03	0.78	0.34	0.32	0.91	0.00024	NA	NA	NA	NA
-0.3	-0.34	-0.11	0.07	0.34	2.40E-05	0.013	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.06	-0.06	0	0.34	0.63	0.00066	0.94	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.05	-0.04	0.34	0.53	0.027	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.29	0.09	0.09	0.35	0.0087	0.24	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.07	-0.04	0.08	0.35	0.33	0.0056	0.00031	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.05	-0.07	0	0.35	0.86	0.072	1	NA	NA	NA	NA
0.09	0.4	-0.05	0.12	0.35	0.00012	0.12	0.00017	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	-0.01	0.04	0.35	0.11	0.79	0.018	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	0.01	0.04	0.35	0.45	0.39	0.0088	NA	NA	NA	NA
0.09	0.06	0.01	0.13	0.36	0.48	0.76	0.0011	NA	NA	NA	NA
0.04	0.19	0	0.08	0.36	8.80E-06	0.98	0.0094	NA	NA	NA	NA
0.18	0.01	-0.04	0.05	0.36	0.82	0.11	0.073	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	0.01	0.04	0.37	0.37	0.47	0.0076	NA	NA	NA	NA
-0.44	-0.33	0.01	0.08	0.37	1	0.86	0.16	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.07	-0.02	0.02	0.37	0.27	0.62	0.64	NA	NA	NA	NA
0.17	0.07	0	0.11	0.37	0.84	1	0.0024	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.08	-0.03	-0.02	0.37	0.17	0.2	0.49	NA	NA	NA	NA
0.04	0.13	0.01	0.02	0.37	9.00E-07	0.8	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.04	0.01	0.01	0.37	0.19	0.75	0.82	NA	NA	NA	NA
0.12	0.04	0	0.03	0.38	0.61	1	0.086	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.04	-0.04	-0.04	0.38	0.072	0.03	0.02	NA	NA	NA	NA

-0.04	0.01	-0.07	-0.04	0.39	0.95	0.0032	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.24	-0.04	0	0.39	2.10E-08	0.017	1	NA	NA	NA	NA
0.23	0.1	-0.07	-0.06	0.4	0.53	0.0091	0.059	NA	NA	NA	NA
0.24	0.16	0.1	0.09	0.4	0.6	0.019	0.075	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.07	-0.04	-0.02	0.4	0.069	0.067	0.32	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.05	0.01	0.4	0.44	0.005	0.71	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.01	0.03	0.4	0.00033	0.26	0.01	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	-0.03	0.01	0.4	0.0032	0.084	0.54	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.01	-0.03	0.1	0.4	1	0.18	8.50E-06	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.07	-0.02	0.41	0.51	0.00015	0.37	NA	NA	NA	NA
0.87	0.01	-0.05	0.03	0.41	1	0.19	0.79	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.03	0.08	0.11	0.42	0.54	0.0015	4.20E-06	NA	NA	NA	NA
0.05	0.12	-0.01	0.05	0.42	0.027	0.6	0.079	NA	NA	NA	NA
0.04	0.13	-0.01	-0.04	0.42	0.011	0.9	0.24	NA	NA	NA	NA
0.1	0.06	0.05	0.08	0.42	0.91	0.17	0.13	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.02	-0.02	0	0.42	0.54	0.18	0.98	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.09	0.11	0.43	0.64	0.026	0.052	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.07	-0.05	0.01	0.43	0.13	5.00E-04	0.61	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.01	0	0.43	0.031	0.43	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.21	0.01	0.02	0.43	0.00015	0.92	0.5	NA	NA	NA	NA
0.02	0.2	-0.04	0	0.43	1.30E-06	0.0067	0.99	NA	NA	NA	NA
0.05	0.01	-0.04	0.02	0.44	0.78	0.058	0.44	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.06	-0.01	0.44	0.74	0.0074	0.69	NA	NA	NA	NA
0.81	0.1	-0.03	-0.03	0.44	0.4	0.51	0.65	NA	NA	NA	NA
0.2	0.02	-0.04	-0.08	0.44	0.79	0.31	0.0042	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.05	0.03	0.44	0.21	6.00E-04	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.06	0	-0.04	0.02	0.45	1	0.13	0.37	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.05	-0.04	0.45	0.073	0.0024	0.015	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.09	-0.05	0.46	0.18	6.70E-05	0.023	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.08	-0.03	0.07	0.46	0.16	0.22	0.0032	NA	NA	NA	NA

0.07	0.28	0	0.04	0.46	2.60E-06	0.98	0.043	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.01	-0.08	0	0.47	0.89	2.60E-06	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.03	-0.07	0.47	0.17	0.066	3.80E-05	NA	NA	NA	NA
0.07	0.06	-0.07	-0.16	0.47	0.53	0.15	0.0021	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.14	-0.06	-0.01	0.48	0.0021	0.07	0.74	NA	NA	NA	NA
0.06	0.07	-0.1	-0.03	0.48	0.31	3.10E-07	0.15	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.04	-0.09	0.48	0.11	0.054	4.50E-06	NA	NA	NA	NA
0.08	0.11	-0.05	0.06	0.49	0.04	0.034	0.048	NA	NA	NA	NA
0.06	0.17	0.05	0.15	0.49	3.00E-04	0.1	0.005	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.07	-0.05	0.49	0.57	2.40E-05	0.0044	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.05	-0.04	0	0.49	0.28	0.16	1	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.13	-0.01	0.05	0.5	0.21	0.79	0.096	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.01	-0.04	0.05	0.5	1	0.39	0.23	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.04	-0.04	0	0.5	0.1	0.035	0.86	NA	NA	NA	NA
0.26	NA	-0.11	0.01	0.5	NA	0.4	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0.14	-0.02	0.05	0.5	0.0036	0.47	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.08	0.05	0.04	0.5	0.39	0.33	0.32	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.03	-0.02	0.5	1	0.12	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.19	-0.04	0.05	0.5	0.0038	0.17	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.03	0.02	0.5	0.54	0.036	0.091	NA	NA	NA	NA
0.12	0.08	-0.02	0	0.51	0.31	0.76	1	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	-0.03	0.05	0.51	1	0.42	0.23	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.01	-0.01	0.07	0.51	1	0.82	0.046	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	-0.02	0.06	0.51	0.37	0.13	0.00022	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.02	0.06	0.51	0.057	0.21	5.60E-05	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.05	-0.06	-0.01	0.52	0.58	0.017	0.96	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.02	-0.01	0.01	0.52	0.85	0.86	0.77	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.18	-0.08	-0.03	0.52	0.02	0.00057	0.23	NA	NA	NA	NA
0.4	0.44	0.02	0.08	0.52	2.30E-06	0.6	0.012	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.06	-0.01	0.05	0.53	0.009	0.56	0.013	NA	NA	NA	NA

-0.09	-0.03	-0.08	0.04	0.53	0.82	0.0023	0.35	NA	NA	NA	NA
0.06	0.11	-0.05	-0.03	0.53	0.07	0.058	0.29	NA	NA	NA	NA
0.15	-0.03	0	0.1	0.53	0.78	1	0.00013	NA	NA	NA	NA
-0.26	-0.18	-0.14	-0.08	0.54	0.71	0.0086	0.22	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.1	-0.07	0.06	0.54	0.00046	0.00079	0.04	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	0.13	0.38	0.54	0.9	0.057	4.90E-09	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	-0.03	0.01	0.54	0.5	0.025	0.76	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.04	-0.03	-0.01	0.54	0.39	0.11	0.88	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.04	-0.01	0.06	0.54	0.14	0.67	0.0066	NA	NA	NA	NA
0.05	0.12	-0.03	0.01	0.54	0.13	0.17	0.49	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.04	0	0.04	0.55	0.91	1	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.02	0.01	0.55	0.0015	0.078	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.07	-0.03	0.01	0.55	0.68	0.25	0.92	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.02	-0.04	0.55	0.12	0.36	0.0072	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.03	-0.01	0.55	0.11	0.031	0.47	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.01	-0.08	-0.05	0.56	1	0.00022	0.022	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.03	-0.04	0.56	0.9	0.19	0.078	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.01	0.02	0.56	0.031	0.74	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.01	-0.01	0.04	0.56	1	0.73	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.05	-0.09	0.07	0.57	0.28	0.032	0.15	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.04	-0.07	0.57	0.073	0.46	0.11	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.05	-0.03	0.57	0.47	0.00016	0.045	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.04	0	0.57	0.84	0.0087	0.93	NA	NA	NA	NA
0.22	0.67	-0.05	0.75	0.57	0.8	1	0.26	NA	NA	NA	NA
0.1	0.09	-0.09	0.08	0.57	0.65	0.0039	0.033	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.06	-0.06	-0.02	0.57	0.019	1.10E-05	0.27	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.03	-0.03	-0.01	0.57	0.38	0.24	0.63	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.13	-0.17	-0.12	0.58	0.63	3.60E-05	0.2	NA	NA	NA	NA
0.14	NA	0.04	-0.05	0.58	NA	0.71	0.52	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.18	-0.07	0.01	0.58	0.61	0.017	0.88	NA	NA	NA	NA

-0.67	-0.82	-0.12	0.03	0.58	0.068	6.00E-04	0.58	NA	NA	NA	NA
0.04	0.14	0.06	0.04	0.58	0.022	0.12	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.02	-0.01	0.58	1	0.098	0.72	NA	NA	NA	NA
-0.06	0	-0.08	0.03	0.59	1	0.0027	0.53	NA	NA	NA	NA
0.25	0.06	-0.02	0.18	0.59	0.35	0.61	7.40E-08	NA	NA	NA	NA
0.29	-0.32	-0.01	0.12	0.59	0.00022	0.68	0.0038	NA	NA	NA	NA
0.46	0.46	NA	NA	0.59	0.14	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0.03	0.13	-0.01	-0.06	0.59	2.00E-04	0.69	0.00013	NA	NA	NA	NA
0.12	0.01	-0.08	-0.07	0.6	1	0.035	0.1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.02	0	0.6	0.12	0.28	0.88	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.03	-0.07	-0.03	0.6	0.035	6.70E-07	0.026	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.07	-0.06	0.02	0.61	0.62	0.11	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	-0.07	-0.02	0.61	0.31	0.00011	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.06	-0.03	0.62	1	0.00017	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.19	0.22	0.03	0.21	0.62	0.44	0.42	7.80E-06	NA	NA	NA	NA
0.1	0	0.02	-0.03	0.62	1	0.81	0.58	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	-0.04	0	0.62	0.76	0.1	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	-0.08	-0.04	0.63	0.2	0.00011	0.029	NA	NA	NA	NA
0.01	0.08	-0.07	-0.03	0.63	0.00036	1.50E-05	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.04	-0.01	0.63	0.81	0.039	0.67	NA	NA	NA	NA
0.14	0.83	-0.33	-0.26	0.64	0.0083	0.34	0.66	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.06	-0.05	0.01	0.64	0.22	0.0093	0.79	NA	NA	NA	NA
0.12	0.91	0.11	0.17	0.64	0.058	0.034	0.00083	NA	NA	NA	NA
0.09	0.02	-0.06	0.06	0.64	0.94	0.029	0.08	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.09	0	0.65	1	0.0021	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.13	-0.02	-0.09	0.65	0.05	0.82	0.1	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.13	0	0.12	0.65	0.16	1	0.0093	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.16	-0.07	0.03	0.65	0.24	4.60E-05	0.47	NA	NA	NA	NA
0.74	-0.16	-0.04	-0.06	0.65	0.14	0.52	0.11	NA	NA	NA	NA
0.11	0.14	0.01	0.07	0.65	0.37	0.91	0.072	NA	NA	NA	NA

0.02	-0.04	-0.07	0	0.66	0.11	9.90E-07	0.92	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	0.01	0	0.67	0.65	0.98	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.07	-0.06	-0.02	0.67	0.076	0.00067	0.3	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	-0.06	0.02	0.67	0.047	0.0011	0.47	NA	NA	NA	NA
0.02	0	0	0.01	0.67	1	0.92	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	0.02	0.08	0.68	0.82	0.53	0.0024	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.05	-0.06	0.68	0.22	0.092	0.0081	NA	NA	NA	NA
0.18	-0.14	-0.08	-0.02	0.68	0.77	0.14	0.83	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.04	-0.13	-0.06	0.68	0.48	1.80E-06	0.07	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.02	0.17	0.69	1	0.58	6.70E-06	NA	NA	NA	NA
0.25	-0.21	-0.15	-0.07	0.69	0.6	0.00056	0.21	NA	NA	NA	NA
0.02	0.17	0	0.02	0.69	0.00049	0.99	0.58	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	-0.05	-0.01	0.69	0.038	0.0036	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.04	-0.06	0.01	0.69	0.1	0.01	0.8	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.05	0	0.69	0.25	0.018	1	NA	NA	NA	NA
0.3	0.63	0.02	0.71	0.7	0.82	1	0.033	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.03	0.07	0.7	0.71	0.2	0.02	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.06	-0.02	0.08	0.7	0.76	0.86	0.38	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	-0.11	-0.05	0.7	0.065	2.00E-05	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.05	0.05	0.71	1	0.029	0.031	NA	NA	NA	NA
0.13	NA	-0.04	0.09	0.71	NA	0.67	0.9	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.02	-0.03	-0.01	0.71	0.93	0.35	0.82	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.02	0.03	0.71	0.65	0.29	0.14	NA	NA	NA	NA
0.18	-0.02	-0.12	-0.04	0.72	1	0.055	0.62	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.03	-0.02	-0.01	0.72	0.6	0.49	0.71	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.03	-0.05	0.73	0.15	0.063	0.00012	NA	NA	NA	NA
0.17	-0.05	-0.14	0.25	0.73	1	0.13	0.64	NA	NA	NA	NA
0.04	0.1	-0.05	-0.02	0.73	0.016	0.053	0.57	NA	NA	NA	NA
0.4	-0.03	-0.1	-0.02	0.73	1	5.60E-06	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.02	-0.01	0.73	0.41	0.059	0.26	NA	NA	NA	NA

0.03	0.13	-0.02	0.01	0.74	0.099	0.14	0.57	NA	NA	NA	NA
0.03	0.18	0.03	0.08	0.74	2.00E-04	0.28	0.003	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.01	-0.03	0.74	1	0.92	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	0	0.03	0.74	0.091	0.94	0.057	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.04	0.02	0.75	0.74	0.21	0.61	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.05	-0.07	-0.06	0.75	0.5	0.00073	0.017	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.02	0	0.76	1	0.25	0.95	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.02	-0.01	-0.03	0.76	0.99	0.93	0.7	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.05	-0.06	-0.04	0.76	0.29	0.0034	0.057	NA	NA	NA	NA
0.13	0.19	-0.01	0.05	0.76	0.72	1	0.24	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.1	-0.06	-0.04	0.77	0.011	0.00032	0.036	NA	NA	NA	NA
0.03	0.43	-0.01	0.1	0.78	6.10E-06	0.8	0.0026	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.11	-0.05	0.02	0.78	0.14	0.009	0.32	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.18	-0.05	0.04	0.79	0.00028	0.049	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.03	-0.03	0.79	0.91	0.068	0.063	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.06	0.04	0.08	0.8	0.37	0.088	0.00044	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.04	-0.09	-0.07	0.8	0.65	0.00072	0.017	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.27	-0.09	0.12	0.81	4.40E-06	7.90E-07	0.00026	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.05	-0.06	-0.03	0.81	0.25	0.0017	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.03	0.05	0.81	0.28	0.031	0.0041	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	0	0.01	0.81	0.44	1	0.78	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.1	-0.12	-0.01	0.81	0.78	0.02	0.97	NA	NA	NA	NA
0.11	0.35	-0.06	0.14	0.81	0.14	0.031	0.0024	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.01	0.07	0.81	0.27	0.32	1.60E-06	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.01	0.06	0.81	0.71	0.84	0.0067	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.29	-0.05	-0.06	0.81	0.46	0.33	0.34	NA	NA	NA	NA
0.04	0.1	-0.04	-0.08	0.82	0.25	0.15	0.00073	NA	NA	NA	NA
0.08	0.01	-0.04	0.02	0.82	1	0.059	0.54	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	-0.03	-0.01	0.82	0.97	0.27	0.85	NA	NA	NA	NA
-0.75	NA	-0.03	0.57	0.82	NA	1	0.42	NA	NA	NA	NA

-0.06	0.07	0	0.08	0.82	1	0.98	0.037	NA	NA	NA	NA
0.67	0.23	-0.06	0.23	0.83	0.4	0.23	0.037	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.05	-0.07	-0.01	0.83	0.59	0.016	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.2	-0.06	-0.02	0.83	0.043	0.07	0.74	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.05	0.01	0.83	1	0.011	0.77	NA	NA	NA	NA
0.01	0.09	0	0.03	0.83	0.022	1	0.43	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.06	-0.03	0.84	0.24	0.015	0.18	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.01	0.01	0.84	0.8	0.87	0.77	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.12	0.01	0.01	0.85	0.077	0.92	0.79	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.04	0.02	0.85	0.88	0.00055	0.2	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.03	0.02	0.86	0.036	0.11	0.32	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.09	0	0.01	0.86	0.0082	1	0.8	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.03	0.03	0.86	0.51	0.047	0.067	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.13	-0.01	0	0.86	0.01	0.86	0.95	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	0.02	0.05	0.87	0.009	0.57	0.038	NA	NA	NA	NA
0.06	0.24	0.16	0.3	0.87	0.0085	0.064	0.0014	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.07	-0.03	0.01	0.87	0.44	0.54	0.84	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	0.08	0.1	0.87	0.42	0.09	0.038	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.2	0.03	0.08	0.87	0.051	0.59	0.027	NA	NA	NA	NA
-0.21	0.17	-0.22	NA	0.87	1	0.00047	NA	NA	NA	NA	NA
0.02	NA	-0.09	-0.05	0.88	NA	0.26	0.64	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	0.04	0.05	0.88	0.91	0.18	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.06	-0.02	0.88	0.39	0.0042	0.39	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.05	-0.03	0.05	0.88	0.11	0.02	0.0036	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.05	-0.05	-0.01	0.88	0.016	0.0014	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	0.02	0.05	0.88	0.75	0.74	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.11	-0.06	0.88	1	0.001	0.43	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.07	-0.01	0.89	1	0.00036	0.83	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.09	-0.07	0	0.89	0.46	0.11	1	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.06	-0.08	-0.04	0.89	0.34	0.00049	0.13	NA	NA	NA	NA

0.01	0.04	-0.07	-0.05	0.89	0.14	2.40E-05	0.00033	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.19	-0.15	0.89	0.72	4.80E-08	0.00037	NA	NA	NA	NA
0.15	-0.04	-0.04	-0.04	0.89	0.91	0.15	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.05	0	0.9	1	0.028	0.97	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.02	0.08	0.9	0.99	0.67	0.045	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.05	-0.03	0.9	0.4	0.047	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.06	-0.06	-0.01	0.9	0.59	0.16	0.94	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.08	0.04	0.9	0.77	0.014	0.26	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.12	-0.08	0.03	0.9	0.2	0.0059	0.45	NA	NA	NA	NA
0.01	0.1	-0.03	0.01	0.9	0.00021	0.0049	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.09	-0.19	0.01	0.91	1	0.0011	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	0.01	0.05	0.91	0.043	0.75	0.00043	NA	NA	NA	NA
-0.06	NA	0.05	-0.01	0.91	NA	0.4	0.99	NA	NA	NA	NA
0.02	0	0.04	0.02	0.91	1	0.21	0.7	NA	NA	NA	NA
0.05	0.08	-0.11	-0.05	0.91	1	0.00068	0.33	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.06	0.07	0.92	0.11	0.0097	0.025	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.09	-0.08	0	0.92	0.082	1.30E-05	0.94	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.05	0	0.06	0.92	0.19	1	0.028	NA	NA	NA	NA
0.01	0.11	-0.02	0.01	0.92	0.0021	0.4	0.81	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.05	-0.08	-0.02	0.92	0.35	0.00072	0.55	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.01	0.15	0.92	0.79	0.59	5.40E-09	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.19	-0.12	-0.12	0.92	0.44	0.0067	0.0025	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	-0.03	0.02	0.92	1	0.48	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	-0.14	-0.01	0.93	1	0.0027	1	NA	NA	NA	NA
0.07	0.12	-0.2	0.08	0.93	0.45	7.50E-06	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.02	0.02	0.93	1	0.19	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	0.02	0.08	0.93	0.93	0.56	0.011	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	0.02	0.08	0.94	1	0.78	0.044	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.02	0.03	0.94	0.66	0.36	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.58	-0.55	0.04	0.23	0.94	0.96	0.18	2.10E-06	NA	NA	NA	NA

0.01	0.06	-0.01	0.04	0.94	0.1	0.44	0.045	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	0.05	-0.01	0.94	1	0.18	0.79	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.04	-0.02	0.94	0.65	1.00E-04	0.096	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.02	-0.06	-0.06	0.95	0.99	0.029	0.041	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.04	-0.08	-0.01	0.95	0.72	0.0026	0.91	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.05	0.01	0.95	1	0.064	0.84	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	0	0.01	0.95	0.6	0.92	0.68	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.07	-0.05	-0.07	0.95	0.93	0.36	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.19	0.04	0.03	0.95	0.52	0.33	0.27	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.16	0	-0.02	0.95	0.011	1	0.35	NA	NA	NA	NA
0.01	0.11	-0.04	-0.06	0.95	0.00026	0.094	0.0025	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.06	-0.02	0.95	0.55	0.0037	0.41	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.04	0.01	0.95	1	0.1	0.93	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.02	0.02	-0.02	0.95	1	0.46	0.48	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.06	0	0.96	0.75	3.20E-06	0.92	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.06	0.02	0.96	0.22	0.00056	0.3	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.09	-0.05	0.05	0.96	0.15	0.0044	0.031	NA	NA	NA	NA
0.05	NA	-0.06	0.03	0.96	NA	0.19	0.53	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	0	0.04	0.96	0.94	1	0.12	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	0	0.07	0.97	0.13	1	0.0018	NA	NA	NA	NA
0.1	0.03	0.01	0.06	0.97	0.76	0.9	0.27	NA	NA	NA	NA
0.11	0.09	-0.07	0.05	0.97	0.23	0.03	0.33	NA	NA	NA	NA
0.01	0.1	-0.04	-0.02	0.97	0.018	0.18	0.44	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.16	0.03	0.14	0.98	0.0079	0.53	0.0073	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.11	0.02	-0.04	0.98	0.59	0.55	0.66	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.04	-0.01	0.98	1	0.021	0.76	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.09	-0.05	0.98	1	3.50E-05	0.069	NA	NA	NA	NA
0	0.04	0.01	0.03	0.98	0.0025	0.7	0.038	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.11	-0.01	0	0.98	0.0059	0.89	1	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.06	-0.03	-0.01	0.99	0.079	0.14	0.9	NA	NA	NA	NA

0.01	-0.06	0	0.02	0.99	0.35	0.98	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	-0.05	0.05	0.99	0.44	0.017	0.047	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.15	-0.04	0.99	0.77	3.00E-07	0.22	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.03	0.1	1	0.77	0.75	0.053	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.06	0.01	1	0.71	0.29	1	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.09	-0.06	1	0.66	7.80E-07	0.0013	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.03	0.01	1	1	0.077	0.64	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.28	-0.12	0.03	1	0.013	0.00027	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.09	-0.21	-0.06	1	0.56	0.00044	0.9	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.04	0.01	0.05	1	0.87	1	0.55	NA	NA	NA	NA
0	0.08	-0.05	-0.04	1	7.30E-05	0.0017	0.007	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.2	-0.08	-0.01	1	0.041	0.0037	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	0	0	1	0.49	0.91	1	NA	NA	NA	NA
0	0.67	-0.04	-0.13	1	1	1	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.07	0	1	0.7	0.0054	0.97	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.12	-0.06	-0.05	1	0.49	0.056	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.15	-0.09	0.02	1	0.044	0.054	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.01	NA	0.05	0.05	1	NA	0.45	0.27	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.1	0.06	1	1	0.012	0.32	NA	NA	NA	NA
0	0.08	0.03	0	1	0.16	0.29	0.96	NA	NA	NA	NA
-0.67	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.06	-0.01	1	1	0.0048	0.77	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	-0.04	0	1	0.39	0.32	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	0	0.11	1	0.58	0.97	0.002	NA	NA	NA	NA
0	0.04	0.01	0.13	1	0.68	0.82	8.40E-07	NA	NA	NA	NA
0	0.33	-0.02	0.17	1	0.0032	0.79	0.041	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.23	-0.09	0.33	1	0.3	0.026	1.50E-06	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.04	0.01	1	1	0.013	0.48	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.14	0.04	0.05	1	0.22	0.53	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.02	-0.1	0.04	1	1	0.29	0.9	NA	NA	NA	NA

0.01	0.05	0	0.03	1	0.21	1	0.24	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.09	0	0.27	1	0.73	1	0.00022	NA	NA	NA	NA
0	0	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0	0.12	-0.02	0.03	1	0.0021	0.25	0.098	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.06	-0.06	0.03	1	0.44	0.013	0.29	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	0.01	0.02	1	0.84	0.87	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.09	-0.02	0.01	1	0.85	0.8	1	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.03	0.02	0.02	1	0.87	0.53	0.46	NA	NA	NA	NA
0.01	0.09	-0.04	-0.07	1	0.43	0.42	0.39	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	-0.04	0.05	1	1	0.12	0.12	NA	NA	NA	NA
0	0.07	-0.04	0.01	1	0.041	0.17	0.62	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	0.01	0.15	1	0.82	0.83	3.20E-06	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	-0.06	-0.08	1	1	0.43	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.13	0	0.13	1	0.056	1	0.00021	NA	NA	NA	NA
0	NA	0.2	NA	1	NA	0.68	NA	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.07	-0.1	-0.02	1	1	0.07	0.75	NA	NA	NA	NA
0	-0.04	-0.07	0.06	1	1	0.1	0.35	NA	NA	NA	NA
0	0.16	-0.03	0.06	1	0.24	0.48	0.1	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.05	-0.02	0.01	1	0.46	0.41	0.79	NA	NA	NA	NA
0.12	0.04	-0.09	-0.06	1	1	0.0037	0.13	NA	NA	NA	NA
0.1	0.1	0.05	NA	1	0.98	0.77	NA	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.32	-0.06	-0.03	1	0.0021	0.052	0.41	NA	NA	NA	NA
0.17	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.25	0.03	0.1	1	0.033	0.66	0.032	NA	NA	NA	NA
-0.17	0.33	-0.09	-0.06	1	1	0.18	0.49	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.02	0	-0.01	1	0.83	0.89	0.88	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	-0.04	0.03	1	0.53	0.047	0.35	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.03	0.06	1	0.76	0.35	0.058	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.06	0.11	1	0.59	0.19	0.1	NA	NA	NA	NA
0	-0.04	-0.02	0.01	1	0.18	0.39	0.72	NA	NA	NA	NA

-0.03	-0.06	-0.03	-0.04	1	1	0.4	0.44	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.01	0.01	1	0.87	0.44	0.61	NA	NA	NA	NA
0	-0.1	0.06	0.11	1	0.78	0.49	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.01	-0.01	1	0.64	0.76	0.76	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.03	-0.02	1	1	0.24	0.59	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.14	-0.01	-0.01	1	0.00028	0.73	0.84	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0.17	NA	-0.07	-0.07	1	NA	0.15	0.19	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.03	0.05	1	0.76	0.22	0.014	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.13	-0.12	-0.41	1	0.088	0.0087	2.60E-09	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.1	-0.03	-0.01	1	0.28	0.3	0.82	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.09	-0.05	-0.14	1	0.61	0.27	0.0035	NA	NA	NA	NA
0.04	0.06	-0.01	-0.03	1	0.4	0.74	0.27	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.09	-0.1	0.05	1	0.58	0.0097	0.46	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.72	-0.05	0.28	1	0.15	0.22	0.00017	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.05	0.05	1	1	0.13	0.088	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.11	0	0.07	1	0.11	1	0.037	NA	NA	NA	NA
0.01	0.14	-0.02	0.22	1	0.62	0.83	0.00044	NA	NA	NA	NA
0.01	0.23	-0.12	-0.07	1	0.17	0.019	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.09	-0.05	-0.02	1	0.21	0.047	0.38	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.05	-0.03	0.04	1	0.77	0.26	0.2	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.03	0.01	1	0.82	0.17	0.75	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.12	0.11	1	0.85	0.032	0.2	NA	NA	NA	NA
0.04	NA	-0.05	0.11	1	NA	0.69	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.02	0.06	1	0.76	0.39	0.0095	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.03	0.03	1	0.7	0.17	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.16	-0.08	1	0.91	0.00011	0.15	NA	NA	NA	NA
0	-0.03	-0.06	-0.07	1	0.26	1.50E-05	2.20E-06	NA	NA	NA	NA
0.07	0.15	-0.04	-0.07	1	0.011	0.21	0.018	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	0	0.09	1	0.73	1	3.30E-05	NA	NA	NA	NA

-0.01	-0.01	-0.05	-0.07	1	1	0.2	0.047	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.06	0.08	1	0.98	0.00015	0.00039	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.07	-0.07	0.08	1	0.78	0.0074	0.092	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.21	0.01	0.05	1	0.65	0.87	0.11	NA	NA	NA	NA
0	-0.05	-0.17	NA	1	0.93	0.017	NA	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.04	-0.02	0.16	1	1	0.67	0.00045	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.06	-0.02	1	0.6	4.30E-08	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.06	0.01	-0.03	1	0.21	0.81	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.11	-0.01	0.17	1	0.52	0.94	0.0072	NA	NA	NA	NA
0	-0.41	0.01	0	1	0.0062	0.78	0.98	NA	NA	NA	NA
0	0.2	0.01	0.61	1	1	1	0.03	NA	NA	NA	NA
0.03	0.15	0.09	-0.06	1	0.39	0.031	0.059	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.03	0.05	1	0.88	0.15	0.046	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.17	-0.02	0.01	1	0.00015	0.53	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.21	-0.04	0.02	1	0.14	0.17	0.7	NA	NA	NA	NA
0	0.21	-0.02	0.03	1	4.20E-06	0.5	0.35	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.22	0.03	0.11	1	0.084	0.34	0.0045	NA	NA	NA	NA
0	-0.05	0.03	0.06	1	0.61	0.19	0.011	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.04	0.08	1	0.86	0.13	0.01	NA	NA	NA	NA
0	0.07	-0.02	0.01	1	0.03	0.38	0.9	NA	NA	NA	NA
0	-0.07	-0.07	-0.01	1	0.0046	0.0024	0.51	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.02	0	0.01	1	0.63	0.98	0.65	NA	NA	NA	NA
0	0.01	0.08	0.82	1	1	0.3	0.42	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.07	-0.03	1	1	7.50E-06	0.058	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.04	0.02	1	1	0.37	0.66	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.85	0.03	0.07	1	0.064	0.48	0.061	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.06	-0.03	1	0.69	0.1	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	-0.01	0.02	1	0.14	0.49	0.19	NA	NA	NA	NA
0.05	0.14	0.01	0.02	1	0.67	0.86	0.63	NA	NA	NA	NA
0.01	0.21	-0.02	-0.03	1	0.026	0.52	0.35	NA	NA	NA	NA

0	0.03	-0.03	-0.01	1	0.65	0.26	0.67	NA	NA	NA	NA
0	0.07	0.02	0.06	1	0.00012	0.01	7.00E-08	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.07	0.01	0.02	1	0.37	1	0.86	NA	NA	NA	NA
0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.05	0.09	1	1	0.09	0.028	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.06	-0.01	1	0.6	8.00E-04	0.75	NA	NA	NA	NA
0	0.16	-0.06	-0.05	1	0.4	0.083	0.14	NA	NA	NA	NA
0	NA	-0.11	0.1	1	NA	0.11	0.36	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	-0.15	-0.06	1	1	9.80E-05	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.1	-0.11	-0.09	1	0.27	0.0011	0.028	NA	NA	NA	NA
0.07	0.19	0.01	0.05	1	0.025	0.97	0.092	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.09	-0.07	0.01	1	0.77	0.035	0.91	NA	NA	NA	NA
0	-0.03	-0.05	-0.01	1	0.49	0.00021	0.44	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.07	-0.05	-0.07	1	0.26	0.054	0.0066	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.05	-0.08	1	0.81	0.1	0.00054	NA	NA	NA	NA
-0.04	NA	0.07	0.13	1	NA	0.077	0.00052	NA	NA	NA	NA
0	0.32	0.04	0.01	1	0.47	0.34	0.93	NA	NA	NA	NA
0	0.1	0	0.02	1	0.27	1	0.44	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.1	-0.16	-0.06	1	0.88	3.20E-08	0.13	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.01	0.1	1	0.63	0.8	0.0016	NA	NA	NA	NA
0.04	0.49	-0.14	0.32	1	0.0016	0.022	0.00096	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.59	-0.08	0.07	1	0.12	9.00E-05	0.041	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.05	0.01	1	0.85	0.092	0.77	NA	NA	NA	NA
0	-0.19	-0.04	0.08	1	0.74	0.16	0.04	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.16	-0.04	0.13	1	0.12	0.23	0.023	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.02	-0.05	0.03	1	0.72	0.0071	0.1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	-0.05	NA	NA	0.46	0.9	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.5	0	NA	NA	0.45	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.1	NA	NA	1	0.22	NA	NA	NA	NA

NA	NA	0.04	0.14	NA	NA	0.41	0.0096	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	-0.07	NA	NA	0.26	0.23	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	0.08	NA	NA	1	0.83	NA	NA	NA	NA
NA	0.02	-0.12	0.22	NA	1	0.45	0.75	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	0.07	NA	NA	0.2	0.062	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.1	0.08	NA	NA	0.041	0.087	NA	NA	NA	NA
NA	0.02	-0.06	0.03	NA	0.73	0.08	0.37	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.08	0.06	NA	NA	0.15	0.44	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.07	-0.06	NA	NA	0.1	0.34	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	NA	NA	NA	0.87	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.09	0.13	NA	1	0.028	0.023	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.21	0.25	NA	NA	0.0012	0.00015	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	-0.04	NA	NA	0.99	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.28	-0.11	0.13	NA	0.084	0.00053	0.003	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.13	0.88	NA	NA	0.024	0.27	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.24	NA	NA	NA	0.17	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.11	NA	NA	1	0.18	NA	NA	NA	NA
NA	-0.1	-0.02	0	NA	0.98	0.48	0.98	NA	NA	NA	NA
NA	-0.44	0.03	0.02	NA	6.90E-08	0.47	0.78	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	-0.07	NA	NA	0.9	0.19	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.11	-0.01	NA	NA	0.14	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	0.03	NA	NA	0.064	0.54	NA	NA	NA	NA
NA	0.85	NA	NA	NA	4.30E-05	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.23	0.67	NA	NA	0.15	0.35	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	-0.08	NA	NA	1	0.27	NA	NA	NA	NA
NA	-0.05	-0.07	0.09	NA	1	0.11	0.083	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.16	-0.11	NA	NA	0.18	1	NA	NA	NA	NA

NA	NA	-0.1	-0.06	NA	NA	0.35	0.51	NA	NA	NA	NA
NA	0.02	0.02	0.14	NA	1	0.67	0.00011	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.27	-0.16	NA	NA	0.039	0.98	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	-0.03	NA	NA	0.51	0.62	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	-0.09	NA	NA	1	0.49	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.09	0.02	NA	NA	0.43	0.86	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	0.19	NA	NA	0.78	0.07	NA	NA	NA	NA
NA	0.34	-0.03	0	NA	0.025	0.44	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.05	-0.02	0.08	NA	0.27	0.56	0.069	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	0.11	NA	NA	1	0.54	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.16	0.11	NA	NA	0.1	0.34	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.07	NA	NA	NA	0.84	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.72	-0.1	-0.03	NA	0.0018	0.18	0.86	NA	NA	NA	NA
NA	0.68	NA	NA	NA	0.047	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.04	-0.01	0.04	NA	0.9	1	0.75	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	0.03	NA	NA	0.77	0.57	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	0.66	NA	NA	NA	0.011	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	0.09	NA	NA	0.7	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.01	-0.04	0.07	NA	1	0.83	0.31	NA	NA	NA	NA
NA	-0.08	0.09	0.05	NA	1	0.091	0.44	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.09	-0.01	NA	NA	0.16	0.95	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	0.82	NA	NA	0.8	0.46	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	0.9	NA	NA	0.96	0.00016	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.15	NA	NA	NA	0.76	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.01	0.02	0.12	NA	1	0.53	0.00046	NA	NA	NA	NA
NA	0.11	-0.09	0	NA	0.23	0.035	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.1	-0.21	-0.11	NA	0.58	6.70E-05	0.12	NA	NA	NA	NA

NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0	-0.12	0.03	NA	1	0.19	0.8	NA	NA	NA	NA
NA	-0.08	-0.03	0.03	NA	1	0.72	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.06	0.12	NA	NA	0.21	0.2	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	0.05	NA	NA	0.81	0.21	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.13	NA	NA	NA	0.48	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	-0.01	NA	NA	0.12	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.08	-0.04	0	NA	0.46	0.39	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.25	-0.01	-0.02	NA	0.0013	0.9	0.79	NA	NA	NA	NA
NA	0.1	0.02	0.07	NA	0.92	0.76	0.79	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.19	NA	NA	NA	0.46	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0	0.02	-0.01	NA	1	0.98	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.08	-0.02	0.09	NA	0.097	0.36	0.002	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.18	-0.14	NA	NA	0.021	0.059	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0.39	NA	NA	0.93	0.002	NA	NA	NA	NA
NA	0.01	0.01	0.03	NA	1	0.96	0.63	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0.02	NA	NA	0.79	0.86	NA	NA	NA	NA
NA	0.13	-0.11	-0.11	NA	1	0.0021	0.066	NA	NA	NA	NA
NA	0.8	0.01	-0.01	NA	0.033	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	0	NA	NA	0.7	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.02	-0.02	0	NA	1	0.86	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.09	-0.13	NA	NA	0.15	0.4	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.16	-0.07	NA	NA	0.24	0.45	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.03	-0.06	NA	NA	0.74	0.27	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	-0.09	NA	NA	0.21	0.5	NA	NA	NA	NA
NA	0.06	-0.08	-0.05	NA	0.2	0.0051	0.16	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	NA	NA	NA	0.5	NA	NA	NA	NA	NA

NA	-0.11	0.02	0.15	NA	0.33	0.72	0.0033	NA	NA	NA	NA
NA	-0.3	-0.06	0.02	NA	0.22	0.0051	0.65	NA	NA	NA	NA
NA	0.71	0.14	0.7	NA	0.097	0.44	0.69	NA	NA	NA	NA
NA	-0.07	-0.18	-0.03	NA	1	0.0012	0.88	NA	NA	NA	NA
NA	-0.06	0.03	-0.02	NA	1	0.76	0.92	NA	NA	NA	NA
NA	0.05	0.02	0.11	NA	1	0.79	0.36	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	NA	NA	NA	0.81	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.05	-0.02	0.01	NA	0.51	0.61	0.98	NA	NA	NA	NA
NA	0.02	-0.15	-0.11	NA	1	0.069	0.34	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.15	NA	NA	1	0.065	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.08	0	-0.01	NA	0.46	1	0.74	NA	NA	NA	NA
NA	0.15	-0.14	0.15	NA	0.23	0.38	0.42	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	0.09	NA	NA	0.58	0.0082	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.33	0	-0.04	NA	0.24	1	0.58	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	-0.03	NA	NA	0.2	0.56	NA	NA	NA	NA
NA	0.17	0.02	0.01	NA	0.85	0.72	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.11	NA	NA	1	0.044	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.42	0.02	0.13	NA	0.42	0.81	0.0056	NA	NA	NA	NA
NA	0.06	-0.26	0.11	NA	1	0.098	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.08	NA	NA	NA	0.76	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.35	NA	NA	NA	3.60E-07	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	0	NA	NA	0.95	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.05	0.02	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.16	0.67	NA	NA	0.12	0.033	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.17	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA

NA	NA	-0.1	0.02	NA	NA	0.37	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	-0.1	NA	NA	0.85	0.22	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.13	-0.07	NA	NA	0.025	0.36	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	0.83	NA	NA	0.9	0.44	NA	NA	NA	NA
NA	-0.15	0.02	0.04	NA	0.52	1	0.63	NA	NA	NA	NA
NA	0	-0.06	0.02	NA	1	0.091	0.64	NA	NA	NA	NA
-0.22	-0.06	-0.04	0.01	2.50E-09	0.13	0.071	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.06	-0.04	-0.04	6.60E-09	0.0038	0.0039	0.0051	NA	NA	NA	NA
0.46	0.01	-0.03	0.02	2.00E-08	0.91	0.081	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.09	-0.06	-0.04	2.60E-08	0.0015	0.00043	0.022	NA	NA	NA	NA
0.42	0.33	-0.25	0.21	9.00E-08	0.00014	0.00012	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.61	-0.58	-0.23	-0.24	6.40E-07	7.90E-05	0.00014	0.00019	NA	NA	NA	NA
-0.46	-0.43	-0.03	-0.01	9.20E-07	2.10E-06	0.75	1	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.04	-0.07	0	1.10E-06	0.37	0.019	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.01	-0.03	0.02	1.10E-06	0.79	0.007	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.02	-0.04	-0.02	1.30E-06	0.27	0.00063	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.2	-0.08	-0.03	1.60E-06	1.50E-07	1.40E-05	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.11	-0.01	0.03	1.80E-06	0.0057	0.35	0.071	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.07	-0.07	-0.03	3.20E-06	0.011	9.60E-06	0.061	NA	NA	NA	NA
-0.23	-0.15	-0.09	-0.07	3.70E-06	0.016	0.0012	0.014	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.07	-0.04	0.01	4.10E-06	0.0093	0.044	0.82	NA	NA	NA	NA
-0.46	-0.47	-0.04	-0.06	6.60E-06	3.10E-07	0.35	0.032	NA	NA	NA	NA
0.12	0.02	-0.02	-0.04	1.60E-05	0.38	0.24	0.0029	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.15	-0.06	0	1.70E-05	0.0019	0.00013	0.97	NA	NA	NA	NA
0.57	-0.04	0	0.14	1.90E-05	0.88	1	0.074	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.04	-0.03	-0.02	1.90E-05	0.0096	2.00E-04	0.016	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.04	-0.03	-0.03	2.00E-05	0.15	0.13	0.061	NA	NA	NA	NA
0.16	0.14	-0.07	-0.01	2.30E-05	0.00052	0.016	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.14	0.05	0.08	3.10E-05	0.00045	0.31	0.073	NA	NA	NA	NA

0.27	-0.05	-0.06	0.03	4.60E-05	0.12	0.11	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.1	-0.07	-0.04	5.00E-05	5.50E-05	2.30E-05	0.037	NA	NA	NA	NA
-0.15	0.08	-0.06	-0.05	5.30E-05	0.093	0.00068	0.0055	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.02	-0.03	0.01	7.00E-05	0.42	0.0024	0.55	NA	NA	NA	NA
-0.22	0.03	-0.08	-0.03	7.20E-05	0.65	0.0093	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.14	-0.05	-0.18	7.60E-05	3.70E-05	0.12	7.60E-05	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.08	-0.01	0.05	0.00016	0.013	0.48	0.0045	NA	NA	NA	NA
-0.16	0	0	0.03	0.00017	1	0.98	0.35	NA	NA	NA	NA
-0.17	0.01	-0.04	-0.01	0.00019	0.97	0.072	0.85	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.09	-0.01	0.04	2.00E-04	0.03	0.92	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.06	0.04	0.07	0.00022	0.00012	0.00054	6.10E-07	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.02	0	0.11	0.00022	0.74	0.94	0.0012	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.06	-0.04	-0.03	0.00026	0.014	0.0037	0.05	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.1	-0.06	0	0.00027	0.16	0.025	0.93	NA	NA	NA	NA
0.22	0.05	-0.03	0	0.00027	0.34	0.28	0.99	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.06	-0.01	0.03	0.00027	0.00034	0.63	0.025	NA	NA	NA	NA
0.26	0.02	0	0.07	3.00E-04	0.83	0.95	0.016	NA	NA	NA	NA
0.35	0.1	-0.04	0	0.00032	0.24	0.39	1	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.03	-0.03	-0.01	0.00032	0.28	0.31	0.52	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.1	-0.08	-0.12	0.00033	0.0016	0.00013	3.40E-06	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.04	-0.06	0.01	0.00033	0.43	0.014	0.77	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.02	-0.04	0.03	0.00039	0.29	0.011	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.01	-0.05	0.13	0.00039	0.98	0.056	0.00013	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.03	-0.09	-0.06	0.00042	0.45	8.00E-07	0.028	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.07	-0.02	0.05	0.00045	0.17	0.47	0.045	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.16	-0.13	0.07	0.00059	0.001	4.80E-07	0.024	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.05	-0.04	0.03	6.00E-04	0.35	0.18	0.49	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.01	-0.11	-0.08	0.00061	0.87	2.70E-08	0.0014	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.06	-0.04	0.02	0.00063	0.00046	0.0041	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.04	-0.02	0.09	0.00068	0.44	0.47	0.0057	NA	NA	NA	NA

0.66	-0.17	-0.03	0.09	0.0011	0.29	0.33	0.011	NA	NA	NA	NA
0.1	0.12	-0.05	0.08	0.0011	5.00E-05	0.044	0.0029	NA	NA	NA	NA
0.5	0.33	0.03	0.13	0.0013	0.0047	0.8	0.66	NA	NA	NA	NA
0.13	0.02	-0.01	0.12	0.0013	0.5	0.42	3.90E-06	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.14	-0.01	0.01	0.0015	0.00016	0.56	0.84	NA	NA	NA	NA
0.19	0.25	-0.04	-0.05	0.0015	7.20E-08	0.18	0.074	NA	NA	NA	NA
-0.06	0	-0.03	0.02	0.0016	0.93	0.077	0.24	NA	NA	NA	NA
-0.26	-0.11	-0.02	0.11	0.0016	0.44	0.44	0.00021	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.09	-0.08	-0.02	0.0017	0.00041	1.20E-08	0.19	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	-0.07	-0.04	0.0018	3.00E-04	8.60E-08	0.011	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	-0.05	0.01	0.0019	0.4	0.00013	0.27	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.04	-0.03	0.002	0.62	0.00031	0.029	NA	NA	NA	NA
0.07	0.04	-0.05	0.01	0.0021	0.011	0.00062	0.72	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.06	0.01	0.09	0.0029	0.021	0.35	1.10E-07	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.01	0.03	0.0033	0.43	0.32	0.044	NA	NA	NA	NA
0.21	-0.07	-0.06	0.02	0.0033	0.054	0.071	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.03	0.03	0.0038	0.15	6.00E-05	0.0019	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.06	-0.07	-0.05	0.004	0.0079	0.0035	0.053	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.04	-0.03	0.01	0.0041	0.028	0.0053	0.52	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.05	-0.02	0.02	0.0044	0.034	0.27	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.08	-0.03	0.04	0.0046	0.0093	0.02	0.0037	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.05	0.01	0.005	0.022	0.00054	0.56	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.06	-0.02	0.0051	0.02	1.20E-07	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.43	-0.42	0.15	0.1	0.0051	0.011	0.0012	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.05	-0.01	0.0052	0.36	8.90E-09	0.37	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.09	-0.02	0.0059	0.43	4.40E-09	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.15	-0.08	-0.01	0.006	0.0054	0.011	0.74	NA	NA	NA	NA
-0.22	-0.11	-0.05	0.04	0.0065	0.43	0.0083	0.3	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	-0.07	-0.04	0.0072	0.68	2.00E-06	0.0013	NA	NA	NA	NA
-0.13	0.02	0.02	0	0.0072	0.85	0.6	1	NA	NA	NA	NA

-0.08	-0.09	-0.08	-0.02	0.0073	0.00028	1.20E-07	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.09	-0.04	-0.01	0.0081	0.0041	0.081	0.52	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.06	0.01	0.0081	0.91	7.10E-07	0.6	NA	NA	NA	NA
0.89	NA	-0.16	-0.02	0.0082	NA	0.0015	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.21	-0.2	-0.06	0	0.0083	0.02	0.051	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.09	-0.08	-0.04	0.0085	6.30E-09	1.50E-08	0.0045	NA	NA	NA	NA
-0.15	0.17	-0.01	0.11	0.0087	0.14	0.74	0.00073	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.01	0.04	0.0089	0.96	0.74	0.022	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.02	0.01	0.0092	0.99	0.15	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.05	0	0.05	0.0094	0.12	0.91	4.30E-05	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.06	-0.03	0.0094	0.65	7.90E-08	0.012	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.02	-0.02	0.03	0.0096	0.8	0.42	0.25	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.04	0.02	0.0096	0.0094	3.20E-06	0.048	NA	NA	NA	NA
0.11	0	-0.09	-0.01	0.0097	1	7.00E-05	0.71	NA	NA	NA	NA
-0.05	0	-0.05	0	0.0098	1	5.80E-05	0.86	NA	NA	NA	NA
-0.23	-0.29	-0.06	-0.02	0.01	1.30E-06	0.26	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.03	-0.05	-0.03	0.01	0.29	0.013	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.08	-0.01	0.04	0.011	1.80E-05	0.64	0.019	NA	NA	NA	NA
0.23	0.13	-0.09	-0.05	0.011	0.46	0.0011	0.062	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.18	-0.16	-0.1	0.011	0.079	9.40E-06	0.0013	NA	NA	NA	NA
0.12	0.09	-0.02	0.02	0.011	0.0041	0.16	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	-0.05	-0.05	0.011	0.55	1.90E-05	0.00019	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.08	-0.09	-0.07	0.011	0.018	0.00026	0.011	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.03	-0.07	0.03	0.012	0.13	8.00E-06	0.19	NA	NA	NA	NA
0.18	0.07	-0.09	0.03	0.012	0.32	0.0022	0.47	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.02	0.06	0.012	0.018	0.046	2.90E-05	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.04	-0.04	0.1	0.012	0.63	0.32	0.0035	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.07	-0.04	-0.03	0.014	0.54	0.082	0.33	NA	NA	NA	NA
0.1	0	-0.03	0.01	0.015	1	0.18	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.02	0.03	0.015	0.89	0.045	0.0091	NA	NA	NA	NA

-0.06	0.08	-0.08	-0.05	0.016	0.028	4.70E-06	0.0052	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.03	-0.06	-0.07	0.018	0.97	0.058	0.036	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.06	0	0.13	0.02	0.19	0.99	1.70E-06	NA	NA	NA	NA
0.38	0.6	-0.13	0.15	0.02	0.0013	0.035	0.2	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.04	-0.05	-0.08	0.021	0.38	0.12	7.80E-05	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.02	-0.04	0.09	0.022	0.65	0.031	1.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	0	0.03	0.022	0.54	0.77	0.027	NA	NA	NA	NA
0.47	0.47	-0.11	0.17	0.022	0.093	0.099	0.038	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.05	-0.04	-0.07	0.022	0.46	0.28	0.011	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.03	-0.01	0.022	0.059	0.015	0.66	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.02	0.05	0.1	0.024	0.64	0.12	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.1	0.06	0	0.04	0.025	0.24	1	0.24	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.02	0.01	-0.05	0.025	0.64	0.88	0.077	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.1	0.03	0.06	0.025	0.059	0.54	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.09	-0.04	-0.05	0.028	0.013	0.034	0.015	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.06	-0.08	-0.05	0.028	0.17	0.0017	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.03	0	0.028	0.55	0.006	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.32	-0.05	-0.03	-0.01	0.029	0.83	0.4	0.7	NA	NA	NA	NA
0.34	0.12	-0.19	-0.13	0.029	0.28	1.10E-07	0.0023	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.04	-0.11	-0.07	0.03	0.23	2.40E-07	0.0024	NA	NA	NA	NA
0.46	-0.06	-0.03	-0.01	0.03	0.74	0.71	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.07	-0.02	0.03	0.0081	1.20E-05	0.41	NA	NA	NA	NA
0.07	0.14	0	0.04	0.031	7.20E-06	1	0.023	NA	NA	NA	NA
0.11	0.02	-0.03	0.01	0.032	0.86	0.23	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.07	-0.03	-0.03	0.032	0.048	0.085	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.06	-0.06	0.03	0.032	0.022	1.80E-05	0.053	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.15	0.03	0.05	0.033	0.014	0.51	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.03	0.01	0.033	0.81	0.018	0.5	NA	NA	NA	NA
0.11	0.12	0	0.01	0.039	0.09	1	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.07	-0.04	-0.01	0.039	3.30E-05	6.80E-05	0.38	NA	NA	NA	NA

-0.1	-0.09	-0.08	-0.03	0.04	0.18	0.21	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.02	0	0	0.041	0.7	1	0.94	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.07	-0.04	-0.05	0.041	0.0079	0.13	0.034	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.04	0.01	0.01	0.042	0.23	0.47	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.02	-0.07	-0.03	0.043	0.59	1.00E-04	0.079	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.14	0.03	0.06	0.044	0.0028	0.4	0.094	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.02	-0.01	-0.03	0.044	0.47	0.8	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.02	-0.07	0.04	0.044	0.4	0.00013	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.04	-0.04	-0.05	0.045	0.13	0.092	0.013	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.02	-0.06	0.04	0.045	0.65	0.0028	0.25	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.02	0.01	0.046	0.38	0.23	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.27	0.63	-0.05	0	0.046	0.85	0.39	1	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.01	-0.05	-0.03	0.046	0.83	0.0035	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.09	-0.01	0.1	0.047	0.02	0.56	5.10E-06	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.07	0	0.01	0.048	0.16	1	0.81	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.07	0	0.03	0.049	0.54	1	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.02	-0.07	-0.01	0.049	0.69	0.00024	0.48	NA	NA	NA	NA
0.06	NA	0.01	0	0.049	NA	0.63	1	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.05	-0.01	0.03	0.05	0.19	0.85	0.046	NA	NA	NA	NA
0.13	0.19	0	0.16	0.05	0.0067	1	0.0054	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.03	-0.03	-0.09	0.05	0.075	0.27	1.90E-05	NA	NA	NA	NA
0.13	0.03	0.15	0.33	0.051	0.73	0.036	1.30E-05	NA	NA	NA	NA
0.03	0.1	-0.03	0.01	0.051	1.30E-05	0.13	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.11	-0.05	-0.07	0.054	1.30E-05	0.016	8.10E-05	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.06	-0.03	0	0.055	0.036	0.093	0.99	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.04	-0.07	-0.03	0.055	0.13	2.90E-05	0.054	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.07	-0.02	0.061	0.063	2.70E-07	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.03	0.04	0.061	0.46	0.17	0.057	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.02	-0.03	0	0.062	0.27	0.00028	0.65	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.14	-0.06	0.17	0.063	0.0029	0.02	2.50E-06	NA	NA	NA	NA

-0.04	-0.03	-0.04	0	0.064	0.078	0.0011	0.79	NA	NA	NA	NA
-0.16	0.47	-0.01	0	0.066	3.00E-07	0.86	1	NA	NA	NA	NA
0.09	0.02	0	0	0.068	0.8	1	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.05	-0.01	0.07	0.0052	9.50E-06	0.67	NA	NA	NA	NA
0.22	-0.1	0	0.08	0.072	0.18	1	0.097	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.08	-0.06	0.04	0.073	0.01	0.016	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.05	-0.01	0.078	0.76	1.70E-05	0.26	NA	NA	NA	NA
0.16	0.18	0.02	0.17	0.08	0.046	0.71	0.00037	NA	NA	NA	NA
0.1	0.06	-0.1	0	0.081	0.35	0.0014	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.06	-0.14	-0.15	0.082	0.12	0.00028	4.20E-06	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.18	-0.05	0.05	0.082	0.0014	0.029	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.09	-0.06	-0.02	0.082	0.079	0.0059	0.58	NA	NA	NA	NA
0.16	0	-0.04	0	0.083	1	0.15	0.94	NA	NA	NA	NA
0.13	-0.05	0.14	0.02	0.084	0.52	0.094	0.71	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.01	0	-0.03	0.084	0.58	0.89	0.061	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.07	-0.09	-0.08	0.087	0.06	2.10E-09	5.80E-07	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.07	-0.02	-0.01	0.088	0.039	0.22	0.86	NA	NA	NA	NA
-0.51	-0.61	0.08	0.03	0.089	0.012	0.43	0.9	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.02	0.02	0.09	0.16	0.19	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.13	-0.03	0.03	0.09	0.067	0.13	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.08	-0.03	0.14	0.091	0.29	0.34	6.00E-05	NA	NA	NA	NA
-0.23	0.04	-0.1	0.04	0.092	0.91	0.024	0.54	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.07	-0.01	0.07	0.094	0.038	0.44	0.00064	NA	NA	NA	NA
0.04	0.15	-0.07	-0.02	0.094	2.50E-08	7.10E-07	0.14	NA	NA	NA	NA
0.1	0.09	-0.06	0	0.095	0.15	0.032	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.03	-0.04	0.01	0.097	0.13	0.00027	0.46	NA	NA	NA	NA
-0.22	-0.05	-0.08	0.02	0.097	0.87	0.0054	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.07	-0.03	0.05	0.099	0.00031	0.11	0.013	NA	NA	NA	NA
-0.07	0	-0.03	0.08	0.1	1	0.059	0.00033	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.05	-0.06	-0.03	0.1	0.064	0.015	0.13	NA	NA	NA	NA

-0.04	0.01	-0.05	0.01	0.1	0.92	0.023	0.6	NA	NA	NA	NA
0.15	0.08	-0.01	0.1	0.11	0.4	0.83	0.0021	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.03	-0.13	-0.1	0.11	0.14	3.90E-07	4.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.04	0.01	0.11	0.12	7.00E-05	0.6	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.01	-0.05	0.1	0.11	1	0.29	0.06	NA	NA	NA	NA
0.11	0.12	-0.04	-0.01	0.11	0.11	0.28	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.03	-0.08	-0.11	0.11	0.24	0.013	0.00044	NA	NA	NA	NA
-0.16	0.27	-0.01	-0.01	0.11	0.077	0.94	1	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.07	-0.04	0.02	0.11	0.084	0.025	0.35	NA	NA	NA	NA
-0.21	-0.13	-0.06	0.1	0.12	0.5	0.036	0.0029	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	-0.03	0	0.12	0.00099	0.062	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.28	-0.07	-0.07	-0.05	0.12	0.92	0.11	0.18	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.06	-0.07	0.01	0.12	0.38	0.0016	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.05	0	0.12	0.14	7.10E-06	0.83	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	-0.04	0	0.12	0.33	0.11	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.02	-0.03	0.13	0.95	0.17	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.06	-0.03	0.06	0.13	0.33	0.17	0.00097	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.04	-0.04	0.13	0.83	0.2	0.27	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.04	0.02	0.02	0.13	0.017	0.31	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.37	-0.14	-0.08	0.13	0.082	0.00058	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.01	0.03	0.14	0.32	0.65	0.064	NA	NA	NA	NA
0.38	-0.28	-0.05	-0.04	0.14	0.19	0.59	0.61	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.04	-0.02	0.15	0.12	2.00E-04	0.097	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.12	-0.07	-0.1	0.15	0.0029	0.0056	1.40E-05	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.04	-0.01	0.15	0.68	0.00061	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.02	0	0.15	0.082	0.21	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	0.02	0.06	0.15	0.3	0.56	0.019	NA	NA	NA	NA
0.09	0.03	-0.03	0.03	0.15	0.5	0.024	0.071	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.07	-0.02	0.06	0.16	0.2	0.22	0.004	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.04	0.01	0.16	0.98	0.0036	0.43	NA	NA	NA	NA

-0.12	0.12	-0.01	0.03	0.16	0.25	0.76	0.62	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.02	0.05	0.17	0.98	0.24	0.00054	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.04	0.02	0.17	0.44	0.022	0.26	NA	NA	NA	NA
0.14	-0.08	-0.03	-0.1	0.17	0.32	0.36	0.019	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.03	-0.04	0.17	0.36	0.22	0.078	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.02	0.02	0.17	0.94	0.25	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.26	0.18	-0.01	0.04	0.17	0.51	0.85	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.05	0.03	0.03	0.17	0.33	0.16	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.03	-0.04	-0.05	0.17	0.49	0.018	0.0092	NA	NA	NA	NA
0.1	0.08	-0.03	0.02	0.17	0.082	0.47	0.78	NA	NA	NA	NA
0.05	0.1	-0.1	0.02	0.18	0.038	9.70E-05	0.7	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	-0.06	-0.01	0.18	0.0026	0.0013	0.72	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.03	-0.03	0.07	0.18	0.33	0.11	0.013	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.04	-0.03	0.03	0.18	0.34	0.05	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.1	0.03	0.07	0.18	0.01	0.42	0.033	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.04	0.02	0.18	0.5	0.0018	0.29	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.06	0.04	0.19	0.5	0.00065	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.07	-0.09	-0.02	0.19	0.16	4.40E-05	0.42	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.04	0.02	0.19	0.67	0.00012	0.25	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.05	0.01	0.19	0.04	0.0015	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.02	-0.01	0.01	0.19	0.51	0.43	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.07	0.02	0	0.2	0.43	0.76	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.02	0.02	0.2	0.13	0.038	0.092	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.09	0	0.04	0.2	0.0011	1	0.069	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.09	-0.03	-0.01	0.2	0.042	0.44	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.04	-0.02	0.06	0.21	0.023	0.09	1.90E-05	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.16	-0.01	0.06	0.21	0.028	0.69	0.017	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.17	-0.04	0.04	0.21	0.0068	0.16	0.21	NA	NA	NA	NA
0.14	-0.07	-0.05	0.11	0.21	0.52	0.26	0.015	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	-0.02	0.06	0.21	0.069	0.14	0.00018	NA	NA	NA	NA

0.06	0	-0.04	0.12	0.21	1	0.027	4.10E-05	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.02	0.02	0.22	0.00049	0.41	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.09	-0.09	-0.05	0.22	0.29	0.00055	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.37	0.04	-0.08	0.05	0.22	1	0.11	0.41	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.06	-0.06	0.23	0.61	0.02	0.035	NA	NA	NA	NA
0.33	0.17	0.02	0.2	0.23	1	0.72	0.0011	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.01	0.05	0.23	0.03	0.75	0.0092	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.04	-0.06	-0.1	0.23	0.21	0.0054	2.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.09	0.03	0.1	0.23	0.13	0.5	0.006	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.05	0.04	0.13	0.23	0.88	0.066	1.20E-06	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	0	0.03	0.23	0.41	0.85	0.00079	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.05	-0.05	0	0.23	0.44	0.056	1	NA	NA	NA	NA
-0.09	0	0.01	0.09	0.24	1	0.71	0.00047	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	0	0.03	0.25	0.26	0.77	0.057	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.02	0.05	0.25	0.47	0.22	0.0011	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.03	0.01	0.1	0.25	0.58	0.71	0.00017	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	0	0.02	0.26	0.79	0.87	0.4	NA	NA	NA	NA
0.04	0.19	-0.07	-0.01	0.26	0.00026	0.071	0.97	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.05	-0.1	-0.03	0.26	0.33	0.0092	0.57	NA	NA	NA	NA
0.11	0.08	-0.04	0.22	0.27	0.19	0.7	0.062	NA	NA	NA	NA
0.39	NA	-0.04	0.11	0.27	NA	0.66	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.03	0.02	0.27	0.66	0.026	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.1	0.01	0.05	0.27	0.092	0.78	0.054	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.04	-0.07	-0.01	0.27	0.096	2.20E-06	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.01	-0.04	-0.01	0.27	1	0.096	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.18	-0.03	0	0.28	0.0015	0.15	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.07	-0.05	0.02	0.28	0.049	0.0021	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.09	-0.09	-0.05	0.28	0.0048	1.80E-07	0.024	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.02	0.02	0.28	0.1	0.62	0.56	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.05	0	0.02	0.28	0.78	1	0.77	NA	NA	NA	NA

0.15	-0.1	-0.02	0.11	0.28	0.18	0.64	0.015	NA	NA	NA	NA
0.02	0.08	-0.07	0.01	0.28	6.00E-05	1.80E-07	0.57	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.06	-0.04	0.28	0.91	0.022	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.09	-0.04	0.03	0.28	0.052	0.2	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.04	-0.03	0	0.29	0.62	0.16	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.03	0.08	0.29	0.58	0.1	3.50E-06	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.13	-0.04	0.04	0.29	0.23	0.16	0.38	NA	NA	NA	NA
0.05	0.23	-0.08	-0.03	0.29	5.30E-05	0.00085	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.13	0.24	-0.09	NA	0.3	0.044	0.59	NA	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.06	0.03	0.3	0.91	0.0036	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.03	0.03	0.3	0.39	0.012	0.05	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	0.02	0.11	0.31	0.57	0.45	8.70E-06	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.03	0.04	0.31	0.97	0.049	0.036	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.04	-0.05	0.01	0.31	0.097	0.0021	0.71	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.02	-0.02	0.32	0.65	0.36	0.39	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.01	0.02	0.32	0.8	0.4	0.082	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.01	-0.01	0.14	0.32	0.96	0.75	0.00021	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.26	-0.03	0.09	0.32	0.0016	0.17	0.00016	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.06	-0.1	-0.05	0.32	0.16	3.10E-05	0.071	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.05	-0.01	0.33	0.24	1.20E-06	0.68	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.07	-0.17	-0.11	0.33	0.08	6.50E-07	0.0015	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.07	-0.03	0.01	0.33	0.063	0.25	0.85	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.02	-0.01	0.34	0.9	0.12	0.67	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.1	-0.04	0.34	0.33	2.30E-05	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.03	0.04	0.01	0.35	0.16	0.025	0.71	NA	NA	NA	NA
-0.15	0.36	-0.14	0.42	0.35	0.031	3.00E-04	0.001	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.04	0.02	0.35	0.033	0.0023	0.31	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.24	0.05	0.08	0.35	0.021	0.065	0.0019	NA	NA	NA	NA
0.09	0.01	-0.05	-0.07	0.35	0.85	0.074	0.0016	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.05	0.01	0.36	1	0.011	0.85	NA	NA	NA	NA

-0.06	-0.16	-0.01	-0.05	0.36	0.00023	0.72	0.098	NA	NA	NA	NA
0.11	0.06	-0.02	-0.02	0.36	0.57	0.84	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.24	-0.08	-0.1	0.36	0.0016	0.097	0.025	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.08	0.01	0.37	0.082	2.70E-05	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.07	-0.01	0.37	0.92	7.90E-07	0.63	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.05	0.02	0.37	0.44	8.70E-06	0.24	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.05	-0.04	0.37	0.00028	0.0018	0.0025	NA	NA	NA	NA
0.02	0.13	-0.07	-0.01	0.37	2.10E-08	0.00026	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.06	-0.04	0.37	0.017	0.00011	0.025	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.04	-0.03	0.37	0.91	0.12	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.04	0.09	0.37	0.088	0.18	0.023	NA	NA	NA	NA
0.06	0.14	-0.02	0.1	0.37	0.016	0.56	0.0065	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.02	0	0.02	0.38	0.47	0.94	0.09	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.04	-0.01	0.38	0.96	0.0064	0.5	NA	NA	NA	NA
0.04	0.12	-0.09	0.13	0.38	0.12	0.041	0.019	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.07	-0.03	-0.02	0.38	0.0065	0.095	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.04	0.01	0.38	0.81	0.041	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.03	-0.04	0.05	0.38	0.3	0.098	0.095	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.05	-0.07	-0.05	0.39	0.14	3.00E-04	0.024	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.02	-0.02	0	0.39	0.53	0.19	1	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.09	0	0.12	0.39	0.64	0.97	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.24	-0.06	0.04	0.39	1.80E-05	0.073	0.46	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	0.01	0.07	0.39	1	0.9	0.0056	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.05	0.01	0.39	1	0.0011	0.69	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.06	-0.06	-0.01	0.39	0.08	0.028	0.7	NA	NA	NA	NA
0.02	0	0.05	0.06	0.4	1	0.13	0.037	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.03	-0.08	0.07	0.4	0.67	0.032	0.17	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.01	0	0.41	0.013	0.65	0.88	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	0.05	-0.05	0.41	0.25	0.1	0.034	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.06	0.02	0.41	0.47	0.0087	0.58	NA	NA	NA	NA

0.02	0.03	0	0.06	0.41	0.22	0.83	3.60E-05	NA	NA	NA	NA
0.03	0.1	0.13	0.05	0.42	0.1	0.00079	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.04	0.03	0.43	0.33	0.00079	0.051	NA	NA	NA	NA
0.11	0.03	-0.02	-0.05	0.43	1	0.43	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.05	-0.12	-0.11	0.43	0.65	1.50E-08	2.80E-06	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.1	-0.05	0.08	0.43	0.11	0.049	0.023	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.02	0	0.44	0.76	0.64	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.04	0.08	0.44	1	0.28	0.072	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.02	0.01	-0.14	0.44	1	0.92	0.00041	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	0	0.04	0.45	1	0.98	0.011	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.04	0.07	0.45	0.24	0.33	0.087	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.07	-0.03	0.05	0.45	0.0021	0.1	0.11	NA	NA	NA	NA
0.02	0.03	-0.02	0	0.45	0.25	0.25	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.02	-0.02	0.46	0.79	0.33	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.64	-0.08	0.09	0.46	0.0023	0.13	0.31	NA	NA	NA	NA
0.04	0.25	-0.04	0.02	0.46	0.01	0.21	0.62	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.06	0.04	0.01	0.46	0.85	0.31	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.05	-0.04	0.01	0.47	0.27	4.20E-05	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.04	-0.03	0.01	0.47	0.87	0.35	0.86	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.1	0	0.47	0.43	3.60E-07	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.1	0.09	0.47	0.77	0.039	0.25	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.09	0.13	0.47	1	9.70E-06	2.70E-08	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.03	-0.03	0.48	1	0.11	0.11	NA	NA	NA	NA
0.25	0.46	0.19	0.2	0.49	0.035	0.042	0.032	NA	NA	NA	NA
0.01	0.07	-0.01	0.01	0.49	1.70E-05	0.2	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	-0.05	0	0.5	0.18	0.00016	0.94	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.08	-0.06	-0.01	0.5	0.92	0.49	0.98	NA	NA	NA	NA
0.05	0	0.02	0.07	0.5	1	0.65	0.061	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.08	0.02	0.09	0.5	0.15	0.43	0.00022	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	-0.06	-0.04	0.5	1	0.00047	0.064	NA	NA	NA	NA

0.13	0.04	-0.04	0	0.52	1	0.045	0.91	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.03	-0.02	0.01	0.52	0.035	0.58	0.61	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.05	-0.04	0.11	0.52	0.27	0.028	1.90E-07	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.02	-0.01	0.52	0.75	0.27	0.69	NA	NA	NA	NA
0.14	0.15	0.23	0.07	0.53	0.43	0.0011	0.017	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	0.02	0.04	0.53	0.96	0.58	0.083	NA	NA	NA	NA
0.12	0.19	-0.17	0	0.54	0.19	0.035	1	NA	NA	NA	NA
0.17	-0.04	NA	NA	0.54	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.04	-0.01	0.55	0.84	0.072	0.66	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	0	0.03	0.55	0.71	0.85	0.043	NA	NA	NA	NA
0.06	0.01	-0.07	0.08	0.56	1	0.08	0.12	NA	NA	NA	NA
0.02	0.2	-0.04	0.04	0.56	5.50E-07	0.098	0.11	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	0.04	0.15	0.58	0.62	0.18	8.60E-05	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	0	0.02	0.58	0.96	0.97	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.02	0.04	0.02	0.59	0.64	0.33	0.64	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.02	-0.08	-0.08	0.59	0.76	0.0052	0.072	NA	NA	NA	NA
0.04	0.14	-0.08	0.02	0.59	0.051	0.0034	0.8	NA	NA	NA	NA
0.02	0.06	-0.03	-0.06	0.59	0.12	0.37	0.021	NA	NA	NA	NA
0.24	0.67	0.01	0.26	0.59	0.32	1	0.0019	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.08	-0.03	0.02	0.6	0.22	0.33	0.61	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.02	0.02	0.61	0.81	0.4	0.35	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.04	-0.02	0.1	0.61	0.47	0.32	0.00047	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.03	-0.04	0.07	0.61	0.35	0.11	0.032	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.03	-0.01	0.07	0.62	0.84	0.65	0.013	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.11	0	0.02	0.62	0.18	1	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.05	-0.01	0.62	0.89	0.019	0.8	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.08	-0.01	0.62	1	0.018	0.85	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.02	0.04	0.62	0.21	0.19	0.025	NA	NA	NA	NA
0.75	0.25	-0.07	0.06	0.62	1	0.028	0.51	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.05	0	0.63	0.65	0.00053	0.85	NA	NA	NA	NA

-0.03	0.04	-0.05	0.07	0.63	0.57	0.014	0.0025	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.04	-0.02	0.63	0.18	0.021	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.08	-0.04	0	0.63	0.013	0.12	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	0	0.04	0.63	0.53	1	0.17	NA	NA	NA	NA
0.04	0.01	-0.08	-0.02	0.64	1	0.00024	0.61	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.04	0	0.01	0.64	0.5	0.96	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.03	-0.03	0.02	0.64	0.47	0.15	0.42	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.04	-0.09	-0.01	0.65	0.9	0.022	0.98	NA	NA	NA	NA
0.03	0.09	-0.02	0.04	0.65	0.066	0.16	0.047	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	-0.08	0.06	0.65	0.4	0.00087	0.074	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	0.02	0.04	0.65	0.59	0.48	0.08	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.13	-0.07	0.65	0.76	0.017	0.41	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.07	-0.06	0	0.66	0.025	0.00067	0.94	NA	NA	NA	NA
0.1	0.07	0	0.1	0.66	1	1	0.77	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.2	0.07	0.04	0.66	0.0075	0.0087	0.063	NA	NA	NA	NA
0.72	-0.11	0.02	0.02	0.66	0.73	0.67	0.68	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.05	-0.01	0.66	1	0.081	0.68	NA	NA	NA	NA
0.06	0.07	-0.12	-0.08	0.68	0.58	0.00074	0.089	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.12	-0.05	0.03	0.68	0.25	0.028	0.53	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.04	-0.03	0.68	0.081	0.049	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.07	-0.02	0.69	0.85	0.00011	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.08	-0.17	-0.05	0.69	0.37	0.00024	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.07	-0.04	-0.03	0.69	0.024	0.093	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.21	-0.22	NA	NA	0.69	0.061	NA	NA	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.04	-0.03	0.69	0.16	0.004	0.04	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.03	-0.06	-0.01	0.69	0.34	0.023	0.74	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.08	-0.07	0.69	1	0.0037	0.051	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.06	-0.02	0	0.7	1	0.89	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.05	-0.05	-0.07	0.7	0.3	0.064	0.016	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.01	-0.03	0.01	0.7	0.97	0.067	0.76	NA	NA	NA	NA

0.01	0	-0.08	-0.09	0.7	0.98	4.70E-07	2.40E-07	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.03	0.01	0.7	0.91	0.025	0.74	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.03	-0.08	0.01	0.71	0.43	0.00025	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.06	-0.02	0.71	0.38	2.00E-05	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.09	-0.01	0.02	0.71	0.084	0.79	0.43	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.02	0.01	0.72	0.22	0.47	0.62	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	-0.03	-0.01	0.72	0.26	0.36	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.08	-0.27	NA	0.72	0.35	0.00012	NA	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.03	0.03	0.72	0.067	0.016	0.032	NA	NA	NA	NA
-0.07	0	-0.06	0.06	0.73	1	0.074	0.11	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.03	0.02	0.05	0.73	0.5	0.4	0.014	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.04	-0.04	-0.01	0.73	0.33	0.038	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	-0.04	-0.01	0.73	0.024	0.0058	0.36	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.02	-0.03	-0.02	0.73	0.62	0.19	0.49	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.01	0.04	0.74	0.69	0.94	0.24	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.01	0.04	0.74	0.55	0.65	0.047	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	-0.05	0.08	0.74	0.78	6.00E-04	0.0012	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.09	-0.08	0.74	0.87	0.022	0.048	NA	NA	NA	NA
0.05	0.16	-0.16	-0.08	0.75	0.2	1.90E-08	0.031	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.03	0	0.01	0.75	0.21	0.85	0.54	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.02	0.01	0.75	0.34	0.17	0.62	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.16	-0.14	0.76	0.79	6.90E-06	0.00027	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.05	-0.04	0.76	0.33	0.00028	0.0033	NA	NA	NA	NA
-0.06	NA	0.05	0.04	0.76	NA	0.3	0.49	NA	NA	NA	NA
0.03	0.19	-0.09	-0.02	0.76	7.00E-05	5.80E-05	0.68	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.06	0.05	0.77	0.85	0.0027	0.091	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.01	0.01	0.77	1	0.47	0.67	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.03	0.03	0.77	0.21	0.01	0.011	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.05	-0.28	-0.3	0.77	0.75	1.40E-07	7.10E-06	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.11	-0.09	0.03	0.77	0.25	0.0078	0.46	NA	NA	NA	NA

0	0.01	-0.05	0.03	0.77	0.31	7.00E-06	0.018	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.16	-0.09	-0.04	0.77	0.036	0.0016	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.15	-0.09	-0.08	0.78	0.18	0.0015	0.042	NA	NA	NA	NA
0.08	0.1	-0.09	-0.06	0.78	0.44	0.087	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.16	0.06	0	0.78	0.0023	0.026	1	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.05	-0.09	0.01	0.79	0.49	0.031	0.93	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.25	-0.04	0.04	0.79	0.00014	0.084	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.05	0	0.79	0.61	3.10E-05	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.07	0	0.79	0.55	6.40E-05	1	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.01	0.09	0.8	0.69	0.85	0.0036	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.02	0.02	0.8	1	0.13	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.06	-0.02	0.81	1	4.20E-05	0.23	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.07	-0.11	0	0.81	0.023	2.00E-06	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	-0.07	-0.04	0.81	0.12	0.0062	0.18	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.02	0.09	0.82	0.95	0.32	0.00017	NA	NA	NA	NA
-0.5	NA	-0.1	NA	0.82	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.05	-0.14	0.09	0.82	0.63	0.002	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	0	0.08	0.83	0.066	1	0.00012	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.06	-0.03	0.83	0.82	0.00013	0.082	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.06	-0.08	-0.01	0.83	0.23	0.011	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.11	-0.07	0.83	1	3.00E-05	0.0089	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.24	-0.18	0.83	0.35	1.20E-08	0.00045	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.1	-0.04	-0.03	0.84	0.015	0.027	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.05	0.02	0.84	0.84	0.0011	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.09	-0.01	0.84	0.54	0.0016	0.78	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.07	-0.11	-0.07	0.84	0.48	0.0087	0.19	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.05	0	0.84	0.52	4.90E-08	0.72	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.03	0.01	0.85	0.011	0.0096	0.74	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.03	0.02	0.86	0.45	0.06	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.24	0	0.1	0.87	0.00024	1	0.001	NA	NA	NA	NA

-0.01	-0.06	-0.08	-0.06	0.87	0.17	0.0044	0.074	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	-0.05	0.04	0.87	0.17	0.074	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.17	-0.09	0.22	0.88	0.067	0.0066	7.80E-05	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.23	-0.12	0.05	0.88	0.057	0.0024	0.45	NA	NA	NA	NA
0	-0.03	-0.03	0.03	0.88	0.088	0.019	0.014	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.01	0.09	0.88	0.23	0.61	0.00068	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	0	0.04	0.88	1	1	0.066	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.06	-0.05	0.06	0.88	0.32	0.054	0.095	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	0	-0.03	0.89	0.81	0.98	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.07	-0.04	0.07	0.89	0.048	0.0024	0.0011	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.05	0.01	0.89	0.97	0.043	0.83	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.14	-0.14	NA	0.89	0.22	0.057	NA	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.03	0.09	0.9	1	0.13	0.027	NA	NA	NA	NA
-0.06	NA	0.1	0.67	0.9	NA	0.67	0.096	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.05	0.03	0.9	0.49	0.00052	0.065	NA	NA	NA	NA
0	0.07	-0.03	-0.04	0.9	0.00097	0.064	0.0066	NA	NA	NA	NA
0.12	NA	-0.16	0	0.91	NA	0.00028	1	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.03	-0.19	0.02	0.91	1	0.00011	0.85	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.04	0.01	0.07	0.92	0.9	0.77	0.00058	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	0	-0.01	0.92	0.7	1	0.46	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.04	-0.29	-0.33	0.92	0.57	4.80E-07	4.10E-09	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.06	-0.02	0.93	0.64	0.077	0.61	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	-0.05	0.07	0.93	0.49	0.0033	0.00089	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.22	-0.06	0.05	0.94	0.53	0.12	0.27	NA	NA	NA	NA
0	0.04	0	0.02	0.95	0.0071	0.79	0.067	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	-0.06	-0.01	0.95	0.85	0.012	0.82	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.18	-0.01	0.04	0.95	0.13	0.66	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.08	0.05	0.16	0.95	0.18	0.12	7.60E-07	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.05	0.03	0.97	0.22	0.0027	0.084	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.03	-0.01	0.97	0.0063	0.024	0.33	NA	NA	NA	NA

0	0.17	0	0.07	0.97	6.70E-08	0.96	1.10E-05	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.06	0.05	0.97	1	0.00019	0.012	NA	NA	NA	NA
0.01	0	0.01	0.12	0.98	1	0.68	2.70E-07	NA	NA	NA	NA
0	0.06	-0.01	0.08	0.98	0.02	0.68	1.60E-05	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.18	-0.11	-0.01	0.98	0.088	0.2	1	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.03	0.03	0.99	0.32	0.024	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	-0.03	0.03	0.99	0.26	0.3	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	0.02	-0.08	0.99	1	0.84	0.055	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.13	-0.12	0.99	0.89	1.00E-04	0.002	NA	NA	NA	NA
0.22	-0.44	NA	NA	1	0.48	NA	NA	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.11	-0.09	-0.05	1	0.58	0.092	0.42	NA	NA	NA	NA
0	-0.09	-0.03	0.03	1	0.015	0.043	0.054	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.04	0.02	1	0.45	0.0098	0.23	NA	NA	NA	NA
0	-0.07	-0.01	-0.05	1	0.089	0.74	0.043	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.06	-0.11	0.02	1	0.75	0.19	1	NA	NA	NA	NA
0	0	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0.01	0.13	-0.05	0.03	1	0.1	0.3	0.71	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	-0.04	-0.02	1	0.76	0.27	0.59	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.02	0.03	1	1	0.41	0.17	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.03	0	0.07	1	0.42	1	0.073	NA	NA	NA	NA
0	-0.06	-0.06	0.03	1	0.21	0.0071	0.31	NA	NA	NA	NA
0	0.03	0.03	0.05	1	0.25	0.12	0.035	NA	NA	NA	NA
0	0	0.05	0.04	1	1	0.022	0.091	NA	NA	NA	NA
0	NA	-0.24	0.13	1	NA	0.21	1	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.02	0	1	1	1	1	NA	NA	NA	NA
0	0.06	-0.07	-0.05	1	0.02	5.10E-06	0.00051	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.1	-0.09	-0.03	1	0.28	0.0015	0.4	NA	NA	NA	NA
0	0.09	-0.08	-0.04	1	0.011	4.20E-06	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.1	-0.07	-0.03	1	0.035	0.053	0.46	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.06	-0.06	1	0.81	0.0036	0.0052	NA	NA	NA	NA

0.01	-0.03	-0.02	0.05	1	1	0.72	0.11	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.11	0.04	0.01	1	0.39	0.94	1	NA	NA	NA	NA
0	NA	-0.56	0	1	NA	0.088	1	NA	NA	NA	NA
-0.04	NA	-0.06	-0.02	1	NA	0.68	1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	0.02	0.01	1	1	0.8	0.74	NA	NA	NA	NA
0	0.07	-0.09	-0.03	1	0.12	0.16	0.62	NA	NA	NA	NA
0	-0.03	-0.07	0.06	1	0.58	0.0057	0.083	NA	NA	NA	NA
0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.06	-0.08	-0.05	1	1	0.039	0.33	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.02	-0.04	-0.02	1	0.98	0.33	0.78	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.07	-0.09	0.06	1	0.95	0.0023	0.13	NA	NA	NA	NA
0	0.01	0	0.01	1	0.8	0.8	0.44	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.04	0.02	1	0.14	0.0049	0.1	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.03	-0.03	1	1	0.054	0.047	NA	NA	NA	NA
-0.13	0.03	0.03	0.54	1	1	0.82	0.0024	NA	NA	NA	NA
0.01	0.14	-0.06	0	1	0.077	0.0032	0.93	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.12	-0.07	-0.02	1	0.011	0.0026	0.52	NA	NA	NA	NA
0.01	0.08	-0.1	-0.01	1	0.31	0.001	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.2	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.08	-0.06	1	0.8	0.0032	0.018	NA	NA	NA	NA
0	-0.01	0	0.07	1	1	1	0.025	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	0.01	0.08	1	1	0.82	0.042	NA	NA	NA	NA
0	0.12	0.04	0	1	0.35	0.3	1	NA	NA	NA	NA
0	0.02	0.06	0.1	1	0.71	0.012	0.00025	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.46	0.02	0.06	1	0.023	0.92	0.68	NA	NA	NA	NA
0	-0.19	0	0.19	1	0.34	1	0.69	NA	NA	NA	NA
0	-0.04	-0.05	0.04	1	0.19	0.015	0.095	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.03	0.05	1	0.31	0.05	0.0031	NA	NA	NA	NA
0	-0.31	-0.02	0.06	1	0.86	0.53	0.35	NA	NA	NA	NA
0	0	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA

0	-0.02	-0.07	-0.04	1	0.5	2.20E-08	0.012	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.02	0.04	1	1	0.6	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.06	-0.03	1	0.64	0.039	0.49	NA	NA	NA	NA
0	0.07	-0.12	-0.04	1	0.98	0.0012	0.48	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	-0.11	-0.16	1	1	0.058	0.00053	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.02	-0.08	0.03	1	1	0.013	0.4	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	-0.18	-0.28	1	1	0.0015	0.00015	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.18	-0.18	-0.14	1	0.23	0.00026	0.1	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.05	0.03	1	0.84	0.047	0.47	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.07	0.03	1	0.19	0.00039	0.24	NA	NA	NA	NA
0.03	0.53	-0.05	0.13	1	6.50E-09	0.12	0.00027	NA	NA	NA	NA
0	-0.06	0.1	0.13	1	0.55	0.19	0.1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.9	-0.01	0.39	NA	0.029	1	0.048	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.08	-0.05	NA	NA	0.19	0.58	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.07	0.07	NA	NA	0.66	0.81	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.02	0.07	NA	NA	1	0.92	NA	NA	NA	NA
NA	0.75	NA	NA	NA	0.069	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.15	0.06	0.14	NA	1	0.35	0.013	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.2	0.02	NA	NA	0.11	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.07	-0.07	NA	NA	0.51	0.42	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.01	-0.01	-0.02	NA	1	0.92	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	0.01	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.44	NA	NA	NA	0.71	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0	0	0	NA	1	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.88	-0.03	0.27	NA	0.057	1	0.045	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.14	0.08	NA	NA	0.24	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.12	-0.05	NA	NA	0.2	0.56	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA

NA	NA	-0.01	0.35	NA	NA	1	0.11	NA	NA	NA	NA
NA	0.75	0.02	0.58	NA	0.097	1	0.046	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	0.03	NA	NA	0.25	0.65	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.5	NA	NA	NA	0.48	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0	-0.22	0.18	NA	1	0.046	0.31	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	0.1	NA	NA	0.12	0.0051	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	0.04	NA	NA	0.15	0.32	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.12	NA	NA	NA	0.71	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.12	NA	NA	NA	0.74	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.13	NA	NA	NA	0.079	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	0	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.05	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.13	-0.07	NA	NA	0.0028	0.18	NA	NA	NA	NA
NA	-0.33	-0.03	-0.08	NA	0.69	0.73	0.52	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.1	0.12	NA	0.99	0.0016	0.0028	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.1	NA	NA	NA	0.63	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.37	0.01	0.03	NA	1.80E-05	0.84	0.61	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.07	-0.06	0.08	NA	1	0.27	0.16	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.06	0.15	NA	NA	0.3	0.22	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	0.02	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.09	0	NA	NA	0.18	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.5	0	-0.11	NA	1	1	0.66	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.24	0.12	NA	NA	0.0017	0.49	NA	NA	NA	NA

NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.01	-0.1	NA	NA	0.93	0.34	NA	NA	NA	NA
NA	-0.02	-0.04	-0.06	NA	1	0.3	0.72	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.25	0	NA	NA	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	0.82	NA	NA	0.4	2.00E-04	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0.23	0.2	-0.02	-0.01	8.80E-09	1.30E-06	0.4	0.67	NA	NA	NA	NA
0.19	0.13	-0.03	-0.01	1.00E-08	0.00022	0.04	0.67	NA	NA	NA	NA
0.17	0.01	-0.01	0	2.70E-08	0.6	0.75	0.92	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.01	-0.08	0	4.90E-08	0.85	5.90E-09	1	NA	NA	NA	NA
0.28	0.06	-0.06	-0.01	5.60E-08	0.04	4.80E-06	0.59	NA	NA	NA	NA
0.39	0.05	-0.06	-0.04	7.00E-08	0.16	3.50E-05	0.025	NA	NA	NA	NA
0.39	0.07	-0.01	0.14	1.30E-07	0.34	0.89	9.40E-05	NA	NA	NA	NA
0.27	0.03	-0.04	-0.02	2.10E-07	0.33	0.053	0.46	NA	NA	NA	NA
0.24	0.09	-0.02	-0.01	2.30E-07	0.03	0.53	0.65	NA	NA	NA	NA
0.17	0.01	-0.01	0.03	2.30E-07	0.95	0.8	0.081	NA	NA	NA	NA
0.49	0.56	0.12	-0.09	4.90E-07	0.00022	0.22	0.32	NA	NA	NA	NA
0.29	0.05	-0.04	0	7.30E-07	0.09	0.0033	0.98	NA	NA	NA	NA
0.08	0.08	-0.05	0	8.00E-07	3.50E-09	2.40E-06	0.85	NA	NA	NA	NA
0.5	0.07	-0.09	0.39	8.10E-07	0.48	0.28	8.30E-06	NA	NA	NA	NA
0.31	0.03	-0.03	0.02	1.60E-06	0.25	0.046	0.39	NA	NA	NA	NA
-0.39	-0.27	-0.05	-0.01	1.70E-06	0.012	0.058	0.78	NA	NA	NA	NA
0.95	0.2	-0.21	-0.12	2.00E-06	0.57	6.30E-05	0.048	NA	NA	NA	NA
0.27	0.11	-0.06	-0.03	2.50E-06	0.046	0.17	0.44	NA	NA	NA	NA
0.13	0	-0.03	0.03	2.90E-06	1	0.061	0.024	NA	NA	NA	NA

0.16	0.04	0.01	-0.05	3.20E-06	0.11	0.84	0.039	NA	NA	NA	NA
0.17	0.11	-0.01	0.06	5.70E-06	0.0027	0.38	0.00068	NA	NA	NA	NA
-0.73	-0.67	-0.02	-0.03	2.00E-05	6.80E-05	0.7	0.62	NA	NA	NA	NA
0.91	0.04	-0.08	-0.04	2.60E-05	0.49	0.0017	0.17	NA	NA	NA	NA
0.12	0.06	-0.04	0.03	2.70E-05	0.018	0.00029	0.0036	NA	NA	NA	NA
0.22	0.03	-0.05	0.06	3.30E-05	0.28	3.20E-05	0.00015	NA	NA	NA	NA
0.25	0.17	-0.05	0	4.40E-05	1.20E-06	0.0031	0.89	NA	NA	NA	NA
0.92	0.17	-0.14	-0.04	5.20E-05	0.13	7.20E-06	0.41	NA	NA	NA	NA
0.13	0.08	-0.07	-0.01	5.50E-05	0.00027	9.70E-08	0.63	NA	NA	NA	NA
0.22	0.1	-0.01	0	5.60E-05	0.022	0.88	0.92	NA	NA	NA	NA
0.12	0.11	-0.04	-0.04	5.90E-05	0.00034	0.0097	0.0095	NA	NA	NA	NA
0.69	0.09	-0.01	0.03	6.20E-05	0.02	0.87	0.36	NA	NA	NA	NA
0.27	0.08	-0.01	0.03	9.60E-05	0.039	0.41	0.12	NA	NA	NA	NA
0.15	0.1	-0.07	-0.03	0.00011	0.0012	6.70E-08	0.052	NA	NA	NA	NA
-0.13	-0.03	-0.04	0.05	0.00012	0.66	0.0012	0.013	NA	NA	NA	NA
0.18	0.02	-0.07	-0.01	0.00012	0.89	5.00E-06	0.61	NA	NA	NA	NA
-0.79	-0.55	0.35	0.57	0.00012	0.011	0.003	0.00046	NA	NA	NA	NA
0.16	0.02	-0.05	-0.03	0.00014	0.41	0.007	0.17	NA	NA	NA	NA
0.2	0.16	0.02	0	0.00019	0.00036	0.21	1	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.12	-0.04	0.02	0.00027	0.024	0.0074	0.28	NA	NA	NA	NA
0.27	0.16	-0.04	0.01	0.00028	0.00047	0.029	0.84	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.04	0.01	0.02	0.00029	0.055	0.59	0.06	NA	NA	NA	NA
0.14	0	-0.02	0.02	0.00043	0.91	0.16	0.24	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	-0.02	-0.02	5.00E-04	0.11	0.29	0.075	NA	NA	NA	NA
0.28	0.16	0	0.01	0.00052	0.0015	0.97	0.81	NA	NA	NA	NA
-0.12	-0.11	0.02	0.07	0.00052	0.00019	0.37	0.0042	NA	NA	NA	NA
0.44	0.14	-0.1	-0.08	0.00057	0.035	0.0017	0.062	NA	NA	NA	NA
0.13	0.03	-0.01	0.05	0.00058	0.15	0.34	0.0017	NA	NA	NA	NA
0.21	0.01	-0.19	-0.07	0.00063	0.92	2.00E-09	0.065	NA	NA	NA	NA
0.14	-0.05	0	-0.01	0.00064	0.15	0.88	0.85	NA	NA	NA	NA

0.12	0.18	-0.07	0.01	0.00077	1.10E-07	1.40E-08	0.3	NA	NA	NA	NA
0.09	0.01	-0.06	0	9.00E-04	0.65	2.70E-07	0.94	NA	NA	NA	NA
0.1	0.17	-0.05	0.04	0.0015	2.90E-09	0.0016	0.054	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.02	-0.07	-0.02	0.0016	0.69	0.00012	0.41	NA	NA	NA	NA
0.13	0.05	-0.02	0.02	0.0016	0.042	0.42	0.54	NA	NA	NA	NA
0.1	0.04	-0.03	0	0.0017	0.071	0.064	0.88	NA	NA	NA	NA
0.22	0.08	-0.11	0.05	0.0017	0.08	1.70E-05	0.1	NA	NA	NA	NA
0.13	0.11	0.03	0.06	0.0018	0.0046	0.24	0.02	NA	NA	NA	NA
0.41	0	-0.06	0.05	0.002	1	0.048	0.076	NA	NA	NA	NA
0.11	0.16	-0.09	0.01	0.0021	6.00E-07	2.50E-06	0.71	NA	NA	NA	NA
0.2	-0.01	-0.04	-0.04	0.0021	0.99	0.12	0.19	NA	NA	NA	NA
0.18	0.07	-0.04	-0.02	0.0023	0.13	0.082	0.47	NA	NA	NA	NA
0.1	0.11	-0.06	-0.03	0.0023	1.40E-05	0.00034	0.078	NA	NA	NA	NA
0.09	0.02	0	0.03	0.0025	0.38	0.75	0.013	NA	NA	NA	NA
0.44	NA	0.38	0.43	0.0026	NA	8.90E-05	0.0017	NA	NA	NA	NA
0.33	0.03	-0.05	-0.02	0.0026	0.53	0.053	0.61	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.02	0.03	0.0028	0.021	0.29	0.052	NA	NA	NA	NA
0.19	0.03	-0.04	0.12	0.0028	0.52	0.092	9.90E-05	NA	NA	NA	NA
0.21	0.05	-0.01	0.04	0.0029	0.55	0.58	0.07	NA	NA	NA	NA
0.14	0.1	0	0.09	0.003	0.00044	0.95	9.00E-07	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.02	-0.04	0.08	0.003	0.32	0.0065	9.70E-07	NA	NA	NA	NA
0.09	0.02	-0.02	0.04	0.003	0.44	0.052	0.0032	NA	NA	NA	NA
0.11	0.14	0	0.05	0.0031	0.0016	1	0.017	NA	NA	NA	NA
0.81	0.01	-0.03	0.05	0.0031	1	0.19	0.033	NA	NA	NA	NA
0.17	-0.19	-0.11	-0.16	0.0039	0.0012	0.003	1.90E-05	NA	NA	NA	NA
0.19	-0.02	-0.15	-0.09	0.0041	0.75	2.30E-08	0.0069	NA	NA	NA	NA
0.96	0.1	-0.06	0.05	0.0042	0.43	0.12	0.38	NA	NA	NA	NA
0.16	0.08	-0.07	0.01	0.0043	0.058	6.30E-05	0.86	NA	NA	NA	NA
0.12	0.03	-0.02	0.05	0.0043	0.22	0.14	0.013	NA	NA	NA	NA
0.17	0.03	-0.06	-0.02	0.005	0.46	0.011	0.4	NA	NA	NA	NA

0.21	0.07	-0.09	-0.01	0.0054	0.46	0.033	0.95	NA	NA	NA	NA
0.13	0.04	-0.04	-0.01	0.0054	0.18	0.058	0.73	NA	NA	NA	NA
0.18	-0.01	-0.02	0.04	0.0055	0.78	0.62	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.04	-0.11	-0.04	0.0059	0.89	0.016	0.82	NA	NA	NA	NA
0.11	0.03	-0.05	0	0.0062	0.39	0.00059	1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.06	-0.02	0.0063	0.0032	1.00E-05	0.1	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.06	0.01	0.0063	0.017	8.70E-05	0.5	NA	NA	NA	NA
0.08	0.06	-0.06	-0.02	0.0063	0.049	0.00083	0.26	NA	NA	NA	NA
0.12	0.07	-0.04	0.09	0.0065	0.28	0.054	0.0011	NA	NA	NA	NA
0.07	0.11	0.01	0.06	0.0065	5.20E-06	0.81	0.0024	NA	NA	NA	NA
-0.36	-0.29	0.01	0	0.0065	0.0048	0.84	1	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.05	0.03	0.0066	0.14	0.00034	0.081	NA	NA	NA	NA
0.21	0.02	-0.05	-0.1	0.0068	0.91	0.5	0.055	NA	NA	NA	NA
0.09	0.03	-0.05	0	0.007	0.36	9.10E-05	0.97	NA	NA	NA	NA
0.17	0.19	-0.07	0.04	0.007	7.00E-05	0.013	0.27	NA	NA	NA	NA
0.13	0.18	-0.01	0.08	0.0073	0.005	0.69	0.00068	NA	NA	NA	NA
-0.07	0	-0.12	-0.09	0.0088	1	4.60E-06	0.00016	NA	NA	NA	NA
0.28	0.04	-0.1	0.06	0.009	0.56	0.0047	0.23	NA	NA	NA	NA
0.14	0.06	-0.06	0	0.0093	0.073	0.00025	1	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.04	-0.04	0	0.0094	0.57	0.39	1	NA	NA	NA	NA
0.4	0.28	-0.07	0.01	0.0095	0.015	0.0071	0.88	NA	NA	NA	NA
0.12	0.09	0.03	0.3	0.0099	0.024	0.58	3.30E-05	NA	NA	NA	NA
0.07	0.05	-0.05	-0.03	0.01	0.00055	0.00087	0.017	NA	NA	NA	NA
0.09	0.01	-0.05	0.03	0.01	0.77	0.0023	0.11	NA	NA	NA	NA
0.63	-0.05	-0.08	0.03	0.011	0.67	0.43	0.68	NA	NA	NA	NA
0.11	0.01	-0.06	-0.02	0.011	0.85	5.00E-04	0.44	NA	NA	NA	NA
0.11	0.17	-0.12	-0.07	0.011	5.30E-05	2.00E-06	0.006	NA	NA	NA	NA
0.91	0.91	-0.03	NA	0.011	0.23	0.86	NA	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.03	0.03	0.011	0.022	0.00075	0.0055	NA	NA	NA	NA
0.07	0.02	-0.02	0.05	0.011	0.32	0.14	0.0047	NA	NA	NA	NA

0.05	0.04	-0.06	-0.01	0.012	0.077	4.90E-08	0.58	NA	NA	NA	NA
0.14	0	-0.06	0.04	0.013	1	0.0013	0.32	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.03	-0.03	0.02	0.013	0.13	0.0051	0.049	NA	NA	NA	NA
0.1	0.07	0	0.1	0.013	0.016	0.95	1.40E-06	NA	NA	NA	NA
0.19	0.28	0.02	0.02	0.013	7.70E-08	0.39	0.22	NA	NA	NA	NA
0.12	0.31	-0.07	-0.02	0.013	4.70E-09	1.60E-05	0.44	NA	NA	NA	NA
0.1	0.03	-0.04	0	0.014	0.3	0.00063	1	NA	NA	NA	NA
0.45	0.17	0.01	0.04	0.017	0.35	1	0.31	NA	NA	NA	NA
0.12	0.04	0.02	0.07	0.018	0.33	0.8	0.044	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.01	-0.02	0.02	0.02	0.81	0.21	0.28	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.06	-0.02	0.06	0.02	0.078	0.26	4.40E-05	NA	NA	NA	NA
0.08	0	-0.06	0.02	0.021	1	0.14	0.55	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.03	-0.01	0.021	0.058	0.00058	0.23	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	-0.01	0	0.021	0.015	0.74	0.97	NA	NA	NA	NA
0.12	0.12	-0.08	0.07	0.021	0.0047	0.0013	0.051	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	0.02	0.07	0.022	0.009	0.089	4.40E-07	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	-0.06	-0.03	0.022	0.047	0.0016	0.25	NA	NA	NA	NA
0.1	-0.01	-0.05	0.01	0.022	0.93	0.00057	0.48	NA	NA	NA	NA
0.07	0.08	-0.03	0.02	0.022	0.0015	0.038	0.17	NA	NA	NA	NA
-0.08	0	-0.04	0.03	0.023	1	0.046	0.1	NA	NA	NA	NA
0.16	0.12	-0.03	0.03	0.023	0.0017	0.04	0.068	NA	NA	NA	NA
0.09	0.02	-0.09	0.04	0.023	0.51	1.20E-05	0.15	NA	NA	NA	NA
0.26	-0.01	-0.03	-0.02	0.024	0.88	0.13	0.38	NA	NA	NA	NA
0.2	0.06	0	0.06	0.025	0.47	1	0.07	NA	NA	NA	NA
0.04	0.08	-0.02	0.04	0.025	5.30E-05	0.23	0.0036	NA	NA	NA	NA
0.14	0.05	0.01	0.04	0.025	0.42	0.64	0.084	NA	NA	NA	NA
0.09	0.04	-0.04	-0.03	0.025	0.29	0.023	0.044	NA	NA	NA	NA
0.21	-0.03	-0.03	0.1	0.025	0.72	0.64	0.14	NA	NA	NA	NA
0.19	0.23	-0.25	-0.29	0.025	0.0049	1.30E-05	6.20E-06	NA	NA	NA	NA
0.14	0.14	0.13	0.13	0.025	0.034	0.011	0.074	NA	NA	NA	NA

-0.05	-0.03	-0.02	-0.04	0.025	0.12	0.23	0.031	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.36	-0.11	-0.17	0.026	1.00E-05	0.062	0.068	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.07	-0.08	-0.03	0.026	0.43	2.40E-05	0.23	NA	NA	NA	NA
0.12	0.14	-0.05	-0.02	0.026	0.024	0.0099	0.41	NA	NA	NA	NA
0.07	0	-0.07	0.03	0.026	1	4.20E-05	0.11	NA	NA	NA	NA
0.09	0.17	0.03	0.05	0.027	0.00048	0.23	0.069	NA	NA	NA	NA
0.19	0.07	-0.04	-0.02	0.027	0.28	0.23	0.56	NA	NA	NA	NA
0.36	0.18	-0.14	0.05	0.027	0.028	6.00E-06	0.18	NA	NA	NA	NA
0.07	0.08	0.02	0.06	0.028	0.0026	0.25	0.0013	NA	NA	NA	NA
0.27	-0.04	0	-0.19	0.028	1	1	9.20E-07	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.01	-0.05	-0.01	0.029	1	0.052	0.91	NA	NA	NA	NA
0.1	0	-0.02	0.04	0.029	1	0.3	0.076	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.05	0.09	0.07	0.03	0.23	0.0048	0.0069	NA	NA	NA	NA
0.05	0.02	-0.02	0.02	0.03	0.18	0.061	0.16	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.12	-0.04	0.08	0.031	0.2	0.026	0.00065	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.02	-0.04	-0.03	0.031	0.48	0.0087	0.058	NA	NA	NA	NA
0.11	0.1	-0.04	0	0.033	0.076	0.039	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.02	0.13	0.033	0.00025	0.22	1.30E-08	NA	NA	NA	NA
0.11	-0.06	0.05	0.07	0.033	0.51	0.066	0.02	NA	NA	NA	NA
0.09	0.02	-0.04	0	0.035	0.58	4.20E-05	0.82	NA	NA	NA	NA
0.29	0.58	-0.03	0.08	0.035	7.50E-05	0.54	0.082	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.01	-0.02	0.04	0.036	0.89	0.084	0.008	NA	NA	NA	NA
0.08	0.06	-0.02	0.02	0.037	0.19	0.52	0.46	NA	NA	NA	NA
0.11	0.1	0.02	0.07	0.037	0.011	0.49	0.02	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.17	0.02	0.07	0.037	0.0028	0.46	0.0062	NA	NA	NA	NA
0.07	0.15	-0.01	-0.01	0.04	0.0014	0.73	0.56	NA	NA	NA	NA
0.36	0.19	-0.12	-0.03	0.04	0.083	2.10E-05	0.42	NA	NA	NA	NA
0.08	0.16	-0.03	0.01	0.04	1.00E-08	0.086	0.62	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	0.01	0.04	0.042	9.50E-05	0.55	0.0022	NA	NA	NA	NA
0.07	0.08	-0.03	0.01	0.042	0.022	0.041	0.55	NA	NA	NA	NA

0.19	0.42	-0.04	0.11	0.042	0.00012	0.23	0.0094	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.04	0.02	0.042	1	0.00014	0.15	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	-0.05	-0.06	0.043	0.18	0.048	0.0015	NA	NA	NA	NA
0.15	0.15	-0.08	0.01	0.043	0.0029	0.00031	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.09	-0.03	0.03	0.044	0.032	0.14	0.17	NA	NA	NA	NA
0.06	0.03	0.02	0.03	0.046	0.17	0.35	0.14	NA	NA	NA	NA
0.96	0.06	-0.14	NA	0.05	0.99	2.00E-04	NA	NA	NA	NA	NA
0.16	0.13	-0.13	-0.11	0.052	0.044	5.40E-06	5.00E-04	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.03	0.03	0.06	0.054	0.5	0.25	0.008	NA	NA	NA	NA
-0.18	-0.24	-0.02	0.05	0.055	0.00026	0.34	0.035	NA	NA	NA	NA
0.07	0	-0.08	-0.03	0.055	0.98	5.80E-05	0.19	NA	NA	NA	NA
0.07	0.08	-0.03	0.06	0.057	0.0041	0.06	7.00E-05	NA	NA	NA	NA
0.21	0.02	0.02	0.06	0.059	0.66	0.36	0.0077	NA	NA	NA	NA
0.1	0.08	0.03	0.09	0.059	0.082	0.36	0.021	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.09	-0.03	0.03	0.06	0.084	0.12	0.15	NA	NA	NA	NA
0.25	-0.09	0.07	-0.03	0.06	0.93	0.25	0.38	NA	NA	NA	NA
0.19	0.03	-0.07	0.03	0.062	0.66	0.002	0.48	NA	NA	NA	NA
0.18	0.02	-0.03	0.02	0.065	0.94	0.31	0.58	NA	NA	NA	NA
-0.14	0.14	-0.08	0	0.069	0.24	0.00014	0.98	NA	NA	NA	NA
0.05	0.04	-0.06	0.02	0.07	0.21	0.00061	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.27	0.38	-0.48	0	0.07	0.76	0.035	1	NA	NA	NA	NA
0.08	0.05	-0.02	0.04	0.072	0.19	0.39	0.14	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.05	-0.01	0.074	0.0018	5.00E-08	0.48	NA	NA	NA	NA
0.37	0.87	0.02	-0.03	0.076	3.90E-07	0.85	0.81	NA	NA	NA	NA
0.05	0.03	-0.05	-0.01	0.077	0.14	5.00E-04	0.76	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	-0.03	-0.01	0.078	3.30E-07	0.053	0.73	NA	NA	NA	NA
0.14	-0.04	-0.1	-0.02	0.079	0.41	1.70E-08	0.24	NA	NA	NA	NA
0.28	-0.04	-0.03	-0.08	0.079	0.78	0.6	0.013	NA	NA	NA	NA
0.08	0.14	-0.05	0.04	0.081	0.0012	0.022	0.13	NA	NA	NA	NA
0.94	0	-0.01	-0.03	0.082	1	0.97	0.48	NA	NA	NA	NA

0.1	-0.01	-0.01	-0.01	0.083	0.87	0.7	0.82	NA	NA	NA	NA
0.23	0.18	-0.18	-0.16	0.084	0.0068	2.20E-05	0.0027	NA	NA	NA	NA
0.16	-0.06	0.02	0	0.085	0.36	0.27	1	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.05	-0.01	0.03	0.086	0.046	0.65	0.0019	NA	NA	NA	NA
0.07	0	-0.01	0.02	0.087	0.94	0.55	0.14	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.04	-0.04	0.05	0.09	0.12	0.0025	0.0081	NA	NA	NA	NA
-0.24	-0.11	0.02	0.11	0.091	0.4	0.62	0.0089	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.03	-0.03	0.12	0.091	0.66	0.49	0.0025	NA	NA	NA	NA
-0.08	-0.02	-0.03	0.02	0.092	0.67	0.11	0.21	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	0.02	-0.02	0.093	0.77	0.56	0.39	NA	NA	NA	NA
0.13	0.01	-0.08	-0.03	0.096	0.86	0.0092	0.5	NA	NA	NA	NA
0.11	0.08	0	-0.05	0.096	0.23	1	0.032	NA	NA	NA	NA
0.93	0.02	-0.1	-0.06	0.096	1	0.088	0.37	NA	NA	NA	NA
0.11	0.08	-0.02	0.01	0.097	0.1	0.4	0.86	NA	NA	NA	NA
0.08	0.24	-0.04	0.05	0.1	0.0014	0.16	0.044	NA	NA	NA	NA
0.04	0.1	0	-0.04	0.1	0.00016	0.96	0.058	NA	NA	NA	NA
0.08	0.22	-0.04	0.03	0.1	1.10E-08	0.0049	0.035	NA	NA	NA	NA
0.05	0.07	0	0.06	0.1	0.00036	0.86	0.00013	NA	NA	NA	NA
0.32	0.17	-0.05	0.09	0.11	0.39	0.07	0.047	NA	NA	NA	NA
0.08	0.07	-0.12	-0.1	0.11	0.099	0.00011	0.02	NA	NA	NA	NA
-0.14	-0.08	-0.02	-0.05	0.11	0.25	0.47	0.082	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	-0.04	0.04	0.11	0.025	0.002	0.021	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	-0.07	0	0.11	0.93	2.70E-06	1	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.06	0.01	0.11	1	0.0016	0.75	NA	NA	NA	NA
0.38	0.01	0.04	-0.02	0.11	1	0.44	0.55	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	-0.06	0.02	0.11	0.0036	3.00E-06	0.082	NA	NA	NA	NA
0.03	0.04	-0.01	0.01	0.11	0.0096	0.44	0.38	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.04	0.01	0.11	0.13	0.0058	0.72	NA	NA	NA	NA
0.07	0.01	-0.02	-0.06	0.12	0.93	0.41	0.017	NA	NA	NA	NA
0.08	0.02	-0.04	0	0.12	0.62	0.014	1	NA	NA	NA	NA

0.11	0.17	0.1	0.15	0.12	0.12	0.18	0.011	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.03	-0.03	0.02	0.13	0.41	0.0068	0.13	NA	NA	NA	NA
0.15	0.05	-0.08	-0.05	0.13	0.33	0.0027	0.039	NA	NA	NA	NA
0.14	0.09	-0.03	0.06	0.13	0.14	0.088	0.0035	NA	NA	NA	NA
0.1	0.05	0	0.03	0.13	0.29	0.94	0.12	NA	NA	NA	NA
0.07	0.09	0.01	-0.04	0.13	0.083	0.69	0.14	NA	NA	NA	NA
0.05	0.1	-0.05	0.07	0.14	0.00093	0.0028	0.00016	NA	NA	NA	NA
0.08	-0.02	-0.06	0	0.14	0.57	0.005	0.88	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.03	-0.03	0	0.14	0.23	0.036	1	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.01	-0.01	0.01	0.14	0.64	0.61	0.74	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	-0.03	-0.02	0.14	0.0034	0.027	0.18	NA	NA	NA	NA
0.08	0.16	0.02	0.01	0.14	0.0014	0.19	0.63	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	-0.03	0.11	0.15	0.23	0.32	0.00089	NA	NA	NA	NA
0.25	-0.03	-0.08	0.04	0.15	0.97	1.10E-05	0.066	NA	NA	NA	NA
0.04	0.05	0.05	-0.03	0.15	0.11	0.061	0.26	NA	NA	NA	NA
0.92	0.92	-0.09	0.05	0.15	0.15	0.0047	0.13	NA	NA	NA	NA
0.09	0	-0.09	-0.03	0.15	1	0.002	0.26	NA	NA	NA	NA
0.92	0.19	-0.01	-0.03	0.15	0.015	0.94	0.8	NA	NA	NA	NA
0.1	0.02	-0.03	0.01	0.16	0.79	0.11	0.76	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.02	-0.03	0.01	0.16	0.61	0.17	0.82	NA	NA	NA	NA
0.05	0.08	-0.02	0	0.16	0.0059	0.29	0.98	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	-0.07	0	0.17	0.12	3.70E-06	0.85	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	-0.02	0.01	0.17	0.28	0.18	0.39	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.03	0.05	0.17	1	0.0053	0.00035	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.06	0.03	-0.02	0.18	0.054	0.14	0.27	NA	NA	NA	NA
0.06	0.19	-0.03	0	0.18	9.10E-07	0.18	0.95	NA	NA	NA	NA
0.07	0.08	-0.07	0	0.18	0.037	0.0021	0.95	NA	NA	NA	NA
0.18	-0.16	0	0.03	0.18	0.12	1	0.56	NA	NA	NA	NA
0.07	0.11	0.01	0.04	0.18	0.0042	0.63	0.023	NA	NA	NA	NA
0.94	0.03	-0.04	-0.01	0.19	1	0.45	0.94	NA	NA	NA	NA

0.05	0.12	0	0.07	0.19	1.90E-06	0.88	9.00E-05	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.03	-0.04	-0.04	0.21	0.33	0.012	0.013	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.02	-0.01	-0.02	0.21	0.75	0.43	0.34	NA	NA	NA	NA
0.07	0.13	-0.02	0.07	0.21	0.12	0.34	0.00078	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.01	0.01	0.04	0.22	1	0.87	0.12	NA	NA	NA	NA
0.13	0.03	-0.04	0.01	0.22	0.74	0.058	0.72	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.02	0	0.22	0.42	0.2	0.81	NA	NA	NA	NA
0.25	0.11	0.02	0.03	0.23	0.21	0.53	0.49	NA	NA	NA	NA
0.05	0.12	-0.05	-0.04	0.23	0.024	0.012	0.11	NA	NA	NA	NA
0.07	0.07	0.03	0	0.23	0.21	0.24	0.92	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.01	-0.01	0.03	0.24	0.92	0.79	0.16	NA	NA	NA	NA
0.06	0.06	0.06	0	0.24	0.084	0.0092	0.87	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.14	-0.03	0.04	0.24	0.006	0.28	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.04	-0.04	-0.05	0.26	0.29	0.25	0.064	NA	NA	NA	NA
0.24	0.24	-0.07	-0.05	0.26	0.0041	0.12	0.21	NA	NA	NA	NA
0.11	0.01	-0.05	-0.01	0.27	1	0.015	0.7	NA	NA	NA	NA
-0.05	0.09	-0.09	-0.01	0.27	0.011	1.10E-08	0.65	NA	NA	NA	NA
0.08	0.07	-0.04	-0.01	0.27	0.31	0.046	0.83	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.08	-0.03	0.03	0.27	0.028	0.13	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.11	0.02	-0.07	0.04	0.27	0.91	0.23	0.58	NA	NA	NA	NA
0.06	0.15	0.06	0.07	0.27	0.1	0.038	0.05	NA	NA	NA	NA
0.42	0.36	0.4	0.18	0.27	0.16	0.13	0.22	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.03	-0.02	0	0.27	0.52	0.27	0.97	NA	NA	NA	NA
0.23	0.17	0.21	0.37	0.28	0.47	0.08	0.0017	NA	NA	NA	NA
0.03	0	-0.04	0	0.28	0.97	0.062	0.96	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.01	-0.03	-0.01	0.28	0.81	0.055	0.76	NA	NA	NA	NA
0.28	0.38	0	0.09	0.28	0.61	1	0.026	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.04	-0.03	0.03	0.29	0.12	0.0041	0.012	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	0.01	-0.05	0.29	0.0016	0.89	0.018	NA	NA	NA	NA
-0.19	-0.28	-0.09	-0.09	0.31	0.12	0.035	0.051	NA	NA	NA	NA

0.05	0.08	-0.04	0	0.31	0.012	0.0088	0.9	NA	NA	NA	NA
0.11	0.13	-0.07	0.02	0.31	0.019	0.0079	0.63	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.02	0	0.32	0.053	0.22	1	NA	NA	NA	NA
0.08	0	-0.06	-0.04	0.32	1	0.017	0.12	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.03	0.02	0.33	0.0054	0.039	0.17	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.08	-0.05	-0.03	0.33	0.36	0.011	0.26	NA	NA	NA	NA
0.13	0.02	-0.01	0.04	0.33	0.8	0.8	0.24	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.01	-0.04	-0.04	0.34	0.98	0.11	0.061	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.03	0.02	0.34	1	0.0086	0.15	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	0	0.04	0.34	0.72	0.98	0.051	NA	NA	NA	NA
0.07	0.06	-0.04	-0.01	0.34	0.26	0.045	0.73	NA	NA	NA	NA
0.04	0.13	-0.06	0	0.35	0.00021	4.70E-07	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.01	-0.05	-0.01	0.36	0.8	0.0012	0.79	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	-0.02	-0.03	0.36	0.033	0.4	0.11	NA	NA	NA	NA
0.17	0.04	0.01	0.08	0.36	0.83	0.62	0.011	NA	NA	NA	NA
0.08	0.04	-0.04	0	0.36	0.41	0.012	0.98	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.02	-0.09	-0.03	0.37	0.74	2.70E-05	0.14	NA	NA	NA	NA
0.04	0	-0.05	-0.01	0.37	1	0.0029	0.84	NA	NA	NA	NA
0.14	0.34	-0.07	-0.02	0.37	0.00087	0.0031	0.43	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.04	-0.05	-0.01	0.37	0.43	0.0081	0.85	NA	NA	NA	NA
0.3	0.23	-0.07	0.03	0.38	0.13	0.049	0.74	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.15	-0.05	0.05	0.38	0.23	0.2	0.26	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	0.04	0.11	0.38	0.53	0.18	0.00088	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.09	0.06	0.05	0.39	0.048	0.014	0.05	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.01	0	0.3	0.39	0.99	1	1.10E-07	NA	NA	NA	NA
0.08	0.02	0.08	0.09	0.39	0.82	0.025	0.0064	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.06	0.01	0.39	0.019	0.026	0.84	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.03	0.02	0.4	0.43	0.07	0.31	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.06	0.01	0.4	0.36	4.30E-07	0.34	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.06	-0.04	0.41	0.37	2.30E-05	0.034	NA	NA	NA	NA

0.03	-0.01	-0.01	0.03	0.41	0.84	0.59	0.076	NA	NA	NA	NA
-0.17	-0.06	-0.17	0.01	0.41	0.88	5.00E-04	1	NA	NA	NA	NA
0.15	0.93	0.01	0.1	0.42	1.00E-04	0.76	0.00023	NA	NA	NA	NA
0.03	0.1	-0.04	0.05	0.42	7.60E-06	0.02	0.0092	NA	NA	NA	NA
0.11	0.14	0.02	-0.01	0.43	0.28	0.95	1	NA	NA	NA	NA
0.16	0	-0.05	0.01	0.43	1	0.15	0.89	NA	NA	NA	NA
0.89	0.89	-0.02	0.07	0.43	0.094	0.9	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.14	-0.04	0.43	1	3.10E-05	0.4	NA	NA	NA	NA
0.86	0.1	0.02	0.03	0.44	0.79	0.69	0.34	NA	NA	NA	NA
0.05	0.06	-0.02	0.09	0.44	0.04	0.19	8.30E-05	NA	NA	NA	NA
0.04	0.11	-0.02	-0.01	0.44	5.50E-05	0.38	0.59	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	-0.05	0	0.44	0.078	0.00031	1	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.04	0.01	0.44	0.85	0.018	0.57	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.04	-0.03	0.01	0.44	0.073	0.23	0.71	NA	NA	NA	NA
0.04	0.1	-0.01	-0.02	0.45	0.067	0.61	0.56	NA	NA	NA	NA
0.08	0.18	-0.11	-0.08	0.45	0.089	0.00032	0.0054	NA	NA	NA	NA
0.03	0.11	0.02	0.02	0.45	0.0063	0.33	0.28	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.04	-0.07	-0.02	0.46	0.65	0.065	0.43	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.15	-0.04	-0.01	0.46	7.00E-04	0.032	0.54	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	0.04	0.02	0.46	0.34	0.0076	0.16	NA	NA	NA	NA
0.41	-0.04	-0.1	-0.05	0.46	0.071	3.50E-05	0.06	NA	NA	NA	NA
0.09	-0.03	-0.12	-0.07	0.47	0.77	0.013	0.18	NA	NA	NA	NA
0.06	0.04	0.01	0.09	0.47	0.59	0.59	0.00019	NA	NA	NA	NA
-0.1	0.14	0.01	0.15	0.47	0.31	0.75	2.30E-07	NA	NA	NA	NA
0.1	0.42	-0.1	0.03	0.47	0.00023	0.002	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.01	-0.03	0	0.47	0.88	0.21	0.98	NA	NA	NA	NA
-0.11	-0.05	-0.03	-0.01	0.48	0.82	0.42	0.73	NA	NA	NA	NA
0.4	-0.03	0.01	-0.02	0.48	0.58	0.78	0.28	NA	NA	NA	NA
0.03	0.05	-0.02	0.04	0.48	0.087	0.33	0.013	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	-0.05	0.03	0.48	0.029	0.0011	0.13	NA	NA	NA	NA

-0.15	0.66	-0.03	0.01	0.48	0.23	0.16	0.79	NA	NA	NA	NA
0.05	0.05	0.02	0.09	0.48	0.45	0.54	0.0062	NA	NA	NA	NA
0.04	0.03	-0.01	0.14	0.48	0.76	0.9	6.20E-06	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.01	0.08	0.14	0.49	0.97	0.0081	1.90E-05	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.05	-0.02	0.02	0.49	0.018	0.093	0.13	NA	NA	NA	NA
0.17	0.07	-0.08	0.04	0.49	0.3	0.00031	0.21	NA	NA	NA	NA
-0.12	NA	-0.07	-0.09	0.49	NA	0.009	0.00043	NA	NA	NA	NA
0.02	0.07	-0.04	-0.01	0.49	0.00064	6.00E-04	0.7	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.08	0.05	0.5	0.65	2.00E-05	0.037	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.02	-0.01	0.03	0.5	0.97	0.87	0.37	NA	NA	NA	NA
0.08	0.03	-0.04	-0.01	0.5	0.38	0.048	0.43	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	-0.01	0.12	0.5	0.14	0.85	0.00098	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.09	-0.07	-0.03	0.5	0.39	0.037	0.72	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.17	0.01	0.09	0.5	0.027	0.76	5.00E-06	NA	NA	NA	NA
0.08	0.12	-0.08	-0.06	0.51	0.01	0.00086	0.017	NA	NA	NA	NA
-0.07	0.34	-0.05	-0.05	0.51	0.00077	0.12	0.1	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.05	-0.04	-0.06	0.51	0.22	0.47	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.06	-0.02	0.51	0.98	0.03	0.57	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	-0.03	-0.02	0.51	0.73	0.27	0.47	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.05	0.05	0.52	0.15	0.00032	0.0077	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.01	-0.04	-0.01	0.52	0.54	0.003	0.73	NA	NA	NA	NA
0.02	0	-0.04	-0.01	0.52	0.98	0.05	0.74	NA	NA	NA	NA
0.04	0.07	0.09	-0.06	0.52	0.068	0.0095	0.025	NA	NA	NA	NA
0.05	0.16	-0.13	0.03	0.53	0.0049	5.20E-06	0.43	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.01	0.05	0.09	0.53	0.87	0.13	0.027	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.02	0.09	0.54	0.48	0.65	0.0015	NA	NA	NA	NA
0.39	-0.01	-0.07	-0.11	0.54	1	0.12	0.015	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.07	-0.04	0.54	0.74	2.10E-05	0.013	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	0	-0.02	0.55	0.46	0.94	0.65	NA	NA	NA	NA
0.07	-0.05	-0.04	-0.04	0.56	0.54	0.098	0.17	NA	NA	NA	NA

0.05	0.07	-0.05	-0.05	0.56	0.43	0.0052	0.0076	NA	NA	NA	NA
0.22	0.39	-0.06	0	0.57	0.11	0.047	1	NA	NA	NA	NA
-0.05	-0.03	-0.2	-0.07	0.57	0.73	5.90E-09	0.048	NA	NA	NA	NA
0.39	0.28	0.1	-0.01	0.58	0.019	0.15	1	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.02	0.05	0.58	0.5	0.082	0.00012	NA	NA	NA	NA
-0.08	0.1	0.04	0.08	0.58	0.4	0.049	0.00019	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.04	0	0.01	0.58	0.29	1	0.92	NA	NA	NA	NA
0.03	0.08	-0.06	0.03	0.58	0.063	0.00087	0.14	NA	NA	NA	NA
0.07	0.03	0.01	0.05	0.58	0.68	0.83	0.11	NA	NA	NA	NA
0.08	0.02	-0.21	-0.15	0.59	0.74	6.60E-06	0.00016	NA	NA	NA	NA
0.03	0.1	0	0.03	0.59	0.023	1	0.3	NA	NA	NA	NA
0.02	0.01	-0.13	-0.1	0.59	1	1.50E-06	0.02	NA	NA	NA	NA
0.09	0.03	-0.03	0.03	0.6	1	0.4	0.49	NA	NA	NA	NA
0.08	NA	0.04	0.03	0.6	NA	0.42	0.62	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.09	-0.03	0.03	0.61	0.00045	0.047	0.04	NA	NA	NA	NA
0.14	0.24	-0.13	-0.07	0.61	0.65	0.077	0.37	NA	NA	NA	NA
-0.09	0.49	-0.04	-0.04	0.62	0.0097	0.28	0.25	NA	NA	NA	NA
0.12	0.14	0.01	0.02	0.64	0.018	0.79	0.47	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.04	0	0.03	0.64	0.06	1	0.16	NA	NA	NA	NA
0.06	0.48	-0.02	0.08	0.65	3.00E-08	0.42	0.00051	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.04	-0.01	0.07	0.66	0.46	0.76	0.00021	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.04	-0.06	0.05	0.66	0.6	0.19	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.09	-0.01	-0.02	0.66	0.0055	0.45	0.34	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.05	-0.02	0.04	0.67	0.57	0.3	0.078	NA	NA	NA	NA
0.06	0.05	0	-0.06	0.67	0.59	1	0.4	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.04	-0.13	-0.01	0.67	0.83	9.70E-05	0.87	NA	NA	NA	NA
0.04	0.24	-0.06	0	0.67	1.00E-06	0.0038	1	NA	NA	NA	NA
0.03	0.21	-0.01	0.04	0.67	6.60E-05	0.61	0.091	NA	NA	NA	NA
0.04	0.04	-0.04	0	0.68	0.53	0.029	0.96	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	0	0.01	0.68	0.067	0.93	0.34	NA	NA	NA	NA

-0.02	-0.07	-0.04	-0.04	0.68	0.019	0.01	0.035	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.02	0.01	0.69	0.88	0.36	0.86	NA	NA	NA	NA
0.12	-0.06	-0.01	0.16	0.69	0.46	0.83	4.70E-06	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.04	-0.06	-0.02	0.69	0.17	2.60E-06	0.2	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.05	0.01	0.05	0.69	0.31	0.78	0.0079	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	0	0.08	0.7	0.84	0.97	0.0063	NA	NA	NA	NA
0.02	0.15	0.04	0.07	0.7	0.12	0.18	0.034	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	0.03	-0.02	0.7	0.37	0.38	0.29	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	0	-0.02	0.71	0.78	1	0.22	NA	NA	NA	NA
0.04	-0.11	-0.03	0.04	0.71	0.069	0.28	0.12	NA	NA	NA	NA
0.35	0.06	-0.04	0.03	0.72	0.49	0.47	0.74	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.02	0.01	0.72	0.064	0.029	0.3	NA	NA	NA	NA
0.19	0.05	-0.12	-0.08	0.72	0.48	0.0022	0.015	NA	NA	NA	NA
0.05	0.11	-0.08	0	0.73	0.018	1.50E-05	0.97	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.03	-0.04	0.01	0.74	0.84	0.5	0.79	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.02	-0.02	0.04	0.74	0.69	0.39	0.017	NA	NA	NA	NA
0.01	0.08	-0.05	0	0.74	0.0029	0.0018	0.91	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.01	-0.01	0.74	0.76	0.59	0.69	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	0	0.03	0.76	0.21	1	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.18	-0.09	-0.02	0.77	0.39	0.00089	0.72	NA	NA	NA	NA
-0.1	-0.18	0.02	0.06	0.78	0.029	0.64	0.028	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.08	-0.01	0.78	0.99	7.30E-06	0.6	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.07	-0.08	-0.01	0.79	0.5	0.023	0.73	NA	NA	NA	NA
-0.07	-0.09	-0.01	0.04	0.79	0.53	0.63	0.26	NA	NA	NA	NA
0.01	0.05	-0.04	0.01	0.79	0.056	0.0069	0.52	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	-0.07	0.03	0.8	1	0.0028	0.29	NA	NA	NA	NA
0.06	-0.04	-0.08	-0.03	0.8	0.92	0.0037	0.3	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.06	0	0.81	0.099	0.00037	0.93	NA	NA	NA	NA
0.03	0.24	-0.04	0	0.81	0.034	0.091	0.96	NA	NA	NA	NA
0.06	0.16	-0.06	0.01	0.81	0.12	0.0029	0.84	NA	NA	NA	NA

-0.01	0.05	-0.04	-0.03	0.82	0.0013	5.60E-05	0.017	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.01	-0.02	0.03	0.83	0.85	0.41	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.02	0	0	0.05	0.83	1	1	0.02	NA	NA	NA	NA
0.02	0.15	-0.02	0.07	0.83	0.006	0.2	0.00071	NA	NA	NA	NA
0.05	0.25	0.02	0.01	0.84	0.0038	0.42	0.89	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.06	-0.02	-0.02	0.84	0.47	0.48	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.05	-0.02	-0.01	0.84	0.23	0.27	0.75	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.04	0.04	0.84	1	0.029	0.033	NA	NA	NA	NA
0.09	0.05	-0.02	-0.01	0.85	0.52	0.58	0.98	NA	NA	NA	NA
0.21	0.45	0.05	-0.04	0.86	1.50E-06	0.43	0.48	NA	NA	NA	NA
-0.06	-0.03	-0.09	-0.03	0.86	0.9	0.0078	0.66	NA	NA	NA	NA
0	0.05	0.02	0.05	0.86	0.0027	0.32	0.00012	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.04	0	0.04	0.86	0.4	0.85	0.014	NA	NA	NA	NA
0.04	0.02	0	0.07	0.86	1	1	0.015	NA	NA	NA	NA
0.02	0.02	-0.05	-0.04	0.87	0.72	0.038	0.046	NA	NA	NA	NA
-0.05	NA	-0.23	-0.31	0.87	NA	1.00E-05	0.00016	NA	NA	NA	NA
0.04	0.08	0.09	0.1	0.88	0.49	0.0014	0.0012	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	-0.05	-0.04	0.88	0.28	0.04	0.14	NA	NA	NA	NA
-0.04	0.09	-0.04	0.06	0.89	0.16	0.022	0.0051	NA	NA	NA	NA
0.13	0.05	0	0.08	0.89	0.39	1	0.45	NA	NA	NA	NA
0.05	0	-0.09	-0.13	0.89	1	5.00E-04	3.40E-06	NA	NA	NA	NA
-0.16	-0.03	-0.02	-0.05	0.89	1	0.61	0.18	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.01	-0.02	0.02	0.89	1	0.8	0.81	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.08	-0.12	-0.03	0.89	0.26	4.90E-05	0.31	NA	NA	NA	NA
0.03	0.03	0	0.09	0.89	0.55	0.93	2.40E-06	NA	NA	NA	NA
-0.06	NA	-0.16	NA	0.9	NA	0.04	NA	NA	NA	NA	NA
0.03	0.14	-0.09	0.06	0.9	0.48	0.027	0.24	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	0.02	0	0.9	0.84	0.35	0.97	NA	NA	NA	NA
-0.03	0.13	0.04	0.07	0.9	0.042	0.14	0.029	NA	NA	NA	NA
0.08	NA	0.09	-0.05	0.9	NA	0.1	0.33	NA	NA	NA	NA

0.02	0.09	0.01	0.04	0.91	0.19	0.62	0.042	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	0.01	0.01	0.91	0.61	0.7	0.52	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.04	0	0.91	0.84	0.0034	1	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.05	-0.03	0.91	0.55	0.14	0.3	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.02	0	0.91	0.27	0.08	1	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.07	-0.04	0.03	0.91	0.37	0.1	0.42	NA	NA	NA	NA
-0.09	-0.39	0.07	-0.01	0.93	1.40E-06	0.26	0.77	NA	NA	NA	NA
0.02	0.05	0.03	0.15	0.93	0.2	0.27	2.70E-09	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.02	0	0.02	0.93	0.59	1	0.29	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.12	-0.06	0.94	0.95	0.01	0.32	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.03	-0.03	0.94	0.48	0.32	0.19	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.01	0	0	0.94	1	1	0.98	NA	NA	NA	NA
0.01	0.03	-0.01	0.07	0.94	0.57	0.73	0.00032	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.02	-0.03	0.03	0.94	0.17	0.0063	0.0062	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.07	0	0.1	0.95	0.67	1	0.12	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.02	-0.09	-0.01	0.95	0.87	4.80E-05	0.78	NA	NA	NA	NA
0.06	0	-0.03	-0.02	0.95	1	0.23	0.56	NA	NA	NA	NA
0.04	0.09	0.03	0.09	0.95	0.45	0.39	0.033	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	0.01	0.05	0.95	1	0.54	0.001	NA	NA	NA	NA
-0.12	0.17	-0.08	0.09	0.96	1	0.11	0.17	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	0.01	0.02	0.96	0.37	0.84	0.44	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.06	-0.02	-0.03	0.96	0.19	0.37	0.25	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.05	0	0.03	0.97	0.7	0.94	0.092	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.07	-0.01	0.05	0.97	0.046	0.45	0.023	NA	NA	NA	NA
0	-0.03	-0.06	-0.03	0.97	0.11	1.70E-07	0.027	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.13	-0.02	0.06	0.97	0.0097	0.59	0.068	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.1	-0.02	0.97	0.65	8.10E-06	0.46	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.07	-0.02	0.12	0.98	0.081	0.6	0.00065	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.08	-0.05	0.06	0.98	0.36	0.029	0.023	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.15	-0.2	-0.29	0.98	0.012	2.10E-05	1.00E-08	NA	NA	NA	NA

-0.1	0.02	-0.1	0.41	0.98	1	0.34	0.027	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.07	-0.04	-0.04	0.98	0.099	0.06	0.085	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.07	0.03	0.98	0.13	3.10E-05	0.11	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.01	0.01	0.01	0.99	0.87	0.83	0.8	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.15	0.01	0.07	0.99	0.01	0.77	0.0049	NA	NA	NA	NA
0.06	0.54	0.89	0.76	0.99	0.0084	3.70E-05	1.70E-05	NA	NA	NA	NA
0.01	0	-0.01	0.14	1	0.92	0.59	3.00E-06	NA	NA	NA	NA
0.01	0.01	0	0.02	1	1	1	0.48	NA	NA	NA	NA
0.06	0.17	-0.13	-0.05	1	1	2.90E-05	0.18	NA	NA	NA	NA
0.05	0.32	-0.06	0.04	1	8.10E-05	0.012	0.22	NA	NA	NA	NA
0	0.07	-0.04	0.06	1	0.099	0.035	0.0024	NA	NA	NA	NA
0.03	0.06	0.01	0.22	1	0.48	0.94	7.60E-06	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.09	-0.09	0.09	1	0.12	0.0018	0.026	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.05	-0.1	-0.14	1	0.79	0.019	0.0041	NA	NA	NA	NA
-0.03	0	-0.04	0.05	1	1	0.24	0.2	NA	NA	NA	NA
0.05	-0.03	-0.06	-0.03	1	1	0.013	0.26	NA	NA	NA	NA
0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.03	0.03	0	1	0.48	0.093	1	NA	NA	NA	NA
0	0.19	-0.05	-0.01	1	0.14	0.075	0.82	NA	NA	NA	NA
0.03	0.02	-0.12	0	1	0.81	0.021	1	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.06	0	0.08	1	0.25	0.98	0.026	NA	NA	NA	NA
0	0.03	-0.13	-0.02	1	0.72	0.0017	0.67	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.07	0.01	-0.01	1	1	0.82	0.79	NA	NA	NA	NA
-0.04	-0.02	-0.1	0.04	1	0.99	0.01	0.55	NA	NA	NA	NA
0	0.34	-0.05	-0.03	1	2.30E-07	0.0058	0.13	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.11	-0.07	0.03	1	0.0078	0.0013	0.25	NA	NA	NA	NA
0	NA	0.05	0.12	1	NA	0.31	0.017	NA	NA	NA	NA
0.01	0.1	-0.14	-0.12	1	0.2	2.10E-05	3.30E-05	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.55	0.02	0.06	1	1.10E-05	0.61	0.1	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.03	-0.01	1	0.71	0.23	0.87	NA	NA	NA	NA

0	0.04	0.01	0.03	1	0.35	0.79	0.16	NA	NA	NA	NA
0.02	-0.08	0.06	0.21	1	0.88	0.13	3.90E-05	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.04	0.07	0.08	1	0.15	0.027	0.0017	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.03	-0.05	1	1	0.077	0.00056	NA	NA	NA	NA
0.01	0.13	-0.01	0.05	1	4.80E-06	0.71	0.027	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.08	-0.06	1	0.93	0.00036	0.0058	NA	NA	NA	NA
-0.02	-0.04	-0.1	-0.11	1	0.52	0.19	0.14	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.03	0.06	1	0.83	0.4	0.065	NA	NA	NA	NA
-0.06	0.07	-0.07	-0.02	1	1	0.053	0.67	NA	NA	NA	NA
-0.01	NA	-0.12	-0.09	1	NA	0.039	0.18	NA	NA	NA	NA
0.06	0.08	-0.17	-0.1	1	1	9.00E-05	0.059	NA	NA	NA	NA
0.11	0.07	-0.03	-0.01	1	0.35	0.34	0.91	NA	NA	NA	NA
0.03	0.11	-0.09	0.05	1	0.33	0.0015	0.14	NA	NA	NA	NA
0.02	0.04	-0.08	0.15	1	0.92	0.19	0.019	NA	NA	NA	NA
0.02	0.53	-0.16	-0.13	1	3.80E-08	3.50E-06	0.0012	NA	NA	NA	NA
0	0.01	-0.01	0.03	1	0.99	0.49	0.24	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.02	0	1	0.52	0.28	0.97	NA	NA	NA	NA
0	0.07	-0.02	0.03	1	0.052	0.12	0.065	NA	NA	NA	NA
0.01	0.04	-0.08	0	1	0.79	0.36	1	NA	NA	NA	NA
0.11	0.19	-0.05	0.05	1	0.95	0.095	0.11	NA	NA	NA	NA
0.11	0.09	-0.04	-0.02	1	0.35	0.31	0.78	NA	NA	NA	NA
0	0.02	-0.07	-0.03	1	0.35	1.10E-07	0.032	NA	NA	NA	NA
0	0.13	0	0.02	1	0.13	1	0.49	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.13	-0.1	1	1	0.13	0.26	NA	NA	NA	NA
-0.15	-0.21	-0.07	-0.05	1	0.9	0.02	0.19	NA	NA	NA	NA
0	-0.02	-0.05	-0.03	1	0.62	0.012	0.14	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.02	0.03	1	0.32	0.46	0.22	NA	NA	NA	NA
0.01	0.15	-0.03	0.01	1	0.0022	0.043	0.68	NA	NA	NA	NA
0.02	0.2	-0.05	0.04	1	0.0013	0.039	0.25	NA	NA	NA	NA
0.06	0.02	-0.06	-0.01	1	1	0.21	1	NA	NA	NA	NA

0.01	0.04	-0.04	-0.01	1	0.12	0.21	0.85	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	0.01	0.05	1	0.96	0.66	0.078	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.1	-0.01	0.11	1	0.48	1	0.067	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.11	-0.06	-0.05	1	0.8	0.13	0.3	NA	NA	NA	NA
0	0.07	-0.01	0.04	1	0.022	0.47	0.016	NA	NA	NA	NA
0.03	0.07	-0.03	-0.05	1	0.42	0.23	0.019	NA	NA	NA	NA
0	0	-0.08	-0.1	1	1	0.037	0.0011	NA	NA	NA	NA
-0.02	0.12	0.02	0.01	1	0.53	0.58	0.81	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.01	-0.05	0.02	1	0.78	0.015	0.48	NA	NA	NA	NA
0	0.08	-0.03	0.06	1	0.014	0.058	0.0047	NA	NA	NA	NA
0.01	0.02	-0.08	0	1	0.44	6.60E-05	1	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.01	-0.06	-0.04	1	0.92	0.0025	0.036	NA	NA	NA	NA
0	0.12	-0.1	-0.05	1	0.089	0.056	0.34	NA	NA	NA	NA
0.06	0.24	-0.03	-0.01	1	0.15	0.45	1	NA	NA	NA	NA
0	0.05	-0.03	0	1	0.00015	0.0035	0.74	NA	NA	NA	NA
0	-0.04	-0.04	0	1	0.18	0.19	1	NA	NA	NA	NA
-0.01	0	-0.03	0.07	1	1	0.24	0.0024	NA	NA	NA	NA
0.01	-0.07	-0.03	-0.04	1	0.3	0.65	0.5	NA	NA	NA	NA
0.01	NA	-0.06	-0.04	1	NA	0.051	0.38	NA	NA	NA	NA
-0.01	-0.03	-0.04	-0.06	1	0.53	0.42	0.047	NA	NA	NA	NA
0.01	0.06	0.01	0.03	1	0.19	0.92	0.2	NA	NA	NA	NA
0.01	0.39	-0.04	0.05	1	0.15	0.31	0.35	NA	NA	NA	NA
-0.67	-0.7	-0.05	-0.15	1	0.72	1	0.056	NA	NA	NA	NA
0	0.09	0	0.03	1	0.0015	0.83	0.049	NA	NA	NA	NA
0	0.12	0.01	0.03	1	0.00039	0.46	0.063	NA	NA	NA	NA
0.03	-0.01	-0.01	0.04	1	1	0.83	0.23	NA	NA	NA	NA
0	0.04	-0.03	-0.01	1	0.21	0.11	0.42	NA	NA	NA	NA
-0.01	0.03	-0.04	0	1	0.37	0.012	0.99	NA	NA	NA	NA
-0.04	0	-0.09	-0.03	1	1	0.0021	0.48	NA	NA	NA	NA
0.03	0.17	-0.02	0.13	1	1	1	0.38	NA	NA	NA	NA

0	0.04	-0.05	-0.04	1	0.26	7.50E-05	0.0031	NA	NA	NA	NA
-0.03	-0.11	0.02	0.01	1	0.0097	0.93	0.61	NA	NA	NA	NA
0.02	0.09	-0.03	0	1	0.24	0.27	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.44	-0.07	-0.1	NA	0.043	0.42	0.14	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.07	NA	NA	NA	0.33	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	0.38	NA	NA	1	0.0059	NA	NA	NA	NA
NA	-0.02	-0.03	-0.07	NA	0.91	0.7	0.32	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	0.16	NA	NA	1	0.46	NA	NA	NA	NA
NA	0.24	-0.04	-0.02	NA	0.078	0.46	0.77	NA	NA	NA	NA
NA	0.2	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.17	-0.05	0.09	NA	1	0.91	0.29	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.01	0.01	NA	NA	0.87	0.91	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.15	-0.09	NA	NA	0.007	0.095	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.07	0.19	NA	NA	0.14	0.00011	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	-0.01	NA	NA	0.4	0.82	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.08	-0.09	NA	NA	0.27	0.053	NA	NA	NA	NA
NA	0	-0.13	0	NA	1	1	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.36	-0.31	NA	NA	0.024	0.058	NA	NA	NA	NA
NA	-0.01	-0.04	-0.01	NA	1	0.21	0.97	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.67	0	0.06	NA	0.00015	1	0.36	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.06	0.27	NA	NA	1	0.01	NA	NA	NA	NA
NA	-0.1	0.03	0.01	NA	1	0.74	1	NA	NA	NA	NA
NA	-0.89	-0.08	-0.1	NA	0.025	0.0095	0.0093	NA	NA	NA	NA
NA	-0.03	0.15	0.04	NA	1	0.31	0.68	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.14	0.29	NA	NA	0.37	0.19	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	0.9	NA	NA	1	0.24	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.2	-0.16	NA	NA	0.037	0.21	NA	NA	NA	NA

NA	-0.09	-0.06	-0.03	NA	1	0.14	0.61	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.05	0.79	NA	1	0.38	0.00035	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.11	-0.1	NA	NA	0.77	0.8	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.09	NA	NA	NA	0.92	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	-0.01	NA	NA	0.94	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.12	0	0.17	NA	1	1	6.90E-05	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	-0.03	NA	NA	0.24	0.74	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	0.01	NA	NA	0.36	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.08	0.04	NA	NA	0.02	0.71	NA	NA	NA	NA
NA	0.31	-0.11	-0.11	NA	1	0.064	0.029	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.03	-0.07	NA	NA	0.63	0.17	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.04	0.76	NA	NA	0.73	0.0073	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.26	NA	NA	NA	0.19	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.09	-0.06	NA	NA	0.012	0.32	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.08	-0.02	NA	NA	0.0098	0.77	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.17	0.14	NA	NA	0.014	0.21	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.02	-0.03	-0.03	NA	0.92	0.6	0.52	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.27	-0.03	NA	NA	0.22	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.08	0.05	NA	NA	0.042	0.65	NA	NA	NA	NA
NA	0.28	-0.07	0.06	NA	0.36	0.046	0.24	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.1	0.12	NA	NA	0.13	0.48	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.04	-0.05	0.04	NA	0.9	0.29	0.48	NA	NA	NA	NA
NA	0.08	-0.11	-0.12	NA	0.33	0.0082	0.021	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.2	-0.03	0.01	NA	1	0.22	0.93	NA	NA	NA	NA

NA	0.06	-0.02	0.13	NA	0.28	0.85	0.026	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	-0.01	NA	NA	0.61	1	NA	NA	NA	NA
NA	0.03	-0.01	-0.03	NA	0.67	0.84	0.28	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.1	0.02	NA	NA	0.033	0.62	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.05	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.75	-0.23	-0.12	NA	0.067	2.30E-07	0.27	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.04	0.12	NA	NA	0.65	0.15	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.09	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.26	-0.01	0.09	NA	0.021	0.74	0.0041	NA	NA	NA	NA
NA	0.75	0.04	0.22	NA	0.82	0.62	0.02	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.16	-0.1	NA	NA	0.0061	0.18	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.02	NA	NA	NA	1	NA	NA	NA	NA	NA
NA	-0.17	-0.01	0.05	NA	1	1	0.88	NA	NA	NA	NA
NA	-0.54	-0.02	0.8	NA	0.97	1	0.0032	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	0.02	-0.04	0	NA	0.73	0.059	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.04	0.01	NA	NA	0.75	0.97	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.38	0.17	NA	NA	0.62	1	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.13	-0.15	NA	NA	0.19	0.051	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.15	0.16	NA	NA	0.33	0.48	NA	NA	NA	NA
NA	NA	-0.5	NA	NA	NA	0.01	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0	0.14	NA	NA	1	0.0044	NA	NA	NA	NA
NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA	NA
NA	NA	0.05	0.24	NA	NA	0.42	0.039	NA	NA	NA	NA

Table S3. Summary of reduced representation bisulfite sequencing experiments.

Sample	Total reads	Mapped reads	Mapping ratio	Unique CpGs	Methyl CpG ratio	Mean CpG Coverage (fold)	CGI methyl ratio	Mean CGI coverage (fold)
hMB	34116157	14784792	0.43	3578895	0.73	7.1	0.39	7.4
hWTCbl	30988632	11531006	0.37	2718550	0.67	7.6	0.31	9.1
mMYCN1	18133833	4302034	0.24	904653	0.53	8.0	0.26	16.8
mMYCN2	21624672	5104878	0.24	983679	0.49	9.9	0.21	18.1
mWTCbl_MYCN	21155615	5712997	0.27	1147910	0.53	10.2	0.19	21.5
mSmoA1	34189769	13980558	0.41	1772976	0.46	14.2	0.15	22.8
mSmoA2	31315892	11223740	0.36	1391343	0.46	14.5	0.19	20.8
mWTCbl_Smo	33993507	13394884	0.39	1958842	0.55	13.0	0.17	20.1

CGI = CpG island

Table S4. DAMD-positive loci in human Burkitt lymphoma and mouse fibroblast cell lines.

Daudi

ABCB4
ABCC4
ABHD1
ABHD7
ABR
ACCN1
ACHE
ACTN2
ACVR1
ACVR2A
ADAM12
ADAMTS10
ADAMTS13
ADAMTS14
ADAMTS17
ADAMTS2
ADAMTS8
ADAMTSL3
ADAMTSL4
ADCY6
ADCYAP1R1
ADD2
ADM2
ADORA2B
ADRA1B
ADRA2A
AFAP
AIFL
AK3L2
AKAP5
ALDH1A3
ALPK3
ALX3
AMIGO1
AMIGO2
AMPH
ANKRD29
ANKRD38
ANKRD43
ANKRD50
ANKRD6
AP3B2
APBA1
APEG1
AQP5
ARHGAP10

ARHGAP20
ARHGAP26
ARHGEF11
ARID3C
ARL4C
ARNT2
ARNTL
ARNTL2
ARRB1
ARTN
ASPHD2
ASTN2
ATHL1
ATOH7
ATP10A
ATP1A3
ATP6V1C2
ATRNL1
ATXN1
AVP
AXIN2
B3GAT1
B3GNT5
B4GALNT3
B4GALT6
BAALC
BACE2
BAG3
BAI3
BAIAP2
BARHL2
BARX2
BCAR1
BHLHB5
BLOC1S3
BLVRB
BMP2
BMP6
BMP8A
BMP8B
BMPR1A
BMPR1B
BNC1
BOC
BOK
BRUNOL4
BSPRY
BTBD11
BTBD3

C10orf25
C10orf47
C11orf11
C11orf63
C12orf53
C14orf162
C14orf172
C14orf29
C18orf1
C18orf34
C18orf56
C19orf16
C1orf117
C1orf164
C1orf78
C1orf94
C1orf95
C1QDC2
C1QL1
C1QL2
C1QL3
C20orf100
C20orf177
C20orf39
C20orf46
C20orf86
C21orf25
C21orf63
C21orf88
C2orf19
C3orf64
C4orf12
C4orf19
C5orf25
C6orf112
C6orf117
C6orf145
C6orf154
C6orf168
C6orf60
C6orf65
C8orf38
C8orf68
C8orf79
C9orf19
C9orf21
C9orf32
C9orf4
C9orf88

CABP1
CACNA2D1
CACNA2D2
CACNA2D3
CACNB2
CACNG2
CACNG7
CADPS
CAMK2N2
CAMSAP1L1
CAP2
CAPN2
CARD10
CARD15
CAST1
CBS
CCDC12
CCDC3
CCDC62
CCDC67
CCDC85A
CCND2
CCNJL
CD151
CD9
CDC42BPA
CDC42EP1
CDH22
CDH23
CDH24
CDK2AP2
CDK5R2
CEBPA
CEBPD
CELSR1
CENTA1
CGI-38
CGNL1
CGREF1
CHDH
CHES1
CHFR
CHRD2
CHRM4
CHRNA5
CHST1
CHST8
CIB2
CKAP4

CKB
CMTM7
COBL
COL11A2
COL18A1
COL23A1
COL27A1
COL5A1
COL9A3
COLEC12
COPZ2
CORO2A
CPAMD8
CPEB1
CPM
CPNE2
CPOX
CPT1A
CPXM2
CRIM1
CRMP1
CRTAC1
CRTC3
CRYZL1
CSDA
CSF1
CSMD3
CSNK1G3
CTGF
CTSF
CTSW
CTTNBP2
CUGBP2
CXXC4
CYFIP1
CYGB
CYR61
CYS1
DAAM2
DACH1
DACT1
DAPK2
DBN1
DCAMKL1
DCAMKL2
DCBLD1
DCHS1
DCTD
DDAH1

DDR1
DFNA5
DGKE
DGKI
DKFZP564J102
DKFZP566N034
DKFZP686A01247
DKFZp761E198
DLG5
DLK1
DLL1
DLX3
DLX6
DMN
DMRT2
DMRT3
DMRTA2
DMWD
DNAJA4
DNAPTP6
DOCK3
DOCK5
DOK6
DPF3
DPP10
DPP4
DPP6
DPYSL5
DRD2
DRD4
DSCR1
DSCR1L1
DST
DTX4
DUSP16
DUSP5
E2F6
EBF3
ECE1
ECEL1
EDG2
EEF1A2
EFEMP2
EFNB2
EGFL9
EGFR
EGR3
ELAVL2
ELOVL2

EMID1
EMILIN2
EMILIN3
EML5
EMX1
EN1
EN2
ENPP1
EPAS1
EPB41L1
EPB41L2
EPB41L3
EPB49
EPHA10
EPHB3
EPHB4
EPHB6
EPHX1
EPPK1
ERRF1
ESPN
ETNK2
EVC
EVC2
FAHD1
FAM20A
FAM20C
FAM43B
FAM49A
FAM53A
FAM57A
FAM65A
FAM78B
FAM80A
FAM83F
FAM89A
FARP1
FAT
FBLN1
FBLN2
FBN1
FBXL7
FBXO2
FBXO44
FEV
FGF18
FGF8
FGF9
FGFR1

FGFR2
FHL3
FIBCD1
FJX1
FKBP4
FLJ10357
FLJ11806
FLJ12505
FLJ20032
FLJ20152
FLJ20701
FLJ22184
FLJ23191
FLJ30277
FLJ33790
FLJ33996
FLJ36748
FLJ37034
FLJ38377
FLJ39739
FLJ42461
FLJ42486
FLJ44653
FLJ44861
FLJ45557
FLJ46111
FLJ46347
FLJ90757
FLNC
FLT1
FN3K
FNDC1
FNDC3A
FNDC4
FOXA1
FOXC1
FOXC2
FOXD2
FOXD3
FOXE1
FOXE3
FOXF1
FOXL1
FRAT2
FRMPD1
FST
FSTL3
FYN
FZD10

FZD4
FZD6
FZD7
FZD9
GABRA5
GABRB3
GALIG
GALNAC4S-6ST
GALNT12
GAS1
GAS6
GAS7
GAS8
GATA4
GATA6
GBX2
GCKR
Gcom1
GDF10
GFER
GFRA4
GJC1
GLRB
GLT1D1
GLT25D2
GLT8D3
GMPR
GNAI1
GNAL
GNAQ
GNG4
GP1BB
GPR124
GPR125
GPR135
GPR150
GPR161
GPR178
GPR68
GPR88
GPRC5B
GPX7
GRIA2
GRID1
GRIK3
GRIN1
GRIN2C
GRIN2D
GRIN3B

GRM6
GRM8
GRRP1
GSCL
GSN
GUCY1A2
GUCY1A3
GYLTL1B
H2AFY2
HAND2
HAS3
HBA2
HCN1
HCN4
HDGFRP3
HDLBP
HES3
HES5
HES6
HHEX
HHIP
HIC1
HMG20A
HMGA2
HNT
HOMER2
HOXA10
HOXA13
HOXA9
HOXC12
HOXD12
HOXD13
HOXD8
HRES1
HRH2
HRH3
HS747E2A
HSPA12A
HSPA12B
HSPC159
HSPG2
HTR7
HTRA1
HTRA3
HUNK
ID3
ID4
IGF2
IGF2AS

IGFBP2
IGFBP3
IGFBP4
IGFBP7
IGFBPL1
IGSF21
IGSF3
IHH
IL11
IL13
IL17RB
IL17RC
IL1R1
INA
INADL
INHA
INPP1
IRX1
IRX3
IRX4
IRX5
ITGA9
ITGB3
ITPKA
ITSN1
JAG1
JAKMIP1
JARID2
JPH1
JSRP1
KCNA2
KCNB2
KCNC1
KCND2
KCND3
KCNF1
KCNG3
KCNH2
KCNH3
KCNJ12
KCNK1
KCNK10
KCNK12
KCNK4
KCNK9
KCNMB3
KCNMB4
KCNN1
KCNQ1DN

KCNQ2
KCNQ3
KCNS2
KCNS3
KCTD12
KCTD15
KDELC2
KIAA0514
KIAA0773
KIAA0789
KIAA0863
KIAA1446
KIAA1571
KIAA1727
KIAA1804
KIAA1862
KIF17
KIF1A
KIF1B
KIFC3
KLF13
KLF14
KLF15
KLF2
KLF5
KLF9
KNDC1
KREMEN1
L3MBTL4
LAMA5
LARP6
LASS6
LATS2
LBX1
LBXCOR1
LDLRAD3
LDOC1L
LEF1
LENG9
LEPREL2
LGALS3
LGI2
LGI3
LGR4
LHX2
LHX3
LMO1
LOC124976
LOC126520

LOC126917
LOC130576
LOC147645
LOC200312
LOC204010
LOC283999
LOC284067
LOC284395
LOC285016
LOC285382
LOC344191
LOC374569
LOC375323
LOC387941
LOC388279
LOC388407
LOC388481
LOC388610
LOC388886
LOC400451
LOC401089
LOC401317
LOC401442
LOC402382
LOC402617
LOC402689
LOC440338
LOC440863
LOC440925
LOC441193
LOC441546
LOC642287
LOC642333
LOC642377
LOC642645
LOC642670
LOC642758
LOC643018
LOC643176
LOC643196
LOC643360
LOC643461
LOC643481
LOC643634
LOC644182
LOC644224
LOC644349
LOC644542
LOC644921

LOC644923
LOC644980
LOC644985
LOC645052
LOC645276
LOC645284
LOC645892
LOC645929
LOC646051
LOC646312
LOC646576
LOC646882
LOC646902
LOC646998
LOC647004
LOC647219
LOC647304
LOC653104
LOC653301
LOC653620
LOC89944
LOC90113
LOC92689
LOXL1
LOXL4
LPGAT1
LPHN1
LPHN2
LRFN4
LRP11
LRP12
LRP3
LRRC24
LRRC38
LRRC3B
LRRC54
LRRN1
LRRN5
LTBP3
LUZP1
MACF1
MAL2
MAN2A2
MAP2K4
MAP3K6
MAP6
MAP6D1
MAP7
MAPK13

MAPK8IP1
MAPK8IP2
MARK1
MARVELD1
MATK
MCAM
MCF2L
MDFIC
MDGA1
MDH2
MDK
MEGF6
MET
MFAP3L
MFSD4
MFSD7
MGAT5B
MGC17624
MGC33486
MGC33846
MGC33894
MGC33926
MGC35308
MGC40574
MGC42367
MGC45800
MGC52057
MGC70857
MGLL
MICAL2
MIXL1
MLNR
MLYCD
MMP17
MPP3
MRAS
MSI1
MSX1
MTHFSD
MTNR1A
MTSS1
MXD4
MXI1
MYCN
MYCNOS
MYLK
MYO1D
MYO6
MYRIP

N/A
N4BP3
NAV2
NBEAL2
NBLA00301
NCAM2
NCKAP1
NDN
NDRG4
NEBL
NELL1
NEO1
NETO1
NEURL
NEUROG2
NFE2L1
NFIA
NKD1
NKD2
NKX1-1
NKX2-2
NLF1
NOG
NOS1AP
NOTUM
NPAS1
NPAS2
NPB
NPR2
NPTX1
NPTX2
NR2F1
NR3C2
NR4A2
NR4A3
NRG1
NRXN1
NRXN2
NTN1
NTN4
NTNG1
NTNG2
NTSR1
NUAK1
NUDT14
NXN
NXP3
OAF
OLFML2A

OLIG1
ONECUT2
OPCML
OPRD1
OPRK1
OSBPL1A
OSBPL5
OSMR
OTP
OVOL1
OVOL2
P2RX2
PALM2
PALM2-AKAP2
PANK4
PAQR9
PARP8
PARVA
PAX1
PC
PCBD1
PCBP4
PCDH1
PCDH7
PCSK2
PDE8A
PDE8B
PDE9A
PDGFB
PDIA2
PDLIM1
PDLIM4
PDZD2
PDZRN3
PELI2
PER3
PEX5L
PFKP
PFTK1
PGR
PHOX2A
PHOX2B
PHPT1
PIGZ
PITPNM1
PITPNM3
PKD2
PKDREJ
PKNOX2

PKP2
PLAC2
PLCB1
PLD5
PLEC1
PLEKHA7
PLEKHC1
PLEKHG5
PLEKHH1
PLEKHO1
PLOD2
PLXNA2
PLXNB1
PLXNC1
PNMA1
PODXL
POU2F3
POU3F1
PPAP2C
PPL
PPM1M
PPP1R13B
PPP1R14C
PPP1R1A
PPP1R3D
PPP1R9A
PQLC1
PRICKLE1
PRKD1
PRKG1
PROK2
PRP2
PRPF6
PRR5
PRSS23
PRTFDC1
PSD2
PSD3
PSMA1
PTF1A
PTGER1
PTGFRN
PTHLH
PTK7
PTPN14
PTPN21
PTPN3
PTPRE
PTPRF

PTPRM
PTPRT
PUNC
PVT1
PYGO1
RAB11FIP5
RAB15
RAB26
RAB31
RAB3IL1
RAB42
RAB4A
RAB6IP1
RAMP1
RAMP2
RAP1GAP
RAPGEF4
RAPH1
RASGRF2
RAVER2
RAX
RBM24
RBPMS
RDH10
RDX
REEP1
REEP2
RELN
RET
RGMA
RGS17
RGS6
RGS7
RHBDF1
RHBDL1
RHOC
RHOU
RIMS1
RIMS2
RND2
RNF152
RNF180
RNF182
RNF4
ROR1
ROR2
RORA
RORC
RP5-860F19.3

RPESP
RPL7
RPS6KA4
RRP22
RSNL2
RSPO4
RSRC1
RTBDN
RTN4RL2
RUNX2
RUTBC2
SALL1
SAMD10
SASH1
SBF1
SCAP1
SCARA3
SCARB2
SCARF2
SCCPDH
SCN1B
SCN5A
SCRN1
SCRT2
SCT
SCUBE2
SDC1
SEC14L2
SELV
SEMA3C
SEMA3F
SEMA4C
SEPT4
SEPT8
SEPT9
SERINC2
SERPINB6
SERPINE2
SERTAD4
SEZ6L
SFRP1
SFRP5
SGCB
SGPP2
SH3BP2
SH3BP4
SH3PXD2A
SHB
SHC3

SHE
SIRPA
SIX2
SIX3
SLC10A4
SLC15A3
SLC16A10
SLC16A3
SLC1A6
SLC22A15
SLC22A3
SLC24A4
SLC25A24
SLC25A29
SLC25A4
SLC26A5
SLC35D2
SLC35D3
SLC35F3
SLC44A3
SLC4A11
SLC4A3
SLC4A4
SLC6A1
SLC6A11
SLC9A3
SLC9A3R2
SLIT3
SMAD1
SMAD6
SMAD7
SMAD9
SMARCD3
SMO
SMOX
SNFT
SNX24
SOCS3
SOCS6
SORBS1
SORCS1
SORCS2
SORCS3
SORT1
SOX11
SOX13
SOX21
SOX4
SOX8

SP5
SP8
SPHK1
SPIRE2
SPOCK1
SPRY1
SPRY2
SPTBN4
SRPK2
SRXN1
SSTR4
ST3GAL4
ST8SIA2
ST8SIA6
STK32C
STMN3
STX16
SULF2
SUSD1
SUSD4
SVIL
SYDE1
SYNC1
SYNGR3
SYT12
SYT14
TAC4
TACC2
TAL1
TBC1D14
TBC1D9
TCERG1L
TCF15
TCF2
TDRD10
TFCP2L1
THBS4
THPO
TM6SF1
TMCC3
TMEFF1
TMEM130
TMEM16A
TMEM44
TMEM54
TMEM56
TMEM98
TMOD1
TMTC1

TNFRSF11A
TP53BP2
TP53I11
TP53INP1
TRAF3IP1
TRAPPC6A
TRIM47
TRIM58
TRIM7
TRIM71
TRPM2
TRPV4
TSPAN5
TTBK1
TTMB
TUB
TUBB6
TWIST1
UAP1L1
UCK2
ULK2
UNC5B
UNQ470
UNQ5831
UNQ6490
UNQ739
URG4
USP2
USP46
UST
UTF1
UTS2R
VANGL1
VASH1
VASN
VAV2
VAV3
VENTX
VGLL2
VIPR2
VLDLR
VMP
VWA1
WASF3
WASPIP
WBSCR17
WDFY3
WDR31
WFS1

WNK2
WNT6
WWC1
YBX2
YIF1A
YPEL3
ZDHHC23
ZFP28
ZFP36L2
ZFPM2
ZFYVE28
ZFYVE9
ZIC2
ZIC5
ZNF22
ZNF358
ZNF365
ZNF496
ZNF536
ZNF593
ZNF651
ZSCAN1
ZSWIM5
ZXDC

Raji

ABCB4
ABCG1
ABHD1
ABHD7
ABR
ACCN1
ACCN2
ACHE
ACPL2
ACTN2
ACVR1
ACVR2A
ADAM12
ADAMTS10
ADAMTS13
ADAMTS14
ADAMTS17
ADAMTS18
ADAMTS2
ADAMTS8
ADAMTSL3
ADAMTSL4
ADCY6
ADCYAP1R1
ADD2
ADRA1B
ADRA2A
AFAP
AIFL
ALDH1A3
ALPK3
ALX3
AMIGO1
AMPH
ANKRD29
ANKRD38
ANKRD43
ANKRD6
AP3B2
APBA1
APBB1
APEG1
APXL2
AQP5
ARHGAP20
ARHGEF11
ARID3C
ARL4C

ARNT2
ARNTL
ARNTL2
ARRB1
ARTN
ASTN2
ATOH7
ATP10A
ATP1A3
ATP6V1C2
ATPAF1
ATRNL1
ATXN1
ATXN7L4
B3GAT1
B3GNT5
B3GNT7
B4GALNT3
B4GALT6
BAALC
BACE2
BAG3
BAI3
BAIAP2
BARHL2
BARX2
BCAR1
BHLHB5
BLVRB
BMP2
BMP4
BMP6
BMP8A
BMP8B
BMPR1B
BNC1
BNIP3
BOC
BOK
BRUNOL4
BSPRY
BTBD11
BTBD3
C11orf11
C11orf63
C12orf53
C14orf162
C14orf172
C14orf29

C14orf79
C18orf1
C18orf34
C19orf16
C19orf26
C1orf78
C1orf94
C1orf95
C1QDC2
C1QL1
C1QL3
C20orf100
C20orf108
C20orf177
C20orf39
C20orf46
C20orf86
C21orf25
C21orf63
C21orf88
C2orf19
C3orf36
C4orf12
C4orf19
C5orf25
C6orf112
C6orf117
C6orf145
C6orf154
C6orf168
C6orf60
C6orf65
C8orf38
C8orf68
C8orf79
C9orf21
C9orf32
C9orf4
C9orf88
CABP1
CACNA2D1
CACNA2D2
CACNA2D3
CACNB2
CACNG2
CACNG7
CAMK2N2
CAMSAP1L1
CAP2

CAPN2
CARD10
CAST1
CBLN1
CBS
CCDC3
CCDC40
CCDC62
CCDC67
CCDC85A
CCND2
CCNJL
CDC42BPA
CDC42EP1
CDH23
CDH24
CDK5R2
CDKL1
CDR2L
CEBPA
CEBPD
CECR6
CELSR1
CELSR2
CENTA1
CGI-38
CGNL1
CGREF1
CHD5
CHFR
CHML
CHPT1
CHRD2
CHRM4
CHST1
CHST10
CHST8
CHSY1
CIB2
CITED4
CKAP4
CKB
CMTM7
CNTFR
COBL
COL11A2
COL18A1
COL23A1
COL27A1

COL5A1
COLEC12
COPZ2
CORO2A
CORO2B
CPAMD8
CPEB1
CPM
CPT1A
CPXM2
CRIM1
CRMP1
CROCC
CRTAC1
CRTC3
CSF1
CTGF
CTTNBP2
CTXN1
CUGBP2
CXXC4
CYFIP1
CYGB
CYR61
CYS1
DAAM2
DACH1
DACT1
DAPK2
DBN1
DCAMKL1
DCAMKL2
DCBLD1
DCHS1
DDAH1
DFNA5
DGKE
DGKI
DKFZP564J102
DKFZP566N034
DKFZP686A01247
DKFZp761E198
DLG5
DLK1
DLL1
DLX6
DMN
DMRT2
DMRT3

DMRTA2
DNAH10
DNAJA4
DNAPTP6
DOCK3
DOCK5
DOK6
DPP10
DPP6
DPYSL4
DPYSL5
DRD2
DRD4
DSCR1
DSCR1L1
DST
DUSP16
DUSP5
E2F6
EBF3
ECEL1
EDG2
EEF1A2
EFNB2
EGFL9
EGFR
EIF2C4
ELAVL2
ELOVL2
EMID1
EMILIN2
EMILIN3
EMX1
EN1
EN2
EPAS1
EPB41L1
EPB41L2
EPB41L3
EPB49
EPHA10
EPHB3
EPHB4
EPHX1
EPPK1
ERGIC1
ERRFI1
ESPN
ETNK2

EVC
EVC2
EVL
FAM20A
FAM20C
FAM43B
FAM53A
FAM65A
FAM78B
FAM83F
FAM89A
FARP1
FAT
FBLN1
FBLN2
FBXL11
FBXL22
FBXL7
FBXO2
FBXO44
FEV
FGF18
FGF8
FGFR1
FGFR2
FGFR3
FHL3
FIBCD1
FJX1
FLJ10357
FLJ10916
FLJ11806
FLJ12505
FLJ20032
FLJ20152
FLJ20699
FLJ20701
FLJ22184
FLJ30277
FLJ30707
FLJ33790
FLJ33996
FLJ36748
FLJ37034
FLJ38377
FLJ42461
FLJ42486
FLJ44653
FLJ44861

FLJ45557
FLJ46111
FLJ46347
FLJ90757
FLNC
FMNL2
FN3K
FNDC1
FNDC3A
FNDC4
FOXA1
FOXC1
FOXC2
FOXD2
FOXD3
FOXE1
FOXE3
FOXF1
FOXL1
FOXL2
FRAT1
FRAT2
FRMPD1
FST
FSTL3
FZD10
FZD4
FZD6
FZD9
GABRA5
GABRB3
GALIG
GALNAC4S-6ST
GALNT12
GAS1
GAS6
GAS7
GAS8
GATA4
GATA6
GBX2
GCKR
Gcom1
GFRA4
GJC1
GLIS1
GLRB
GLT1D1
GMPR

GNAI1
GNAO1
GNAQ
GNB4
GP1BB
GPR124
GPR125
GPR150
GPR157
GPR161
GPR178
GPR68
GPR88
GPRC5B
GPX7
GRHL1
GRID1
GRIK3
GRIN1
GRIN2C
GRIN2D
GRIN3B
GRM6
GRM8
GRRP1
GSN
GUCY1A3
H2AFY2
HAND2
HAS3
HBA1
HBA2
HCN1
HCN4
HDGFRP3
HDLBP
HES3
HES5
HHEX
HHIP
HIC1
HLF
HMGA2
HNT
HOMER2
HOMER3
HOXA10
HOXC12
HOXD12

HOXD13
HOXD8
HRES1
HRH2
HRH3
HS747E2A
HSPA12A
HSPA12B
HSPG2
HTR7
HTRA1
HTRA3
HUNK
ID3
ID4
IGF2
IGF2AS
IGFBP2
IGFBP4
IGFBP7
IGFBPL1
IGSF21
IGSF3
IHH
IL11
IL13
IL1R1
INADL
INHA
INPP1
INSM1
INSR
IRX1
IRX3
IRX4
IRX5
ITGA9
ITGB3
ITGB5
ITPKA
JAG1
JAKMIP1
JPH1
JSRP1
KCNA2
KCNB2
KCNC1
KCND2
KCND3

KCNF1
KCNG3
KCNH2
KCNH3
KCNJ12
KCNK1
KCNK10
KCNK12
KCNK4
KCNK9
KCNMB3
KCNN1
KCNQ1
KCNQ1DN
KCNQ2
KCNQ3
KCNS2
KCNS3
KCTD12
KDELC2
KIAA0514
KIAA0773
KIAA0789
KIAA0863
KIAA0953
KIAA1026
KIAA1446
KIAA1450
KIAA1571
KIAA1727
KIAA1804
KIAA1838
KIAA1922
KIF17
KIF1A
KIF1B
KIFC3
KLF14
KLF5
KLF9
KNDC1
KREMEN1
L3MBTL4
LAMA5
LARP6
LASS6
LATS2
LBX1
LBXCOR1

LDLRAD3
LDOC1L
LEF1
LENG9
LEPREL2
LGALS3
LGI2
LGI3
LGR4
LHX3
LIMD1
LITAF
LMO1
LMO2
LOC124976
LOC126520
LOC126917
LOC130576
LOC146325
LOC147645
LOC155060
LOC204010
LOC283999
LOC284023
LOC284067
LOC284395
LOC285016
LOC285382
LOC344191
LOC374569
LOC374973
LOC375323
LOC387941
LOC388279
LOC388407
LOC388481
LOC388610
LOC388886
LOC400451
LOC401056
LOC401089
LOC402689
LOC440338
LOC440863
LOC441193
LOC642287
LOC642333
LOC642377
LOC642584

LOC642645
LOC642670
LOC642758
LOC643176
LOC643196
LOC643360
LOC643461
LOC643481
LOC643634
LOC643879
LOC644182
LOC644224
LOC644349
LOC644542
LOC644923
LOC644980
LOC644985
LOC645104
LOC645284
LOC645379
LOC645401
LOC645892
LOC645929
LOC645970
LOC646051
LOC646312
LOC646456
LOC646576
LOC646882
LOC646902
LOC646998
LOC647004
LOC647304
LOC653104
LOC653222
LOC653620
LOC89944
LOC90113
LOC92689
LOXL4
LPHN1
LPHN2
LRP3
LRRRC20
LRRRC24
LRRRC38
LRRRC3B
LRRRC54
LRRFIP1

LRRN5
LTBP3
LY6E
LZTS2
MACF1
MAL2
MAN2A2
MAP3K6
MAP6
MAP6D1
MAP7
MAPK11
MAPK13
MAPK8IP1
MAPK8IP2
MARK1
MARVELD1
MATK
MCAM
MDGA1
MDK
MEGF6
MEIS2
MFAP3L
MFSD4
MFSD7
MGAT5B
MGC17624
MGC33486
MGC33846
MGC33894
MGC33926
MGC35308
MGC42367
MGC45800
MGC52057
MGC70857
MGLL
MIXL1
MLNR
MMP17
MRAS
MRFAP1L1
MSI1
MSX1
MTNR1A
MTSS1
MYCN
MYCNOS

MYLK
MYO6
MYRIP
N/A
N4BP3
NAV2
NBLA00301
NCAM2
NCKAP1
NDRG4
NEBL
NETO1
NEURL
NEUROG2
NFE2L1
NFIA
NKD1
NKD2
NKX1-1
NKX2-2
NLF1
NOG
NOS1AP
NOTUM
NPAS1
NPAS2
NPB
NPDC1
NPR2
NPTX1
NPTX2
NR2F1
NRG1
NTN1
NTN4
NTNG1
NTNG2
NTSR1
NUAK1
NXN
OAF
OLFM2
OLFML2A
OLIG1
ONECUT2
OPCML
OPN3
OPRD1
OPRK1

OSBPL1A
OSBPL5
OSMR
OTP
OTUD1
OVOL1
OVOL2
P2RX2
PALM
PALM2
PALM2-AKAP2
PANK4
PAQR8
PAQR9
PARD6G
PARVA
PAX1
PC
PCBD1
PCBP4
PCDH1
PCDH7
PCSK2
PDE8A
PDE8B
PDE9A
PDGFB
PDIA2
PDLIM1
PDZD2
PDZRN3
PELI2
PER3
PEX5L
PFKP
PFTK1
PGR
PHOX2A
PHOX2B
PHPT1
PIGZ
PITPNM3
PITX1
PKDREJ
PKNOX2
PKP2
PLAC2
PLD5
PLEKHA1

PLEKHA7
PLEKHC1
PLEKHG5
PLEKHH1
PLEKHO1
PLOD2
PLXNA2
PLXNB1
PLXNC1
PNMA1
POU3F1
PPIL6
PPL
PPM1M
PPP1R14C
PPP1R1A
PPP1R3D
PPP1R9A
PRICKLE1
PRKCQ
PRKD1
PRKG1
PROK2
PROZ
PRP2
PRR5
PRRX2
PRSS23
PRTFDC1
PSD2
PSD3
PSMA1
PTF1A
PTGER1
PTGFRN
PTHLH
PTK7
PTMS
PTPN14
PTPN21
PTPRE
PTPRF
PTPRK
PTPRM
PTPRT
PUNC
PYGO1
QDPR
RAB11FIP5

RAB15
RAB26
RAB31
RAB3IL1
RAB42
RAB4A
RAB6IP1
RAMP1
RAP1GAP
RAPGEF4
RAPH1
RASA3
RASD2
RASGRF2
RAVER2
RAX
RBM24
RBPMS
RCOR2
RDX
REEP1
REEP2
RELN
RET
RGMA
RGS17
RGS7
RHBDF1
RHBDL1
RHOC
RHOU
RIMS1
RIMS2
RNF144
RNF152
RNF180
RNF2
RNF4
ROR1
ROR2
RORA
RORC
RP5-860F19.3
RPESP
RRN3
RRP22
RSNL2
RSPO4
RTN4RL2

RUNX2
RUTBC2
RYS2
SALL1
SASH1
SCAMP5
SCAP1
SCARA3
SCARF2
SCCPDH
SCN1B
SCN5A
SCRN1
SCRT2
SCT
SCUBE2
SDC1
SELV
SEMA3C
SEMA3F
SEMA4C
SEPT4
SEPT8
SEPT9
SERINC2
SERPINE2
SERTAD4
SFRP1
SFRP5
SGPP2
SH3BP2
SH3BP4
SH3PXD2A
SHB
SHC3
SHE
SHF
SIRPA
SIX2
SIX3
SIX5
SLC10A4
SLC15A3
SLC16A10
SLC16A3
SLC1A6
SLC22A15
SLC22A3
SLC24A3

SLC24A4
SLC25A24
SLC25A29
SLC26A5
SLC35D2
SLC35F3
SLC4A11
SLC4A3
SLC4A4
SLC6A1
SLC6A11
SLC9A3
SLC9A3R2
SLIT3
SMAD1
SMAD6
SMAD9
SMARCD3
SMO
SMOX
SMPD2
SNFT
SNX24
SNX9
SOCS6
SORBS1
SORCS1
SORCS2
SORT1
SOX11
SOX12
SOX13
SOX21
SOX4
SOX8
SP5
SP8
SPHK1
SPIRE2
SPOCK1
SPRY1
SPRY2
SPSB1
SPTBN4
SRPK2
SRXN1
ST3GAL4
ST8SIA2
ST8SIA6

STK32C
STX16
SULF2
SUSD1
SUSD4
SVIL
SYDE1
SYNC1
SYT12
SYT14
TAC4
TACC2
TAL1
TBX21
TCERG1L
TCF15
TCF2
TDRD10
TFCP2L1
THBS4
THPO
TIRAP
TM6SF1
TMCC3
TMEM130
TMEM16A
TMEM42
TMEM54
TMEM56
TMEM98
TMOD1
TMTC1
TNFRSF11A
TP53BP2
TP53I11
TP53INP1
TRIM47
TRIM71
TRPM2
TRPV4
TSHZ3
TSPAN4
TSPAN5
TSPAN9
TTBK1
TTMA
TTMB
TUB
TUBB6

TUSC1
TWIST1
TYRO3
UBE2U
ULK2
UNC5B
UNQ470
UNQ5831
UNQ6490
UNQ739
USP2
USP46
UTF1
UTS2R
VANGL1
VASH1
VASN
VAV2
VAV3
VGLL2
VIPR2
VWA1
WASF3
WASPIP
WBSCR17
WDFY3
WNK2
WNT6
WSB2
WWC1
YAP1
YBX2
ZAK
ZAR1
ZFP28
ZFPM2
ZFYVE28
ZFYVE9
ZIC2
ZIC5
ZNF358
ZNF496
ZNF536
ZNF593
ZNF651
ZSCAN1
ZSWIM5

Daidi and Raji Intersect

ABCB4

ABHD1

ABHD7

ABR

ACCN1

ACHE

ACTN2

ACVR1

ACVR2A

ADAM12

ADAMTS10

ADAMTS13

ADAMTS14

ADAMTS17

ADAMTS2

ADAMTS8

ADAMTSL3

ADAMTSL4

ADCY6

ADCYAP1R1

ADD2

ADRA1B

ADRA2A

AFAP

AIFL

ALDH1A3

ALPK3

ALX3

AMIGO1

AMPH

ANKRD29

ANKRD38

ANKRD43

ANKRD6

AP3B2

APBA1

APEG1

AQP5

ARHGAP20

ARHGEF11

ARID3C

ARL4C

ARNT2

ARNTL

ARNTL2

ARRB1

ARTN

ASTN2

ATOH7
ATP10A
ATP1A3
ATP6V1C2
ATRNL1
ATXN1
B3GAT1
B3GNT5
B4GALNT3
B4GALT6
BAALC
BACE2
BAG3
BAI3
BAIAP2
BARHL2
BARX2
BCAR1
BHLHB5
BLVRB
BMP2
BMP6
BMP8A
BMP8B
BMPR1B
BNC1
BOC
BOK
BRUNOL4
BSPRY
BTBD11
BTBD3
C11orf11
C11orf63
C12orf53
C14orf162
C14orf172
C14orf29
C18orf1
C18orf34
C19orf16
C1orf78
C1orf94
C1orf95
C1QDC2
C1QL1
C1QL3
C20orf100
C20orf177

C20orf39
C20orf46
C20orf86
C21orf25
C21orf63
C21orf88
C2orf19
C4orf12
C4orf19
C5orf25
C6orf112
C6orf117
C6orf145
C6orf154
C6orf168
C6orf60
C6orf65
C8orf38
C8orf68
C8orf79
C9orf21
C9orf32
C9orf4
C9orf88
CABP1
CACNA2D1
CACNA2D2
CACNA2D3
CACNB2
CACNG2
CACNG7
CAMK2N2
CAMSAP1L1
CAP2
CAPN2
CARD10
CAST1
CBS
CCDC3
CCDC62
CCDC67
CCDC85A
CCND2
CCNJL
CDC42BPA
CDC42EP1
CDH23
CDH24
CDK5R2

CEBPA
CEBPD
CELSR1
CENTA1
CGI-38
CGNL1
CGREF1
CHFR
CHRD2
CHRM4
CHST1
CHST8
CIB2
CKAP4
CKB
CMTM7
COBL
COL11A2
COL18A1
COL23A1
COL27A1
COL5A1
COLEC12
COPZ2
CORO2A
CPAMD8
CPEB1
CPM
CPT1A
CPXM2
CRIM1
CRMP1
CRTAC1
CRTC3
CSF1
CTGF
CTTNBP2
CUGBP2
CXXC4
CYFIP1
CYGB
CYR61
CYS1
DAAM2
DACH1
DACT1
DAPK2
DBN1
DCAMKL1

DCAMKL2
DCBLD1
DCHS1
DDAH1
DFNA5
DGKE
DGKI
DKFZP564J102
DKFZP566N034
DKFZP686A01247
DKFZp761E198
DLG5
DLK1
DLL1
DLX6
DMN
DMRT2
DMRT3
DMRTA2
DNAJA4
DNAPTP6
DOCK3
DOCK5
DOK6
DPP10
DPP6
DPYSL5
DRD2
DRD4
DSCR1
DSCR1L1
DST
DUSP16
DUSP5
E2F6
EBF3
ECEL1
EDG2
EEF1A2
EFNB2
EGFL9
EGFR
ELAVL2
ELOVL2
EMID1
EMILIN2
EMILIN3
EMX1
EN1

EN2
EPAS1
EPB41L1
EPB41L2
EPB41L3
EPB49
EPA10
EPHB3
EPHB4
EPHX1
EPPK1
ERRFI1
ESPN
ETNK2
EVC
EVC2
FAM20A
FAM20C
FAM43B
FAM53A
FAM65A
FAM78B
FAM83F
FAM89A
FARP1
FAT
FBLN1
FBLN2
FBXL7
FBXO2
FBXO44
FEV
FGF18
FGF8
FGFR1
FGFR2
FHL3
FIBCD1
FJX1
FLJ10357
FLJ11806
FLJ12505
FLJ20032
FLJ20152
FLJ20701
FLJ22184
FLJ30277
FLJ33790
FLJ33996

FLJ36748
FLJ37034
FLJ38377
FLJ42461
FLJ42486
FLJ44653
FLJ44861
FLJ45557
FLJ46111
FLJ46347
FLJ90757
FLNC
FN3K
FNDC1
FNDC3A
FNDC4
FOXA1
FOXC1
FOXC2
FOXD2
FOXD3
FOXE1
FOXE3
FOXF1
FOXL1
FRAT2
FRMPD1
FST
FSTL3
FZD10
FZD4
FZD6
FZD9
GABRA5
GABRB3
GALIG
GALNAC4S-6ST
GALNT12
GAS1
GAS6
GAS7
GAS8
GATA4
GATA6
GBX2
GCKR
Gcom1
GFRA4
GJC1

GLRB
GLT1D1
GMPR
GNAI1
GNAQ
GP1BB
GPR124
GPR125
GPR150
GPR161
GPR178
GPR68
GPR88
GPRC5B
GPX7
GRID1
GRIK3
GRIN1
GRIN2C
GRIN2D
GRIN3B
GRM6
GRM8
GRRP1
GSN
GUCY1A3
H2AFY2
HAND2
HAS3
HBA2
HCN1
HCN4
HDGFRP3
HDLBP
HES3
HES5
HHEX
HHIP
HIC1
HMGA2
HNT
HOMER2
HOXA10
HOXC12
HOXD12
HOXD13
HOXD8
HRES1
HRH2

HRH3
HS747E2A
HSPA12A
HSPA12B
HSPG2
HTR7
HTRA1
HTRA3
HUNK
ID3
ID4
IGF2
IGF2AS
IGFBP2
IGFBP4
IGFBP7
IGFBPL1
IGSF21
IGSF3
IHH
IL11
IL13
IL1R1
INADL
INHA
INPP1
IRX1
IRX3
IRX4
IRX5
ITGA9
ITGB3
ITPKA
JAG1
JAKMIP1
JPH1
JSRP1
KCNA2
KCNB2
KCNC1
KCND2
KCND3
KCNF1
KCNG3
KCNH2
KCNH3
KCNJ12
KCNK1
KCNK10

KCNK12
KCNK4
KCNK9
KCNMB3
KCNN1
KCNQ1DN
KCNQ2
KCNQ3
KCNS2
KCNS3
KCTD12
KDELC2
KIAA0514
KIAA0773
KIAA0789
KIAA0863
KIAA1446
KIAA1571
KIAA1727
KIAA1804
KIF17
KIF1A
KIF1B
KIFC3
KLF14
KLF5
KLF9
KNDC1
KREMEN1
L3MBTL4
LAMA5
LARP6
LASS6
LATS2
LBX1
LBXCOR1
LDLRAD3
LDOC1L
LEF1
LENG9
LEPREL2
LGALS3
LGI2
LGI3
LGR4
LHX3
LMO1
LOC124976
LOC126520

LOC126917
LOC130576
LOC147645
LOC204010
LOC283999
LOC284067
LOC284395
LOC285016
LOC285382
LOC344191
LOC374569
LOC375323
LOC387941
LOC388279
LOC388407
LOC388481
LOC388610
LOC388886
LOC400451
LOC401089
LOC402689
LOC440338
LOC440863
LOC441193
LOC642287
LOC642333
LOC642377
LOC642645
LOC642670
LOC642758
LOC643176
LOC643196
LOC643360
LOC643461
LOC643481
LOC643634
LOC644182
LOC644224
LOC644349
LOC644542
LOC644923
LOC644980
LOC644985
LOC645284
LOC645892
LOC645929
LOC646051
LOC646312
LOC646576

LOC646882
LOC646902
LOC646998
LOC647004
LOC647304
LOC653104
LOC653620
LOC89944
LOC90113
LOC92689
LOXL4
LPHN1
LPHN2
LRP3
LRRC24
LRRC38
LRRC3B
LRRC54
LRRN5
LTBP3
MACF1
MAL2
MAN2A2
MAP3K6
MAP6
MAP6D1
MAP7
MAPK13
MAPK8IP1
MAPK8IP2
MARK1
MARVELD1
MATK
MCAM
MDGA1
MDK
MEGF6
MFAP3L
MFSD4
MFSD7
MGAT5B
MGC17624
MGC33486
MGC33846
MGC33894
MGC33926
MGC35308
MGC42367
MGC45800

MGC52057
MGC70857
MGLL
MIXL1
MLNR
MMP17
MRAS
MSI1
MSX1
MTNR1A
MTSS1
MYCN
MYCNOS
MYLK
MYO6
MYRIP
N/A
N4BP3
NAV2
NBLA00301
NCAM2
NCKAP1
NDRG4
NEBL
NETO1
NEURL
NEUROG2
NFE2L1
NFIA
NKD1
NKD2
NKX1-1
NKX2-2
NLF1
NOG
NOS1AP
NOTUM
NPAS1
NPAS2
NPB
NPR2
NPTX1
NPTX2
NR2F1
NRG1
NTN1
NTN4
NTNG1
NTNG2

NTSR1
NUAK1
NXN
OAF
OLFML2A
OLIG1
ONECUT2
OPCML
OPRD1
OPRK1
OSBPL1A
OSBPL5
OSMR
OTP
OVOL1
OVOL2
P2RX2
PALM2
PALM2-AKAP2
PANK4
PAQR9
PARVA
PAX1
PC
PCBD1
PCBP4
PCDH1
PCDH7
PCSK2
PDE8A
PDE8B
PDE9A
PDGFB
PDIA2
PDLIM1
PDZD2
PDZRN3
PELI2
PER3
PEX5L
PFKP
PFTK1
PGR
PHOX2A
PHOX2B
PHPT1
PIGZ
PITPNM3
PKDREJ

PKNOX2
PKP2
PLAC2
PLD5
PLEKHA7
PLEKHC1
PLEKHG5
PLEKHH1
PLEKHO1
PLOD2
PLXNA2
PLXNB1
PLXNC1
PNMA1
POU3F1
PPL
PPM1M
PPP1R14C
PPP1R1A
PPP1R3D
PPP1R9A
PRICKLE1
PRKD1
PRKG1
PROK2
PRP2
PRR5
PRSS23
PRTFDC1
PSD2
PSD3
PSMA1
PTF1A
PTGER1
PTGFRN
PTHLH
PTK7
PTPN14
PTPN21
PTPRE
PTPRF
PTPRM
PTPRT
PUNC
PYGO1
RAB11FIP5
RAB15
RAB26
RAB31

RAB3IL1
RAB42
RAB4A
RAB6IP1
RAMP1
RAP1GAP
RAPGEF4
RAPH1
RASGRF2
RAVER2
RAX
RBM24
RBPMS
RDX
REEP1
REEP2
RELN
RET
RGMA
RGS17
RGS7
RHBDF1
RHBDL1
RHOC
RHOU
RIMS1
RIMS2
RNF152
RNF180
RNF4
ROR1
ROR2
RORA
RORC
RP5-860F19.3
RPESP
RRP22
RSNL2
RSPO4
RTN4RL2
RUNX2
RUTBC2
SALL1
SASH1
SCAP1
SCARA3
SCARF2
SCCPDH
SCN1B

SCN5A
SCRN1
SCRT2
SCT
SCUBE2
SDC1
SELV
SEMA3C
SEMA3F
SEMA4C
SEPT4
SEPT8
SEPT9
SERINC2
SERPINE2
SERTAD4
SFRP1
SFRP5
SGPP2
SH3BP2
SH3BP4
SH3PXD2A
SHB
SHC3
SHE
SIRPA
SIX2
SIX3
SLC10A4
SLC15A3
SLC16A10
SLC16A3
SLC1A6
SLC22A15
SLC22A3
SLC24A4
SLC25A24
SLC25A29
SLC26A5
SLC35D2
SLC35F3
SLC4A11
SLC4A3
SLC4A4
SLC6A1
SLC6A11
SLC9A3
SLC9A3R2
SLIT3

SMAD1
SMAD6
SMAD9
SMARCD3
SMO
SMOX
SNFT
SNX24
SOCS6
SORBS1
SORCS1
SORCS2
SORT1
SOX11
SOX13
SOX21
SOX4
SOX8
SP5
SP8
SPHK1
SPIRE2
SPOCK1
SPRY1
SPRY2
SPTBN4
SRPK2
SRXN1
ST3GAL4
ST8SIA2
ST8SIA6
STK32C
STX16
SULF2
SUSD1
SUSD4
SVIL
SYDE1
SYNC1
SYT12
SYT14
TAC4
TACC2
TAL1
TCERG1L
TCF15
TCF2
TDRD10
TFCP2L1

THBS4
THPO
TM6SF1
TMCC3
TMEM130
TMEM16A
TMEM54
TMEM56
TMEM98
TMOD1
TMTC1
TNFRSF11A
TP53BP2
TP53I11
TP53INP1
TRIM47
TRIM71
TRPM2
TRPV4
TSPAN5
TTBK1
TTMB
TUB
TUBB6
TWIST1
ULK2
UNC5B
UNQ470
UNQ5831
UNQ6490
UNQ739
USP2
USP46
UTF1
UTS2R
VANGL1
VASH1
VASN
VAV2
VAV3
VGLL2
VIPR2
VWA1
WASF3
WASPIP
WBSCR17
WDFY3
WNK2
WNT6

WWC1
YBX2
ZFP28
ZFPM2
ZFYVE28
ZFYVE9
ZIC2
ZIC5
ZNF358
ZNF496
ZNF536
ZNF593
ZNF651
ZSCAN1
ZSWIM5

3T3

0610010F05Rik
1110006O24Rik
1110032F04Rik
1110059E24Rik
1190002N15Rik
1190005I06Rik
1500012F01Rik
1600002K03Rik
1600014C23Rik
1600021P15Rik
1700010M22Rik
1700016C15Rik
1700019N12Rik
1700034H15Rik
1700052K11Rik
1700109F18Rik
1810041L15Rik
2010300C02Rik
2310002J15Rik
2410004B18Rik
2410025L10Rik
2410129H14Rik
2610017I09Rik
2610024G14Rik
2610109H07Rik
2610507B11Rik
2700081O15Rik
2700086A05Rik
2810032G03Rik
2810459M11Rik
2900092D14Rik
3830408C21Rik
4732471D19Rik
4833424O15Rik
4921515J06Rik
4930402H24Rik
4930426L09Rik
4930442L01Rik
4930447C04Rik
4930488L21Rik
4930515G01Rik

4930539J05Rik
4930588N13Rik
4931429I11Rik
4933403G14Rik
4933406I18Rik
4933421O10Rik
5031439G07Rik
5430405G05Rik
5930412G12Rik
6330512M04Rik
6430548M08Rik
6430704M03Rik
6720463M24Rik
8430427H17Rik
9030409G11Rik
9030612E09Rik
9130206I24Rik
9130221H12Rik
9230105E10Rik
9330171B17Rik
9330182L06Rik
9430021M05Rik
9430083A17Rik
9530036O11Rik
9830001H06Rik
9930021D14Rik
A030009H04Rik
A230083G16Rik
A530013C23Rik
A530058N18Rik
A730018C14Rik
A730020M07Rik
A930007I19Rik
A930017M01Rik
Aard
Aatk
Abcb4
Abhd15
Abr
Accn1
Accn2
Acot3

Acot4
Acot5
Acot6
Actg1
Actr2
Acvr1b
Acvr2a
Acvr2b
Adam11
Adamts20
Adamts8
Adamtsl3
Adap1
Adarb1
Adck1
Adcy2
Adcy5
Adcy9
Adnp
Adra1d
Adra2a
Adra2c
Adrb1
Adrbk2
Aebp2
Aes
Aff3
Agap1
Agpat2
Agpat3
AI314180
AI314831
AI316807
AI504432
AI646023
AI837181
Aifm3
Aig1
Ajap1
AK003136
AK005214
AK005503

AK005967
AK006001
AK006186
AK006664
AK007571
AK009335
AK010870
AK011568
AK011684
AK011897
AK012841
AK013046
AK014224
AK015004
AK015092
AK015492
AK016097
AK016265
AK016417
AK016591
AK016734
AK016788
AK017040
AK017143
AK017177
AK017779
AK017924
AK018929
AK019375
AK019514
AK019738
AK019838
AK029023
AK029443
AK029834
AK031498
AK031561
AK033147
AK034519
AK035754
AK035785
AK035982

AK036329
AK037260
AK038079
AK038087
AK038749
AK039014
AK039268
AK039417
AK039608
AK039882
AK040320
AK040960
AK041531
AK042126
AK043502
AK043505
AK043607
AK044036
AK045070
AK046216
AK047558
AK047727
AK048292
AK048886
AK048941
AK052792
AK052909
AK075633
AK076706
AK079280
AK079802
AK080025
AK080278
AK080292
AK080648
AK080695
AK081136
AK081497
AK083124
AK083606
AK084517
AK085371

AK085522
AK085881
AK087460
AK089135
AK131739
AK132123
AK132490
AK132723
AK133391
AK133446
AK134673
AK135560
AK135691
AK136882
AK138307
AK138328
AK138755
AK140072
AK140446
AK142074
AK142386
AK144664
AK144823
AK144984
AK145301
AK146255
AK147796
AK148461
AK149188
AK154406
AK155239
AK158619
AK159003
AK159351
AK160141
AK161590
AK162496
AK162774
AK162942
AK163103
AK163532
AK163592

AK166060
AK166079
AK190497
AK191498
AK197782
AK211096
AK211336
AK211593
AK216824
Ak4
Ak5
Akap9
Akd2
Akirin2
Akr1e1
Aldh1a2
Alg3
Alx3
Amd2
Amfr
Amigo1
Amigo2
Ampd3
Anapc11
Angpt1
Ank
Ankmy1
Ankrd12
Ankrd13a
Ankrd13b
Ankrd29
Ankrd34b
Ankrd40
Ankrd52
Ankrd60
Ano8
Anp32b
Ap1b1
Ap3s1
Apba2
Aplp1
ApoH

Aqp5
Arap2
Arglu1
Arhgap17
Arhgap20
Arhgap21
Arhgap23
Arhgdia
Arhgdig
Arhgef10l
Arhgef11
Arhgef16
Arhgef5
Arid4a
Arih1
Arl8a
Arnt2
Arsg
Ascl1
Asf1a
asp3
Aspax1
Asphd2
Astl
Asth2
Asx1
Atf1
Atg12
Atl2
Atmin
Atn1
Atoh7
Atp1a3
Atp1b1
Atp2a2
Atp5h
Atp6v0b
Atp6v1a
Atp6v1e2
Atp8a1
Atxn7
Aurkaip1

Aven
AW555464
Axin1
Axin2
B130006D01Rik
B230219D22Rik
B230339M05Rik
B330016D10Rik
B3gat1
B4galt2
B4galt4
B830017H08Rik
B930041F14Rik
Bach2
Bag5
Bai3
Banp
Bara
Barhl2
Barx1
Baz1a
Bbip1
BC020535
BC021891
BC027696
BC029726
BC030050
BC030307
BC035532
BC046404
BC048612
BC050254
BC051589
BC053974
BC056189
BC060302
BC062820
BC065149
BC070425
BC089491
BC099561
BC145376

Bcap29
Bcl10
Bcl11b
Bcl2
Bcl7a
Bcl7c
Bcng-1
Bcr
Bend3
Bend4
Bend6
Bend7
Bfsp1
Bhlhe22
Bhlhe41
Bles03
Bloc1s2
Bloc1s3
Blvrb
Bmp2
Bmp2k
Bmp6
Bmpr2
Bnc1
Boc
Bod1
Boll
Bpag1
Brd3
Brd4
Brix1
Brpf3
Brsk2
Bsn
Btbd6
Btbd7
Btg3
Bves
Bzw1
C030046E11Rik
C130074G19Rik
C130080G10Rik

C1galt1
C1ql1
C1qtnf4
C2cd4a
C2cd4b
C530028O21Rik
Cables1
Cables2
Cabp7
Cachd1
Cacna1a
Cacna1b
Cacna1c
Cacna1h
Cacna2d2
Cacna2d3
Cacnb4
Cacng4
Cadm1
Cadm2
Cadps
Cadps2
Calm2
Caln1
Camk2b
Camk2n1
Camk2n2
cAMP-GEFII
Camsap1
Camta1
Camta2
Caprin1
Car15
Car5a
Card10
Card6
Cars2
Casc4
Casd1
Caskin1
Cbfa2t2
Cbln1

Cbx2
Cbx7
Ccdc109a
Ccdc126
Ccdc3
Ccdc6
Ccdc88c
Ccne2
Ccnk
Ccnl1
Ccnyl1
Ccr10
Cd2bp2
Cd44
Cd8a
Cdc34
Cdc42bpa
Cdc42bpb
Cdc42ep1
Cdc73
Cdcrel-1
Cdh22
Cdh4
Cdhr3
Cdk14
Cdk2ap1
Cdk4
Cdk5r1
Cdk5r2
Cdk5rap1
Cdk8
Cdkn1c
Cds1
Cdv3
Cdx1
Cdy1
Cdy12
Cebpa
Cebpb
Cecr2
Cecr6
Celf1

Celf2
Celf4
Celsr1
Celsr2
Celsr3
Cenpb
Cfr
Chchd7
Chd1
Chd3
Chd5
Chd7
Chic2
Chmp2a
Chmp4b
Chn1
Chpt1
Chrd12
Chrm3
Chrm5
Chrna4
Chrna7
Chst2
Chsy3
Chtf8
Cic
Cirbp
Cirh1a
Cisd2
Cisk
Cited4
Ckap4
Cldn9
Clip4
Clstn1
Clstn2
Cmtm4
Cnga1
Cnih
Cnn2
Cnm1
Cnm3

Cnnm4
Cnot6l
Cnr1
Cntfr
Cntnap1
Cobl
Col19a1
Col23a1
Col6a6
Col8a2
Copg2
Coq10a
Coro1c
Coro2a
Coro2b
Cpne5
Crebzf
Crhbp
Crim1
Crls1
Crmp1
Crtac1
Crtc3
Cryzl1
Csad
Csda
Csnk1e
Csnk1g2
Cspg5
Ctbp1
Ctf1
Ctf2
Ctnna2
Ctnnb1
Ctnnbip1
Ctnnd2
Cuedc1
Cux2
Cxxc4
Cyb561
Cyfip2
Cyhr1

Cyp4f14
Cys1
D17Wsu92e
D430050G20
D930015E06Rik
D930048N14Rik
Dab1
Dact2
DAPK2
Dapk3
Dazl
Dcbld2
Dchs1
Dclk3
Dcun1d1
Ddr1
Ddx25
Ddx43
Ddx6
Dennd1b
Dennd2a
Dennd5a
Dennd5b
Depdc7
Dgkh
Dgki
Dgkz
Dhrs4
Dicer1
Dio2
Dio3
Dio3os
Dip2a
Dip2c
Diras1
Dlg1
Dlgap1
Dlgap2
Dlgap3
Dlgap4
Dlk2
Dlk3

Dlx6
Dlx6as
Dlx6os1
Dmpk
Dmrt3
Dmrta2
Dmwd
Dmxl2
Dnaja2
Dnajc11
Dnajc21
Dnajc25
Dnajc4
Dnttip1
Doc2a
Doc2b
Dock5
Dok6
Dpf1
Dph2
Dpm1
Dpy19l1
DQ544838
DQ558014
DQ695223
DQ700977
DQ718008
DQ720997
DQ726379
Drap1
Drd2
Dscam
Dtnb
Dtnbp1
Dusp2
Dusp28
Dusp7
Dusp8
Dvl1
Dvl3
Dync2li1
Dyrk2

E130012A19Rik
E130018O15Rik
E130203B14Rik
E2f1
E530011L22Rik
Ebf3
Ebf4
Ece2
Edr2 p36
Efna2
EG328479
EG434280
EG629133
Egfl7
Ehmt1
Eid2
Eif1a
Eif2c4
Eif4e
Eif4e2
Eif4e3
Eif4enif1
Eif4g1
Eif4h
Eif5
Elfn1
Elk3
Elovl2
Emid1
Emzf1
En2
Enah
Endog
Entpd1
Eomes
Epb4.1l1
Epc1
Epcam
Epha10
Epha5
Epha7
Ephb1

Ephx4
Erbp2ip
Erich1
Ero1l
Esrra
Evi5
Evl
Evx1
Evx2
Exoc3l2
Ext1
FAK
Fam102b
Fam108b
Fam108b1
Fam108c
Fam113b
Fam116b
Fam123a
Fam123c
Fam125b
Fam132b
Fam155a
Fam171a1
Fam184a
Fam190a
Fam193b
Fam19a5
Fam20b
Fam20c
Fam49b
Fam59b
Fam69a
Fam69c
Fam73a
Fam73b
Fam78b
Fam81a
Fam83f
Fancf
Fastk
Fbll1

Fbn2
Fbrsl1
Fbxl15
Fbxl17
Fbxl3
Fbxo16
Fbxo30
Fbxo45
Fcho1
Fcho2
Fermt2
Fev
Fgd5
Fgf12
Fgf18
Fgf21
Fgf8
Fgf9
Fign
Fkbp2
Fkbp5
Fkbp7
Fkrp
FLRG
Flt4
Fmnl1
Fndc5
Fntb
Foxa1
Foxb2
Foxd1
Foxd2
Foxd3
Foxe1
Foxe3
Foxi3
Foxj2
Foxk1
Foxl2
Foxl2os
Foxo1
Foxo6

Foxq1
Frat1
Frs3
Fsd2
Fst
Fstl3
Ftl2
Fut1
Fxr2
Fzd10
Fzd6
Fzd8
Fzd9
Gab2
Gabpb1
Gabra5
Gabbr3
Gabrg3
Gak
Gal3st1
Gal3st3
Galnt3
Galnt9
Galr3
Gamt
Gapvd1
Gas2
Gas7
Gata2
Gata6
Gatad2a
Gbx1
Gclm
Gcn1l1
Gdf10
Gdf7
Gfer
Gfi1
Gfra4
Ggh
Gimap1
Gimap5

Gimap6
Gimap7
Git2
Gjc1
Gjd2
Gjd3
Gje1
Gkap1
Glcci1
Gldc
Glis1
Glrb
Gm10638
Gm11190
Gm11529
Gm1332
Gm13375
Gm1553
Gm1568
Gm16837
Gm2694
Gm3230
Gm347
Gm4983
Gm5089
Gm5098
Gm5151
Gm527
Gm5577
Gm6654
Gm7244
Gm757
Gm766
Gm962
Gm98
Gm9962
Gmeb2
Gna11
Gna12
Gnal
Gnao1
Gnaz

Gnb1
Gnb2
Gnb4
Gng13
Gng4
Gng7
Gnl3
Gnptab
Golga7
Golga7b
Gp1bb
Gp5
Gpam
Gpc1
Gpr12
Gpr153
Gpr25
Gpr27
Gpr45
Gpr62
Gpr88
Gps1
Gramd4
Grasp
Grb10
Grb2
Grid1
Grid2
Grin2c
Grin2d
Grip1
Grk6
Grsf1
Grwd1
Gsc
Gsg1l
Gsk3a
Gsr
Gtf2a1
Gxylt2
Gypc
Gzmm

H1fx
H2-Ab1
H2afy
Hand2
Hcn1
Hcn2
Hcn4
Hdac7
Hdgf
Hectd1
Hecw2
Heg1
Hes1
Hes3
Heyl
Higd1b
Hipk1
Hira
Hivep1
Hmg20b
Hmgb2
Hmx1
Hmx3
Homer2
Hook1
Hoxa10
Hoxa4
Hoxa5
Hoxb2
Hoxb3
Hoxb4
Hoxc13
Hoxc9
Hoxd1
Hoxd11
Hoxd12
Hoxd13
Hoxd3
Hoxd8
Hoxd9
Hp1bp3
Hras1

Hrh3
Hrk
Hs6st1
Hs6st3
Htr3a
Htr6
Htr7
Htra4
Hunk
IAN5
lca1l
lgdcc3
lgf2
lgf2as
lgf2bp2
lgf2r
lgfbp2
lgfbp3
lgfbpl1
lgsf3
lhh
lkzf1
lkzf2
lkzf3
ll1e
ll1f6
lldr2
lna
lnca1
lng1
lnhbb
lno80
lno80d
lnpp5a
lnpp5f
lnsm1
lnsm2
lnsrr
lpmk
lpo5
lrak-M
lrak3

Irf5
Irx1
Irx2
Irx4
Isl1
isl1-beta
Itga6
Itga9
Itgb1bp3
Itgb4
Itgb5
Itpka
Itsn1
Izumo1
Jak2
Jakmip3
Jarid2
Jdp2
Jhdm1d
Jmjd1c
JSAP2
Kbtbd13
Kbtbd2
Kcmf1
Kcna1
Kcna2
Kcna3
Kcna7
Kcnc1
Kcnc3
Kcnd2
Kcnd3
Kcne4
Kcng3
Kcnh1
Kcnh2
Kcnh3
Kcnip1
Kcnj12
Kcnj4
Kcnk12
Kcnk3

Kcnk9
Kcnma1
Kcnmb4
Kcnq2
Kcnq3
Kcnq4
Kcnq5
Kcns1
Kcns3
Kcnt1
Kctd1
Kctd12
Kctd2
Kctd21
Kctd6
Kdm1a
Kdm2b
Khdc1a
Khdc1c
Khsrp
Kiaa1432
Kiaa1841
Kif17
Kif1c
Kif27
Kif2a
Kif7
Kifc2
Kirrel2
Kl
Klf14
Klf15
Klf3
Klhl2
Klhl23
Klhl29
Klhl35
Klri1
Kpna3
Kpna4
Kras
Krt4

Krt8
Krtcap3
L3mbtl3
Lad1
Lag3
Lap3
Larp1b
Lats2
Lbx1
Lcor
Ldlrad3
Lefty2
Lemd2
Leprel1
Lgi2
Lhfp14
Lhx2
Lhx8
Lif
Lifr
Limd1
Limd2
Lin28b
Lin9
Lmo1
Lmx1b
LOC100045653
Lpar3
LPCAT4
Lpgat1
Lphn3
Lpin2
Lpxn
Lrfn1
Lrfn5
Lrp12
Lrp3
Lrp5
Lrp6
Lrp8
Lrrc32
Lrrc3b

Lrrc4
Lrrc45
Lrrc47
Lrrc56
Lrrc8b
Lrrc8c
Lrrc8d
Lrrn2
Ltbp4
Ltk
Luc7l3
Luzp1
Ly6h
Lypd6
Lypd6b
Macf1
MacroD2
Mad2l2
Mafa
Mafb
Mafg
Mal2
Maml1
Man1a
Man1a2
Man2a2
Maneal
Manf
Map3k3
Map3k5
Map3k7
Map3k9
Map4k2
Map4k3
Map4k4
Mapk13
Mapk1ip1
Mapk4
Mapk6
Mapk8ip1
Mapkapk2
Mapkapk5

Mapt
MARCH6
MARCH7
MARCH9
Marcks
Mark3
Marveld1
Mast2
Matn2
Matn4
Maz
Mbnl1
Mboat2
Mcm9
Mdga1
Me1
Med12l
Med21
Mef2a
Mex3c
mFLJ00022
Mfsd4
Mfsd6
Mgat3
Mgat4a
Mgat4b
Mgat5b
Mgl
Micall1
Mier1
Mier2
Mif4gd
Mir10a
Mir1247
Mir181c
Mir181d
Mir1895
Mir1901
Mir1956
Mir1967
Mir3081
Mir3091

Mir467f
Mir762
Miz1
mKIAA0003
mKIAA0044
mKIAA0133
mKIAA0137
mKIAA0184
mKIAA0387
mKIAA0428
mKIAA0429
mKIAA0452
mKIAA0558
mKIAA0634
mKIAA0656
mKIAA1055
mKIAA1286
mKIAA1306
mKIAA1560
mKIAA1682
mKIAA1820
mKIAA1841
mKIAA1971
mKIAA1998
mKIAA4187
Mknk2
Mll1
Mll5
Mllt1
Mllt10
Mllt6
mlr2
Mlst8
MMET-1
Mmgt2
Mnk2
Mnx1
Mocs3
Mogs
Mov10
Mpg
Mphosph9

Mpi
Mpp6
Mprp
Mras
Mrpl40
Mrpl53
Ms4a8a
Msi1
Msi2
Mta3
Mtap2
Mtap7
Mtap7d1
Mtmr12
Mtmr7
Mtss1
Mtss1l
Mxi1
Myadml2
Myb
Mylpf
Myo1f
Myo5b
Myo7a
Myoz3
Myrip
Mzt1
N28178
N4bp1
N4bp3
Naa30
Naa50
Nab1
Nacc2
Nanos3
Nat8l
Nav2
Nbea
Nbl1
Ncam2
Nck2
Ncor1

Ncor2
Ncs1
Ndr4
Nefn
Negr1
Nek6
Nek8
Nell2
Neto1
Neto2
Neurabin
Neur1a
Nexn
Nfil3
Nfkb2
Nfkbia
Nfyb
Ngef
Nipa1
Nipal1
Nkain2
Nkd1
Nktr
Nkx2-1
Nkx2-2
Nkx2-2as
Nkx2-3
Nkx2-4
Nkx6-2
Nob1
Nog
Nos1ap
Notum
Nova2
Noxo1
Npas1
Npas2
Npas3
Npb
Npepl1
Npepps
Nphs1

Nphs2
Npnt
Nptxr
Nr2c2
Nr2f1
Nr2f2
Nr2f6
Nr4a2
Nr5a1
Nrarp
Nras
Nrbp1
Nrf1
Nrg2
Nrip1
Nrxn2
Nsf
Nsg1
Nsmaf
nssr 1
Nt5c2
Ntn1
Ntrk1
Nudt14
Nudt4
Nup210
Nup35
O/E-4S
OCT1
Ogfrl1
Olfm1
Olf1093
Olf1357
Olf186
Olf187
Olf212
Olf822
Olig2
Onecut2
Oprd1
Optn
ORF61

Osbp2
Osbp13
Otub1
Otud1
Otud7a
Otx1
Ovol2
Oxr1
P4ha3
Pak2
Pank1
Pank3
Panx1
Panx2
Papd5
Pappa
Paqr9
Pard3b
Pard6b
Parp12
Parp8
Pax1
Pax3
Pbp2
Pbrm1
Pbx1
Pbx3
Pcbp1
Pcbp4
Pcdh8
Pcgf5
Pclo
Pcnx
Pcsk2
Pcsk6
Pdcd7
Pde3b
Pde7a
Pde8a
Pdgfb
Pdgfc
Pdia2

Pdlim4
Pds5a
Pdxp
Pdzk1
Peg12
Peli2
Pex5l
Pex7
Pfn2
Pgp
Phactr2
Phc2
Phf17
Phf3
Phip
Phlpp1
Phox2a
Phox2b
Phtf2
Phyhipl
Pi4k2a
Pias2
Pid1
Pigl
Pik3cb
Pip4k2a
Pitpnm3
Pkdcc
Pkdrej
Pkn1
Pkn3
Pkn3
Pknox2
Pla2g12a
Pla2g2f
Plag1
Plaur
Plcb3
Plcg1
Plcl2
Plekha3
Plekhh1
Plekhn2

Plekho1
Plin
Plin1
Plod1
Plxdc1
Plxna1
Plxna4
Plxnc1
Plxnd1
Pm20d2
Podn
Podxl
Podxl2
Pogk
Pogz
Polr2b
Polr2l
Pomgnt1
Pou2f1
Pou3f1
Pou3f3
Pou4f2
Ppa2
Ppara
Pparg
Ppfia1
Ppm1a
Ppm1h
Ppm1n
Ppp1r13b
Ppp1r14b
Ppp1r9a
Ppp2cb
Ppp2r2c
Ppp2r2d
Ppp2r5c
Ppp4r2
Ppp6r2
Prdm10
Prdm11
Prdm13
Prdm8

Prdm9
Prex1
Prima1
Prkaa1
Prkaa2
Prkar1b
Prkar2a
Prkcb
Prkce
Prkg2
Prkir
Prmt8
Prok2
Prr16
Prr18
Prrc2b
Prune2
Psd
Psme4
Ptar1
Ptbp2
Ptgfrn
Ptk2
Ptms
Ptov1
Ptp4a2
Ptp4a3
Ptpla
Ptpn11
Ptpn21
Ptpn6
Ptprd
Ptprj
Ptprn2
Ptprt
Purg
Pus3
Pvr
Pvr13
Pvk
Pycr1
Pygo1

Qser1
Rab11fip3
Rab11fip4
Rab11fip5
Rab12
Rab15
Rab21
Rab2a
Rab35
Rab3ip
Rac3
Rad1
radical-fringe
Rai1
Ralgapb
Ralgds
Ralgps2
Raly1
Ran
Ranbp17
RANK
Rap1a
Rap2a
Rapgef4
Rasa2
Rasgef1c
Rasgrp2
Rasip1
Ras10b
Raver2
Rb1
Rbfox3
Rbm15b
Rbm24
Rbms1
Rbpjl
Rbpms
Rbpms2
Rcor1
Rcor2
Reep1
Reep3

Reln
Reps1
Rest
Ret
Rev1
Rfng
Rftn1
Rfwd2
Rfx2
Rgnef
Rgs11
Rgs20
Rgs6
Rgs7
Rhbd1
Rhbd13
Rhoa
Rhof
Rhoq
Rhou
Rictor
Rimk1a
Rims1
Rims3
Rims4
Riok2
Rmnd5a
Rnf130
Rnf139
Rnf145
Rnf146
Rnf157
Rnf165
Rnf180
Rnf182
Rnf208
Rnpepl1
Rock2
Rpl3
Rps21
Rps6ka1
Rps6kl1

Rrbp1
Rspo1
Rspo4
Rtbdn
Rtn-1A
Rtn1
Rtn2
Rtn4r
Rufy4
Rundc3b
Runx1t1
Runx3
Ryk
Ryr2
Sall1
Sall3
Samd5
Sap30l
Satb1
Sbk1
Scaf11
Scarf2
Scmh1
Scn10a
Scn1b
Scrib
Sct2
Scube1
Scube2
Scx
Sdc3
Sdk2
Sec24b
Sema3c
Sema6d
Seps1
SEPT3
SEPT5
SEPT9
Sertad4
Sestd1
Set

Setd3
Sez6
Sfmbt1
Sfrp2
Sft2d2
sgigsf
Sgk3
Sgpp1
Sh3gl3
Sh3glb1
Sh3glb2
Sh3pxd2a
Sh3pxd2b
Shank3
Shc2
Shc3
She
Shh
Shisa9
Shoc2
Siah1a
Sik1
Sik3
Sirpa
Sirt1
Six2
Six3
Six3os1
Six6
Skap1
Skil
Skor1
Slc12a2
Slc16a10
Slc16a3
Slc16a6
Slc17a8
Slc1a6
Slc20a2
Slc22a18
Slc23a2
Slc24a2

Sorl1
Sort1
Sos1
Sox1
Sox12
Sox13
Sox2
Sox21
Sox30
Sox7
Sp4
Sp9
Spag9
Spast
Spats2
Spef1
Spen
Spin1
Spire2
Sbnb1
Sbnb3
Sbnb4
Spns2
Sppl3
Spred1
Spry1
Src
Srcin1
Srgap1
Srpk1
Srsf10
Srsf13b
Srsf9
Ssbp3
Ssx2ip
St7
Stac
Stard10
Stat5a
Stat5b
Stil
Stk24

Stk32c
Ston2
Stox2
Stra13
Strbp
Strn4
Stxbp5
Suhw4
Sult4a1
Sumo2
Sumo3
Susd4
Sybu
Syde2
Syn2
Syngr1
Syngr3
Synpo
Synrg
Syp12
Syt10
Syt12
Syt16
Syt7
Syt9
Tac2
Tacc1
Taf5l
Tal1
Taok3
Tarbp1
Tbc1d10b
Tbc1d2b
Tbk1
Tbkbp1
Tbr1
Tbrg3
Tbx1
Tbx2
Tcap
Tceb2
Tcerg1l

Tcf15
Tcf7
Tcfap2e
Tcta
Tctex1d2
Tctn3
Tdrd5
Tead1
Tekt2
Tesc
Tesk1
Tex2
Tfdp1
Tgfa
Tgfbrap1
Thap1
Thoc4
Thoc7
Thpo
Thra
Tlcd1
Tle1
Tle4
Tlk1
Tlk2
Tlx1
Tlx2
Tlx3
Tm7sf3
Tm9sf3
Tmbim4
Tmcc2
Tmed7
Tmem100
Tmem108
Tmem117
Tmem121
Tmem131
Tmem132c
Tmem132d
Tmem151a
Tmem151b

Tmem163
Tmem178
Tmem179
Tmem189
Tmem20
Tmem200b
Tmem30b
Tmem56
Tmem60
Tmem8
Tmf1
Tmod2
Tmpe
Tmtc1
Tmub1
Tnfaip2
Tnfaip6
Tnfrsf11a
Tnpo1
Tns1
Tomm6
Tox
Tox3
Trabd
Traf3
Trafd1
Trak1
Trappc10
Trappc6a
Trhde
Trim3
Trim33
Trim41
Trim44
Trim7
Trnp1
Trp53i13
Trpc1
Trpc3
Trpm1
Tspan4
Tspan5

Tspyl5
Ttbk1
Ttc19
Ttc34
Ttc39a
Ttc9
Tub
Twist1
U46581
Ubash3b
Ubb
Ube2d2b
Ube2d3
Ube2e1
Ube2e2
Ube2e3
Ube2f
Ube2j1
Ube2m
Ube2o
Ube2q2
Ube2t
Ubl3
Ubn2
Ubqln1
Ubr5
Ugcg
Unc45a
Unc5a
Unc5d
Unc80
Urb2
Usp12
Usp13
Usp24
Usp25
Usp3
Usp31
Usp33
Usp35
Usp43
Usp46

Usp48
Utrn
Vangl1
Vav3
Vax1
Vax2
Vax2os1
Vax2os2
Vdu1
Vegfb
Vegfc
vesl-2
Vgll2
Vhl
Vmn1r90
Vps54
Vstm2b
Vstm2l
Wbp1
Wbp7
Wdfy3
Wdr4
Wdr53
Wdr78
Wfdc3
Wfdc5
Whamm
Wnt2b
Wnt5b
Wnt6
Wnt7b
Wnt9a
Wrn
Wsb2
Wscd1
Wt1
Wwp2
Xkr4
Xpo7
Xylt1
Ybx1
Ybx2

Yif1a
Ypel5
Zbed4
Zbtb17
Zbtb32
Zbtb39
Zbtb41
Zbtb42
Zbtb46
Zbtb8a
Zc3h12c
Zc3h14
Zc3h18
Zc3h6
Zdhhc14
Zdhhc18
Zdhhc2
Zdhhc23
Zdhhc8
Zeb1
Zfand6
Zfp148
Zfp161
Zfp280d
Zfp281
Zfp282
Zfp292
Zfp318
Zfp385b
Zfp422
Zfp423
Zfp532
Zfp592
Zfp598
Zfp641
Zfp651
Zfp706
Zfp740
Zfp746
Zfp800
Zfp804a
Zfp839

Zfp91
Zfyve28
Zic2
Zic5
Zmynd11
Zmynd19
Znf280d
Znf512b
Znfx1
Znrf1
Zpbp2
Zswim5
Zswim7
Zzz3

10T

0610010F05Rik
1110006O24Rik
1110059E24Rik
1190002N15Rik
1190005I06Rik
1500012F01Rik
1600002K03Rik
1600014C23Rik
1600021P15Rik
1700010M22Rik
1700019N12Rik
1700109F18Rik
1810041L15Rik
2010300C02Rik
2310002J15Rik
2410004B18Rik
2610017I09Rik
2700081O15Rik
2700086A05Rik
2810459M11Rik
2900092D14Rik
3830408C21Rik
4930488L21Rik
4930539J05Rik
4930588N13Rik
4931429I11Rik
4932435O22Rik
4933403G14Rik
4933406I18Rik
5031439G07Rik
5930412G12Rik
6430704M03Rik
9030409G11Rik
9230105E10Rik
9330171B17Rik
9430021M05Rik
9430083A17Rik
A030009H04Rik
A230083G16Rik
A530013C23Rik
A930007I19Rik
AA415398
Aard
Accn1
Actr2
Acvr1b
Acvr2a
Acvr2b

Adam11
Adamts20
Adap1
Adcy2
Adcy5
Adra2a
Adra2c
Adrb1
Adrbk2
Aes
Aff3
Agap1
Agpat3
AI314180
AI314831
AI316807
Aig1
Ajap1
AK003136
AK005214
AK005503
AK006001
AK007571
AK009335
AK010870
AK011568
AK013046
AK014224
AK015004
AK015492
AK016097
AK016591
AK016772
AK016788
AK017177
AK017779
AK017924
AK019375
AK019514
AK019838
AK021004
AK029023
AK029443
AK031498
AK033147
AK035754
AK035982
AK036329
AK037260

AK038079
AK039014
AK039268
AK039284
AK039417
AK039608
AK039882
AK040320
AK041531
AK043505
AK043607
AK044036
AK045070
AK046216
AK047558
AK048292
AK051417
AK053193
AK075633
AK076706
AK079280
AK079802
AK080278
AK080292
AK080648
AK081136
AK081497
AK083606
AK084517
AK085371
AK085522
AK131739
AK132723
AK133391
AK133446
AK135560
AK135691
AK140072
AK140446
AK142074
AK142386
AK144823
AK145301
AK146255
AK147796
AK148461
AK149188
AK155239
AK158619

AK159003
AK159035
AK161590
AK162774
AK163532
AK163592
AK166060
AK190497
AK191498
AK197782
AK211336
Ak5
Akd2
Aktip
Aldh1a2
Alg8
Amfr
Amigo1
Amigo2
Anapc11
Ank
Ankk1
Ankmy1
Ankrd13b
Ankrd42
Ankrd52
Anp32b
Apba2
ApoH
Aqp5
Arap2
Arglu1
Arhgap20
Arhgap21
Arhgap23
Arhgdia
Arhgdig
Arhgef10l
Arhgef11
Arid4a
Arl8a
Arntl
asp3
Aspax1
Asphd2
Astin2
Asxl1
Atf1
Atl2

Atrmin
Atn1
Atoh7
Atp1a3
Atp2a2
Atp5h
Atp6v0b
Atxn7
AW555464
B230339M05Rik
B3gat1
B830017H08Rik
B930041F14Rik
Bach2
Bai3
Banp
Barhl2
Barx1
Bbip1
BC021891
BC027696
BC029726
BC035532
BC046404
BC053974
BC056189
BC060302
BC062820
BC070425
BC099561
Bcap29
Bcl10
Bcl2
Bcl7c
Bcng-1
Bcr
Bend4
Bend6
Bend7
Bfsp1
Blvrb
bmal1b
Bmp2
Bmp2k
Bmp6
Bnc1
Boc
Boll
Bpag1

Brix1
Brsk2
Btbd1
Btbd7
Btg3
Bves
Bzw1
C030046E11Rik
C1galt1
C1ql1
C1qtnf4
C2cd4b
C530028O21Rik
Cables2
Cabp7
Cacna2d3
Cacng4
Cadm1
Cadm2
Cadps
Cadps2
Camk2b
Camk2n1
cAMP-GEFII
Camsap1
Camta1
Camta2
Capn9
Car15
Car5a
Card10
Cars2
Caskin1
Cbx2
Cbx7
Ccdc126
Ccdc3
Ccdc6
Ccne2
Ccno
Ccnyl1
Ccr10
Cd2ap
Cd2bp2
Cd44
Cdc34
Cdc42bpa
Cdc42bpb
Cdc42ep1

Cdc73
Cdcrel-1
Cdh22
Cdh4
Cdk14
Cdk2ap1
Cdk5r1
Cdk5r2
Cdk8
Cds1
Cdv3
Cdx1
Cdy1
Cebpa
Celf2
Celf4
Celsr1
Chad
Chchd7
Chd1
Chd3
Chd5
Chic2
Chmp2a
Chn1
Chpt1
Chrna7
Chst2
Ckap4
Cldn9
Clip4
Clstn1
Clstn2
Cnn2
Cnnm1
Cnnm3
Cnnm4
Cnot6l
Cnr1
Cntnap1
Cobl
Col23a1
Coro2a
Crhbp
Crls1
Crtac1
Cryz1
Csad
Csda

Csnk1e
Csnk1g2
Csnk1g3
Cspg5
Csrnp3
Ctbp1
Ctdspl
Ctf1
Ctf2
Ctnnb1
Ctnnd2
Ctsh
Cuedc1
Cyhr1
Cyp2c44
Cyp4f14
D17Wsu92e
D430050G20
DAPK2
Dazl
Dcbl2
Dchs1
Dcun1d1
Dennd5a
Dicer1
Dio3
Dio3os
Dip2c
Dlgap1
Dlgap2
Dlgap3
Dlx6
Dlx6as
Dlx6os1
Dmrta2
Dmwd
Dmxl2
Dnaja2
Dnajc21
Dncic2
Dnttip1
Doc2b
Dock5
Dph2
DQ544838
DQ558014
DQ695223
DQ700977
DQ718008

DQ726379
Drd2
Dscam
Dtnb
Dtnbp1
Dusp28
Dusp7
Dusp8
Dvl1
Dync1i2
E130018O15Rik
E130203B14Rik
E530011L22Rik
Ebf3
Ebf4
Edr2 p36
Efna2
EG629133
Egfem1
Eid2
Eif2c4
Eif4e
Eif4e2
Eif4enif1
Eif4g1
Eif4h
Eif5
Elfn1
Elk3
Elovl2
Emzf1
En2
Epb4.1l1
Epc1
Epha5
Erbb2ip
Esrra
Evi5
Evl
Evx1
Evx2
Ext1
FAK
Fam102b
Fam108b
Fam108b1
Fam108c
Fam113b
Fam125b

Fam184a
Fam190a
Fam193b
Fam19a5
Fam20b
Fam49b
Fam69a
Fam73a
Fam73b
Fam78b
Fam83f
Fancf
Fastk
Fbl1
Fbrsl1
Fbxl15
Fbxl17
Fbxl3
Fbxo45
Fcho2
Fchsd2
Fermt2
Fgf12
Fgf8
Fign
Fkbp2
Fkbp5
Fkbp7
Fmn1
Fndc5
Foxa1
Foxd1
Foxd3
Foxe1
Foxj3
Foxk1
Foxl2os
Fsd2
Fzd10
Fzd6
Gab2
Gabra5
Gabbr3
Gak
Gal3st1
Gal3st3
Gas2
Gata2
Gata6

Gatad2a
Gbx1
Gdf7
Gfer
Gfi1
Gfra4
Ggh
Gimap1
Gimap5
Gimap6
Gimap7
Glcci1
Glis1
Gm10638
Gm13375
Gm347
Gm4983
Gm5098
Gm527
Gm5577
Gm757
Gmeb2
Gna12
Gnao1
Gng13
Gnl3
Gp1bb
Gp5
Gpc1
Gpr115
Gpr12
Gpr153
Gpr27
Gpr45
Gpr62
Gprc5a
Gps1
Gramd4
Grasp
Grb10
Grb2
Grid1
Grid2
Grin2c
Grin2d
Grip1
Grk6
Grsf1
Grwd1

Gsk3a
Gstz1
Gypc
Gzmm
H1fx
H60b
Hand2
Hcn1
Hcn2
Hdgf
Hes1
Heyl
Higd1b
Hipk1
Hira
Hist2h3c1
Hivep1
Hmgb2
Hmx1
Homer2
Hook1
Hoxa4
Hoxd11
Hoxd12
Hoxd13
Hoxd3
Hoxd8
Hoxd9
Hp1bp3
Hras1
Hrk
Hs6st1
Hspa12b
Htr7
Htra4
IAN5
Ica1l
Igf2
Igf2as
Igf2bp2
Igf2r
Igfbp3
Ikzf1
Ildr2
Ina
Inca1
Inhbb
Ino80
Ino80d

Insrr
Ipo5
Irf5
Irx2
Irx4
Itga9
Itgb5
Itsn1
Jak2
Jdp2
Jhdm1d
Jmjd1c
JSAP2
Kbtbd13
Kbtbd2
Kcna2
Kcnd2
Kcne4
Kcng3
Kcnh2
Kcnh3
Kcnk3
Kcnk9
Kcnmb4
Kcnq2
Kcnq4
Kcnq5
Kcns1
Kctd2
Kctd21
Kctd6
Kdm2b
Khdc1a
Khdc1c
Khsrp
Kiaa1432
Kiaa1841
Kif1c
Kif27
Kif2a
Kifc2
Klf14
Klf15
Klhl2
Klhl22
Klhl23
Klhl35
Kpna3
Kras

Krcc1
Krt8
Lag3
Lap3
Larp1b
Lbx1
Lcor
Lemd2
Leprel1
Lgi2
Lhx8
Lifr
Limd1
Limd2
Lin28b
Lmo1
Lmo3
Lmx1b
Lpgat1
Lrp12
Lrp3
Lrp5
Lrp8
Lrrc32
Lrrc3b
Lrrc4
Lrrc43
Lrrc56
Lrrc8b
Lrrc8c
Ltbp4
Ltk
Luzp1
Lypd6b
Macf1
Macro2
Mafg
Mal2
Maml1
Man1a2
Man2a2
Man2c1
Maneal
Manf
Map3k9
Map4k2
Map4k3
Mapk13
Mapk1ip1

Mapk4
Mapk8ip1
Mapkapk5
Marcks
Marveld1
Matn4
Maz
Me1
Mecom
Med21
Mex3c
mFLJ00022
Mfsd9
Mgat3
Mgat4a
Mgat4b
Mgl1
Micall1
Mier2
Mif4gd
Mir1247
Mir181c
Mir181d
Mir1956
Mir3081
Mir762
mKIAA0044
mKIAA0133
mKIAA0137
mKIAA0210
mKIAA0452
mKIAA0634
mKIAA0769
mKIAA1306
mKIAA1682
mKIAA1841
mKIAA1994
Mknk2
mlr2
MMET-1
Mmgt2
Mnk2
Mogs
Mphosph9
Mpp6
Mprp
Mrpl40
Mrpl53
Ms4a8a

Msi1
Mta1
Mta3
Mtap7
Mtap7d1
Mtmr12
Mtss1l
Mxi1
Myb
Myh2
Myh8
Mylpf
Myo5b
Myrip
N28178
Naa30
Nacc2
Nanos3
Nat8l
Nbea
Ncam2
Nck2
Ncor2
Ncs1
Neil1
Nek6
Neto2
Neurabin
Nfil3
Nfkb2
Nfyb
Ninj1
Nipa1
Nkain2
Nkd1
Nkx2-1
Nkx2-2
Nkx2-2as
Nkx2-4
Nkx6-2
Nob1
Noxo1
Npas2
Npb
Npepl1
Npepps
Npnt
Nr2f1
Nr2f2

Nr2f6
Nr4a2
Nr5a1
Nras
Nrbp1
Nrg2
Nrg3
Nrip1
Nrsn2
Nsf
Nsmaf
nssr 1
Nt5c2
Ntrk1
Nudt14
O/E-4S
Odf4
Ogfrl1
Olfm1
Olf1305
Olf1513
Olf212
Olf214
Olf215
Onecut2
oppo 1
ORF61
Osbp13
Otud7a
Otx1
P2ry1
Papd5
Pappa
Paqr9
Pax1
Pbrm1
Pbx1
Pbx3
Pcbp1
Pcbp4
Pcdha1
Pcnx
Pcsk2
Pcsk6
Pde3b
Pde7a
Pde8a
Pdgfb
Pdia2

Pds5a
Pdxp
Peg12
Pex5l
Phc2
Phf13
Phf17
Phlpp1
Phox2b
Phtf2
Pik3cb
Pitpnm3
Pkdcc
Pkn1
Pknx2
Plag1
Plcb3
Plcl2
Plekha3
Plekhm2
Plekho1
Plxdc1
Plxna1
Plxnc1
Plxnd1
Podxl2
Pomgnt1
Pomt2
Poteg
Pou3f1
Pou3f3
Ppfia1
Ppp1r13b
Ppp1r14b
Ppp1r9a
Ppp2cb
Ppp2r2c
Ppp2r2d
Ppp2r5c
Ppp6r2
Prdm10
Prdm11
Prdm13
Prdm8
Prima1
Prkaa1
Prkar1b
Prkar2a
Prkcb

Prkce
Prkg2
Prmt8
Prr16
Prrc2b
Prss42
Prune2
Psd
Psme4
Ptgfrn
Ptk2
Ptms
Ptp4a2
Ptp4a3
Ptprd
Ptprt
Purg
Pvr
Pvr13
Pvk
Pycr1
Pygo1
Qser1
Rab11fip4
Rab11fip5
Rab12
Rab15
Rab21
Rab35
Rab3ip
Rac3
Rad1
radical-fringe
Raet1a
Raet1e
Ralgapb
Ralgps2
Raly1
RANK
Rap2a
Rapgef4
Rasa2
Rasgef1c
Rasgrp2
Rasip1
Ras10b
Rb1
Rbm15b
Rbm24

Rbms1
Rbp3
Rbpjl
Rbpms2
Reep3
Reln
Reps1
Rest
Rev1
Rfng
Rgs11
Rhou
Rimkla
Rims1
Rims4
Riok2
Rmnd5a
Rnf130
Rnf139
Rnf145
Rnf146
Rnf157
Rnf165
Rnf180
Rnf208
Rnf6
Rnpepl1
Rock2
Rrbp1
Rsad1
Rtn-1A
Rtn1
Rtn4r
Rufy4
Runx1t1
Runx3
Ryk
Ryr2
Sall3
Samd5
Satb1
Sbk1
Scmh1
Scn10a
Scrib
Sdk2
SEPT3
SEPT5
Serpib1b

Sertad4
Sestd1
Sfmbt1
sgigsf
Shc3
Shoc2
Siah1a
Sik1
Sirpa
Sirt1
Six2
Six3
Six3os1
Skor1
Slc20a2
Slc23a2
Slc24a3
Slc26a4
Slc30a4
Slc35d1
Slc35e1
Slc44a1
Slc6a11
Slc6a4
Slc9a2
Slit3
Slk
Smad4
Smap1
Smarcc2
Smc5
Smurf1
Smyd1
Sncaip
Snora28
Snord12
Snrk
Snx24
Snx9
Sorl1
Sort1
Sos1
Sox1
Sox12
Sox2
Sox30
Spag9
Spast
Spats2

Spef1
Spen
Spin1
Sbnb3
Sbnb4
Spns2
Sppl3
Spred1
Src
Srgap1
Srsf10
Srxn1
Ssbp3
Stk24
Strbp
Stxbp5
Suhw4
Sumo2
Susd4
Synrg
Syt10
Syt16
Syt7
Syt9
Tacc1
Taf5l
Tbc1d10b
Tbc1d5
Tbk1
Tbkbp1
Tbr1
Tbrg3
Tbx2
Tcap
Tceb2
Tcerg1l
Tcf7
Tcfap2e
Tctex1d2
Tdrd3
Tdrd5
Tead1
Tesk1
Tfdp1
Tgfbrap1
Thap1
Thoc4
Thoc7
Thpo

Tle1
Tle4
Tlk1
Tm7sf3
Tmcc2
Tmem100
Tmem117
Tmem121
Tmem132c
Tmem132d
Tmem151a
Tmem189
Tmem20
Tmem200b
Tmem60
Tmtc1
Tmub1
Tnfaip6
Tnfrsf11a
Tnp01
Tns1
Tox3
Trabd
Traf3
Trappc10
Trim41
Trim44
Trim7
Trmt12
Trpc3
Tsc22d1
Tspan5
Ttbk1
Ttc33
Ttc34
Ttc39a
Tub
Ube2d2b
Ube2d3
Ube2e1
Ube2e2
Ube2e3
Ube2m
Ubl3
Ubn2
Ubqln1
Ubr5
Ubxn11
Ugcg

Unc5a
Unc5d
Usp12
Usp24
Usp3
Usp31
Usp33
Usp35
Usp46
Usp48
Vax1
Vdu1
Vegfc
vesl-2
Vmn1r90
Vps54
Vstm2b
Vstm2l
Wbp1
Wdfy3
Wdr53
Wfdc3
Wnt5b
Wnt7b
Wnt9a
Wrn
Wsb2
Wscd1
Wt1
Wwp2
Xkr4
Xpo7
Xylt1
Ybx1
Ybx2
Yif1a
Ypel5
Zbed4
Zbtb17
Zbtb39
Zbtb46
Zbtb8a
Zc3h12c
Zc3h18
Zc3h6
Zdhhc18
Zdhhc23
Zeb1
Zfp161

Zfp280d
Zfp281
Zfp282
Zfp318
Zfp385b
Zfp407
Zfp532
Zfp592
Zfp598
Zfp651
Zfp740
Zfp746
Zfp804a
Zic5
Zmynd11
Zmynd19
Znf280d
Znf512b
Znfx1
Zswim5
Zzz3

iMF1

0610010F05Rik
1110006O24Rik
1110059E24Rik
1190002N15Rik
1500012F01Rik
1600002K03Rik
1600021P15Rik
1700010M22Rik
1700019N12Rik
1700034H15Rik
1700109F18Rik
1810041L15Rik
2010300C02Rik
2310002J15Rik
2410004B18Rik
2610017I09Rik
2610507B11Rik
2700081O15Rik
2700086A05Rik
2900092D14Rik
3830408C21Rik
4833424O15Rik
4930426L09Rik
4930488L21Rik
4930539J05Rik
4931429I11Rik
4933406I18Rik
5031439G07Rik
5930412G12Rik
6430704M03Rik
9030409G11Rik
9330171B17Rik
9330182L06Rik
9430021M05Rik
9430083A17Rik
9930021D14Rik
A030009H04Rik
A230083G16Rik
A730018C14Rik
A930007I19Rik
AA415398
AA960436
Aard
Abcb4
Accn1
Actr2
Acvr1b
Acvr2a

Acvr2b
Adamts20
Adap1
Adcy2
Adcy5
Adra1b
Adra2a
Adra2c
Adrb1
Adrbk2
Adss
Aff3
Agap1
Agpat3
AI314831
AI316807
AI504432
Aig1
Ajap1
AK005214
AK005503
AK006001
AK007174
AK007571
AK007998
AK009335
AK010870
AK011568
AK011684
AK013046
AK014224
AK015004
AK015492
AK016097
AK016591
AK016734
AK016788
AK017177
AK017779
AK017924
AK018929
AK019514
AK019838
AK031498
AK031561
AK035754
AK035982
AK036329
AK037260

AK038079
AK039014
AK039268
AK039417
AK039608
AK039882
AK040320
AK041531
AK043607
AK044036
AK045070
AK046216
AK047558
AK047727
AK048292
AK052909
AK053193
AK075633
AK076706
AK079280
AK080278
AK080292
AK080648
AK081136
AK081497
AK084517
AK085371
AK085522
AK131739
AK132723
AK133391
AK134673
AK135560
AK135691
AK138755
AK140072
AK140446
AK142074
AK142386
AK144823
AK145301
AK147796
AK148461
AK149188
AK154406
AK158619
AK159003
AK161590
AK162519

AK162774
AK162942
AK163103
AK163532
AK163592
AK166060
AK190497
AK191498
AK197782
AK211336
AK216824
Ak5
Akap7
Akd2
Aktip
Aldh1a2
Amd2
Amfr
Amigo1
Amigo2
Anapc11
Ank
Ankrd13b
Ankrd29
Ankrd34b
Ankrd40
Ankrd52
Anp32b
Ap3s1
Apba2
Aplp1
Aqp5
Arap2
Arglu1
Arhgap20
Arhgap21
Arhgap23
Arhgdia
Arhgdib
Arhgdig
Arhgef10l
Arhgef11
Arhgef16
Arid4a
Arih1
Arl8a
asp3
Aspax1
Asphd2

Astn2
Asxl1
Atf1
Atg12
Atl2
Atn1
Atoh7
Atp10b
Atp5h
Atxn7
AW555464
Axin1
B230339M05Rik
B3gat1
B830017H08Rik
B930041F14Rik
Bach2
Bahd1
Bai3
Banp
Barhl2
Barx1
Bbip1
BC021891
BC027696
BC029726
BC035532
BC046404
BC053974
BC056189
BC060302
BC062820
BC070425
BC099561
Bcap29
Bcl10
Bcl2
Bcng-1
Bcr
Bend4
Bend6
Bend7
Bfsp1
Blvrb
Bmp2
Bmp2k
Bnc1
Boll
Bpag1

Brd3
Brix1
Brpf3
Brsk2
Btd7
Btg3
Bves
Bzw1
C030046E11Rik
C130074G19Rik
C1galt1
C1ql1
C1qtnf4
C2cd4b
Cables2
Cabp7
Cacna1b
Cacna1c
Cacna2d3
Cacng4
Cadm1
Cadps
Cadps2
Calm2
cAMP-GEFII
Camsap1
Car15
Car5a
Casd1
Caskin1
Cbx2
Ccdc3
Ccdc6
Ccne2
Ccny1
Cdc34
Cdc42bpa
Cdc42bpb
Cdc42ep1
Cdc73
Cdcrel-1
Cdh4
Cdk14
Cdk2ap1
Cdk5r1
Cdk5r2
Cdk8
Cds1
Cdv3

Cdx1
Cdyl
Cecr2
Celf2
Celf4
Celsr1
Cenpb
Chad
Chchd7
Chd3
Chd5
Chic2
Chmp2a
Chn1
Chpt1
Chrm3
Chrm5
Chrna7
Chst2
Ckap4
Cldn15
Clip4
Clstn1
Clstn2
Cnga1
Cnn2
Cnnm1
Cnnm3
Cnnm4
Cnr1
Cntfr
Cobl
Col23a1
Coro2a
Crls1
Crmp1
Crtac1
Cryzl1
Csad
Csa
Csnk1e
Csnk1g2
Csnk1g3
Cspg5
Cst9
Ctbp1
Ctnnb1
Ctnnd2
Cuedc1

Cyhr1
D17Wsu92e
D430050G20
Dapk1
Dazl
Dcblid2
Dchs1
Dcun1d1
Dennd1b
Dennd2a
Dennd5a
Dgkh
Dicer1
Dio3
Dio3os
Dip2a
Dlgap1
Dlgap3
Dmrt3
Dmwd
Dmxl2
Dnaja2
Dnajc21
Dnttip1
Doc2b
Dock3
Dock5
DQ544838
DQ558014
DQ695223
DQ700977
DQ718008
DQ720997
DQ726379
Drd2
Dscam
Dtnb
Dtnbp1
Dusp28
Dusp7
Dusp8
Dvl1
E130018O15Rik
E130203B14Rik
Ebf3
Ebf4
Edr2 p36
Efna2
EG629133

Eid2
Eif2c4
Eif4e
Eif4e2
Eif4enif1
Eif4g1
Eif4h
Eif5a2
Elf5
Elfn1
Elk3
Elov12
Emzf1
En2
Epb4.111
Epc1
Epha5
Eps8
Erb2ip
Esrra
Evi5
Evl
Evx1
Evx2
Exoc3l2
Ext1
FAK
Fam102b
Fam108b
Fam108b1
Fam108c
Fam113b
Fam125b
Fam155a
Fam168b
Fam184a
Fam190a
Fam19a5
Fam49b
Fam69a
Fam69c
Fam73b
Fam78b
Fancf
Fastk
Fbl1
Fbn2
Fbrs1
Fbxl15

Fbxl17
Fbxl3
Fbxo16
Fcho2
Fchsd2
Fermt2
Fgd5
Fgf12
Fgf8
Fign
Fis1
Fkbp5
Fkbp7
Fndc5
Foxa1
Foxd1
Foxe1
Foxi3
Foxj3
Foxk1
Foxl2
Foxl2os
Fsd2
Fzd10
Fzd3
Fzd9
Gab2
Gabra5
Gabbr3
Gal3st1
Galnt3
Gas2
Gatad2a
Gbx1
Gclm
Gcn111
Gdf7
Gfer
Gfra4
Gjc1
Gkap1
Glcci1
Glis1
Gm10638
Gm13375
Gm347
Gm4983
Gm527
Gm5577

Gm757
Gm98
Gmeb2
Gna12
Gnao1
Gnaq
Gnas
Gnl3
Gp1bb
Gpc1
Gpr12
Gpr27
Gpr45
Gpr62
Gps1
Gramd4
Grasp
Grb10
Grid1
Grid2
Grip1
Grk6
Grsf1
Grwd1
Gsg1l
Gzmm
H1fx
H60b
Hand2
Hcn1
Hcn2
Hdgf
Hes1
Higd1b
Hip1r
Hipk1
Hipk3
Hira
Hivep1
Hmgb2
Hmx1
Homer2
Hook1
Hoxa4
Hoxa5
Hoxd1
Hoxd10
Hoxd11
Hoxd12

Hoxd13
Hoxd3
Hoxd4
Hoxd8
Hoxd9
Hp1bp3
Hras1
Hrk
Hs6st1
Htr7
Hunk
Ica1l
Ifngr1
Igdcc3
Igf2
Igf2as
Igf2bp2
Igf2r
Igfbp3
Igsf11
Ikzf1
Ikzf2
Ikzf3
Ildr2
Ina
Ing1
Inhbb
Ino80d
Inpp5f
Insm1
Ipo5
Irak-M
Irak3
Irs2
Irx2
Irx4
Itga9
Itgb5
Itsn1
Jak2
Jdp2
Jhdm1d
JSAP2
Kbtbd2
Kcna1
Kcna2
Kcna3
Kcnd2
Kcnd3

Kcng3
Kcnh2
Kcnip1
Kcnk12
Kcnk3
Kcnk9
Kcnmb4
Kcnq2
Kcnq3
Kcnq4
Kcnq5
Kcns1
Kctd2
Kctd21
Kctd6
Kdm2b
Khsrp
Kiaa1432
Kiaa1841
Kif17
Kif27
Kif2a
Kifc2
Kirrel2
Klf14
Klf15
Klhl2
Klhl22
Klhl23
Klhl35
Kpna3
Kras
Krtcap3
L3mbtl
Lag3
Larp1b
Lcor
Lemd2
Lgi2
Lhx8
Lifr
Limd1
Limd2
Lin28b
Lmo1
Lmx1b
Lpgat1
Lrp12
Lrp3

Lrp6
Lrp8
Lrrc3b
Lrrc4
Lrrc56
Lrrc8b
Lrrc8c
Lrrc8d
Ltbp4
Luc7l3
Luzp1
Lypd6b
Macrod2
Maf
Mafb
Mafg
Mal2
Maml1
Man1a
Man1a2
Man2a2
Maneal
Manf
Map3k5
Map3k9
Map4k3
Mapk13
Mapk1ip1
Mapk4
Mapk8ip1
Mapkapk5
Marcks
Marveld1
Matn4
Mbd2
Me1
Med12l
Med21
Mex3c
mFLJ00022
Mga
Mgat3
Mgat4a
Mgat4b
Mier2
Mif4gd
Mir1247
Mir181c
Mir181d

Mir1956
Mir1967
mKIAA0044
mKIAA0133
mKIAA0137
mKIAA0184
mKIAA0452
mKIAA0634
mKIAA0769
mKIAA1286
mKIAA1306
mKIAA1629
mKIAA1841
mKIAA1971
Mll1
mlr2
Mlst8
MMET-1
Mmgt2
Mogs
Mpp6
Mprp
Mrpl40
Mrpl53
Ms4a8a
Msi1
Mta3
Mtap2
Mtap7
Mtap7d1
Mtss1l
Myadml2
Myb
Mylpf
Myo5b
Myo7a
Myrip
N28178
Naa30
Nacc2
Nanos3
Nat8l
Nbea
Ncam2
Nck2
Ncor2
Ncs1
Nek6
Nell2

Neto1
Neto2
Neurabin
Neur11a
Nfil3
Nfyb
Nhlh1
Ninj1
Nipa1
Nipal1
Nkain2
Nkd1
Nkx2-1
Nkx2-4
Nob1
Noxo1
Npas1
Npas2
Npb
Npepl1
Npepps
Nphs2
Npnt
Nr2c2
Nr2f1
Nr2f2
Nr2f6
Nr4a2
Nr5a1
Nras
Nrbp1
Nrf1
Nrg2
Nrg3
Nsmaf
Nt5c2
Nup35
O/E-4S
Ogfr1
Olfm1
Olf822
Olig2
Onecut2
ORF61
Otud7a
Otx1
Panx2
Papd5
Pappa

Paqr9
Pard6b
Pax1
Pbrm1
Pbx1
Pbx3
Pcbp1
Pcbp4
Pcdha1
Pcsk2
Pcsk6
Pde3b
Pde7a
Pde8a
Pdgfc
Pdgrb
Pdia2
Pds5a
Pdxp
Peg12
Pex5l
Pex7
Pgp
Phc1
Phc2
Phf17
Phlpp1
Phox2b
Phtf2
Pik3cb
Pip4k2a
Pitpnm3
Pkdcc
Pkdrej
Plag1
Plcb3
Plcl2
Plekha3
Plekhm2
Plekho1
Plin
Plin1
Plxna1
Plxnc1
Plxnd1
Podxl2
Pogk
Pogz
Pou3f1

Pou3f3
Pparg
Ppfia1
Ppp1r14b
Ppp1r9a
Ppp2cb
Ppp2r2c
Ppp2r2d
Ppp2r5c
Ppp6r2
Prdm10
Prdm11
Prdm13
Prima1
Prkaa1
Prkar1b
Prkar2a
Prkcb
Prkce
Prkrir
Prmt8
Prr16
Prrc2b
Prss41
Psd
Psme4
Ptgfrn
Ptk2
Ptms
Ptp4a2
Ptp4a3
Ptpn6
Ptpn7
Ptprd
Ptprt
Purg
Pvrl3
Pvk
Pycr1
Pygo1
Qser1
Rab11fip4
Rab11fip5
Rab12
Rab15
Rab21
Rab35
Rab3ip
Rad1

radical-fringe

Raet1a

Raet1e

Ralgapb

Ralgps2

Raly1

RANK

Rap2a

Rapgef4

Rasa2

Rasgef1c

Rasgrp2

Rasl10b

Rb1

Rbm15b

Rbm24

Rbms1

Rbp3

Rbpjl

Rbpms

Rbpms2

Rcor1

Reep1

Reln

Reps1

Rev1

Rfng

Rfwd2

Rgs11

Rhou

Rictor

Rimk1a

Rims1

Rims2

Rims4

Riok2

Rmnd5a

Rnf130

Rnf139

Rnf146

Rnf157

Rnf165

Rnf180

Rnf208

Rnpepl1

Rock2

Rrbp1

Rspo1

Rtn-1A

Rtn1
Rtn4r
Runx3
Ryk
Ryr2
Sall1
Sall3
Samd5
Sap30l
Satb1
Sbk1
Scmh1
Scn10a
Scrib
Sdk2
SEPT3
SEPT5
Sertad4
Sestd1
Set
sgigsf
Sh3gl3
Sh3glb2
Shank3
Shc3
Shisa9
Shoc2
Siah1a
Sik1
Sirpa
Sirt1
Six2
Six3
Six3os1
Skor1
Slc12a2
Slc20a2
Slc23a2
Slc25a41
Slc30a1
Slc30a4
Slc35d1
Slc35e1
Slc44a1
Slc6a11
Slk
Smad2
Smad4
Smad5

Smad1
Smadcc2
Smurf1
Sncap
Snord12
Snrk
Snx24
Snx9
Sorcs1
Sorl1
Sort1
Sos1
Sox1
Sox12
Sox2
Sox21
Sox30
Spag9
Spast
Spats2
Spef1
Spin1
Sspb3
Sspb4
Spns2
Sppl3
Spred1
Spry1
Src
Srsf6
Stk24
Strbp
Stxbp5
Suhw4
Sumo2
Susd4
Syde2
Synrg
Syt10
Syt16
Syt7
Syt9
Tac2
Tacc1
Taf5l
Tbc1d10b
Tbk1
Tbkbp1
Tbr1

Tbrg3
Tbx2
Tcap
Tceb2
Tcerg1l
Tcf4
Tcf7
Tcfap2e
Tdrd5
Tead1
Tesk1
Tfdp1
Tgfbrap1
Thap1
Thoc4
Thoc7
Tle1
Tle4
Tlk1
Tm7sf3
Tmbim4
Tmcc2
Tmem117
Tmem121
Tmem132c
Tmem132d
Tmem151a
Tmem189
Tmem20
Tmem200b
Tmem60
Tmtc1
Tmub1
Tnfrsf11a
Tnp01
Tox3
Trabd
Traf3
Trappc10
Trim41
Trim44
Trim7
Trmt12
Trpc3
Tspan5
Ttbk1
Ttc34
Ttc39a
Tub

Txndc2
Ube2d2b
Ube2d3
Ube2e1
Ube2e2
Ube2e3
Ube2m
Ubl3
Ubn2
Ubqln1
Ubr5
Ugcg
Unc5a
Unc5d
Unc80
Urb2
Usp12
Usp24
Usp3
Usp31
Usp35
Usp46
Vegfc
vesl-2
Vmn1r188
Vmn1r90
Vstm2b
Vstm2l
Wasf3
Wdfy3
Wfdc3
Whamm
Wnt5b
Wnt7b
Wnt9a
Wrn
Wscd1
Wt1
Wwp2
Xkr4
YAF2
Ybx1
Ybx2
Yif1a
Ypel5
Zbed4
Zbtb17
Zbtb39
Zbtb46

Zbtb8a
Zc3h12c
Zc3h18
Zc3h6
Zdhhc18
Zdhhc23
Zeb1
Zfp161
Zfp280d
Zfp281
Zfp282
Zfp318
Zfp319
Zfp365
Zfp385b
Zfp407
Zfp422
Zfp423
Zfp532
Zfp592
Zfp598
Zfp740
Zfp746
Zfp804a
Zic2
Zic5
Zmynd19
Znf280d
Znf512b
Znfx1
Zswim5
Zzz3

iMF2

0610010F05Rik
1110006O24Rik
1110059E24Rik
1500012F01Rik
1600002K03Rik
1600014C23Rik
1600021P15Rik
1700019N12Rik
1700109F18Rik
1810041L15Rik
2010300C02Rik
2410004B18Rik
2610017I09Rik
2700081O15Rik
2900092D14Rik
3830408C21Rik
4921515J06Rik
4930488L21Rik
4930539J05Rik
5031439G07Rik
5930412G12Rik
9330171B17Rik
9430021M05Rik
9430083A17Rik
9930021D14Rik
A030009H04Rik
A230083G16Rik
A730018C14Rik
AA415398
AA960436
Aard
Accn1
Acvr1b
Acvr2a
Acvr2b
Adamts20
Adap1
Adcy2
Adcy5
Adra1b
Adra2c
Adrb1
Adrbk2
Aff3
Agap1
Agpat3
AI316807
Aig1

Ajap1

AK005214

AK005503

AK006001

AK007571

AK007998

AK009335

AK010870

AK011568

AK013046

AK014224

AK015004

AK015492

AK016097

AK016591

AK016734

AK016788

AK017177

AK017779

AK019514

AK019838

AK031498

AK035754

AK035982

AK037260

AK038079

AK039014

AK039268

AK039417

AK039608

AK040320

AK041531

AK043607

AK045070

AK047558

AK048292

AK052909

AK053193

AK075633

AK076706

AK080278

AK080292

AK081497

AK084517

AK085371

AK085522

AK132723

AK133391

AK135560

AK140072
AK142074
AK144823
AK145301
AK147796
AK148461
AK149188
AK158619
AK161590
AK162774
AK162942
AK163103
AK163532
AK166060
AK190497
AK191498
AK197782
AK211336
AK216824
Ak5
Akap7
Akd2
Aktip
Aldh1a2
Amfr
Amigo1
Amigo2
Anapc11
Ank
Ankmy1
Ankrd13b
Ankrd40
Ankrd52
Anp32b
Apba2
Aqp5
Arap2
Arglu1
Arhgap20
Arhgap21
Arhgap23
Arhgdia
Arhgdib
Arhgdig
Arhgef10l
Arhgef11
Arhgef16
Arid4a
Arl8a

asp3
Aspax1
Asphd2
Asth2
Asxl1
Atf1
Atl2
Atn1
Atoh7
Atp5h
Atp6v0b
Atxn7
Aurkaip1
AW555464
Axin1
B3gat1
B830017H08Rik
B930041F14Rik
Bai3
Banp
Bara
Barhl2
Barx1
Bbip1
BC027696
BC029726
BC035532
BC046404
BC053974
BC060302
BC062820
BC070425
BC099561
Bcap29
Bcl2
Bcng-1
Bcr
Bend4
Bend6
Bend7
Bfsp1
Blvrb
Bmp2k
Bnc1
Boll
Bpag1
Brix1
Brpf3
Brsk2

Btbd7
Bves
Bzw1
C130074G19Rik
C1galt1
C1ql1
C1qtnf4
Cables2
Cabp7
Cacna1c
Cacna2d3
Cacng4
Cadps
Cadps2
cAMP-GEFII
Camsap1
Camta1
Car15
Car5a
Casd1
Caskin1
Cbx2
Ccdc6
Ccne2
Ccnyl1
Cd44
Cdc25b
Cdc34
Cdc42bpa
Cdc42bpb
Cdc42ep1
Cdc73
Cdcrel-1
Cdh4
Cdk14
Cdk5r1
Cdk8
Cds1
Cdv3
Cdx1
Celf2
Celf4
Celsr1
Cenpb
Chad
Chchd7
Chd3
Chd5
Chmp2a

Chn1
Chpt1
Chst2
Ckap4
Cldn15
Clip4
Clmn
Clstn1
Cnga1
Cnn2
Cnnm3
Cnnm4
Cobl
Col23a1
Coro2a
Crls1
Cryzl1
Csad
Csda
Csnk1e
Csnk1g2
Csnk1g3
Cst9
Ctbp1
Ctnnb1
Ctnnd2
Cuedc1
Cyhr1
D17Wsu92e
D430050G20
Dazl
Dcbl2
Dcun1d1
Dennd1b
Dennd5a
Dgkh
Dio3
Dio3os
Dlgap3
Dmwd
Dmxl2
Dnajc21
Dnttip1
Doc2b
Dock5
Dph2
Drd2
Dscam
Dtnb

Dtnbp1
Dusp28
Dusp7
Dusp8
Dvl1
E130018O15Rik
E130203B14Rik
Ebf3
Ebf4
Edr2 p36
Efna2
EG629133
Eid2
Eif2c4
Eif4e
Eif4e2
Eif4enif1
Eif4g1
Eif4h
Elfn1
Elovl2
Emzf1
En2
Epc1
Eps8
Erbb2ip
Esrra
Evi5
Evl
Evx1
Evx2
Exoc3l2
Ext1
FAK
Fam102b
Fam108b
Fam108b1
Fam108c
Fam113b
Fam125b
Fam184a
Fam190a
Fam19a5
Fam69a
Fam73b
Fancf
Fastk
Fbl1
Fbrsl1

Fbxl15
Fbxl17
Fbxl3
Fcho2
Fchsd2
Fermt2
Fgf8
Fign
Fis1
Fkbp5
Fkbp7
Fndc5
Foxa1
Foxd1
Foxe1
Foxj3
Foxk1
Fsd2
Ftl2
Fzd10
Gab2
Gal3st1
Gas2
Gatad2a
Gbx1
Gdf7
Gfer
Gjc1
Glcci1
Glis1
Gm10638
Gm13375
Gm4983
Gm527
Gm5577
Gm757
Gmeb2
Gna12
Gnao1
Gnl3
Gpc1
Gpr182
Gpr27
Gpr85
Gps1
Gramd4
Grasp
Grb10
Grid1

Grip1
Grk6
Grsf1
Grwd1
Gzmm
H1fx
H60b
Hand2
Hcn1
Hcn2
Hdgf
Hes1
Higd1b
Hipk1
Hipk2
Hipk3
Hivep1
Hmx1
Homer2
Hoxa4
Hoxb2
Hoxd11
Hoxd13
Hoxd3
Hoxd4
Hoxd8
Hoxd9
Hp1bp3
Hras1
Hrk
Hs6st1
Htr7
Ica1l
Igf2
Igf2as
Igf2r
Ikzf1
Ildr2
Inca1
Inhbb
Insm1
Ipo5
Irak-M
Irak3
Irx2
Itga9
Itsn1
Jak2
Jhdm1d

JSAP2
Kbtbd2
Kcna2
Kcnd2
Kcne4
Kcng3
Kcnk3
Kcnk9
Kcnmb4
Kcnq2
Kcnq4
Kcns1
Kctd2
Kctd21
Kctd6
Kdm2b
Khdc1a
Khdc1c
Khsrp
Kiaa1841
Kif1c
Kif2a
Kifc2
Klf14
Klf15
Klhl2
Klhl23
Klhl35
Klrb1b
Klrb1c
Klrb1f
Kpna3
Kras
Kremen1
Krtcap3
Lag3
Larp1b
Lcor
Lemd2
Lgi2
Lhx8
Lifr
Limd2
Lin28b
Lin9
Lmo1
Lmx1b
Lpgat1
Lrfn1

Lrp12
Lrp3
Lrp8
Lrrc4
Lrrc56
Lrrc8b
Lrrc8c
Ltbp4
Luc7l3
Luzp1
MacroD2
Mafg
Maml1
Man1a2
Man2a2
Maneal
Manf
Map3k5
Map3k9
Map4k3
Map4k4
Mapk1ip1
Mapk8ip1
Mapkapk5
Marcks
Marveld1
Matn4
Me1
Med21
Mex3c
mFLJ00022
Mga
Mgat3
Mgat4a
Mgat4b
Mier2
Mif4gd
Mir1247
Mir181c
Mir181d
Mir1956
Mir1967
mKIAA0044
mKIAA0133
mKIAA0137
mKIAA0452
mKIAA0634
mKIAA0769
mKIAA1188

mKIAA1306
mKIAA1841
mKIAA1994
mlr2
Mlst8
MMET-1
Mmgt2
Mogs
Mphosph9
Mpp6
Mprp
Mrpl53
Msi1
Mtap7
Mtss1l
Mxra8
Myadml2
Myb
Mylpf
Myo1a
Myo5b
Myo7a
Myrip
N28178
Naa30
Nacc2
Nanos3
Nat8l
Nbea
Ncam2
Nck2
Ncor2
Ncs1
Nek6
Neurabin
Nfil3
Nfyb
Nhlh1
Ninj1
Nipa1
Nipal1
Nkd1
Nob1
Noxo1
Npb
Npepps
Npnt
Nptxr
Nr2c2

Nr2f2
Nr2f6
Nr4a2
Nr5a1
Nras
Nrbp1
Nrf1
Nrg3
Nsmf
O/E-4S
Ogfr1
Olfm1
Olf822
Onecut2
ORF61
Otd7a
Otx1
Papd5
Pappa
Paqr9
Pax1
Pbrm1
Pbx1
Pbx3
Pcbp1
Pcdha1
Pcnx
Pcsk2
Pcsk6
Pde7a
Pde8a
Pdia2
Pds5a
Peg12
Peli2
Pex5l
Pex7
Pgp
Phc2
Phf13
Phf17
Phlpp1
Phtf2
Pik3cb
Pitpnm3
Pkdcc
Plag1
Plcb3
Plcl2

Plekha3
Plekhm2
Plekho1
Plin
Plin1
Plxna1
Plxnc1
Plxnd1
Podxl2
Pogz
Pomgnt1
Pou3f3
Pparg
Ppfia1
Ppp1r14b
Ppp1r9a
Ppp2cb
Ppp2r2c
Ppp2r2d
Ppp2r5c
Ppp6r2
Prima1
Prkar1b
Prkar2a
Prkcb
Prkce
Prkri
Prkrir
Prmt8
Prrc2b
Psd
Psme4
Ptgfrn
Ptk2
Ptms
Ptp4a2
Ptp4a3
Ptpn7
Ptprd
Ptprt
Purg
Pvrl3
Pvk
Pycr1
Pygo1
Qser1
Rab11fip4
Rab11fip5
Rab12
Rab21

Rab35
Rab3ip
Rac3
Rad1
radical-fringe
Raet1a
Raet1e
Ralgps2
RANK
Rap2a
Rapgef4
Rasgef1c
Rasl10b
Rb1
Rbm15b
Rbm24
Rbms1
Rbp3
Rbpjl
Rbpms
Rbpms2
Reln
Reps1
Rest
Rev1
Rfng
Rfwd2
Rgs11
Rgs2
Rhou
Rictor
Rims1
Rims4
Rmnd5a
Rnf130
Rnf157
Rnf165
Rnpepl1
Rock2
Rrbp1
Rtn4r
Runx3
Ryk
Sall3
Sap30l
Sbk1
Scmh1
Scn10a
Scrib

SEPT3
SEPT5
Sertad4
Sestd1
Sh3gl3
Sh3glb2
Shoc2
Siah1a
Sik1
Sirpa
Sirt1
Six2
Slc12a2
Slc20a2
Slc23a2
Slc25a41
Slc30a4
Slc35d1
Slc35e1
Slc44a1
Slc6a11
Slk
Smad2
Smad4
Smad5
Smad1
Smarcc2
Snord12
Snrk
Snx24
Snx9
Sorl1
Sos1
Sox12
Sox2
Sox30
Spag9
Spast
Spats2
Spef1
Spen
Spin1
Sspb3
Sspb4
Spns2
Sppl3
Spred1
Spry1
Src

Srxn1
Stk24
Strbp
Suhw4
Sumo2
SUSD4
Synrg
Syt16
Syt7
Syt9
Tac2
Tacc1
Taf5l
Tbc1d10b
Tbk1
Tbkbp1
Tbr1
Tbrg3
Tbx2
Tbxas1
Tcap
Tceb2
Tcerg1l
Tcf4
Tcf7
Tcfap2e
Tead1
Tesk1
Tfdp1
Tgfbrap1
Thap1
Thoc4
Thoc7
Tle1
Tle4
Tlk1
Tm7sf3
Tmbim4
Tmcc2
Tmem117
Tmem132d
Tmem151a
Tmem189
Tmem20
Tmem200b
Tmem60
Tmtc1
Tmub1
Tnfrsf11a

Tnpo1
Tox3
Trabd
Traf3
Trappc10
Trim41
Trim44
Trim7
Trmt12
Tsc22d1
Tspan5
Ttbk1
Ttc34
Ttc39a
Tub
Ube2d2b
Ube2d3
Ube2e1
Ube2e2
Ube2e3
Ube2m
Ubn2
Ubp1
Ubr5
Ugcg
Unc5a
Urb2
Usp12
Usp24
Usp3
Usp31
Usp33
Usp35
Usp46
Vapa
Vdu1
Vegfc
vesl-2
Vmn1r188
Vmn1r90
Vstm2l
Wbp1
Wfdc3
Wnt5b
Wnt9a
Wrn
Wwp2
Xkr4
YAF2

Ybx1
Yif1a
Ypel5
Zbed4
Zbtb17
Zbtb39
Zbtb46
Zbtb8a
Zc3h18
Zc3h6
Zdhhc18
Zdhhc23
Zeb1
Zfp12
Zfp161
Zfp238
Zfp280d
Zfp281
Zfp282
Zfp318
Zfp319
Zfp407
Zfp592
Zfp598
Zfp740
Zfp746
Zfp800
Zmynd19
Znf280d
Znf512b
Znfx1
Znrf2
Zswim5
Zzz3

Fibroblast all intersect

0610010F05Rik
1110006O24Rik
1110059E24Rik
1500012F01Rik
1600002K03Rik
1600021P15Rik
1700019N12Rik
1700109F18Rik
1810041L15Rik
2010300C02Rik
2410004B18Rik
2610017I09Rik
2700081O15Rik
2900092D14Rik
3830408C21Rik
4930488L21Rik
4930539J05Rik
5031439G07Rik
5930412G12Rik
9330171B17Rik
9430021M05Rik
9430083A17Rik
A030009H04Rik
A230083G16Rik
Aard
Accn1
Acvr1b
Acvr2a
Acvr2b
Adamts20
Adap1
Adcy2
Adcy5
Adra2c
Adrb1
Adrbk2
Aff3
Agap1
Agpat3
AI316807
Aig1
Ajap1
AK005214
AK005503
AK006001
AK007571
AK009335
AK010870

AK011568
AK013046
AK014224
AK015004
AK015492
AK016097
AK016591
AK016788
AK017177
AK017779
AK019514
AK019838
AK031498
AK035754
AK035982
AK037260
AK038079
AK039014
AK039268
AK039417
AK039608
AK040320
AK041531
AK043607
AK045070
AK047558
AK048292
AK075633
AK076706
AK080278
AK080292
AK081497
AK084517
AK085371
AK085522
AK132723
AK133391
AK135560
AK140072
AK142074
AK144823
AK145301
AK147796
AK148461
AK149188
AK158619
AK161590
AK162774
AK163532

AK166060
AK190497
AK191498
AK197782
AK211336
Ak5
Akd2
Aldh1a2
Amfr
Amigo1
Amigo2
Anapc11
Ank
Ankrd13b
Ankrd52
Anp32b
Apba2
Aqp5
Arap2
Arglu1
Arhgap20
Arhgap21
Arhgap23
Arhgdia
Arhgdig
Arhgef10l
Arhgef11
Arid4a
Arl8a
asp3
Aspax1
Asphd2
Astn2
Asxl1
Atf1
Atl2
Atn1
Atoh7
Atp5h
Atxn7
AW555464
B3gat1
B830017H08Rik
B930041F14Rik
Bai3
Banp
Barhl2
Barx1
Bbip1

BC027696
BC029726
BC035532
BC046404
BC053974
BC060302
BC062820
BC070425
BC099561
Bcap29
Bcl2
Bcng-1
Bcr
Bend4
Bend6
Bend7
Bfsp1
Blvrb
Bmp2k
Bnc1
Boll
Bpag1
Brix1
Brsk2
Btbd7
Bves
Bzw1
C1galt1
C1ql1
C1qtnf4
Cables2
Cabp7
Cacna2d3
Cacng4
Cadps
Cadps2
cAMP-GEFII
Camsap1
Car15
Car5a
Caskin1
Cbx2
Ccdc6
Ccne2
Ccnyl1
Cdc34
Cdc42bpa
Cdc42bpb
Cdc42ep1

Cdc73
Cdcrel-1
Cdh4
Cdk14
Cdk5r1
Cdk8
Cds1
Cdv3
Cdx1
Celf2
Celf4
Celsr1
Chchd7
Chd3
Chd5
Chmp2a
Chn1
Chpt1
Chst2
Ckap4
Clip4
Clstn1
Cnn2
Cnnm3
Cnnm4
Cobl
Col23a1
Coro2a
Crls1
Cryz1
Csad
Csda
Csnk1e
Csnk1g2
Ctbp1
Ctnnb1
Ctnnd2
Cuedc1
Cyhr1
D17Wsu92e
D430050G20
Dazl
Dcblid2
Dcun1d1
Dennd5a
Dio3
Dio3os
Dlgap3
Dmwd

Dmxl2
Dnajc21
Dnttip1
Doc2b
Dock5
Drd2
Dscam
Dtnb
Dtnbp1
Dusp28
Dusp7
Dusp8
Dvl1
E130018O15Rik
E130203B14Rik
Ebf3
Ebf4
Edr2 p36
Efna2
EG629133
Eid2
Eif2c4
Eif4e
Eif4e2
Eif4enif1
Eif4g1
Eif4h
Elfn1
Elovl2
Emzf1
En2
Epc1
Erbb2ip
Esrra
Evi5
Evl
Evx1
Evx2
Ext1
FAK
Fam102b
Fam108b
Fam108b1
Fam108c
Fam113b
Fam125b
Fam184a
Fam190a
Fam19a5

Fam69a
Fam73b
Fancf
Fastk
Fbl1
Fbrs1
Fbx15
Fbx17
Fbx3
Fcho2
Fermt2
Fgf8
Fign
Fkbp5
Fkbp7
Fndc5
Foxa1
Foxd1
Foxe1
Foxk1
Fsd2
Fzd10
Gab2
Gal3st1
Gas2
Gatad2a
Gbx1
Gdf7
Gfer
Glcci1
Glis1
Gm10638
Gm13375
Gm4983
Gm527
Gm5577
Gm757
Gmeb2
Gna12
Gnao1
Gnl3
Gpc1
Gpr27
Gps1
Gramd4
Grasp
Grb10
Grid1
Grip1

Grk6
Grsf1
Grwd1
Gzmm
H1fx
Hand2
Hcn1
Hcn2
Hdgf
Hes1
Higd1b
Hipk1
Hivep1
Hmx1
Homer2
Hoxa4
Hoxd11
Hoxd13
Hoxd3
Hoxd8
Hoxd9
Hp1bp3
Hras1
Hrk
Hs6st1
Htr7
Ica1l
Igf2
Igf2as
Igf2r
Ikzf1
Ildr2
Inhbb
Ipo5
Irx2
Itga9
Itsn1
Jak2
Jhdm1d
JSAP2
Kbtbd2
Kcna2
Kcnd2
Kcng3
Kcnk3
Kcnk9
Kcnmb4
Kcnq2
Kcnq4

Kcns1
Kctd2
Kctd21
Kctd6
Kdm2b
Khsrp
Kiaa1841
Kif2a
Kifc2
Kif14
Kif15
Kihl2
Kihl23
Kihl35
Kpna3
Kras
Lag3
Larp1b
Lcor
Lemd2
Lgi2
Lhx8
Lifr
Limd2
Lin28b
Lmo1
Lmx1b
Lpgat1
Lrp12
Lrp3
Lrp8
Lrrc4
Lrrc56
Lrrc8b
Lrrc8c
Ltbp4
Luzp1
Macrod2
Mafg
Mam11
Man1a2
Man2a2
Maneal
Manf
Map3k9
Map4k3
Mapk1ip1
Mapk8ip1
Mapkapk5

Marcks
Marveld1
Matn4
Me1
Med21
Mex3c
mFLJ00022
Mgat3
Mgat4a
Mgat4b
Mier2
Mif4gd
Mir1247
Mir181c
Mir181d
Mir1956
mKIAA0044
mKIAA0133
mKIAA0137
mKIAA0452
mKIAA0634
mKIAA1306
mKIAA1841
mlr2
MMET-1
Mmgt2
Mogs
Mpp6
Mprp
Mrpl53
Msi1
Mtap7
Mtss1l
Myb
Mylpf
Myo5b
Myrip
N28178
Naa30
Nacc2
Nanos3
Nat8l
Nbea
Ncam2
Nck2
Ncor2
Ncs1
Nek6
Neurabin

Nfil3
Nfyb
Nipa1
Nkd1
Nob1
Noxo1
Npb
Npepps
Npnt
Nr2f2
Nr2f6
Nr4a2
Nr5a1
Nras
Nrbp1
Nsmaf
O/E-4S
Ogfr1
Olfm1
Onecut2
ORF61
Otud7a
Otx1
Papd5
Pappa
Paqr9
Pax1
Pbrm1
Pbx1
Pbx3
Pcbp1
Pcsk2
Pcsk6
Pde7a
Pde8a
Pdia2
Pds5a
Peg12
Pex5l
Phc2
Phf17
Phlpp1
Phtf2
Pik3cb
Pitpnm3
Pkdcc
Plag1
Plcb3
Plcl2

Plekha3
Plekhm2
Plekho1
Plxna1
Plxnc1
Plxnd1
Podxl2
Pou3f3
Ppfa1
Ppp1r14b
Ppp1r9a
Ppp2cb
Ppp2r2c
Ppp2r2d
Ppp2r5c
Ppp6r2
Prima1
Prkar1b
Prkar2a
Prkcb
Prkce
Prmt8
Prrc2b
Psd
Psme4
Ptgfrn
Ptk2
Ptms
Ptp4a2
Ptp4a3
Ptprd
Ptprt
Purg
Pvrl3
Pvk
Pycr1
Pygo1
Qser1
Rab11fip4
Rab11fip5
Rab12
Rab21
Rab35
Rab3ip
Rad1
radical-fringe
Ralgps2
RANK
Rap2a

Rapgef4
Rasgef1c
Ras10b
Rb1
Rbm15b
Rbm24
Rbms1
Rbpjl
Rbpms2
Reln
Reps1
Rev1
Rfng
Rgs11
Rhou
Rims1
Rims4
Rmnd5a
Rnf130
Rnf157
Rnf165
Rnpepl1
Rock2
Rrbp1
Rtn4r
Runx3
Ryk
Sall3
Sbk1
Scmh1
Scn10a
Scrib
SEPT3
SEPT5
Sertad4
Sestd1
Shoc2
Siah1a
Sik1
Sirpa
Sirt1
Six2
Slc20a2
Slc23a2
Slc30a4
Slc35d1
Slc35e1
Slc44a1
Slc6a11

Slk
Smap1
Smarcc2
Snord12
Snrk
Snx24
Snx9
Sorl1
Sos1
Sox12
Sox2
Sox30
Spag9
Spast
Spats2
Spef1
Spin1
Sspb3
Sspb4
Spns2
Sppl3
Spred1
Src
Stk24
Strbp
Suhw4
Sumo2
Susd4
Synrg
Syt16
Syt7
Syt9
Tacc1
Taf5l
Tbc1d10b
Tbk1
Tbkbp1
Tbr1
Tbrg3
Tbx2
Tcap
Tceb2
Tcerg1l
Tcf7
Tcfap2e
Tead1
Tesk1
Tfdp1
Tgfbrap1

Thap1
Thoc4
Thoc7
Tle1
Tle4
Tlk1
Tm7sf3
Tmcc2
Tmem117
Tmem132d
Tmem151a
Tmem189
Tmem20
Tmem200b
Tmem60
Tmtc1
Tmub1
Tnfrsf11a
Tnpo1
Tox3
Trabd
Traf3
Trappc10
Trim41
Trim44
Trim7
Tspan5
Ttbk1
Ttc34
Ttc39a
Tub
Ube2d2b
Ube2d3
Ube2e1
Ube2e2
Ube2e3
Ube2m
Ubn2
Ubr5
Ugcg
Unc5a
Usp12
Usp24
Usp3
Usp31
Usp35
Usp46
Vegfc
vesl-2

Vmn1r90
Vstm2l
Wfdc3
Wnt5b
Wnt9a
Wrn
Wwp2
Xkr4
Ybx1
Yif1a
Ypel5
Zbed4
Zbtb17
Zbtb39
Zbtb46
Zbtb8a
Zc3h18
Zc3h6
Zdhhc18
Zdhhc23
Zeb1
Zfp161
Zfp280d
Zfp281
Zfp282
Zfp318
Zfp592
Zfp598
Zfp740
Zfp746
Zmynd19
Znf280d
Znf512b
Znfx1
Zswim5
Zzz3

Table S5. Primers used in this study.

Primers for DAMD assay	Sequence
JW-102gMse	GCGGTGACCCGGGAGATCTGAATTGTAA
JW-102gMsp	GCGGTGACCCGGGAGATCTGAATTGCGG
JW-102g	GCGGTGACCCGGGAGATCTGAATTG
JW103pcTA	[Phos]TACAATTCAGATCTCCCG
JW103pc-2	[Phos]CGCAATTCAGATCTCCCG
Primers for bisulfite PCR	
biEN2_F2	GAGGATTTGGTTTTGTTGAATTTTT
biEN2_R2	CAAACCTAAAATCATTCTCCTCCAT
biHOXA10_F2	GGGGTGTTAGTGTTTGGTTATTTT
biHOXA10_R2	ACAACCCTCTACAACCCTACTTACC
hsGPR75_F1	GGGTTAGGTAAGTTTGTAAGAAGT
hsGPR75_R1	ACCTCTAATCCTACATCATCCAAA
hsMIR155HG_F1	AGGTTTTAAGAATAGGTAGGAGGGG
hsMIR155HG_R1	ACCACTAAATCCCCAAAAACAC
hsTMEM176B_F2	TTTGAAATTAGGTTGGAGGAAG
hsTMEM176B_R2	TCACTAACTCTAAAAAACTAAAAAATCC
hsSALL4_F1	GGGAGAGGAGGAGATTTTTTTTT
hsSALL4_R1	TAAAATCTTAAACCCAAACCAATCA
mmRik1_F1	TTTTTTGAATAGATAGGGTAGGGGT
mmRik1_R1	AACCAAATACAAATCAACACAAACC
mmRik2_F1	TTGAGTAATGTTGTTAGAGGTTAAGGAA
mmRik2_R1	AATCCTCTACAAAAAAAACCAAAC
mmVmn1r90_F3	AGGATAAATAGTTGGTGGGTGTTAG
mmVmn1r90_R3	ACCCAAATCCTACCTTTATCTCCTA
mmbisCdh4_F1	GTGGGGTTAGTTGGTGTTTTT
mmbisCdh4_R1	ATATATCCAACCTCCAATCCCC
mmbisEvx2_F3	AGTTTAGAGGATGAGGTTGGAGTTT
mmbisEvx2_R3	TCCACAACCCTACTACTAACAACAAAA