

Figure S1. MOG-specific T cell priming is impaired in μMT mice. Splenocytes were isolated from C3HeB/Fej WT and μMT mice 7 days after mice were immunized with rMOG and injected with pertussis toxin. Cells were stimulated in ELISPOT assays with rMOG or  $MOG_{79-90}$  or  $MOG_{97-114}$  peptides to detect the number of IFN-γ- and IL-17-producing cells per million splenocytes. Each data point represents a single mouse. Data were pooled from 3 independent experiments. \*P < 0.05, \*\*P <0.005, Student's t test.

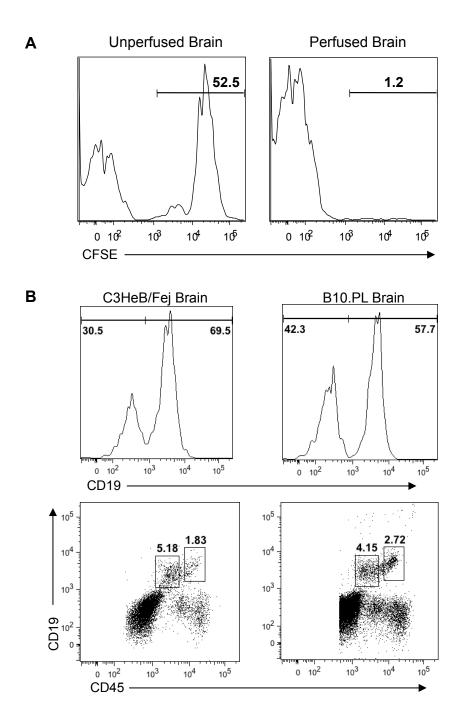


Figure S2. Perfusion efficiency and comparison of CNS B cell subsets in perfused C3HeB/Fej and B10.PL mice.

(A) Absence of blood contamination in CNS cells from perfused mice was confirmed by injecting CFSE-labeled splenocytes 1 hour prior to isolation of mononuclear cells from brains of unperfused or perfused mice. Flow cytometric analysis of CFSE labeled cells through the CD45+MHC class II+CD19+ B cell gate is shown. Data are representative of two experiments.

(B) Mononuclear cells were isolated from the brains of perfused naïve C3HeB/Fej and B10.PL mice and stained for CD45, MHC class II (either I-A<sup>k</sup> or I-A<sup>u</sup>), and CD19. Representative histograms of CD19 expression are shown through the CD45+MHC class II+ gate (top), and analysis of CD45+ and CD19+ expression is shown through the CD45+ gate (bottom). Data are representative of three experiments.

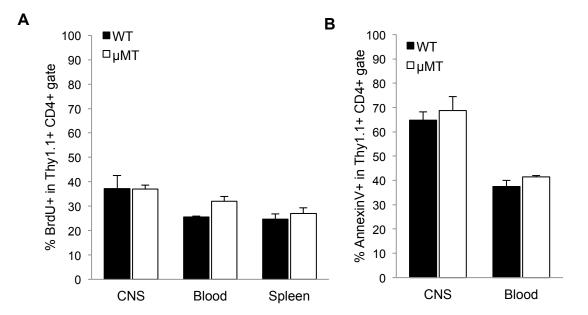


Figure S3. MOG-specific T cells exhibit similar levels of proliferation and apoptosis in the CNS of wild-type and B cell-deficient recipients.

Activated MOG-specific Thy1.1<sup>+</sup> T cells were transferred into WT or  $\mu$ MT Thy1.2 recipients. BrdU was injected on day 4 post-transfer. CNS mononuclear cells were isolated on day 5 and analyzed for percentages of **(A)** BrdU<sup>+</sup> or **(B)** AnnexinV<sup>+</sup> cells among gated Thy1.1<sup>+</sup> CD4<sup>+</sup> donor cells (means  $\pm$  SEM,  $n \ge 4$  mice per group). Data are representative of 3 independent experiments.

IL-17A         Y         Y         CTCAAAGCTCAGCGTGTCCAAACA         TATCAGGGTCTTCATTGCGGTGGA           IFN-γ         Y         Y         AACGCTACACACTGCATCTTGG         GCCGTGGCAGTAACAGCC           GH-CSF         Y         Y         CACCCGGCCTTGGAAGCATGAGA         GCATGTCATCCAGGAGGTTCA           TNFα         Y         Y         GCACAGAAAGCATGACCCG         GCCCCCCATCTTTTGGG           IL-6         Y         Y         GCTACCAAACTGGATATAATCAGG         CCAGGTAGCTATGGTACTCAGAA           IL-10         N         Y         GGTTGCCAAGCCTTATCGGA         ACCTGCTCCACTGCCTGCT           IL-10         N         Y         GGTTGCCAAGCCTTACCTGC         TCACCCTGTTGATGGTCACG           IL-10         N         Y         GGAACAAGATGCTGGATTCAGGA         ACCTGCTCACGTCCTGCT           IL-23 p19         N         Y         GAACAAGATGCTGGATTGCAGAG         TGTGCGTTCCAGGCTAGCA           LTα         N         Y         GTCCAATGCTTCCAGGAATTGAGA         GTTGTGTAAAATGGAATCGACAC           LTβ         N         Y         TCCAACGCTACCTCTGCTC         GATCTGGTACAATCCCAGAGACTCCCTT           LCAM         Y         Y         TCCTCTGGAGAGTGGAGTGC         GGTGGGTCAAAGCTTCCTT           LCAM         Y         Y         TCCTTGGAGAGTGGAATGC         CTGAGAGCTTTCTTAGCAGACTCT	Gene <sup>a</sup>	$D5^b$	$EAE^b$	Forward primer $(5'-3')^c$	Reverse primer (5'-3') <sup>c</sup>
GM-CSF Y Y GACCCGGCCTTGGAAGCATGTAGA GCATGTCATCCAGGAGGTTCA TNFα Y Y GCACAGAAAGCATGACCCG GCCCCCATCTTTTGGG IL-6 Y Y GCTACCAAACTGGATATAATCAGG CCAGGTAGCTATGGTACTCCAGAA IL-1β Y Y TGTAATGAAAGACGGCACACC TCTTCTTGGGTATTGCTTGG IL-10 N Y GGTTGCCAAGCCTTATCGGA ACCTGCTCCACTGCCTTGCT IL-12 p35 N N AAATGAAGCTCTGCATCCTGC TCACCCTGTGATGGTACCCAGC IL-23 p19 N Y GAACAAGATGCTGGATTGCAGAG TGTGCGTTCCAGGATGGATGCACC IL-3 p19 N Y GAACAAGATGCTGGATTGCAGAG TGTGGGTAGAAGCCACC ITα N Y GTGCCTTTCTCGGACATGG GGTAGATGGGAGTGGAATCG CACC ITβ N Y TCCAATGCTTCCAGGAATCAGC GATCTGGTTGAGAATCCGCAG VCAM N Y TGGTGAAATGGAATCTGAACC CCCAGATGGTGGTTTCCTT ICAM Y Y CCCACGCTACCTTGCT GATGGATCTGACAC ICAM N Y TGGTGAAATGGAATCTGAACC CCCAGATGGTGGTTTCCTT ICAM Y Y TCCATGCTTCTGCTC GATGGATCTAGAACC CCCAGATGGTGGTTTCCTT ICAM Y Y TCCTCTGGAGAGTGGAATGGC GGTGGGTCAAAGCTTCACAT P-selectin Y Y TCCTCTGGAGAGTGGAATGC CTGAGAGCCTTTCTACAT P-selectin Y Y TCCTCTGGAGAGTGGAATGC CTGAGAGCCTTTCTACAT P-selectin Y Y TCCTCTGGAGAGTGGATCACC CTGAGAGCCTTTCTTACCAGT ICACC ICAC Y Y CCACTCACCTGCTCTGTCTTG CAGCCCTTGGTCTTG CAGCCCATCCTTTGTTCACCTTTGTTCACCTTTGTTCACCTTTGTTCACCTTTGTTCACCTTTGTTCACAT TCTGAACCACCCCGGAACCACTCGTACTT TCTGGACCCATTCCTTCTTG CCL1 N Y CCACTCACCTGCTGCTCTGCAAC CACCGATGCATTCCTTCTTG CCL2 Y Y CCACTCACCTGCTGCTC GCAC CAACGATGAATTGGCGTGGAA CCL4 Y Y TCTTGCTGTGCTGCCTCTGCAAC CAACGATGAATTGGAGCCCA CCL5 N Y TTTTGCCTGTGCTGCCT GGAGAGGTCAAAC CACCCATCCATTCCTTCTTG CCL6 N Y CAAAGAAGGGCATGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCCATCAAC CCL6 N Y CAAAGAAGGGCATGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCTGAACC CCL19 N Y TTTGGGATGAAGATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCTTAACC CCL19 N Y TTTGGGATGAAGATGGAACCTAC TGTGAACC TGGAACCATCATAGCAC CCL19 N Y TTTGGGATGAAGATGGAACCTAC TGGAAGATTAAC AGCCTTCAACC CCL19 N Y TTTGGGATGGAATTGAAC TGGAGGTAAACTGAAC TGCAAGACAACCACGGAACTAC TGGAGGTAAACCTTAACC CCL19 N Y TTTTGGGATGGAATTGAAC TGCAGGACTAACTTAACC CCL19 N Y TTTTGGGATGGAATTGGACC TGCATCATTAGCAC CCL19 N Y TTTTGGGATGGAATTGGACC TGCACTCAAGGCAAG CCCL20 Y Y TTTTGGGATGGAATTGGACAC TGCAGGTCAAGGCAAG CCCL10 Y Y TTTTGGGATGGAATGCTTCAAC AGGCCAAACCTCAAGCCTCAACCTAAGCCTCAAACGAAGTC AGGCCAAACGGAAGTC AGGCCAAACGGACTAC	IL-17A	Y	Y	CTCAAAGCTCAGCGTGTCCAAACA	TATCAGGGTCTTCATTGCGGTGGA
$ \begin{aligned} & \text{INF} \alpha & \text{Y} & \text{Y} & \text{GCACAGAAAGCATGACCCG} \\ & \text{IL-6} & \text{Y} & \text{Y} & \text{GCTACCAAACTGGATATAATCAGG} \\ & \text{IL-1B} & \text{Y} & \text{Y} & \text{TGTAATGAAAGACGGCACACC} \\ & \text{IL-1B} & \text{Y} & \text{Y} & \text{TGTAATGAAAGACGGCACACC} \\ & \text{IL-110} & \text{N} & \text{Y} & \text{GGTTGCCAAGCCTTATCGGA} \\ & \text{ACCTGCTCCACTGCCTTGCT} \\ & \text{IL-12 p35} & \text{N} & \text{N} & \text{AAATGAAGGTCTGCATCCTGC} \\ & \text{IL-23 p19} & \text{N} & \text{Y} & \text{GAACAAGATGCTGGATTGCAGAG} \\ & \text{IT} & \text{N} & \text{Y} & \text{GAACAAGATGCTGGATTGCAGG} \\ & \text{LT} \alpha & \text{N} & \text{Y} & \text{GAACAAGATGCTGGATTGCAGG} \\ & \text{LT} \beta & \text{N} & \text{Y} & \text{TCCAATGCTTCCAGGAATCGG} \\ & \text{GGTAGATGGGAGTGGGAATGGG} \\ & \text{LT} \beta & \text{N} & \text{Y} & \text{TCCAATGCTTCCAGGAATCTAGC} \\ & \text{CCAM} & \text{N} & \text{Y} & \text{TGGTGAAATGGAATCTGAACC} \\ & \text{CCAM} & \text{N} & \text{Y} & \text{TGGTGAAATGGAATCTGAACC} \\ & \text{CCAGATGGTGGTTTCCTT} \\ & \text{ICAM} & \text{Y} & \text{Y} & \text{CCCCAGCTACCTCTGCTC} \\ & \text{GATGGATACCTGAGCATCACCC} \\ & \text{E-selectin} & \text{Y} & \text{Y} & \text{TCCTCTGGAGAGGTGGAGTGC} \\ & \text{GGTGGGTCAAAGCTTCACAT} \\ & \text{P-selectin} & \text{Y} & \text{Y} & \text{TCTCTTGGAGAGTGGAGTGC} \\ & \text{CTGAGAGCTTTCTTAGCAGAGC} \\ & \text{NOS} & \text{N} & \text{Y} & \text{TTGATGTGTGCCTCTGGTCTTGC} \\ & \text{CCL2} & \text{Y} & \text{Y} & \text{CCACTCACCTGCTGCTCTTG} \\ & \text{CCL2} & \text{Y} & \text{Y} & \text{CCACTCACCTGCTGCTCTTG} \\ & \text{CCL2} & \text{Y} & \text{Y} & \text{CCACTCACCTGCTGCTCTCTGCT} \\ & \text{CGCAGATGAATTGCCCTCTTGTTC} \\ & \text{CCL2} & \text{N} & \text{Y} & \text{TTTGCCTACCTCTCCCTCG} \\ & \text{CCL4} & \text{N} & \text{Y} & \text{TTTGCCTACCTCTCCCTCG} \\ & \text{CCL6} & \text{N} & \text{Y} & \text{TTTGCCTACCTCCCTCG} \\ & \text{CCL6} & \text{N} & \text{Y} & \text{CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG} \\ & ATCCCTTAGGACCCATCGATCAACCCCCCCCCCCCCCCC$	IFN-γ	Y	Y	AACGCTACACACTGCATCTTGG	GCCGTGGCAGTAACAGCC
IL-6YYGCTACCAAACTGGATATAATCAGGCCAGGTAGCTATGGTACTCCAGAAIL-1βYYTGTAATGAAAGACGGCACACCTCTTCTTTGGGTATTGCTTGGIL-10NYGGTTGCCAAGCCTTATCGGAACCTGCTCCACTGCCTTGCTIL-12 p35NNAAATGAAGCTCTGCATCCTGCTCACCCTGTTGATGGTCAGCAIL-23 p19NYGAACAAGATGCTGGATTGCAGAGTGTGCGTTCCAGGCTAGCALTαNYGTGCCTTTCTCCGGACATGGGGTAGATGGGAGTGGGAATGGLTβNYTCCAATGCTTCCAGGAATCTAGCGATCTGGTGTAGAATCCGCAGVCAMNYTGGTGAAATGGAATCTGAACCCCCAGATGGTGGTTTCCTTICAMYYCCCCACGCTACCTCTGCTCGATGGATACCTGAGCATCACCE-selectinYYTCCTCTGGAGAGTGGAGTGCGGTGGGTCAAAGCTTCACATP-selectinYYTTGATGTGCTCCTCTGGTCTTGCAGCTCCTGGAACCACTCGTACTTCCL1NYCCCCTGAAGTTTATCCAGTGTTAGCAGCTTTCTTCTACCTTTGTTCACCL2YYCCACTCACCTGCTGCTACTTCTGGACCCATTCCTTCTTTCCL3NYTGTACCATGACACTCTGCACACAACGATGAATTGGCGTGGAACCL4YYTCTTGCTCGTGGCTGCCTGGGAGGGTCAAGAGCCCACCL5NYTTTGCCTACCTCCCTCCGGAGGGTCAAGAGCCCACCL6NYCAAAGAAGGGCATGGAAGTCTGATCCCTTAGGACCGTGATCAACCCL7YYCAAAGAAGGGCATGGAAGTCTGATCCCTTAGGACCGTGATCAACCCL9NYTTTGGGATGGAATTGGACATGCAGGTGAAGCCTTCAACCCCL19NYTTTTGGGATGGATTATAAGCTTCAGGGTCAAGC	GM-CSF	Y	Y	CACCCGGCCTTGGAAGCATGTAGA	GCATGTCATCCAGGAGGTTCA
IL-1βYYTGTAATGAAAGACGGCACACCTCTTCTTTGGGTATTGCTTGGIL-10NYGGTTGCCAAGCCTTATCGGAACCTGCTCCACTGCCTTGCTIL-12 p35NNAAATGAAGCTCTGCATCCTGCTCACCCTGTTGATGGTCACGIL-23 p19NYGAACAAGATGCTGGATTGCAGAGTGTGCGTTCCAGGCTAGCALTαNYGTGCCTTTCTCCGACATGGGGTAGATGGGAATGGGAATGGLTβNYTCCAATGCTTCCAGGAATCTAGCGATCTGGTGAAAATCCGCAGVCAMNYTGGTGAAATGGAATCTGAACCCCCAGATGGTGGTTTCCTTICAMYYCCCACGCTACCTCTGCTCGATGGATACCTGAGCATCACCE-selectinYYTCCTCTGGAGAGTGGAGTGCGGTGGGTCAAAGCTTCACATP-selectinYYGTGCAGAGCGGTCAAATGCCTGAGAGCTTTCTTAGCAGAGCiNOSNYTTGATGTGCTGCCTCTGGTCTTGCAGCTCCTGGAACCACTCGTACTTCCL1NYCCCCTGAAGTTTATCCAGTGTTAGCAGCTTTCTTACCTTTGTTCACCL2YYCCACTCACCTGCTGCTACTTCTGGACCCATTCCTTCTTGCCL3NYTGTACCATGACACTCTGCAACCAACGATGAATTGGCGTGGAACCL4YYTCTTGCTCGTGGCTGCTGGGAGGGTCAGAGCCCACCL5NYTTTTGCTCACCTCTCCCTCGCGACTGCAAGATTGGAGCCCACCL6NYCAAAGAAGGGCATGGAAGTCTGATCCCTTAGGACCGTGATCAACCCL7YYCAAAGAAGGGCATGGAAGTCTGATCCCTTAGGACCGTGATCAACCCL9NYTTTTGGGACCCAAACCGAAGTCTGCAGGTGAAGCCTTCAACCCXCL19NYTTTTGGGACCCAAACCGAAGTCAGCTTCAGGGTCAA	$TNF\alpha$	Y	Y	GCACAGAAAGCATGACCCG	GCCCCCATCTTTTGGG
IL-10         N         Y         GGTTGCCAAGCCTTATCGGA         ACCTGCTCCACTGCCTTGCT           IL-12 p35         N         N         AAATGAAGCTCTGCATCCTGC         TCACCCTGTTGATGGTCACG           IL-23 p19         N         Y         GAACAAGATGCTGGATTGCAGAG         TGTGCGTTCCAGGCTAGCA           LTα         N         Y         GTGCCTTTCTCCGACATGG         GGTAGATGGGAGTGGGAATCG           LTβ         N         Y         TCCAATGCTTCCAGGAATCTAGC         CCCAGATGGTGTAGAATCCGCAG           VCAM         N         Y         TGGTGAAATGGAATCTGAACC         CCCAGATGGTGTTTCCTT           ICAM         Y         Y         CCCCACGCTACCTCTGCTC         GATGGATACCTGAGCATCACC           E-selectin         Y         Y         TCCCTGGAGGTGGAGTGC         GGTGGGTCAAAGCTTCACAT           P-selectin         Y         Y         GTGAGAGCGGTCAAATGC         CTGAGAGCTTCTTAGCACT           CCL1         N         Y         CCCCTGAAGTTTATCCAGTGTTA         GCAGCTTTCTTAGCAGACCTTTGTCACT           CCL1         N         Y         CCACTCACCTGCTGCTACT         TCTGGACCCATTCCTTTTTG           CCL2         Y         Y         CCACTCACCTGCTCCACT         CAACGATGAATTGGCGTGGAA           CCL3         N         Y         TTTTGCTCTCCTCCG         CGACTGCAAGATTGGACCT	IL-6	Y	Y	GCTACCAAACTGGATATAATCAGG	CCAGGTAGCTATGGTACTCCAGAA
	IL-1β	Y	Y	TGTAATGAAAGACGGCACACC	TCTTCTTTGGGTATTGCTTGG
IL-23 p19   N	IL-10	N	Y	GGTTGCCAAGCCTTATCGGA	ACCTGCTCCACTGCCTTGCT
LTa N Y GTGCCTTTCTCCGACATGG GGTAGATGGGAGTGGGAATGG LTB N Y TCCAATGCTTCCAGGAATCTAGC GATCTGGTGTAGAATCCGCAG VCAM N Y TGGTGAAATGGAATCTGAACC CCCAGATGGTGTTTCCTT ICAM Y Y CCCCACGCTACCTCTGCTC GATGGATACCTGAGCATCACC E-selectin Y Y TCCTCTGGAGAGTGGAGTGC GGTGGGTCAAAGCTTCACAT P-selectin Y Y GTGCAGAGCGGTCAAATGC CTGAGAGCTTTCTTAGCAGAGC iNOS N Y TTGATGTGCTGCCTCTGGTCTTGC AGCTCCTGGAACCACTCGTACTT CCL1 N Y CCCCTGAAGTTTATCCAGTGTTA GCAGCTTTCTTACCATTGTTCA CCL2 Y Y CCCACTCACCTGCTGCTACT TCTGGACCCATTCCTTCTTG CCL3 N Y TGTACCATGACACTCTGCAAC CAACGATGAATTGGCGTGGAA CCL4 Y Y TCTTGCTCGTGGCTGCCT GGGAGGGTCAGAGCCCA CCL5 N Y TTTGCCTACCTCTCCCTCG CGACTGCAGAGTTGGAGCACT CCL6 N Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL7 Y Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL9 N Y TGTGGCCTGCCTCAGATTAT AGCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL9 N Y TGTGGCCTGCCTCAGATTAT AGTCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL19 N Y TGTGGCCTGCCTCAGATTAT AGTCTTCCGCATCATTAGCAC CCL20 Y Y TTTTTGGGATGGAATTGGACC CXCL1 Y Y CGCGTGCAAGCCTAC TGCAGGTGAAGCCTTCAACC CXCL1 Y Y CGCGTCACAACCGAAGTC AGCTTCCAGCTCCCTCC CXCL1 Y Y CGCGTCACAACCGAAGTC AGCTTCAAGCAC CXCL2 Y Y CGCGTCAATGCCTGAAG CXCL2 Y Y CGCGTGCAATGCCTGAAG CXCL2 Y Y CGCGTGCAATGCCTGCAA CXCL2 Y Y CGCGTGCAATGCCTGCAA CXCL10 Y Y TTTTGGGATGGAAGCCTAC CXCL10 Y Y TTTTGGGATGCAATCCTGCCCAAACCGAAGGCAAG CXCL20 Y Y TTTTGGGATCGCTGCAAACCGAAGTC CXCL10 Y Y AATGCACCAAACCGAAGTC CXCL10 Y Y TTTTGGGATGCTCCTCCAC CXCL10 Y Y AATGCACGATGCTCCTCCAC CXCL10 Y Y AATGCACGATGCTCCTCCAC CXCL10 Y Y AATGCACGAAGACCAACCGAAGCC CXCL10 Y Y AATGCACGATGCTCCTCCAC CXCL10 Y Y AATGCACGATGCTCCTCCAC CXCL10 Y Y AATGCACGATGCTCCTCCAC CXCL10 Y Y AACGGGAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTTG	IL-12 p35	N	N	AAATGAAGCTCTGCATCCTGC	TCACCCTGTTGATGGTCACG
LTBNYTCCAATGCTTCCAGGAATCTAGCGATCTGGTGTAGAATCCGCAGVCAMNYTGGTGAAATGGAATCTGAACCCCCAGATGGTGGTTTCCTTICAMYYCCCACGCTACCTCTGCTCGATGGATACCTGAGCATCACCE-selectinYYTCCTCTGGAGAGTGGAGTGCGGTGGGTCAAAGCTTCACATP-selectinYYGTGCAGAGCGGTCAAATGCCTGAGAGCTTTCTTAGCAGAGCiNOSNYTTGATGTGCTGCCTCTGGTCTTGCAGCTCCTGGAACCACTCGTACTTCCL1NYCCCCTGAAGTTTATCCAGTGTTAGCAGCTTTCTCTACCTTTGTTCACCL2YYCCACTCACCTGCTGCTACTTCTGGACCCATTCCTTCTTGCCL3NYTGTACCATGACACTCTGCAACCAACGATGAATTGGCGTGGAACCL4YYTCTTGCTCGTGGCTGCCTGGGAGGGTCAGAGCCCACCL5NYTTTGCCTACCTCTCCCTCGCGACTGCAAGATTGGAGCACTCCL6NYCAAAGAAGGGCATGGAAGTCTGATCCCTTAGGACCGTGATCAACCCL7YYCAAAGAAGGGCATGGAAGTCTGATCCCTTAGGACCGTGATCAACCCL9NYCTCACAACCACGGACCTACTGTGTAGTCATTGAGGTCAGCCCL19NYTTTTGGGATGGAATTATAGTCTTCCGCATCATTAGCACCCL20YYTTTTTGGGATGGAATTGGACACTGCAGGTGAAGCCTTCAACCCXCL1YYCTGCACCCAAACCGAAGTCAGCTTCAGGGTCAAGGCAAGCXCL2YYCTGCTGCAAACCGAAGTCAGCTTTGAGGGTCAAGCTTCCXCL9YYAATGCACGATGCTCCTGCAAGGTCTTTGAGGGATTTGTAGTGCXCL10YYGCCGTCATTTTTTTGCCTCACGTCCTTGCGAAAGGGCATC	IL-23 p19	N	Y	GAACAAGATGCTGGATTGCAGAG	TGTGCGTTCCAGGCTAGCA
VCAM N Y TGGTGAAATGGAATCTGAACC CCCAGATGGTGGTTTCCTT ICAM Y Y CCCACGCTACCTCTGCTC GATGGATACCTGAGCATCACC E-selectin Y Y TCCTCTGGAGAGTGGAGTGC GGTGGGTCAAAGCTTCACAT P-selectin Y Y GTGCAGAGCGGTCAAATGC CTGAGAGCTTTCTTAGCAGAGC iNOS N Y TTGATGTGCTGCCTCTGGTCTTGC AGCTCTGGAACCACTCGTACTT CCL1 N Y CCCCTGAGAGTTTATCCAGTGTTA GCAGCCATTCTTCTACCTTTGTTCA CCL2 Y Y CCACTCACCTGCTACT TCTGGACCCATTCCTTCTTG CCL3 N Y TGTACCATGACACTCTGCAAC CAACGATGAATTGGCGTGGAA CCL4 Y Y TCTTGCTCGTGGCTGCT GGGAGGGTCAAGCCCA CCL5 N Y TTTGCCTACCTTCCCTCG CGACTGCAAGAGCCCA CCL6 N Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL7 Y Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL9 N Y TGTGGCCTGCTAC TGTGTAGTACACCCL9 N Y TGTGGCCTGCAGAAGTTGAAC CCL9 N Y TGTGGCCTGCTCAGATTAT AGTCTTCCGCATCATTAGCAC CCL19 N Y TGTGGCCTGCTCAGATTAT AGTCTTCCGCATCATTAGCAC CCL20 Y Y TTTTGGGATGGAATTGGACAC TGCAGGTGAAGCCTCC CXCL1 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAAG CXCL2 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAAG CXCL2 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAAG CXCL10 Y Y TTTTGGGATGGATCTCTCCCC CXCL10 Y Y TTTTGGGATGGATTGGACAC TGCAGGGTCAAGGCAAG CXCL2 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAAG GGCGTCACACTCAAGCCCC CXCL10 Y Y TTTTGGGATGGATCTCTCCCA CGTCCTTGAGGGATTTGTAGTG CXCL10 Y Y AATGCACCAAACCGAAGTC AGCTTTTGAGGGATTTTTCAGTG CXCL10 Y Y AATGCACGATGCTCCTCCA CGTCCTTTGCGAGAGGGATC MMP3 N Y TTGTTCTTTTGATGCAGC GATTTGCCCCAAAAGTGC MMP8 N Y AACGGGAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTG	$LT\alpha$	N	Y	GTGCCTTTCTCCGACATGG	GGTAGATGGGAGTGGGAATGG
ICAM Y Y CCCACGCTACCTCTGCTC GATGGATACCTGAGCATCACC E-selectin Y Y TCCTCTGGAGAGTGGAGTGC GGTGGGTCAAAGCTTCACAT P-selectin Y Y GTGCAGAGCGGTCAAATGC CTGAGAGCTTTCTTAGCAGAGC iNOS N Y TTGATGTGCTGCCTCTGGTCTTGC AGCTCTTGGAACCACTCGTACTT CCL1 N Y CCCCTGAAGTTTATCCAGTGTTA GCAGCTTTCTCACCTTTGTTCA CCL2 Y Y CCACTCACCTGCTGCTACT TCTGGACCCATTCCTTCTTG CCL3 N Y TGTACCATGACACTCTGCAAC CAACGATGAATTGGCGTGGAA CCL4 Y Y TCTTGCTCGTGGCTGCCT GGGAGGGTCAGAGCCCA CCL5 N Y TTTGCCTACCTTCCCTCG CGACTGCAAGATTGGAGCCCA CCL6 N Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL7 Y Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL9 N Y CTCACAACCACGGACCTAC TGTGTAGTCATTGAGGTCAGC CCL19 N Y TGTGGCCTGCCTCAGATTAT AGTCTTCCGCATCATTAGCAC CCL20 Y Y TTTTTGGGATGGAATTGGACAC TGCAGGTGAAGCCTTCAACC CXCL1 Y Y CGCCTGCAACCGAAGTC AGCTTCAGGGTCAAGC CXCL2 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAA GGCGTCACACTCAAGCTCT CXCL9 Y Y TGTGCACCCAAACCGAAGTC AGCTTCAGGGTCAAGCCTC CXCL1 Y Y CGCCTGCAATGCCTGCAA AGGTCTTGAGGGTCAAGCCTC CXCL1 Y Y CGCCTGCAATGCCTGCAA AGGTCTTGAGGGTCAAGCCTC CXCL1 Y Y CGCCTGCAATGCCTGCAA AGGTCTTTGAGGGTCAAGCCTC CXCL1 Y Y CGCCTGCAATGCCTGCAA AGGTCTTTGAGGGATTTGTAGTG CXCL10 Y Y TTTTTGGATGCAGTCCTCCAACCCAACCCAAACCGAAGTC CXCL10 Y Y TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT	LTβ	N	Y	TCCAATGCTTCCAGGAATCTAGC	GATCTGGTGTAGAATCCGCAG
E-selectin Y Y TCCTCTGGAGAGTGGAGTGC GGTGGGTCAAAGCTTCACAT P-selectin Y Y GTGCAGAGCGGTCAAATGC CTGAGAGCTTTCTTAGCAGAGC iNOS N Y TTGATGTGCTGCCTCTGGTCTTGC AGCTCCTGGAACCACTCGTACTT CCL1 N Y CCCCTGAAGTTTATCCAGTGTTA GCAGCTTTCTCACCTTTGTTCA CCL2 Y Y CCACTCACCTGCTGCTACT TCTGGACCCATTCCTTCTTG CCL3 N Y TGTACCATGACACTCTGCAAC CAACGATGAATTGGCGTGGAA CCL4 Y Y TCTTGCTCGTGGCTGCCT GGGAGGGTCAGAGCCCA CCL5 N Y TTTGCCTACCTCCCTCG CGACTGCAGAGTCAGAGCCCA CCL6 N Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL7 Y Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL9 N Y CTCACAACCACGGACCTAC TGTGTAGTCATTGAGGTCAGC CCL19 N Y TGTGGCCTGCCTCAGATTAT AGTCTTCCGCATCATTAGCAC CCL20 Y Y TTTTTGGGATGGAATTGGACAC TGCAGGTGAAGCCTTCAACC CXCL1 Y Y CGCGTGCAAACCACGAAGTC AGCTTCAGGACCTTCAACC CXCL1 Y Y CGCGTGCAAACCGAAGTC AGCTTCAGGGTCAAGCCCCCCCCCC	VCAM	N	Y	TGGTGAAATGGAATCTGAACC	CCCAGATGGTGGTTTCCTT
P-selectin Y Y GTGCAGAGCGGTCAAATGC CTGAGAGCTTTCTTAGCAGAGC iNOS N Y TTGATGTGCTGCCTCTGGTCTTGC AGCTCCTGGAACCACTCGTACTT CCL1 N Y CCCCTGAAGTTTATCCAGTGTTA GCAGACCACTCGTACTT CCL2 Y Y CCACTCACCTGCTGCTACT TCTGGACCCATTCCTTCTTG CCL3 N Y TGTACCATGACACTCTGCAAC CAACGATGAATTGGCGTGGAA CCL4 Y Y TCTTGCTCGTGGCTGCCT GGGAGGGTCAGAGCCCA CCL5 N Y TTTGCCTACCTCCCTCG CGACTGCAAGATTGGAGCCCA CCL6 N Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL7 Y Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL9 N Y CTCACAACCACGGACCTAC TGTGTAGTCATTGAGGTCAGC CCL19 N Y TGTGGCCTGCCTCAGATTAT AGTCTTCCGCATCATTAGCAC CCL20 Y Y TTTTTGGGATGGAATTGGACAC TGCAGGGTGAAGCCTTCAACC CXCL1 Y Y CGCCTGCCCCAAACCGAAGTC AGCTTCAGGGTCAGCAC CXCL2 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAAG GGCGTCACACTCAAGCTCT CXCL9 Y Y AATGCACCAAGCGAGTC AGCTTCAGGGTCAAGCCTC CXCL1 Y Y GCCGTGTCAATGCCTGAA GGCGTCACACTCAAGCTCT CXCL9 Y Y AATGCACCAATCCTGCAC AGGTCTTGAGGGATTTTTCTTTTGAGGGATCTTTTTTTTT	ICAM	Y	Y	CCCACGCTACCTCTGCTC	GATGGATACCTGAGCATCACC
inos N Y TTGATGTGCTGCTCTGGTCTTGC AGCTCCTGGAACCACTCGTACTT CCL1 N Y CCCCTGAAGTTTATCCAGTGTTA GCAGCTTTCTTCACCTTTGTTCA CCL2 Y Y CCACTCACCTGCTGCTACT TCTGGACCCATTCCTTCTTG CCL3 N Y TGTACCATGACACTCTGCAAC CAACGATGAATTGGCGTGGAA CCL4 Y Y TCTTGCTCGTGGCTGCCT GGGAGGGTCAGAGCCCA CCL5 N Y TTTGCCTACCTCCCTCG CGACTGCAAGATTGGAGCCCA CCL6 N Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL7 Y Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL9 N Y CTCACAACCACGGACCTAC TGTGTAGTCATTGAGGTCAGC CCL19 N Y TGTGGCCTGCCTCAGATTAT AGTCTTCCGCATCATTAGCAC CCL20 Y Y TTTTGGGATGGAAGTCG AGCTTCCACCCCCCCCCCCCC	E-selectin	Y	Y	TCCTCTGGAGAGTGGAGTGC	GGTGGGTCAAAGCTTCACAT
CCL1 N Y CCCCTGAAGTTTATCCAGTGTTA GCAGCTTTCTCTACCTTTGTTCA CCL2 Y Y CCACTCACCTGCTGCTACT TCTGGACCCATTCCTTCTTG CCL3 N Y TGTACCATGACACTCTGCAAC CAACGATGAATTGGCGTGGAA CCL4 Y Y TCTTGCTCGTGGCTGCCT GGGAGGGTCAGAGCCCA CCL5 N Y TTTGCCTACCTCCCTCG CGACTGCAAGATTGGAGCACT CCL6 N Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL7 Y Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL9 N Y CTCACAACCACGGACCTAC TGTGTAGTCATTGAGGTCAGC CCL19 N Y TGTGGCCTGCCTCAGATTAT AGTCTTCCGCATCATTAGCAC CCL20 Y Y TTTTGGGATGGAAGTC AGCTTCAACC CXCL1 Y Y CGCCTGCAAACCGAAGTC AGCTTCAAGCCC CXCL1 Y Y CGCCTGCAAACCGAAGTC AGCTTCAAGCCTC CXCL2 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAAG GGCGTCACACTCAAGCTCT CXCL9 Y Y AATGCACCAAACCGAAGTC AGGTTCTTGAGGGATTTGTAGTG CXCL10 Y Y GCCGTCATTTTCTGCCTCA CGTCCTTGCGAGAGGGATC MMP3 N Y TTGTTCTTTGATGCAGTCAGC MMP8 N Y AACGGGAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTG	P-selectin	Y	Y	GTGCAGAGCGGTCAAATGC	CTGAGAGCTTTCTTAGCAGAGC
CCL2 Y Y CCACTCACCTGCTGCTACT TCTGGACCCATTCCTTCTTG CCL3 N Y TGTACCATGACACTCTGCAAC CAACGATGAATTGGCGTGGAA CCL4 Y Y TCTTGCTCGTGGCTGCT GGGAGGGTCAGAGCCCA CCL5 N Y TTTGCCTACCTCTCCCTCG CGACTGCAAGATTGGAGCACT CCL6 N Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL7 Y Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL9 N Y CTCACAACCACGGACCTAC TGTGTAGTCATTGAGGTCAGC CCL19 N Y TGTGGCCTGCCTCAGATTAT AGTCTTCCGCATCATTAGCAC CCL20 Y Y TTTTGGGATGGAATTGGACAC TGCAGGTGAAGCCTTCAACC CXCL1 Y Y CTCACACCCAAACCGAAGTC AGCTTCAGGGTCAAGCC CXCL1 Y Y CTGCACCCAAACCGAAGTC AGCTTCAGGGTCAAGCCACC CXCL2 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAAG GGCGTCACACTCAAGCTCT CXCL9 Y Y AATGCACGATGCTCCTGCA AGGTCTTTGAGGGATTTTTAGTG CXCL10 Y Y GCCGTCATTTTCTGCCTCA CGTCCTTGCGAGAGGGATC MMP3 N Y TTGTTCTTTGATGCAGTCAGC GATTTGCGCCAAAAGTGC MMP8 N Y AACGGGAAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTTG	iNOS	N	Y	TTGATGTGCTGCCTCTGGTCTTGC	AGCTCCTGGAACCACTCGTACTT
CCL3 N Y TGTACCATGACACTCTGCAAC CAACGATGAATTGGCGTGGAA CCL4 Y Y TCTTGCTCGTGGCTGCCT GGGAGGGTCAGAGCCCA CCL5 N Y TTTGCCTACCTCTCCCTCG CGACTGCAAGATTGGAGCACT CCL6 N Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL7 Y Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL9 N Y CTCACAACCACGGACCTAC TGTGTAGTCATTGAGGTCAGC CCL19 N Y TGTGGCCTGCCTCAGATTAT AGTCTTCCGCATCATTAGCAC CCL20 Y Y TTTTGGGATGGAATTGGACAC TGCAGGTGAAGCCTTCAACC CXCL1 Y Y CTGCACCCAAACCGAAGTC AGCTTCAGGGTCAAGC CXCL2 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAAG GGCGTCACACTCAAGCTCT CXCL9 Y Y AATGCACGATGCTCCTGCA AGGTCTTTGAGGGATTTTTAGTG CXCL10 Y Y GCCGTCATTTTCTGCCTCA CGTCCTTGCGAGAGGGATC MMP3 N Y TTGTTCTTTGATGCAGTCAGC MMP8 N Y AACGGGAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTTG	CCL1	N	Y	CCCCTGAAGTTTATCCAGTGTTA	GCAGCTTTCTCTACCTTTGTTCA
CCL4 Y Y TCTTGCTCGTGGCTGCCT GGGAGGGTCAGAGCCCA  CCL5 N Y TTTGCCTACCTCTCCCTCG CGACTGCAAGATTGGAGCACT  CCL6 N Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC  CCL7 Y Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC  CCL9 N Y CTCACAACCACGGACCTAC TGTGTAGTCATTGAGGTCAGC  CCL19 N Y TGTGGCCTGCCTCAGATTAT AGTCTTCCGCATCATTAGCAC  CCL20 Y Y TTTTGGGATGGAATTGGACAC TGCAGGTGAAGCCTTCAACC  CXCL1 Y Y CTGCACCCAAACCGAAGTC AGCTTCAGGGTCAAGGCAAG  CXCL2 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAAG GGCGTCACACTCAAGCTCT  CXCL9 Y Y AATGCACGATGCTCTGCA AGGTCTTTGAGGGATTTGTAGTG  CXCL10 Y Y GCCGTCATTTTCTGCCTCA CGTCCTTGCGAGAGGGATC  MMP3 N Y TTGTTCTTTGATGCAGTCAGC GATTTGCGCCAAAAGTGC  MMP8 N Y AACGGGAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTG	CCL2	Y	Y	CCACTCACCTGCTGCTACT	TCTGGACCCATTCCTTCTTG
CCL5 N Y TTTGCCTACCTCTCCTCG CGACTGCAAGATTGGAGCACT CCL6 N Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL7 Y Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL9 N Y CTCACAACCACGGACCTAC TGTGTAGTCATTGAGGTCAGC CCL19 N Y TGTGGCCTGCCTCAGATTAT AGTCTTCCGCATCATTAGCAC CCL20 Y Y TTTTGGGATGGAATTGGACAC TGCAGGTGAAGCCTTCAACC CXCL1 Y Y CTGCACCCAAACCGAAGTC AGCTTCAGGGTCAAGGCAAG CXCL2 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAAG GGCGTCACACTCAAGCTCT CXCL9 Y Y AATGCACGATGCTCCTGCA AGGTCTTTGAGGGATTTGTAGTG CXCL10 Y Y GCCGTCATTTTCTGCCTCA CGTCCTTGCGAGAGGGATC MMP3 N Y TTGTTCTTTGATGCAGTCAGC GATTTGCGCCAAAAGTGC MMP8 N Y AACGGGAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTG	CCL3	N	Y	TGTACCATGACACTCTGCAAC	CAACGATGAATTGGCGTGGAA
CCL6 N Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL7 Y Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL9 N Y CTCACAACCACGGACCTAC TGTGTAGTCATTGAGGTCAGC CCL19 N Y TGTGGCCTGCCTCAGATTAT AGTCTTCCGCATCATTAGCAC CCL20 Y Y TTTTGGGATGGAATTGGACAC TGCAGGTGAAGCCTTCAACC CXCL1 Y Y CTGCACCCAAACCGAAGTC AGCTTCAGGGTCAAGGCAAG CXCL2 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAAG GGCGTCACACTCAAGCTCT CXCL9 Y Y AATGCACGATGCTCCTGCA AGGTCTTTGAGGGATTTGTAGTG CXCL10 Y Y GCCGTCATTTTCTGCCTCA CGTCCTTGCGAGAGGGATC MMP3 N Y TTGTTCTTTGATGCAGTCAGC GATTTGCGCCAAAAGTGC MMP8 N Y AACGGGAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTG	CCL4	Y	Y	TCTTGCTCGTGGCTGCCT	GGGAGGGTCAGAGCCCA
CCL7 Y Y CAAAGAAGGGCATGGAAGTCTG ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC CCL9 N Y CTCACAACCACGGACCTAC TGTGTAGTCATTGAGGTCAGC CCL19 N Y TGTGGCCTGCCTCAGATTAT AGTCTTCCGCATCATTAGCAC CCL20 Y Y TTTTGGGATGGAATTGGACAC TGCAGGTGAAGCCTTCAACC CXCL1 Y Y CTGCACCCAAACCGAAGTC AGCTTCAGGGTCAAGGCAAG CXCL2 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAAG GGCGTCACACTCAAGCTCT CXCL9 Y Y AATGCACGATGCTCCTGCA AGGTCTTTGAGGGATTTGTAGTG CXCL10 Y Y GCCGTCATTTTCTGCCTCA CGTCCTTGCGAGAGGGATC MMP3 N Y TTGTTCTTTGATGCAGTCAGC GATTTGCGCCAAAAGTGC MMP8 N Y AACGGGAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTG	CCL5	N	Y	TTTGCCTACCTCTCCCTCG	CGACTGCAAGATTGGAGCACT
CCL19 N Y CTCACAACCACGGACCTAC TGTGTAGTCATTGAGGTCAGC CCL19 N Y TGTGGCCTGCCTCAGATTAT AGTCTTCCGCATCATTAGCAC CCL20 Y Y TTTTTGGGATGGAATTGGACAC TGCAGGTGAAGCCTTCAACC CXCL1 Y Y CTGCACCCAAACCGAAGTC AGCTTCAGGGTCAAGGCAAG CXCL2 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAAG GGCGTCACACTCAAGCTCT CXCL9 Y Y AATGCACGATGCTCCTGCA AGGTCTTTGAGGGATTTGTAGTG CXCL10 Y Y GCCGTCATTTTCTGCCTCA CGTCCTTGCGAGAGGGATC MMP3 N Y TTGTTCTTTGATGCAGTCAGC GATTTGCGCCAAAAGTGC MMP8 N Y AACGGGAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTG	CCL6	N	Y	CAAAGAAGGCATGGAAGTCTG	ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC
CCL19 N Y TGTGGCCTGCCTCAGATTAT AGTCTTCCGCATCATTAGCAC CCL20 Y Y TTTTGGGATGGAATTGGACAC TGCAGGTGAAGCCTTCAACC CXCL1 Y Y CTGCACCCAAACCGAAGTC AGCTTCAGGGTCAAGGCAAG CXCL2 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAAG GGCGTCACACTCAAGCTCT CXCL9 Y Y AATGCACGATGCTCCTGCA AGGTCTTTGAGGGATTTGTAGTG CXCL10 Y Y GCCGTCATTTTCTGCCTCA CGTCCTTGCGAGAGGGATC MMP3 N Y TTGTTCTTTGATGCAGTCAGC GATTTGCGCCAAAAGTGC MMP8 N Y AACGGGAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTG	CCL7	Y	Y	CAAAGAAGGCATGGAAGTCTG	ATCCCTTAGGACCGTGATCAAC
CCL20 Y Y TTTTGGGATGGAATTGGACAC TGCAGGTGAAGCCTTCAACC CXCL1 Y Y CTGCACCCAAACCGAAGTC AGCTTCAGGGTCAAGGCAAG CXCL2 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAAG GGCGTCACACTCAAGCTCT CXCL9 Y Y AATGCACGATGCTCCTGCA AGGTCTTTGAGGGATTTGTAGTG CXCL10 Y Y GCCGTCATTTTCTGCCTCA CGTCCTTGCGAGAGGGATC MMP3 N Y TTGTTCTTTGATGCAGTCAGC GATTTGCGCCAAAAGTGC MMP8 N Y AACGGGAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTG	CCL9	N	Y	CTCACAACCACGGACCTAC	TGTGTAGTCATTGAGGTCAGC
CXCL1 Y Y CTGCACCCAAACCGAAGTC AGCTTCAGGGTCAAGGCAAG CXCL2 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAAG GGCGTCACACTCAAGCTCT CXCL9 Y Y AATGCACGATGCTCCTGCA AGGTCTTTGAGGGATTTGTAGTG CXCL10 Y Y GCCGTCATTTTCTGCCTCA CGTCCTTGCGAGAGGGATC MMP3 N Y TTGTTCTTTGATGCAGTCAGC GATTTGCGCCAAAAGTGC MMP8 N Y AACGGGAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTG	CCL19	N	Y	TGTGGCCTGCCTCAGATTAT	AGTCTTCCGCATCATTAGCAC
CXCL2 Y Y CGCTGTCAATGCCTGAAG GGCGTCACACTCAAGCTCT CXCL9 Y Y AATGCACGATGCTCCTGCA AGGTCTTTGAGGGATTTGTAGTG CXCL10 Y Y GCCGTCATTTTCTGCCTCA CGTCCTTGCGAGAGGGATC MMP3 N Y TTGTTCTTTGATGCAGTCAGC GATTTGCGCCAAAAGTGC MMP8 N Y AACGGGAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTG	CCL20	Y	Y	TTTTGGGATGGAATTGGACAC	TGCAGGTGAAGCCTTCAACC
CXCL9 Y Y AATGCACGATGCTCCTGCA AGGTCTTTGAGGGATTTGTAGTG CXCL10 Y Y GCCGTCATTTTCTGCCTCA CGTCCTTGCGAGAGGGATC MMP3 N Y TTGTTCTTTGATGCAGTCAGC GATTTGCGCCAAAAGTGC MMP8 N Y AACGGGAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTG	CXCL1	Y	Y	CTGCACCCAAACCGAAGTC	AGCTTCAGGGTCAAGGCAAG
CXCL10 Y Y GCCGTCATTTTCTGCCTCA CGTCCTTGCGAGAGGGATC MMP3 N Y TTGTTCTTTGATGCAGTCAGC GATTTGCGCCAAAAGTGC MMP8 N Y AACGGGAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTG	CXCL2	Y	Y	CGCTGTCAATGCCTGAAG	GGCGTCACACTCAAGCTCT
MMP3 N Y TTGTTCTTTGATGCAGTCAGC GATTTGCGCCAAAAGTGC MMP8 N Y AACGGGAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTG	CXCL9	Y	Y	AATGCACGATGCTCCTGCA	AGGTCTTTGAGGGATTTGTAGTG
MMP8 N Y AACGGGAAGACATACTTCTTCATA TGGGTTCATGGATCTTCTTTG	CXCL10	Y	Y	GCCGTCATTTTCTGCCTCA	CGTCCTTGCGAGAGGGATC
	MMP3	N	Y	TTGTTCTTTGATGCAGTCAGC	GATTTGCGCCAAAAGTGC
MMP9 N Y ACGACATAGACGGCATCCA GCTGTGGTTCAGTTGTGGTG	MMP8	N	Y	AACGGGAAGACATACTTCTTCATA	TGGGTTCATGGATCTTCTTTG
	MMP9	N	Y	ACGACATAGACGGCATCCA	GCTGTGGTTCAGTTGTGGTG

Table SI. Expression of genes analyzed by RT-qPCR in preclinical and acute EAE  $^a$ Genes whose expression was analyzed by RT-qPCR in the brains of WT recipients of MOG-specific T cells on day 5 post-transfer and after onset of EAE.  $^b$ (Y) denotes genes that were induced relative to healthy controls at the indicated time point.  $^c$ Primers used to detect each gene are shown.