

Supplementary Figure S2

a

Docking peptide:		mAb 2219 conformation:								
		Start	End	2B0S	2B1A	2B1H	2B0S 2B1A	2B1A 2B1H	2B0S 2B1A	2B0S 2B1H
10	21	0.95	0.87	0.92	0.94	0.91	0.96	0.95		
10	20	0.93	0.87	0.89	0.90	0.87	0.91	0.89		
10	19	0.93	0.87	0.89	0.91	0.88	0.92	0.91		
10	18	0.95	0.91	0.91	0.94	0.92	0.94	0.94		
10	17	0.94	0.91	0.86	0.93	0.90	0.94	0.93		
10	16	0.94	0.92	0.91	0.95	0.93	0.94	0.95		
10	15	0.94	0.93	0.92	0.95	0.94	0.95	0.95		
10	14	0.94	0.93	0.93	0.95	0.94	0.95	0.95		
10	13	0.96	0.92	0.92	0.94	0.91	0.94	0.93		
9	20	0.91	0.89	0.88	0.90	0.89	0.91	0.91		
9	19	0.91	0.87	0.90	0.90	0.88	0.91	0.90		
9	18	0.91	0.90	0.91	0.91	0.91	0.92	0.92		
9	17	0.91	0.89	0.89	0.91	0.90	0.92	0.92		
9	16	0.90	0.89	0.89	0.90	0.90	0.91	0.91		
9	15	0.91	0.90	0.89	0.91	0.91	0.91	0.91		
9	14	0.90	0.90	0.89	0.91	0.90	0.91	0.91		
9	13	0.94	0.91	0.92	0.92	0.91	0.93	0.92		
8	19	0.92	0.91	0.88	0.92	0.91	0.91	0.92		
8	18	0.91	0.91	0.90	0.91	0.91	0.91	0.91		
8	17	0.91	0.91	0.86	0.92	0.91	0.91	0.92		
8	16	0.91	0.91	0.85	0.92	0.91	0.91	0.91		
8	15	0.90	0.91	0.87	0.91	0.91	0.90	0.91		
8	14	0.91	0.92	0.89	0.92	0.92	0.91	0.92		
8	13	0.95	0.93	0.90	0.94	0.93	0.94	0.94		
7	18	0.91	0.90	0.86	0.92	0.91	0.91	0.92		
7	17	0.91	0.88	0.81	0.92	0.89	0.91	0.92		
7	16	0.91	0.87	0.85	0.92	0.91	0.91	0.91		
7	15	0.90	0.87	0.85	0.91	0.90	0.91	0.92		
7	14	0.90	0.88	0.83	0.91	0.90	0.90	0.91		
7	13	0.94	0.87	0.88	0.94	0.91	0.94	0.94		
6	17	0.90	0.88	0.77	0.91	0.87	0.90	0.91		
6	16	0.91	0.87	0.79	0.91	0.87	0.91	0.91		
6	15	0.90	0.88	0.81	0.91	0.89	0.91	0.91		
6	14	0.92	0.88	0.83	0.92	0.90	0.92	0.93		
6	13	0.94	0.81	0.87	0.93	0.85	0.94	0.93		
5	16	0.92	0.86	0.79	0.92	0.86	0.92	0.92		
5	15	0.91	0.82	0.80	0.92	0.87	0.91	0.92		
5	14	0.91	0.85	0.79	0.92	0.87	0.91	0.92		
5	13	0.93	0.79	0.81	0.92	0.82	0.93	0.92		
4	15	0.88	0.84	0.77	0.89	0.85	0.89	0.90		
4	14	0.90	0.81	0.76	0.90	0.84	0.90	0.90		
4	13	0.92	0.86	0.76	0.93	0.87	0.93	0.93		
3	14	0.81	0.78	0.75	0.85	0.78	0.85	0.86		
3	13	0.82	0.69	0.71	0.83	0.71	0.85	0.84		
2	13	0.73	0.57	0.70	0.70	0.62	0.75	0.74		

b

Docking peptide:		mAb 2219 conformation:								
		Start	End	2B0S	2B1A	2B1H	2B0S 2B1A	2B1A 2B1H	2B0S 2B1A	2B0S 2B1H
10	21	0.03	0.05	0.04	0.03	0.04	0.03	0.03	0.03	
10	20	0.04	0.07	0.06	0.05	0.07	0.05	0.05	0.06	
10	19	0.04	0.06	0.05	0.04	0.05	0.04	0.04	0.04	
10	18	0.03	0.04	0.04	0.03	0.04	0.03	0.03	0.03	
10	17	0.03	0.05	0.06	0.04	0.05	0.03	0.04	0.03	
10	16	0.03	0.04	0.04	0.03	0.04	0.03	0.03	0.03	
10	15	0.03	0.03	0.04	0.03	0.04	0.03	0.03	0.03	
10	14	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	0.03	
10	13	0.03	0.04	0.04	0.03	0.04	0.03	0.03	0.03	
9	20	0.04	0.05	0.05	0.04	0.05	0.04	0.04	0.04	
9	19	0.04	0.05	0.04	0.04	0.05	0.04	0.04	0.04	
9	18	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	
9	17	0.04	0.05	0.05	0.04	0.05	0.04	0.04	0.04	
9	16	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	
9	15	0.04	0.04	0.05	0.05	0.04	0.04	0.04	0.04	
9	14	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	
9	13	0.03	0.04	0.04	0.03	0.04	0.03	0.03	0.03	
8	19	0.04	0.04	0.05	0.04	0.04	0.04	0.04	0.04	
8	18	0.04	0.04	0.05	0.04	0.05	0.04	0.04	0.04	
8	17	0.04	0.04	0.06	0.04	0.06	0.04	0.04	0.04	
8	16	0.04	0.04	0.04	0.04	0.06	0.04	0.04	0.04	
8	15	0.04	0.04	0.04	0.04	0.06	0.04	0.04	0.04	
8	14	0.04	0.04	0.04	0.04	0.05	0.04	0.04	0.04	
8	13	0.03	0.03	0.03	0.03	0.05	0.03	0.03	0.03	
7	18	0.04	0.04	0.06	0.04	0.06	0.04	0.04	0.04	
7	17	0.04	0.05	0.08	0.04	0.05	0.05	0.05	0.04	
7	16	0.04	0.05	0.06	0.04	0.06	0.04	0.04	0.04	
7	15	0.04	0.05	0.06	0.04	0.06	0.04	0.05	0.04	
7	14	0.04	0.05	0.07	0.04	0.07	0.04	0.05	0.04	
7	13	0.03	0.05	0.05	0.03	0.05	0.03	0.04	0.03	
6	17	0.05	0.05	0.09	0.04	0.06	0.05	0.05	0.04	
6	16	0.04	0.05	0.08	0.04	0.05	0.05	0.04	0.04	
6	15	0.05	0.04	0.08	0.04	0.08	0.04	0.04	0.04	
6	14	0.04	0.05	0.07	0.04	0.07	0.04	0.05	0.04	
6	13	0.03	0.06	0.05	0.03	0.06	0.03	0.06	0.03	
5	16	0.04	0.05	0.08	0.04	0.06	0.04	0.06	0.04	
5	15	0.04	0.06	0.07	0.04	0.07	0.04	0.06	0.04	
5	14	0.04	0.06	0.08	0.04	0.08	0.04	0.06	0.04	
5	13	0.03	0.07	0.07	0.04	0.07	0.04	0.07	0.04	
4	15	0.05	0.06	0.09	0.05	0.09	0.05	0.06	0.05	
4	14	0.04	0.06	0.09	0.04	0.09	0.04	0.06	0.04	
4	13	0.04	0.05	0.08	0.03	0.08	0.03	0.05	0.04	
3	14	0.06	0.08	0.09	0.06	0.09	0.06	0.08	0.06	
3	13	0.06	0.08	0.09	0.06	0.09	0.06	0.08	0.05	
2	13	0.08	0.11	0.09	0.07	0.10	0.08	0.08	0.07	