

Table S2: Presence of 81 virulence-associated genes in *L. monocytogenes* Quargel outbreak strains

Gene designation	EGDe homologue	presence in <i>L. monocytogenes</i> QOC1 (% amino acid identity)	presence in <i>L. monocytogenes</i> QOC2 (% amino acid identity)
<i>agrA</i>	lmo0051	100,0	100,0
<i>ctaP</i>	lmo0135	99,6	99,6
<i>prfA</i>	lmo0200	100,0	100,0
<i>plcA</i>	lmo0201	99,1	98,4
<i>hly</i>	lmo0202	100,0	99,8
<i>mpl</i>	lmo0203	99,6	99,6
<i>actA</i>	lmo0204	95,3	95,3
<i>plcB</i>	lmo0205	99,7	99,7
<i>lmo0206</i>	lmo0206	98,1	98,1
<i>ctsR</i>	lmo0229	100,0	100,0
<i>lmo0257</i>	lmo0257	100,0	95,9
<i>inIH/inIC2</i>	lmo0263	96,4	97,5
<i>htrA</i>	lmo0292	100,0	100,0
<i>vip</i>	lmo0320	no hit	99,5
<i>pgdA</i>	lmo0415	99,8	99,8
<i>inIA</i>	lmo0433	98,4	99,0
<i>inIB</i>	lmo0434	99,5	99,4
<i>IntA</i>	lmo0438	99,5	88,8
<i>lmo0540</i>	lmo0540	99,8	99,8
<i>iap</i>	lmo0582	99,8	99,0
<i>secA2</i>	lmo0583	99,7	99,6
<i>lmo0604</i>	lmo0604	100,0	100,0
<i>mogR</i>	lmo0674	100,0	100,0
<i>lmo0788</i>	lmo0788	99,9	99,8
<i>uhpT</i>	lmo0838	98,1	98,7
<i>sigB</i>	lmo0895	100,0	100,0
<i>lmo0915</i>	lmo0915	100,0	100,0
<i>lplA1</i>	lmo0931	100,0	100,0
<i>fri</i>	lmo0943	100,0	100,0
<i>dltA</i>	lmo0974	100,0	100,0
<i>aut</i>	lmo1076	100,0	100,0
<i>lmo1081</i>	lmo1081	100,0	100,0
<i>lmo1082</i>	lmo1082	100,0	100,0
<i>lmo1099</i>	lmo1099	no hit	no hit
<i>lmo1102</i>	lmo1102	31,1	31,1
<i>tig</i>	lmo1267	100,0	100,0
<i>sipX</i>	lmo1269	99,5	100,0
<i>sipZ</i>	lmo1271	99,4	99,4
<i>inIK</i>	lmo1290	100,0	97,9
<i>oat</i>	lmo1291	99,7	99,5
<i>hfq</i>	lmo1295	100,0	100,0
<i>tcsA</i>	lmo1388	99,7	99,7

<i>bilE</i>	lmo1421	100,0	100,0
<i>lmo1438</i>	lmo1438	99,9	99,9
<i>sod</i>	lmo1439	100,0	100,0
<i>lmo1521</i>	lmo1521	100,0	100,0
<i>relA</i>	lmo1523	100,0	100,0
<i>lmo1601</i>	lmo1601	100,0	100,0
<i>lmo1602</i>	lmo1602	100,0	100,0
<i>perR</i>	lmo1683	100,0	100,0
<i>mprF</i>	lmo1695	100,0	99,8
<i>adeC</i>	lmo1742	99,7	99,7
<i>virR</i>	lmo1745	100,0	100,0
<i>inlC</i>	lmo1786	99,7	99,7
<i>stp</i>	lmo1821	100,0	100,0
<i>fbpA</i>	lmo1829	99,5	99,7
<i>lmo1855</i>	lmo1855	100,0	100,0
<i>fur</i>	lmo1956	100,0	100,0
<i>lmo2026</i>	lmo2026	91,2	99,7
<i>lmo2048</i>	lmo2048	99,4	99,4
<i>bsh</i>	lmo2067	99,7	100,0
<i>lmo2114</i>	lmo2114	100,0	100,0
<i>lmo2115</i>	lmo2115	100,0	100,0
<i>dacA</i>	lmo2120	100,0	100,0
<i>lmo2157</i>	lmo2157	99,8	99,7
<i>lmo2177</i>	lmo2177	100,0	100,0
<i>svpA</i>	lmo2185	100,0	99,8
<i>oppA</i>	lmo2196	99,8	99,8
<i>fabF</i>	lmo2201	100,0	100,0
<i>lmo2203</i>	lmo2203	99,5	99,5
<i>clpB</i>	lmo2206	99,9	99,9
<i>prsA2</i>	lmo2219	99,7	99,7
<i>lmo2439</i>	lmo2439	100,0	100,0
<i>gap</i>	lmo2459	100,0	100,0
<i>degU</i>	lmo2515	100,0	100,0
<i>lmo2522</i>	lmo2522	99,6	100,0
<i>ami</i>	lmo2558	99,7	95,3*
<i>murA</i>	lmo2691	99,3	99,7
<i>lmo2713</i>	lmo2713	99,7	100,0
<i>lmo2714</i>	lmo2714	100,0	99,7
<i>inlJ</i>	lmo2821	98,6	97,3

*putative pseudogene (truncated)

The list of virulence genes is based on Den Bakker et al. BMC Genomics. 2010 Dec 2;11:688.