

Supplementary Table 1 Structural differences in renatured and native deproteinized samples

Transcript	Start	Stop	Renatured vs native repeat 1	Renatured vs native repeat 2
NM_006325	500	519	-0.392476196	-0.918157099
NM_080593	260	279	-0.093726081	-0.011486295
NR_024058	660	679	-0.046162093	-0.756631807
NM_002952	700	719	-0.020470117	-0.237776505
NM_002635	1180	1199	-0.280493699	-0.495152236
NM_001135700	1220	1239	-0.772468309	-0.458568172
NM_001024921	760	779	-0.555050697	-0.0108938
NR_028500	620	639	-0.35412307	-0.0735635
NM_019005	1240	1259	-0.402213367	-0.092896503
ENST00000442788.1	440	459	-0.455316048	-0.153627003
NR_036430	520	539	-0.713394307	-0.135393939
TCONS_00007198	60	79	-0.077179738	-0.177793097
NM_004462	980	999	-0.318064092	-0.304337691
NM_000967	700	719	-0.259485836	-0.086597751
NR_027162	1180	1199	-0.390200256	-0.434780616
NM_005274	600	619	-0.610495505	-0.020435612
NR_002562	0	19	-0.350157585	-0.656779981
NM_001248000	220	239	-0.223049374	-0.010674454
NM_021029	320	339	-0.191904044	-0.127137493
NM_001204858	480	499	-0.298955196	-0.41263682
NM_001024662	960	979	-0.315633453	-0.029130771
NM_006098	580	599	-0.638912367	-0.312719809
NM_006294	420	439	-0.161040949	-0.011843492
NM_003133	440	459	-0.438566756	-0.649809672
ENST00000361567.2	60	79	-0.041625121	-0.100968046
NM_003002	1080	1099	-0.333670539	-0.321325564
NM_001002	680	699	-0.14667491	-0.041034054
NM_024315	340	359	-0.238954522	-0.078396342
NM_002925	200	219	-0.552158535	-0.507842182
ENST00000390306.2	120	139	-0.414720223	-0.439132845
NM_001202449	1080	1099	-0.26309508	-0.488826122
NM_002727	960	979	-0.549615717	-0.592394883
NM_001007073	520	539	-0.428499659	-0.580293831
NM_001260507	640	659	-0.421648069	-0.081605336
NM_053275	1120	1139	-0.403000095	-0.112123946
NM_001253379	1140	1159	-0.116061559	-0.191513508
NR_045028	980	999	-0.397154273	-0.27688873
NM_016091	600	619	-0.196532282	-0.620922633
NM_000416	660	679	-0.231086626	-0.24591344
NM_001113202	560	579	-0.069699387	-0.038845747
NM_003529	180	199	-0.372885739	-0.138213528
NM_033546	160	179	-0.085965293	-0.12069964
NR_003071	0	19	-0.042462785	-0.291245177
NM_006886	160	179	-0.193223066	-0.532041958
NM_001026	300	319	-0.039467904	-0.284075193
ENST00000568314.1	440	459	-0.231521285	-0.090396637
NR_036693	1620	1639	-0.414224981	-0.14346841
NM_005542	2540	2559	-0.140077182	-0.475956899
NM_001199802	300	319	-0.424307671	-0.09530765
NM_002107	400	419	-0.221517822	-0.338284247
NM_012423	240	259	-0.115252853	-0.340916163
NM_212552	300	319	-0.304518614	-0.30205176
NR_047518	900	919	-0.312380169	-0.217005517
NM_000997	60	79	-0.638621669	-0.130047289
NM_005731	280	299	-0.273233178	-0.167866909
NM_006930	1340	1359	-0.610431553	-0.264873466

NM_004152	880	899	-0.097785499	-0.340634067
NM_000983	180	199	-0.627816874	-0.704235916
ENST00000390325.2	300	319	-0.132975029	-0.171058185
ENST00000553637.1	80	99	-0.651115469	-0.65976248
ENST00000540866.2	4760	4779	-0.512388991	-0.254828887
NM_014248	320	339	-0.371298389	-0.557731157
NM_003511	300	319	-0.313595749	-0.127037276
NM_006577	1300	1319	-0.14766137	-0.422459476
NM_139207	520	539	-0.348344667	-0.408506667
NM_005176	400	419	-0.810062207	-0.745337284
NM_001243130	540	559	-0.329723848	-0.293803753
ENST00000458386.1	20	39	-0.290788213	-0.160950461
NR_047517	1060	1079	-0.629058432	-0.347446883
ENST00000361899.2	600	619	-0.472778239	-0.262232635
NM_001165416	1560	1579	-0.299552369	-0.094919858
NR_002315	380	399	-0.221517822	-0.338284247
NM_033643	120	139	-0.31511027	-0.338181837
NR_047518	1200	1219	-0.288381869	-0.436375741
NM_033554	120	139	-0.559980013	-0.391827597
NM_001256312	1000	1019	-0.490065096	-0.269221624
NM_004390	760	779	-0.235153523	-0.445384235
NR_037930	600	619	-0.553475672	-0.527549319
NM_005003	360	379	-0.346243244	-0.087760903
NM_176869	260	279	-0.605571215	-0.565096788
NR_002819	5580	5599	-0.089372033	-0.429453257
ENST00000564138.1	2020	2039	-0.390871636	-0.21812095
ENST00000435879.2	580	599	-0.189462139	-0.317765663
NM_080425	2720	2739	-0.203805329	-0.183753661
NM_001416	300	319	-0.020950974	-0.091174116
NM_001003	120	139	-0.460994139	-0.318554832
NM_138493	40	59	-0.78896539	-0.73348821
NM_001023	60	79	-0.307379141	-0.123003289
NM_001028	20	39	-0.280538576	-0.013244157
NM_000984	400	419	-0.310389654	-0.110827251
NR_027165	720	739	-0.566136282	-0.302446836
NM_002948	860	879	-0.236861664	-0.057541232
NM_198901	220	239	-0.076605531	-0.096266298
NM_003518	300	319	-0.55364236	-0.864144245
NM_001123	1180	1199	-0.311793172	-0.234301397
NM_001007074	540	559	-0.428499659	-0.580293831
NM_001113203	2660	2679	-0.110830977	-0.231553121
NM_199246	2080	2099	-0.843638589	-0.64862069
NM_006937	160	179	-0.23347471	-0.605062793
NM_152265	380	399	-0.595549767	-0.478607249
NM_019111	1120	1139	-0.155057483	-0.14958121
NR_027166	740	759	-0.557980059	-0.463967415
NM_001199973	320	339	-0.382557735	-0.358100309
NM_030969	420	439	-0.414031973	-0.341717314
NM_177988	340	359	-0.004551164	-0.079594168
NM_001033930	220	239	-0.384499697	-0.196786411
NM_005517	240	259	-0.009728299	-0.500567619
NM_003352	340	359	-0.089710252	-0.403427863
NM_000994	420	439	-0.179607666	-0.314890189
ENST00000375880.2	380	399	-0.404570559	-0.010616254
NM_001142284	300	319	-0.009120161	-0.238441703
NM_003542	200	219	-0.146427533	-0.157983705
NM_005514	1000	1019	-0.578188579	-0.173870109
NM_001142283	300	319	-0.009120161	-0.268064334
NM_006713	540	559	-0.146179795	-0.534637798

NM_139207	500	519	-0.104658901	-0.152013917
NM_004905	720	739	-0.104950006	-0.288310685
NR_045639	700	719	-0.388926149	-0.101599506
NM_006762	1540	1559	-0.057775625	-0.052274396
NM_016565	420	439	-0.326764794	-0.006018203
NM_001024662	220	239	-0.256134816	-0.473721733
NM_001001935	340	359	-0.217576203	-0.465074748
NM_001265604	1720	1739	-0.437420046	-0.085154922
NM_152705	300	319	-0.41187631	-0.541359039
NM_001018069	1420	1439	-0.172847115	-0.265827532
NM_004537	500	519	-0.104658901	-0.152013917
NM_006476	580	599	-0.352779461	-0.299815846
NM_001026	440	459	-0.185246374	-0.089725005
NM_033022	300	319	-0.009120161	-0.238441703
NM_003495	220	239	-0.078423158	-0.055980913
NR_003716	520	539	-0.30116506	-0.241571216
NM_001284	1080	1099	-0.568986043	-0.286190055
NM_001099285	980	999	-0.187363378	-0.07919445
NR_047517	1180	1199	-0.251847447	-0.093354548
NM_001017	80	99	-0.422388776	-0.580681863
NM_001190329	1280	1299	-0.479872267	-0.695746099
NM_000516	1040	1059	-0.222617873	-0.745214297
NM_004060	340	359	-0.037922766	-0.012330263
ENST00000387405.1	0	19	-0.274248589	-0.002621691
NM_001242525	140	159	-0.111821405	-0.053222783
NM_001402	800	819	-0.343741814	-0.078921978
NM_080426	1000	1019	-0.255394405	-0.65330735
NM_002032	240	259	-0.445527342	-0.246968868
NM_001204510	300	319	-0.020950974	-0.091174116
NM_003524	20	39	-0.028434435	-0.042768849
NM_001005339	240	259	-0.328270246	-0.630956873
NM_001402	1180	1199	-0.362093032	-0.20812254
NR_003077	0	19	-0.175406651	-0.556823876
NM_001011	300	319	-0.393865998	-0.441621175
NM_002492	880	899	-0.021938107	-0.317578913
NM_203298	480	499	-0.164894714	-0.795668045
NM_001689	340	359	-0.382307502	-0.097059154
NM_032025	1880	1899	-0.142571333	-0.434205294
NM_001079839	660	679	-0.475212247	-0.330514232
NR_002819	1960	1979	-0.451483156	-0.121670044
ENST00000361381.2	820	839	-0.464451341	-0.147111517
NM_020409	480	499	-0.146588292	-0.382768446
NR_037688	1180	1199	-0.096262981	-0.057879976
NM_000978	220	239	-0.218523789	-0.15743128
NR_045029	800	819	-0.117833305	-0.169373046
ENST00000361739.1	340	359	-0.530368235	-0.415799075
NM_006082	1540	1559	-0.479814444	-0.465687659
NM_080596	220	239	-0.476461387	-0.045871683
NM_005801	360	379	-0.139598683	-0.088742552
NM_001033853	880	899	-0.401238579	-0.038068288
NM_002002	600	619	-0.153755385	-0.59496715
NM_006360	1060	1079	-0.546824697	-0.333683542
NM_001244938	520	539	-0.081293686	-0.047398121
NM_001009	160	179	-0.287992995	-0.134966118
NM_006721	900	919	-0.593161947	-0.769373023
NM_004708	360	379	-0.796357445	-0.087772543
NR_036610	1300	1319	-0.549440969	-0.331650084
NM_006135	1500	1519	-0.092210946	-0.26800012
NM_001123068	320	339	-0.32088971	-0.120320919

NM_005731	340	359	-0.008114375	-0.292942147
NM_057180	160	179	-0.633310684	-0.356758234
ENST00000546176.1	220	239	-0.204813454	-0.61351493
NM_003329	580	599	-0.081293686	-0.047398121
NM_021121	380	399	-0.646567836	-0.108972479
NM_001206559	460	479	-0.331723922	-0.653089702
NM_001010935	860	879	-0.214499576	-0.606161594
NM_001190329	1180	1199	-0.279834939	-0.2190234
NM_003512	320	339	-0.640982138	-0.656008228
NM_001267699	160	179	-0.095906613	-0.285439788
NM_000968	520	539	-0.082852945	-0.303120451
NM_021109	220	239	-0.270917768	-0.075111326
NM_002107	760	779	-0.243025935	-0.060961314
NM_033251	740	759	-0.142817453	-0.248883256
NM_002568	2260	2279	-0.247625569	-0.143530634
NM_000973	800	819	-0.067131205	-0.083694036
NM_021058	400	419	-0.028071502	-0.25027398
NM_001130716	480	499	-0.232272069	-0.132761313
NM_212535	900	919	-0.11250125	-0.148073792
NM_021204	820	839	-0.21090426	-0.059273041
NM_004537	480	499	-0.102434591	-0.032271663
NM_001199973	260	279	-0.348670765	-0.332176245
NM_000661	20	39	-0.104767028	-0.031082725
NM_015933	220	239	-0.09622251	-0.05719888
NM_003651	1420	1439	-0.131366379	-0.265608011
NM_198337	2260	2279	-0.287988109	-0.535657658
ENST00000361381.2	780	799	-0.51366113	-0.122903995
NM_001178042	460	479	-0.228316642	-0.185248251
NM_001697	140	159	-0.463827537	-0.336623693
NM_001827	420	439	-0.11596378	-0.173078644
NM_001568	1140	1159	-0.298552397	-0.127304035
NM_001042559	1180	1199	-0.349896164	-0.338763907
NM_001002	1060	1079	-0.403000095	-0.112123946
NM_004663	460	479	-0.375617366	-0.754952451
NM_199246	240	259	-0.037922766	-0.012330263
NM_000967	980	999	-0.53825931	-0.175156451
NM_001007	400	419	-0.436980783	-0.355829058
NM_001402	1460	1479	-0.685460201	-0.51522235
NM_001198843	260	279	-0.147782159	-0.004053478
ENST00000362079.2	320	339	-0.772982639	-0.143185144
ENST00000389680.2	720	739	-0.409320453	-0.072967856
NM_001199954	1300	1319	-0.205379977	-0.173425765
NM_001123	1140	1159	-0.613089599	-0.769373023
NM_001007073	400	419	-0.053908966	-0.152699478
NR_045277	580	599	-0.097429776	-0.127846707
NM_006082	320	339	-0.806133127	-0.244010577
NM_002896	260	279	-0.147782159	-0.004053478
NM_001006	160	179	-0.113842345	-0.342744676
NM_004048	740	759	-0.155537161	-0.151842843
ENST00000361739.1	80	99	-0.753592814	-0.332531865
NM_003958	1280	1299	-0.427138777	-0.01058505
ENST00000361390.2	840	859	-0.677599531	-0.16963943
NM_016587	340	359	-0.178952654	-0.298418901
NM_001207019	360	379	-0.449648775	-0.177140607
NR_027159	1000	1019	-0.452910778	-0.418136331
NM_001135699	1260	1279	-0.394800313	-0.214759057
NM_001034077	120	139	-0.127569569	-0.064450182
NM_001689	520	539	-0.048662264	-0.140661287
NM_004152	180	199	-0.303819057	-0.313753689

NM_001865	260	279	-0.452251612	-0.589380281
NR_003038	60	79	-0.316649386	-0.171889139
NM_020810	5200	5219	-0.116121181	-0.161670988
NM_001099285	620	639	-0.295474858	-0.147800446
NM_001165931	1060	1079	-0.470449695	-0.526426248
ENST00000409170.3	200	219	-0.343567706	-0.326328991
NR_026673	340	359	-0.239164395	-0.315241755
NM_033022	440	459	-0.188530743	-0.094882476
NM_198336	2160	2179	-0.404235313	-0.393501193
NM_001204861	360	379	-0.298955196	-0.41263682
NM_080425	2900	2919	-0.255394405	-0.65330735
ENST00000361381.2	640	659	-0.354718335	-0.528320926
NM_001145160	900	919	-0.288539409	-0.408301341
NM_002106	720	739	-0.380358044	-0.421598058
NM_002013	120	139	-0.493331873	-0.449498428
NM_003548	120	139	-0.127569569	-0.064450182
ENST00000361381.2	280	299	-0.372376224	-0.446777962
NM_006808	420	439	-0.070994883	-0.181863494
ENST00000361624.2	400	419	-0.397237893	-0.35561426
NR_036430	200	219	-0.638317207	-0.5606212
NM_002727	660	679	-0.65220296	-0.069268702
NM_005319	80	99	-0.216355572	-0.05389996
ENST00000362079.2	200	219	-0.015811505	-0.030480218
NM_001568	740	759	-0.618279665	-0.108484247
NM_001142283	440	459	-0.188530743	-0.094882476
NM_033318	400	419	-0.800735045	-0.430783768
NM_001402	1000	1019	-0.197143828	-0.225598367
NM_002792	820	839	-0.784634319	-0.869448663
NM_001168254	620	639	-0.421534725	-0.235648849
NM_003544	120	139	-0.02784518	-0.317787056
NM_000992	40	59	-0.225176374	-0.483393327
ENST00000541726.1	500	519	-0.342478941	-0.65253573
NM_005004	560	579	-0.351843515	-0.529014593
NM_001135239	700	719	-0.077764685	-0.063947506
ENST00000409170.3	140	159	-0.36477519	-0.359309618
NM_001866	320	339	-0.018349909	-0.347499978
NM_006762	1100	1119	-0.388723298	-0.49118284
NM_001664	1400	1419	-0.615409919	-0.075369126
NR_037688	120	139	-0.194928776	-0.244555431
NM_006713	340	359	-0.470122747	-0.292371691
NM_021009	1640	1659	-0.130899292	-0.002244493
NM_014670	960	979	-0.520997491	-0.157322008
NM_145690	1320	1339	-0.491724869	-0.233979189
NM_016091	380	399	-0.552873205	-0.254427472
NM_012423	420	439	-0.213659545	-0.149758473
NR_003716	920	939	-0.04324156	-0.011135909
NM_002787	700	719	-0.516545429	-0.066547556
NM_001253379	880	899	-0.507421695	-0.382725018
NR_003033	0	19	-0.548594895	-0.050768947
NM_001113203	2900	2919	-0.461904864	-0.698574654
NM_199440	1960	1979	-0.409926548	-0.322966144
NM_002823	980	999	-0.165551756	-0.007639937
NR_033697	580	599	-0.462614035	-0.022457011
NM_002002	460	479	-0.13567989	-0.531734326
NR_027164	860	879	-0.482280194	-0.509097612
NM_003295	280	299	-0.734579257	-0.59410511
NM_031157	1280	1299	-0.062137424	-0.588911232
NR_026712	260	279	-0.444262412	-0.213862774
NM_144646	240	259	-0.353438802	-0.003492309

NM_013341	240	259	-0.363919125	-0.405780724
ENST00000505955.1	580	599	-0.066468039	-0.68428227
NM_001146227	60	79	-0.307379141	-0.123003289
NM_002568	2560	2579	-0.091150359	-0.101427718
NR_027170	780	799	-0.375067063	-0.505783283
NM_004462	860	879	-0.556543589	-0.513112723
NM_018955	840	859	-0.325020335	-0.401692129
NR_047688	160	179	-0.095906613	-0.285439788
NM_015380	580	599	-0.57467412	-0.844609781
NM_000126	360	379	-0.050833884	-0.077786465
NM_016093	440	459	-0.398457878	-0.356017757
NM_000986	220	239	-0.396606993	-0.461295486
NM_006585	960	979	-0.084685042	-0.202297496
NM_000977	600	619	-0.208382239	-0.211729242
NM_002032	740	759	-0.036213397	-0.015616761
NM_001270439	880	899	-0.018645021	-0.186544707
NM_001253383	420	439	-0.115230438	-0.242398156
NM_033251	780	799	-0.13389527	-0.045323352
NM_001207069	640	659	-0.520997491	-0.157322008
NM_001253380	760	779	-0.122659306	-0.217786181
NM_016093	420	439	-0.017497059	-0.276599695
ENST00000517961.1	60	79	-0.127097968	-0.240909567
ENST00000390306.2	180	199	-0.48500695	-0.363256423
NR_023343	60	79	-0.158389711	-0.192790856
NR_027160	1120	1139	-0.492002328	-0.396274354
NM_014426	940	959	-0.6237011	-0.693788388
NM_001184979	40	59	-0.15813614	-0.378405405
NM_000968	840	859	-0.665242076	-0.302607081
NR_002944	1080	1099	-0.061033059	-0.712819299
NM_006263	800	819	-0.864507658	-0.244082012
NM_003333	200	219	-0.298152956	-0.189085602
NM_001113202	760	779	-0.129032167	-0.126380518
NM_004537	520	539	-0.348344667	-0.408506667
NM_176783	980	999	-0.869354555	-0.271716446
NR_002325	20	39	-0.056752754	-0.087995358
ENST00000544920.1	220	239	-0.072295173	-0.524075428
NM_006577	1420	1439	-0.137795517	-0.404256203
NM_178587	780	799	-0.773949041	-0.447467809
ENST00000425943.2	400	419	-0.151812195	-0.160732126
NM_001242348	760	779	-0.31421294	-0.329189261
NR_002201	560	579	-0.303622216	-0.164964457
NM_001127711	320	339	-0.394937596	-0.347755909
NM_001002258	700	719	-0.141960923	-0.118273703
NM_002727	800	819	-0.524972424	-0.428232613
NM_015640	1400	1419	-0.165928618	-0.418966011
NM_001256892	220	239	-0.076605531	-0.096266298
NM_001040033	1320	1339	-0.495275526	-0.182256066
NM_002156	1980	1999	-0.409926548	-0.322966144
NM_013238	640	659	-0.103097346	-0.428768718
NR_027667	1040	1059	-0.615558702	-0.360689772
NM_002568	1000	1019	-0.269483032	-0.200116747
NM_139207	480	499	-0.102434591	-0.032271663
ENST00000390323.2	300	319	-0.132975029	-0.1711058185
NR_002440	0	19	-0.149326073	-0.302319501
NM_001206426	160	179	-0.214292387	-0.312141169
NM_001967	280	299	-0.423760237	-0.137568806
NR_045027	940	959	-0.445901616	-0.318593362
ENST00000362808.1	0	19	-0.395266884	-0.322434414
NM_001014	520	539	-0.187606369	-0.108822766

NM_001265605	1620	1639	-0.437420046	-0.085154922
NM_002948	680	699	-0.574661679	-0.411989586
NM_001024662	400	419	-0.065536398	-0.199158243
NM_006281	660	679	-0.490065096	-0.202190245
NM_032704	940	959	-0.60164502	-0.948928328
NM_001253380	900	919	-0.353931042	-0.215962817
NM_002952	640	659	-0.167668642	-0.159585177
NR_027167	800	819	-0.506982038	-0.409755074
NM_001688	580	599	-0.473752666	-0.445978088
NM_001034	900	919	-0.484624103	-0.609451301
NR_026712	240	259	-0.115252853	-0.340916163
NR_002819	2460	2479	-0.335608903	-0.334308183
NM_032747	360	379	-0.146912903	-0.016696535
ENST00000546176.1	200	219	-0.074854572	-0.009721027
NM_170679	460	479	-0.475247351	-0.2754674
NM_198337	2240	2259	-0.409747022	-0.722190577
NR_045277	600	619	-0.053562544	-0.007707566
NM_001614	1180	1199	-0.100124357	-0.057879976
NM_003544	40	59	-0.148977387	-0.235033119
NM_000884	580	599	-0.15885861	-0.164391458
NM_001142285	440	459	-0.016591727	-0.019164812
NM_015932	600	619	-0.059119991	-0.19470679
ENST00000361899.2	560	579	-0.094326534	-0.345404473
NM_170679	740	759	-0.245135783	-0.539542164
NM_002884	1300	1319	-0.299181175	-0.321835264
NM_000971	60	79	-0.531471558	-0.271586395
NM_001123375	200	219	-0.106019257	-0.301963903
NM_016226	140	159	-0.460592668	-0.295006624
ENST00000361624.2	900	919	-0.059316682	-0.287957663
NM_015702	460	479	-0.247714773	-0.24921475
NR_002559	0	19	-0.330761418	-0.262483793
NM_001253382	400	419	-0.270627638	-0.064448318
NM_170738	360	379	-0.12424827	-0.040587075
NR_000009	0	19	-0.024351572	-0.331863977
NM_001256721	360	379	-0.259727564	-0.330587299
NM_006721	940	959	-0.314187796	-0.333416144
NM_001099671	40	59	-0.350662166	-0.454559354
ENST00000365328.1	60	79	-0.351800676	-0.352191227
ENST00000401830.3	520	539	-0.301890281	-0.215842668
NM_021062	140	159	-0.25117141	-0.649144708
NM_001113203	2640	2659	-0.623871539	-0.357389167
NM_001267817	360	379	-0.455171151	-0.152639606
NM_000989	300	319	-0.403007989	-0.191770629
NM_006325	780	799	-0.599217814	-0.538527206
NM_001002031	680	699	-0.810062207	-0.745337284
NM_005721	2500	2519	-0.656044861	-0.445400938
NM_006294	200	219	-0.704147113	-0.290461294
NR_002312	60	79	-0.016933223	-0.145245192
NR_003662	1000	1019	-0.12540332	-0.248803361
NR_027168	820	839	-0.446210668	-0.372399942
NR_003048	0	19	-0.504178485	-0.154171886
NM_017830	600	619	-0.442173531	-0.191374494
NR_002308	320	339	-0.186774914	-0.050673929
NM_001204091	520	539	-0.192349971	-0.043289116
NM_003366	1060	1079	-0.557721891	-0.256645284
NM_007104	520	539	-0.364008309	-0.317516707
NM_001144831	1240	1259	-0.505256536	-0.235185917
NM_001253379	1000	1019	-0.42457762	-0.239472524
NM_001010	160	179	-0.371427457	-0.013200945

NM_000973	480	499	-0.384354952	-0.115759735
TCONS_00007196	80	99	-0.00459122	-0.165239265
NM_030939	340	359	-0.266711128	-0.400964464
NM_001199344	300	319	-0.134459351	-0.137557674
NM_001402	980	999	-0.031862756	-0.042790847
ENST00000361739.1	380	399	-0.39009199	-0.320015606
NM_001762	1980	1999	-0.101349224	-0.012381972
NR_023358	260	279	-0.426876219	-0.412712845
NM_001207	820	839	-0.131195675	-0.132272238
NM_014402	140	159	-0.409274052	-0.286327699
NM_003530	200	219	-0.336344076	-0.612440387
NM_001135239	1520	1539	-0.28453889	-0.584152447
NM_001142282	300	319	-0.009120161	-0.267985714
NM_001253380	640	659	-0.500206043	-0.329038019
NM_053275	740	759	-0.14667491	-0.041034054
NM_001130440	560	579	-0.496144706	-0.564502804
NM_004552	140	159	-0.369028694	-0.440766154
NM_001814	1500	1519	-0.663270254	-0.611789318
NM_007276	1840	1859	-0.133069402	-0.384493208
NR_028500	1580	1599	-0.44041399	-0.529217261
NR_003662	1260	1279	-0.055448044	-0.489107652
NM_001006	260	279	-0.441360378	-0.819610125
NM_001207067	960	979	-0.520997491	-0.157322008
ENST00000387429.1	0	19	-0.108562576	-0.203734359
NM_006191	1260	1279	-0.373162586	-0.05656843
NM_012423	260	279	-0.444262412	-0.213862774
NM_021058	20	39	-0.174177031	-0.060855929
NM_001402	860	879	-0.122549419	-0.147440294
NM_198195	320	339	-0.386291257	-0.173906376
NM_001614	120	139	-0.194928776	-0.244555431
NR_003140	0	19	-0.300021511	-0.120156077
NM_003514	280	299	-0.400000645	-0.348130515
NR_027158	680	699	-0.405990024	-0.473714867
NM_001204862	220	239	-0.142567373	-0.363162915
NM_000968	660	679	-0.134219327	-0.167210186
NM_002823	620	639	-0.250917862	-0.16184197
NM_004872	820	839	-0.563693474	-0.637574225
NM_001037637	1060	1079	-0.06800723	-0.09042978
ENST00000553637.1	40	59	-0.33339416	-0.436140016
NM_003910	260	279	-0.208219999	-0.086204129
NM_021009	1900	1919	-0.198710601	-0.264185828
NM_004951	640	659	-0.18603705	-0.382428089
NM_015932	220	239	-0.359830256	-0.204407222
NM_001040158	720	739	-0.22826572	-0.526346719
NM_016587	180	199	-0.575401056	-0.344060856
NM_001253384	600	619	-0.092326811	-0.161427249
NM_007107	200	219	-0.071340006	-0.421786732
NM_001198844	260	279	-0.147782159	-0.004053478
NM_001007074	420	439	-0.053908966	-0.152699478
NM_001265604	660	679	-0.536858547	-0.446752471
ENST00000446441.2	400	419	-0.399460686	-0.126892513
NM_178586	780	799	-0.773949041	-0.447467809
NM_000661	140	159	-0.308937896	-0.431076652
NM_004255	480	499	-0.138780213	-0.260500543
NM_001031684	1000	1019	-0.235959902	-0.540254753
NM_001025249	600	619	-0.056955434	-0.200106455
NM_001077490	2720	2739	-0.203805329	-0.183753661
NM_006930	1440	1459	-0.138490883	-0.321676993
ENST00000513764.1	40	59	-0.07547383	-0.144894033

NM_020675	420	439	-0.13627614	-0.266915888
NM_005517	760	779	-0.048838603	-0.281932393
NM_006597	1420	1439	-0.013624334	-0.057262638
NM_007285	560	579	-0.220398245	-0.480959315
NM_003133	580	599	-0.243104148	-0.408481873
NM_001199973	280	299	-0.019584188	-0.113036153
NM_006930	1580	1599	-0.009414037	-0.385135816
NR_047518	980	999	-0.080854076	-0.043139852
NM_001265605	560	579	-0.536858547	-0.446752471
NM_000970	820	839	-0.09290719	-0.020310181
NM_004060	2180	2199	-0.843638589	-0.64862069
NM_016491	860	879	-0.770772579	-0.681672201
NM_001012985	540	559	-0.15518271	-0.011804517
NM_015161	2040	2059	-0.070459003	-0.314251486
NM_001034996	300	319	-0.31013116	-0.286338737
NM_003295	300	319	-0.507894525	-0.507327795
ENST00000361624.2	280	299	-0.045668236	-0.187568243
NM_003542	180	199	-0.42353681	-0.49916251
NM_001253383	380	399	-0.335654438	-0.125835651
NM_002738	900	919	-0.11250125	-0.148073792
NM_003134	360	379	-0.435535268	-0.603543045
NM_001101	1680	1699	-0.528161363	-0.329176802
NR_037926	2620	2639	-0.399171337	-0.572396658
NR_036430	820	839	-0.006853085	-0.288836133
NM_001099670	40	59	-0.350662166	-0.394600832
NM_018465	660	679	-0.177908364	-0.213415843
NM_002787	340	359	-0.017740702	-0.285795047
ENST00000446441.2	180	199	-0.518286005	-0.351091822
NM_002727	340	359	-0.227401736	-0.17829023
ENST00000387314.1	20	39	-0.842083984	-0.833446986
NM_001199355	100	119	-0.161619152	-0.121208695
NM_003017	760	779	-0.296729404	-0.361280333
ENST00000361624.2	920	939	-0.13581833	-0.096209151
ENST00000361624.2	1220	1239	-0.08423603	-0.105344102
NM_014412	660	679	-0.017261082	-0.227288721
NM_001165258	360	379	-0.024901469	-0.5824828
NM_002793	740	759	-0.178363411	-0.163687602
NM_016050	440	459	-0.165432476	-0.024008976
NR_036610	1220	1239	-0.292939474	-0.365125466
ENST00000438607.2	240	259	-0.007470554	-0.050288176
NM_021227	560	579	-0.573976914	-0.372513116
NM_003509	380	399	-0.271802184	-0.090861927
NM_001007	80	99	-0.15650448	-0.25897723
NM_021237	500	519	-0.342478941	-0.649588461
NM_001165415	1420	1439	-0.308381295	-0.501485169
NM_033301	520	539	-0.592358913	-0.099078684
NM_001002258	720	739	-0.018667608	-0.517825277
NM_016139	720	739	-0.346317324	-0.116080706
NM_080426	820	839	-0.203805329	-0.183753661
NR_047517	2160	2179	-0.332891123	-0.54899731
NM_001012321	120	139	-0.309043961	-0.181674883
NM_003017	840	859	-0.54632693	-0.157066999
NM_002719	780	799	-0.773949041	-0.447467809
NR_036610	1160	1179	-0.110277053	-0.02094546
NM_014463	120	139	-0.099818437	-0.430835587
NM_001011725	2040	2059	-0.229125525	-0.466823257
NM_001948	480	499	-0.498421233	-0.399406707
NM_005499	540	559	-0.624406751	-0.541898227
NM_178547	220	239	-0.66033831	-0.696367099

NM_001142282	440	459	-0.188530743	-0.094882476
NM_003908	340	359	-0.139343179	-0.281139085
NM_001099285	900	919	-0.501518458	-0.041852459
NM_001113203	2700	2719	-0.202793364	-0.262270473
NM_033301	860	879	-0.745231956	-0.484916974
NM_001077488	1040	1059	-0.215911591	-0.68278247
NR_037929	860	879	-0.442297807	-0.498940623
NM_006597	1700	1719	-0.491953564	-0.0655661
NM_001034996	740	759	-0.320375215	-0.497664763
NR_027161	1120	1139	-0.422343511	-0.406172776
NM_021018	180	199	-0.292673139	-0.031556475
ENST00000448615.2	660	679	-0.273947543	-0.14396371
NM_002295	920	939	-0.036264767	-0.400631244
NM_001142284	440	459	-0.188530743	-0.094882476
NM_001404	200	219	-0.364533773	-0.048956462
NM_002046	1320	1339	-0.019913874	-0.476245144
NM_001568	1440	1459	-0.153059687	-0.199396342
ENST00000361453.3	880	899	-0.365528648	-0.075428443
NM_001243131	460	479	-0.157985927	-0.120041048
NM_001035258	40	59	-0.793348759	-0.710099561
NM_000985	460	479	-0.073218918	-0.059590191
NM_000970	580	599	-0.027225022	-0.541829767
ENST00000435879.2	420	439	-0.01810107	-0.014137736
NM_033280	600	619	-0.553467208	-0.020273252
NM_001142285	300	319	-0.07520626	-0.32702401
NM_001539	1300	1319	-0.433086333	-0.23221574
NM_005022	260	279	-0.060840127	-0.354508795
NM_001035258	220	239	-0.078060943	-0.075731998
NM_003539	220	239	-0.519977116	-0.190047207
NR_045277	800	819	-0.096374457	-0.098220292
NM_000975	40	59	-0.045849459	-0.168779483
NR_026712	420	439	-0.080584634	-0.009204381
NM_006098	760	779	-0.491931228	-0.492839702
NM_014426	900	919	-0.198676839	-0.189013521
NM_001002251	580	599	-0.56470539	-0.238783691
NR_003932	420	439	-0.080584634	-0.009204381
NM_002488	460	479	-0.462614035	-0.022457011
NM_001012321	860	879	-0.440508409	-0.414467389
NM_001199954	240	259	-0.375165417	-0.453192702
NM_001156	560	579	-0.414706681	-0.221668639
NM_016619	440	459	-0.269228515	-0.169142883
NM_006793	280	299	-0.19189721	-0.246096039
NM_005888	1180	1199	-0.215298626	-0.373512686
NR_002315	740	759	-0.243025935	-0.060961314
NM_007276	400	419	-0.347711181	-0.390730686
NM_000994	300	319	-0.080497979	-0.210810297
NM_001418	1180	1199	-0.349896164	-0.338763907
ENST00000540179.1	180	199	-0.127534899	-0.116682855
NM_001404	1440	1459	-0.431468398	-0.223370397
ENST00000495461.1	520	539	-0.210485041	-0.439448152
NM_001005782	260	279	-0.554041134	-0.620070872
NR_003010	20	39	-0.826165476	-0.532888893
NM_003973	240	259	-0.643367556	-0.578004436
NM_001011724	2180	2199	-0.305077486	-0.548278235
NM_001077490	2900	2919	-0.255394405	-0.65330735

Supplementary Table 2 Top 2000 genes with biggest gene level structural disruptions

Transcript	Pearson Correlation	Transcript Coverage	Transcript Length	eSDC
NR_001564	0.003262207	24.21571577	19279	138.395885
TCONS_00016926	0.003189958	24.02060732	19264	138.3520629
TCONS_00017342	0.003280692	25.10391299	16917	129.6386638
TCONS_00017339	0.003348584	25.19669607	16888	129.5186766
NM_001134407	-0.01765816	1.01838736	14683	123.3131292
NM_000833	-0.017646943	1.0359269	14445	122.3082931
NM_182961	0.28539858	1.221205132	27747	119.0342369
NM_033071	0.284714028	1.23510332	27438	118.4829705
TCONS_00017337	-0.001623401	23.39395973	13409	115.985222
TCONS_00017340	-0.030463143	25.20743187	12109	113.3930932
ENST00000561463.1	0.121827002	3.215183142	15042	107.7042576
NM_020759	0.163856854	1.365631417	15583	104.3773267
NM_001014797	0.058317438	1.231699183	11993	103.1260647
NM_144666	0.174080205	1.49878902	14863	100.6911066
NM_033656	0.256703707	1.550598233	17885	99.40459019
NM_001205293	0.192947835	3.368438494	15087	99.12953118
NM_000721	0.191792091	3.343806404	14958	98.84617325
NM_001205294	0.191616812	3.295329486	14901	98.67905462
NR_026800	0	4.116196817	9612	98.04080783
NM_173569	0.190458758	1.387496538	14443	97.28988377
NM_015512	0.151381975	1.130587338	13109	97.16213159
NM_005909	0.112584394	1.270306369	11978	97.12235759
NM_080685	-0.036326782	6.002798181	8576	95.97079842
NM_080683	-0.036175493	6.037724831	8561	95.87283389
NM_006264	-0.036355796	6.029276896	8504	95.56976241
NM_014911	0.344998795	2.138208324	21264	95.51346063
NM_021116	0.151106854	2.049527924	12497	94.89774918
NM_004654	0.057149244	1.26314741	10039	94.46875256
NM_007249	0.102710339	2.061142176	10908	93.71416252
NM_182914	0.367178075	4.528728802	21876	93.59776417
NM_017759	0.214303218	1.952886248	14135	93.41204515
NM_001009899	0.203211505	1.850660247	13706	93.28212233
NM_015180	0.370760574	4.570491954	21810	92.92739424
NM_021961	0.042954233	1.106096007	9415	92.86303399
NM_080684	-0.037848507	5.930279134	7988	92.75834532
NM_017412	0.210915073	1.579821571	13786	92.64945839
NM_001008537	0.146582317	1.408295639	11716	92.37433365
NM_145866	0.212697872	1.575722291	13740	92.2857809
NM_173690	0.16672504	1.12039312	12209	92.07216992
NM_015378	0.28297678	2.276151396	16327	91.61918339
NM_001144877	0.168849507	1.113582077	12140	91.57754783
NM_002336	0.089510189	1.264306258	10082	91.42151982
NM_000092	0.103162674	1.202301518	10340	91.19561244
NM_018156	0.286086593	2.286839353	16252	91.01206008
NM_004274	0.115002464	1.042071821	10386	90.19162683
NM_001145365	0.161709996	1.521754264	11491	89.86140402
NM_024408	0.163607257	2.615733473	11465	89.55653572
NM_014897	0.16139957	1.537410769	11346	89.32570868
NM_000081	0.23055525	1.347135649	13475	89.31858362
NM_015284	0.249095936	2.667072037	13978	88.77833033
NM_024503	0.203191433	1.540799871	12401	88.73242455
NM_014786	-0.001431978	1.07077947	7812	88.51208533
NM_134260	0.156678602	1.158665212	10997	88.43623244
NM_002943	0.156626589	1.161563696	10973	88.34512604

NM_001127714	0.205499651	1.537705983	12318	88.17880163
NM_006885	0.304695577	2.360913958	16061	88.11732064
NM_007314	0.203730123	1.274392737	12226	88.04455083
NM_001168236	0.203681322	1.278444591	12163	87.82279523
NM_134261	0.156653091	1.176856298	10827	87.75266725
NM_001162501	0.351998637	3.549070022	18279	87.60968848
NM_001410	0.163788304	1.469086267	10965	87.56298448
NR_033289	0.162268309	1.008882784	10919	87.53795124
NM_015312	0.300923361	3.070882825	15574	87.24185171
TCONS_00029545	0.14419381	1.017075053	10365	87.12846775
NM_015088	0.350239873	3.611866295	17949	87.05088404
NM_003482	0.37548871	5.291879087	19418	87.02470154
NM_005158	0.205102282	1.292462312	11939	86.85508032
NM_134262	0.159842541	1.208829319	10668	86.77651226
NM_012194	0.197682253	2.327194492	11619	86.4830056
NM_182643	0	1.682577885	7478	86.47543004
NM_024734	0.234952944	2.417647059	12749	86.38258752
NM_015279	0.024902767	1.232234151	7823	86.24513164
NM_001024843	0.318688541	3.242997682	15958	86.06665494
NR_033319	0.142421661	1.04624105	10055	85.99334455
NR_003491	0.149770868	1.046454528	10181	85.7889199
NR_033320	0.146842746	1.041650178	10107	85.77095007
NM_001168237	0.214540247	1.281087431	11917	85.74472395
NM_001168238	0.212698245	1.286461409	11854	85.71832597
ENST00000253320.4	0	1.806000822	7298	85.42833254
NM_005036	0.147782001	1.116529008	10048	85.42608739
TCONS_00029323	0.154548615	1.02029502	10100	84.96681266
TCONS_00029322	0.153087807	1.010248756	10049	84.89845926
NM_001136000	0.213290298	1.300919955	11630	84.84072348
NM_177538	0.189632329	1.07328886	10942	84.76771222
NM_001168239	0.211848982	1.30895574	11567	84.76563282
NM_001001928	0.151505336	1.108278976	9964	84.69659963
TCONS_00029324	0.152050283	1.039394547	9975	84.68891165
NM_001100164	0.138546823	1.386172532	9632	84.54538651
NR_033321	0.153894454	1.057904228	9981	84.53013633
NM_001040653	0.248073798	1.563809524	12599	84.40015738
NM_014721	0.138003096	1.398594061	9530	84.14961949
NM_014331	0.147882114	1.299647595	9647	83.69428832
NM_001204087	0.268976473	2.830386529	13064	83.55442215
NM_000091	0.071874676	1.896381376	8096	83.51065158
NM_153252	0.262600913	2.348784492	12792	83.40110815
NM_001100165	0.139770437	1.423613329	9392	83.36685258
NM_000138	0.229453187	2.084395041	11694	83.32600751
NM_032410	0.308335383	3.263919668	14439	83.11207353
NM_001100166	0.139229261	1.436766764	9290	82.96508303
NM_002249	0.274246966	2.884178187	13019	82.8090254
NM_032875	0.188539808	1.058568539	10380	82.67341856
NR_027130	0.238359348	1.274976538	11720	82.4544164
NM_024776	0.244329725	2.820089701	11816	82.1424364
NM_001145909	0.051588788	1.004273504	7487	82.0636059
NM_001039547	0.172899361	1.090779709	9836	82.02903759
NM_014048	0.117441492	2.070998379	8633	82.00198713
NM_001184906	0.192056022	1.022168206	10284	81.93364626
NM_014611	0.379324787	5.901034483	17399	81.8703309
NM_020245	0.224946411	2.020685313	11118	81.72314409
NM_023073	0.227752288	1.607197071	11198	81.71971844
NM_033394	0.057536224	1.035167177	7506	81.65239859
NM_173076	0.145419397	1.023516484	9099	81.51731449

TCONS_00017341	-0.040690269	21.45575439	6090	81.2138577
NM_001001396	0.14313808	1.222982063	8919	80.92243165
NM_015074	0.213448438	1.898024761	10580	80.90400698
NM_015035	0.192397805	1.16064458	9990	80.71982926
NM_032440	0.208270769	1.875096302	10383	80.67483886
NM_020354	0.128342	1.225482174	8554	80.61776309
NM_001170765	0.208943994	1.888556542	10363	80.52856892
NM_014877	0.315298789	4.626030369	13829	80.51864994
NM_024513	0.127952972	1.68102841	8517	80.47912207
NM_015120	0.295584912	2.828741681	12921	80.07126924
NM_001198783	0.324772878	3.457045163	14037	79.99945496
NM_001684	0.144858264	1.253488904	8741	79.9500359
NR_037163	0.324453274	3.460319736	13948	79.78318379
NM_002697	0.323645032	3.470118662	13904	79.7525474
NM_001198786	0.319233039	3.452828813	13715	79.72533932
NM_170606	0.386858283	7.468271854	16861	79.61639879
NM_018351	0.175330946	2.168066322	9287	79.47259983
NM_024947	0.294469609	4.089488636	12671	79.41840701
NM_017890	0.332170625	3.521914894	14099	79.29753242
NM_001083602	0.116837022	1.262824494	8050	79.23896519
NM_152564	0.331852148	3.551372549	14024	79.1240535
NM_133631	0.085962414	1.11008807	7493	79.12102792
NM_014598	0.115117776	1.399097518	7977	79.03241752
NM_020964	0.299924199	2.644510947	12697	78.88521722
NM_000264	0.115027736	1.287926476	7942	78.8668692
NM_133263	0.235105353	2.354380352	10626	78.84724571
NR_046216	0.216285211	1.006349836	10078	78.67653397
NM_002830	0.262737203	1.372056239	11379	78.64558884
NM_001145845	0.081397672	1.109018966	7328	78.63579327
NM_007124	0.294773875	3.79824632	12430	78.62559707
NR_040023	0.139403812	1.31921785	8335	78.5691799
NM_001080534	0.129541052	3.839434889	8139	78.52967827
NM_032270	0.074962306	2.095323991	7206	78.52474934
NM_001083603	0.116752479	1.287450931	7896	78.4848797
NM_001172699	0.236178568	2.328147235	10540	78.41734707
NM_001172698	0.235119189	2.350903901	10509	78.4105431
NM_001164766	0.307365344	2.51111459	12775	78.28610253
NM_001083607	0.116712718	1.301650249	7816	78.08978958
NM_001114132	0.17953474	1.450761758	9057	78.08226101
NM_001142523	0.136906189	1.704157979	8152	77.92738229
NM_017686	0.173240967	1.521797905	8876	77.89105664
NM_007199	0.14768091	1.737164107	8335	77.81351214
NM_003162	0.345380871	2.353579022	14109	77.75651877
NM_006094	0	2.12772998	6043	77.7367352
NM_004758	0.114070846	1.243180047	7697	77.72482213
NM_001083606	0.116676131	1.316673124	7742	77.72246204
NM_170782	0.291106321	3.104178879	11940	77.46103
NM_001261835	0.11588755	1.243644896	7670	77.42927417
NM_001127715	0.199516446	1.674828914	9351	77.40721495
NM_144571	0.174537976	1.622469866	8793	77.40439753
NM_001083604	0.11661629	1.327111343	7660	77.315002
NM_001083605	0.116606153	1.330062794	7643	77.23004712
NR_026718	0.093700935	1.245488359	7258	77.21114871
NM_001170704	0.282246208	3.160163025	11531	77.07419223
NM_016200	0.311438437	2.123242812	12519	77.04200836
NM_145686	0.118756309	1.637743751	7640	77.02694973
NM_139244	0.199539219	1.699264388	9243	76.95671747
NM_001455	0.101961952	1.910502656	7340	76.93833209

NM_018388	0.284608162	3.185471944	11494	76.69721203
NM_175625	0.214814704	1.320889262	9535	76.67124348
NM_201559	0.103441109	1.918375718	7313	76.67020215
NM_024418	0.115834457	1.241021548	7517	76.65771346
NM_001267843	0.268838452	1.831800382	10980	76.61512491
NM_001037165	0.275804323	3.684299884	11190	76.60744376
NM_001161352	0.033580645	3.480962243	6276	76.56091001
NM_022166	0.207696763	2.934340189	9335	76.55059866
NM_001130048	0.124328221	1.423615656	7638	76.52990608
NM_001197104	0.406139886	7.180004821	16593	76.49738931
NM_019590	0.131569716	1.606009801	7753	76.4662605
NM_005933	0.406522017	7.185287911	16584	76.42743014
NM_133486	0.286417817	3.074319609	11463	76.39996223
NM_175624	0.205949177	1.379258138	9246	76.35284864
NM_001170701	0.282955129	3.196611366	11331	76.32739726
NM_015657	0.151124861	1.021768707	8084	76.3232696
NM_015335	0.212092263	3.851034336	9377	76.29697559
NM_014971	0.118648785	1.104049343	7457	76.1081349
NM_001170703	0.282932116	3.215623613	11264	76.10384386
NM_001164271	0	2.175077774	5785	76.05918748
NM_014818	0.230423211	2.328411771	9752	75.99741262
NM_014643	0.181971244	2.025388361	8625	75.97104889
NM_001242560	0.124740697	1.591603561	7526	75.93095161
NM_002941	0.082012596	1.13349905	6838	75.91039837
NM_001170702	0.285918119	3.170237252	11295	75.89114947
NM_015296	0.126118522	1.464371178	7521	75.78623445
NM_003417	0.313424768	1.497410178	12162	75.71651768
NM_001620	0.448083394	9.026202498	18814	75.70316401
NM_001113490	0.092061097	1.239164867	6944	75.65915403
NM_001007561	0.231997691	1.768349334	9686	75.58485046
NM_145287	0.086388714	1.017767988	6809	75.38815643
NM_001168724	0.208318725	1.71655203	9013	75.15970354
NM_181489	0.25763114	2.636452337	10248	75.1517857
NM_000052	0.18487478	2.188619227	8487	75.09334181
NM_001161353	0.048332842	3.449405718	6225	75.08527225
NM_002673	0.123308652	1.09753762	7309	74.95070138
NM_001193583	0.05941641	1.077020003	6348	74.9403741
NM_175623	0.237172219	1.392175176	9635	74.87767669
NM_001089	0.080127542	1.081081081	6622	74.85523949
NM_014339	0.193933036	1.438531257	8605	74.773302
NM_001193582	0.065800379	1.057602248	6405	74.76515775
NM_021723	0.226348203	1.802978359	9333	74.74052971
NM_001193584	0.059305164	1.088072232	6312	74.73641388
NM_001146705	0	2.358537896	5580	74.69939759
NM_020909	0.081224704	1.001513546	6606	74.67557822
NM_002184	0.215510677	3.612368857	9054	74.64612749
NM_022456	0.228350029	1.452123676	9346	74.59903895
NM_175767	0.212979115	3.527307178	8971	74.54296886
NM_017754	0.240854572	3.124675594	9632	74.5046224
NM_021722	0.228270498	1.808439815	9312	74.47089732
NM_001013620	0.258490172	2.297994838	10073	74.42114174
NM_001007466	0.198661295	1.840682293	8617	74.38650708
NM_002247	0.047994085	3.598066525	6102	74.3662271
NM_004898	0.27340684	1.932964095	10471	74.35075531
NM_004834	0.130844716	1.600109334	7316	74.34199706
NM_014831	0.273983909	1.440671499	10483	74.33426286
NM_014844	0.202401132	1.040179599	8685	74.33090836
NM_005010	0.065121087	1.095381208	6321	74.32728326

NM_001079843	0.165550482	1.015252742	7932	74.31755635
NM_018036	0.295697621	2.752500225	11098	74.1961748
NM_006750	0.249414202	1.588885477	9770	74.19038499
NM_001190981	0.213242901	3.519724977	8871	74.10149326
NM_004653	0	2.44005102	5487	74.07428704
NM_001130082	0.123552185	1.120397592	7142	74.06891544
NM_012340	0.146972173	1.929700997	7524	73.9924814
NM_001037132	0.068245268	1.008406027	6304	73.9792134
NM_001184937	0.081204885	1.010963558	6475	73.93303995
NM_000059	0.307174931	4.148691375	11385	73.92479198
NM_001030055	0.246545316	1.795710121	9603	73.83471478
NM_020791	0.328304629	5.214220677	12080	73.8254023
NM_022918	0.22520667	1.801982379	9079	73.8252424
NM_001173	0.246646425	1.793771482	9600	73.81327421
NM_014631	0.303965453	3.198719659	11246	73.81248651
NM_016351	0.231504333	1.836115326	9225	73.81159852
NR_033149	0.224222949	1.771501216	9045	73.7804354
NM_145687	0.124143903	1.714184898	7084	73.71774361
NM_133265	0.08683226	1.219066626	6513	73.69552207
NM_001042492	0.339209139	4.437344064	12424	73.65373065
NM_001127510	0.292517249	3.195977118	10837	73.64959997
NM_032242	0.226578379	2.134458416	9065	73.63769958
NM_001099666	0.265799146	2.64819421	10050	73.60340671
NR_033711	0.080718788	1.312997347	6408	73.58844664
NM_001080495	0.284538792	3.06064333	10569	73.55344872
NM_001166051	0.120657198	1.062348062	6992	73.52904457
NM_001166052	0.120428237	1.066265922	6986	73.51662638
NM_001136021	0.148177816	1.917282127	7446	73.50391349
NM_001166053	0.120656352	1.063251288	6987	73.5028202
NM_001002860	0.200514801	2.755208333	8447	73.47873569
NM_001166054	0.120655504	1.064012602	6982	73.47658646
NM_000267	0.339560113	4.451787737	12361	73.42772918
NM_001127511	0.294573708	3.134024435	10803	73.32023201
NM_000038	0.292527452	3.229263747	10729	73.2806335
NM_173075	0.223540857	1.776779699	8905	73.2715823
NM_173091	0.150709814	1.922952804	7436	73.23619898
NM_005128	0.164224529	1.202239875	7678	73.23415501
NM_001166050	0.226838166	1.761925992	8971	73.2303038
NM_001242559	0.135002034	1.732486743	7165	73.21889727
NM_194314	0.205369912	1.310243097	8473	73.14482557
NM_015409	0.340930665	6.069497443	12316	73.14185074
NM_004307	0.228413448	1.771142061	8974	73.09331898
NM_025142	0.322463548	5.100197645	11636	73.08605528
NM_001142885	0.232997265	1.799471133	9075	73.06682385
NM_005338	0.185747714	1.184613469	8032	72.97445104
NM_014548	0.23889277	1.897539199	9183	72.93536142
NM_001146706	0	2.318036487	5316	72.91090453
NM_001099270	0.101370735	1.307786073	6562	72.79451732
NM_001258292	0.151988196	1.910313901	7358	72.7414224
NM_001012981	0.138726058	1.302133034	7125	72.69988803
NM_181552	0.380469567	2.573288718	13746	72.63581517
NM_015473	0.181752629	1.360831315	7842	72.4599513
NM_173822	0.250615222	2.332369013	9332	72.39227619
NM_001024647	0.230380268	1.266319719	8838	72.35244175
NM_206855	0.434920923	2.900623396	16361	72.27933521
NM_014982	0.364895185	5.006734267	12918	72.18434919
NM_000208	0.241641582	5.848548405	9058	72.17564445
NM_004667	0.418267722	5.456975228	15339	72.04795949

NM_001130699	0.129955525	1.133566638	6857	72.04577675
NM_001130700	0.128620332	1.141830449	6817	71.94557189
NM_001109662	0.421240518	6.370355987	15449	71.93633464
NM_001858	0.22995029	1.162063037	8724	71.9244567
NM_203446	0.146660057	1.200450768	7098	71.89357367
NM_001243198	0.190560592	1.166243655	7879	71.84886216
NM_015553	0.130038934	1.139691856	6814	71.81263809
NM_003895	0.146237922	1.21639576	7074	71.80743078
NM_001160302	0.146109721	1.2066865	7058	71.73694807
NM_001009944	0.39679572	4.549794879	14137	71.72045617
NM_001202543	0.391253439	2.65808638	13868	71.68750038
NM_000332	0.305538556	3.713896202	10635	71.61712559
NM_000296	0.397748473	4.548638132	14134	71.5995764
NR_033710	0.072337628	1.352901598	5944	71.52030233
NM_021005	0	2.854598826	5109	71.47726911
NM_001167741	0.194316444	1.835325534	7863	71.44282802
NM_015048	0.211006232	3.08395363	8194	71.42028071
NM_021946	0.154009723	1.072541041	7126	71.41480931
NM_001164273	0.349516822	4.12099319	12041	71.37848866
NM_001128164	0.306867736	3.715783508	10586	71.31519264
NM_001160306	0.14502356	1.254825699	6941	71.23036495
NM_001079817	0.25011559	6.181092763	9022	71.22717768
NM_006654	0.140693899	1.246357809	6863	71.18768907
NM_007250	0.034282282	1.039660579	5420	71.09676545
NM_139321	0.236425969	1.993414211	8654	71.03290812
NM_152405	0.256581797	1.634680688	9128	71.02659683
NM_017757	0.206636284	1.968656344	8007	70.99164644
NM_001166271	0.228558522	1.866382878	8456	70.9390671
NM_001042555	0.143706628	1.259588741	6856	70.9019185
NM_004022	0.172619272	1.239542172	7338	70.87519298
NM_024963	0.219791606	2.227609673	8228	70.77139564
NM_152424	0.230321516	1.145445932	8442	70.71833391
NM_001010891	0.201631699	1.859910771	7844	70.70857378
NM_133646	0.166545864	2.113044689	7182	70.63247207
ENST00000338983.3	0.166314361	2.114500627	7178	70.63241368
NM_004992	0.302229788	2.092080851	10240	70.60938087
NM_001258296	0.157015282	1.984453002	7010	70.57952166
NM_182557	0.197660333	1.70922719	7737	70.57397223
NM_004285	0.261415268	3.41503017	9114	70.51066941
NM_018489	0.350443381	5.192033294	11773	70.47913816
NM_020746	0.350369304	5.277461558	11770	70.47819435
NM_003922	0.428284014	7.808054221	15196	70.47660557
NM_004013	0.181459779	1.261133603	7409	70.45629829
NM_020825	0.195631768	2.218167601	7672	70.45457626
NM_003033	0.156465874	2.275570219	6970	70.42373359
NM_001142386	0.37804833	4.033179435	12778	70.30530233
NM_001170766	0.20336092	1.983819186	7786	70.29408901
NM_014916	0.257533307	2.402683063	8944	70.21709719
NM_052947	0.178805153	1.005342466	7299	70.15811262
NM_001258294	0.157509963	1.987884033	6932	70.14456896
NM_016252	0.440533371	10.39077824	15701	70.10320012
NM_180989	0.256669964	2.014084507	8874	70.02310975
NM_001128159	0.388861233	2.95574546	13105	69.96137663
NM_152756	0.284087871	3.366516312	9532	69.89590578
NM_001258297	0.161164482	1.977899754	6922	69.78990525
NM_007137	0.213030209	1.440895788	7858	69.76122111
NM_004021	0.188716515	1.185822716	7377	69.68070354
NM_022455	0.389485759	6.252792113	12982	69.56112565

NM_001256126	0.159589701	3.560502116	6850	69.55632878
NM_001206491	0.354162922	5.220334598	11595	69.5437893
NM_001242784	0.166998378	1.378541637	6952	69.45455432
NM_020812	0.131934026	2.04078125	6399	69.43985229
NM_001098500	0.113292176	1.503021395	6122	69.37886701
NM_022068	0.296108457	7.949655101	9712	69.36814555
NM_001258295	0.161691792	1.981300219	6844	69.35195668
NM_001029884	0.184864666	1.03343927	7236	69.33922737
NM_012294	0.148151929	1.171549381	6621	69.31447499
NM_003874	0.235984677	2.964876033	8227	69.29833774
NM_198468	0.254859956	2.576535925	8642	69.26997552
NM_001184879	0.238696983	2.923662278	8278	69.26602448
NR_037921	0.357029162	5.240041386	11597	69.24112327
NM_205843	0.229228014	3.298710957	8067	69.22802634
NM_015245	0.131432196	1.39001732	6350	69.21346467
NM_203463	0.162705119	3.634539329	6826	69.17697672
NM_206854	0.44335862	3.020110282	15414	69.10877025
NM_001122665	-0.013368004	4.053786575	4647	69.08019012
NM_173344	0.161973516	2.26536643	6767	68.93754794
NM_019001	0.313967013	4.043400713	10091	68.91473677
NM_001245002	0.23181924	3.32616532	8044	68.8968643
NM_001080541	0.355205333	4.160665791	11414	68.88749162
NR_024368	0.320196154	3.145474033	10262	68.86516973
NM_000351	0.138239463	2.730594323	6376	68.81145745
NM_001243476	0.128669317	1.901331622	6232	68.78547328
ENST00000568686.1	0.034780216	1.034142491	5066	68.70032752
NM_032199	0.229412729	3.538723083	7940	68.66447159
NM_014830	0.130692021	1.004969542	6237	68.65331904
NM_001042604	0.315746179	4.072814085	10052	68.60305737
NM_172071	0.345973501	4.605856675	10995	68.57928641
NM_001031701	0.192688178	1.435542002	7213	68.56449446
NM_022740	0.444345282	10.21622332	15224	68.55977662
NM_001204	0.3760059	4.605468103	12069	68.55136819
NM_001245005	0.230728479	3.338514026	7913	68.43058264
NM_001100829	0.251731951	1.8056685	8361	68.42051089
NM_004020	0.186857264	1.203813559	7079	68.41522235
NM_014363	0.452979138	8.87435258	15638	68.40604689
NM_001145354	0.355211263	3.543936028	11254	68.40233046
NM_144993	0.347877319	4.555727554	10981	68.33610972
NM_032116	0.213711687	1.29706116	7553	68.33474262
NM_001184881	0.242357763	2.907749077	8129	68.30975681
NM_198236	0.177238862	1.55247496	6888	68.28421789
NM_005597	0.227126705	3.267905189	7804	68.2758211
NM_005633	0.251653719	3.598701611	8317	68.24737561
NM_002662	0.120690506	1.389543568	6024	68.24710661
ENST00000560295.1	0.294470307	4.276053927	9345	68.20323099
NM_001014380	0.213209062	1.285543131	7511	68.18804357
TCONS_00023422	0.235747805	2.001005278	7957	68.17283795
NR_045128	0	1.55292599	4647	68.16890787
NM_080616	0.128015605	1.274827925	6101	68.10974044
NM_001245004	0.233294067	3.3647193	7890	68.10316974
NM_182762	0.288655491	4.803996506	9157	68.07013166
NM_001257273	0.30352528	2.498532802	9541	68.03028732
NM_001113239	0.447269971	10.25528262	15143	68.01724246
NM_001023563	0.32415706	1.266047798	10125	68.00538401
NM_001202513	0.092747985	1.223231783	5612	67.96522712
NM_183416	0.224140638	1.548408142	7663	67.91761361
NM_013255	0.358174296	3.628453903	11182	67.86984379

NM_004660	-0.013191381	4.236631016	4487	67.86869856
NM_001160147	0.402854342	4.870212436	12897	67.8148224
NM_002357	0.095040205	1.230235043	5615	67.81162716
NM_001168272	0.328566984	5.740021575	10196	67.79811293
NM_001134408	0.01473345	1.482787751	4734	67.79034833
NM_001184882	0.236807869	2.772381435	7885	67.76957043
NM_001099220	0.184177941	1.133101348	6896	67.7476243
NM_003724	0.290596669	2.943176832	9115	67.72851595
NM_001098501	0.114660708	1.636876282	5851	67.72122233
NM_001918	0.34892484	2.120758206	10814	67.70555599
NM_001145078	0.323022859	1.248524852	9998	67.69094401
NM_001962	0.073235492	2.098219306	5334	67.68554014
NM_001174116	0.342803435	4.820360411	10598	67.65614411
ENST00000438002.1	-0.347924475	2.471031746	2519	67.65184464
NM_001202514	0.094779277	1.214285714	5585	67.64973133
NM_015207	0.161846566	1.195118207	6513	67.64163052
NM_030637	0.404055461	4.902384096	12876	67.62329504
NM_015263	0.343133601	4.815873915	10595	67.61258296
NM_025134	0.36864122	6.233728843	11461	67.59078353
NM_002855	0.08690985	1.902189781	5479	67.58717711
NM_001160148	0.406422679	4.906797315	12960	67.57402687
NM_014784	0.178729617	1.514108436	6768	67.56415297
NM_001130081	0.12114774	1.372864152	5910	67.5631072
NM_024646	0.251196788	2.345124048	8141	67.56263448
NM_172349	0.388872505	6.357845548	12197	67.49293826
NM_003747	0.311299135	3.255130743	9598	67.47159883
NM_033502	0.225566618	4.029815303	7579	67.42019722
NM_001076786	0.299944845	3.46714856	9268	67.39462651
NM_001164715	0.143402624	1.090056589	6184	67.3614582
NM_178006	0.125206857	2.011137361	5925	67.33634625
NM_018012	0.211350059	1.464800329	7286	67.31763634
NM_001099952	0.330085214	5.883937413	10097	67.31560312
NM_183238	0.14520135	1.067355839	6190	67.25261136
NM_002222	0.329617756	5.862827017	10052	67.21229773
NM_014825	0.353553538	4.548019985	10807	67.20245502
NM_173511	0.115652071	1.695998614	5772	67.18716627
NM_014155	0.305278724	2.86745182	9339	67.13682315
NM_001039580	0.215857846	1.250034102	7330	67.13465916
NM_198450	0.165840527	1.984691511	6466	67.07596607
NM_015071	0.295084456	4.078531136	9040	67.02260484
NM_001025108	0.256462109	2.922536946	8119	66.99684879
NM_018963	0.286833661	2.106972519	8805	66.91993593
NM_052851	0.129758877	2.09824322	5862	66.62887938
NM_145290	0.013249788	1.005482456	4559	66.62573676
NM_002285	0.262056562	2.953791324	8136	66.56233452
NM_006139	0.047911678	1.739869014	4885	66.5440949
NM_198484	0.267130641	2.434904056	8233	66.49754656
NM_020673	0.285250634	2.461565137	8650	66.47553367
NM_178007	0.129562347	2.023487056	5832	66.47317562
NM_020765	0.472940441	12.28031734	15881	66.41996119
NM_004441	0.030789501	1.37368984	4674	66.26168324
NM_012296	0.149024081	1.501898003	6058	66.23414053
NM_000368	0.287167636	3.075324977	8615	66.1629789
NM_006734	0.32904773	4.750719868	9723	66.15943221
NM_001162426	0.288099545	3.068384999	8612	66.06497595
NM_020726	0.290336866	2.711003348	8660	66.04062743
NM_006546	0.294870402	2.544075721	8768	66.02664276
NM_001137675	0.256107123	2.816658202	7875	66.01394417

NM_201380	0.465416682	5.414584563	15248	66.01184083
NM_015833	0.213004453	3.005976946	7026	65.96694131
NM_001037335	0.340443937	3.602879424	10001	65.95890403
NM_018080	0.45181627	7.516624041	14466	65.93262579
NM_001178141	0.317087324	3.587173703	9308	65.8860333
NM_002850	0.231367668	6.253981217	7346	65.87856204
NM_001111283	0.232581222	1.382360923	7369	65.87743789
NM_001105251	0.224883597	2.024501661	7223	65.87577465
NM_001018088	0.454896082	7.416758016	14595	65.85387776
NM_001039840	0.207842083	1.20552902	6908	65.83971339
NR_033708	-0.03119806	1.284768212	4076	65.83535397
NM_002645	0.277019172	3.729488417	8287	65.81508558
NM_001098638	0.255888754	3.191358814	7822	65.81073999
NM_018999	0.249347646	1.838066701	7675	65.76245885
NM_020343	0.322696888	4.036388712	9425	65.75423823
NM_004023	0.216811054	1.221906924	7047	65.74590155
NM_001178142	0.312955488	3.498853336	9156	65.74122115
NM_197941	0.22891596	1.132085856	7267	65.73237045
NM_030797	0.041432982	1.548627368	4698	65.70206022
NM_014810	0.433731235	6.198944709	13455	65.68473585
NM_020919	0.210237733	1.352703093	6917	65.68334603
NM_018373	0.218247083	2.183002833	7059	65.68120342
NM_020923	0.348367524	3.948058348	10145	65.63398086
NM_001162427	0.286629998	3.021978022	8462	65.62228572
NM_001135608	0.303870077	4.178571429	8875	65.58046369
NM_001244638	0.217593801	3.670035587	7024	65.57292158
NM_005093	0.254704336	1.932661238	7736	65.5521326
NM_000618	0.234673017	1.398579429	7320	65.47907961
NM_014733	0.222708844	2.071730552	7095	65.47265108
NM_080491	0.162808609	1.584464432	6114	65.46172886
NM_015711	0.136072108	1.15856421	5738	65.4421814
NM_033141	0.125522185	1.245892857	5599	65.43408445
NM_206853	0.449681183	3.236700623	14135	65.42779276
NM_022048	0.275911358	4.09506309	8162	65.41691064
NM_198576	0.235893777	3.387250887	7325	65.39695856
NM_002655	0.236579595	1.894385391	7337	65.3917595
NM_001142397	0.142816873	1.068752149	5817	65.37672266
NM_145207	0.275589633	1.468058968	8139	65.35370011
NM_052916	0.065634124	1.280924146	4890	65.3388368
NM_080927	0.163165001	1.710651567	6092	65.31603045
NM_015559	0.343488814	3.066875442	9898	65.31543976
NM_002912	0.3686282	5.038220727	10700	65.30960686
NM_001098414	0.269867007	2.443110778	7997	65.29283439
NM_001083621	0.311910105	3.149577402	8991	65.24529198
NM_201384	0.463845885	5.601878759	14796	65.21714836
NM_014644	0.286843854	1.024632309	8362	65.21383063
NM_005435	0.119706251	2.328170554	5487	65.20713184
NM_020719	0.21748933	3.085409765	6942	65.19774469
NM_016513	0.174631898	1.505450465	6237	65.18318134
NM_001543	0.272590164	4.673349938	8029	65.17933097
NM_198253	-0.028384106	1.311736855	4012	65.13820969
NM_130854	0.234088375	6.533388635	7232	65.13401803
NM_003647	0.261078571	3.210607621	7767	65.12157779
NM_032043	0.279314979	3.028410482	8165	65.12137925
NM_000445	0.465257479	5.617380727	14797	65.04764176
NR_033709	0.050127891	1.409168443	4689	65.04370208
NM_000112	0.276303883	1.49374613	8074	65.02803266
NM_001142495	0.410126985	4.154561924	12143	65.00122273

NM_024490	0.101626011	1.503056935	5233	64.98790494
NM_173214	0.436854712	7.329701706	13308	64.96461231
NM_014772	0.14236404	1.087661206	5737	64.95990893
NM_152641	0.29399614	3.60205528	8465	64.95619198
NM_001113178	0.436707342	7.307189051	13297	64.95475139
NM_001197026	0.266238833	1.963378844	7836	64.95340722
NM_006599	0.435709699	7.353136559	13246	64.94488631
NM_001112	0.218683279	3.023309686	6906	64.92925289
NM_144775	0.28779366	4.834175692	8309	64.92025472
NM_201379	0.465459276	5.592705579	14750	64.9197454
NM_005955	0.272876882	2.239713999	7971	64.91788427
NM_138714	0.438551503	7.296639976	13362	64.90014348
NM_015375	0.270264665	1.182071058	7908	64.89312768
NM_138713	0.437330864	7.31764529	13300	64.89017034
NM_015077	0.224669304	2.116016574	6998	64.8595524
NM_001135597	0.345411391	4.105879955	9812	64.84062817
NM_001114634	0.237951009	1.919258952	7232	64.80553512
NM_201382	0.465931131	5.60298913	14719	64.79424237
NM_015548	0.497720771	11.41767816	16641	64.79402059
NM_001243078	0.037219606	1.669242658	4528	64.78589265
NM_201378	0.465348181	5.625485255	14682	64.78338832
NR_033942	0.000987593	1.735727878	4203	64.76652218
NM_015020	0.272162976	2.731279202	7918	64.76522702
NM_201383	0.465728332	5.617128463	14688	64.7505522
NM_025054	0.284143809	3.22553816	8175	64.72464331
NM_001134223	0.278266969	1.76035319	8040	64.71494791
NM_001304	0.319480565	4.04788234	9042	64.71020624
NM_014920	0.173294544	1.537783581	6126	64.70521728
NM_001001419	0.231779304	1.960676533	7094	64.70406937
NM_001198834	0.290650573	1.022112727	8320	64.70262274
NM_001242785	0.172479446	1.521106021	6111	64.68966935
NM_015102	0.0854763	1.15567546	5003	64.68598807
NM_000259	0.415266207	4.162535787	12224	64.64945442
NM_201381	0.465783645	5.633005599	14645	64.64900842
NM_015316	0.082088528	1.013914096	4958	64.63296193
NM_022763	0.228285573	3.863986313	7013	64.62618791
NM_015026	0.365852414	4.154831872	10378	64.60218044
NM_001160423	0.293252358	2.417983716	8351	64.58528944
NM_022832	0.276291312	1.842686755	7964	64.5846651
NM_001003674	0.317249194	1.505253745	8945	64.57321261
NM_001111284	0.239394703	1.39422543	7203	64.55294388
NM_004447	-0.010395958	1.627143557	4081	64.54682694
NM_025099	0.23242639	3.110152715	7071	64.54468018
NM_003298	0.292800337	4.277430972	8329	64.54141402
NM_014247	0.219145783	1.88797654	6819	64.48078338
NM_004536	0.203288645	1.397191269	6550	64.47949939
NM_014423	0.341190848	4.098851775	9579	64.4792104
NM_005903	0.230201644	2.003708458	7010	64.4519391
NM_001174064	0.165806182	1.5101459	5962	64.41143175
NM_001243077	0.049691247	1.695973885	4594	64.41102713
NM_001142649	0.210590459	2.094472815	6657	64.40827229
NM_005751	0.423062166	5.825964856	12462	64.40549063
NM_138959	0.30913357	1.903348291	8690	64.40268568
NM_018084	0.347316635	4.095766543	9731	64.38449305
NM_001172411	0.30917779	1.895336788	8684	64.37632771
NM_001257194	0.229498085	1.579573127	6980	64.37265682
NM_001135095	0.227315053	3.854343755	6940	64.36980403
NM_000411	0.170952804	1.564213324	6018	64.31397409

NM_007110	0.378594019	4.785954741	10693	64.25770533
NM_001039709	0.255475153	2.002684924	7448	64.25383154
NM_213599	0.21283913	2.092628734	6660	64.23927213
NM_001199107	0.209071889	1.075208491	6594	64.22608986
NM_199462	0.271560217	1.190635452	7773	64.22261572
NM_001195214	0.181379361	1.288152121	6152	64.20825293
NM_001029880	0.283180062	4.6416999	8023	64.20642257
NM_006933	0.403239697	6.575328265	11575	64.20375449
NM_054027	0.291375891	1.66796637	8206	64.19211427
NM_001040284	0.287516119	2.952169625	8111	64.16707522
NM_001254943	0.344768434	3.996976332	9590	64.16587413
NM_015850	0.164283397	1.549109415	5894	64.15996168
NM_147185	0.424805929	5.821609454	12438	64.14896844
NM_023110	0.165106714	1.538383325	5900	64.12937012
NM_006901	0.312562969	3.252701771	8697	64.10880151
NM_018429	0.391009611	5.325327314	11074	64.08593102
NM_001172412	0.310404364	1.902605675	8634	64.07675745
NM_020705	0.210197011	1.090466778	6576	64.04713025
NM_001174063	0.165766528	1.530619169	5894	64.04609815
NM_001082968	0.160597378	1.370523416	5807	63.96556415
NM_001198832	0.291307672	1.041031941	8139	63.9356751
NM_001001420	0.232455519	1.996828143	6935	63.91853112
NM_001244580	0.432309162	9.754200521	12676	63.91503045
NM_003496	0.430543208	9.791898332	12589	63.8934581
NM_144973	0.340720057	4.601639868	9390	63.88555318
NM_001079802	0.260321531	2.376743562	7455	63.86557124
NM_001256071	0.559935643	16.62174099	21056	63.85635581
NM_080627	0.28797073	2.532229965	8035	63.82499469
NM_001018039	0.283174797	4.699949508	7921	63.79744309
NM_017415	0.227352905	1.656185718	6805	63.7375317
NM_006609	0.388753176	4.410763569	10869	63.72522971
NM_000663	0.147601738	1.298782671	5585	63.70215791
NR_033361	0.151397468	1.606819393	5630	63.67347036
NM_001193376	-0.028983902	1.233525105	3823	63.62249989
NM_052920	0.107630418	2.073957514	5083	63.62163313
ENST00000566551.1	0.138046355	1.071087436	5443	63.59208693
NM_001130026	0.090657184	1.024769703	4884	63.54998728
NM_181481	0.318211017	1.42804513	8685	63.53819752
NM_148977	0.2392249	1.023365826	6975	63.53724736
NM_001542	0.253973642	2.470288157	7252	63.53061645
NM_032221	0.376734693	5.002791414	10388	63.52415896
NR_046431	0.235417419	2.982903506	6901	63.51560118
NM_014870	0.319185589	3.307444853	8703	63.51308846
NM_032227	0.149288373	2.219030521	5569	63.48497861
NM_001003675	0.327064475	1.464012596	8891	63.45250334
NM_001134456	0.327908836	1.621451812	8912	63.44768412
NM_001136499	-0.018710288	1.963364293	3875	63.41420402
NM_001042475	0.274473034	2.162717633	7638	63.40790227
NM_173064	0.052366568	1.752680965	4475	63.39235612
NM_005188	0.401945291	6.307630665	11230	63.37687079
NM_033395	0.293426609	3.934361014	8043	63.36746193
NM_001178140	0.345580068	3.81975256	9375	63.36393743
NM_024627	0.222081593	2.006028636	6634	63.36096476
NM_001032999	0.259351081	2.049050417	7318	63.35904112
NM_006731	0.262200902	2.367599131	7363	63.30900972
NM_173566	0.391843156	5.685722202	10827	63.28046576
NM_018177	0.356579408	4.081522864	9665	63.25514926
NM_001257195	0.218880997	1.660973006	6556	63.24652603

NM_015113	0.407600043	5.801491882	11394	63.23435979
NM_001033551	0.159373641	1.299575822	5657	63.22605626
NM_001007237	0.254789335	2.509662172	7192	63.19808243
NM_015147	0.175002961	2.124360287	5861	63.15943703
NM_003307	0.176207085	1.627808033	5875	63.14253125
NM_170743	0.065197492	1.888669735	4562	63.13897242
NM_015570	0.21182245	4.678354371	6416	63.13297256
NR_038255	0.152909314	1.531053105	5554	63.12957193
NM_001173977	0.142025039	1.405135784	5412	63.11804051
NM_001017536	0.111297059	1.45479778	5043	63.11042452
NM_014388	0.31503827	2.09934009	8485	63.09460571
NM_033389	0.341051118	5.822714379	9165	63.08381659
NM_198839	0.389164425	5.590452968	10662	63.07302513
NR_038257	0.177720901	1.615750978	5878	63.04258932
NM_023929	0.185986206	1.090666221	5988	62.99015256
NM_012330	0.316878318	4.530415343	8498	62.97329726
NM_001178138	0.367795165	3.951401492	9917	62.95757177
NM_001145157	0	2.697122665	3961	62.93647591
NM_001144936	0.157761308	1.199390899	5581	62.92036021
NM_001128224	0.150534404	1.779803135	5485	62.91208959
NM_015565	0.285660001	3.916322847	7755	62.90655035
NM_173065	0.055055273	1.819043321	4431	62.90096103
NM_145803	0.29813031	1.340356564	8020	62.85555595
NM_023106	0.162354985	1.589374556	5627	62.83454376
NM_020779	0.244374318	1.863984952	6910	62.81245008
NM_023105	0.163195733	1.577919773	5633	62.8049337
NM_153023	0.232409223	2.31854176	6692	62.79249124
NM_022894	0.269360044	1.923503926	7385	62.78829184
NM_004620	0.294825462	1.369576186	7927	62.7842993
NM_015254	0.330081457	3.125598905	8765	62.71883157
NM_006154	0.173527606	1.276484891	5757	62.70850781
NM_020786	0.252338726	2.173684211	7029	62.68327201
NM_001006657	0.248144893	1.83266129	6943	62.64807586
NM_022098	0.299944864	2.627544013	8008	62.6461345
NM_001178139	0.369877665	4.001518219	9879	62.62984928
NM_005957	0.259308475	2.768951049	7149	62.62677152
NM_001040285	0.298536525	2.921214402	7970	62.62305108
NM_001105539	0.196243811	1.110047847	6060	62.56920576
NM_004999	0.327740977	4.187601016	8661	62.56344568
NM_001347	0.081799517	1.046521645	4642	62.55904137
NM_001204056	0.412559256	6.05528613	11340	62.55623361
TCONS_00010322	0.090418511	1.086064707	4728	62.54323592
NM_018566	0.210189275	2.03575419	6264	62.50991398
NM_015346	0.36458763	4.437209302	9674	62.49693322
NM_001440	0.204598208	2.222780298	6171	62.48335463
NM_017514	0.239352032	2.824933294	6745	62.4704575
NM_004736	0.322248041	3.069326742	8495	62.46726231
NM_052905	0.163448134	2.054170404	5574	62.45631467
NM_001935	0	1.207692308	3899	62.44197306
NM_014686	0.23624263	2.037109083	6682	62.43220156
NM_001199775	0.319007383	4.171088638	8404	62.42886306
NM_001042544	0.129616316	1.001360809	5143	62.4193157
NM_007345	0.307607679	2.555582913	8122	62.39987724
NM_001017969	0.264891467	2.687812326	7203	62.38902106
NM_145294	0.16195937	1.799675149	5540	62.37634986
NM_181482	0.328691384	1.385078777	8631	62.36670213
NM_001005851	0.330073433	2.748961219	8663	62.35357494
NM_000110	0.065391716	1.377782775	4446	62.31812171

NM_001114635	0.24859421	2.012801862	6873	62.2942138
NM_015208	0.414330477	6.090523338	11311	62.28781928
NM_018416	0.158771232	1.951295148	5481	62.27934221
NM_033305	0.413261323	6.683448766	11261	62.26345224
NM_001135669	0.316807156	2.965184917	8300	62.24183025
NM_012214	0.320607301	2.024576473	8381	62.19690813
NM_001145155	0	2.777461876	3868	62.19324722
NM_152279	0.210740587	1.444766506	6209	62.1914382
NM_030918	0.261238458	2.771630205	7084	62.17897451
NM_145037	0.329245222	1.676867582	8593	62.17791873
NM_001083625	0.41402401	6.153339856	11242	62.13003693
NM_007011	0.349968129	4.423409613	9132	62.11801967
NM_021998	0.037644542	2.1737461	4166	62.11480789
NM_194313	0.212983975	1.603661474	6226	62.09950429
NR_038253	0.181263084	1.741043478	5749	62.07840172
NM_012090	0.53567536	14.25969448	17870	62.0703232
NM_020733	0.352109759	4.72870249	9155	61.99128126
NM_016531	0.172666997	2.751914515	5614	61.98927446
NM_199420	0.338953502	4.29977221	8779	61.93762287
NM_152918	0.22269267	1.178723404	6344	61.91193112
NM_173630	0.265033554	3.084026505	7092	61.89447393
NM_002224	0.348736018	6.633263205	9030	61.88721441
NR_038254	0.176758179	1.625663717	5649	61.8747151
NM_016297	0.156267448	1.988283429	5376	61.86349254
NM_001206999	0.337056914	4.825103353	8707	61.86008577
NM_000333	0.272254643	3.476124567	7224	61.85407436
NM_002843	0.301935029	4.321060008	7848	61.84083466
NM_001001548	0.100967265	1.588110853	4726	61.80482255
NM_003573	0.129586628	1.023445261	5032	61.74415772
NM_020782	0.232271985	1.792703664	6468	61.74366351
NM_001018037	0.415125462	6.663436519	11144	61.74236585
NM_020935	0.311227709	2.955677291	8031	61.72491215
NM_199438	0.203714893	1.837410551	6008	61.72108547
NM_030665	0.295442797	4.374020888	7659	61.65982587
NM_004748	0.267640068	1.580476795	7088	61.65757362
NM_001145808	0.104941752	1.497576396	4744	61.64865973
NM_000632	0.104780578	1.504006748	4741	61.64026164
NM_022340	0.247012135	1.972746331	6677	61.52883123
NM_017684	0.466410318	9.179533484	13289	61.51111137
NM_000124	0.265215639	2.012560662	7005	61.49842222
NM_020821	0.46924562	9.054922125	13418	61.48051268
NM_024955	0.131400136	2.34251497	5009	61.47453794
NM_152558	0.256934404	1.183664524	6843	61.46818984
NM_001017535	0.110423308	1.543664921	4774	61.46453531
NM_002204	0.133359554	1.367813805	5026	61.43985696
NM_183353	0.404135401	4.587543513	10628	61.42898751
NM_006286	0.367687342	4.120521518	9433	61.41250226
NM_001244949	0.231507595	1.941913261	6386	61.41211247
NM_015091	0.222819017	2.246555591	6241	61.39729766
NM_001242581	0.086242077	1.131129354	4506	61.33759581
NM_033390	0.346621656	4.457590553	8806	61.31321323
NM_001102371	0.130299611	2.363910682	4970	61.3123354
NM_020918	0.232663624	1.929970233	6382	61.30052393
NM_001042545	0.129566378	1.038709677	4959	61.29608154
NM_004338	0.318301614	1.534627752	8085	61.2960202
NM_173834	0.226665763	1.424546323	6281	61.28887281
NR_024497	0.154338124	1.42318675	5252	61.28569434
NM_016217	0.183010719	1.555061377	5620	61.24695705

NM_014735	0.12807283	1.263990268	4931	61.22766706
NM_002210	0.269819011	2.249288965	7031	61.2264488
NM_001128608	0.280981348	2.868137931	7249	61.2180098
NM_001145855	0.362155506	3.820323526	9210	61.21313556
NM_022892	0.202303387	1.556122449	5879	61.16309845
NM_001163809	0.262172629	2.669093027	6868	61.14626092
NM_153240	0.167673646	1.121896999	5397	61.14625384
NM_033407	0.272220671	3.456040839	7051	61.11179966
ENST00000553202.1	0.136706133	1.676717252	5007	61.08681065
NM_198279	0.241999316	1.23952557	6491	61.06964595
NM_004014	0.185570389	1.765249867	5622	61.06593006
NM_018672	0.365069442	3.650448697	9248	61.05906366
NM_198834	0.389161075	5.966362999	9988	61.04723116
NM_015130	0.17579663	4.770324462	5485	61.04114924
NM_014994	0.282176105	2.890901549	7231	61.04036078
NM_007174	0.341179089	4.760894896	8581	61.02901015
NM_199439	0.206127747	1.853095844	5894	60.94747088
NM_003023	0.365051407	3.726246064	9208	60.92860299
NM_001145856	0.363544765	3.734985805	9157	60.9038111
NM_016955	0.189421429	1.888751107	5644	60.89597957
NM_001260491	0.233563693	3.286212361	6309	60.87743327
NM_001029882	0.244724855	2.068657635	6495	60.86880433
NM_015990	0.307385915	2.356569059	7717	60.84369342
NM_001145097	0.275774706	2.882827997	7057	60.83923538
NM_001145000	0.268800638	2.23079145	6923	60.83912643
NM_015266	0.231695482	3.325934206	6261	60.7932329
NM_001198934	0.14258073	2.031225139	5027	60.79217507
NM_015058	0.281574764	4.497486034	7159	60.78658713
NM_003901	0.199968482	3.063789218	5768	60.76027387
NM_148978	0.228830448	1.024040013	6197	60.70725865
NM_001256468	0.31915112	4.657610063	7949	60.70255562
NM_033450	0.149350407	1.878734277	5087	60.67105784
NM_001178035	0.281343771	2.30195033	7126	60.66582434
NM_015057	0.505131754	14.90336106	15024	60.65720223
NM_001018038	0.398667481	6.475334119	10175	60.65713577
NR_028062	0.286012247	1.492309824	7216	60.65114784
NM_032873	0.269956961	2.547443141	6902	60.65071733
NM_025136	0.316579522	2.164867268	7872	60.63599812
NM_003940	0.319374349	3.713727468	7932	60.61772944
NM_017990	0.322200797	4.113389174	7998	60.61662523
NM_001199781	0.182249517	1.274431301	5494	60.61291029
NM_001127257	0.173003518	1.775460808	5370	60.60253694
NM_020342	0.169493593	1.810973318	5321	60.58144342
NM_012199	0.29942012	4.70339663	7477	60.57889552
NM_001100390	0.265191189	1.165097116	6795	60.57160559
NM_152924	0.351937259	4.654149971	8734	60.56526851
NM_015151	0.290795515	2.980246914	7289	60.54878716
NM_001723	0.361669616	3.186485886	8997	60.5472437
NM_014934	0.298084365	1.062684961	7433	60.51554971
NR_033327	0.268265691	1.057903202	6838	60.50872009
NM_030927	0.189832843	2.132819502	5578	60.50815193
NM_007157	0.194377631	1.676533144	5641	60.5075497
NM_018984	0.345189766	5.554657293	8534	60.49114114
NM_182515	0.354822106	2.09430099	8790	60.48865332
NM_001136557	0.280989218	3.47569935	7077	60.48671524
NM_001122681	0.364786927	3.790692545	9067	60.48549445
NM_001136156	0.311804726	3.195257839	7717	60.4555165
NM_000376	0.113701329	1.598753492	4652	60.4505075

NM_003818	0.374038385	4.034323716	9322	60.43691001
ENST00000422132.1	0.330630776	1.638370952	8151	60.4325872
NM_001174117	0.351692556	4.898595764	8687	60.42489708
NM_001007075	0.30953898	2.370510644	7656	60.41435291
NM_182969	0.145660726	1.016396721	5000	60.41090939
NM_020228	0.240250322	1.987029421	6321	60.40368299
NM_001204401	0.341785224	3.218698028	8417	60.3873944
NM_014899	0.190644128	3.356270212	5565	60.3770801
NM_001167	0.343260126	3.229558632	8450	60.37007838
NR_048537	0.234935675	3.29982335	6226	60.36740525
NM_001004339	0.076531947	1.567782721	4270	60.3442388
NM_138368	0.256945656	1.903714936	6594	60.3385749
NM_001136558	0.278503941	3.551852382	6990	60.32155817
NM_021090	0.36389788	2.705738434	8991	60.31576515
NM_001174067	0.177362716	1.598697674	5374	60.3055413
NM_005501	0.137083819	1.368679632	4884	60.30543304
NM_001184691	0.119213968	3.476292183	4681	60.26147249
NM_001193388	0.15588761	1.731290513	5090	60.22255352
NM_006039	0.222010977	1.723464619	5991	60.21755653
NM_198968	0.304411468	1.101722066	7490	60.19956069
NM_005414	0.290606033	2.955410474	7198	60.1857133
NM_001248008	0.290642918	2.960116732	7195	60.17004111
NM_030641	0.402433435	4.304862412	10138	60.16756467
NM_199437	0.242504483	2.000792393	6309	60.16727336
NM_181483	0.328799962	1.489168327	8031	60.15015978
NM_015186	0.40037682	6.515166584	10054	60.12399827
NR_048538	0.232883525	3.28780726	6142	60.11961849
NM_020761	0.274005175	3.674445741	6855	60.10868879
NM_014910	0.311710209	3.172875131	7623	60.09443937
NM_014381	0.320800519	2.596497955	7823	60.07364868
ENST00000562691.1	0.127008952	1.19687368	4733	60.05899251
NM_001146116	0.29618615	2.919895576	7277	60.03907547
NM_001177387	0.274516193	3.56825814	6848	60.03570285
NM_014859	0.079671311	1.438909774	4255	60.03337267
NM_001144999	0.269225219	2.260966212	6747	60.02593128
NM_018555	0.163028979	1.177911725	5142	60.01730053
NM_015531	0.242759023	3.349570201	6281	60.01343759
NM_144660	0.283126148	2.960051363	7008	60.01223296
NM_020739	0.274907231	1.649729888	6848	60.00334341
NM_201433	0.338109797	2.880404336	8210	59.97324267
NM_153607	0.320400223	2.039835518	7781	59.94748054
NR_049761	0.285861482	2.876029537	7041	59.92383923
NM_015104	0.249386096	2.222658089	6372	59.91761093
NM_001145098	0.268443636	2.795468098	6707	59.91174179
NM_030624	0.243793717	1.540152964	6275	59.90280326
NM_201432	0.337724411	2.892800391	8180	59.89842454
NM_005504	0.39099001	9.556141439	9671	59.89079918
NM_016598	0.468373421	2.982185086	12685	59.87588165
NM_019072	0.18914266	1.51696314	5452	59.8718084
NM_016120	0.417794792	4.672849437	10566	59.84548477
NM_001184690	0.12167773	3.595735516	4642	59.84204998
NM_153050	0.366159736	2.605186349	8907	59.81988169
NM_001033047	0.11761136	3.607578397	4591	59.78793511
NM_021082	0.195449374	1.129096506	5522	59.78628638
NR_049762	0.285236453	2.853138853	6992	59.7672268
NM_006856	0.269240908	3.186602871	6687	59.75715171
NM_003774	0.186617441	1.306822395	5393	59.73241389
NM_015092	0.528834652	14.55424837	16064	59.71730361

NM_198838	0.394799356	5.905412345	9736	59.71585624
NM_001127448	0.147602308	1.473105134	4907	59.7104431
NM_001252127	0.27490195	2.943526983	6781	59.70952407
NR_037916	0.312670462	3.044683108	7541	59.6869626
NM_173601	0.310223447	2.290598291	7487	59.6846078
NM_001202519	0.43206706	5.995653749	11043	59.68161879
NM_005509	0.435366116	8.494764164	11172	59.68049281
NM_001178091	0.389700176	9.356761845	9560	59.67221934
NM_020960	0.283388282	3.550187482	6933	59.66841554
NM_001017395	0.235118066	2.05390304	6084	59.66079082
NM_001256649	0.205292356	1.237579844	5635	59.65603025
NM_001040108	0.3286637	2.617654509	7895	59.6507897
NM_001130060	0.267286436	3.154566038	6624	59.63406207
NM_000254	0.419633824	4.971585528	10557	59.63103593
NM_001184693	0.12030093	3.35125136	4594	59.62516971
NM_001166139	0.160688028	1.042831648	5042	59.59706037
NM_007347	0.275101474	2.989495487	6758	59.59177344
NM_000887	0.126057749	2.413422241	4648	59.58209856
NM_001001890	0.301476741	3.165521034	7273	59.57138066
NM_017780	0.446422207	6.589291883	11579	59.56816023
ENST00000467148.1	0.336651108	3.84734623	8063	59.5648892
NM_005688	0.220836051	1.343659079	5842	59.5538203
NM_001099412	0.381978354	5.259450727	9284	59.54855842
NM_001077445	0.129954927	1.311419424	4684	59.54567122
NM_173595	0.360015933	5.540896488	8655	59.53915931
NM_002646	0.317269561	4.807783329	7605	59.53863521
NM_018993	0.08630612	1.200376737	4246	59.53751598
NM_001178094	0.3912069	9.421955044	9564	59.53735068
NM_207318	0.317329061	4.000526247	7600	59.51387268
NM_153051	0.368627381	2.640018016	8880	59.49661079
NM_198836	0.391414985	6.221117622	9555	59.48899066
NM_001178106	0.105337059	1.041383989	4421	59.48667651
NM_052941	0.241493181	2.085598047	6144	59.45454952
NM_014606	0.150043472	1.052921945	4893	59.45444397
NM_012291	0.269555095	6.111429866	6622	59.44044506
NM_001099413	0.381921756	5.26187642	9240	59.41272092
NM_172070	0.333804998	4.04790645	7952	59.40726457
NM_001174065	0.177377386	1.646596357	5214	59.39996069
NM_015111	0.232358545	2.042258226	5986	59.39183944
NM_001242336	0.187769551	2.73681257	5345	59.3817676
NM_199076	0.076401944	1.284849952	4131	59.36228474
NM_001130059	0.268361933	3.201397327	6583	59.36195856
NM_198837	0.395003865	5.966964471	9625	59.35440685
NM_017698	0.158998606	2.328580036	4978	59.33680554
NM_003489	0.317342904	4.140021175	7555	59.3362155
NM_032932	0.361062315	2.414376812	8624	59.33526382
NM_001256798	0.278444571	1.488984179	6762	59.33449928
NM_152230	0.242333784	1.686287298	6132	59.33063491
NM_015001	0.463461757	8.93244459	12226	59.32570095
NM_001080424	0.275621701	3.063991647	6703	59.30619222
NM_001130831	0.337968125	2.950024925	8023	59.29898998
NM_001202518	0.429006072	6.117346939	10779	59.28171044
NM_001079846	0.409571061	6.875719103	10081	59.28153532
NM_014572	0.204025558	1.23691808	5541	59.25066084
NM_015030	0.452350663	7.587818213	11705	59.24998916
NM_033505	0.342859788	4.834789027	8128	59.24475268
NM_182503	0.251074405	1.710858788	6252	59.21723941
NM_032012	0.337933087	5.349881205	7996	59.20225883

TCONS_00029544	0.297750579	1.033905459	7107	59.2017504
NM_003036	0.216407091	2.347818469	5706	59.19109589
NM_001174156	0.281452803	3.068268947	6781	59.17008209
NM_001145156	0	3.034561554	3500	59.16079783
NM_053043	0.417810909	6.183535109	10324	59.15453725
NM_004326	0.253256553	2.433237731	6275	59.15320571
NM_001184692	0.118605046	3.482574917	4504	59.15204326
NM_022817	0.257192044	2.676442763	6341	59.15009187
NM_001099650	0.312641218	2.296146045	7394	59.10486218
NM_006766	0.382233738	5.306566153	9152	59.09928035
NM_001128309	0.181444755	1.989635317	5209	59.07791703
NM_017617	0.38725467	6.141796665	9294	59.07195497
NM_014904	0.241224582	1.729417588	6060	59.06763257
NM_001162529	0.233589205	1.788169869	5933	59.03353466
NM_001178092	0.393956394	9.163347033	9488	59.03250487
NM_007200	0.487988136	9.204514673	13289	59.02366525
NM_001256469	0.323950188	4.722287813	7622	59.02189768
NM_001178108	0.102950589	1.092169092	4328	59.01467115
NM_001178107	0.103708127	1.045905421	4334	59.00569253
NR_048539	0.244485876	3.239547467	6098	58.99786524
NM_030627	0.330704078	6.239670485	7768	58.98923819
NM_022459	0.406715286	5.093778452	9884	58.98336249
NM_173500	0.213660179	1.571377778	5624	58.97024405
NM_001142749	0.286945579	1.291709314	6838	58.96403905
NM_177438	0.418346204	8.20229639	10276	58.9625985
NM_001270381	0.143059868	1.047749842	4732	58.94851244
NM_007150	0.103666721	1.069116967	4325	58.94711803
NR_072996	0.251282783	3.222240155	6195	58.93027605
NM_006738	0.489150876	9.17087656	13301	58.91620977
NM_015089	0.331675849	4.087247458	7770	58.91117227
NM_014630	0.348954809	3.691038024	8178	58.87551086
NM_001135179	0.475683334	3.003253452	12601	58.85673527
NM_173462	0.229471947	1.644608263	5832	58.84332601
NM_030621	0.41810376	8.269738773	10220	58.82622755
NM_015458	0.316727876	2.296556381	7404	58.79317417
NM_001127231	0.236878145	4.539925876	5935	58.79010736
NR_027053	0.351866933	3.092025286	8225	58.78034528
NM_153033	0.173245476	1.95367254	5050	58.75194774
NM_178566	0.387183875	4.008832188	9170	58.68334376
NM_001178093	0.390433379	9.723133362	9267	58.68008837
NM_001159293	0.35958276	2.126802527	8390	58.66026151
NM_199039	0.324234795	2.263702721	7534	58.65548552
NM_001256426	0.256328813	2.485930214	6218	58.64166794
NM_020686	0.154938419	1.537598671	4813	58.62681333
NM_005236	0.286995979	2.731844402	6760	58.6226339
NM_014803	0.356500171	4.573839662	8294	58.60443071
NM_018440	0.434708475	6.638276087	10742	58.58886013
NM_201591	0.035671563	5.325568797	3691	58.58642481
NM_001270384	0.26822672	1.416692668	6409	58.5830102
NM_017649	0.095728588	1.237017627	4197	58.58255184
NM_000051	0.489080479	9.554346999	13146	58.57999226
NM_001185127	0.183789704	1.249029503	5151	58.57979452
NM_005927	0.175573041	2.816597346	5048	58.57494077
NM_001199260	0.358411036	3.317008762	8330	58.55707648
NM_152787	0.289311905	2.994990423	6786	58.54448207
NM_003566	0.345560143	5.242284143	8002	58.54219672
NM_001146189	0.234642024	2.168547009	5849	58.53362527
NM_198268	0.351838285	5.298613667	8150	58.51432226

NM_018085	0.452344934	5.824632095	11415	58.51201676
NM_004857	0.273844942	1.129643903	6486	58.48141054
NR_027671	0.44086516	8.803329674	10931	58.45834306
NM_007005	0.151453601	2.722561618	4746	58.45739548
NM_001195573	0.413079507	8.288680577	9920	58.45680968
NM_013320	0.228040175	1.732519616	5734	58.45525281
NM_000046	0.249953508	1.697413935	6070	58.43627577
NM_001145998	0.207159215	1.117679558	5429	58.41789499
NR_024052	0.292405742	2.44966246	6813	58.40546614
NM_145034	0.343450677	2.592264914	7911	58.39599328
NM_006772	0.246702301	1.5359401	6009	58.39393508
NM_001171654	0.310956622	2.48913649	7179	58.38194236
NM_001973	0.447152512	7.526145843	11148	58.37189874
NM_181787	0.260943303	1.963907603	6233	58.34804651
ENST00000446344.1	0.299555144	1.504900548	6937	58.33910971
NR_033712	-0.011930544	1.282190132	3323	58.33320997
NM_017644	0.318955239	1.686135371	7327	58.29599944
NM_001257999	0.354680556	4.929788016	8160	58.29345956
NR_037804	0.339433787	2.525808937	7787	58.29099163
NM_001145306	0.461468894	12.48246138	11716	58.29086165
NM_024742	0.14732249	1.504172908	4672	58.28223871
NM_198549	0.272078062	1.415170907	6406	58.26104571
NM_001199942	0.348498534	3.273545966	7994	58.25020653
NM_002754	0.268899634	3.609168242	6347	58.24534878
NM_014727	0.367113102	5.299917346	8468	58.23935139
NM_004426	0.190420421	2.195324575	5175	58.23910902
NM_003615	0.338841976	4.8356747	7758	58.23447448
NM_017919	0.299358321	3.30298205	6907	58.22918295
NM_001099455	0.229862708	1.696344236	5716	58.22563905
NM_020336	0.373459582	5.768990273	8635	58.22108082
NR_003572	0.234661911	1.539910159	5787	58.2210547
NM_003411	0.195803646	1.458587786	5239	58.20848542
NM_001178109	0.105941907	1.078084454	4238	58.2031132
NM_015285	0.317918818	3.19994507	7281	58.20115235
NM_015241	0.401190494	8.117429055	9443	58.1893734
NM_015018	0.347842535	3.357196684	7961	58.18838206
ENST00000441493.1	0.401187069	8.122377622	9437	58.17121668
NM_014283	0.22649545	2.968346596	5654	58.16219323
NM_001256648	0.234873176	1.180384682	5770	58.11942843
NR_027768	0.119639449	1.775407203	4358	58.11713362
NM_014494	0.367011731	6.63084778	8421	58.08680579
NM_003762	0.191096818	1.271387003	5154	58.07226311
NM_001042459	0.105397794	1.341486583	4210	58.0458283
NM_014503	0.388561613	5.708990011	9009	58.03513442
NM_001122838	0.207641187	1.26962521	5362	58.02101171
NR_048540	0.246295273	3.293670886	5924	58.0107879
NM_173082	0.306497084	3.25278651	6997	58.01018205
NM_001167856	0.446610629	7.224205446	10980	57.98717924
NM_001163034	0.274097834	3.635067377	6381	57.98590831
NM_004380	0.42595676	7.117889368	10195	57.96131399
NM_016255	0.158514254	1.92223393	4744	57.95876248
NM_001174066	0.176683615	1.68490109	4953	57.94299273
TCONS_00015261	0.289013492	3.886479976	6641	57.93994781
NM_001560	0.084627467	1.862705941	4005	57.92941421
NM_018183	0.44732911	7.227272727	10977	57.90398093
NM_001259	0.462759439	12.51532897	11611	57.89000763
NM_194282	0.260455015	2.725477395	6126	57.88327464
NM_001164388	0.355543421	4.763699479	8065	57.87564545

NM_052834	0.317161455	3.267993874	7182	57.86830055
NM_015500	0.27360198	2.261068221	6346	57.86616291
NM_001172674	0.142494299	1.397672376	4553	57.86098746
NM_001080450	0.290966482	2.181081081	6659	57.85904661
NM_017672	0.432933945	7.03268288	10402	57.8351779
NM_001128149	0.277524827	3.619984387	6404	57.81607288
NM_014007	0.251908238	2.775117214	5971	57.80673069
NM_001002814	0.347873455	5.185845214	7855	57.79695696
NM_014990	0.348290956	3.528102747	7863	57.78936009
NM_003644	0.344695791	2.805995111	7772	57.77092924
NM_001164387	0.357489296	4.726518995	8080	57.75452918
NM_000932	0.23685242	1.758030726	5727	57.75267742
NM_001258379	0.34321483	5.087934825	7732	57.75229675
NM_001142579	0.114057618	1.645411765	4249	57.74958182
NR_047571	0.347868045	4.945918367	7839	57.73854208
NM_020120	0.443945971	8.929585305	10778	57.72794287
NM_194301	0.347867762	3.560704711	7832	57.71278197
NM_018017	0.271582288	2.77090967	6276	57.70613203
NM_005512	0.12113503	1.729823748	4311	57.70469715
NM_012164	0.397964442	4.775636839	9185	57.69812807
NR_026777	0.380619161	2.673316421	8671	57.6756316
TCONS_00023420	0.252290721	2.219159664	5949	57.6706378
NM_003453	0.430503605	3.980284989	10245	57.64305116
NM_001178110	0.105045518	1.093034466	4148	57.63951548
ENST00000383701.3	0.16201231	1.567533291	4730	57.63259957
NR_030672	0.290433901	1.36986509	6596	57.6279514
NM_016376	0.354170913	5.044729237	7958	57.61287769
NM_130855	0.257331042	6.966101695	6017	57.60832888
NM_001085459	0.276014675	2.511844599	6331	57.6057612
NM_001039590	0.482726981	9.376743811	12400	57.6010856
NM_022153	0.166339307	1.261889797	4772	57.58900071
NM_001145650	0.198765255	1.306560867	5166	57.58866021
NM_005359	0.385128935	3.63310911	8770	57.5816165
NM_178229	0.259777576	2.220588235	6051	57.58055067
ENST00000382832.3	0	2.009351433	3314	57.56735186
NM_197968	0.430031526	4.020001961	10198	57.55835033
NM_138799	0.067214742	1.786803365	3803	57.52343822
NM_130853	0.258199572	6.993506494	6005	57.4835506
NM_002114	0.389806667	5.241491999	8873	57.47813911
NM_032831	0.443380576	4.185084428	10659	57.46674362
NM_006457	0.26628783	2.865133725	6131	57.45017826
NM_139075	0.189584909	1.341026661	5025	57.44808452
NR_024053	0.29287854	2.482121212	6599	57.44246681
NM_001042683	0.329231338	3.489158598	7332	57.43597431
NM_001190965	0.430077639	4.035063528	10152	57.42374356
NM_001184883	0.227547831	1.644834449	5526	57.42183107
NM_001135776	0.249156914	2.77329458	5848	57.41863557
NM_012102	0.365773305	5.400414938	8193	57.40715117
NM_022474	0.233497243	2.536198288	5607	57.39565278
NM_001008222	0.157269307	1.048717396	4638	57.39237322
NM_152432	0.167421272	1.097011785	4751	57.38756871
NM_018704	0.253092535	1.83779661	5899	57.36618885
NM_001202515	0.418091226	5.834413914	9716	57.3586153
NM_018925	0.152456166	1.109654871	4577	57.33933147
NM_002111	0.506204822	12.96727273	13474	57.31853952
TCONS_00017338	-0.056449525	26.1407206	2941	57.29230094
NM_032452	0.136716084	1.024069028	4403	57.28329512
NM_001256650	0.228154105	1.217501816	5507	57.2780385

NM_032444	0.329258569	3.288300645	7290	57.26890733
NM_032970	0.28458687	3.375136655	6402	57.2419924
NM_001177382	0.309780915	1.924396627	6877	57.23826699
NR_034165	0.212388025	1.898504071	5280	57.2307282
NM_001145649	0.20835664	1.33537402	5226	57.22875213
NM_020803	0.154005154	2.660183566	4575	57.22203072
TCONS_00023421	0.243844167	2.238120196	5723	57.2035761
NM_015202	0.297385242	2.100860637	6622	57.17574811
NM_001003408	0.348102916	6.560899519	7692	57.17401304
NR_046282	0.100392426	1.355693069	4039	57.17287476
NM_001190964	0.432308839	4.011639377	10137	57.15666173
ENST00000416385.1	0.180068713	1.588271605	4859	57.15456297
NM_017658	0.293847483	1.48969623	6550	57.1503851
NM_000916	0.134513481	1.625688073	4359	57.14177703
NM_001085460	0.272708231	2.581335062	6171	57.13292329
NM_001221	0.254393849	4.315224796	5871	57.13017081
NM_032427	0.224630597	4.071481209	5427	57.1200488
NM_018218	0.237792715	3.005875022	5616	57.11979561
NM_013373	0.193097571	1.988028731	5011	57.11934574
NM_030958	0.07213278	2.074406332	3789	57.1147309
NM_172127	0.251327838	4.364261168	5819	57.11048701
NM_001199397	0.242287544	2.410107413	5678	57.09553161
NM_001202517	0.43482875	6.410093092	10204	57.09068922
NM_004863	0.368127575	4.601298383	8163	57.08924523
NM_014964	0.178961329	1.057290589	4834	57.08433363
NM_001145275	0.192466937	1.404961985	4997	57.08407759
NM_004075	0	1.424009825	3256	57.06137047
NM_002393	0.431624481	5.228044061	10076	57.05312582
NM_001204171	0.427353561	5.096202277	9926	57.05237126
NM_016032	0.16045952	1.099372158	4618	57.05170205
NM_020951	0.20473563	1.383284742	5144	57.03770005
ENST00000569969.1	0.216277812	1.924471299	5295	57.02891705
NR_024171	0.429964178	5.153062244	10008	57.02637905
NM_024744	0.259423368	1.445269017	5928	57.01959152
NM_017552	0.364649144	4.126505276	8054	57.01897845
NM_032663	0.069223881	1.288835598	3752	57.0133614
NM_001085458	0.284559634	2.623149606	6349	57.0067265
NM_182485	0.311495131	1.933907207	6853	56.99639421
NM_001130050	0.109683436	1.596923828	4095	56.9733041
NM_024709	-0.045174927	2.138963661	2971	56.96922466
NM_001177381	0.308956998	1.911725761	6796	56.96810309
NM_080836	0.28853109	3.797379504	6410	56.96196222
ENST00000427522.2	0.356147069	3.665516801	7826	56.95824494
NM_005921	0.342823954	3.558913593	7510	56.95104451
NM_133496	0.371759585	3.481495009	8213	56.93466673
NM_005121	0.443496233	8.510845676	10464	56.92682654
NM_001242338	0.365172838	4.108830846	8039	56.91890216
NM_017666	0.169231199	1.61171459	4694	56.91827392
NM_012224	0.244371136	2.418649744	5672	56.90843598
NM_001142964	0.193230927	1.697286432	4974	56.89867222
NM_020121	0.189480051	2.255629945	4928	56.8982695
NM_022162	0.150365862	2.373913043	4484	56.89377568
NM_007054	0.280730997	2.687869586	6256	56.89049526
NM_003679	0.216062791	1.117356627	5265	56.88273455
NM_016227	0.230670015	2.94255397	5465	56.8732102
NM_001256653	0.21506285	1.324633263	5248	56.86326561
NM_001003407	0.348089197	6.739256144	7608	56.86217008
NM_001042681	0.364690144	5.52665751	8008	56.85224584

NM_014969	0.138340646	1.802435102	4352	56.84340046
NM_015349	0.295725015	3.898234843	6514	56.84157987
NM_001177383	0.310188621	1.920889806	6787	56.82890379
NM_015188	0.250481379	1.355714037	5748	56.82517825
NM_001008405	0.252172097	2.790057163	5772	56.81523751
NM_001184790	0.250044592	3.209756098	5739	56.81376281
NM_001258380	0.339062216	5.125490727	7386	56.80220978
NM_020747	0.243918621	1.862178919	5644	56.80179303
NM_020367	0.15262053	1.49109528	4491	56.78707052
NM_001039591	0.489067392	9.531126042	12352	56.78482116
NM_001142550	0.141392803	1.755144033	4373	56.7785455
NM_002313	0.348076597	6.760216188	7585	56.77725143
NM_001011513	0.254933348	2.800689061	5804	56.76214875
NR_036634	0.299351474	2.068708105	6563	56.76117991
NM_001146008	0.071268183	2.03935743	3734	56.75151776
NM_001144967	0.383863974	2.405682622	8481	56.74141141
NM_001695	0.248651135	2.162692847	5703	56.74052117
NM_018263	0.330086932	3.754530248	7173	56.73732616
NM_033637	0.277281839	3.035366645	6163	56.73682804
NM_001128922	0.125287511	1.800570478	4206	56.72832511
NM_001184785	0.267642903	3.596233961	6000	56.72813679
NM_001177384	0.310695432	1.921305182	6772	56.72436349
NM_153704	0.174794638	1.064748201	4725	56.72349054
NM_152890	0.296422837	1.204307692	6499	56.71984081
NM_206866	0.253224526	3.079216502	5768	56.71561841
NM_001144964	0.382714088	2.378852537	8435	56.69293079
NM_003047	0.176728936	2.726486714	4741	56.68626322
NR_033652	0.182059233	1.129737609	4801	56.67450131
NM_003426	0.097474364	1.397565923	3943	56.6725736
NM_172128	0.254269956	4.393524931	5775	56.67057705
NM_031915	0.281579803	1.675723473	6219	56.65507408
NM_019619	0.269205048	3.538768719	6009	56.64957301
NM_001142551	0.1410521	1.825517241	4349	56.64499281
NR_023392	0.231272745	1.106077348	5429	56.64116798
NM_198551	0.371535929	4.033608273	8122	56.63852661
NM_001193362	0.213845329	1.938547486	5190	56.63588331
NM_015695	0.270265094	2.900215839	6022	56.62855718
NM_001256428	0.267872929	2.819063545	5979	56.61098899
NM_003939	0.272483374	3.023282695	6055	56.6108918
NM_194449	0.292991397	1.889720792	6410	56.60485906
TCONS_00000438	0.187940569	1.372375463	4857	56.59419232
NM_182646	0.311928513	1.930514488	6763	56.58525215
NM_016340	0.381149656	5.057317219	8356	56.56982726
ENST00000484859.1	0.188644683	1.38744856	4859	56.55676184
NM_001142568	0.40047629	5.475500112	8897	56.54942047
NM_014915	0.313137338	3.113586075	6778	56.54844816
NM_020937	0.330350355	2.404741863	7127	56.53286853
NM_001256053	0.313208705	3.113783943	6775	56.53005811
NM_001144965	0.382746776	2.392107773	8387	56.52839941
NR_046020	0	3.365769712	3195	56.52433104
TCONS_00017672	0.219387858	1.299771167	5243	56.52300347
NM_001199398	0.241186313	2.453758789	5546	56.50997149
NM_001184788	0.262509532	3.258514986	5871	56.50832722
NM_003243	0.297272219	2.119220659	6466	56.50735419
NM_004017	0.165408604	2.380017452	4583	56.50004998
NM_001144968	0.382830718	2.394962998	8377	56.48700643
NM_019112	0.315864692	3.649017307	6817	56.48571777
NM_017640	0.23352802	1.501196833	5430	56.48019634

NM_001195683	0.297488562	2.112314356	6463	56.47685154
NM_153717	0.295650177	5.426283048	6429	56.47550493
NM_001144966	0.380686545	2.416335859	8312	56.46291334
NM_001331	0.286848511	2.696442814	6268	56.46070379
NM_015028	0.258977325	13.54288667	5805	56.45892563
NM_001161560	0.257494133	13.49602214	5781	56.45486518
NM_001164386	0.383380206	4.98806825	8380	56.44681876
NM_001146028	0.137022873	1.046517064	4277	56.43764846
NM_014699	0.283665507	3.092300258	6207	56.43606653
NM_001199782	0.17954202	1.233291032	4727	56.40909658
ENST00000284617.2	0.214493533	1.427768082	5156	56.40352144
NM_015277	0.385421331	2.412491095	8421	56.3974303
NM_001144970	0.383326038	2.404736276	8360	56.38437228
NM_018914	0.192116522	1.112684729	4871	56.38424783
NM_001243960	0.380734578	2.301085645	8289	56.38036727
NM_012281	0.228040726	2.847927995	5332	56.36888695
NM_001126340	0.456927514	4.362522054	10768	56.35407475
NM_053279	0.119181379	1.319081358	4092	56.34485944
NM_024420	-0.04140772	1.682718579	2927	56.34198634
NM_018126	0.358648997	4.550343398	7716	56.33676279
NM_001199400	0.24336747	2.462551886	5540	56.3170492
NM_018136	0.460259631	9.712068332	10887	56.3169353
NM_004937	0.153953376	1.421800948	4430	56.31137864
NM_145167	0.143410755	1.639287367	4321	56.30730617
NM_018207	0.091393842	1.097630825	3840	56.30426432
NM_001256045	0.186199699	1.959882992	4785	56.29357337
NM_005433	0.177653332	1.497972252	4684	56.28120409
NM_014665	0.230762577	3.04782365	5352	56.27538261
NM_001256856	0.278705459	2.9871837	6085	56.2655977
NM_016173	0.265078969	1.839276574	5860	56.25867298
NM_001184789	0.259272049	3.395417462	5760	56.21279887
NM_001256654	0.215121834	1.268758527	5130	56.21612814
NM_145257	0.2144466384	1.437805116	5120	56.20821003
NM_022350	0.254793012	2.521792619	5689	56.20757978
NM_172232	0.37878458	3.884554237	8176	56.17106636
NM_015906	0.38494668	6.140424511	8338	56.16214838
NM_001080497	0.287338753	1.171980676	6209	56.15571656
NM_001144884	0.368159603	3.451392405	7899	56.15564842
NM_001144969	0.384454739	2.401899495	8317	56.13624294
NM_001286	0.256334614	3.532994033	5697	56.13072835
NM_002918	0.151743101	1.769933745	4376	56.11333194
NM_020205	0.299300748	3.048814722	6411	56.10409251
NM_001186	0.252994981	3.146959759	5640	56.10002719
NM_006092	0.163268118	1.870329181	4495	56.09848918
NM_018844	0.276991252	2.787007809	6018	56.08795991
NM_004015	0.175181038	2.138654553	4622	56.07555843
NM_001144971	0.388394423	2.374494409	8405	56.07125747
NM_001105531	0.259322901	1.790612459	5730	56.06685921
NM_022835	0.357368218	4.554489286	7606	56.04545002
NM_018340	0.284935626	2.528569103	6142	56.04024784
NM_001172675	0.138693613	1.488899386	4233	56.03789353
ENST00000366687.1	0.214441928	1.446846139	5088	56.03402854
NM_152419	0.22393025	2.225738397	5213	56.03309588
NM_017934	0.487943296	9.816480027	11965	56.01113945
NR_046428	0.257065235	3.524463217	5681	55.99678274
NM_001256295	0.107326373	1.344091487	3934	55.98992455
NM_198990	0.213326091	1.265310154	5061	55.964537
NM_152748	0.302384353	1.280919826	6435	55.96164709

NM_001040424	0.313990768	3.421250376	6653	55.95497709
NM_001206883	0.280534302	2.471152257	6048	55.95204753
NM_001172630	0.138512312	1.055700403	4218	55.95029269
NM_001130049	0.112925704	1.679065092	3978	55.94900722
NM_005631	0.084658999	1.315761306	3736	55.94822978
NM_148921	0.180811594	1.098842196	4663	55.93923269
NM_001161561	0.260280495	13.70029725	5718	55.93570879
NM_024345	0.371202983	2.716704574	7913	55.93466681
NM_001161562	0.258796157	13.65338016	5694	55.93020275
NM_001184791	0.257433661	3.376806486	5673	55.92959185
NM_032584	0.140060791	1.495627511	4230	55.92911342
NM_130759	0.158383572	1.045969203	4415	55.92159606
NM_001080410	0.328177203	5.037240185	6927	55.9148714
NM_001080825	0.354892777	1.459254328	7509	55.901435
NM_020235	0.404407569	5.477066303	8807	55.89373975
NM_015087	0.210828613	2.005383848	5014	55.8809133
NM_018392	0.319294208	3.619881306	6739	55.88009994
NM_024341	0.27867479	1.732544576	6000	55.87361048
NM_001256959	0.255646189	3.5078125	5631	55.85630203
NM_001142295	0.205817594	2.070764254	4945	55.84745791
NR_034164	0.219597153	1.954314721	5121	55.84653504
NM_006662	0.454323764	9.413500095	10473	55.84323799
NM_182909	0.112724013	1.303886926	3961	55.84202375
NM_053042	0.329484608	2.539215686	6935	55.83827389
NM_001178113	0.103373854	1.19670018	3878	55.83612892
NM_001164317	0.429001706	8.365899582	9559	55.82658234
NM_001199917	0.293362338	2.667894905	6241	55.82437532
NM_033405	0.355667863	3.810710004	7506	55.82311578
NM_001044388	0.278077457	1.733946488	5979	55.82193413
NM_134442	0.435522313	4.671950097	9778	55.81768182
NM_001097634	0.277835932	2.281386006	5973	55.81258441
NM_001079906	0.131789718	1.266279351	4130	55.79559977
NM_001142296	0.210831154	2.005002001	4997	55.78592092
NM_033020	0.387211996	6.150820463	8287	55.7839065
NM_015203	0.369115915	5.423381939	7817	55.77885918
NM_007351	0.208708745	1.169249346	4968	55.77340503
NM_001184786	0.277775153	3.585877222	5961	55.76118396
NM_000212	0.20292771	2.739681242	4893	55.75519242
NM_015049	0.309914106	3.821051019	6526	55.74766538
NM_013386	0.068892029	1.779916318	3584	55.74219227
NM_001044387	0.28022644	1.718149942	5988	55.69763891
NM_005650	0.35290959	6.492507088	7406	55.68738408
NM_001135937	0.455470845	4.3552556	10445	55.65130586
NM_001085411	0.106667658	1.279567122	3880	55.64535537
NM_015072	0.193255262	2.878074417	4756	55.63614936
NM_001193363	0.221506117	1.92226356	5106	55.62827714
NM_001256425	0.264151387	2.765272186	5712	55.61380054
NM_001080453	0.334077338	8.280613708	6973	55.60753287
NM_020429	0.267599899	2.29724102	5762	55.59490888
NM_207352	0.189342466	1.151147959	4703	55.5936147
NM_001201329	0.264321254	1.287865523	5710	55.59122743
NM_020819	0.256696864	1.753128352	5593	55.58893772
NM_014781	0.319215415	3.739463027	6666	55.58304924
NM_018328	0.283327611	2.376329787	6015	55.58255275
NM_020453	0.313249271	4.430076336	6549	55.57591534
NM_001457	0.429133752	8.46889194	9466	55.5415015
NM_016169	0.21045932	1.46301536	4947	55.5322751
NM_001085462	0.286337281	2.70923509	6052	55.5191067

NM_001243765	0.329522404	3.541131855	6855	55.51214384
NM_004938	0.279587746	5.936679017	5937	55.50915493
NM_001083617	0.319737847	3.764043256	6657	55.50288881
NM_015227	0.200874463	1.461745801	4822	55.49177444
NM_004016	0.181028297	2.375952951	4590	55.48495514
NM_001171992	0.078209795	1.609439691	3622	55.4761498
TCONS_00015262	0.303038459	3.810200537	6332	55.45992358
NM_022841	0.346261496	6.572897846	7194	55.44843358
NM_020774	0.425310673	5.448205459	9305	55.43592781
ENST00000457356.4	0.146956844	1.254265403	4219	55.40841991
NM_015599	0.291010967	2.7463151	6105	55.39650318
NM_032450	0.243841921	3.1318292	5362	55.37018846
NM_001040716	0.144791348	1.128816794	4191	55.3644406
NM_181492	0.351147222	6.63662591	7278	55.35440586
NM_017902	0.334417171	5.096209491	6911	55.33151429
NR_033651	0.146962754	1.258141193	4206	55.32260583
NM_004799	0.210820239	1.719226857	4914	55.32144492
NM_001085469	0.266783938	2.773893183	5691	55.31287893
NM_001256550	0.245544158	2.452008929	5375	55.312471
NM_001253799	0.138088699	1.253945132	4118	55.31026588
NM_001144989	0.302293128	1.702053159	6282	55.299597
NM_003565	0.234683186	2.041171965	5221	55.2991049
NM_001252100	0.445329113	6.697283702	9939	55.29765528
NM_001199399	0.246784398	2.519858946	5387	55.28315179
NM_001164318	0.430871266	8.470426118	9433	55.27585006
NM_001256523	0.10996419	1.384136858	3857	55.27545169
NM_001193360	0.221092135	1.996621622	5031	55.24757855
NR_027830	0.28154442	2.761711483	5912	55.24171268
NM_001242761	0.079220124	1.317032509	3598	55.23144408
NM_001253798	0.142595678	1.206796819	4148	55.22109858
NM_001024596	0.250146514	1.490311866	5418	55.19451416
NM_213590	0.353545567	2.276268861	7289	55.19146134
NM_001206888	0.284116061	2.886103634	5943	55.18810528
NM_017596	0.44549936	6.747702252	9900	55.17211705
NM_000857	0.032201597	2.019390582	3248	55.15601886
NM_014641	0.357396984	9.781080347	7367	55.15540713
NM_001161563	0.265701018	13.57489807	5640	55.14580468
NM_015042	0.405929813	6.040153186	8616	55.14302711
NM_002841	0.323645043	3.229091456	6647	55.14263522
NM_001161564	0.264235365	13.52679366	5616	55.13818409
NM_004379	0.441220071	4.680805176	9736	55.13546995
NM_002223	0.508534628	14.41359007	12567	55.09456151
NM_199050	0.27941223	2.415497776	5845	55.09080829
NM_001161779	0.165673243	1.150917431	4359	55.08452468
NM_001195684	0.305998119	2.097142857	6299	55.08031959
NM_025135	0.216593712	3.913597734	4941	55.06738839
NM_173354	0.197073888	1.507335743	4702	55.0575516
NM_001265611	0.311787679	2.79065771	6400	55.05698564
NM_170589	0.371989192	7.482238126	7684	55.05044019
NM_181671	0.310131604	3.377414795	6366	55.04267941
NM_001126240	0.230771659	4.10390625	5119	55.03612415
NM_001609	0.286086101	3.294226561	5940	55.02234046
NM_001077692	0.312945354	3.204864359	6413	55.02016655
NM_001253800	0.138364615	1.264345267	4077	55.01661695
NM_017877	0.120269396	2.062116564	3911	55.01658237
NM_001184787	0.283675867	3.53924394	5898	55.01257417
NM_001164319	0.432421205	8.585524215	9394	55.01124069
NM_014701	0.344764234	4.18477489	7040	54.9773655

NM_153013	0.089134768	1.232839099	3641	54.9622451
NM_001031681	0.135469832	1.370113805	4041	54.95719749
NM_001127208	0.444309709	7.071574642	9779	54.9515608
NM_001206889	0.294282047	2.804057397	6062	54.94638585
NM_001040445	0.335462795	3.185130982	6832	54.92792957
NM_013229	0.35076157	4.133417156	7157	54.92495726
NM_005160	0.422874574	6.045057979	9054	54.91493236
NM_002015	0.275325253	4.081038689	5737	54.88902957
NM_001206891	0.299236887	2.647816167	6135	54.88814036
NM_001193489	0.352012091	4.259476031	7175	54.88805672
NM_175872	0.119722884	1.166152263	3887	54.88158963
NM_020772	0.473995807	7.521783088	10879	54.86352334
NM_000651	0.450496088	3.76730885	9965	54.85414372
NM_001199918	0.286234126	2.495257453	5903	54.839334
NM_015139	0.317735023	3.075696594	6459	54.83220623
NM_024607	0.264813899	1.333453173	5562	54.82930995
NM_002451	0.218372882	3.007925218	4920	54.82544555
NM_015447	0.372492534	4.655353165	7630	54.81269633
NM_001142294	0.210858519	2.074450436	4821	54.79279297
NM_152259	0.328995459	4.22117259	6668	54.7927698
NM_001144068	0.24708634	1.526057402	5295	54.78708056
NM_032156	0.185723388	1.423552806	4525	54.77485706
NM_005239	0.107314236	1.40876494	3764	54.767563
NM_001193361	0.221508674	1.979789814	4947	54.75511979
NM_173602	0.413577078	7.269076305	8714	54.74188087
NM_001256524	0.102029532	1.443487621	3715	54.73201824
NM_002536	0.113412734	2.65818468	3811	54.73195529
NM_015428	0.200720552	1.753518124	4689	54.73167791
NM_001085466	0.280299062	2.607921135	5781	54.72094052
NM_001077691	0.317842933	3.190831391	6434	54.71733173
NM_001042573	0.183819499	1.647752559	4493	54.70845171
NM_031281	0.25489372	2.062894249	5389	54.69810938
NM_144508	0.372828221	7.611410543	7606	54.69714629
NM_022574	0.312487002	4.620635171	6328	54.6907839
NM_022572	-0.000799332	1.132574489	2986	54.68798331
NM_153371	0.211097632	1.738551207	4803	54.67383691
NM_014662	0.259895785	3.165628435	5457	54.67261599
NM_001178095	0.37029515	5.190735333	7533	54.65388287
NM_001033087	0.178277939	1.332730561	4423	54.64915061
NM_144778	0.205173601	2.346023689	4727	54.64684388
NM_001195388	0.255009845	2.058550186	5379	54.63881929
NR_027673	0.231669489	3.642207278	5055	54.62716467
NM_001256651	0.236735453	1.237992971	5121	54.62009838
NM_001161565	0.267078173	13.7374865	5553	54.61620152
NM_001161566	0.265611599	13.68933092	5529	54.60709884
NM_001243764	0.309151438	3.306978233	6247	54.60326485
NM_012417	0.309323323	3.043533931	6247	54.58967938
NM_001083953	0.313666454	4.283275371	6325	54.58401669
NM_001003652	0.468276964	4.701404708	10535	54.57613117
NM_001146009	0.065873992	2.128002343	3413	54.57246966
NM_001195605	0.224262528	2.078803799	4948	54.56694199
NM_001085468	0.281244278	2.605308813	5763	54.56392774
NM_001160308	0.272235489	1.729359431	5619	54.55321999
NM_018444	0.165921606	1.175315568	4277	54.54770671
NM_001178085	0.380166195	5.228940568	7739	54.52776311
NM_001002259	0.18582937	1.433890747	4484	54.51904423
NM_001128626	0.26145514	1.62435709	5443	54.48739523
NM_001031617	0.220822346	1.55121652	4890	54.48675178

NM_005277	0.03828236	5.852959502	3209	54.47941563
NM_001012968	0.150406106	2.08438716	4111	54.47348003
NM_213651	0.078606997	1.722254005	3495	54.47139528
NM_001085464	0.287899804	2.508460092	5850	54.46519192
NM_032859	0.252011644	2.484156922	5301	54.45951127
NM_022802	0.210151632	1.04229798	4751	54.44227192
NM_001244766	0.352900034	3.612971598	7076	54.43337835
ENST00000570137.1	0.198569808	1.993281318	4613	54.43239287
NM_015306	0.476287133	8.118774301	10801	54.42835731
NM_006670	0.065199853	1.365378944	3390	54.42752938
ENST00000454337.1	0.254604002	2.580172738	5325	54.39348218
NM_001206890	0.284974159	2.334427929	5785	54.38428446
NM_181349	0.278708641	2.402286719	5684	54.37981978
NM_001267584	0.174518204	1.306912442	4339	54.37538257
NR_037882	0.284234986	2.878551629	5771	54.37459107
NR_026947	0.251208835	2.489188164	5271	54.36347622
ENST00000541775.1	0.251208835	2.489188164	5271	54.36347622
NM_005399	0.261762417	2.012723585	5422	54.35955682
NM_006371	0.333411044	2.269433168	6650	54.3586843
NM_181861	0.359052449	4.242247254	7190	54.34842188
NM_001146190	0.273668879	2.003394069	5597	54.33908312
NM_003112	0.286532176	4.419655172	5799	54.3314063
NM_004018	0.19464909	2.12741652	4551	54.32985816
NM_001199847	0.278894089	2.395348837	5675	54.3227802
NR_046474	0.169690736	2.72763373	4280	54.320251
NM_017742	0.270374379	2.804979253	5542	54.31669503
NR_037596	0.217402738	1.789331673	4817	54.3158584
NM_015291	0.300210523	2.585726141	6024	54.31376254
NM_001102653	0.353912268	3.519949066	7067	54.31365635
NM_015282	0.396184365	9.033366288	8091	54.31320801
NM_001171689	0.274442024	2.629371877	5603	54.31032879
NM_001204189	0.210974034	3.72351203	4737	54.30539635
NM_005895	0.435405491	8.069390402	9251	54.30389617
NM_001161778	0.165468399	1.180873672	4234	54.30229862
NM_001126242	0.229803832	3.839267753	4970	54.2974642
NM_015197	0.334062219	2.170702361	6648	54.29741571
NM_017709	0.282186252	2.20034965	5719	54.28399733
NM_001193329	0.030522003	1.288584184	3135	54.28211111
NM_153246	0.092651498	1.636871508	3579	54.28189191
NM_017762	0.229446955	2.744003225	4960	54.26794537
NM_001161780	0.165899751	1.184695324	4233	54.26782117
NM_014948	0.176662959	1.315765247	4344	54.26534429
NM_001085461	0.313371924	2.503602882	6244	54.25665369
NM_025180	0.302693518	2.166336307	6053	54.25116129
NM_001131062	0.305532588	1.769419862	6101	54.24408447
NM_001006656	0.197375434	1.796847636	4567	54.24103327
NM_014071	0.35460093	5.395355423	7061	54.23272675
NM_001242896	0.272038777	3.060169339	5550	54.2318897
NM_001161781	0.165174598	1.18336887	4220	54.23153298
NM_001195677	0.376912918	2.80781415	7575	54.23005763
NM_000484	0.100284969	11.1255161	3632	54.22229504
NM_001085463	0.292202315	2.697904243	5868	54.21933547
NM_033360	0.263539853	3.253274304	5420	54.21867421
ENST00000431979.1	0.085604525	1.060864619	3515	54.21216267
NM_001079907	0.158503321	1.161647796	4150	54.20963142
NM_130466	0.284715813	4.023850975	5743	54.2060838
NM_020448	0.264196703	1.914670107	5425	54.19529699
NM_001134367	0.327988984	4.592404674	6503	54.1917617

NM_001204191	0.220355373	3.896937086	4831	54.18950812
TCONS_00023419	0.267736973	2.308436815	5475	54.18251602
ENST00000426361.2	0.249336752	1.069865643	5209	54.17792056
NM_020824	0.360150945	6.178038231	7166	54.16464918
NM_153810	0.340201712	4.749851632	6739	54.16377339
NM_033449	0.175854017	1.606712963	4319	54.16213164
ENST00000369151.2	0.340261412	4.749703264	6739	54.15887253
NM_022347	0.356209927	3.297992649	7073	54.14347241
NM_152551	0.161871555	2.000718907	4172	54.135572
NM_201274	0.484524088	8.123559829	11022	54.11760632
NM_001257180	0.143602087	1.194291437	3993	54.11594607
NM_001160	0.354641916	4.076824584	7028	54.10241244
NM_001194999	0.38440931	4.083624595	7724	54.10198198
NM_000920	0.144990821	1.17982018	4003	54.09580302
NM_000118	0.042986717	1.197121402	3195	54.09453561
NR_039983	0.269007125	4.707161125	5473	54.07865331
NM_022065	0.308361568	4.46401701	6113	54.07621867
NM_005085	0.33440617	7.266323284	6600	54.07309839
NM_001130140	0.254091849	2.709118599	5252	54.0564737
NR_027674	0.230842812	3.574929121	4937	54.04389815
NM_001024956	0.354938102	4.043880895	7018	54.03909563
NM_001166417	0.30376195	1.779917012	6024	54.03812056
NM_032823	0.000250371	1.251540041	2921	54.03274485
NM_001145276	0.21599419	1.382315789	4749	54.02818349
NM_020148	0.264953488	1.71325435	5401	54.01966786
NM_001077690	0.310590082	3.327195698	6136	54.00328796
NM_001078	0.045872585	1.258507649	3202	53.99046136
NM_032217	0.442472985	10.69696	9374	53.97944192
NM_201592	0.038242234	5.987940336	3150	53.97852072
NM_014661	0.287594118	3.674912892	5739	53.9691538
NM_001184	0.405903611	5.776148346	8250	53.96148424
NM_001754	0.301663439	3.060331825	5966	53.93943644
NM_001204185	0.236681079	4.570284341	4993	53.93700294
NM_207304	0.204437323	2.432020883	4596	53.93422098
NR_026677	0.30274078	2.487967914	5983	53.93289923
NM_016006	0.262916569	1.412292173	5352	53.9230813
NM_001172774	0.303990061	4.467344219	6001	53.91719059
NR_046462	0.301161324	2.624727028	5952	53.914849
NM_207325	0.305529026	4.450066357	6027	53.91438986
NM_201413	0.098378572	11.52824385	3575	53.90912063
NM_020165	0.288428901	3.650984492	5738	53.90121718
NM_001135037	0.204258375	2.678291194	4587	53.89350712
NM_052948	0.13889591	1.096477795	3917	53.89300968
NM_001136265	0.29447044	2.315681234	5834	53.88878933
NM_001114118	0.404360183	3.673998045	8183	53.8815397
NM_018374	0.332486891	2.768038072	6513	53.87041706
NM_015041	0.16316465	1.351025332	4144	53.87036163
NM_006209	0.059103108	3.156802929	3277	53.86172454
NM_006749	0.143810695	1.194844579	3956	53.85151678
NM_001097636	0.280902879	2.417692171	5606	53.84112142
NM_006918	0.354067165	4.132738267	6945	53.8298893
NM_006298	0.264873418	3.663931369	5361	53.82512294
NM_181839	0.156452464	1.179027505	4071	53.82203475
NM_003410	0.382829906	5.309836928	7603	53.81425949
NM_017628	0.439955315	3.287230586	9232	53.81093993
NM_015662	0.264941004	1.511567164	5359	53.81013422
NM_014060	0.45622604	3.300480033	9790	53.80340389
NM_173468	0.355362768	3.716008615	6964	53.79535358

NM_001204190	0.229635189	3.73692844	4876	53.79331209
NM_144710	0.057172665	8.026412776	3255	53.7907577
NM_015134	0.486187159	8.309580292	10959	53.78862181
NM_018199	0.204118754	1.935639229	4567	53.78532251
NM_001131063	0.310780156	1.757351733	6086	53.76798323
NM_014952	0.200713928	3.673221388	4525	53.76647158
NM_182898	0.417903335	7.919596812	8531	53.76443445
NM_080676	0.228923867	1.14973262	4861	53.76010045
ENST00000562490.1	0.059199293	1.04592774	3265	53.75752033
NM_020714	0.311579892	1.748278124	6097	53.75410614
NM_007324	0.219006295	1.713803293	4737	53.75256906
NM_007219	0.072316685	1.054496724	3357	53.74962225
NM_080682	0.006358453	1.163990434	2926	53.74856864
NM_001172655	0.277705188	1.581979054	5537	53.74669422
NM_015132	0.326633069	2.287709936	6370	53.74294991
NM_022172	0.1459627	1.173528669	3958	53.72973935
NM_001136029	0.267604468	3.116127834	5381	53.72509379
NM_007118	0.468773	10.50924025	10226	53.71963266
NM_001256525	0.106558471	1.442477876	3615	53.71805583
NM_024740	0.315440901	3.312114323	6157	53.71499309
NM_001080485	0.324348717	3.823892405	6319	53.70896504
NM_017813	0.368306372	4.554771784	7229	53.70881971
NM_001204301	0.102167921	10.66471081	3578	53.70506996
NM_199415	0.169582241	1.28448482	4182	53.7017752
NM_001821	0.361195714	3.792810643	7065	53.6937708
NM_001206886	0.308586964	2.446360471	6030	53.69034808
NM_001433	0.151578218	1.807490637	4004	53.68572768
NR_027687	0.258134789	1.058081773	5233	53.6661417
NM_001003699	0.425755394	4.950646971	8732	53.6603855
NM_014963	0.235293596	4.579492386	4924	53.66038066
NM_015205	0.427831806	8.594997157	8794	53.6558332
NM_003736	0.206978946	1.177370031	4577	53.65067297
NM_001243127	0.315795303	2.191575866	6148	53.6479314
NM_001136016	0.100426168	11.25892606	3556	53.6435721
NR_024084	0.322469341	1.972563407	6268	53.64057765
NM_001100913	0.344458811	2.077532118	6693	53.63032106
NM_015230	0.374927328	4.483020918	7361	53.62890396
NM_032189	0.42724483	8.616560219	8767	53.62836068
NR_038177	0.191344824	1.466242328	4398	53.62792374
NM_001876	0.260136422	3.082238721	5252	53.61841935
NM_015365	0.271504386	2.765922097	5416	53.61252591
NM_001261448	0.038368622	5.958829206	3108	53.6104103
NM_003043	0.335449818	4.700061463	6507	53.60659035
NM_002731	0.201972382	1.711721693	4512	53.6046503
NM_001097635	0.278098556	2.448132028	5513	53.60087841
NM_001204192	0.238360693	4.201695942	4952	53.59689952
NM_005427	0.252828148	4.720007778	5142	53.578005
NM_001206885	0.32294164	2.556602267	6262	53.57752367
NM_021964	0.451588965	5.388871424	9542	53.57052355
NM_182948	0.200020647	1.681463306	4482	53.55681039
NM_004612	0.334385841	3.860055607	6473	53.55195814
NM_001025580	0.264804598	2.706181681	5305	53.5482739
NM_001007278	0.357914057	2.291486914	6953	53.54011222
NM_033397	0.189511554	2.331805683	4363	53.53520062
NM_001244189	0.310815564	3.324825986	6033	53.53060158
NM_181868	0.3630615	4.187765506	7061	53.52178712
NM_001105537	0.304545181	4.264606552	5921	53.51388133
NM_002335	0.252749208	4.343603744	5127	53.5054527

NM_015910	0.069953318	1.01783016	3308	53.49183521
NM_014021	0.30338398	1.821434628	5896	53.48995035
NM_020945	0.465473188	13.60291621	10012	53.48474322
NM_017728	0.223834405	1.979574647	4748	53.48225901
NM_018718	0.335883919	2.577397471	6485	53.4809344
NM_004091	0.257798708	3.047178895	5192	53.47971053
NM_001137554	0.454241693	3.019993752	9602	53.47874488
NM_023076	0.167408101	1.849660524	4123	53.46121792
NM_001003700	0.399894149	4.604662886	7934	53.45323069
NM_013450	0.407691862	4.345979128	8144	53.45232274
NM_004985	0.26602421	3.351519728	5296	53.41407638
ENST00000344707.2	0.078330984	1.41947008	3358	53.40910913
NM_001008388	0.304101603	2.63265999	5890	53.40765178
NR_027686	0.263821383	1.164893617	5263	53.4072091
NM_000443	0.151955083	1.114948324	3966	53.40663444
NM_152778	0.207850244	1.84950495	4544	53.39817987
NM_001204302	0.100160157	11.06615559	3521	53.39470991
NM_006823	0.176200492	1.236848369	4200	53.38830998
NR_003561	0.122512186	2.006219578	3697	53.35385687
NM_144718	0.27722842	1.729258443	5447	53.34328478
NM_002293	0.399631744	7.569907466	7888	53.32135439
NM_001115008	0.278600665	2.700219619	5463	53.32014696
NM_001114753	0.036126661	1.329084967	3059	53.31012566
NM_015313	0.462264707	8.117000712	9828	53.30907113
NM_018849	0.155914902	1.114844534	3987	53.29780835
NM_023072	0.190865178	1.894445725	4338	53.29244747
NM_052811	0.355667852	2.378508772	6839	53.28513894
NM_001134338	0.071881009	1.084622384	3296	53.28405412
NM_014729	0.17089688	3.458000484	4130	53.28237503
NM_001127183	0.483718552	7.677401183	10650	53.27964512
NM_033224	0.440522152	5.335428382	9068	53.27686381
NM_003423	0.265247095	1.295549639	5257	53.2733859
NM_005901	0.478435515	4.908707326	10427	53.25834888
NM_001252102	0.448546221	7.228657229	9323	53.24599648
NM_001134232	0.33017814	2.915822785	6319	53.24557173
NM_014709	0.499335255	11.93094607	11309	53.24258259
NM_003735	0.229357836	1.422077922	4773	53.24127953
NM_001085467	0.303244909	2.682713723	5836	53.22771128
NM_024652	0.390753993	7.009435199	7630	53.21756026
NM_178584	0.057316009	7.971760276	3186	53.20948033
NM_015040	0.465284972	7.959499041	9900	53.20347352
NM_001242377	0.470529737	7.315664322	10092	53.19002496
NM_001166293	0.304605724	1.836497349	5846	53.16924789
NM_012288	0.367082077	5.375513674	7056	53.16510555
NR_037928	0.32943487	3.424025457	6284	53.15682761
NM_023925	0.192653397	1.433910035	4334	53.15014771
NM_001130863	0.059924293	3.21989365	3196	53.14546551
NM_001206856	0.19523162	1.437514332	4360	53.13909439
NM_001085465	0.301530797	2.258120249	5787	53.13418247
NM_015325	0.404053196	6.148716658	7947	53.12624264
NM_001252103	0.448702408	7.284652666	9284	53.11946122
NM_004360	0.234519715	2.184215992	4814	53.1113148
NM_003713	0.07648215	1.478839178	3307	53.10829898
NM_001126241	0.250988892	3.950258655	5025	53.09532598
NM_000152	0.135805021	1.230463576	3774	53.08999529
NM_020801	0.177280913	1.648401826	4160	53.06378667
NM_001136191	0.264653314	3.574884793	5207	53.06228261
ENST00000369156.1	0.339822302	4.887770898	6459	53.05709792

NM_001178084	0.383101572	5.437939427	7395	53.04967808
NM_006618	0.336011694	4.297822341	6382	53.04431319
NM_173653	0.1192547	1.615660325	3626	53.03520283
NM_003045	0.381192772	8.402424077	7342	53.02278896
NM_017852	0.113102969	2.846993007	3574	53.02131259
NM_001003698	0.427338232	5.013772176	8567	53.0044794
NM_001166295	0.306530472	1.784699641	5842	53.00394061
NM_015566	0.315101758	2.7	5989	53.0033364
NM_152624	0.475231505	7.478819376	10197	52.99122552
NM_032207	0.083857415	1.200239091	3345	52.98599961
NM_001097633	0.284038504	2.505659	5477	52.98598803
NM_004631	0.399229154	4.687966058	7777	52.98035923
NM_181523	0.365609462	6.746236559	6974	52.97825735
NM_001202516	0.483524107	7.22608861	10517	52.96585561
NM_001253801	0.151535742	1.274967908	3894	52.94580132
ENST00000453554.1	-0.346960104	4.028460543	1545	52.94427117
NM_015690	0.246339669	1.937183384	4934	52.93893854
NM_002649	0.278149174	2.427960587	5378	52.93682094
NM_006315	0.297048395	4.097440424	5664	52.90382208
NM_015178	0.283350697	2.81299321	5448	52.89629234
NM_030650	0.303309662	3.560104076	5764	52.89343522
NM_001145798	0.400759368	4.338680698	7791	52.89295801
NM_001198665	0.464979496	8.231784691	9771	52.88590409
NM_001261462	0.210868939	1.357986188	4488	52.86589169
NM_173654	0.178302014	1.588690188	4137	52.85121586
ENST00000295571.5	0.178302014	1.588690188	4137	52.85121586
NM_020338	0.391953013	10.3081403	7554	52.84764399
NR_046443	0.339898869	2.471918877	6409	52.84520812
NM_005798	0.35700097	2.418356773	6754	52.84341132
NM_001712	0.109463777	1.378516624	3518	52.82013503
NM_004958	0.434514829	7.771690544	8724	52.81764689
NM_022041	0.216492903	1.295774648	4543	52.80977329
NM_024896	0.277341802	3.530612245	5340	52.80846725
NM_030792	0.062728436	1.406112161	3173	52.79593399
NM_001104586	0.265759413	1.625797718	5170	52.79388952
NM_001244192	0.302196883	3.403983925	5722	52.78455099
NM_001134337	0.070931863	1.101610905	3227	52.77728543
NM_001174081	0.113410405	2.859198646	3543	52.77256536
NM_001974	0.05888218	1.286168521	3144	52.76977778
NM_002538	0.34231659	3.880397639	6437	52.76654288
NM_001001936	0.163071193	1.410714286	3975	52.76635354
NM_182641	0.494903758	10.30685358	10913	52.76503306
NM_012141	0.389333204	4.879035499	7464	52.75821848
NM_001111307	0.236790775	2.57396945	4778	52.75537129
NM_001160258	0.313414005	4.527208001	5898	52.72873161
NM_001243313	0.244502182	1.929802956	4871	52.72811904
NM_014997	0.342853456	3.603758931	6437	52.72346963
NM_004090	0.178877508	1.860019408	4121	52.7111971
NM_145754	0.075134501	1.058497537	3247	52.70110526
NR_038352	0.470888843	7.287255495	9917	52.69107706
NM_198269	0.373300258	5.261823846	7061	52.66142676
NM_001168344	0.429997724	4.970698547	8531	52.64735542
NM_001160226	0.312300652	4.548029347	5860	52.64382302
TCONS_00011630	0.122147083	1.17264387	3596	52.64190514
NM_001206887	0.318615392	2.498156836	5967	52.6344801
NM_003185	0.226215706	2.874891962	4627	52.63439803
TCONS_00023262	0.125408243	2.057150745	3621	52.62833643
NM_001206884	0.318359343	2.65011741	5961	52.6277796

NM_001031672	0.114580417	1.48627229	3532	52.62104525
NM_003879	0.489430829	7.609526499	10622	52.62083511
NM_003714	0.280105535	1.52423732	5342	52.61635712
NR_003521	0.121608701	1.013377926	3587	52.60823285
NM_014712	0.344756698	4.484876687	6446	52.60750936
NM_182899	0.418648648	8.024548119	8187	52.60185772
NM_001204186	0.237606433	4.247427011	4760	52.59963126
NM_001204172	0.448657932	4.862072755	9098	52.58890129
NM_024632	0.333432369	2.037590361	6224	52.58707464
NM_001018054	0.396844625	4.561505065	7600	52.58186653
NM_020310	0.244291656	1.874845105	4841	52.58014249
NM_001184998	0.403228216	6.237886598	7759	52.56675358
NM_130446	0.33881257	7.555221519	6319	52.55920245
NM_017631	0.325534709	3.696196279	6072	52.55638514
NM_001166294	0.304873074	1.830446194	5714	52.54534275
NM_001040092	0.059535016	3.353299167	3121	52.539933
NM_153348	0.245892906	1.403501545	4854	52.53913426
NM_000726	0.411763755	4.558661319	7977	52.53776299
NM_025191	0.354837458	4.632689988	6631	52.53620018
NM_001242897	0.268284729	3.162948594	5154	52.53083767
NR_036633	0.40344963	2.990455308	7752	52.52354152
NM_032550	0.165789853	1.406155399	3963	52.51549996
NM_017766	0.208793068	1.329625426	4404	52.50658085
NM_025114	0.411294755	3.616593338	7954	52.50379532
NM_001099678	0.401066504	7.253546792	7682	52.4947357
NM_001130723	0.262324846	1.953603159	5064	52.49428256
NM_006720	0.365187701	7.743091095	6838	52.49402584
ENST00000366686.1	0.208856746	1.477153899	4398	52.46657829
NM_001136130	0.108563632	10.57056277	3464	52.46616125
NM_001042549	0.543704557	1.915960666	13219	52.46207121
NM_152734	0.36145736	5.368834247	6750	52.46163117
NM_001160259	0.309981013	4.586941462	5773	52.42782245
NM_015226	0.368404428	4.832244957	6890	52.42623717
NM_152347	0.166049375	1.008607595	3949	52.4063491
NM_005761	0.388515082	7.32875034	7345	52.40607694
NM_004904	0.421793379	8.057835139	8212	52.39713379
NM_018561	0.070287183	1.175952156	3176	52.39490596
NM_001130720	0.263584082	1.959699723	5061	52.38914806
NM_000136	0.226915231	1.706881533	4591	52.38184168
NM_001193389	0.169104756	1.869652743	3973	52.37277133
NM_183415	0.287171197	4.193739581	5398	52.37224714
NM_153377	0.180008428	1.503431373	4079	52.37044225
NM_001142273	0.411440944	9.477068857	7914	52.3586053
NM_001146051	0.115279532	1.492435056	3502	52.35572114
NM_001204187	0.252042239	4.169591837	4899	52.35170042
NM_012121	0.059765387	1.386326991	3100	52.35004773
NM_001001664	0.308622003	4.676839902	5733	52.34877516
ENST00000296858.5	0.082893663	1.391958257	3257	52.33938
NM_001251971	0.412585023	4.539420655	7939	52.33930072
NM_001174082	0.116425633	2.669136506	3508	52.33267094
NM_004606	0.403296414	6.241419657	7691	52.32991796
NM_001204184	0.263503456	4.695583284	5048	52.3275482
NM_001142274	0.410897879	9.535800279	7890	52.32739179
NM_144607	0.144980837	1.382274426	3745	52.32409908
NM_018390	0.281484145	3.509049774	5303	52.32354611
NM_001174083	0.116242888	2.758984598	3505	52.32110806
NM_018260	0.277523343	1.668382914	5243	52.31349652
NM_203459	0.389881342	4.596653517	7350	52.3067788

NM_005442	0	1.280701754	2735	52.29722746
NM_018850	0.154450886	1.126764245	3825	52.29432465
NM_001128627	0.267735706	1.791960784	5099	52.28900336
NM_001207051	0.412250609	9.620305981	7908	52.26675262
NM_001160305	0.042272157	1.928163813	2978	52.26421842
NR_046262	0.284438666	1.600674916	5333	52.25557816
NM_001204188	0.250069824	4.188671473	4854	52.24812569
NM_001243121	0.236958098	2.596928983	4688	52.2446939
NM_017782	0.43748892	7.6978901	8625	52.24089797
NM_001160036	0.279719933	2.737502376	5260	52.23892948
NM_016936	0.35085799	6.272039524	6476	52.23879327
NM_201414	0.105220907	10.6745892	3407	52.22781953
NM_001242860	0.204191055	1.721680594	4307	52.22714099
NM_014938	0.294305153	3.015157049	5475	52.21665025
NM_001080542	0.15970491	1.518384257	3861	52.21337024
NM_001199834	0.049331766	1.198541598	3016	52.20891297
NM_015328	0.266366336	1.944126357	5064	52.20668293
NM_152446	0.218001624	1.227282926	4456	52.20095425
NM_001242857	0.204190483	1.724482678	4300	52.18471983
NM_031463	0.138323663	1.613140676	3667	52.17946497
NM_014873	0.408471138	7.361860704	7781	52.17874713
NM_020177	0.315725928	3.675038706	5812	52.16664264
NM_004283	0.201903148	1.729230049	4272	52.16404009
NM_001242861	0.195031726	1.630952381	4199	52.16169574
NM_001142864	0.410634645	9.206944976	7832	52.15800148
NM_001171905	0.323439038	1.762746088	5942	52.15227512
NM_016083	0.310266682	4.598286114	5717	52.15131956
NM_014838	0.371536286	5.764449608	6885	52.14734234
NM_001242859	0.204189746	1.728098788	4291	52.13012761
NM_001005746	0.414519792	4.625378406	7927	52.12747009
NM_024860	0.033022374	1.929480564	2906	52.12717997
NM_001098402	0.397203633	3.570798235	7478	52.1270751
NM_001256252	0.061867872	1.262305699	3087	52.12335045
NM_001247996	0.345938054	3.509297195	6345	52.09963677
NM_014647	0.408597911	6.263273196	7759	52.09376306
NM_175876	0.270369773	2.907200314	5096	52.08558275
NM_004573	0.238422694	2.236903998	4676	52.07763405
NM_001008738	0.355528635	3.634150077	6529	52.07472194
NM_181358	0.371766941	5.315674574	6870	52.07138806
NM_032689	0.211898815	1.196608616	4363	52.05645467
NM_001184999	0.408736166	6.184492324	7750	52.05137022
NR_028080	0.217889272	2.583239214	4426	52.03241076
NM_001005747	0.420693794	4.350111579	8065	52.02479375
NM_006996	0.137483215	1.190869087	3635	52.00196598
NM_032819	0.096829355	1.237032569	3315	52.0009862
NM_001080481	0.349235101	2.52646414	6385	52.00014693
NM_174916	0.409106606	5.378825048	7744	51.99861868
NM_024921	0.172356568	1.488095238	3947	51.99682621
NM_005244	0	1.945225759	2701	51.97114584
NM_133372	0.361038456	3.566071969	6613	51.96057908
NM_020727	0.396528638	3.602643647	7413	51.95814831
NM_018923	0.234037054	1.012603216	4601	51.95578102
NM_015471	0.546703492	1.967567568	13134	51.94944109
NM_003838	0.224195067	1.577832293	4483	51.94418137
NM_003740	0.155602455	1.386994449	3782	51.92873275
NM_177444	0.335030092	3.010992617	6094	51.91026159
NM_005811	0.204629295	2.083333333	4259	51.90669903
NM_014777	0.307110032	3.997683948	5612	51.90666237

NM_001204144	0.221594146	3.937443744	4443	51.88529018
NM_014634	0.279538581	2.748505304	5184	51.87322215
NM_001115007	0.281580711	2.781933257	5213	51.8706687
NM_080284	0.287194506	2.343277946	5295	51.86853966
NM_001024912	0.11887123	1.332948644	3465	51.86698474
NM_001243743	0.229698279	1.664534627	4533	51.86253341
NM_001242858	0.20418576	1.747643732	4243	51.83799813
NM_001205344	0.118877475	1.334874314	3460	51.82918183
NM_138286	0.3570839	1.450977374	6496	51.81760186
NM_014053	0.327632893	3.990234046	5938	51.81154654
NM_144599	0.360506387	5.933891851	6564	51.81082379
NM_001206938	0.315683973	2.27574171	5729	51.79598815
NM_015175	0.448747692	15.12958768	8827	51.79132049
NM_001134832	0.143830506	1.009021323	3657	51.775253
NM_004239	0.42455155	5.236646884	8087	51.74878361
NM_138923	0.407528863	6.220343426	7628	51.74549436
NM_001205254	0.343232911	4.035599227	6207	51.74307738
NM_001130916	0.345077875	3.778311709	6242	51.74299275
ENST00000495723.1	0.169387581	1.696727648	3880	51.73855354
NM_018100	0.30757036	1.032604801	5581	51.72871157
NM_001490	0.308528229	2.50964975	5595	51.72190358
NM_014744	0.416378218	9.556786351	7853	51.71890142
NM_001200001	0.21231073	2.711435862	4310	51.71226551
NM_020771	0.235609785	1.31993007	4575	51.7023958
NM_005120	0.380678931	7.089252404	6968	51.69754572
NM_004866	0.345774606	2.763452915	6243	51.69208677
ENST00000341217.5	0.20207604	2.745055992	4196	51.68675251
NM_001079803	0.137253647	1.28356546	3589	51.68563561
NM_001204303	0.107419282	10.17561121	3353	51.68497109
NM_001111308	0.237442276	2.672545177	4592	51.67418838
NR_048573	0.35430228	5.845228799	6402	51.66388818
NM_016052	0.413942442	1.765924591	7770	51.65956924
NM_001184815	0.103883645	1.23856799	3323	51.6570468
NM_173829	0.375970315	4.801692689	6852	51.65518564
NM_002663	0.126269565	1.683924485	3495	51.65365458
NR_026699	0.162042144	1.368421053	3799	51.64839421
NM_018182	0.202732037	2.760543245	4196	51.6442593
NM_020928	0.303767162	2.648555333	5502	51.64339635
NM_014719	0.313755365	2.297316384	5663	51.64190361
NM_004459	0.504591698	10.5233361	10862	51.63190858
NM_017522	0.38243247	4.440263271	6988	51.62509959
NM_001100122	0.238467637	4.787720444	4592	51.60470551
NM_020452	0.325919602	4.940081939	5857	51.58807353
NM_015490	0.240333402	2.282307025	4611	51.58466235
NR_015352	0.011966657	1.234042553	2725	51.57685472
NM_018482	0.347261562	3.559897502	6243	51.57459843
NM_004555	0.357256672	7.051118707	6435	51.55987464
NM_001005291	0.270910623	4.960207958	5000	51.55440423
NM_001042537	0.250156309	2.814046964	4726	51.54868615
NM_020754	0.426484875	5.136279242	8078	51.54621727
NM_001257181	0.143805115	1.304827586	3624	51.54264763
NM_020784	0.243431048	1.704374057	4640	51.53561999
NM_032268	0.242819025	1.795380963	4632	51.53282709
NM_198889	0.444991541	10.73010902	8621	51.53216932
NM_001177665	0.483370648	9.397085427	9949	51.53102632
NR_046207	0.380911476	4.862113774	6925	51.5184327
NM_022482	0.251795624	3.001476482	4740	51.51211893
NM_015112	0.319917004	5.767514814	5737	51.51151716

NM_207396	0.18253016	1.761269202	3970	51.50708735
NM_001077498	0.201620311	2.786692289	4162	51.50631955
NM_001142275	0.355437088	5.983870968	6385	51.50456973
NM_152355	0.227794106	1.455035971	4447	51.4951914
NM_021003	0.431471544	4.787176987	8203	51.49185799
NM_001161520	0.315921671	2.373808683	5665	51.48797241
NM_018919	0.241310783	1.096416938	4604	51.47917392
NM_001130722	0.266106238	1.968699187	4919	51.47206684
NM_198531	0.220271043	2.81868258	4356	51.46211113
NM_001077619	0.277108773	3.146803473	5067	51.45746727
NM_001198916	0.335766434	3.08413862	6001	51.45559823
NM_000346	0.179528211	3.023131673	3933	51.4547682
NM_144682	0.440863368	6.293423072	8468	51.45272388
NM_017696	0.258990114	1.622355869	4821	51.45085164
NM_001144026	0.263465855	4.064588887	4876	51.43097219
NM_015635	0.380320958	6.665553781	6888	51.42962733
NM_001098403	0.37977653	3.25901687	6875	51.42621339
NM_152334	0.104065976	1.321797207	3293	51.41287555
NM_015076	0.343842761	4.627626649	6138	51.40689422
NM_014855	0.308010874	2.670411306	5518	51.40319553
ENST00000559668.1	0.211851777	2.423230661	4252	51.39306613
NM_020850	0.294328936	3.739868049	5304	51.39301156
TCONS_00017343	-0.061271511	26.74637681	2345	51.39228525
NM_031435	0.261281959	1.250619835	4839	51.38738485
NM_018151	0.482338679	9.58934551	9854	51.38684985
NM_032977	0.331288181	2.412969861	5905	51.38648957
NM_004176	0.266731663	5.076155569	4910	51.38113318
NM_017669	0.207864886	2.795816496	4206	51.37287835
NM_152715	0.190735636	2.214941673	4028	51.36119827
NM_001080433	0.18618069	1.198845092	3982	51.35451336
NM_024717	0.179098685	2.322597137	3911	51.33751695
NM_012174	0.247635795	1.455228688	4656	51.33748759
NM_000944	0.249227847	1.790846878	4675	51.33327392
NM_018015	0.178411979	2.617827869	3903	51.32788559
NM_182915	0.215738731	2.193043884	4283	51.32569098
NM_001256141	0.301790875	1.987229317	5402	51.31718322
NM_020156	0.348731006	2.318137887	6207	51.30991261
NM_000573	0.447303094	3.571262767	8615	51.29968218
NM_022893	0.334697441	3.332828792	5945	51.29737281
NM_020894	0.248906544	1.845444802	4664	51.29478913
NM_001160047	0.245815665	1.682230869	4625	51.29007996
NM_145238	0.210212284	1.206021811	4217	51.28757616
NM_014813	0.190591447	2.339726027	4014	51.28099857
NM_032957	0.276925344	3.323453352	5026	51.26186251
NM_022489	0.25322203	4.584713376	4709	51.24551276
NM_004774	0.432318952	8.867574865	8147	51.23930771
NM_001243108	0.12917726	1.654345943	3462	51.23813257
NM_145262	0.16856187	1.466034755	3797	51.23305293
NM_006187	0.370719859	8.432925909	6626	51.22355811
NM_001136131	0.107616879	10.68437026	3294	51.21688307
NM_005400	0.310657178	2.837318841	5519	51.21125925
NM_006311	0.482522546	13.29191342	9793	51.20935552
NM_020843	0.253742232	1.726905925	4708	51.20437766
NM_019589	0.432545025	6.703576257	8136	51.18431295
NM_014890	0.105349154	1.728466707	3273	51.18309923
NM_000417	0.097599642	1.424129353	3215	51.16697562
NM_001042603	0.508456489	8.703091832	10834	51.16304491
NM_001039618	0.412116172	5.662706271	7574	51.16278346

NM_014924	0.2572862	1.78325954	4742	51.1448923
NM_015493	0.273032506	3.603030303	4949	51.14153027
NM_173163	0.361816663	7.038467528	6420	51.13437766
NM_001177638	0.321379182	2.529774489	5675	51.12226784
NM_001040000	0.414675622	4.920435182	7628	51.12130772
NM_007286	0.304093547	4.319251436	5396	51.11952788
NM_001111309	0.237030919	2.707219251	4487	51.10753958
NR_047585	0.057703011	7.790618627	2941	51.10169619
TCONS_00000937	0.240852342	1.265887026	4531	51.1002809
NM_013437	0.206642239	1.98626175	4148	51.0961818
NM_002508	0.33365847	5.529501785	5880	51.09584019
NR_015427	0.325180739	1.896407394	5733	51.09500438
TCONS_00006773	0.269029567	1.76888434	4884	51.08432253
NM_173206	0.244571082	2.744369123	4572	51.0795093
NM_001010862	0.234988835	1.636017044	4458	51.07846124
NM_175921	0.293130457	4.619302949	5221	51.07591039
NM_006219	0.336189508	3.214695946	5919	51.0702851
NM_018913	0.248490805	1.06042885	4616	51.05839972
NM_001204146	0.219927496	4.421703617	4284	51.05751823
NM_001242862	0.213042212	1.732541568	4209	51.05530803
NM_152903	0.293835993	1.433817904	5227	51.05424144
NM_182551	0.28222093	3.25513834	5059	51.05321898
NM_032142	0.428330189	6.506519559	7975	51.0517465
NM_032776	0.453950286	8.850915332	8739	51.04615723
NM_001177663	0.483792526	9.56039685	9776	51.03932055
NM_001174150	0.191645568	1.548532731	3986	51.03527636
NM_001079804	0.138506781	1.297720798	3509	51.03211261
NM_001198915	0.329319114	2.898618307	5789	51.02907597
NM_001256253	0.060344315	1.352881356	2949	51.02771624
NM_001177634	0.331677393	2.563733059	5828	51.02064256
NM_001431	0.235639642	5.858168761	4455	51.0178332
NM_021643	0.231317969	3.350204267	4405	51.01756014

Supplementary Table 3

List of RiboSNitches detected by PARS

Validation	Genomic location		Transcript position		RiboSNitches			Nucleotide base			Homo/Heterozygous			
	chr	position	Transcript	Base	91 vs 92	91vs78	92vs78	WT	91	92	78	91	92	78
No	chr6	32948685	NM_005104	4297	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
Yes	chr15	64419374	NM_003099	784	Yes	No	Yes	G	G	T	T	homo	homo	het
No	chr6	33054355	NM_002121	937	Yes	No	Yes	A	C	C	C	het	homo	het
No	chr1	236381825	NM_019891	1651	Yes	No	No	C	G	C	G	het	homo	het
No	chr1	150594701	NM_004436	1137	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr3	176739404	NM_024665	5688	Yes	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr9	86595498	NM_002140	72	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr3	48508585	NM_016381	1357	No	Yes	No	C	T	T	T	het	het	homo
No	chr4	38776180	NM_001195107	1353	Yes	No	Yes	G	T	G	T	homo	homo	het
No	chr3	38170810	NR_024024	680	No	Yes	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr1	64097432	NM_001172818	960	No	No	Yes	C	T	T	C	het	het	homo
Yes	chr16	89628073	NM_001243130	353	Yes	No	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
Yes	chr11	73689104	NM_003355	544	Yes	No	No	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr6	32627714	NM_001243961	1191	Yes	No	Yes	A	C	A	C	het	homo	het
No	chr12	55343628	NM_014796	2164	Yes	No	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr10	102746503	NM_032112	540	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr5	74037386	NM_032380	1202	Yes	No	No	A	A	T	T	homo	het	het
No	chr22	32875190	NM_001033024	233	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr22	36537500	NM_145642	2441	Yes	No	No	T	T	A	A	homo	homo	het
No	chr2	109301687	NM_001193488	2377	Yes	Yes	No	G	C	C	C	homo	het	het
No	chr11	5718517	NM_006074	842	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr19	17937429	NM_000215	3598	No	Yes	No	T	C	C	C	het	het	homo
No	chr6	32628022	NM_002123	859	Yes	No	No	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr2	160710922	NM_001198759	2618	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr17	78311508	NM_001256071	4800	No	No	Yes	G	A	A	G	het	het	homo
No	chr1	201845432	NM_018085	3426	Yes	No	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chrX	102930960	NM_001142424	1449	No	No	Yes	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr22	38879940	NM_006386	4293	Yes	No	No	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr3	16419309	NM_015150	1024	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr11	66043898	NM_030981	890	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr7	32526687	NR_024466	1255	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr3	170893070	NM_001161560	1089	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr16	87788836	NM_017566	435	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr11	64009879	NM_057092	122	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr4	38777173	NM_030956	677	Yes	No	No	T	T	A	A	homo	het	het
Yes	chr6	31238259	NM_002117	688	Yes	No	No	C	C	A	A	homo	homo	het
Yes	chr22	38273749	NM_016091	1224	Yes	No	No	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr17	44109474	NM_001193466	3500	No	Yes	Yes	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr5	118729286	NM_001077654	961	Yes	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr6	33267672	NM_172209	3297	No	Yes	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chr1	162495325	NM_001184763	4100	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr8	27255146	NM_173175	200	No	Yes	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr7	150139639	TCONS_00013631	302	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr16	85009291	NM_017740	1938	Yes	No	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr5	140903792	NM_001079812	3693	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr1	171509327	NM_015172	2982	Yes	No	No	G	A	A	A	homo	het	homo
No	chr20	61599474	NM_022082	2117	No	Yes	No	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr6	160468278	NM_000876	2287	No	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr15	70352968	NM_020908	1734	No	Yes	Yes	G	G	C	C	homo	homo	het
No	chr3	10074549	NM_001018115	176	No	No	Yes	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr19	14038791	NM_017721	2701	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr17	35988672	NM_007010	836	Yes	Yes	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr7	150139639	TCONS_00014232	81	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chrX	54836361	NM_201222	445	Yes	No	Yes	A	A	G	G	homo	homo	het
Yes	chr3	97664725	NM_001042533	1733	Yes	Yes	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr9	127177161	NM_002799	164	No	No	Yes	T	C	C	C	het	homo	het
No	chr4	104059542	NM_001813	6359	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr8	23292985	NM_001128930	1628	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr1	45468606	NM_024602	3242	Yes	No	No	T	C	C	C	het	homo	het

No	chr8	38709553	NM_001122824	5579	Yes	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr22	43529314	NM_014507	739	Yes	No	Yes	C	G	C	G	het	homo	het
No	chr6	32627830	NM_002123	1051	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
Yes	chr12	124957627	NM_001206654	783	Yes	Yes	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr11	65408937	NM_153253	841	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr17	27587796	NM_020772	5938	No	No	Yes	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr20	43705551	NM_006282	3288	No	Yes	No	C	G	C	C	het	homo	homo
No	chr9	123578964	NM_005047	2847	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr3	3189279	NM_182916	1050	Yes	No	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr3	193334991	NM_130837	707	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr1	25570081	NM_020317	968	Yes	No	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr9	92003679	NM_006378	1551	No	Yes	Yes	G	A	A	A	het	het	homo
Yes	chr17	37921742	NM_012481	1893	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr6	7882205	ENST00000439343.2	2580	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr17	40280291	NM_004583	669	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr2	231331896	NM_001080391	1398	No	Yes	No	G	A	A	A	homo	het	het
No	chr22	32875190	NM_001257990	385	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr7	64437648	NM_015852	3586	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr5	149776355	NM_000356	4169	Yes	No	No	G	G	C	C	homo	het	het
No	chr12	92539590	NM_001731	84	No	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr6	32629802	NM_002123	685	No	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr19	35837813	NM_001185101	2310	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr8	11643915	NM_001135746	1263	Yes	No	No	G	A	A	A	homo	het	homo
No	chr6	33036505	NM_033554	812	No	Yes	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr6	109688114	NM_006016	2715	Yes	No	No	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr5	151151544	NM_198395	69	No	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr16	23700676	NM_005030	1441	Yes	Yes	No	T	A	T	T	het	homo	homo
No	chr10	121700255	NR_037771	2858	No	No	Yes	C	T	T	T	het	het	homo
No	chr12	49521672	NM_006082	1646	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
Yes	chr9	88959938	NM_024617	1199	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr1	40539448	NM_001142604	1129	No	Yes	No	T	G	G	T	het	het	homo
No	chr2	231331896	NM_001206702	1398	No	Yes	No	G	A	A	A	homo	het	het
No	chr4	68484199	NM_018227	3727	Yes	No	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr2	128622491	NM_031445	1361	Yes	No	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr7	150761680	NM_001199694	772	Yes	No	No	C	A	C	A	het	homo	het
No	chr7	43678997	ENST00000395879.1	2307	No	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr7	50469981	NM_001220772	2561	Yes	No	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr1	111415841	NM_000560	120	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr7	135614740	NM_001128619	647	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr14	75370123	NM_001933	2515	No	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr1	93617546	NR_030761	3889	No	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr5	149784658	NM_004355	714	Yes	No	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr12	125510104	NM_080626	1027	No	Yes	No	G	A	A	A	homo	het	het
No	chr10	81925866	NM_001157	1070	Yes	No	No	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr4	2906707	NM_014190	1566	No	Yes	No	G	T	G	T	homo	homo	het
No	chr2	160673526	NM_002349	4245	Yes	No	No	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr17	40722029	NM_170607	733	Yes	Yes	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr14	74759477	NM_005050	1062	Yes	No	No	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr1	182356399	NM_001033056	438	No	No	Yes	T	C	C	T	het	het	homo
No	chr8	27255146	NM_004103	298	No	Yes	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr10	129905896	NM_001145966	3323	Yes	No	No	A	T	A	T	het	homo	het
No	chr1	154556663	NM_015840	4464	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr6	33036505	NM_001242524	903	No	Yes	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr3	122128638	NM_014367	515	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr2	191874667	NM_139266	451	No	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr6	100957344	NM_006828	6856	No	No	Yes	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr17	4622638	NM_199004	1023	No	Yes	Yes	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr12	32137852	NM_018169	4377	Yes	No	No	C	G	C	C	het	homo	homo
Yes	chr17	45900968	NM_145255	1419	Yes	No	Yes	T	A	T	A	homo	homo	het
No	chr20	47267940	NM_020820	2672	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr7	142498837	ENST00000466254.1	113	Yes	No	No	C	T	T	T	het	homo	homo
No	chr16	3777836	NM_001079846	7302	Yes	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr3	191075902	NM_178335	818	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het

No	chr5	96110622	NM_001040458	4651	Yes	No	No	G	A	A	A	homo	het	het
Yes	chr3	97664725	NM_032778	1730	Yes	Yes	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr17	12895855	NM_001165962	2758	Yes	No	No	T	A	A	A	homo	het	homo
No	chr4	42412687	NM_006095	5973	No	No	Yes	A	C	C	C	homo	het	homo
No	chr16	23677006	NM_032486	585	No	No	Yes	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr16	12663424	NM_032167	3442	No	No	Yes	C	G	C	G	het	homo	het
No	chr22	50319079	NM_024324	1018	Yes	No	No	T	T	G	G	homo	het	het
No	chr10	35302705	NM_001198779	2185	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
Yes	chr12	124957627	NM_006312	783	Yes	Yes	No	G	A	G	A	homo	homo	het
Yes	chr16	58579274	NM_001265612	4446	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr21	47642609	NM_002340	442	No	Yes	No	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr4	38774889	NM_001195108	2675	No	Yes	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr2	202029160	NM_001202518	2529	No	No	Yes	G	T	T	G	het	het	homo
Yes	chr16	58579274	NR_049763	4446	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr16	31195279	NM_004960	396	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr5	108714298	NM_014819	1110	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr19	35648365	NR_028406	885	Yes	No	No	T	G	T	G	het	homo	het
No	chr1	117617705	NM_003594	519	Yes	No	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr6	96054588	NM_024641	1876	No	No	Yes	C	T	C	T	homo	homo	het
Yes	chr14	104152352	NM_005552	2387	Yes	No	No	C	G	C	G	homo	homo	het
No	chr12	24968069	NM_005504	4561	No	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr6	170627651	NM_032448	1281	No	Yes	Yes	G	A	A	A	het	het	homo
No	chr6	18215303	NM_153042	1720	No	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr3	170893070	NM_001161564	1089	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr2	25469502	NM_175629	1604	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr12	24968749	NM_001178093	3477	No	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr22	44489896	NM_013327	264	Yes	Yes	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chr17	75495397	NM_001113493	2705	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	homo	het
Yes	chr17	37921742	NM_001257411	1464	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr18	34398914	NM_015476	536	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr20	46268493	NM_181659	3141	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr6	33048628	NM_002121	396	Yes	No	Yes	A	C	C	C	het	homo	het
No	chr1	146650007	NR_002305	578	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr22	38879940	NM_001098504	4299	Yes	No	No	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr8	17796382	NM_006197	898	Yes	No	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr19	10229580	NM_003755	268	Yes	No	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr1	31205796	NM_006762	1759	No	No	Yes	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr10	112658060	NM_145341	1994	No	No	Yes	G	A	A	A	het	het	homo
No	chr14	66209190	NR_038167	3093	No	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr15	74328116	NM_033250	2310	Yes	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr19	50411742	NM_001193357	1526	Yes	No	No	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr6	109688114	NM_001142403	2119	Yes	No	No	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr6	32605189	NM_002122	7	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr11	18424487	NM_001165414	888	No	Yes	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr17	61823899	NM_020198	2130	No	No	Yes	G	A	A	A	het	homo	het
No	chr4	38776180	NM_030956	1670	No	No	Yes	G	T	G	T	homo	homo	het
No	chr19	55756980	NM_014931	536	Yes	No	Yes	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr1	16259813	NM_015001	7282	Yes	No	No	A	G	G	G	homo	het	homo
No	chr18	9117867	NM_021074	200	No	Yes	Yes	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr14	72117156	NM_015556	2271	Yes	No	No	T	C	C	C	het	homo	het
No	chr14	75370123	NR_033814	2457	No	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr5	75469885	ENST00000527880.1	286	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr2	71631109	NM_001014972	3252	Yes	No	Yes	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr11	71155171	NM_001163817	439	No	Yes	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr8	66515783	NM_018120	1950	Yes	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr3	58413465	NM_000925	1419	Yes	No	Yes	C	G	G	G	homo	het	homo
No	chr7	24758753	NM_004403	822	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr1	150238699	NR_045033	1230	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr19	17628587	NM_012088	617	Yes	No	No	A	G	G	G	homo	het	homo
No	chr8	38706369	NM_001146216	3571	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr1	32831543	NM_001143889	1852	No	Yes	No	G	A	A	A	het	homo	homo
Yes	chr10	11356160	NM_001083591	1249	Yes	No	No	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr10	97447373	NM_015631	847	Yes	No	No	T	T	A	A	homo	het	het

No	chr3	160152299	NM_001002800	4682	No	Yes	No	C	A	A	A	homo	het	het
No	chr12	24967212	NM_005504	5418	Yes	No	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr6	31237162	NM_001243042	1114	No	Yes	No	G	G	C	C	homo	homo	het
No	chr1	146740502	NM_024568	1085	Yes	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr1	32831543	NM_001143890	1735	No	Yes	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr19	41257176	NM_004596	418	Yes	No	No	G	C	C	C	het	homo	homo
No	chr1	46827728	NR_045789	2190	Yes	No	No	A	A	C	A	homo	het	homo
No	chr6	32627830	ENST00000443574.1	142	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr6	32906586	NM_002118	475	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr7	36455477	NM_018685	1710	Yes	No	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr6	29912386	NM_001242758	1089	No	Yes	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr1	234529570	NM_005646	4257	Yes	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr14	66209190	NM_178155	3517	No	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr9	100286431	NM_001166116	97	Yes	Yes	No	C	C	A	A	homo	het	het
No	chr7	50470156	NM_006060	3546	Yes	No	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr6	408012	NR_046000	2027	Yes	No	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr6	32906586	ENST00000429234.1	394	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr17	34416537	NM_002983	282	No	Yes	No	C	T	T	T	het	het	homo
No	chr3	49362369	NM_003363	670	No	No	Yes	G	A	A	A	het	het	homo
No	chr1	1477244	NM_014188	1112	Yes	No	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr2	32832683	NM_016252	14366	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr12	93258665	NM_003566	481	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr7	2702282	NM_025250	2668	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
Yes	chr20	25038484	NM_032501	335	Yes	Yes	Yes	C	C	A	A	homo	homo	het
No	chr22	21998280	NM_022044	566	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr19	16243416	NM_005370	1148	No	Yes	Yes	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr6	408012	NM_001195286	1893	Yes	No	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr1	198691595	NM_080921	1440	No	No	Yes	T	T	A	T	homo	het	homo
No	chr22	44602229	NM_001137605	1343	Yes	No	Yes	A	C	C	C	homo	het	homo
Yes	chr17	37921742	NM_183230	1776	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr22	43576880	NM_015140	476	Yes	No	No	G	G	T	T	homo	het	het
No	chr4	38776180	NM_001017388	1164	Yes	No	Yes	G	T	G	T	homo	homo	het
No	chr14	102814945	NM_001177612	523	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr7	28862379	NM_004904	5081	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr19	52825235	NM_144684	802	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr7	102065651	NR_038967	1433	Yes	Yes	No	C	T	T	T	homo	het	het
No	chr18	9275542	NM_001204056	6077	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr5	44811207	NM_016640	736	Yes	No	No	T	T	G	G	homo	het	het
No	chr2	238672703	NM_004735	2567	Yes	No	No	C	G	G	G	het	homo	homo
No	chr10	13375906	NM_001195604	848	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr17	40280291	NM_201434	786	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr2	68624260	NM_002664	2527	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr22	19025330	NM_001184781	2940	No	Yes	No	T	T	G	G	homo	het	het
No	chr13	111938511	NM_001113512	2131	Yes	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr6	31129642	NM_007109	1427	No	Yes	No	A	C	C	C	het	homo	homo
No	chr7	50469981	NM_001220765	3245	Yes	No	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr6	32813756	NR_037175	812	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr4	147110891	NM_007080	465	Yes	No	Yes	A	G	G	G	homo	het	homo
No	chr1	154556663	NM_015841	4407	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr6	29912386	NM_002116	1089	No	Yes	No	G	C	G	G	het	homo	homo
Yes	chr17	45900968	NM_148887	1517	Yes	No	Yes	T	A	T	A	homo	homo	het
No	chr22	41928145	NM_138338	377	No	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr11	3714489	NM_139132	4705	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr6	97339078	NM_014165	520	Yes	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr4	1729988	NM_006342	1014	No	No	Yes	G	A	A	A	het	het	homo
No	chr1	160303416	NM_004371	757	No	Yes	No	C	T	T	T	het	homo	homo
No	chr3	88101551	NM_003663	3986	No	Yes	No	C	T	T	T	homo	het	het
No	chr12	21639421	NM_032941	841	Yes	No	Yes	A	T	A	T	het	homo	het
No	chr19	35739702	NM_205834	144	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr6	33036435	NM_001242524	973	No	Yes	No	A	A	C	C	homo	het	het
No	chr9	88903367	NM_001185074	4253	Yes	No	Yes	A	T	A	T	homo	homo	het
No	chr3	42826041	NM_001099668	1297	Yes	Yes	No	A	C	A	A	het	homo	homo
No	chr2	220404648	NM_001195731	1656	Yes	No	No	G	A	A	A	het	homo	homo

No	chr7	150070663	NM_001099696	2499	Yes	No	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr2	172216969	NM_024770	339	No	No	Yes	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr7	32526687	NM_012322	508	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr22	36537500	NR_027835	1092	Yes	No	No	T	T	A	A	homo	homo	het
No	chr3	191114266	NM_174908	6228	Yes	No	No	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr6	31122315	NM_001105563	840	Yes	No	Yes	C	G	C	G	het	homo	het
No	chr19	19740729	NM_016573	3073	No	No	Yes	G	C	C	C	homo	het	homo
No	chr9	134346315	NM_013318	2107	Yes	No	Yes	T	C	C	C	het	homo	het
No	chr17	40280291	NM_001252039	885	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr11	18424487	NM_001165416	791	No	Yes	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr16	12667589	NM_032167	7607	Yes	No	No	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr1	146650542	NR_002305	1113	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr4	76722353	NM_003715	2010	No	Yes	Yes	G	A	A	G	het	het	homo
No	chr7	50470156	NM_001220771	3117	Yes	No	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr2	127453664	NM_016815	605	Yes	No	No	A	C	C	C	het	homo	het
No	chr6	79656570	NM_017934	4454	Yes	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr5	177637882	NM_004499	1373	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
Yes	chr6	31238259	NM_001243042	688	Yes	No	No	C	C	A	A	homo	homo	het
No	chr3	38184021	NM_001172566	2042	No	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr1	211920085	NM_014873	4496	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr20	62522466	NM_199363	1909	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr12	104341103	NM_003299	2382	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr5	108671837	NM_014819	3442	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr21	15745106	NM_006948	2317	No	No	Yes	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr2	176043097	NM_001689	528	Yes	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr3	124951821	NM_021964	2235	No	Yes	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr19	1086043	NM_012292	3689	Yes	No	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chr7	24758795	NM_001127453	535	Yes	No	No	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr6	31122315	NM_019052	615	Yes	No	Yes	C	G	C	G	het	homo	het
No	chr12	24968150	NM_005504	4480	Yes	No	No	T	G	G	G	het	homo	homo
No	chr7	50514577	NM_001042762	786	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr9	86278913	NM_053067	1984	Yes	No	No	G	A	A	A	homo	het	homo
No	chr6	32632832	NM_001243961	204	Yes	No	No	T	A	A	A	het	homo	homo
No	chr22	18111431	NM_001039367	158	No	No	Yes	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr14	105476853	NM_017955	1510	Yes	No	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr4	10076658	NM_005112	2028	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr20	47249116	NM_020820	4352	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr13	111938511	NM_001113511	2281	Yes	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr13	46756332	NM_002298	128	Yes	No	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr2	3502055	NM_018269	1311	No	Yes	Yes	A	C	C	C	het	het	homo
No	chr6	35285720	NM_022047	899	No	Yes	No	A	A	C	C	homo	homo	het
No	chr9	86278913	NM_013438	2068	Yes	No	No	G	A	A	A	homo	het	homo
No	chr17	4069735	NM_016376	4889	Yes	Yes	No	G	T	G	G	het	homo	homo
No	chr17	44109474	NM_001193465	3283	No	Yes	Yes	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr3	47043622	NM_015175	5174	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr14	55457988	NM_001008396	1281	Yes	Yes	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chrX	2656258	NM_001122898	619	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr7	36895342	NM_001206482	2708	No	Yes	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr8	103851052	NM_015878	1111	Yes	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr20	52193088	NM_006526	2486	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr17	61888461	NM_203499	1512	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr12	102315592	NM_018370	1734	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr9	100286431	NM_003275	174	Yes	Yes	No	C	C	A	A	homo	het	het
No	chr18	10691246	NM_022068	7161	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr3	183901281	NM_001025205	1336	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr6	32610972	NM_002122	1085	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr14	31570052	NM_015382	8406	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr6	408012	NM_002460	1896	Yes	No	No	G	A	A	A	het	homo	homo
Yes	chr17	45900968	NR_037575	1568	Yes	No	Yes	T	A	T	A	homo	homo	het
No	chr9	135139901	NM_015046	7942	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr9	93641151	NM_001135052	1633	Yes	Yes	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr15	40686087	NM_001142761	1631	Yes	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr1	46827728	NM_199044	2015	Yes	No	No	A	A	C	A	homo	het	homo

No	chr19	39369369	NM_030593	1890	No	No	Yes	A	A	C	C	homo	homo	het
No	chr14	51206145	NM_182944	5700	No	Yes	No	T	T	A	A	homo	het	het
No	chr7	43678997	NM_018224	776	No	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr2	201437048	NM_001160033	2092	No	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr12	62696599	NM_001252079	321	Yes	No	No	C	T	T	T	homo	het	homo
No	chr22	44602229	NM_022141	1403	Yes	No	Yes	A	C	C	C	homo	het	homo
No	chr3	160154258	NM_173084	2909	No	Yes	No	T	G	G	T	het	het	homo
No	chr2	109301687	NM_001193484	2430	Yes	Yes	No	G	C	C	C	homo	het	het
No	chr20	463995	NM_177559	2179	No	No	Yes	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr16	24955183	NM_001006634	1335	No	No	Yes	A	G	G	A	het	het	homo
No	chr17	76672002	NM_017456	1436	No	No	Yes	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr1	182352621	NM_002065	2938	No	Yes	No	A	G	G	A	het	het	homo
No	chr1	226570840	NM_001618	1227	No	Yes	No	A	G	G	A	het	het	homo
No	chr14	100728769	NM_003403	1288	Yes	No	No	C	A	C	C	het	homo	homo
No	chr6	26415062	NM_194441	3346	Yes	Yes	No	C	C	A	A	homo	het	het
No	chr2	74333325	NM_144993	9005	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr21	34614255	NM_207585	356	No	No	Yes	T	G	T	G	het	homo	het
No	chr2	242292307	NM_001008491	2462	No	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr20	62522466	NM_001243894	1765	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr2	25469502	NM_022552	1533	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr16	12664246	NM_032167	4264	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
Yes	chr6	32546818	NM_002124	945	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr7	50469981	NM_001220766	3110	No	Yes	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr7	150139639	NR_034033	179	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr6	33032865	NM_001242524	1253	No	Yes	No	T	T	G	G	homo	het	het
No	chr10	11356160	NM_001025077	1106	No	Yes	No	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr6	32813756	NR_037173	977	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr2	131131424	NM_014369	2111	No	Yes	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr19	10265593	NM_001379	1764	Yes	No	No	C	C	A	C	homo	het	homo
No	chr14	24587639	NR_028099	1262	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr17	20906093	NM_015276	2033	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr1	207653364	NM_001006658	3273	No	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr2	39963667	NR_028102	1878	No	Yes	Yes	T	C	C	C	het	het	homo
No	chr6	32906716	NM_002118	345	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr3	49396751	NM_001664	1749	Yes	No	No	A	G	G	G	homo	het	homo
No	chr12	24966845	NM_001178092	5602	No	Yes	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr22	17630486	NM_017829	229	Yes	No	No	G	T	T	T	het	homo	het
No	chr7	99633739	NM_003439	3830	Yes	Yes	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr15	86288655	NM_007200	9359	Yes	No	No	A	C	A	C	het	homo	het
No	chr2	219267781	NM_182642	735	No	No	Yes	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr6	24535208	NM_170740	2943	Yes	No	No	C	A	C	A	het	homo	het
No	chr13	41517985	NM_001145353	762	Yes	No	No	T	C	C	C	het	homo	het
No	chr22	36556823	NR_027833	155	No	No	Yes	C	A	A	A	het	homo	het
Yes	chr17	37921742	NM_001257412	1347	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr6	32605271	NM_002122	89	Yes	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr14	102482399	NM_001376	7613	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr6	41568064	NM_138457	3852	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr2	219266423	NM_001206878	279	No	No	Yes	C	A	C	A	homo	homo	het
No	chr1	154321663	NM_020452	3741	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
Yes	chr14	50575821	NR_049738	1302	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr18	72176083	NM_018235	635	Yes	Yes	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr10	72186524	NM_004096	5681	No	No	Yes	T	C	C	C	het	homo	het
Yes	chr17	37921742	NM_001257409	1674	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr6	166739646	NM_145169	347	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr6	32796751	NM_000544	2115	No	No	Yes	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr6	32634350	NM_001243961	117	Yes	No	No	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr20	46283383	NM_001174088	5731	Yes	No	No	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr14	75599647	NM_006827	2668	No	No	Yes	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr2	160673519	NM_001198760	4252	No	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr1	110201699	NR_024538	766	No	No	Yes	T	C	C	C	het	homo	het
No	chr16	4740441	NM_015246	3400	No	Yes	No	G	C	C	C	homo	het	het
No	chr16	87788833	NM_001184856	438	Yes	No	No	C	C	A	C	homo	het	homo
Yes	chr5	32602946	NM_006713	2268	Yes	Yes	No	T	T	A	A	homo	homo	het

No	chr21	26972144	NM_080794	569	No	Yes	No	G	T	G	G	het	homo	homo
No	chr2	113513825	NM_152515	1202	No	Yes	No	A	G	G	G	het	het	homo
No	chr11	75115875	NM_001260507	624	Yes	No	No	C	A	C	C	het	homo	homo
No	chr13	111955907	NM_003899	2885	Yes	No	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chr2	207024107	NM_001199982	137	No	Yes	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr7	6442433	NM_018890	1233	Yes	No	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr12	64803798	NM_007235	489	No	Yes	No	A	C	C	A	het	het	homo
No	chr19	1037766	NM_201277	1043	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr5	150410219	NM_006058	2207	Yes	No	No	G	T	G	T	het	homo	het
No	chr4	119200274	NR_003584	358	Yes	Yes	No	C	T	T	T	het	homo	homo
No	chr20	2633936	NR_027700	234	Yes	Yes	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chr6	31322047	NM_005514	1174	Yes	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr7	44606098	NM_001257189	2038	Yes	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr7	99693078	NM_005916	2121	Yes	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr12	24968150	NM_001178094	4373	Yes	No	No	T	G	G	G	het	homo	homo
No	chr16	31075175	NM_001172670	917	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr22	50716167	NM_012401	5142	No	No	Yes	C	T	T	T	het	homo	het
Yes	chr20	25038484	NM_001252675	335	Yes	Yes	Yes	C	C	A	A	homo	homo	het
No	chr4	113198130	NM_052864	1725	No	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr11	18424451	NM_001135239	581	Yes	No	Yes	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr10	3206027	NM_001242309	647	Yes	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr11	10801186	NM_014633	4205	Yes	No	No	C	G	C	C	het	homo	homo
No	chr3	48509515	NM_016479	1848	Yes	No	No	A	A	C	A	homo	het	homo
No	chr19	1086043	NR_047652	3487	Yes	No	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chr7	155534653	NM_053043	2558	No	Yes	Yes	C	C	G	G	homo	homo	het
No	chr3	160152299	NM_005496	4837	No	Yes	No	C	A	A	A	homo	het	het
Yes	chr1	33145742	NM_001135256	1773	Yes	Yes	Yes	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr7	43678997	ENST00000395880.3	752	No	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr2	101031561	NM_004854	308	No	Yes	Yes	C	A	A	C	het	het	homo
No	chr5	179260213	NM_003900	1031	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr12	133587980	NM_001256279	2107	No	Yes	No	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr2	150426362	NM_015702	1222	No	Yes	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr12	51746264	NM_007210	4089	Yes	Yes	No	C	T	T	T	het	homo	homo
No	chr17	73826120	NM_199242	3323	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
Yes	chr12	109039869	NM_014325	2831	Yes	No	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr17	4622638	NR_047516	1037	No	No	Yes	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr6	32629868	NM_002123	619	Yes	Yes	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr12	32854366	NM_012062	281	Yes	No	No	A	A	C	A	homo	het	homo
No	chr10	43319197	NM_014753	3779	No	No	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr2	231331896	NM_001206704	1433	No	Yes	No	G	A	A	A	homo	het	het
No	chr21	47642609	NM_001001438	442	No	Yes	No	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr9	130938661	NM_001131018	1835	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr4	75938179	NM_015393	841	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr19	10939792	NM_001190716	2329	Yes	No	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr5	68531253	NM_001799	280	No	No	Yes	C	T	T	T	het	het	homo
No	chr19	35648365	NM_144779	204	Yes	No	No	T	G	T	G	het	homo	het
No	chr5	140027216	NM_001185012	155	No	No	Yes	A	G	G	A	het	het	homo
No	chr13	21357452	NM_022459	3901	No	Yes	Yes	T	C	C	C	het	het	homo
No	chr7	43678997	ENST00000488813.1	1500	No	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr3	58413465	NR_033384	1489	Yes	No	Yes	C	G	G	G	homo	het	homo
No	chr6	7882205	NM_030810	2509	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr17	7215536	NM_001143762	1094	Yes	Yes	No	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr16	31195279	NR_028388	396	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr8	23147564	NM_001136108	511	No	No	Yes	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr7	150070663	NM_014374	2406	Yes	No	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr16	57474687	NM_020313	325	Yes	No	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr15	80263217	NM_001114735	427	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr9	131910644	NM_001193397	1946	No	No	Yes	G	A	A	A	homo	het	homo
No	chr11	44640268	NM_002231	969	Yes	No	No	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr6	32948685	NM_001199455	4005	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr22	44368204	NM_015380	608	No	No	Yes	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr7	102065651	NM_024653	703	Yes	Yes	No	C	T	T	T	homo	het	het
No	chr6	409119	NM_002460	3003	Yes	No	No	A	A	G	A	homo	het	homo

No	chr3	10074549	NM_033084	176	No	No	Yes	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr5	156821217	NM_001037332	5402	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr6	26415062	NM_001145008	2896	Yes	Yes	No	C	C	A	A	homo	het	het
No	chr2	201437048	NM_152524	2092	No	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr1	182352621	NM_001033044	2582	No	Yes	No	A	G	G	A	het	het	homo
No	chr3	98299365	NM_000097	1634	Yes	No	Yes	A	A	C	A	homo	het	homo
No	chr20	17968923	NM_052865	928	No	Yes	No	T	C	C	T	het	het	homo
Yes	chr16	89628073	NM_000977	410	Yes	No	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr16	66646591	NR_037619	799	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr12	24964523	NM_001178092	7924	Yes	No	No	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr1	150594701	NM_207046	1001	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
Yes	chr17	37921742	NM_001257408	1791	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr1	183093875	NM_002293	2768	Yes	No	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chr10	106014706	NM_004832	239	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr12	24968150	NM_001178092	4297	Yes	No	No	T	G	G	G	het	homo	homo
No	chr6	7405508	NM_153005	607	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
Yes	chr2	29001691	NM_002709	566	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr20	4764576	NM_170774	1378	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr17	80350331	NM_024648	1055	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr5	151184701	NM_005754	2621	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr17	4622638	NM_001257330	1068	No	Yes	Yes	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr12	54357495	NR_003716	959	No	No	Yes	G	C	G	C	het	homo	het
No	chr12	69663852	NM_007007	2330	Yes	No	No	G	G	C	C	homo	het	het
No	chr19	10396336	NM_000201	2291	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr14	105239894	NM_005163	1280	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr19	1086043	NM_001258328	3600	Yes	No	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chr6	79911190	NM_138730	652	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr17	27009749	NM_003170	1692	No	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr16	58587737	NM_016284	3252	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr22	36556823	NM_145642	1601	No	No	Yes	C	A	A	A	het	homo	het
No	chr6	409119	NM_001195286	3000	Yes	No	No	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr1	203276437	NM_006763	419	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr6	29913449	NM_002116	1399	Yes	No	No	C	G	C	C	het	homo	homo
No	chr12	24966845	NM_001178091	5674	No	Yes	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr6	132781472	NM_003569	1461	Yes	No	No	C	A	C	A	het	homo	het
No	chr2	71654175	NM_001252612	5815	Yes	No	No	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr19	39196745	NM_004924	665	Yes	No	No	C	T	T	T	homo	het	homo
No	chr22	36556823	NM_145640	155	No	No	Yes	C	A	A	A	het	homo	het
No	chr6	32627807	ENST00000443574.1	165	Yes	No	Yes	T	T	A	A	homo	homo	het
No	chr5	176867943	NM_001004106	1726	No	Yes	No	A	G	G	A	het	het	homo
No	chr6	33256984	NM_001164267	321	No	Yes	No	G	A	A	A	homo	het	het
Yes	chr8	27255263	NM_173174	970	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr6	90037581	NM_016021	3105	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr1	79095581	NM_006820	883	Yes	No	Yes	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr5	132093994	NM_001098813	1973	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
Yes	chr5	150518988	NM_001155	358	Yes	No	No	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr1	212619339	NM_013349	567	Yes	No	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr2	96809331	NM_004418	1262	Yes	No	No	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr19	18685964	NM_003333	483	No	No	Yes	G	G	T	G	homo	het	homo
No	chr2	39963667	NM_025264	1757	No	Yes	Yes	T	C	C	C	het	het	homo
No	chr7	6442433	NM_006908	1176	Yes	No	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr3	170893070	NM_001161566	1089	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr1	161017556	NM_001025598	3601	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr16	12663277	NM_032167	3295	Yes	Yes	No	A	C	A	C	homo	homo	het
Yes	chr19	10370542	NM_146387	1143	Yes	Yes	No	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr1	46078884	NM_001195193	1437	No	No	Yes	C	T	T	C	het	het	homo
No	chr1	117644058	NM_003594	3421	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr1	197070442	NM_018136	8196	No	Yes	Yes	C	C	A	A	homo	homo	het
No	chr18	72167124	NM_001168499	302	No	Yes	No	C	G	C	C	het	homo	homo
No	chr7	148877605	NM_170686	2916	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr12	62696599	NM_001252078	321	Yes	No	No	C	T	T	T	homo	het	homo
No	chr6	409119	NR_046000	3134	Yes	No	No	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr3	124738290	NM_020733	1472	No	Yes	No	T	C	T	T	het	homo	homo

No	chr16	89613123	NM_003119	1528	Yes	No	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr17	48450536	NM_016504	27	No	Yes	No	A	C	A	A	het	homo	homo
No	chr11	67203442	NM_005608	446	Yes	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr6	408079	NR_046000	2094	No	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr19	2072646	NM_130807	1720	No	Yes	Yes	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr9	113018755	NM_003329	166	Yes	No	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr22	39131727	NM_015374	2993	Yes	No	Yes	A	A	C	A	homo	het	homo
No	chr2	160673526	NM_001198760	4245	Yes	Yes	No	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr6	33036853	NM_001242524	769	No	Yes	No	T	T	G	G	homo	het	het
No	chr11	3723781	NM_139132	3845	Yes	No	No	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr5	151184701	NM_198395	2590	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr15	85669452	NM_173454	2151	Yes	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr3	23848835	NM_182666	304	No	No	Yes	A	C	A	C	het	homo	het
No	chr8	17796383	NM_006197	899	Yes	Yes	No	C	T	T	T	homo	het	het
No	chr13	41517985	NM_172373	979	Yes	No	No	T	C	C	C	het	homo	het
No	chr5	14389469	NM_007118	4026	Yes	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr17	36925483	NM_003559	2193	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr16	66646591	NR_037613	1126	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr3	13399786	NM_024923	2347	No	No	Yes	C	T	T	T	homo	het	homo
No	chr1	19950062	NR_033758	355	No	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr2	160710922	NM_001198760	2618	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr7	44444122	NM_015332	889	Yes	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr6	33036435	NM_001242525	897	No	Yes	No	A	A	C	C	homo	het	het
No	chr9	130938661	NM_001131015	1947	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr13	111938511	NM_145735	2218	Yes	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr5	108671838	NM_014819	3441	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr17	42475983	NM_001002909	3681	No	No	Yes	C	G	G	C	het	het	homo
No	chr19	4910889	NM_013282	324	Yes	No	No	G	G	T	G	homo	het	homo
No	chr16	87864475	NM_003486	3697	No	No	Yes	C	G	C	G	het	homo	het
No	chr6	32605274	NM_002122	92	Yes	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr6	32629802	NM_001243961	685	No	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr6	33032861	NM_001242525	1181	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr7	50470156	NM_001220775	2871	Yes	No	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr17	44109474	NM_015443	3202	No	Yes	Yes	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr11	82535963	NM_005040	1589	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr8	27301725	NM_173174	2959	No	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
Yes	chr8	27255080	NM_173175	134	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr8	27311703	NM_173174	3436	Yes	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr16	72137561	NM_014003	2053	Yes	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr1	162495325	NM_175866	4441	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr1	15755248	NM_024329	828	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr1	234740880	NM_182972	3798	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr15	89169614	NM_022767	325	No	No	Yes	A	G	G	G	homo	het	homo
No	chr7	5396715	NM_001080495	5375	Yes	No	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr5	437586	NM_001242412	4787	No	No	Yes	G	A	A	A	het	homo	het
No	chr2	27016988	NM_001809	962	Yes	No	No	C	T	T	T	homo	het	het
No	chr11	18424451	NR_028500	637	Yes	No	Yes	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr20	44757814	NM_001250	1046	Yes	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr12	113357209	NM_016816	1160	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr20	62522466	NM_199360	1996	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr11	119172536	NM_005188	4908	Yes	No	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr20	37581437	NM_030919	2163	Yes	No	No	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr3	88101551	NM_001195308	4069	No	Yes	No	C	T	T	T	homo	het	het
No	chr14	66209190	NM_004480	3087	No	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr7	50470156	NM_001220776	2841	Yes	No	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr12	24964523	NM_001178091	7996	Yes	No	No	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr11	614243	NM_004029	980	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr12	24968749	NM_005504	3881	No	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr17	17046024	NM_201274	1069	Yes	No	Yes	C	A	A	A	het	homo	het
No	chr4	2826400	NM_001122681	420	No	Yes	Yes	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr16	19548030	NM_014711	1429	No	Yes	No	T	T	A	A	homo	het	het
No	chr2	231331896	NM_003113	1398	No	Yes	No	G	A	A	A	homo	het	het
No	chr7	24758795	NM_001127454	550	Yes	No	No	A	G	A	G	het	homo	het

No	chr3	193334991	NM_015560	707	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr7	129297332	NM_001040110	241	Yes	No	No	T	T	G	G	homo	het	het
No	chr19	10794630	NM_001137673	2372	Yes	Yes	No	G	T	T	T	homo	het	het
No	chr9	123665019	NM_001190947	3367	No	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr3	170893070	NM_001161562	1089	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr6	31431820	NR_040662	773	Yes	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr22	21062168	NM_002650	2849	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr6	26415062	NM_007048	3052	Yes	Yes	No	C	C	A	A	homo	het	het
No	chr11	252851	NM_175932	1630	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr5	150410219	NM_001252392	2030	Yes	No	No	G	T	G	T	het	homo	het
No	chr2	219266423	NM_182642	540	No	No	Yes	C	A	C	A	homo	homo	het
No	chr19	1079959	NR_047652	1583	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr11	6625566	NM_001014794	200	Yes	No	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr22	36677914	NM_002473	6914	Yes	Yes	No	T	C	T	T	het	homo	homo
Yes	chr3	196742290	NM_005929	1293	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	homo	het
Yes	chr19	2520716	NM_052847	208	Yes	Yes	Yes	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr6	408079	NM_001195286	1960	No	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr20	43704963	NM_006282	2700	Yes	Yes	No	C	G	G	G	homo	het	het
No	chr22	45723854	NM_017911	721	Yes	Yes	No	C	G	C	C	het	homo	homo
No	chr2	242292307	NM_001008492	2260	No	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr8	117783914	NM_032334	684	No	Yes	No	A	A	C	C	homo	het	het
No	chr6	33048640	NM_002121	408	Yes	No	Yes	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr6	31237162	NM_002117	1114	No	Yes	No	G	G	C	C	homo	homo	het
No	chr7	139026152	NM_197964	256	Yes	No	Yes	T	G	T	G	het	homo	het
Yes	chr17	76220206	NM_001012271	1190	Yes	No	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr11	63991581	NM_001160390	863	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chrX	148562599	NM_000202	3548	No	Yes	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chr10	22826093	NM_005028	1506	Yes	No	No	T	T	G	G	homo	homo	het
No	chr1	160303416	NM_001098398	757	No	Yes	No	C	T	T	T	het	homo	homo
No	chr10	116602805	NM_020940	971	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr17	76799860	NM_025090	2742	Yes	No	Yes	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr2	71654175	NM_001014972	5489	Yes	No	No	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr20	46268493	NM_001174087	3141	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr20	4762736	NM_170774	3218	No	No	Yes	C	G	G	G	homo	het	homo
No	chr16	2049849	NM_178167	1716	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr8	11689119	NM_004462	1124	Yes	No	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr2	231331896	NM_001206701	1398	No	Yes	No	G	A	A	A	homo	het	het
No	chr7	148877605	NM_020781	2979	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr1	150238699	NR_045035	1292	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr15	85669452	NM_001243137	2087	Yes	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr1	234740880	NM_001077397	3750	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr17	76672002	NM_004762	1439	No	No	Yes	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr5	112355668	NR_038352	7694	Yes	No	No	C	G	C	C	het	homo	homo
No	chr6	79911190	NM_001201363	786	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr9	131910644	NM_178001	2265	No	No	Yes	G	A	A	A	homo	het	homo
No	chr21	47642609	NM_001145437	574	No	Yes	No	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr11	75115893	NM_001005	773	Yes	Yes	No	C	A	C	C	het	homo	homo
No	chr2	127453664	NM_002101	662	Yes	No	No	A	C	C	C	het	homo	het
Yes	chrX	119391880	NM_006777	4838	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr2	11911761	NM_001261429	950	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr19	16268832	NM_032855	1817	Yes	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr19	35648365	NM_014164	191	Yes	No	No	T	G	T	G	het	homo	het
No	chr6	90039670	NM_016021	1016	Yes	No	No	C	G	G	G	het	homo	homo
No	chr19	17312992	NM_001130065	4868	No	Yes	Yes	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr11	64972286	NR_040008	1410	No	Yes	No	G	G	C	C	homo	het	het
No	chr11	62378660	NM_153265	659	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
Yes	chr5	171481606	NM_005990	2919	Yes	Yes	Yes	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr12	122812503	NM_001247997	3395	Yes	No	Yes	C	G	C	G	homo	homo	het
No	chr6	32627714	NM_002123	1167	Yes	No	Yes	A	C	A	C	het	homo	het
Yes	chr16	88713236	NM_000101	285	Yes	No	Yes	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr10	3206027	NM_014889	750	Yes	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr2	105924510	NM_001142621	330	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr20	5933108	NM_182802	618	Yes	No	No	C	A	C	A	het	homo	het

No	chr10	116602805	NM_001135051	971	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr11	88070858	NM_148170	84	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr11	63991581	NM_031472	791	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr7	32526687	NM_001130710	445	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr2	25469502	NM_153759	817	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr10	101639796	NM_015221	4412	Yes	No	No	C	T	T	T	het	homo	het
No	chr6	90039344	NM_016021	1342	Yes	Yes	No	A	C	A	A	het	homo	homo
No	chr11	44640268	NM_001024844	894	Yes	No	No	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr6	410848	NM_001195286	4729	No	No	Yes	A	G	G	A	het	het	homo
No	chr5	96503523	NM_001159749	1155	Yes	No	No	G	A	A	A	het	homo	het
No	chr9	117122202	NM_030767	2427	No	Yes	No	G	A	A	A	het	het	homo
No	chr8	38709553	NM_001146216	6755	Yes	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr1	224377724	NM_003676	657	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr1	55315941	NM_014762	3645	Yes	No	Yes	C	A	C	A	het	homo	het
Yes	chr6	32412539	NM_019111	996	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr10	97631492	NM_001776	7209	No	Yes	No	T	A	T	A	homo	homo	het
No	chr6	33048542	NM_002121	310	Yes	No	No	C	T	T	T	het	homo	het
No	chr10	121700255	NM_007190	3391	No	No	Yes	C	T	T	T	het	het	homo
No	chr5	126140522	NM_001198557	147	Yes	No	No	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr6	109688114	NM_001142401	2676	Yes	No	No	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr6	24535208	NM_001080	2904	Yes	No	No	C	A	C	A	het	homo	het
No	chr16	2048826	NM_178167	2253	Yes	Yes	No	G	C	C	C	homo	het	het
No	chr19	18475073	NM_017712	1394	Yes	No	No	C	A	C	A	het	homo	het
No	chr12	121878659	NM_001005366	3770	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr6	26414806	NM_001145009	3553	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr22	19025330	NM_001173534	2817	No	Yes	No	T	T	G	G	homo	het	het
No	chr6	33032968	NM_033554	1059	Yes	No	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr6	410848	NM_002460	4732	No	No	Yes	A	G	G	A	het	het	homo
No	chr1	1684169	NM_001198994	2155	No	No	Yes	G	C	C	G	het	het	homo
No	chr1	161017556	NM_181720	2968	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr17	46970175	NM_001002027	28	Yes	Yes	No	C	G	C	C	het	homo	homo
No	chr6	31603770	NM_004638	5854	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr7	150761680	NM_001199693	351	Yes	No	No	C	A	C	A	het	homo	het
No	chr2	109301687	NM_004987	2339	Yes	Yes	No	G	C	C	C	homo	het	het
No	chr20	62522466	NM_003288	1927	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
Yes	chr1	150266559	NM_018997	291	Yes	Yes	Yes	A	A	C	C	homo	homo	het
No	chr8	23292985	NM_004901	1652	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr19	18285944	NM_006332	300	No	Yes	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr1	226549082	NM_001618	3295	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr12	109888482	NM_031954	1948	No	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr7	99633333	NM_003439	3424	Yes	No	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr10	35302705	NM_001198778	2072	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr19	7992126	NM_006351	1477	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr1	154556663	NM_001025107	4411	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr20	46268493	NM_006534	3141	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr3	42826041	NM_001099669	1150	Yes	Yes	No	A	C	A	A	het	homo	homo
No	chr22	44489896	NM_001003828	430	Yes	Yes	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chr1	182356399	NM_002065	1092	No	No	Yes	T	C	C	T	het	het	homo
No	chr12	24968069	NM_001178093	4157	No	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr5	176863519	NM_001004106	1552	No	Yes	No	G	C	C	G	het	het	homo
No	chr9	90283514	NM_004938	2301	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr12	56814653	NM_003920	3221	No	No	Yes	C	T	T	T	homo	het	homo
No	chr12	24968150	NM_001178093	4076	Yes	No	No	T	G	G	G	het	homo	homo
No	chr22	21062168	NM_058004	6563	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr19	50411742	NM_153719	1761	Yes	No	No	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr6	36708917	NM_020939	2977	Yes	No	Yes	T	A	T	A	het	homo	het
No	chr6	32609207	NM_002122	256	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr7	24758795	NM_004403	780	Yes	No	No	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr22	43529314	NM_173467	957	Yes	No	Yes	C	G	C	G	het	homo	het
No	chr12	72180364	NM_014999	1841	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr7	50469981	NM_001220774	2792	No	Yes	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr12	21639421	NM_002907	1038	Yes	No	Yes	A	T	A	T	het	homo	het
No	chr6	31129707	NM_007109	1492	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo

No	chr6	33036853	NM_001242525	693	No	Yes	No	T	T	G	G	homo	het	het
No	chr6	31602967	NM_080686	5468	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr6	32609126	NM_002122	175	No	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr6	32780724	NM_002120	1188	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr10	99240758	NM_022362	428	Yes	No	No	C	G	G	G	het	homo	het
No	chr4	186111639	NM_020827	859	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chrX	2656261	NM_001122898	622	No	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr17	34415763	NM_002983	636	No	No	Yes	C	G	G	G	het	het	homo
No	chr20	4764748	NM_170774	1206	Yes	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr11	118619960	NM_001257191	4667	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr22	38151170	NM_138632	415	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr3	191075902	NM_174908	818	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
Yes	chr2	29001691	NM_206876	361	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr3	105260518	NM_001627	1596	No	Yes	No	G	A	A	A	het	het	homo
No	chr20	463995	NM_177560	1852	No	No	Yes	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chrX	102930960	NM_001142431	1329	No	No	Yes	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr13	25052393	NM_006437	1576	No	Yes	No	C	C	A	A	homo	het	het
No	chr10	105362209	NM_014631	2822	Yes	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr3	196613072	NM_152699	1269	No	No	Yes	A	A	C	C	homo	homo	het
No	chr7	29960812	NM_001145513	4183	No	Yes	No	A	A	T	T	homo	het	het
No	chr6	5109592	NM_020408	547	No	No	Yes	A	C	C	C	het	homo	het
No	chr6	44371714	NM_001253	1018	Yes	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr2	75882656	NM_014763	1149	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr14	102446161	NM_001376	788	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr1	154561925	NM_001111	2924	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr19	49954807	NM_017916	309	Yes	No	No	A	C	C	C	het	homo	het
No	chr19	35739702	NM_015925	144	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr1	146740502	NM_001256336	1006	Yes	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr17	79225026	NM_138570	2707	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr2	232035429	NM_002807	3027	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr19	47585517	NM_015168	1292	Yes	Yes	No	C	G	G	G	homo	het	het
No	chr6	32627763	NM_001243961	1142	No	No	Yes	T	T	A	A	homo	homo	het
No	chrX	102930960	NM_001142426	1298	No	No	Yes	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr4	1981256	NM_133330	5212	Yes	No	Yes	T	G	T	G	het	homo	het
Yes	chr7	5567112	NM_001101	1479	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr9	130938661	NM_001131017	1892	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr4	10076860	NM_017491	2246	Yes	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr2	242292307	NM_004404	2175	No	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr17	7215536	NM_001143760	1010	Yes	Yes	No	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr5	112355668	NM_152624	7974	Yes	No	No	C	G	C	C	het	homo	homo
No	chr8	38709553	NM_006283	6809	Yes	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr2	71654175	NM_001252613	5499	Yes	No	No	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr21	34614255	NM_207584	356	No	No	Yes	T	G	T	G	het	homo	het
No	chr3	124802231	NM_001195483	2698	No	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr19	3578653	NM_006339	1156	No	Yes	Yes	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr17	55478748	NM_138962	494	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr1	228681749	NM_001010858	993	No	No	Yes	C	T	T	T	het	het	homo
Yes	chr2	240946766	NM_004544	872	Yes	Yes	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr2	191874667	NM_007315	451	No	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr16	85009291	NM_001145548	2049	Yes	No	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr1	146740502	NM_001256337	583	Yes	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr2	207024107	NM_001199983	137	No	Yes	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr7	50469981	NM_001220769	2984	Yes	No	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr8	27308585	NM_173176	2753	Yes	No	Yes	A	A	C	C	homo	homo	het
No	chr9	130938661	NM_001131016	2075	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr5	150410219	NM_001252385	2224	Yes	No	No	G	T	G	T	het	homo	het
No	chr12	55343628	NM_001261844	2073	Yes	No	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr17	76131070	NM_152468	1489	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr5	150410219	NM_001252393	2133	Yes	No	No	G	T	G	T	het	homo	het
No	chr6	64293010	NM_003463	4603	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr16	12061626	NM_001192	695	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
Yes	chr17	37921742	NM_001257414	1491	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr16	11647492	NM_001136473	344	Yes	No	No	A	G	A	G	het	homo	het

No	chr8	42174380	NM_001242778	1174	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr7	24758753	NM_001127454	592	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr3	150260853	NM_014445	2099	No	No	Yes	G	A	A	A	het	het	homo
No	chr6	107017654	NM_001624	6872	Yes	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr6	31583827	NM_004847	520	No	Yes	No	T	T	G	G	homo	homo	het
No	chr17	80350331	NM_175902	1268	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr6	33036853	NM_033554	678	No	Yes	No	T	T	G	G	homo	het	het
No	chr11	71155153	NM_001163817	457	No	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr17	38974612	NM_000421	1897	No	No	Yes	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr2	75099477	NM_000189	2352	No	No	Yes	A	A	T	A	homo	het	homo
No	chr20	4764576	NM_014737	1520	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr19	47113138	NM_005184	1358	Yes	No	No	A	G	G	G	homo	het	homo
No	chr7	99694931	NM_182776	1783	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr4	6599928	NM_015274	1288	Yes	No	No	C	C	A	C	homo	het	homo
No	chr17	25628820	NM_015626	363	Yes	No	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chr1	154573967	NM_001111	1393	No	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr11	64009879	NM_004470	216	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr6	89322239	NM_003800	2213	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr2	11911761	NM_001261427	847	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr22	30987861	NM_001243225	67	No	Yes	No	C	G	G	G	het	het	homo
No	chr2	182374534	NM_000885	2608	No	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr20	4764682	NM_014737	1414	Yes	No	Yes	A	G	G	G	homo	het	homo
No	chr4	42412687	NM_001105529	5928	No	No	Yes	A	C	C	C	homo	het	homo
No	chr4	68484396	NM_018227	3530	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr12	125284748	NM_001082959	1303	Yes	No	No	T	C	T	T	het	homo	homo
Yes	chr10	3178881	NM_001242339	2665	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr5	156821217	NM_001037333	5109	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr4	88060025	NM_001166693	7104	Yes	No	No	C	A	A	A	homo	het	homo
No	chr4	1981256	NM_133335	4857	Yes	No	Yes	T	G	T	G	het	homo	het
No	chr11	85692181	NM_001206947	1652	Yes	No	No	T	G	G	G	homo	het	het
No	chr1	21573722	NM_001397	1230	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr12	24968069	NM_001178092	4378	No	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr3	42636141	NM_016305	466	No	No	Yes	G	A	A	G	het	het	homo
No	chr17	42430244	NM_002087	2079	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr6	33036505	NM_001242525	827	No	Yes	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr1	14105298	NM_015866	1864	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr8	81885077	NM_018440	5712	Yes	No	Yes	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr4	38774889	NM_001017388	2455	No	Yes	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr17	4622638	NM_004313	1068	No	No	Yes	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr4	119200274	NR_034010	207	Yes	Yes	No	C	T	T	T	het	homo	homo
No	chr1	64097432	NM_002633	874	No	No	Yes	C	T	T	C	het	het	homo
No	chr12	113596866	NM_024072	2490	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr11	85692181	NM_001206946	2066	Yes	No	No	T	G	G	G	homo	het	het
No	chr1	14105298	NM_001007257	604	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr1	21573722	NM_001113348	1270	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr6	155606325	NM_016020	688	No	Yes	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr22	45723854	NM_001104595	1048	Yes	Yes	No	C	G	C	C	het	homo	homo
No	chr11	62574587	NM_003164	1579	No	No	Yes	G	G	T	G	homo	het	homo
No	chr16	66646591	NM_144601	906	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr20	4764748	NM_014737	1348	Yes	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr8	80976814	NM_005079	192	Yes	No	No	G	G	T	T	homo	het	het
No	chr8	27255146	NM_173174	853	No	Yes	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
Yes	chr16	58579274	NM_016284	4461	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr6	32813756	NR_037176	751	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr7	36895342	NR_038121	905	No	Yes	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr20	47267480	NM_020820	2792	Yes	No	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr21	34614255	NM_000874	402	No	No	Yes	T	G	T	G	het	homo	het
No	chr2	55883317	NM_033109	1443	No	Yes	Yes	C	A	A	C	het	het	homo
No	chr14	53503668	NM_030637	12667	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr16	2569810	NM_001694	766	No	Yes	No	G	G	C	C	homo	het	het
No	chr14	53503668	NM_001160148	12751	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr17	55478748	NM_170721	344	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr16	11016045	NM_000246	3304	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo

No	chr19	50411742	NM_016553	1928	Yes	No	No	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr8	27311703	NM_004103	2881	Yes	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr16	11647492	NM_001136472	344	Yes	No	No	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr22	43203137	NM_014570	1573	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr22	36556823	NR_027834	155	No	No	Yes	C	A	A	A	het	homo	het
No	chr1	161013121	NM_207005	140	Yes	No	Yes	G	A	A	A	homo	het	homo
No	chr12	93862989	NM_172177	90	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr19	36207102	NM_014383	1302	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr1	150594701	NM_207045	1049	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr11	18424487	NM_001135239	617	No	Yes	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr19	10939792	NM_001005361	2329	Yes	No	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr5	150410219	NM_001258455	1810	Yes	No	No	G	T	G	T	het	homo	het
No	chr2	85808982	NM_003761	602	Yes	No	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr6	32605216	NM_002122	34	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr2	202029160	NM_003879	2372	No	No	Yes	G	T	T	G	het	het	homo
No	chr7	43678997	ENST00000310564.6	944	No	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr2	30481917	NM_030915	1956	Yes	No	No	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr1	2494329	NM_003820	1019	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr21	26972144	NM_017446	569	No	Yes	No	G	T	G	G	het	homo	homo
Yes	chr8	27255080	NM_173174	787	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr16	87788833	NM_001184854	267	Yes	No	No	C	C	A	C	homo	het	homo
No	chr12	54357495	NR_047517	965	No	No	Yes	G	C	G	C	het	homo	het
No	chr19	1272040	NM_001280	641	Yes	No	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr18	29104714	NM_001943	1065	No	No	Yes	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr3	196663321	NM_001042540	963	Yes	No	No	C	A	A	A	het	homo	het
No	chr19	18306990	NM_032683	798	Yes	Yes	No	G	C	G	G	het	homo	homo
Yes	chr6	31637734	NM_001320	1019	Yes	Yes	No	A	A	T	T	homo	homo	het
No	chr2	27016988	NM_001042426	883	Yes	Yes	No	C	T	T	T	homo	het	het
No	chr6	410848	NR_046000	4863	No	No	Yes	A	G	G	A	het	het	homo
No	chr13	111955907	NM_001113513	2772	Yes	No	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chr6	116720487	NM_001080976	268	Yes	No	Yes	C	T	T	T	het	homo	het
No	chr4	25749419	NM_015187	4179	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr1	154561925	NM_015840	2846	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr10	97631492	NM_001164182	7058	No	Yes	No	T	A	T	A	homo	homo	het
No	chr5	32125842	NM_022130	1658	No	No	Yes	C	A	C	A	het	homo	het
No	chr7	139288937	NM_022740	2416	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr16	24582299	NM_006910	4952	No	Yes	No	C	G	C	C	het	homo	homo
No	chr22	36537500	NM_145641	2504	Yes	No	No	T	T	A	A	homo	homo	het
No	chr5	95091194	NM_014899	1314	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr6	38650628	NM_006708	454	No	Yes	No	A	A	C	C	homo	het	het
No	chr17	41244000	NM_007297	3688	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr3	44906746	NM_144638	563	Yes	No	No	A	G	G	G	homo	het	homo
No	chr2	160676350	NM_001198759	4114	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr19	4859937	NM_001164189	343	Yes	No	No	A	G	G	G	homo	het	het
Yes	chr12	124957627	NM_001077261	783	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr6	36709065	NM_020939	2829	Yes	No	Yes	C	G	C	G	het	homo	het
No	chr8	80976814	NM_001025253	192	Yes	No	No	G	G	T	T	homo	het	het
No	chr10	64914467	NM_030759	1577	No	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr6	32629129	NM_002123	849	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr17	12895855	NM_018127	2878	Yes	No	No	T	A	A	A	homo	het	homo
No	chr13	114154419	NM_017905	1132	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chrX	100604757	NM_000061	2289	Yes	Yes	No	A	A	C	C	homo	het	het
No	chr9	115931692	NM_015258	3415	Yes	No	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr7	36895342	NR_038120	792	No	Yes	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr1	46078884	NM_152298	612	No	No	Yes	C	T	T	C	het	het	homo
No	chr16	12665244	NM_032167	5262	Yes	Yes	No	G	G	T	T	homo	homo	het
No	chr10	3189380	NM_001242307	2370	Yes	No	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr9	135982088	NM_001042368	1517	Yes	No	Yes	T	T	G	T	homo	het	homo
No	chr12	107367439	NM_152261	2995	Yes	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr11	62621044	NR_003098	334	Yes	Yes	No	A	C	A	A	het	homo	homo
No	chr20	43530234	NM_139323	247	Yes	No	No	A	C	C	C	het	homo	homo
No	chr2	198362018	NM_002156	410	Yes	No	No	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr22	39131727	NM_001199579	3056	Yes	No	Yes	A	A	C	A	homo	het	homo

No	chr2	202029160	NM_001127183	2400	No	No	Yes	G	T	T	G	het	het	homo
No	chr5	52942197	NM_002495	340	No	No	Yes	A	G	G	G	homo	het	homo
No	chr9	139317869	NM_015160	1736	No	Yes	Yes	T	C	C	T	het	het	homo
No	chr12	46662485	NM_030674	724	Yes	Yes	No	C	G	C	C	het	homo	homo
No	chr14	74759477	NR_003256	934	Yes	No	No	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr1	53676448	NM_000098	1617	No	No	Yes	G	A	A	A	homo	het	homo
No	chr12	26490349	NM_002223	10504	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr17	7217463	ENST00000575474.1	1825	No	No	Yes	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr13	114782779	NM_007368	1271	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr2	86385728	NM_001100169	1534	Yes	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr2	232035429	NM_001191037	2934	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr7	43678997	ENST00000223336.6	719	No	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr11	71155153	NM_001360	480	No	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr1	118067306	NM_006699	4374	Yes	No	No	T	A	A	A	het	homo	homo
No	chr18	9275542	NM_001083625	5979	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr22	32881190	NM_012179	1064	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr5	140027216	NM_002488	155	No	No	Yes	A	G	G	A	het	het	homo
No	chr1	46827728	NM_001256127	1960	Yes	No	No	A	A	C	A	homo	het	homo
No	chr12	57004268	NM_013449	1904	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr8	17819572	NM_006197	2774	Yes	No	No	C	T	T	T	homo	het	het
No	chr14	23044004	NM_001344	421	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr9	139371342	NM_014866	1035	No	No	Yes	C	T	T	C	het	het	homo
No	chr6	79911190	NM_001201362	1242	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr11	18424487	NM_001165415	791	No	Yes	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr9	93641151	NM_001174168	1550	Yes	Yes	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr7	29960812	NM_001145514	4115	No	Yes	No	A	A	T	T	homo	het	het
No	chr4	1981256	NM_001042424	4894	Yes	No	Yes	T	G	T	G	het	homo	het
No	chr9	2191309	NM_139045	4683	Yes	No	No	C	C	G	C	homo	het	homo
Yes	chr1	101704532	NM_001400	506	Yes	Yes	No	G	G	T	T	homo	homo	het
No	chr15	40686087	NM_001142762	1293	Yes	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr6	32629868	NM_001243961	619	Yes	Yes	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr12	109888886	NM_031954	1544	Yes	No	No	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr22	39131727	NM_001199580	2992	Yes	No	Yes	A	A	C	A	homo	het	homo
No	chr1	212619339	NR_026598	506	Yes	No	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr3	14528028	NM_001134367	3675	No	Yes	No	T	C	C	T	het	het	homo
No	chr15	63918307	NM_003922	13300	Yes	No	No	C	G	G	G	het	homo	het
No	chr17	42475983	NR_036474	3699	No	No	Yes	C	G	G	C	het	het	homo
No	chr22	30987861	NM_014303	67	No	Yes	No	C	G	G	G	het	het	homo
No	chr9	131073221	NM_015679	625	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr12	24968069	NM_001178091	4450	No	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr2	109301687	NM_001193482	2309	Yes	Yes	No	G	C	C	C	homo	het	het
No	chr6	33169895	NM_006979	1047	Yes	No	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr11	118619960	NM_004397	4739	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr7	50470156	NM_001220768	3285	Yes	No	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr22	41928145	NM_001018052	599	No	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr19	35739702	NM_205835	144	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr16	2569810	ENST00000564543.1	1535	No	Yes	No	G	G	C	C	homo	het	het
No	chr6	31131276	NM_007109	2590	Yes	No	No	A	A	T	A	homo	het	homo
No	chr10	35772402	NM_145012	405	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr14	100801331	NM_213645	1282	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr10	95259979	NM_018131	475	Yes	Yes	No	C	G	C	C	het	homo	homo
No	chr1	93617546	NM_001167830	3867	No	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr5	169509929	NM_004946	5640	No	No	Yes	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr17	79977215	NM_144998	167	Yes	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr12	24967212	NM_001178094	5311	Yes	No	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr5	176867943	NM_001004105	1726	No	Yes	No	A	G	G	A	het	het	homo
No	chr1	19950062	NM_001204082	228	Yes	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr12	93862989	NR_038159	90	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr6	32813756	NR_037174	839	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
Yes	chr19	10370542	NM_146388	2210	Yes	Yes	No	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr6	32627807	NM_002123	1074	No	No	Yes	T	T	A	A	homo	homo	het
Yes	chr8	27255080	NM_004103	232	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr19	11123738	NM_001128846	2388	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo

No	chr19	4859937	NM_005817	343	Yes	No	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr20	54979035	NM_001033522	1745	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr5	167933156	NM_002887	1229	Yes	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr4	38774889	NM_030956	2961	No	Yes	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr5	132093994	NM_001098812	1779	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr6	32814902	NM_000593	2318	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
Yes	chr17	43183108	NM_021079	1610	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr14	24587639	NR_028100	877	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr22	50319079	NM_001135101	1165	Yes	Yes	No	T	T	G	G	homo	het	het
No	chr8	87567193	NM_003909	1397	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr2	217070248	NM_021141	2662	Yes	No	No	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr9	123614604	ENST00000447891.1	1472	No	Yes	No	C	C	A	A	homo	homo	het
No	chr5	179297268	NM_015043	2747	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr19	55143491	NM_001081639	689	No	Yes	No	G	G	T	T	homo	het	het
No	chr4	10076658	NM_017491	2448	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr9	131910644	NM_021131	2086	No	No	Yes	G	A	A	A	homo	het	homo
No	chr11	18424451	NM_001165416	755	Yes	No	Yes	C	T	C	T	homo	homo	het
Yes	chr13	21720956	NM_005870	291	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr3	170893070	NM_015028	1089	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
Yes	chr8	27255263	NM_173176	402	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr19	18288069	NM_006332	676	No	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr3	48311233	NM_016089	2118	No	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
Yes	chr19	8321946	NM_024552	1046	Yes	Yes	No	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr1	154245142	NM_001018837	104	Yes	No	No	T	G	T	G	homo	homo	het
No	chr5	176867943	NM_002082	1726	No	Yes	No	A	G	G	A	het	het	homo
No	chr22	37531436	NM_000878	881	No	Yes	No	C	T	T	C	het	het	homo
No	chr13	37583831	NM_017569	2544	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr1	154561925	NM_001193495	2962	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr2	174232622	NM_145810	1477	Yes	No	No	C	T	T	T	het	homo	homo
No	chr5	132437531	NM_002154	2399	Yes	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr7	50469981	NM_006060	3371	Yes	No	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr2	11911761	NM_145693	637	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr11	61213920	NM_017841	900	No	Yes	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chr2	152139416	NM_004688	377	Yes	No	Yes	C	T	T	T	het	homo	het
No	chr7	24758753	NM_001127453	577	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr1	40539448	NM_000310	1438	No	Yes	No	T	G	G	T	het	het	homo
No	chr9	113018755	NM_001244938	166	Yes	No	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr8	22278781	NM_015359	3224	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr19	1014398	NM_033420	446	Yes	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr3	14528028	NM_003043	3679	No	Yes	No	T	C	C	T	het	het	homo
No	chr2	216807726	NM_018000	2801	Yes	Yes	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr5	112355668	NM_001242377	7869	Yes	No	No	C	G	C	C	het	homo	homo
No	chr17	79571637	NM_017921	953	Yes	Yes	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr8	27311703	NM_173175	2657	Yes	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr2	99804642	NM_145212	252	Yes	No	Yes	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr15	74328116	NM_033240	3095	Yes	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr14	35263983	NM_013448	1903	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr6	33032865	NM_033554	1162	No	Yes	No	T	T	G	G	homo	het	het
No	chr2	127453664	NM_001256584	1480	Yes	No	No	A	C	C	C	het	homo	het
No	chr5	145562143	NM_020117	152	No	No	Yes	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr10	11356160	NM_006561	1195	No	Yes	No	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr14	102815042	NM_001177611	625	No	Yes	No	G	A	A	A	homo	het	het
No	chr7	36895342	NM_014800	2349	No	Yes	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr12	24966845	NM_001178094	5678	No	Yes	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr8	42174380	NR_033818	1325	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr5	102538752	NM_015216	5123	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr6	31729359	NM_172166	2276	Yes	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr8	22278781	NM_001135153	3265	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr19	50411742	NM_012346	1567	Yes	No	No	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr17	75495397	NM_001113492	2719	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr6	33032861	NM_001242524	1257	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr12	122079441	NM_032790	997	No	Yes	No	T	C	T	T	het	homo	homo
Yes	chr19	6477256	NM_024898	578	Yes	No	Yes	C	A	C	A	homo	homo	het

No	chr6	33032861	NM_033554	1166	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr4	38774889	NM_001195106	2772	No	Yes	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr10	129905896	NM_002417	4403	Yes	No	No	A	T	A	T	het	homo	het
No	chr2	219267781	NM_001206878	474	No	No	Yes	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr11	82973004	NM_021825	1076	No	No	Yes	G	A	A	A	het	homo	het
No	chr19	16265241	NM_032855	945	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr11	75115893	NM_001260507	642	Yes	Yes	No	C	A	C	C	het	homo	homo
No	chr10	106014706	NM_001191002	239	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr16	11647492	NR_024320	408	Yes	No	No	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr1	162495325	NM_144624	4352	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr8	142161888	NM_014957	1064	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr14	61788816	NM_006255	302	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr19	8028544	NM_001419	971	No	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr7	50470156	NM_001220773	2997	Yes	No	No	G	C	G	G	het	homo	homo
Yes	chr20	25038484	NM_001252677	335	Yes	Yes	Yes	C	C	A	A	homo	homo	het
No	chr6	109688114	NM_001142404	2023	Yes	No	No	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr6	31474000	NM_005931	522	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr16	31195279	NM_001170634	393	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr5	126140522	NM_005573	1300	Yes	No	No	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr6	31129707	NM_001077511	1246	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr20	54979035	NM_001324	1776	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr9	123665019	NM_005658	4102	No	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr4	76730195	NM_003715	2490	No	No	Yes	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr5	171533782	NM_005990	930	Yes	No	No	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr9	88903367	NM_001185059	4851	Yes	No	Yes	A	T	A	T	homo	homo	het
No	chr6	29855952	NR_001434	446	Yes	Yes	No	A	C	A	A	het	homo	homo
Yes	chr11	10521764	NM_001025389	2024	Yes	Yes	Yes	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr7	135614740	NM_145808	647	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr7	150761680	NM_003040	541	Yes	No	No	C	A	C	A	het	homo	het
No	chr9	2191309	NM_003070	4737	Yes	No	No	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chrX	54836361	NM_014599	351	Yes	No	Yes	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr4	38777173	NM_001017388	171	Yes	No	No	T	T	A	A	homo	het	het
No	chr16	19548030	NM_001199022	1286	No	Yes	No	T	T	A	A	homo	het	het
No	chr6	7288297	NM_003144	2849	Yes	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
Yes	chr3	122259606	NM_001146106	1804	Yes	No	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr13	41515118	NM_172373	1568	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr10	72179746	NM_004096	519	No	No	Yes	C	T	T	T	het	homo	het
Yes	chr15	42191909	NM_139265	2623	Yes	No	No	G	C	G	C	homo	homo	het
No	chr14	23240328	NM_005015	1221	No	Yes	Yes	T	T	A	A	homo	homo	het
No	chr12	4462161	NM_020375	1196	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr1	243419429	NM_006642	123	No	Yes	No	T	A	T	A	homo	homo	het
Yes	chr5	145508340	NM_020117	3013	Yes	No	Yes	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr1	198677386	NM_002838	1242	Yes	No	No	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr6	33037626	NM_001242524	336	No	Yes	No	G	G	C	C	homo	het	het
No	chr1	211920314	NM_014873	4267	Yes	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr2	42578149	NM_004718	610	Yes	No	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr15	70352968	NM_001105192	1734	No	Yes	Yes	G	G	C	C	homo	homo	het
No	chr12	93862989	NR_038161	87	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr19	10449392	NM_002162	364	Yes	No	No	T	C	C	C	het	homo	het
No	chr14	102814945	NM_032630	653	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr5	150410219	NM_001252390	2072	Yes	No	No	G	T	G	T	het	homo	het
Yes	chr11	10521764	NM_001025390	2163	Yes	Yes	Yes	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr3	142222284	NM_001184	5330	Yes	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr20	62522466	NM_001243895	1878	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr6	41568064	NM_001012426	3891	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr1	21573722	NM_001113349	1221	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr11	32125961	NM_002901	1205	No	No	Yes	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr14	75370123	NR_045209	2466	No	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr11	9773517	NM_015055	3857	No	Yes	No	C	A	A	A	homo	het	het
No	chr19	3053574	NM_001130	1010	No	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr19	49950298	NM_017916	954	No	No	Yes	G	A	A	A	het	homo	het
No	chr14	91925027	NM_032560	2822	Yes	No	Yes	C	A	C	A	het	homo	het
No	chr8	38706369	NM_001122824	2395	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo

No	chr12	32854366	NM_012063	281	Yes	No	No	A	A	C	A	homo	het	homo
No	chr5	74062881	NM_170691	162	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr17	75495397	NM_006640	3176	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr7	150139639	TCONS_00014233	81	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr8	98740419	NM_178812	5598	Yes	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr12	14927825	NM_177925	556	No	No	Yes	C	G	C	G	het	homo	het
Yes	chr7	43647879	NM_004760	595	Yes	No	Yes	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr20	45315769	NM_033550	608	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr17	4840868	NM_001165418	1217	Yes	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr10	112658060	NM_014456	1910	No	No	Yes	G	A	A	A	het	het	homo
No	chr1	150238699	NR_045034	1121	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr5	96118852	NM_001040458	2535	Yes	No	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr14	102815042	NM_001177612	426	No	Yes	No	G	A	A	A	homo	het	het
No	chr17	39912145	NM_021991	2222	No	Yes	No	A	T	A	A	het	homo	homo
No	chr7	129297332	NM_005011	258	Yes	No	No	T	T	G	G	homo	het	het
No	chr6	31604044	NM_004638	5969	No	Yes	No	T	G	G	G	het	homo	homo
No	chr12	24968749	NM_001178091	3770	No	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr4	39458051	NM_000661	425	Yes	No	No	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr2	3504687	NM_018269	410	No	No	Yes	T	C	C	C	het	het	homo
No	chr5	149776355	NM_001135243	4400	Yes	No	No	G	G	C	C	homo	het	het
No	chr7	28862379	NM_182899	5056	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr6	32522576	NR_001298	631	Yes	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
Yes	chr17	76220206	NM_001012270	1003	Yes	No	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr20	25288632	NM_001042472	1116	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr2	217070057	NM_021141	2471	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr11	64009879	NM_001135208	131	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr14	51206145	NM_182946	5700	No	Yes	No	T	T	A	A	homo	het	het
No	chr6	33032865	NM_001242525	1177	No	Yes	No	T	T	G	G	homo	het	het
No	chr6	33169895	NM_001077516	744	Yes	No	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr2	105924510	NM_004257	333	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr15	40686087	NM_033286	1355	Yes	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr2	68623915	NM_002664	2182	Yes	No	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr1	93617546	NM_016040	3818	No	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr12	24967212	NM_001178092	5235	Yes	No	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr3	47555142	NM_001031703	58	Yes	Yes	No	G	T	T	T	homo	het	het
No	chr16	23677006	NR_037573	686	No	No	Yes	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr4	2251893	NM_006454	1040	Yes	No	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr2	86385728	NM_001100170	1504	Yes	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr15	35273620	NM_014106	2370	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr17	27441077	NM_203318	2708	Yes	No	No	G	C	C	C	homo	het	homo
No	chr10	95259979	NM_001127182	353	Yes	Yes	No	C	G	C	C	het	homo	homo
No	chr16	11647492	NM_004862	507	Yes	No	No	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr17	26676135	NM_015584	1095	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr10	3206027	NM_001242307	750	Yes	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr7	139249414	NM_022740	12127	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr11	89956206	NM_012124	327	No	No	Yes	C	T	T	C	het	het	homo
No	chr19	16259623	NM_032855	594	Yes	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr1	211836752	NM_002497	1505	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr3	191114266	NM_178335	6756	Yes	No	No	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr3	105260518	NM_001243281	1596	No	Yes	No	G	A	A	A	het	het	homo
No	chr11	73850002	NM_015531	945	Yes	No	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr4	40244347	NM_004310	408	Yes	No	No	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr17	30326827	NM_015355	3247	Yes	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr14	51206145	NM_020921	5700	No	Yes	No	T	T	A	A	homo	het	het
Yes	chr16	89628073	NM_033251	583	Yes	No	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr14	100801331	NM_213646	1506	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr22	38151170	NM_007032	415	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr17	61903445	NM_017647	917	No	No	Yes	C	G	G	G	het	homo	het
No	chr8	142205237	NM_014957	4780	Yes	No	No	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr12	133587980	NM_001256280	1912	No	Yes	No	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr5	167933158	NM_002887	1231	Yes	Yes	No	T	A	T	T	het	homo	homo
No	chr18	72167120	NM_018235	171	Yes	No	No	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr20	47558417	NM_006420	321	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het

No	chr20	5933108	NM_032485	564	Yes	No	No	C	A	C	A	het	homo	het
Yes	chr5	150518988	NM_001193544	235	Yes	No	No	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr6	79911190	NM_004242	693	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr12	24966845	NM_001178093	5381	No	Yes	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr13	99948178	NM_004951	396	No	No	Yes	G	G	T	T	homo	homo	het
No	chr1	183099560	NM_002293	3619	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr22	41652733	NM_002883	1135	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr9	286593	NM_203447	401	No	No	Yes	C	A	A	C	het	het	homo
No	chr22	40726762	NM_001024843	10909	Yes	No	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr19	55143491	NM_001081638	689	No	Yes	No	G	G	T	T	homo	het	het
No	chr1	19950062	NR_033757	461	No	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr8	125562029	NM_005005	521	No	Yes	No	C	T	T	C	het	het	homo
No	chr20	46283383	NM_006534	5746	Yes	No	No	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr9	2811505	NM_014878	1587	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr3	193334991	NM_130836	707	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr3	122144952	NR_026698	2808	No	Yes	No	C	A	C	C	het	homo	homo
No	chr3	58413465	NM_001173468	1365	Yes	No	Yes	C	G	G	G	homo	het	homo
No	chr16	89644001	NM_153636	359	Yes	No	No	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr8	27308585	NM_004103	2766	Yes	No	Yes	A	A	C	C	homo	homo	het
No	chr6	32627882	NM_002123	999	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr19	1079959	NM_012292	1785	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr19	35739702	NM_001260490	144	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chrX	2656258	NM_002414	667	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr1	1684472	NM_001198993	1365	No	Yes	Yes	G	A	A	G	het	het	homo
No	chr22	36545137	NR_027834	428	Yes	No	Yes	T	A	A	A	het	homo	het
No	chr1	1684472	NM_001198994	1852	No	Yes	Yes	G	A	A	G	het	het	homo
No	chr2	99804642	NR_028356	252	Yes	No	Yes	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr22	36556823	NM_145641	1664	No	No	Yes	C	A	A	A	het	homo	het
No	chr17	41244000	NM_007294	3780	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr1	150238699	NM_001243771	1195	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	homo	het
Yes	chr8	27255263	NM_004103	415	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr8	27255146	NM_173176	285	No	Yes	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr16	10989219	NM_000246	266	Yes	No	No	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr2	242292307	NM_006155	2361	No	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr2	118575215	NM_006773	380	Yes	Yes	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr4	882643	NM_005255	1396	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr12	123893322	NM_020382	2173	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr5	179260213	NM_001142299	961	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr12	55343628	NM_001098815	2224	Yes	No	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr14	102815042	NM_032630	556	No	Yes	No	G	A	A	A	homo	het	het
Yes	chr7	99696797	NM_182776	1020	Yes	No	Yes	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr8	27301725	NM_173175	2306	No	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr19	55143491	NM_001081637	629	No	Yes	No	G	G	T	T	homo	het	het
No	chr17	41244000	NR_027676	3684	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr15	74328116	NM_033239	2454	Yes	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr12	32854366	NM_005690	281	Yes	No	No	A	A	C	A	homo	het	homo
No	chr13	50080827	NM_001040443	488	Yes	Yes	No	G	G	T	T	homo	het	het
No	chr20	49196284	NM_002827	1083	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr6	408079	NM_002460	1963	No	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr13	37583831	NM_001014286	2566	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr11	63991581	NM_001160389	881	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr8	42174380	NM_001556	1269	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr4	57881715	NM_000938	1891	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr17	7215536	NM_001970	1109	Yes	Yes	No	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr2	71631109	NM_014497	3262	Yes	No	Yes	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr7	28862379	NM_182898	5400	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr12	54357495	NR_047518	934	No	No	Yes	G	C	G	C	het	homo	het
No	chr3	32523777	NM_017801	2393	Yes	No	No	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr15	65108504	NM_025049	1985	No	Yes	Yes	T	T	A	A	homo	homo	het
No	chr6	32412435	NM_019111	892	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr19	19105259	NM_001017392	3311	Yes	No	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr19	53115842	NM_001105553	2656	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr1	154561925	NM_001025107	2793	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo

No	chr10	71873919	NM_001198696	1354	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr3	39438442	NM_017875	1747	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr6	32627763	NM_002123	1118	No	No	Yes	T	T	A	A	homo	homo	het
No	chr2	176043097	NM_001002258	618	Yes	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr19	10265593	NM_001130823	1812	Yes	No	No	C	C	A	C	homo	het	homo
No	chr6	7882205	NR_037616	2630	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr5	96110622	NM_001198541	4409	Yes	No	No	G	A	A	A	homo	het	het
No	chr17	27441077	NM_078471	2708	Yes	No	No	G	C	C	C	homo	het	homo
No	chr22	36677982	NM_002473	6846	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr19	17936259	NM_000215	4768	Yes	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr2	242168976	NM_005336	4080	No	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr14	102814945	NM_001177611	722	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr9	130938661	NM_001257975	2167	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr20	46283383	NM_001174087	5755	Yes	No	No	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr21	46271452	NM_004339	874	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr17	40722029	NM_198204	571	Yes	Yes	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr5	169435713	NM_004946	3275	No	Yes	No	A	C	C	A	het	het	homo
No	chr1	19413261	NM_020765	14603	Yes	No	Yes	A	T	T	T	homo	het	homo
No	chr5	96118852	NM_001198541	2293	Yes	No	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr15	86288655	NM_006738	9371	Yes	No	No	A	C	A	C	het	homo	het
No	chr22	30977353	NM_014303	897	No	No	Yes	A	T	A	T	het	homo	het
No	chr12	6707526	NM_001273	1712	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr17	61896455	NM_007372	3771	Yes	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr20	62522466	NR_045090	1896	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr11	85692181	NM_007166	2087	Yes	No	No	T	G	G	G	homo	het	het
No	chr12	133587980	NM_019591	2008	No	Yes	No	C	T	C	T	homo	homo	het
Yes	chr19	10370542	NM_015956	1279	Yes	Yes	No	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr19	5041178	NM_015015	574	Yes	No	Yes	T	C	C	C	het	homo	het
No	chr8	117783975	NM_032334	745	Yes	No	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr11	65161129	NM_031904	531	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr12	123645803	NM_022782	2912	No	Yes	No	C	T	T	T	homo	het	het
No	chr17	80041466	NM_004104	5385	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr6	31729359	NM_002441	2434	Yes	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr11	6737974	NR_003945	5137	No	Yes	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr16	87795580	NM_001184856	268	No	Yes	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr19	39923952	NM_001020	485	Yes	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr19	10370490	NM_146388	2158	No	No	Yes	T	A	T	A	het	homo	het
No	chr2	213870875	NM_001079526	3028	No	Yes	Yes	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chrX	54836361	NM_177433	346	Yes	No	Yes	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr15	86278309	NM_007200	7539	Yes	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
Yes	chr15	64419374	NM_001242933	784	Yes	No	Yes	G	G	T	T	homo	homo	het
No	chr10	71142420	NM_033496	1541	No	Yes	No	G	A	A	G	het	het	homo
No	chr6	31729359	NM_172165	2279	Yes	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr22	36700175	NM_002473	2487	No	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr10	81925866	NM_145869	1315	Yes	No	No	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr6	116720487	NM_013352	302	Yes	No	Yes	C	T	T	T	het	homo	het
No	chr15	80263406	NM_004049	238	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr2	68613710	NM_002664	711	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr2	68607947	NM_002664	453	Yes	Yes	No	G	T	T	T	homo	het	het
No	chr2	27459364	NM_004341	4449	Yes	No	No	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr3	42826041	NM_014056	1126	Yes	Yes	No	A	C	A	A	het	homo	homo
No	chr4	38777173	NM_001195106	488	Yes	No	No	T	T	A	A	homo	het	het
No	chr1	21573722	NM_001113347	1375	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr2	73491514	NM_001080410	1698	No	Yes	No	G	A	A	A	het	het	homo
No	chr12	121878659	NM_032590	3674	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr8	29207845	NM_001394	423	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr11	18424451	NM_001165414	852	Yes	No	Yes	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr1	24077451	NM_003198	494	No	Yes	No	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr7	32526687	NM_001139499	684	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr10	3189380	NM_001242309	2066	Yes	No	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr17	17046024	NM_015134	1069	Yes	No	Yes	C	A	A	A	het	homo	het
No	chr14	53503668	NM_001160147	12688	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr6	170862300	NM_002793	118	Yes	No	No	C	G	G	G	het	homo	homo

No	chr6	7882205	NM_001145549	2473	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr20	25288632	NM_015600	1116	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr2	38298139	NM_000104	1760	Yes	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr9	123614604	NR_024408	1751	No	Yes	No	C	C	A	A	homo	homo	het
No	chr2	174232622	NM_031942	1714	Yes	No	No	C	T	T	T	het	homo	homo
No	chr10	97631492	NM_001098175	7084	No	Yes	No	T	A	T	A	homo	homo	het
No	chr16	75481185	NM_145254	792	No	No	Yes	C	C	G	G	homo	homo	het
No	chr6	30458064	NM_005516	508	No	No	Yes	G	A	A	A	het	het	homo
No	chr12	14927825	NR_027716	556	No	No	Yes	C	G	C	G	het	homo	het
No	chr12	93862989	NR_038160	87	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr17	30228656	NM_018428	74	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr5	127469859	NM_001046	1355	No	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr8	53555069	NM_014781	4737	No	Yes	No	T	C	C	C	het	het	homo
No	chr1	145441620	NM_006472	1919	Yes	No	No	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr5	96118852	NM_016442	2535	Yes	No	No	C	C	G	G	homo	het	het
Yes	chr21	46330674	NM_000211	257	Yes	Yes	No	G	T	G	T	homo	homo	het
No	chr5	43290700	NM_001098272	2322	Yes	No	No	A	T	T	T	homo	het	homo
No	chr3	32533246	NM_017801	437	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr5	140027216	NR_033697	155	No	No	Yes	A	G	G	A	het	het	homo
No	chr11	18424487	NM_005566	791	No	Yes	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr11	65271832	NR_002819	6600	No	Yes	No	C	T	T	C	het	het	homo
No	chr7	29960812	NM_001145515	4015	No	Yes	No	A	A	T	T	homo	het	het
No	chr7	50470156	NM_001220766	3285	Yes	No	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr1	156206121	NM_001199664	232	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr22	32881190	NM_001257990	821	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr10	99126249	NM_015179	3484	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr2	109301687	NM_001193485	2659	Yes	Yes	No	G	C	C	C	homo	het	het
No	chr19	35837813	NM_001185100	2722	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr2	242082480	NM_001252120	254	No	Yes	No	T	G	T	G	homo	homo	het
No	chr2	71631109	NM_001252612	3578	Yes	No	Yes	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr10	81925866	NM_145868	1119	Yes	No	No	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr12	125284748	NM_005505	1303	Yes	No	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr3	10302172	NM_014760	1347	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr6	33054400	NM_002121	982	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr15	86278309	NM_144767	2330	Yes	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr22	30977353	NR_036550	1295	No	No	Yes	A	T	A	T	het	homo	het
No	chr6	7288544	NM_003144	2602	Yes	No	No	T	G	T	G	het	homo	het
No	chr6	26415062	NM_001145009	3809	Yes	Yes	No	C	C	A	A	homo	het	het
No	chr2	176043097	NM_001190329	1182	Yes	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr16	15131974	NM_173474	852	Yes	Yes	No	C	C	A	A	homo	het	het
No	chr19	39926521	NM_001020	98	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr9	131910644	NM_178000	2160	No	No	Yes	G	A	A	A	homo	het	homo
No	chr14	35062312	NM_021249	806	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr8	103851052	NM_148174	965	Yes	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr6	31540784	NM_000595	341	No	No	Yes	C	A	C	A	het	homo	het
No	chr8	66515865	NM_018120	1868	Yes	No	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr6	32906716	ENST00000429234.1	264	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr19	41928652	NM_001164783	1008	Yes	Yes	No	C	T	T	T	het	homo	homo
No	chr8	22278781	NM_001128431	3224	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr4	68497597	NM_018227	2224	Yes	No	No	G	T	G	G	het	homo	homo
No	chr20	62522466	NM_199359	1867	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr2	242082480	NM_015148	101	No	Yes	No	T	G	T	G	homo	homo	het
No	chr1	160723517	NM_021181	1573	No	No	Yes	A	G	G	G	het	het	homo
No	chr11	64972286	NM_005186	1480	No	Yes	No	G	G	C	C	homo	het	het
No	chr12	14956331	NM_016312	71	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr12	55343628	NM_001136030	2321	Yes	No	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr17	647988	NM_015721	3414	No	Yes	No	G	A	A	A	homo	het	het
No	chr20	47241805	NM_020820	5621	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr11	18424451	NM_001165415	755	Yes	No	Yes	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr2	160673519	NM_001198759	4252	No	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr17	39912145	NM_002230	2222	No	Yes	No	A	T	A	A	het	homo	homo
No	chr12	125441359	NM_032656	2430	Yes	No	No	A	G	G	G	homo	het	homo
No	chr5	74062881	NM_032380	162	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo

No	chr4	76704004	NM_003715	872	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr12	24966845	NM_005504	5785	No	Yes	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr17	41244000	NM_007300	3780	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr19	47112740	NM_005184	960	No	No	Yes	C	T	T	T	homo	het	homo
No	chr4	10076860	NM_005112	1826	Yes	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr5	149776355	NM_001135244	4289	Yes	No	No	G	G	C	C	homo	het	het
No	chr14	64882380	NM_005956	788	Yes	No	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr19	3977486	NM_001961	2273	Yes	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr3	183901281	NM_004068	1342	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr6	32632832	NM_002123	204	Yes	No	No	T	A	A	A	het	homo	homo
No	chr20	62522466	NM_001243891	1852	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
Yes	chr15	64419374	NM_148955	589	Yes	No	Yes	G	G	T	T	homo	homo	het
No	chr1	150594701	NM_207042	1185	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
Yes	chr4	3213832	NM_002111	6736	Yes	Yes	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr19	11123738	NM_001128849	2462	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr1	214826196	NM_016343	8360	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr9	93641151	NM_001174167	1695	Yes	Yes	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr10	97631492	NM_001164178	6984	No	Yes	No	T	A	T	A	homo	homo	het
No	chr20	62522466	NM_001243892	1798	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr8	27308585	NM_173174	3321	Yes	No	Yes	A	A	C	C	homo	homo	het
No	chr13	113508839	NM_032189	2326	Yes	Yes	No	G	G	C	C	homo	het	het
No	chr16	27413850	NM_181078	368	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr9	93641151	NM_003177	1702	Yes	Yes	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr4	122617745	NM_001154	165	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chrX	102930960	NM_001142422	1482	No	No	Yes	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chrX	2656261	NM_002414	670	No	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr5	1463589	NM_024830	1899	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr4	89443162	NM_001042616	326	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr2	30481916	NM_030915	1955	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr8	27308585	NM_173175	2542	Yes	No	Yes	A	A	C	C	homo	homo	het
No	chr17	75495397	NM_001113491	2544	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr16	87795580	NM_017566	268	No	Yes	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr11	614243	NM_004031	1059	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr6	131190838	NM_001431	2654	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr14	55457988	NM_007086	1374	Yes	Yes	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr2	7865946	ENST00000417930.1	15	No	Yes	Yes	C	G	C	G	homo	homo	het
No	chr1	39908506	NM_012090	13282	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr14	75590822	NM_033116	478	Yes	No	Yes	C	T	T	T	homo	het	homo
No	chr2	242168976	NM_001243900	3944	No	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr12	125302104	NM_001082959	529	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr1	32639057	NM_012316	4261	Yes	No	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr10	3189380	NM_014889	2367	Yes	No	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr16	24582299	NM_018703	4850	No	Yes	No	C	G	C	C	het	homo	homo
No	chr13	41515118	NM_001145353	1351	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
Yes	chr17	76220206	NM_001168	1121	Yes	No	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr4	26417136	NM_015874	417	No	No	Yes	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr6	31729359	NR_037846	2327	Yes	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr19	54627164	NM_015629	960	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr7	150139639	ENST00000477392.1	179	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr9	95005537	NM_002161	3114	Yes	No	No	T	T	G	T	homo	het	homo
Yes	chr14	69259662	NM_004926	970	Yes	Yes	No	G	G	T	T	homo	homo	het
No	chr17	61896455	NM_203499	3700	Yes	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr1	111415841	NM_001040033	125	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr2	198362018	NM_199440	390	Yes	No	No	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr4	26417136	NM_203284	600	No	No	Yes	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr6	31130593	NM_007109	1907	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chrX	80373961	NM_030763	428	No	Yes	No	G	A	G	A	homo	homo	het
Yes	chr16	58579274	NM_206999	4461	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr17	35346641	NM_012138	1496	No	No	Yes	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr1	36752152	NM_005119	545	No	No	Yes	C	T	T	C	het	het	homo
No	chr8	27301725	NM_173176	2391	No	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr1	65335095	NM_002227	795	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr11	82535963	NM_199418	1652	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het

No	chr22	19025330	NR_033674	2834	No	Yes	No	T	T	G	G	homo	het	het
No	chr13	47354101	NM_001984	752	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr9	286593	NM_001190458	186	No	No	Yes	C	A	A	C	het	het	homo
No	chr22	32881190	NM_001033024	669	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
Yes	chr9	88959938	NM_001185074	1199	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr15	79237247	NM_004390	174	Yes	Yes	No	G	C	C	C	het	homo	homo
No	chr4	39458051	NM_001024921	514	Yes	No	No	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr11	126215438	NM_014026	1273	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
Yes	chr9	88959938	NM_001185059	1089	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr16	27413850	NM_181079	368	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr2	213870875	NM_016260	2959	No	Yes	Yes	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr3	196663321	NM_007362	1122	Yes	No	No	C	A	A	A	het	homo	het
No	chr19	11123738	NM_001128844	2748	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr16	66646591	NM_181553	742	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr16	87788836	NM_001184856	435	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
Yes	chr15	42192040	NM_139265	2492	Yes	No	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr5	150410219	NM_001258456	1713	Yes	No	No	G	T	G	T	het	homo	het
No	chr19	53115842	NM_001105552	2504	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr11	33913568	NM_005574	269	Yes	No	No	A	G	G	G	homo	het	homo
No	chr22	21307058	NM_005207	4346	No	Yes	No	C	T	T	T	homo	het	het
No	chr7	100804140	NM_001283	880	No	Yes	Yes	C	T	C	T	homo	homo	het
Yes	chr17	2268311	NM_001098509	1296	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr22	41928145	NM_001018050	686	No	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr19	39369369	NM_001193286	1738	No	No	Yes	A	A	C	C	homo	homo	het
No	chr1	146650363	NR_002305	934	Yes	No	Yes	T	A	T	A	het	homo	het
No	chr22	36537500	NR_027833	1321	Yes	No	No	T	T	A	A	homo	homo	het
No	chr1	23884780	NM_002167	880	Yes	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr7	150761680	NM_001199692	1325	Yes	No	Yes	C	A	C	A	het	homo	het
No	chr14	105239894	NM_001014432	1149	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr2	238672703	NM_001137552	2639	Yes	No	No	C	G	G	G	het	homo	homo
No	chr12	122812503	NM_002956	3362	Yes	No	Yes	C	G	C	G	homo	homo	het
No	chr7	44606098	NM_019082	2158	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr13	75936636	NM_014832	953	No	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr14	21820178	NM_007192	4137	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr9	135982088	NM_006266	1481	Yes	No	Yes	T	T	G	T	homo	het	homo
No	chr19	35648365	NM_001164605	194	Yes	No	No	T	G	T	G	het	homo	het
No	chr1	27181427	NM_032283	2355	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr14	75130235	NM_001039479	3165	No	No	Yes	A	C	C	C	homo	het	homo
No	chr12	24968069	NM_001178094	4454	No	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr6	31604044	NM_080686	5932	No	Yes	No	T	G	G	G	het	homo	homo
No	chrX	2139200	NM_145177	924	No	Yes	No	A	G	G	A	het	het	homo
No	chr7	150070663	NM_001099695	2697	Yes	No	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chrX	102930960	NM_001142423	1400	No	No	Yes	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr7	139249414	NM_001113239	12046	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr7	150139639	TCONS_00012895	177	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr6	52363615	NM_012288	5642	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr1	154556663	NM_001111	4542	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr16	2569810	NM_001198569	607	No	Yes	No	G	G	C	C	homo	het	het
No	chr6	26414806	NM_007048	2796	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr17	4840868	NM_001165417	1337	Yes	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr5	96503378	NM_001159749	1300	No	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr20	44757814	NM_152854	984	Yes	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr6	143074700	NM_006734	7628	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr7	99694931	NM_005916	1704	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr2	202029160	NM_001202516	2267	No	No	Yes	G	T	T	G	het	het	homo
No	chr10	22825133	NM_005028	2466	No	No	Yes	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr2	198257795	NM_012433	3705	Yes	No	No	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr6	2889600	NM_004155	2050	No	Yes	No	A	T	A	A	het	homo	homo
No	chr14	92583881	NM_004545	274	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr21	35515117	NM_032476	773	Yes	No	No	G	A	A	A	het	homo	het
No	chr8	27311703	NM_173176	2868	Yes	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr14	24587639	NM_181357	702	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr2	128622491	NM_001199140	1389	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het

No	chr19	3053574	NM_198969	1077	No	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr16	24955183	NM_018054	1335	No	No	Yes	A	G	G	A	het	het	homo
No	chr6	32948685	NR_037625	4302	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr12	673788	NM_016533	736	Yes	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr1	150238699	NM_016022	1366	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr2	71631109	NM_001252613	3262	Yes	No	Yes	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr4	26417136	NM_005349	470	No	No	Yes	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr11	130776613	NM_014758	2717	Yes	No	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chr19	10939792	NM_001005362	2317	Yes	No	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr12	124829234	NM_006312	4944	Yes	Yes	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr22	36537500	NM_145640	995	Yes	No	No	T	T	A	A	homo	homo	het
No	chr2	202029160	NM_001202517	1954	No	No	Yes	G	T	T	G	het	het	homo
No	chr22	30824755	NM_001003704	759	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr11	614243	NM_001572	980	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr1	207653364	NM_001877	3096	No	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr5	138266546	NM_001903	2315	No	Yes	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr11	62574587	NM_001244666	1617	No	No	Yes	G	G	T	G	homo	het	homo
No	chr10	129901747	NM_002417	8552	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr6	33054331	NM_002121	913	Yes	No	No	T	C	C	C	het	homo	het
No	chr7	36895342	NM_001039459	759	No	Yes	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr6	32813756	ENST00000453426.1	751	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr15	86278309	NM_006738	7551	Yes	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr22	19025330	NM_005137	2949	No	Yes	No	T	T	G	G	homo	het	het
No	chr5	74037386	NM_170681	1202	Yes	No	No	A	A	T	T	homo	het	het
No	chr12	24967212	NM_001178091	5307	Yes	No	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr16	57399240	NM_002990	2056	No	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
Yes	chr14	69259662	NM_001244698	970	Yes	Yes	No	G	G	T	T	homo	homo	het
No	chr19	1037766	NM_004368	1160	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr10	97631492	NM_001164179	7086	No	Yes	No	T	A	T	A	homo	homo	het
No	chr10	97631492	NM_001164181	6856	No	Yes	No	T	A	T	A	homo	homo	het
No	chr11	65408937	NM_006747	712	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr11	121367626	NM_003105	936	Yes	No	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr3	170893070	NM_001161561	1089	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr2	85824039	NM_016494	362	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr6	31540784	NM_001159740	392	No	No	Yes	C	A	C	A	het	homo	het
No	chr5	150647012	NM_000405	747	Yes	No	No	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr21	42824733	NM_001144925	2642	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr1	154573967	NM_015840	1393	No	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr10	112658060	NM_001199492	1868	No	No	Yes	G	A	A	A	het	het	homo
No	chr14	23033990	NM_001344	514	No	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr8	38706369	NM_006283	3625	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr2	86364115	NM_017952	1897	No	Yes	No	C	A	C	C	het	homo	homo
No	chr9	33676094	NR_023917	1325	No	No	Yes	G	C	G	C	het	homo	het
No	chr20	463995	NM_001895	2062	No	No	Yes	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr17	75495397	NM_001113495	2358	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr8	98703317	NM_178812	1277	No	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr18	9275542	NM_015208	6048	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr16	80718879	NM_152342	277	No	No	Yes	T	C	C	C	het	het	homo
Yes	chr22	38273749	NM_001242923	1080	Yes	No	No	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr6	33032968	NM_001242524	1150	Yes	No	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr6	31603770	NM_080686	5817	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr6	26414806	NM_001145008	2640	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr19	15229993	NM_006844	1156	Yes	No	No	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr2	238672703	NM_001137553	2471	Yes	No	No	C	G	G	G	het	homo	homo
Yes	chr19	16238279	NM_005370	579	Yes	No	Yes	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr9	132651936	NM_015033	2955	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr10	129901747	NM_001145966	7472	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr9	286593	NM_001193536	186	No	No	Yes	C	A	A	C	het	het	homo
No	chr11	6625566	NM_001014795	360	Yes	No	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr4	113198805	NM_052864	1050	No	No	Yes	C	G	G	G	het	homo	het
No	chr15	80263406	NM_001114735	238	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr5	156904633	NM_033274	6160	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
Yes	chrX	119391880	NM_001184742	4937	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het

No	chr16	88788060	NM_001142864	5289	No	Yes	Yes	C	T	C	T	homo	homo	het
Yes	chr21	46330674	NM_001127491	212	Yes	Yes	No	G	T	G	T	homo	homo	het
No	chr2	131131424	NM_001142370	1790	No	Yes	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr17	4069735	NR_047571	4770	Yes	Yes	No	G	T	G	G	het	homo	homo
Yes	chr10	3178881	NM_002627	2541	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr5	157164962	NM_017872	821	No	Yes	No	T	C	C	C	het	het	homo
No	chr12	94673277	NR_037687	420	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr3	47036756	NM_015175	1710	Yes	No	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr11	3714489	NM_016320	4705	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr14	35032169	NM_021249	1529	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr16	58587737	NR_049763	3237	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr4	2826400	NM_003023	561	No	Yes	Yes	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr1	94342061	NM_014597	1488	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr5	43290700	NM_002130	2263	Yes	No	No	A	T	T	T	homo	het	homo
No	chr22	43203137	NM_001142293	1441	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
Yes	chr14	69259662	NM_001244701	295	Yes	Yes	No	G	G	T	T	homo	homo	het
No	chr12	124829234	NM_001206654	4914	Yes	Yes	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr2	242168976	NM_203346	4020	No	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr10	35772402	NM_181698	385	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr7	36895342	NM_001206480	2504	No	Yes	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr1	1684472	NM_001198995	1227	No	Yes	Yes	G	A	A	G	het	het	homo
No	chr20	62522466	NM_199362	1969	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr3	124802231	NM_024628	2759	No	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
Yes	chr17	2268311	NM_014853	1298	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr6	32948685	NM_001113182	4210	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr2	152132130	NM_004688	832	No	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr6	32902583	NM_002118	1220	Yes	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr1	46078884	NM_002482	1629	No	No	Yes	C	T	T	C	het	het	homo
No	chr18	72167124	NM_018235	175	No	Yes	No	C	G	C	C	het	homo	homo
No	chr7	99693078	NM_182776	2200	Yes	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr6	32410987	NM_019111	463	No	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr2	160673526	NM_001198759	4245	Yes	Yes	No	T	C	T	C	homo	homo	het
Yes	chr3	97664725	NM_001261829	1263	Yes	Yes	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr7	139288937	NM_001113239	2335	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr6	37450914	NM_138493	403	Yes	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr20	62522466	NM_199361	1936	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr14	35263983	NM_182648	1903	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr1	46827728	NR_045791	1678	Yes	No	No	A	A	C	A	homo	het	homo
No	chr2	61705663	NM_003400	4236	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr12	25956208	ENST00000539003.1	72	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr2	61405865	NM_152392	1311	Yes	Yes	No	C	C	G	G	homo	homo	het
No	chr19	42463447	NM_006423	82	Yes	No	No	G	A	A	A	het	homo	het
No	chr12	94673277	NM_005761	3876	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr3	67425727	NM_003848	1768	Yes	No	No	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr16	3724465	NM_016292	1008	No	No	Yes	C	G	C	G	het	homo	het
No	chr12	122812503	NM_198240	3257	Yes	No	Yes	C	G	C	G	homo	homo	het
No	chr20	47261017	NM_020820	3554	No	Yes	Yes	A	G	G	G	het	het	homo
No	chr9	131910644	NM_178003	2034	No	No	Yes	G	A	A	A	homo	het	homo
No	chr7	150139639	TCONS_00013097	228	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr10	13375906	NM_012247	848	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr17	4622638	NM_001257331	1023	No	Yes	Yes	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr1	154561925	NM_015841	2789	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr17	4840868	NM_003562	1370	Yes	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr18	34376565	NM_015476	1534	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr4	38774889	NM_001195107	2644	No	Yes	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr7	127721507	NM_014390	2290	Yes	Yes	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chrX	102930960	NM_001142418	1500	No	No	Yes	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr6	32627807	NM_001243961	1098	Yes	No	Yes	T	T	A	A	homo	homo	het
No	chr16	58587737	NM_001265612	3237	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr20	43530234	NM_003404	342	Yes	No	No	A	C	C	C	het	homo	homo
No	chr6	29913449	NM_001242758	1399	Yes	No	No	C	G	C	C	het	homo	homo
No	chr2	242082480	NM_001252119	101	No	Yes	No	T	G	T	G	homo	homo	het
No	chr2	170493863	NM_004792	2315	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het

No	chr19	41928652	ENST00000540732.1	1201	Yes	Yes	No	C	T	T	T	het	homo	homo
No	chr5	149784658	NM_001025159	714	Yes	No	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr11	121502745	NM_003105	9247	No	Yes	No	C	G	G	G	het	het	homo
No	chr5	74037386	NM_170691	1202	Yes	No	No	A	A	T	T	homo	het	het
No	chr19	41928652	NM_000709	1011	Yes	Yes	No	C	T	T	T	het	homo	homo
No	chr19	35739702	NM_001260489	144	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr14	100728770	NM_003403	1289	Yes	No	No	T	G	T	T	het	homo	homo
No	chr5	179297268	NM_198868	2747	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr8	23148978	NM_001136108	1034	No	Yes	No	G	T	G	T	homo	homo	het
No	chr5	150410219	NM_001252391	2104	Yes	No	No	G	T	G	T	het	homo	het
No	chr5	156907110	NM_033274	3683	No	No	Yes	C	C	A	C	homo	het	homo
Yes	chr1	3696890	NM_020710	2542	Yes	No	No	T	T	G	G	homo	homo	het
No	chr1	234582651	NM_005646	2032	No	Yes	No	A	G	G	G	het	het	homo
No	chr13	113508839	NM_015205	2326	Yes	Yes	No	G	G	C	C	homo	het	het
No	chr5	156821217	NM_014376	5226	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr19	35837813	NM_001185099	2577	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr14	93263982	NM_005113	382	Yes	No	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr1	198691595	NM_002838	1923	No	No	Yes	T	T	A	T	homo	het	homo
No	chr7	50470156	NM_001220772	2736	Yes	No	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr16	57283730	NM_012106	501	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr11	8707233	NM_000990	693	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chrX	148562599	NM_001166550	3504	No	Yes	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chr2	89165310	ENST00000430694.1	344	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr2	25064193	NM_004036	1330	Yes	No	No	C	T	T	T	homo	het	homo
No	chr17	1800600	NM_002945	2097	Yes	Yes	No	C	T	T	T	het	homo	homo
No	chr17	80350331	NR_033265	1260	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr19	50411742	NM_153718	1606	Yes	No	No	T	C	C	C	homo	het	homo
No	chr5	149776355	NM_001135245	4172	Yes	No	No	G	G	C	C	homo	het	het
No	chr1	1684472	NM_023018	1434	No	Yes	Yes	G	A	A	G	het	het	homo
No	chr17	40722029	NM_198205	481	Yes	Yes	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr1	161013121	NM_007122	140	Yes	No	Yes	G	A	A	A	homo	het	homo
No	chr9	130938661	NM_012127	2115	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr17	74307737	NM_002766	1490	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr17	12895855	NM_173717	2875	Yes	No	No	T	A	A	A	homo	het	homo
No	chr1	154573967	NM_001193495	1431	No	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr4	184618936	NM_199053	3001	No	Yes	No	G	G	C	C	homo	het	het
No	chr9	139726239	NM_001173988	800	No	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
Yes	chr21	35281393	ENST00000429238.1	166	Yes	No	No	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr5	132093994	NM_015146	2047	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr13	50080827	NM_001040444	310	Yes	Yes	No	G	G	T	T	homo	het	het
No	chr10	71142420	NM_033500	1906	No	Yes	No	G	A	A	G	het	het	homo
No	chr17	4069735	NM_001257999	5091	Yes	Yes	No	G	T	G	G	het	homo	homo
No	chr16	4740441	NM_001142290	5937	No	Yes	No	G	C	C	C	homo	het	het
No	chr17	71238433	NM_001100622	1758	No	No	Yes	G	A	A	A	homo	het	homo
No	chr19	53115842	NM_001105554	2293	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr7	50470156	NM_001220769	3159	Yes	No	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr16	3777836	NM_004380	7416	Yes	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr14	61997226	NM_006255	1979	Yes	No	No	C	T	T	T	het	homo	homo
No	chr6	41568064	NM_001012427	3885	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chrX	1584169	NM_178129	1531	No	No	Yes	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr6	32948685	NM_001199456	2613	Yes	No	No	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr11	67200819	NM_003952	889	No	Yes	No	C	T	T	T	homo	het	het
No	chr4	38777173	NM_001195108	391	Yes	No	No	T	T	A	A	homo	het	het
No	chr3	38170810	NM_001607	723	No	Yes	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr1	14105298	NM_012231	1864	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr1	46827728	NR_045790	1860	Yes	No	No	A	A	C	A	homo	het	homo
No	chr4	68442968	NM_012108	436	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr2	64751257	TCONS_00005168	171	No	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr7	50470156	NM_001220767	3255	Yes	No	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr12	24967212	NM_001178093	5014	Yes	No	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr22	36545137	NR_027833	544	Yes	No	Yes	T	A	A	A	het	homo	het
No	chr1	6695331	NM_018198	2190	Yes	Yes	No	C	C	A	A	homo	het	het
No	chr1	171561225	NM_015172	8959	No	No	Yes	C	T	T	T	homo	het	homo

No	chr6	5109592	NM_001164841	672	No	No	Yes	A	C	C	C	het	homo	het
No	chr14	35032169	NM_152233	1424	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr17	78368110	NM_001256071	16586	Yes	No	No	G	G	C	G	homo	het	homo
No	chr9	130938661	NM_001257976	1959	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr16	31195279	NM_001170937	396	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr14	61997226	ENST00000556347.1	188	Yes	No	No	C	T	T	T	het	homo	homo
No	chr2	230632087	NM_004238	6271	No	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr12	125302104	NM_005505	529	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr4	89443162	NM_032906	326	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr17	75495397	NM_001113494	2658	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr6	26414806	NM_194441	3090	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr4	2826400	NM_001145856	510	No	Yes	Yes	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr2	85806266	NM_003761	294	Yes	No	No	C	C	T	T	homo	het	het
Yes	chr1	154245142	NM_006118	104	Yes	No	No	T	G	T	G	homo	homo	het
No	chr1	154573967	NM_015841	1393	No	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr11	18424451	NM_005566	755	Yes	No	Yes	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr16	87788833	NM_017566	438	Yes	No	No	C	C	A	C	homo	het	homo
No	chr17	2203167	NM_017575	935	No	No	Yes	A	C	A	C	het	homo	het
No	chr6	32973841	NM_002119	1603	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr11	63991581	NM_001160393	673	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr8	124332900	NM_014109	4755	No	Yes	Yes	C	T	T	C	het	het	homo
No	chr7	50514577	NM_022116	779	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr1	226555302	NM_001618	2456	No	Yes	Yes	T	C	C	C	het	het	homo
No	chr6	31130593	NM_001077511	1661	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr1	110201699	NM_000850	848	No	No	Yes	T	C	C	C	het	homo	het
No	chr9	92003679	NM_001142287	1551	No	Yes	Yes	G	A	A	A	het	het	homo
Yes	chr11	10521764	NM_001172430	1988	Yes	Yes	Yes	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr20	61440971	NM_007346	389	Yes	No	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr1	182356399	NM_001033044	736	No	No	Yes	T	C	C	T	het	het	homo
No	chr5	177637882	NM_031266	1514	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr14	51206145	NM_016350	3561	No	Yes	No	T	T	A	A	homo	het	het
No	chr16	87788836	NM_001184854	264	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr22	44489896	NM_001243386	162	Yes	Yes	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chr7	5642979	NM_003088	1056	Yes	No	No	T	T	G	T	homo	het	homo
No	chr11	18424487	NR_028500	673	No	Yes	No	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr6	32634350	NM_002123	117	Yes	No	No	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr15	85669452	NM_002605	2289	Yes	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr17	61888461	NM_007372	1583	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr5	171533656	NM_005990	1056	No	No	Yes	G	A	A	A	het	homo	het
No	chr9	123665019	NM_001190945	3955	No	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr2	160676350	NM_001198760	4114	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr1	28836046	NR_002909	880	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
Yes	chr6	32412480	NM_019111	937	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	homo	het
Yes	chr4	2906707	NM_001119	1566	Yes	Yes	No	G	T	G	T	homo	homo	het
Yes	chr14	50575821	NM_001040662	1208	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr22	44489896	NM_001243385	135	Yes	Yes	No	T	C	C	C	homo	het	het
No	chr12	6631169	NM_014865	1966	No	No	Yes	C	C	A	A	homo	homo	het
No	chr22	32875190	NM_012179	628	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr3	193334991	NM_130834	707	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr3	105260518	NM_001243280	1596	No	Yes	No	G	A	A	A	het	het	homo
No	chr10	71873919	NM_032797	1351	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr16	315557	NM_032039	2390	Yes	No	No	C	G	C	G	homo	homo	het
No	chr17	7411770	NM_000937	3827	Yes	No	No	C	T	T	T	het	homo	homo
No	chr11	63991581	NM_001033678	875	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr17	7215536	NM_001143761	1038	Yes	Yes	No	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr19	49469087	NM_000146	362	No	Yes	No	T	C	C	C	het	het	homo
No	chr22	17630486	NM_033070	304	Yes	No	No	G	T	T	T	het	homo	het
No	chr2	219267781	NM_021198	738	No	No	Yes	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr22	38881454	NM_001098504	2785	Yes	No	No	T	G	G	G	homo	het	homo
No	chr9	107515214	NM_015469	404	No	No	Yes	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr11	89956206	NM_001144073	327	No	No	Yes	C	T	T	C	het	het	homo
No	chr16	69497248	NM_030579	1367	No	Yes	No	T	G	G	G	het	homo	homo
No	chr1	156206121	NM_001199662	439	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het

No	chr1	15959977	NM_032341	762	No	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr4	88060025	NM_005935	7212	Yes	No	No	C	A	A	A	homo	het	homo
No	chr15	80263217	NM_004049	427	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr1	19950062	NM_001032363	276	No	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr10	35302705	NM_001198777	2146	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr19	17312992	NM_004145	4868	No	Yes	Yes	C	T	C	T	homo	homo	het
No	chr15	64706332	NM_016213	1152	No	No	Yes	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr20	4764629	NM_170774	1325	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr11	5717762	NM_006074	679	Yes	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr22	32108824	NM_173566	5194	Yes	No	No	A	A	T	T	homo	het	het
No	chr8	42174380	NR_033819	1269	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr5	127469859	NM_001256461	1355	No	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr2	202029160	NM_001202515	1466	No	No	Yes	G	T	T	G	het	het	homo
No	chr8	42174380	NM_001190720	1146	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr2	191829353	NM_014905	3915	No	No	Yes	C	G	G	G	het	het	homo
No	chr5	96503378	NM_018343	1300	No	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr4	38777173	NM_001195107	360	Yes	No	No	T	T	A	A	homo	het	het
No	chr11	5701074	NM_033093	489	No	Yes	No	G	T	G	G	het	homo	homo
No	chr4	38776180	NM_001195108	1384	Yes	No	Yes	G	T	G	T	homo	homo	het
No	chr5	118729286	NM_014350	997	Yes	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr16	15960226	NM_144600	1601	Yes	No	No	A	G	G	G	homo	het	homo
No	chr3	124802677	NM_001195483	2252	Yes	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr6	31122315	NM_001105564	948	Yes	No	Yes	C	G	C	G	het	homo	het
No	chr12	24968749	NM_001178092	3698	No	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr1	156206121	ENST00000490491.1	445	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr11	5717762	NM_001199573	679	Yes	No	Yes	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr6	33052768	NM_002121	522	No	No	Yes	T	C	C	C	het	homo	het
No	chr10	13375906	NM_001195602	577	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr5	74062881	NM_170681	162	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr12	24968749	NM_001178094	3774	No	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr4	75938236	NM_015393	898	No	No	Yes	A	G	G	A	het	het	homo
No	chr5	150410219	NM_001258454	2207	Yes	No	No	G	T	G	T	het	homo	het
No	chr20	52192637	NM_006526	2937	Yes	No	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr12	124829234	NM_001077261	4914	Yes	Yes	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr10	14562201	NM_031453	2143	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr2	202029160	NM_001202519	2793	No	No	Yes	G	T	T	G	het	het	homo
No	chr5	140903792	NM_005219	3720	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr22	20052532	NM_152906	1356	No	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr6	32627882	NM_001243961	1023	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	homo	het
Yes	chr6	32975257	NM_002119	520	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr21	42824733	NM_002462	2216	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr4	2826400	NM_001145855	563	No	Yes	Yes	T	C	T	C	homo	homo	het
No	chr16	4740441	NM_001142291	5871	No	Yes	No	G	C	C	C	homo	het	het
No	chr6	109688114	NM_001142402	2658	Yes	No	No	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr22	30977353	NM_001243225	897	No	No	Yes	A	T	A	T	het	homo	het
No	chr1	40773123	NM_001852	1073	Yes	No	Yes	C	G	C	G	het	homo	het
No	chr22	36678453	NM_002473	6375	Yes	No	Yes	G	G	C	G	homo	het	homo
Yes	chr11	10521764	NM_001172431	1684	Yes	Yes	Yes	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr3	48508585	NM_033629	1037	No	Yes	No	C	T	T	T	het	het	homo
No	chr14	106405791	ENST00000390593.2	235	Yes	Yes	No	G	C	G	G	het	homo	homo
No	chr22	41551039	NM_001429	3578	No	No	Yes	T	A	A	A	het	homo	het
No	chr12	113596866	NM_001111322	2493	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr1	146740502	NM_004284	1113	Yes	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
Yes	chr20	61598899	NM_022082	1542	Yes	No	Yes	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr6	33032968	NM_001242525	1074	Yes	No	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr9	88903367	NM_024617	4961	Yes	No	Yes	A	T	A	T	homo	homo	het
No	chr18	72167120	NM_001168499	298	Yes	No	No	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr4	184618936	NM_021942	3001	No	Yes	No	G	G	C	C	homo	het	het
No	chr11	62496519	NM_173810	568	Yes	Yes	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr17	4622638	NM_001257328	1131	No	Yes	Yes	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr2	71654175	NM_014497	5499	Yes	No	No	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr12	27064232	NM_018164	2361	No	Yes	No	G	A	A	A	homo	het	het
No	chr19	39926509	NM_001020	110	Yes	No	Yes	T	G	T	G	het	homo	het

No	chr14	24587639	NM_001163484	900	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr6	33037626	NM_001242525	260	No	Yes	No	G	G	C	C	homo	het	het
Yes	chr9	140167022	NM_015456	1754	Yes	No	Yes	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr19	1032689	NM_004368	747	Yes	No	No	G	T	G	G	het	homo	homo
No	chr22	44602229	NM_001137606	1162	Yes	No	Yes	A	C	C	C	homo	het	homo
Yes	chr16	30003076	NM_004783	4154	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr5	7878179	NM_024010	635	No	No	Yes	C	T	T	C	het	het	homo
Yes	chr11	10521764	NM_000480	2061	Yes	Yes	Yes	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr7	66459256	NM_016038	385	Yes	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr8	53555069	NM_001083617	4737	No	Yes	No	T	C	C	C	het	het	homo
No	chr12	24968150	NM_001178091	4369	Yes	No	No	T	G	G	G	het	homo	homo
No	chr22	30824755	ENST00000439838.1	1251	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr2	160676350	NM_002349	4114	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr7	29960812	NM_014766	4175	No	Yes	No	A	A	T	T	homo	het	het
No	chr6	32609192	NM_002122	241	No	No	Yes	A	G	A	G	het	homo	het
No	chr13	46701233	NM_002298	2615	No	No	Yes	T	A	A	A	het	homo	het
No	chr9	86595498	NM_031262	72	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr2	86385728	NM_006839	1537	Yes	No	Yes	G	G	A	G	homo	het	homo
No	chr5	150410219	NM_001252386	2035	Yes	No	No	G	T	G	T	het	homo	het
No	chr19	45912736	NM_012099	1998	Yes	No	Yes	C	C	A	C	homo	het	homo
No	chr22	19025330	NM_001173533	2826	No	Yes	No	T	T	G	G	homo	het	het
No	chr19	1079959	NM_001258328	1696	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr11	88070858	NM_001114173	84	No	Yes	No	T	T	C	C	homo	het	het
Yes	chr14	50575821	NM_024558	1313	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr14	23034026	NM_001344	478	Yes	Yes	No	G	G	C	C	homo	het	het
No	chr7	940181	NM_006869	897	Yes	No	Yes	G	A	A	A	homo	het	homo
No	chr17	43319770	NM_005892	2148	No	Yes	Yes	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr19	3053574	NM_198970	1007	No	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr6	32819968	NM_000593	1097	Yes	No	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr19	10939792	NM_001005360	2329	Yes	No	No	T	T	C	C	homo	het	het
No	chr2	242082480	NM_001252122	101	No	Yes	No	T	G	T	G	homo	homo	het
No	chr19	1014398	NM_001033026	446	Yes	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr2	71304738	NM_017567	1222	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het
Yes	chr8	27255263	NM_173175	317	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr2	232035429	NR_034059	2857	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr19	11123738	NM_003072	2672	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr3	120049117	NM_001099678	2142	No	No	Yes	A	G	G	G	homo	het	homo
No	chr1	182352621	NM_001033056	2284	No	Yes	No	A	G	G	A	het	het	homo
No	chr4	38776180	NM_001195106	1481	Yes	No	Yes	G	T	G	T	homo	homo	het
No	chr16	4740441	NM_001142289	3334	No	Yes	No	G	C	C	C	homo	het	het
No	chr4	185615532	NM_024629	2237	Yes	No	Yes	T	A	A	A	het	homo	het
No	chr19	10794630	NM_004516	2360	Yes	Yes	No	G	T	T	T	homo	het	het
No	chr2	209212707	NM_015040	5492	No	No	Yes	G	A	A	A	homo	het	homo
No	chr2	89185406	ENST00000390243.2	275	Yes	Yes	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr3	88101551	NM_001008390	4088	No	Yes	No	C	T	T	T	homo	het	het
No	chr1	154573967	NM_001025107	1262	No	Yes	No	A	G	G	G	het	homo	homo
No	chr10	98411293	NM_152309	956	No	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr10	35302705	NM_003591	2138	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr17	71238433	NM_017941	1758	No	No	Yes	G	A	A	A	homo	het	homo
No	chr12	120119183	NM_006253	2155	No	No	Yes	T	T	G	G	homo	homo	het
No	chr11	252851	NM_002817	1624	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr20	4764682	NM_170774	1272	Yes	No	Yes	A	G	G	G	homo	het	homo
Yes	chr3	97664725	NM_153182	1266	Yes	Yes	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr14	66209190	NM_178156	3419	No	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr16	58587737	NM_206999	3252	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr20	46268493	NM_001174088	3126	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr6	33037626	NM_033554	245	No	Yes	No	G	G	C	C	homo	het	het
No	chr8	29207872	NM_001394	396	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
Yes	chr17	37921742	NR_047559	2019	Yes	No	No	G	A	G	A	homo	homo	het
No	chr17	20903068	NM_015276	5058	Yes	No	No	G	G	T	G	homo	het	homo
No	chr20	4762736	NM_014737	3360	No	No	Yes	C	G	G	G	homo	het	homo
No	chr2	242082480	NM_001252124	101	No	Yes	No	T	G	T	G	homo	homo	het
No	chr1	64097432	NM_001172819	751	No	No	Yes	C	T	T	C	het	het	homo

No	chr11	840363	NM_021128	234	Yes	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr22	50720622	NM_012401	3201	No	No	Yes	G	A	A	G	het	het	homo
No	chrX	2632482	NM_002414	261	No	Yes	Yes	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr9	95005537	NM_013417	3218	Yes	No	No	T	T	G	T	homo	het	homo
No	chr11	6703334	NM_022061	648	Yes	Yes	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr3	124802677	NM_024628	2313	Yes	Yes	No	T	C	C	C	het	homo	homo
No	chr19	4910889	NM_001048201	160	Yes	No	No	G	G	T	G	homo	het	homo
No	chr1	171556165	NM_015172	8033	Yes	No	No	G	C	C	C	homo	het	homo
No	chr2	109301687	NM_001193483	2454	Yes	Yes	No	G	C	C	C	homo	het	het
No	chr6	7405508	NM_031480	1297	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr6	33036435	NM_033554	882	No	Yes	No	A	A	C	C	homo	het	het
No	chr12	62696599	NM_006313	321	Yes	No	No	C	T	T	T	homo	het	homo
No	chr13	111938511	NM_003899	1994	Yes	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr2	201437048	NM_001160046	2092	No	Yes	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr19	18685964	NM_001033930	505	No	No	Yes	G	G	T	G	homo	het	homo
No	chr19	11123738	NM_001128847	2388	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr19	39369369	NR_034146	1821	No	No	Yes	A	A	C	C	homo	homo	het
No	chr20	44691350	NM_020967	1483	No	No	Yes	A	C	A	C	homo	homo	het
No	chr10	71142420	NM_033498	1813	No	Yes	No	G	A	A	G	het	het	homo
No	chr5	96503523	NM_018343	1155	Yes	No	No	G	A	A	A	het	homo	het
No	chr5	179260213	NM_001142298	1044	Yes	No	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr10	97631492	NM_001164183	6940	No	Yes	No	T	A	T	A	homo	homo	het
Yes	chr7	99696797	NM_005916	941	Yes	No	Yes	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr15	70352968	NM_005078	1734	No	Yes	Yes	G	G	C	C	homo	homo	het
No	chr11	6625566	NM_004517	246	Yes	No	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr5	437586	NM_020731	4841	No	No	Yes	G	A	A	A	het	homo	het
No	chr14	105476853	NM_145701	984	Yes	Yes	No	G	A	A	A	het	homo	homo
No	chr7	28862379	NM_001011666	4640	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr14	24587639	NM_025230	1350	No	Yes	No	G	A	G	G	het	homo	homo
No	chr7	97922875	NM_018842	1757	No	No	Yes	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr1	146740502	NM_001256338	501	Yes	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr11	62334908	NM_001404	761	Yes	No	No	C	C	G	G	homo	het	het
No	chr8	27301725	NM_004103	2404	No	No	Yes	C	C	G	C	homo	het	homo
No	chr2	43451043	NM_006887	2191	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr19	10939792	NM_004945	2317	Yes	No	No	T	T	C	C	homo	het	het
Yes	chr8	27255080	NM_173176	219	Yes	Yes	No	A	A	G	G	homo	homo	het
No	chr20	47258763	NM_020820	3741	No	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr2	89185454	ENST00000390243.2	323	Yes	Yes	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr19	35837813	NM_001771	2841	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr22	36545137	NR_027835	315	Yes	No	Yes	T	A	A	A	het	homo	het
No	chr16	8941934	NM_000303	1063	No	No	Yes	C	A	A	A	het	homo	het
No	chr5	7878179	NM_002454	661	No	No	Yes	C	T	T	C	het	het	homo
No	chr1	16134072	NM_001089591	123	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	het	het
No	chr7	43664280	NM_004760	1235	No	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
Yes	chr1	33145742	NM_001135255	1870	Yes	Yes	Yes	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr1	46827728	NM_001256128	1592	Yes	No	No	A	A	C	A	homo	het	homo
No	chr6	32628022	NM_001243961	883	Yes	No	No	T	C	T	C	het	homo	het
No	chr22	44368122	NM_015380	526	No	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr1	1684169	NM_001198995	1530	No	No	Yes	G	C	C	G	het	het	homo
No	chr9	140006425	NM_013379	1137	No	No	Yes	G	C	C	C	het	het	homo
No	chr2	32800422	NM_016252	13478	Yes	No	Yes	C	G	C	G	het	homo	het
No	chr19	17430915	NM_024050	886	Yes	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr1	55319902	NM_014762	1155	No	Yes	No	T	C	C	C	het	het	homo
No	chr5	110456263	NM_139281	2259	No	No	Yes	C	G	C	G	het	homo	het
No	chr13	111938511	NM_001113513	1881	Yes	No	Yes	T	T	C	T	homo	het	homo
No	chr10	99126249	NM_001145114	3301	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
Yes	chr6	32546818	NM_001243965	918	Yes	Yes	No	G	G	A	A	homo	homo	het
No	chr20	46283383	NM_181659	5758	Yes	No	No	A	A	G	A	homo	het	homo
No	chr8	126091044	NM_014846	976	No	Yes	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr6	32412566	NM_019111	1023	No	No	Yes	T	A	T	A	het	homo	het
No	chr19	6415176	NM_003685	2213	No	No	Yes	G	A	G	A	het	homo	het
No	chr12	67706466	NM_018448	3986	Yes	No	No	G	A	A	A	homo	het	het
No	chr6	32627830	NM_001243961	1075	Yes	No	No	G	A	G	A	het	homo	het

Yes	chr14	50575821	NR_049739	1409	Yes	Yes	No	C	C	T	T	homo	homo	het
No	chr1	154556663	NM_001193495	4580	No	No	Yes	C	T	C	T	het	homo	het
No	chr1	33145742	NM_005610	1873	No	Yes	Yes	A	G	A	G	homo	homo	het
No	chr22	36863491	NM_012473	938	No	Yes	No	C	C	T	T	homo	het	het
No	chr20	4764629	NM_014737	1467	Yes	No	No	C	C	T	C	homo	het	homo
No	chr19	39369369	NM_012237	1898	No	No	Yes	A	A	C	C	homo	homo	het
No	chr9	139726239	NM_024718	800	No	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr8	80976814	NM_001025252	476	Yes	No	No	G	G	T	T	homo	het	het
No	chr1	55315941	ENST00000458389.1	132	Yes	No	Yes	C	A	C	A	het	homo	het
No	chr15	74328116	NM_033244	2462	Yes	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr5	127469859	NR_046207	1355	No	Yes	No	A	G	A	A	het	homo	homo
No	chr5	176929185	NM_001144875	2056	No	No	Yes	C	G	G	G	het	het	homo
No	chr1	28836046	NR_036473	988	Yes	No	No	C	T	C	C	het	homo	homo
No	chr1	43825644	NM_001255	533	No	No	Yes	T	T	C	C	homo	homo	het
No	chr7	150070663	NM_013400	2822	Yes	No	No	T	C	T	T	het	homo	homo
No	chr22	36537500	NR_027834	1205	Yes	No	No	T	T	A	A	homo	homo	het
No	chr9	139726239	NM_001173989	800	No	No	Yes	A	G	G	G	het	homo	het
No	chr19	49377319	NM_014330	1098	Yes	No	No	A	A	G	G	homo	het	het
No	chr19	10395683	NM_000201	1724	No	Yes	No	A	G	G	G	homo	het	het
No	chr4	1981256	NM_133331	5032	Yes	No	Yes	T	G	T	G	het	homo	het
No	chr10	11356160	NM_001025076	1249	No	Yes	No	C	T	C	T	homo	homo	het

Supplementary Table 4

RiboSNitches that overlap with eQTLs

SNPID	Chr	Position	Gene	Transcript	Base	eQTL SNPID	Type	eQTL Gene
rs2920	chr1	23884780	ID3	NM_002167	880	rs2920	eQTL	ENSG00000117318
rs1053627	chr1	46827728	NSUN4	NR_045790	1860	rs1053627	eQTL	NSUN4
rs11548267	chr1	150238699	APH1A	NM_016022	1366	rs11548267	eQTL	FAM72C
rs11556341	chr1	154245142	HAX1	NM_006118	104	rs11556341	eQTL	HAX1
rs2516839	chr1	161013121	USF1	NM_207005	140	rs2516839	eQTL	USF1
rs2175593	chr1	234529570	TARBP1	NM_005646	4257	rs2175593	eQTL	C1orf31
rs1051677	chr2	217070248	XRCC5	NM_021141	2662	rs1051677	eQTL	216779200
rs13848	chr2	240946766	NDUFA10	NM_004544	872	rs13848	eQTL	NDUFA10
rs1128416	chr2	29001691	PPP1CB	NM_206876	361	rs1128416	eQTL	FLJ20628
rs1049678	chr2	75882656	MRPL19	NM_014763	1149	rs1049678	eQTL	C2orf3
rs3731828	chr2	85806266	VAMP8	NM_003761	294	rs3731828	eQTL	VAMP8
rs1010	chr2	85808982	VAMP8	NM_003761	602	rs1010	eQTL	VAMP8
rs17851998	chr2	99804642	MRPL30	NM_145212	252	rs17851998	eQTL	LIPT1
rs1052637	chr2	118575215	DDX18	NM_006773	380	rs1052637	eQTL	DDX18
rs4685	chr2	198257795	SF3B1	NM_012433	3705	rs4685	eQTL	COQ10B
rs8539	chr2	198362018	HSPD1	NM_002156	410	rs8539	eQTL	PLCL1
rs3448	chr3	49396751	RHOA	NM_001664	1749	rs3448	eQTL	APEH
rs11542549	chr3	191075902	CCDC50	NM_178335	818	rs11542549	eQTL	CCDC50
rs1705805	chr3	3189279	TRNT1	NM_182916	1050	rs1705805	eQTL	TRNT1
rs7231	chr3	58413465	PDHB	NM_000925	1419	rs7231	eQTL	C21orf66
rs9851180	chr3	122259606	PARP9	NM_001146106	1804	rs9851180	eQTL	LOC131076
rs10856838	chr4	38777173	TLR10	NM_030956	677	rs10856838	eQTL	TLR10
rs11096956	chr4	38776180	TLR10	NM_001017388	1164	rs11096956	eQTL	TLR1
rs16872235	chr5	74037386	GM2	NM_032380	1202	rs16872235	eQTL	TINP1
rs27044	chr5	96118852	ERAP1	NM_001040458	2535	rs27044	eQTL	ERAP1
rs160632	chr5	96503523	RIOK2	NM_001159749	1155	rs160632	eQTL	ENSG00000058729
rs2610767	chr6	89322239	RNGTT	NM_003800	2213	rs2610767	eQTL	RNGTT
rs2073724	chr6	31129707	TCF19	NM_007109	1492	rs2073724	eQTL	HLA-C
rs1046089	chr6	31602967	PRRC2A	NM_080686	5468	rs1046089	eQTL	HLA-DRB5
rs3177928	chr6	32412435	HLA-DRA	NM_019111	892	rs3177928	eQTL	HLA-DRB1
rs7194	chr6	32412480	HLA-DRA	NM_019111	937	rs7194	eQTL	HLA-DRB5
rs7195	chr6	32412539	HLA-DRA	NM_019111	996	rs7195	eQTL	HLA.DRA
rs36217730	chr6	32546818	HLA-DRB1	NM_001243965	918	rs36217730	eQTL	HLA.DRB1
rs1063355	chr6	32627714	HLA-DQB1	NM_001243961	1191	rs1063355	eQTL	HLA.DQB1
rs36205479	chr6	32627807	HLA-DQB1	NM_001243961	1098	rs36205479	eQTL	HLA.DRB1
rs36205476	chr6	32627830	HLA-DQB1	NM_001243961	1075	rs36205476	eQTL	HLA.DQB1
rs1140347	chr6	32628022	HLA-DQB1	NM_001243961	883	rs1140347	eQTL	HLA.DQB1
rs36222414	chr6	32634350	HLA-DQB1	NM_001243961	117	rs36222414	eQTL	HLA.DQB1
rs1047985	chr6	32605216	HLA-DQA1	NM_002122	34	rs1047985	eQTL	HLA.DRB6
rs1047993	chr6	32605271	HLA-DQA1	NM_002122	89	rs1047993	eQTL	HLA.DRB3
rs1130034	chr6	32605274	HLA-DQA1	NM_002122	92	rs1130034	eQTL	HLA.DQB1
rs35882239	chr6	32522576	HLA-DRB6	NR_001298	631	rs35882239	eQTL	HLA.DRB1
rs201493562	chr6	32780724	HLA-DOB	NM_002120	1188	rs201493562	eQTL	HLA-DQA1
rs200187983	chr6	32975257	HLA-DOA	NM_002119	520	rs200187983	eQTL	HLA-DOA
rs1126723	chr6	33054331	HLA-DPB1	NM_002121	913	rs1126723	eQTL	HLA.DPB1
rs9277523	chr6	33054355	HLA-DPB1	NM_002121	937	rs9277523	eQTL	HLA.DPB1
rs8486	chr6	33032968	HLA-DPA1	NM_001242524	1150	rs8486	eQTL	HLA.DPB1
rs62447208	chr7	50470156	IKZF1	NM_001220773	2997	rs62447208	eQTL	IKZF1
rs11980379	chr7	50469981	IKZF1	NM_001220772	2561	rs11980379	eQTL	IKZF1
rs10949955	chr7	64437648	ZNF117	NM_015852	3586	rs10949955	eQTL	ERV3
rs1047998	chr7	102065651	PRKRIP1	NM_024653	703	rs1047998	eQTL	DNAJC2
rs1051764	chr7	150070663	REPIN1	NM_014374	2406	rs1051764	eQTL	RARRES2
rs11772955	chr7	150139639	LOC285972	NR_034033	179	rs11772955	eQTL	ENSG00000171115
rs804292	chr8	11643915	NEIL2	NM_001135746	1263	rs804292	eQTL	CTSB
rs1053088	chr8	66515783	ARMC1	NM_018120	1950	rs1053088	eQTL	ARMC1
rs9792	chr8	142205237	DENND3	NM_014957	4780	rs9792	eQTL	DENND3
rs1053000	chr10	3178881	PFKP	NM_002627	2541	rs1053000	eQTL	PITRM1
rs1053454	chr10	22826093	PIP4K2A	NM_005028	1506	rs1053454	eQTL	PIP5K2A
rs10786229	chr10	97447373	TCTN3	NM_015631	847	rs10786229	eQTL	ENTPD1

rs6541	chr11	252851	PSMD13	NM_175932	1630	rs6541	eQTL	LOC653486
rs6591	chr11	840363	POLR2L	NM_021128	234	rs6591	eQTL	ENSG00000177700
rs6735	chr11	8707233	RPL27A	NM_000990	693	rs6735	eQTL	RPL27A
rs1061093	chr11	62334908	EEF1G	NM_001404	761	rs1061093	eQTL	62091500
rs12808829	chr11	62378660	EML3	NM_153265	659	rs12808829	eQTL	EEF1G
rs2073800	chr11	65161129	FRMD8	NM_031904	531	rs2073800	eQTL	CAPN1
rs2245906	chr12	673788	NINJ2	NM_016533	736	rs2245906	eQTL	KDM5A
rs2753	chr12	49521672	TUBA1B	NM_006082	1646	rs2753	eQTL	K-ALPHA-1
rs12432539	chr14	35062312	SNX6	NM_021249	806	rs12432539	eQTL	PPP2R3C
rs8017642	chr14	75590822	NEK9	NM_033116	478	rs8017642	eQTL	EIF2B2
rs8702	chr14	104152352	KLC1	NM_005552	2387	rs8702	eQTL	ZFYVE21
rs1048166	chr15	42192040	EHD4	NM_139265	2492	rs1048166	eQTL	EHD4
rs1036938	chr15	79237247	CTSH	NM_004390	174	rs1036938	eQTL	CTSH
rs745829	chr16	12663277	SNX29	NM_032167	3295	rs745829	eQTL	LOC92017
rs246258	chr16	58579274	CNOT1	NM_016284	4461	rs246258	eQTL	CNOT1
rs9924686	chr16	30003076	TAOK2	NM_004783	4154	rs9924686	eQTL	TBC1D10B
rs11557674	chr16	57474687	CIAPIN1	NM_020313	325	rs11557674	eQTL	POLR2C
rs2240243	chr16	72137561	DHX38	NM_014003	2053	rs2240243	eQTL	DHX38
rs17699859	chr16	87788836	KLHDC4	NM_017566	435	rs17699859	eQTL	SLC7A5
rs2292954	chr16	89613123	SPG7	NM_003119	1528	rs2292954	eQTL	RPL13
rs907091	chr17	37921742	IKZF3	NM_001257414	1491	rs907091	eQTL	GSDML
rs3088040	chr17	76799860	USP36	NM_025090	2742	rs3088040	eQTL	USP36
rs1054378	chr17	7215536	EIF5A	NM_001143760	1010	rs1054378	eQTL	EIF5A
rs16942	chr17	41244000	BRCA1	NM_007300	3780	rs16942	eQTL	TMEM106A
rs11660414	chr18	34376565	TPGS2	NM_015476	1534	rs11660414	eQTL	C18orf10
rs2278161	chr18	72176083	CNDP2	NM_018235	635	rs2278161	eQTL	CNDP2
rs12488	chr19	1272040	CIRBP	NM_001280	641	rs12488	eQTL	C19orf24
rs2304240	chr19	10449392	ICAM3	NM_002162	364	rs2304240	eQTL	ICAM3
rs17626	chr19	39926521	RPS16	NM_001020	98	rs17626	eQTL	RPS16
rs735571	chr19	42463447	RABAC1	NM_006423	82	rs735571	eQTL	ENSG00000105404
rs2293012	chr19	49954807	PIH1D1	NM_017916	309	rs2293012	eQTL	BCAT2
rs6107027	chr20	25288632	ABHD12	NM_015600	1116	rs6107027	eQTL	ABHD12
rs235314	chr21	46271452	PTTG1IP	NM_004339	874	rs235314	eQTL	PTTG1IP
rs763121	chr22	38879940	DDX17	NM_001098504	4299	rs763121	eQTL	UNC84B
rs86796	chr22	38881454	DDX17	NM_001098504	2785	rs86796	eQTL	UNC84B
rs1043312	chr22	39131727	SUN2	NM_001199579	3056	rs1043312	eQTL	UNC84B
rs738535	chr22	43203137	ARFGAP3	NM_014570	1573	rs738535	eQTL	PACSLN2
rs1043879	chr1	25570081	C1orf63	NM_020317	968	rs1043879	GWAS	NA
rs9274407	chr6	32632832	HLA-DQB1	NM_001243961	204	rs9274407	GWAS	NA
rs1136001	chr16	15131974	NTAN1	NM_173474	852	rs1136001	GWAS	NA
rs3732235	chr2	71631109	ZNF638	NM_001252613	3262	rs2257136	link_eQTL	ZNF638
rs1048135	chr2	152139416	NMI	NM_004688	377	rs111730	link_eQTL	ENSG00000123609
rs3739038	chr2	238672703	LRRFIP1	NM_001137553	2471	rs3213868	link_eQTL	LRRFIP1
rs4778	chr5	112355668	DCP2	NM_001242377	7869	rs17372511	link_eQTL	DCP2
rs1045241	chr5	118729286	TNFAIP8	NM_001077654	961	rs3203922	link_eQTL	NA
rs2233311	chr5	150410219	TNIP1	NM_001252386	2035	rs8177834	link_eQTL	ENSG00000145901
rs4797	chr5	179260213	SQSTM1	NM_003900	1031	rs1065154	link_eQTL	SQSTM1
rs8955	chr6	7288297	SSR1	NM_003144	2849	rs1050226	link_eQTL	SSR1
rs11071	chr6	7288544	SSR1	NM_003144	2602	rs1050226	link_eQTL	SSR1
rs3780103	chr8	17819572	PCM1	NM_006197	2774	rs1057016	link_eQTL	ASAH1
rs1053087	chr8	66515865	ARMC1	NM_018120	1868	rs14213	link_eQTL	ARMC1
rs4148077	chr14	74759477	ABCD4	NM_005050	1062	rs2301345	link_eQTL	ABCD4
rs1048175	chr15	42191909	EHD4	NM_139265	2623	rs1048166	link_eQTL	EHD4
rs1138357	chr15	80263406	BCL2A1	NM_001114735	238	rs8026803	link_eQTL	BCL2A1
rs3803604	chr16	12665244	SNX29	NM_032167	5262	rs12927563	link_eQTL	LOC92017
rs1053739	chr17	43183108	NMT1	NM_021079	1610	rs1053733	link_eQTL	DCAKD
rs610308	chr19	49377319	PPP1R15A	NM_014330	1098	rs638050	link_eQTL	LIG1
rs13815	chr22	43529314	MCAT	NM_014507	739	rs2245947	link_eQTL	ENSG00000100294
rs1052067	chr1	156206121	PMF1-BGLA	NM_001199664	232	rs1052067	eQTL	C1orf85
rs2774279	chr1	161017556	ARHGAP30	NM_001025598	3601	rs2774279	eQTL	USF1
rs2241801	chr2	105924510	TGFBRAP1	NM_001142621	330	rs2241801	eQTL	TGFBRAP1
rs3739123	chr2	131131424	PTPN18	NM_014369	2111	rs3739123	eQTL	IMP4
rs11797	chr3	48508585	TREX1	NM_016381	1357	rs11797	eQTL	PLXNB1

rs1063603	chr3	88101551	CGGBP1	NM_003663	3986	rs1063603	eQTL	CGGBP1
rs13403	chr3	160152299	SMC4	NM_005496	4837	rs13403	eQTL	ENSG00000113810
rs8488	chr5	102538752	PPIP5K2	NM_015216	5123	rs8488	eQTL	PAM
rs2270812	chr5	157164962	THG1L	NM_017872	821	rs2270812	eQTL	ICF45
rs9460113	chr6	170627651	FAM120B	NM_032448	1281	rs9460113	eQTL	FAM120B
rs3132453	chr6	31604044	PRRC2A	NM_080686	5932	rs3132453	eQTL	HLA-C
rs3135391	chr6	32410987	HLA-DRA	NM_019111	463	rs3135391	eQTL	HLA.DRB5
rs36205180	chr6	32627882	HLA-DQB1	NM_001243961	1023	rs36205180	eQTL	HLA.DRB1
rs1042502	chr6	33054400	HLA-DPB1	NM_002121	982	rs1042502	eQTL	HLA.DPB1
rs1042908	chr6	33032861	HLA-DPA1	NM_001242524	1257	rs1042908	eQTL	HLA.DPB1
rs1042901	chr6	33032865	HLA-DPA1	NM_001242524	1253	rs1042901	eQTL	HLA.DPB1
rs1126769	chr6	33036435	HLA-DPA1	NM_001242524	973	rs1126769	eQTL	HLA.DPB1
rs1042434	chr6	33036505	HLA-DPA1	NM_001242524	903	rs1042434	eQTL	HLA.DPB1
rs1042308	chr6	33036853	HLA-DPA1	NM_001242524	769	rs1042308	eQTL	HLA.DPB1
rs1059288	chr6	33267672	TAPBP	NM_172209	3297	rs1059288	eQTL	TAPBP
rs463260	chr6	33256984	WDR46	NM_001164267	321	rs463260	eQTL	TAPBP
rs1130635	chr9	139317869	PMPCA	NM_015160	1736	rs1130635	eQTL	SDCCAG3
rs1935815	chr10	97631492	ENTPD1	NM_001164179	7086	rs1935815	eQTL	ENTPD1
rs2863095	chr10	102746503	MRPL43	NM_032112	540	rs2863095	eQTL	SEMA4G
rs360136	chr11	9773517	SWAP70	NM_015055	3857	rs360136	eQTL	SWAP70
rs17702	chr11	61213920	SDHAF2	NM_017841	900	rs17702	eQTL	CPSF7
rs4930427	chr11	67200819	RPS6KB2	NM_003952	889	rs4930427	eQTL	RPS6KB2
rs1064951	chr12	121878659	KDM2B	NM_001005366	3770	rs1064951	eQTL	VPS33A
rs1055472	chr12	125510104	BRI3BP	NM_080626	1027	rs1055472	eQTL	BRI3BP
rs8786	chr14	23240328	OXA1L	NM_005015	1221	rs8786	eQTL	ENSG00000155463
rs3825584	chr14	24587639	DCAF11	NM_001163484	900	rs3825584	eQTL	C14orf122
rs7012	chr14	102814945	CINP	NM_001177611	722	rs7012	eQTL	C14orf131
rs7011	chr14	102815042	CINP	NM_001177611	625	rs7011	eQTL	C14orf131
rs17802279	chr15	65108504	PIF1	NM_025049	1985	rs17802279	eQTL	ANKDD1A
rs7220988	chr17	44109474	KANSL1	NM_015443	3202	rs7220988	eQTL	FALZ
rs2230326	chr17	40280291	RAB5C	NM_001252039	885	rs2230326	eQTL	LGP2
rs3764509	chr18	72167124	CNDP2	NM_018235	175	rs3764509	eQTL	70318100
rs7000	chr20	62522466	TPD52L2	NM_001243891	1852	rs7000	eQTL	TPD52L2
rs737953	chr22	30987861	PES1	NM_001243225	67	rs737953	eQTL	ENSG00000100029
rs5498	chr19	10395683	ICAM1	NM_000201	1724	rs5498	GWAS	NA
rs1130319	chr2	3502055	ADI1	NM_018269	1311	rs1130333	link_eQTL	ADI1
rs4129009	chr4	38774889	TLR10	NM_030956	2961	rs4274855	link_eQTL	TLR1
rs1059110	chr5	138266546	CTNNA1	NM_001903	2315	rs17031	link_eQTL	CTNNA1
rs2073722	chr6	31129642	TCF19	NM_007109	1427	rs2073721	link_eQTL	HLA-C
rs2303772	chr16	87795580	KLHDC4	NM_017566	268	rs17699859	link_eQTL	SLC7A5
rs20559	chr1	183099560	LAMC1	NM_002293	3619	rs20559	eQTL	LAMC1
rs2230659	chr1	46078884	NASP	NM_001195193	1437	rs2230659	eQTL	IPP
rs1799821	chr1	53676448	CPT2	NM_000098	1617	rs1799821	eQTL	C1orf123
rs1127311	chr1	154556663	ADAR	NM_015841	4407	rs1127311	eQTL	UBAP2L
rs518721	chr1	160723517	SLAMF7	NM_021181	1573	rs518721	eQTL	SLAMF7
rs15129	chr2	242168976	HDLBP	NM_005336	4080	rs15129	eQTL	STK25
rs2304545	chr2	209212707	PIKFYVE	NM_015040	5492	rs2304545	eQTL	PIKFYVE
rs17350005	chr2	3504687	ADI1	NM_018269	410	rs17350005	eQTL	ENSG00000182551
rs8207	chr2	170493863	PPIG	NM_004792	2315	rs8207	eQTL	PPIG
rs10272	chr3	150260853	SERP1	NM_014445	2099	rs10272	eQTL	SELT
rs778593	chr5	140027216	NDUFA2	NM_002488	155	rs778593	eQTL	WDR55
rs9606	chr6	5109592	LYRM4	NM_001164841	672	rs9606	eQTL	LYRM4
rs1419881	chr6	31130593	TCF19	NM_007109	1907	rs1419881	eQTL	TCF19
rs11229	chr6	31603770	PRRC2A	NM_080686	5817	rs11229	eQTL	MICA
rs1049219	chr6	32627763	HLA-DQB1	NM_001243961	1142	rs1049219	eQTL	HLA.DRB1
rs75643968	chr6	32629802	HLA-DQB1	NM_001243961	685	rs75643968	eQTL	HLA.DQB1
rs1071630	chr6	32609126	HLA-DQA1	NM_002122	175	rs1071630	eQTL	HLA.DQB1
rs1142323	chr6	32609192	HLA-DQA1	NM_002122	241	rs1142323	eQTL	HLA.DRB3
rs1142324	chr6	32609207	HLA-DQA1	NM_002122	256	rs1142324	eQTL	HLA.DQB1
rs1130158	chr6	32610972	HLA-DQA1	NM_002122	1085	rs1130158	eQTL	HLA.DQB1
rs1042187	chr6	33052768	HLA-DPB1	NM_002121	522	rs1042187	eQTL	HLA.DPB1
rs754555	chr7	24758753	DFNA5	NM_004403	822	rs754555	eQTL	DFNA5
rs1044141	chr7	43664280	STK17A	NM_004760	1235	rs1044141	eQTL	C7orf44

rs1044039	chr7	43678997	COA1	NM_018224	776	rs1044039	eQTL	C7orf44
rs13008	chr7	97922875	BAIAP2L1	NM_018842	1757	rs13008	eQTL	DKFZP434B0335
rs11999525	chr9	139371342	SEC16A	NM_014866	1035	rs11999525	eQTL	INPP5E
rs8341	chr10	22825133	PIP4K2A	NM_005028	2466	rs8341	eQTL	PIP5K2A
rs917634	chr12	6631169	NCAPD2	NM_014865	1966	rs917634	eQTL	NCAPD2
rs1131476	chr12	113357209	OAS1	NM_016816	1160	rs1131476	eQTL	OAS1
rs2230342	chr13	99948178	GPR183	NM_004951	396	rs2230342	eQTL	ENSG00000169508
rs3742771	chr14	75599647	TMED10	NM_006827	2668	rs3742771	eQTL	EIF2B2
rs34758599	chr15	64706332	TRIP4	NM_016213	1152	rs34758599	eQTL	PIF1
rs17223484	chr16	12663424	SNX29	NM_032167	3442	rs17223484	eQTL	LOC92017
rs12149722	chr16	2049849	ZNF598	NM_178167	1716	rs12149722	eQTL	SYNGR3
rs35586	chr16	23677006	DCTN5	NM_032486	585	rs35586	eQTL	DCTN5
rs12051648	chr17	27009749	SUPT6H	NM_003170	1692	rs12051648	eQTL	ERAL1
rs9207	chr17	61823899	CCDC47	NM_020198	2130	rs9207	eQTL	FTSJ3
rs2584625	chr17	61903445	FTSJ3	NM_017647	917	rs2584625	eQTL	FTSJ3
rs880090	chr19	19740729	GMIP	NM_016573	3073	rs880090	eQTL	EDG4
rs13394	chr19	49950298	PIH1D1	NM_017916	954	rs13394	eQTL	BCAT2
rs20552	chr22	41551039	EP300	NM_001429	3578	rs20552	eQTL	L3MBTL2
rs11541855	chr17	7217463	RP11-542C1	ENST00000575474.1	1825	rs11541855	eQTL	EIF5AL1
rs1133503	chr6	96054588	MANEA	NM_024641	1876	rs7755854	link_eQTL	96132000
rs7853346	chr9	33676094	PTENP1	NR_023917	1325	rs7849845	link_eQTL	DCTN3
rs913275	chr9	131910644	PPP2R4	NM_021131	2086	rs4713	link_eQTL	CRAT
rs3826007	chr15	80263217	BCL2A1	NM_001114735	427	rs8026803	link_eQTL	BCL2A1
rs4890009	chr17	78311508	RNF213	NM_001256071	4800	rs8082521	link_eQTL	C17orf27
rs1566286	chr17	71238433	C17orf80	NM_017941	1758	rs745143	link_eQTL	COG1

Supplementary Table 5. List of diseases and phenotypes associated with RiboSNitches

No	FDR	Gene	Transcript	SNPID	Associated SNPID	Phenotype
1	0.000	SGSM2	NM_014853	rs2248821	rs4790333	Fasting proinsulin levels
2	0.000	ZC3H4	NM_015168	rs7250850	rs3810291	Body mass index
3	0.000	TARBP1	NM_005646	rs4920246	rs10489896	Cognitive test performance
4	0.000	THUMPD2	NR_028102	rs8265	rs2540226	Personality dimensions
5	0.000	PNPT1	NM_033109	rs2627765	rs782590	Metabolic syndrome
6	0.000	ZNF668	NM_001172670	rs2303223	rs9923231	Warfarin responsiveness for Japanese
7	0.000	SAMM50	NM_015380	rs3761472	rs12483959	Metabolite levels in Koreans
8	0.007	IFI30	NM_006332	rs11554159	rs874628	Multiple sclerosis
9	0.017	SUZ12	NM_015355	rs537166	rs17780086	Height
10	0.026	IL2RB	NM_000878	rs228953	rs2284033	Asthma
11	0.029	GAK	NM_005255	rs2279181	rs11248060	Parkinson's disease
12	0.036	IRF4	NM_001195286	rs9391997	rs872071	Chronic lymphocytic leukemia
13	0.040	HNRNPK	NM_031262	rs296888	rs7853377	Height
14	0.042	IRF4	NM_001195286	rs1050976	rs872071	Chronic lymphocytic leukemia
15	0.043	SYK	NM_001135052	rs2306042	rs10993738	Type 2 diabetes in Japanese populations
16	0.049	TRAF1	NM_005658	rs9886724	rs3761847	Rheumatoid arthritis
17	0.068	CD53	NM_001040033	rs1494324	rs2885805	Cytomegalovirus antibody response
18	0.071	SLC25A11	NM_003562	rs1060431	rs6065	Platelet counts
19	0.074	PLEK	NM_002664	rs3816281	rs17035378	Celiac disease
20	0.079	MPHOSP9	NM_022782	rs1051431	rs7980687	Head circumference (infant)
21	0.096	TCF19	NM_007109	rs2073722	rs3130501	Stevens-Johnson syndrome and toxic epidermal necrolysis
22	0.096	DHCR7	NM_001163817	rs1044482	rs12785878	Vitamin D insufficiency

Supplementary Table 6

Description of genomic features

No.	Genomic Feature	Type	Description / source
1	GC-50-Low	Binary	GC% < 0.3 in the flanking 50bp of the SNP
2	GC-50-MedLow	Binary	0.3 < GC% < 0.5 in the flanking 50bp of the SNP
3	GC-50-MedHigh	Binary	0.5 < GC% < 0.7 in the flanking 50bp of the SNP
4	GC-50-High	Binary	GC% > 0.7 in the flanking 50bp of the SNP
5	GC-100-Low	Binary	GC% < 0.3 in the flanking 100bp of the SNP
6	GC-100-MedLow	Binary	0.3 < GC% < 0.5 in the flanking 100bp of the SNP
7	GC-100-MedHigh	Binary	0.5 < GC% < 0.7 in the flanking 100bp of the SNP
8	GC-100-High	Binary	GC% > 0.7 in the flanking 100bp of the SNP
9	Histone-H3K4me1	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
10	Histone-H3K4me2	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
11	Histone-H3K4me3	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
12	Histone-H3K9me1	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
13	Histone-H3K9me2	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
14	Histone-H3K9me3	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
15	Histone-H3K27me1	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
16	Histone-H3K27me2	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
17	Histone-H3K27me3	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
18	Histone-H3K36me1	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
19	Histone-H3K36me3	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
20	Histone-H3K79me1	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
21	Histone-H3K79me2	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
22	Histone-H3K79me3	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
23	Histone-H3R2me1	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
24	Histone-H3R2me2	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
25	Histone-H4K20me1	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
26	Histone-H4K20me3	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
27	Histone-H4R3me2	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
28	Histone-H2BK5me1	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
29	Histone-H2AZ	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
30	PoII	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
31	CTCF	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
32	HistoneAcetyl-H2AK5ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
33	HistoneAcetyl-H2AK9ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
34	HistoneAcetyl-H2BK120ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
35	HistoneAcetyl-H2BK12ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
36	HistoneAcetyl-H2BK20ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
37	HistoneAcetyl-H2BK5ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
38	HistoneAcetyl-H3K14ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
39	HistoneAcetyl-H3K18ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
40	HistoneAcetyl-H3K23ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
41	HistoneAcetyl-H3K27ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
42	HistoneAcetyl-H3K36ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
43	HistoneAcetyl-H3K4ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
44	HistoneAcetyl-H3K9ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
45	HistoneAcetyl-H4K12ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
46	HistoneAcetyl-H4K16ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
47	HistoneAcetyl-H4K5ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
48	HistoneAcetyl-H4K8ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
49	HistoneAcetyl-H4K91ac	Cont.	Different Histone markers, taken from http://dir.nhlbi.nih.gov/papers/lmi/epigenomes/hgtcell.aspx
50	1_Active_Promoter	Binary	Encode track from the paper by Ernst and Kellis: doi:10.1038/nbt.1662
51	2_Weak_Promoter	Binary	Encode track from the paper by Ernst and Kellis: doi:10.1038/nbt.1662
52	3_Poised_Promoter	Binary	Encode track from the paper by Ernst and Kellis: doi:10.1038/nbt.1662
53	4_Strong_Enhancer	Binary	Encode track from the paper by Ernst and Kellis: doi:10.1038/nbt.1662
54	5_Strong_Enhancer	Binary	Encode track from the paper by Ernst and Kellis: doi:10.1038/nbt.1662
55	6_Weak_Enhancer	Binary	Encode track from the paper by Ernst and Kellis: doi:10.1038/nbt.1662
56	7_Weak_Enhancer	Binary	Encode track from the paper by Ernst and Kellis: doi:10.1038/nbt.1662
57	8_Insulator	Binary	Encode track from the paper by Ernst and Kellis: doi:10.1038/nbt.1662
58	9_Txn_Transition	Binary	Encode track from the paper by Ernst and Kellis: doi:10.1038/nbt.1662
59	10_Txn_Elongation	Binary	Encode track from the paper by Ernst and Kellis: doi:10.1038/nbt.1662

60	11_Weak_Txn	Binary	Encode track from the paper by Ernst and Kellis: doi:10.1038/nbt.1662
61	12_Repressed	Binary	Encode track from the paper by Ernst and Kellis: doi:10.1038/nbt.1662
62	13_Heterochrom_Lo	Binary	Encode track from the paper by Ernst and Kellis: doi:10.1038/nbt.1662
63	14_Repetitive_CNV	Binary	Encode track from the paper by Ernst and Kellis: doi:10.1038/nbt.1662
64	15_Repetitive_CNV	Binary	Encode track from the paper by Ernst and Kellis: doi:10.1038/nbt.1662
65	CONS-1-Low	Binary	UCSC conservation track, conservation < 0.1
66	CONS-1-MedLow	Binary	UCSC conservation track, 0.1 < conservation < 0.3
67	CONS-1-MedHigh	Binary	UCSC conservation track, 0.3 < conservation < 0.6
68	CONS-1-High	Binary	UCSC conservation track, conservation > 0.6
69	CONS-10-Low	Binary	UCSC conservation track, average conservation in 10 flanking bp < 0.1
70	CONS-10-MedLow	Binary	UCSC conservation track, 0.1 < average conservation in 10 flanking bp < 0.3
71	CONS-10-MedHigh	Binary	UCSC conservation track, 0.3 < average conservation in 10 flanking bp < 0.6
72	CONS-10-High	Binary	UCSC conservation track, average conservation in 10 flanking bp > 0.6
73	MIRNA_TS	Binary	SNP located in microRNA target site by TargetScan prediction (http://www.targetscan.org/)
74	MIRNA_PITA	Binary	SNP located in microRNA target site by PITA prediction (http://genie.weizmann.ac.il/pubs/mir07/mir07_prediction.html)
75	CPG	Binary	UCSC CpG Island track
76	CHROMATIN_AVG	Cont.	Average nucleosome occupancy predicted using model (http://genie.weizmann.ac.il/software/nucleo_prediction.html)
77	REG_POTEN	Cont.	UCSC regulatory potential track
78	ENCODE_TFBS_CLUSTERED	Binary	Encode track for Clustered transcription factor binding sites
79	TFBS_CENT	Binary	transcription factor binding sites from http://centipede.uchicago.edu/
80	MethylSeq_Gm12878	Binary	Methylation status, taken from ENCODE, Hudson Alpha GM12878/91/92
81	MethylSeq_Gm12891	Binary	Methylation status, taken from ENCODE, Hudson Alpha GM12878/91/92
82	MethylSeq_Gm12892	Binary	Methylation status, taken from ENCODE, Hudson Alpha GM12878/91/92
83	ChipSeq_Ctcf	Cont.	Broad ChipSeq, taken from ENCODE
84	ChipSeq_H3k27ac	Cont.	Broad ChipSeq, taken from ENCODE
85	ChipSeq_H3k27me3	Cont.	Broad ChipSeq, taken from ENCODE
86	ChipSeq_H3k36me3	Cont.	Broad ChipSeq, taken from ENCODE
87	ChipSeq_H3k4me1	Cont.	Broad ChipSeq, taken from ENCODE
88	ChipSeq_H3k4me2	Cont.	Broad ChipSeq, taken from ENCODE
89	ChipSeq_H3k4me3	Cont.	Broad ChipSeq, taken from ENCODE
90	ChipSeq_H3k9ac	Cont.	Broad ChipSeq, taken from ENCODE
91	ChipSeq_H4k20me1	Cont.	Broad ChipSeq, taken from ENCODE