

Peptide Sequence	Isoforms	14T/15WT TEV	15T/14WT TEV	14T/15WT UP	15T/14WT UP	14T/15W T Mic	15T/14WT Mic
K.AAHLVDSTNQ*VGHFQK.V	1,2,3	6.74	--	--	--	--	--
K.AAHLVDSTNQVGHFQK.V	1,2,3	10.83 (13)	0.059 (6)	0.65 (4)	1.71 (5)	--	7.73
K.ADGFAGVFPEHK.Y	all	8.99 (5)	--	--	--	--	--
K.ADGFAGVFPEHKYEIVK.R	(5,6,11)	1.43	--	0.60 (4)	1.7 (6)	0.49	1.37 (2)
K.ADIGIAVADATDAAR.S	(5,6,7)	8.03 (12)	0.06 (4)	0.59 (6)	2.07 (6)	--	1.38
K.AITTESIDLENVPVEEVFQHLK.C	7	--	--	--	--	--	0.98 (2)
K.AWASLFDNR.T	1	12.77 (7)	--	1.48 (2)	1.09	--	--
K.AWLNLFENK.T	2	--	--	--	8.79	--	--
K.DANLASIPVEELIEK.A	2	--	--	--	16.07 (2)	--	4.24
K.DYGIGEREAQWAQQR.T	1	8.50 (3)	--	2.8 (2)	--	--	--
K.EDVNIFPEK.G	1	14.26 (5)	--	--	--	--	--
K.EDVNIFPEKGSYR.E	1	4.1	--	1.09 (2)	0.85 (2)	--	--
K.EQQNAFYEILHLPNLNEEQR.N	TAP tag	--	--	6.01 (3)	--	2.8	--
K.ESPGAPWEFVGLLPLFDPPR.H	2	--	--	--	3.14 (4)	--	2.43
K.ESPGAPWEFVGLLPLFDPPRHDSAETIR.R	2	--	--	--	1.84	--	--
K.ESPGGPWEFVGLLPLFDPPR.H	1	5.58 (15)	--	1.25 (7)	1.04 (5)	--	0.95
K.ESPGGPWEFVGLLPLFDPPRHDSAETIR.R	1	2.62	--	1.11 (6)	--	--	--
K.ETVDLEN*VPIEEVFESLR.C	11	--	--	--	0.69	--	--
K.ETVDLENVPIEEVFESLR.C	11	1.5 (5)	--	1.08	0.72	0.59	0.73
K.FNKEQQNAFYEILHLPNLNEEQR.N	TAP tag	--	--	2.19	--	--	--
K.GAPEQILDLAN*ARPDLR.K	1	1.42 (2)	--	--	--	--	--
K.GAPEQILDLANARPDLR.K	1	19.90 (19)	0.035 (2)	0.76 (11)	0.61 (9)	1.20 (3)	0.825 (2)
K.GAPEQILDLANARPDLRK.K	1	3.63 (2)	--	1.13 (4)	0.75 (2)	--	--
K.GAPEQILDLCNAR.A	3	--	--	0.77	--	--	--
K.GAPEQILELAK.A	2	--	3.79 (4)	--	40.17 (3)	--	8.51
K.GAPEQILNLAHNR.A	11	1.21 (4)	--	1.07	0.81	--	--

Peptide Sequence	Isoforms	14T/15WT TEV	15T/14WT TEV	14T/15WT UP	15T/14WT UP	14T/15W T Mic	15T/14WT Mic
K.GAPEQILNLAHNRAEIER.R	11	0.12	--	--	--	--	--
K.GLDIDTAGHHYTV.-	1	7.87 (7)	--	1.8	1.06	--	--
K.GSYRELSEIAEQAK.R	1,2	2.53 (3)	0.54 (2)	1.56	--	--	--
K.GVDADTVVLM#AAQASR.L	11	--	--	1.08 (3)	0.84 (2)	0.94	--
K.GVEKDQVLLFAAM#ASR.V	1,2	1.72 (3)	--	0.55 (9)	2.23 (7)	--	1.03
K.GVEKDQVLLFAAMASR.V	1,2	4.66 (14)	0.15	1.19 (4)	1.22 (2)	--	--
K.HICGMTGDGVNDAPALKK.A	(1,2,6,10)	--	--	1.18	--	--	--
K.HIVGM#TGDGVNDAPALK.K	1,2,6,10	6.13 (4)	--	0.52 (3)	2.35 (2)	--	--
K.HIVGM#TGDGVNDAPALKK.A	1,2,6,10	4.29	--	0.51	2.34	--	--
K.HIVGMTGDGVN*DAPALKK.A	1,2,6,10	4.22	--	--	--	--	--
K.HIVGMTGDGVNDAPALK.K	1,2,6,10	4.02 (6)	--	0.58 (2)	1.81 (2)	--	--
K.HIVGMTGDGVNDAPALKK.A	1,2,6,10	5.01 (4)	--	0.54 (2)	1.76	--	--
K.HPGQEVFSGSTCK.Q	1,2	--	--	--	1.01 (2)	--	--
K.IDQSSLTGESIPVTK.N	5	2.97 (2)	--	0.49	--	--	--
K.IPIEEVFQQLK.C	1,2,3	4.62 (8)	--	0.56 (3)	1.27 (3)	--	--
K.ISSSGALGGGGSSSSTLEDIKN*ETVDLEK.I	TAP tag	--	--	0.45	1.99	--	--
K.ISSSGALGGGGSSSSTLEDIKNETVDLEK.I	TAP tag	4.99 (6)	--	3.55	--	--	--
K.KADIGIADATDAAR.S	(5,6,7,9)	3.43 (34)	0.14	0.56 (8)	1.62 (8)	0.5	2.13
K.LGDIIIPADAR.L	(4,6,8,9,11)	9.94 (12)	0.08 (2)	0.54 (2)	2.19 (3)	--	--
K.LGDIVPADAR.L	4,6,8,11	1.13 (4)	--	--	--	--	--
K.LKGLDIDTAGHHYTV.-	1	5.95 (5)	--	1.04 (2)	--	--	--
K.LSVDKNLVEVFCK.G	1,2	5.7 (7)	0.06	0.60 (4)	2.87 (5)	--	1.34
K.LTVDKNLIEVFTK.G	11	3.15 (3)	--	1.15 (2)	0.97 (2)	--	--
K.M#ITGDQLAIGK.E	(3,7,8,10)	1.60 (4)	--	--	--	--	--
K.M#ITGDQLAIGKETGR.R	(3,7,8,10)	2.5	--	--	1.62	--	--
K.MITGDQLAIGK.E	(3,7,8,10)	9.24 (7)	--	--	1.68	--	1.33

Peptide Sequence	Isoforms	14T/15WT TEV	15T/14WT TEV	14T/15WT UP	15T/14WT UP	14T/15W T Mic	15T/14WT Mic
K.MITGDQLAIGKETGR.R	(3,7,8,10)	3.83 (4)	--	--	--	--	--
K.NETVDLEKIPIEEVFQQLK.C	1,2	1.17 (4)	--	--	--	--	--
K.NLVEVFCK.G	1,2,3	3.54 (5)	--	--	--	--	--
K.Q*GEIEAVVIATGVHTFFGK.A	(5,9,10,11)	--	--	0.22	1.15 (2)	--	--
K.QGEIEAVVIATGVHTFFGK.A	(5,9,10,11)	2.20 (11)	0.39 (4)	0.28 (15)	1.90 (36)	--	1.72
K.SNFIAVSAANR.F	TAP tag	11.25 (7)	--	5.87	--	--	--
K.TAALAQ*HDDVGSTSM#ESSR.W	TAP tag	2.74	--	--	--	--	--
K.TAALAQHDDVGSTSM#ESSR.W	TAP tag	59.66 (7)	--	27.33 (3)	--	--	--
K.TAALAQHDDVGSTSMESSR.W	TAP tag	114.19 (17)	--	12.32 (2)	--	--	--
K.TDFFSDTFGVR.S	2	--	--	--	25.83	--	--
K.TKESPGAPWEFVGLLPLFDPPR.H	2	--	--	--	2.88	--	--
K.TKESPGPWEFVGLLPLFDPPR.H	1	3.45 (3)	--	1.19	0.93	--	--
K.VDQSALTGESLPVTK.H	1,2	6.75 (8)	0.05 (3)	0.48 (2)	1.45 (2)	0.53	1.95
K.VLSCIDKYAER.G	1	10.52 (14)	--	1.09 (2)	0.86 (2)	--	--
K.VLSIIDKYAER.G	2	--	--	--	21.38 (6)	--	--
K.WSEQEAAILVPGDIVSIK.L	1,2	11.44 (10)	0.04 (3)	0.49 (5)	1.81 (7)	0.45	2
K.WSEQEAAILVPGDIVSIKLGDIIPADAR.L	1,2	3.44 (2)	--	--	--	--	--
K.WSEQEASILVPGDIVSIK.L	3, At4g11730	--	--	0.46	--	--	--
K.YRDGIDN*LLVLLIGGIPIAM#PTVLSVTM#AIGSHR.L	1,2,6,8,9	--	--	--	2.2	--	--
K.YRDGIDNLLVLLIGGIPIAM#PTVLSVTM#AIGSHR.L	1,2,6,8,9	--	--	0.47 (6)	1.83 (8)	--	--
K.YRDGIDNLLVLLIGGIPIAMPTVLSVTM#AIGSHR.L	1,2,6,8,9	--	--	--	1.04	--	--
R.ALNLGVNVK.M	1,2,5,11	15.63 (10)	--	0.62 (2)	1.77 (2)	--	2.12
R.AN*CLDLIQEPAGK.S	4,11	--	--	--	--	2.49	--
R.AWDLVIEQR.V	4,11	1.47 (2)	--	--	--	--	--
R.AYRPGIDNLLVLLIGGIPIAM#PTVLSVTM#AIGSHR.L	4,11	--	--	0.79	--	--	--
R.DGIDNLLVLLIGGIPIAM#PTVLSVTM#AIGSHR.L	1,2,6,8,9	--	--	0.55 (4)	1.87 (2)	--	--

Peptide Sequence	Isoforms	14T/15WT TEV	15T/14WT TEV	14T/15WT UP	15T/14WT UP	14T/15W T Mic	15T/14WT Mic
R.DGIDNLLVLLIGGIPIAM#PTVLSVTMAIGSHR.L	1,2,6,8,9	--	--	0.5	--	--	--
R.DGIDNLLVLLIGGIPIAMPTVLSVTM#AIGSHR.L	1,2,6,8,9	--	--	0.66	1.03	0.38	--
R.DGKWSEQEAAILVPGDIVSIK.L	1,2	4.52 (5)	--	0.48 (6)	2.17 (7)	--	--
R.DGKWSEQEASILVPGDIVSIK.L	3, At4g11730	--	--	0.50 (4)	1.08 (4)	--	--
R.EAQWAQAQR.T	1,9	--	--	--	1.11	--	--
R.EGLTTQEGEDR.I	1,2	--	--	0.92 (3)	1.66 (3)	--	--
R.EGLTTQEGEDRIQIFGPNK.L	2	--	--	--	3.75 (2)	--	--
R.EGLTTQEGEDRIVIFGPNK.L	1	--	--	0.77	--	--	--
R.ELSEIAEQAK.R	1,2	4.87 (2)	--	--	2.25	--	--
R.ELSEIAEQAKR.R	1,2	4.06 (5)	--	--	0.55 (3)	--	--
R.EVHFLPFNPDKR.T	4,11	2.58 (2)	--	1.04 (3)	0.69 (2)	--	--
R.EVHFLPFNPVDK.R	4,11	4.88 (2)	--	--	--	--	--
R.EVHFLPFNPVDK.R.T	4,11	12.13 (11)	0.045 (2)	0.53 (9)	2.10 (9)	--	--
R.GASDIVLTEPGLSVIISAVLTSR.A	1,2,3,5,7	1.81 (33)	--	0.57 (81)	1.01 (151)	--	0.85 (3)
R.GGYRELSEIANQAK.R	3	--	--	0.84 (2)	--	--	--
R.IENQDAIDAAIVGMLADPK.E	5	1.04 (4)	--	0.79 (2)	0.73 (2)	--	--
R.IQIFGPNKLEEK.K	2	--	--	0.77	6.52 (2)	--	--
R.IVIFGPNKLEEK.K	1	17.39 (6)	--	1.41 (2)	1.02	--	--
R.KHICGM#TGDGVNDAPALK.K	(1,2,5,6,10)	--	--	--	1.19	--	--
R.KHICGMTGDGVNDAPALK.K	(1,2,5,6,10)	1.25	--	1.16 (2)	1.11	--	--
R.KHIVGM#TGDGVNDAPALK.K	1,2,6	6.14 (4)	--	0.49 (3)	1.91 (4)	--	--
R.KHIVGMTGDGVNDAPALK.K	1,2,6	6.01 (11)	--	0.65 (5)	1.87 (4)	--	--
R.LENQDAIDTAIVSMLSDPK.E	7	--	--	--	1.03	--	--
R.LGM#GTN*M#YPSAALLGTDKDSN*IASIPVEELIEK.A	1	--	--	--	0.43	--	--
R.LGM#GTN*M#YPSSALLGQVK.D	5	--	--	--	12.82	--	--
R.LGM#GTN*MYPSAALLGTDKDSNIASIPVEELIEK.A	1	--	--	--	0.76	--	--
R.LGM#GTNM#YPSAALLGTDKDSN*IASIPVEELIEK.A	1	--	--	1.2	0.67	--	--

Peptide Sequence	Isoforms	14T/15WT TEV	15T/14WT TEV	14T/15WT UP	15T/14WT UP	14T/15W T Mic	15T/14WT Mic
R.LGM#GTNM#YPSAALLGTDKDSNIASIPVEELIEK.A	1	--	--	1.28 (4)	0.73 (4)	1.27 (2)	0.76
R.LGM#GTNMYPSAALLGTDKDSNIASIPVEELIEK.A	1	1.89 (2)	--	1.14 (3)	0.84	--	0.91
R.LGM#GTNMYPSSALLGQ*DK.D	9	--	--	--	--	1.48	--
R.LGMGSNMYPSSLLGK.H	3	--	--	0.63	0.94	--	--
R.LGMGTN*M#YPSSALLGTHKDANLASIPVEELIEK.A	1	14.12	--	--	--	--	--
R.LGMGTN*MYPSAALLGTDKDSNIASIPVEELIEK.A	1	5.82 (2)	--	--	--	--	--
R.LGMGTNM#YPSAALLGTDKDSN*IASIPVEELIEK.A	1	--	--	--	0.73	--	--
R.LGMGTNM#YPSAALLGTDKDSNIASIPVEELIEK.A	1	--	--	1.14	0.84	0.93	--
R.LGMGTNMYPSAALLGTDKDSN*IASIPVEELIEK.A	1	11.32 (3)	--	0.95 (2)	--	0.95	--
R.LGMGTNMYPSAALLGTDKDSNIASIPVEELIEK.A	1	15.43 (7)	0.04	0.95(4)	0.86 (8)	1.06	0.94 (2)
R.LGMGTNMYPSSALLGQ*HKDESIGALPIDDLIEK.A	11	--	--	0.77	--	--	--
R.LGMGTNMYPSSALLGTHK.D	2	--	--	--	1.58 (2)	--	--
R.LLDGDPLKIDQ*SALTGESLPVTK.H	9	--	--	--	1.41	--	--
R.LLDGDPLKIDQSALTGESLPVTK.H	9	14.74 (9)	0.04 (2)	0.51 (1)	1.63 (4)	0.44	--
R.LLEGDPLK.I	(1,2,3,5,9)	2.67	--	--	--	--	--
R.LLEGDPLKIDQ*SVLTGESLPVTK.K	10	3.64	--	--	--	--	--
R.LLEGDPLKIDQSALTGESLPVTK.S	4	--	--	0.26	1.04 (4)	--	--
R.LLEGDPLKIDQSSLTGESLPVTK.G	11	--	--	1.13 (3)	0.84 (5)	0.71 (2)	0.71 (2)
R.LLEGDPLKVDQ*SALTGESLPATK.G	3	--	--	--	0.71	--	--
R.LLEGDPLKVDQSALTGESLPATK.G	3	--	--	0.83 (4)	0.86 (3)	--	--
R.LLEGDPLKVDQSALTGESLPVTK.H	1,2	12.60 (10)	0.05 (2)	0.51 (8)	1.83 (7)	0.44	2.19 (2)
R.LSQGAIK.R	(3,5,7)	--	--	--	1.35 (3)	--	--
R.M#TAIEEM#AGM#DVLCSDK.T	(5,10)	--	--	0.62	1.76 (3)	--	--
R.M#TAIEEM#AGM#DVLCSDKTGTTLN*K.L	(5,10)	--	--	0.39	--	--	--
R.M#TAIEEM#AGM#DVLCSDKTGTTLNK.L	(5,10)	--	--	0.46 (2)	1.57 (6)	--	--
R.M#TAIEEM#AGMDVLCSDKTGTTLNK.L	(5,10)	--	--	--	1.65	--	--

Peptide Sequence	Isoforms	14T/15WT TEV	15T/14WT TEV	14T/15WT UP	15T/14WT UP	14T/15W T Mic	15T/14WT Mic
R.M#TAIEEMAGM#DVLCSDKTGTLTLNK.L	(5,10)	--	--	--	1.33 (2)	--	--
R.M#TAIEEMAGMDVLCSDKTGTLTLNK.L	(5,10)	--	--	0.53 (3)	1.15 (3)	--	--
R.MTAIEEM#AGM#DVLCSDKTGTLTLN*K.L	(5,10)	3.45	--	--	--	--	--
R.MTAIEEM#AGM#DVLCSDKTGTLTLNK.L	(5,10)	4.82	--	--	1.32 (2)	--	--
R.MTAIEEM#AGMDVLCSDKTGTLTLNK.L	(5,10)	--	--	0.63	--	--	--
R.MTAIEEMAGMDVLCSDK.T	(5,10)	3.87 (7)	--	--	--	--	--
R.MTAIEEMAGMDVLCSDKTGTLTLN*K.L	(5,10)	--	--	0.51	--	--	--
R.MTAIEEMAGMDVLCSDKTGTLTLNK.L	(5,10)	35.06 (8)	0.54	0.59	1.50 (6)	--	--
R.NAFIQ*SLKDDPSQSANLLAEAK.K	TAP tag	--	--	--	--	0.88	--
R.NAFIQSLKDDPSQ*SANLLAEAK.K	TAP tag	--	--	3.39	--	--	--
R.NAFIQSLKDDPSQSANLLAEAK.K	TAP tag	--	--	12.49 (4)	--	2.45	--
R.RALNLGVNVK.M	1,2,5,11	6.99 (5)	--	0.58 (2)	1.64 (2)	--	--
R.SLAVAYQEVPEGTK.E	11	2.59 (5)	--	0.93 (2)	--	--	--
R.SWSFVERPGALLM#IAFLIAQ*LIATLIAVYANWEFAK.I	2	--	--	--	4.69	--	--
R.SWSFVERPGALLM#IAFLIAQLIATLIAVYAN*WEFAK.I	2	--	--	0.25	--	--	--
R.SWSFVERPGALLM#IAFLIAQLIATLIAVYAN*WEFAKIR.G	2	--	--	--	0.69	--	--
R.SWSFVERPGALLM#IAFLIAQLIATLIAVYANWEFAK.I	2	--	--	--	2.13 (4)	--	--
R.SWSFVERPGALLM#IAFVIAQLVATLIAVYADWTFK.V	2	--	--	1.05 (2)	0.75 (4)	--	--
R.SWSFVERPGALLMIAFVIAQLVATLIAVYADWTFK.V	2	--	--	0.88 (2)	--	--	--
R.TALTYIDGSGNWHR.V	2	--	11.89	--	71.33 (6)	--	--
R.TALTYIDSDGKMHR.V	11	3.62 (2)	--	--	--	--	--
R.TALTYIDSDGNWHR.V	1	27.99 (25)	0.03 (4)	1.16 (11)	0.85 (9)	1.28 (2)	1.12 (2)
R.TFGVSTLEK.T	11	1.41	--	--	--	--	--
R.THFNELSQM#AEEAK.R	11	--	--	--	1.07 (2)	--	--
R.THFNELSQM#AEEAKR.R	11	--	--	1.28 (3)	1.00 (2)	--	--
R.THFNELSQMAEEAK.R	11	3.08 (2)	--	1.37	--	--	--

Peptide Sequence	Isoforms	14T/15WT TEV	15T/14WT TEV	14T/15WT UP	15T/14WT UP	14T/15W T Mic	15T/14WT Mic
R.THFNELSQMAEEAKR.R	11	2.49 (2)	--	1.4	0.98	--	--
R.TLHGLQNTETANVPPER.G	3	--	--	1.17	--	--	--
R.TLHGLQPKEDVNIFPEK.G	1	6.59 (4)	--	1.08 (3)	0.66 (2)	--	--
R.VEN*QDAIDAAM#VGM#LADPK.E	1,2,3	--	0.21	--	--	--	--
R.VENQ*DAIDAAM#VGM#LADPK.E	1,2,3	--	--	--	--	0.51	--
R.VENQDAIDAAM#VGM#LADPK.E	1,2,3	3.83 (4)	--	0.53 (7)	2.09 (11)	0.69	2.41 (4)
R.VENQDAIDAAM#VGMLADPK.E	1,2,3	2.19 (2)	--	0.63 (2)	2.01 (4)	1.45	1.63
R.VENQDAIDAAMVGM#LADPK.E	1,2,3	--	--	0.65	1.32 (5)	--	--
R.VENQDAIDAAMVGMLADPK.E	1,2,3	9.01 (12)	0.11 (4)	0.58 (7)	1.54 (12)	0.62 (3)	1.39 (3)
R.VENQDAIDAAMVGMLADPKEAR.A	1,2,3	5.22	--	--	--	--	--
R.VHAVIDKFAER.G	4,11	1.69	--	--	--	--	--
R.VKPSPTPDSWK.L	1,2,3	2.06	--	--	--	--	--
R.WGEQDAAAILVPGDIISIK.L	4,11	1.27 (3)	--	1.15 (3)	0.87 (3)	0.45	0.47