

**Figure S2: Caveolin-1 CpG sites sequence localization, methylation changes during adipogenesis and possible regulatory transcription factors associated to these sequences \*. $p \leq 0,05$ , \*\* $p \leq 0,01$ .**

	<b>Seq. Location</b>	<b>Day 0(%Me t)</b>	<b>Day 21(%Me t)</b>	<b>Change( % Met)</b>	<b>p</b>	<b>Trascription factors</b>
<b>CpG 1</b>	-618	72,58	70,93	1,65	0,73	
<b>CpG 2</b>	-601	47,92	42,20	5,72	0,19	
<b>CpG 3</b>	-546	27,92	25,53	2,38	0,19	
<b>CpG 4-5</b>	-500, -494	29,25	26,53	2,72	0,11	
<b>CpG 6</b>	-442	17,33	13,13	4,20	0,19	
<b>CpG 7-8</b>	-366, -364	6,50	7,73	-1,23	0,56	
<b>CpG 9-10</b>	-320, -312	6,08	7,37	-1,28	0,19	
<b>CpG 11-12</b>	-245, -242	21,83	10,53	11,30	*0,016	CBF, AP-2, WT1
<b>CpG 13</b>	-232	2,83	5,20	-2,37	0,19	
<b>CpG 14-15</b>	-193, -190	0,60	0,93	-0,33	0,42	
<b>CpG 16</b>	-181	5,13	4,70	0,43	0,69	
<b>CpG 17</b>	-146	0,33	1,40	-1,07	0,31	
<b>CpG 18-19</b>	-116, -108	1,67	2,92	-1,25	0,34	
<b>CpG 20</b>	-103	5,50	6,33	-0,83	0,69	
<b>CpG 21-22</b>	-8, -6	2,87	4,20	-1,33	0,15	
<b>CpG 23</b>	+18					
<b>CpG 24</b>	+27	27,25	16,13	11,13	*0,029	TFII-I, SREBP
<b>CpG 25</b>	+89	11,53	8,42	3,12	*0,016	p300
<b>CpG 26</b>	+103	20,47	18,60	1,87	0,15	
<b>CpG 27</b>	+113	23,46	25,07	-1,61	0,29	
<b>CpG 28-29</b>	+126, +128	8,53	10,73	-2,20	**0,008	WT1, CBF, HES1,deltaEF1
<b>CpG 30</b>	+135	10,67	15,25	-4,58	0,20	
<b>CpG 31</b>	+248	6,08	5,40	0,68	0,19	
<b>CpG 32-34</b>	+284, +288, +291	18,50	8,50	10,00	*0,016	TGIF, AhR, Arnt, HIF-1, AP1, CBF
<b>CpG 35</b>	+303	21,08	11,12	9,97	*0,016	CBF
<b>CpG 36</b>	+313	15,17	6,78	8,38	*0,016	
<b>CpG 37</b>	+407					
<b>CpG 38</b>	+483	4,83	1,67	3,17	*0,016	AhR, Arnt, CBF.
<b>CpG 39</b>	+490	9,33	2,33	7,00	*0,016	AhR, Arnt, HIF-1, USF2
<b>CpG 40</b>	+506					
<b>CpG 41</b>	+515	11,92	6,67	5,25	*0,016	p300
<b>CpG 42-43</b>	+552, -556	12,42	13,80	-1,38	0,91	
<b>CpG 44</b>	+568	2,88	1,80	1,08	*0,016	CBF, YY1, WT1
<b>CpG 45</b>	+608	29,33	21,47	7,87	*0,032	CBF, HIF-1, AhR, Arnt
<b>CpG 46</b>	+648	4,83	1,67	3,17	*0,016	C/EBP beta, c-ETS- 1
<b>CpG 47</b>	+659	3,42	4,47	-1,05	0,73	

<b>CpG 48</b>	+678					
<b>CpG 49</b>	+843	2,88	1,80	1,08	*0,016	CBF, AhR, Arnt, HIF-1, AP-2
<b>CpG 50</b>	+919					
<b>CpG 51</b>	+947	71,71	70,70	1,01	0,41	
<b>CpG 52</b>	+1028					
<b>CpG 53</b>	+1062	1,42	1,20	0,22	0,41	
<b>CpG 54</b>	+1091	75,88	75,67	0,21	1,00	
<b>CpG 55</b>	+1126	1,33	1,43	-0,10	0,73	
<b>CpG 56</b>	+1133	1,63	2,03	-0,41	0,56	
<b>CpG 57</b>	+1150	1,33	1,43	-0,10	0,73	
<b>CpG 58</b>	+1162	24,42	19,03	5,38	*0,016	ER, LXR alpha, RXR alpha
<b>CpG 59-62</b>	+1177, +1180, +1184, +1186	64,42	42,30	22,12	*0,016	AP-2, AP-1, CBF
<b>CpG 63</b>	+1197	3,25	2,10	1,15	0,29	
<b>CpG 64</b>	+1214					
<b>CpG 65</b>	+1233					
<b>CpG 66</b>	+1238					
<b>CpG 67</b>	+1260	8,79	4,87	3,93	*0,032	p300
<b>CpG 68</b>	+1292	4,75	3,07	1,68	0,06	
<b>CpG 69</b>	+1319	93,79	92,57	1,22	0,73	
<b>CpG 70</b>	+1333	0,92	1,93	-1,02	0,41	