

**TABLE S1 : Genes overexpressed in osteoclasts**

Gene ID	Chip	Gene Name	Ratio Osteoclasts vs memory B cells	Osteoclasts vs memory B cells q-value(%)	Ratio Osteoclasts vs BMPC	Osteoclasts vs BMPC value(%)	Ratio Osteoclasts vs CD14	Osteoclasts vs CD14 q-value(%)	Ratio Osteoclasts vs CD15	Osteoclasts vs CD15 q-value(%)	Ratio Osteoclasts vs CD3	Osteoclasts vs CD3 q-value(%)	Ratio Osteoclasts vs CD34	Osteoclasts vs CD34 value(%)	Ratio Osteoclasts vs MMC	Osteoclasts vs MMC q-value(%)	Ratio Osteoclasts vs Stromal cells	Osteoclasts vs Stromal cells value(%)	
<b>Metabolism</b>																			
217757_at	U133P	A2M	46,57463284	0,049790445	3,09720151	0,365048611	48,7049034	0	274,42102	0	79,4560086	0,07828345	198,38717	0,16096585	20,2200163	0	40,14623293	0	
221552_at	U133P	ABHD6	24,36040495	0,049790445	15,7615721	0,166012851	4,48684799	0	40,2834821	0	10,5316293	0,07828345	15,6821342	0,16096585	8,47897615	0	6,634723201	0	
221679_s_at	U133P	ABHD6	4,340922496	0,049790445	2,0101606	0,166012851	2,61067597	0	5,30995671	0	3,60552616	0,07828345	5,08793761	0,16096585	2,92846991	0	4,531773399	0	
45288_at	U133P	ABHD6	11,8234749	0,049790445	6,59065083	0,166012851	4,80439039	0	29,1645714	0	7,35884422	0,07828345	8,05829228	0,16096585	7,14464942	0	7,029866165	0	
214763_at	U133P	ACOT11	2,697959184	0,049790445	2,78064904	0,278829014	2,75646372	0	3,28528827	0	4,98491704	0,07828345	3,11205273	0,16096585	3,24132206	0	2,919396393	0	
206134_at	U133P	ADAMDEC1	96,72530395	0,049790445	112,249118	0,166012851	84,8546764	0	210,710975	0	281,491597	0,07828345	324,720663	0,16096585	137,277142	0	480,6438011	0	
201272_at	U133P	AKR1B1	6,717195642	0,049790445	3,91311204	0,166012851	6,4171607	0	66,6040395	0	4,22904861	0,07828345	3,39128979	0,16096585	5,76985122	0	3,551770563	0	
202053_s_at	U133P	ALDH3A2	8,010257259	0,049790445	3,53700051	0,166012851	4,05442974	0	6,26981249	0	5,86323399	0,07828345	7,00086755	0,16096585	3,24954308	0	4,465009049	0	
202054_s_at	U133P	ALDH3A2	21,48105495	0,049790445	9,20639765	0,166012851	3,87955836	0	11,1858983	0	6,70560825	0,07828345	6,2523221	0,16096585	4,72108207	0	2,69846853	0	
210544_s_at	U133P	ALDH3A2	3,909507402	0,049790445	4,44677003	0,166012851	5,2218109	0	4,0662067	0	5,88986241	0,07828345	4,90117339	0,16096585	3,74489298	0	4,570188481	0	
1555416_a_a	U133P	ALOX15B	7,140564879	0,094925271	12,1141667	0,166012851	9,80507217	0	25,325784	0	14,2631476	0,07828345	20,7256915	0,16096585	11,1726982	0	4,317571222	0	
206714_at	U133P	ALOX15B	4,252386738	0,050622381	11,3506751	0,166012851	5,81127242	0,132499772	14,3464512	0	12,0229682	0,07828345	8,66143403	0,16096585	6,75500234	0	22,7994416	0	
239449_at	U133P	ANKH	2,900685953	0,71232465	6,81092437	0,166012851	19,7924298	0	6,40584865	0	2,85538136	0,854441	5,04512916	0,16096585	2,97239017	0,00844097	3,281791725	0,003674049	
205423_at	U133P	AP1B1	4,204327225	0,049790445	2,90862414	0,166012851	3,03735005	0	6,02107728	0	6,70794364	0,07828345	3,15829758	0,16096585	5,56391384	0	6,66394178	0	
211779_x_at	U133P	AP2A2	11,99747435	0,049790445	5,71917327	0,166012851	10,3380547	0	15,6271075	0	10,7502122	0,07828345	8,54848385	0,16096585	8,10570628	0	7,660663889	0	
212159_x_at	U133P	AP2A2	14,70722135	0,049790445	5,51493745	0,166012851	10,7975566	0	15,1426416	0	10,9357795	0,07828345	9,52906474	0,16096585	9,00391244	0	7,730892879	0	
212161_at	U133P	AP2A2	14,92935636	0,049790445	17,6437848	0,166012851	8,45934887	0	8,48753496	0	4,72382277	0,07828345	8,32118066	0,16096585	16,0710294	0	8,160949679	0	
215764_x_at	U133P	AP2A2	10,48544664	0,049790445	5,87664738	0,166012851	7,40921986	0	10,8845593	0	9,19630282	0,07828345	7,66133764	0,16096585	10,03471843	0	7,773065476	0	
206129_s_at	U133P	ARSB	5,292641108	0,049790445	2,75240745	0,166012851	3,02507173	0	4,52791166	0	9,38421129	0,07828345	5,88166356	0,16096585	2,78000272	0	2,099318562	0,003674049	
1554030_at	U133P	ARSB	3,715930113	0,094925271	2,42267489	0,166012851	2,70369706	0,132499772	3,26411964	0	6,05668722	0,07828345	4,6320237	0,16096585	2,98364904	0	2,691112986	0	
1553151_at	U133P	ATP6V0D2	26,73751854	0,049790445	7,1547619	0,166012851	49,532967	0	30,0901202	0	63,7553041	0,07828345	31,7206193	0,16096585	14,5864494	0	38,25318246	0	
1553155_x_a	U133P	ATP6V0D2	5,304458886	0,049790445	6,36597241	0,166012851	7,8960612	0	6,62621769	0	9,68359118	0,07828345	11,8218807	0,16096585	7,73662631	0	21,52919652	0	
202874_s_at	U133P	ATP6V1C1	22,01324726	0,049790445	6,83192223	0,166012851	5,35333432	0	3,23380402	0	14,718294	0,07828345	9,07237244	0,16096585	6,95011333	0	4,973475457	0	
202201_at	U133P	BLVRR	33,69183399	0,049790445	4,85952203	0,166012851	2,16410586	0,132499772	16,206954	0	22,1685618	0,07828345	10,8195931	0,16096585	9,95574369	0	8,569911115	0	
226853_at	U133P	BMP2K	10,1442937	0,049790445	3,89854006	0,166012851	5,47367841	0	9,47322919	0	33,626455	0,07828345	3,65740528	0,16096585	9,98840946	0	9,198726299	0	
37170_at	U133P	BMP2K	4,740229668	0,049790445	2,6591379	0,166012851	2,26549584	0,593812245	3,27791067	0	15,7538636	0,07828345	2,09168481	0,16096585	6,00558926	0	6,730725357	0	
209301_at	U133P	CA2	18,48492063	0,049790445	12,7761931	0,166012851	6,70418238	0,593812245	6,00132333	0,06059553	14,8672284	0,07828345	8,47932139	0,1723588	11,7359686	0	66,54571429	0	
201850_at	U133P	CAPG	10,08871279	0,049790445	22,9956063	0,166012851	2,3731032	0	2,50352375	0	34,8228702	0,07828345	16,063142	0,16096585	38,9093413	0	25,01395736	0	
219082_at	U133P	CGI-14	4,453491742	0,225862787	2,24152284	0,278829014	9,38278388	0	2,65646876	0	3,34639754	0,07828345	6,83978638	0,16096585	5,23800936	0	12,2315957	0	
200884_at	U133P	CKB	10,4295837	0,049790445	3,20782253	0,441369819	12,6449742	0	8,4956771	0	8,71447602	0,07828345	3,55010854	0,16096585	3,36877995	0	2,120761853	0,265330828	
219341_at	U133P	CLN8	8,230729702	0,049790445	24,5471264	0,166012851	41,9073783	0	29,0005432	0	37,2055749	0,07828345	7,04911539	0,16096585	37,2986963	0	7,002732539	0,003674049	
222874_s_at	U133P	CLN8	12,83641536	0,049790445	19,299725	0,166012851	5,63929509	0	9,59183673	0	10,0199867	0,07828345	4,61916462	0,16096585	15,304515	0	5,796691826	0	
223912_s_at	U133P	CLN8	4,087028871	0,094925271	5,099346	0,166012851	5,42472833	0	8,70216837	0	16,3576424	0,07828345	5,42472833	0,16096585	3,89070832	0	2,695900335	0,003674049	
219340_s_at	U133P	CLN8	6,659406965	0,049790445	7,59367014	0,166012851	5,65876597	0	11,8931165	0	8,20706212	0,07828345	5,51622208	0,16096585	11,6347167	0	3,994760382	0	
223281_s_at	U133P	COX15	4,541892706	0,049790445	4,29442608	0,166012851	4,04976889	0	4,61511135	0	4,64378159	0,07828345	2,21287018	0,61390985	3,84726563	0	4,345402293	0	
206100_at	U133P	CPM	94,13824885	0,049790445	32,0690738	0,166012851	11,2675124	0	108,659574	0	169,10596	0,07828345	537,578947	0,16096585	190,705381	0	294,2809124	0	
217542_at	U133P	CPM	9,431268967	0,049790445	3,2767104	0,166012851	8,95900064	0	4,94764027	0	8,45832829	0,07828345	25,1619288	0,16096585	2,43297685	0	2,276544081	0,003674049	
235019_at	U133P	CPM	21,366538274	0,049790445	23,7895765	0,166012851	6,95747437	0	39,1645217	0	48,8456394	0,07828345	66,9668073	0,16096585	38,3870858	0	70,73510896	0	
235706_at	U133P	CPM	17,60887656	0,049790445	11,8132296	0,166012851	8,2728716	0	35,0260835	0	34,1858416	0,07828345	96,8488211	0,16096585	20,6023455	0	58,50691244	0	
241765_at	U133P	CPM	12,72561198	0,049790445	9,44670464	0,166012851	5,52120982	0	23,2945425	0	35,8998145	0,07828345	30,9434968	0,16096585	13,8833754	0	31,54177043	0	
243403_x_at	U133P	CPM	10,80525942	0,049790445	8,66267806	0,166012851	6,93440978	0	17,4867725	0	21,9158138	0,07828345	23,203602	0,16096585	13,6859113	0	46,33295238	0	
220753_s_at	U133P	CRYL1	5,43146957	0,049790445	3,37124054	0,166012851	3,88181625	0	9,5835516	0	5,14989444	0,07828345	3,62564407	0,16096585	4,9593174	0	4,883817899	0	
201201_at	U133P	CSTB	20,75701953	0,049790445	3,98809413	0,166012851	2,77127464	0	3,1561806	0	5,60766238	0,07828345	5,34617328	0,16096585	5,05288373	0	3,296818931	0	
213274_s_at	U133P	CTSB	65,16323676	0,049790445	12,0927697	0,166012851	5,74993389	0	43,2686797	0	43,7727492	0,07828345	49,5656535	0,16096585	32,1482778	0	5,770705483	0	
213275_x_at	U133P	CTSB	13,91947195	0,049790445	3,86307966	0,166012851	3,0825452	0	17,3193167	0	13,2404094	0,07828345	17,638006	0,16096585	15,5229133	0			

238053_at	U133P	DHRSX	3,812559059	0,049790445	2,34082278	0,441369819	3,02090991	0	2,11258354	0,06059553	3,8203698	0,07828345	2,53652013	0,16096585	2,62560825	0	2,654505218	0
214992_s_at	U133P	DNASE2	3,773892311	0,094925271	2,46163815	0,441369819	4,4954085	0	6,26368553	0	5,80785225	0,07828345	7,05886725	0,16096585	3,37292918	0	6,083920564	0
201537_s_at	U133P	DUSP3	9,64411518	0,049790445	9,82820513	0,166012851	2,57559468	0,318779683	15,979711	0	29,9765381	0,07828345	2,61745425	0,16096585	6,72787624	0	2,503183673	0
219424_at	U133P	EBI3	15,25188765	0,049790445	20,8458204	0,166012851	105,469925	0	74,4493587	0	128,594347	0,07828345	82,6362297	0,16096585	38,7931044	0	152,6802721	0
203348_s_at	U133P	ETV5	4,361699145	0,049790445	3,19228401	0,166012851	8,87494295	0	9,36093393	0	15,2221135	0,07828345	8,79764732	0,16096585	3,00878751	0	3,620340561	0
203305_at	U133P	F13A1	46,60634658	0,049790445	40,6663785	0,166012851	2,87561576	0	42,7111982	0	75,0855227	0,07828345	25,6656413	0,16096585	79,6371433	0	272,1325251	0
202862_at	U133P	FAH	17,28846711	0,049790445	8,5888577	0,166012851	7,61681348	0	13,0444051	0	14,3054956	0,07828345	3,11043511	0,16096585	7,00892727	0	4,46765474	0
226184_at	U133P	FMNL2	29,99546005	0,049790445	4,94092133	0,166012851	7,30879002	0	35,9154164	0	45,0313522	0,07828345	23,4790334	0,16096585	6,0002131	0	4,693082669	0
242665_at	U133P	FMNL2	12,83820896	0,049790445	19,136537	0,166012851	11,0344828	0	19,6276013	0	38,2089552	0,07828345	15,8724535	0,16096585	8,58985827	0	7,682743837	0
202838_at	U133P	FUCA1	59,10979189	0,049790445	6,57507027	0,166012851	11,779326	0	43,585304	0	46,0720572	0,07828345	39,6015237	0,16096585	13,6732054	0	25,39791415	0
202812_at	U133P	GAA	13,16872542	0,049790445	6,65756532	0,166012851	2,8276337	0,132499772	7,25500787	0	12,7056277	0,07828345	9,36215207	0,16096585	8,2086619	0	7,988742807	0
202922_at	U133P	GCLC	5,33088346	0,049790445	5,18832411	0,166012851	3,97500198	0	10,4687826	0	3,57720418	0,07828345	3,8883076	0,16096585	5,78308615	0	5,410533979	0
202923_s_at	U133P	GCLC	15,24855017	0,049790445	6,41058325	0,166012851	5,93412287	0	16,2329975	0	6,14191077	0,07828345	5,46016522	0,16096585	6,61289864	0	12,5855573	0
214430_at	U133P	GLA	6,814222377	0,049790445	5,05852417	0,166012851	2,28080589	0	2,76241225	0	10,5032963	0,07828345	2,3010533	0,16096585	3,17892986	0	4,56583661	0
222644_s_at	U133P	GLT25D1	3,160861057	0,049790445	19,1942959	0,166012851	2,19755102	0,132499772	2,20069487	0	4,36764825	0,07828345	4,70711663	0,16096585	7,50498581	0	2,570951055	0
217202_s_at	U133P	GLUL	51,333871235	0,049790445	15,7667006	0,166012851	4,67382904	0	3,36996504	0	33,300856	0,07828345	13,1610309	0,16096585	29,0670574	0	31,78696322	0
209727_at	U133P	GM2A	20,0945021	0,049790445	5,71299435	0,166012851	7,68389058	0	39,2546584	0	42,487395	0,07828345	41,831219	0,16096585	6,16978358	0	16,74326189	0
212737_at	U133P	GM2A	16,86358065	0,049790445	4,92748695	0,166012851	3,97917779	0	13,9896762	0	27,425943	0,07828345	12,8223656	0,16096585	4,69200464	0	11,26539866	0
215891_s_at	U133P	GM2A	27,3339342	0,049790445	3,20066331	0,166012851	3,38365243	0	10,4648033	0	20,0575397	0,07828345	25,3358396	0,16096585	4,58733255	0	10,53478072	0
235678_at	U133P	GM2A	11,53165995	0,049790445	8,05352763	0,166012851	3,28559656	0	17,9274794	0	28,0779678	0,07828345	17,9516949	0,16096585	8,14676446	0	20,75698791	0
35820_at	U133P	GM2A	33,25523408	0,049790445	5,57441197	0,166012851	3,72228317	0	21,020152	0	52,5923962	0,07828345	14,0017159	0,16096585	5,28759442	0	13,93005709	0
33646_g_at	U133P	GM2A	4,352191832	0,094925271	3,17525773	0,166012851	3,17793828	0	7,43471582	0	10,8277405	0,07828345	8,77606528	0,16096585	3,36907878	0	9,596034696	0
202382_s_at	U133P	GNPDA1	51,7852068	0,049790445	8,93994349	0,166012851	9,55990673	0	17,3294528	0	9,35626951	0,07828345	20,5505543	0,16096585	11,0315454	0	6,767461814	0
203676_at	U133P	GNS	9,017142857	0,094925271	10,9250253	0,166012851	3,39301447	0,940698927	5,80417698	0,06059553	9,98980915	0,07828345	11,8677086	0,16096585	5,88409614	0	5,823926546	0
204324_s_at	U133P	GOLPH4	11,02309666	0,049790445	6,98302023	0,166012851	6,14624217	0	21,4718951	0	40,6071429	0,07828345	2,8661882	0,16096585	0,5514082	0,316718404	0	0,01266797
201348_at	U133P	GPX3	7,204680781	0,049790445	3,87061537	0,278829014	3,24943958	0,318779683	2,41682455	0,60581622	10,9829178	0,07828345	14,1922653	0,16096585	4,48584808	0	3,787223514	0,003674049
214091_s_at	U133P	GPX3	4,02782264	0,049790445	2,06445423	0,526749774	2,80574988	0	2,2725917	0,06059553	4,17900558	0,07828345	6,70270468	0,16096585	2,55102763	0	3,441177854	0,003674049
212090_at	U133P	GRINA	7,975505411	0,049790445	3,41840147	0,441369819	3,61904762	0,940698927	4,35916481	0,06059553	9,98110355	0,07828345	8,49423747	0,16096585	4,51626238	0	6,633594976	0
214500_at	U133P	H2AFY	56,61950815	0,049790445	45,9018817	0,166012851	2,45136885	0	15,57203262	0	21,8384704	0,07828345	2,67502702	0,16096585	41,5613573	0	6,171031035	0
220387_s_at	U133P	HHLA3	5,554899646	0,049790445	2,43278118	0,278829014	18,4654631	0	20,4921603	0	8,9143615	0,07828345	3,85403014	0,16096585	3,43136805	0	2,698465803	0
204112_s_at	U133P	HNM1	112,1644765	0,049790445	4,97435705	0,166012851	2,18433201	0	82,6036446	0	267,701335	0,07828345	28,4891684	0,16096585	78,3375886	0	4,161023235	0
228772_at	U133P	HNM1	58,39736842	0,049790445	7,33829365	0,166012851	3,47309607	0	139,041353	0	103,022284	0,07828345	68,4907407	0,16096585	59,7937114	0	3,907898213	0
204111_at	U133P	HNM1	2,063664596	0,225862787	4,57290323	0,166012851	2,86989661	0	6,99289661	0	6,57513915	0,07828345	5,20870076	0,16096585	2,95882774	0	3,099708455	0,003674049
205466_s_at	U133P	HS3T1	11,24947735	0,049790445	11,9977703	0,166012851	86,3723917	0	80,9172932	0	311,640927	0,07828345	24,797235	0,16096585	31,7382036	0	28,79678906	0
208744_x_at	U133P	HSPH1	13,92345832	0,049790445	28,3924171	0,166012851	44,9489796	0	118,208366	0	12,8194813	0,20150297	4,00894028	0,16390985	7,14634751	0	5,578458912	0,01266797
1555037_a_a	U133P	IDH1	81,91727494	0,049790445	8,40679175	0,166012851	4,35718908	0	16,8390517	0	42,2540161	0,07828345	7,66785096	0,16096585	11,7616982	0	4,043516118	0
201193_at	U133P	IDH1	73,91377634	0,049790445	8,51943893	0,166012851	3,53538736	0	11,9584644	0	32,8413412	0,07828345	5,10449686	0,16096585	9,70749446	0	3,092291106	0
205306_x_at	U133P	KMO	8,253216935	0,049790445	5,9837559	0,166012851	7,04312327	0	55,1578308	0	32,5053661	0,07828345	37,3718124	0,16096585	4,91477039	0	95,1253419	0
211138_s_at	U133P	KMO	7,97545983	0,049790445	4,80956897	0,166012851	6,36898103	0	34,4729362	0	27,5212115	0,07828345	42,0810077	0,16096585	4,61092246	0	76,2930964	0
242019_at	U133P	LASS6	10,75997099	0,049790445	5,83254717	0,166012851	3,91669306	0	12,3526474	0	6,04941292	0,07828345	3,51178642	0,16096585	5,32359821	0	4,256454389	0
201212_at	U133P	LGMN	27,90806592	0,049790445	3,22834152	0,166012851	60,5890897	0	194,110651	0	54,0936599	0,07828345	190,370183	0,16096585	14,7047519	0	4,435024021	0
228825_at	U133P	LTB4DH	4,528829604	0,049790445	4,20411424	0,166012851	6,33082707	0	3,67531515	0	5,68673006	0,07828345	6,7606629	0,16096585	5,47709877	0	3,211044161	0
204458_at	U133P	LYPLA3	15,04019427	0,049790445	4,31775566	0,166012851	7,36299685	0	21,9079333	0	14,7666732	0,07828345	5,54803914	0,16096585	5,78166442	0	5,463338961	0
204970_s_at	U133P	MAFG	4,793761176	0,049790445	3,49768049	0,166012851	3,95991991	0	3,11559546	0	16,7723323	0,07828345	2,24849259	0,16096585	3,57138953	0	3,59905081	0
201668_x_at	U133P	MARCKS	4,007941699	0,415272173	3,38197729	0,441369819	5,55991912	0,132499772	5,01895402	0,16036085	32,3214286	0,07828345	5,1956845	0,16096585	3,96686006	0	2,432285317	0,05204955
204058_at	U133P	ME1	64,69212636	0,049790445	10,6796389	0,166012851	23,4022377	0	100,080746	0	105,159411	0,07828345	129,640967	0,16096585	20,4204623	0	2,156957886	0,095721731
204059_s_at	U133P	ME1	50,43544749	0,049790445	12,6656444	0,166012851	11,5858947	0	121,684185	0	51,4376599	0,07828345	63,0200429	0,16096585	16,3326115	0	2,873773688	0
231283_at	U133P	MGAT4A	20,79868774	0,049790445	7,22374145	0,166012851	24,8939816	0	5,37007947	0	2,25970138	0,07828345	16,3267313	0,16096585	14,4622748	0	81,3271137	0
211026_s_at	U133P	MGLL	9,455312693	0,049790445	4,52655711	0,166012851	12,2437968	0	9,2556391	0	15,8060861	0,07828345	3,22915047	0,16096585	8,73870216	0	4,264267004	0
225102_at	U133P	MGLL	10,05022754	0,049790445	2,36755947	0,166012851	12,2479625	0	9,16958848	0	23,7523901	0,07828345	2,83311477	0,16096585	5,11665788	0	2,580293392	0
204438_at	U133P	MRC1 /// MRC	116															

215134_at	U133P	PI4KII	4,035511364	0,049790445	3,40647482	0,166012851	3,23760684	0	5,2320442	0	5,5154339	0,07828345	5,42382589	0,16096585	4,8581758	0	2,924720113	0
209346_s_at	U133P	PI4KII	3,89637827	0,415272173	5,04296875	0,278829014	4,57412132	0,132499772	17,7335165	0	5,85859503	0,07828345	12,8075397	0,16096585	3,97556327	0	4,16317317	0
207469_s_at	U133P	PIR	56,96118299	0,049790445	21,815534	0,166012851	54,2917548	0	132,371134	0	155,636364	0,07828345	4,839804	0,16096585	23,825547	0	4,363611827	0
206214_at	U133P	PLA2G7	197,9075542	0,049790445	14,5960151	0,166012851	5,28989819	0	518,096805	0	273,43998	0,07828345	431,510763	0,16096585	111,934423	0	440,5634366	0
201050_at	U133P	PLD3	53,11922399	0,049790445	4,89653715	0,166012851	8,30180046	0	46,2850381	0	22,4096726	0,07828345	23,6046585	0,16096585	9,52917949	0	11,67719507	0
224950_at	U133P	PTGFRN	10,42033513	0,049790445	12,5952626	0,166012851	6,81147313	0	26,1157378	0	26,5927376	0,07828345	46,7150497	0,16096585	12,178887	0	3,147532546	0
208121_s_at	U133P	PTPRO	6,449909292	0,049790445	10,9186897	0,166012851	6,89730988	0	40,9600614	0	11,8775056	0,07828345	36,4774282	0,16096585	8,14129964	0	47,93707865	0
212398_at	U133P	RDX	2,806932084	0,225862787	2,49783261	0,166012851	4,97047309	0	7,0729865	0	6,18579686	0,07828345	3,14009054	0,16096585	2,24745573	0	2,522682307	0
206617_s_at	U133P	RENBP	12,15923567	0,049790445	22,7649063	0,166012851	11,3902148	0	19,2828283	0	23,1113801	0,07828345	22,4588235	0,16096585	14,775902	0	57,55778894	0
221287_at	U133P	RNASEL	5,980519481	0,094925271	16,6847826	0,166012851	6,88495178	0	3,07338072	0,16036085	6,31492338	0,07828345	7,50336063	0,16096585	5,45877115	0	10,98144422	0
1552256_a_a	U133P	SCARB1	7,929492239	0,049790445	4,03300624	0,166012851	6,10566405	0	19,1081995	0	21,4999049	0,07828345	3,31480775	0,16096585	7,28796477	0	10,13374178	0
201819_at	U133P	SCARB1	8,496144295	0,049790445	2,40088643	0,166012851	5,42296526	0	17,3705307	0	25,6669036	0,07828345	3,207698	0,16096585	5,92922429	0	8,742090576	0
208381_s_at	U133P	SGPL1	26	0,049790445	17,6060606	0,166012851	11,70282	0	24,1928251	0	33,5093168	0,07828345	30,1396648	0,16096585	15,5366213	0	7,002704164	0
212321_at	U133P	SGPL1	4,083824519	0,049790445	7,79216002	0,166012851	3,22222433	0	5,87658003	0	3,09532942	0,07828345	7,00378169	0,16096585	8,0117488	0	3,465277275	0
212322_at	U133P	SGPL1	8,640823543	0,049790445	8,1933406	0,166012851	4,43866536	0	7,58349003	0	5,96589843	0,07828345	13,7757006	0,16096585	12,0373413	0	4,59724716	0
231730_at	U133P	SLA/LP	2,561688312	0,094925271	2,65522463	0,166012851	3,89535973	0	7,14285714	0	4,93711282	0,07828345	2,58934725	0,16096585	2,7901479	0	2,966165414	0
209237_s_at	U133P	SLC23A2	2,884241532	0,049790445	4,47941446	0,166012851	3,54500036	0	3,62398224	0	7,17362637	0,07828345	5,87755102	0,16096585	4,83730483	0	6,685099846	0
209236_at	U133P	SLC23A2	2,054553084	0,225862787	3,31900058	0,166012851	4,25	0	4,41240087	0	3,97273612	0,07828345	3,40947075	0,16096585	4,457663126	0	6,457663126	0
202752_x_at	U133P	SLC7A8	29,45151935	0,049790445	4,40983235	0,166012851	39,4987825	0	24,8499396	0	45,0683028	0,07828345	50,8357273	0,16096585	19,3671729	0	31,99287769	0
216092_s_at	U133P	SLC7A8	13,19191837	0,049790445	6,56994755	0,166012851	19,7213883	0	14,9249141	0	10,6760346	0,07828345	16,598977	0,16096585	11,7328718	0	10,41428088	0
216604_s_at	U133P	SLC7A8	7,735279732	0,049790445	5,38308067	0,166012851	36,3951142	0	15,8265207	0	10,5476037	0,07828345	12,2716041	0,16096585	20,4956117	0	18,4722372	0
216603_at	U133P	SLC7A8	6,619860627	0,225862787	2,43795714	0,690451601	61,405947	0	72,9608295	0	21,782848	0,07828345	27,932804	0,16096585	5,04347272	0	36,55411255	0
219519_s_at	U133P	SN	74,30973451	0,049790445	8,77429467	0,166012851	9,57905544	0	126,081081	0	160,862069	0,07828345	225,725806	0,16096585	63,5795028	0	186,0831025	0
44673_at	U133P	SN	14,97937509	0,049790445	5,78499231	0,166012851	6,50929635	0	17,2056273	0	22,6434162	0,07828345	30,1126616	0,16096585	14,708877	0	31,38585337	0
203458_at	U133P	SPR	50,66796685	0,049790445	5,66939444	0,166012851	5,32104455	0	12,3342563	0	25,5081001	0,07828345	27,4311055	0,16096585	3,28132602	0	2,21132602	0
213577_at	U133P	SQLE	17,23308271	0,049790445	3,92766421	0,166012851	12,5842958	0	14,3165785	0	10,7673431	0,07828345	2,38511489	0,16096585	6,18541129	0	3,475019175	0
206135_at	U133P	ST18	4,499690785	0,049790445	10,2478873	0,166012851	16,1401952	0	32,4821429	0	10,7824541	0,07828345	3,52587711	0,16096585	13,31723588	0	15,2483409	0
1554830_a_a	U133P	STEAP3	11,37005164	0,049790445	6,40737148	0,166012851	5,92785355	0	10,1040073	0	14,3421624	0,07828345	5,89821429	0,16096585	4,58131242	0	2,750685312	0
242408_at	U133P	STYX	2,942907891	0,415272173	5,5867052	0,166012851	2,82788384	0,593812245	4,4253663	0,06059553	2,29736154	0,854441	3,48006121	0,5514082	3,41980915	0	4,065907099	0
212989_at	U133P	TMEM23	11,37758105	0,049790445	4,27155749	0,166012851	2,07530676	0,940698927	4,31287946	0	4,65128833	0,07828345	8,01486266	0,16096585	8,48720872	0	4,160018083	0
200742_s_at	U133P	TPP1	12,01889987	0,049790445	3,06337675	0,166012851	2,61028556	0	3,29753094	0	8,48489721	0,07828345	5,96217392	0,16096585	2,79147606	0	5,699367966	0
224908_s_at	U133P	TTL	5,012619889	0,049790445	16,7788018	0,166012851	3,00660611	0	13,9673162	0	5,96494102	0,07828345	3,16004166	0,16096585	2,23025201	0	2,23025201	0
213073_at	U133P	ZFYVE26	3,555248619	0,049790445	3,67614255	0,166012851	3,26153066	0	4,3765586	0	3,64864865	0,07828345	2,99581006	0,16096585	4,37692582	0	3,957632186	0
37943_at	U133P	ZFYVE26	3,247181035	0,049790445	2,59688868	0,166012851	3,6556915	0	4,52238751	0	3,58274312	0,07828345	3,13232271	0,16096585	4,85506067	0	3,722963774	0
223392_s_at	U133P	ZNF537	4,571428571	0,049790445	6,12756985	0,166012851	2,01648018	0,318779683	2,18037215	0,06059553	7,48342239	0,07828345	12,9732143	0,16096585	7,37850995	0	2,04346584	0
235179_at	U133P	ZNF641	3,89862871	0,225862787	4,37475653	0,278829014	2,83142555	0,318779683	2,06578124	0,60581622	3,14196184	0,22860673	4,7718195	0,5514082	4,22749841	0	9,368091762	0
<b>Intercellular communication and membrane proteins</b>																		
1568877_a_a	U133P	ACBD5	2,730852269	0,225862787	3,70746996	0,166012851	3,77383906	0,132499772	4,06211844	0,06059553	4,8327205	0,07828345	4,55619276	0,16096585	3,45680281	0	5,920611748	0
206171_at	U133P	ADORA3	185,211101	0,049790445	23,6820244	0,166012851	85,5742874	0	58,886478	0	205,935856	0,07828345	82,0489358	0,16096585	80,0217587	0	180,2364227	0
223860_at	U133P	ADORA3	70,15587267	0,049790445	9,45523713	0,166012851	16,3524716	0	11,8910471	0	228,583691	0,07828345	216,504065	0,16096585	48,7866133	0	347,3478261	0
237904_at	U133P	ADORA3	95,08781127	0,049790445	157,038961	0,166012851	200,863787	0	152,869785	0	200,863787	0,07828345	246,77551	0,16096585	156,534733	0	337,0592334	0
221036_s_at	U133P	APH1B	5,711828437	0,049790445	2,56856127	0,166012851	2,95125904	0	2,08559683	0	6,00025344	0,07828345	6,41502333	0,16096585	2,44211924	0	4,71074837	0
203381_s_at	U133P	APOE	36,8305077	0,049790445	4,56476071	0,526749774	32,1746611	0	31,3955026	0	36,3690476	0,07828345	28,5857884	0,16096585	17,2479142	0	39,16708098	0
203382_s_at	U133P	APOE	394,9061224	0,049790445	4,00895003	0,365048611	511,915344	0	527,546347	0	112,922502	0,07828345	157,064935	0,16096585	26,7899473	0	133,7585253	0
212884_x_at	U133P	APOE	13,4710493	0,049790445	2,99980293	0,365048611	24,4888766	0	20,2155189	0	24,8486544	0,07828345	22,4054838	0,16096585	8,29203659	0	23,80962312	0
225166_at	U133P	ARHGAP18	9,098371933	0,049790445	3,96938776	0,166012851	3,12508861	0	4,2459069	0	3,75482625	0,07828345	5,85687716	0,16096585	3,99409815	0	4,925731666	0
225171_at	U133P	ARHGAP18	35,31012758	0,049790445	4,73001941	0,166012851	6,71072955	0	8,09889888	0	9,5795303	0,07828345	11,2625847	0,16096585	4,40729976	0	3,671546216	0
225173_at	U133P	ARHGAP18	42,64819322	0,049790445	12,6588863	0,166012851	14,1875529	0	17,9425295	0	24,9238445	0,07828345	16,7252115	0,16096585	9,47912621	0	11,74961958	0
207809_s_at	U133P	ATP6AP1	7,93231355	0,049790445	3,72275525	0,166012851	2,89718187	0	3,12918584	0	5,86189933	0,07828345	4,49132847	0,16096585	2,69918168	0	4,481730896	0
212312_at	U133P	BCL2L1	11,64695669	0,049790445	2,50703874	0,166012851	5,80896574	0	4,27233934	0	4,12402402	0,07828345	3,17804239	0,16096585	2,01944101	0	2,276138008	0
218232_at	U133P	C1QA	13,519260204	0,049790445	10,653505	0,166012851	52,6543367	0	921,450893	0	597,19349	0,07828345	1447,18668	0,16096585	112,367171	0	2683,125254	0
202953_at	U133P	C1QB	650,7089947	0,049790445	8,6772218	0,166012851</												

215856_at	U133P	CD33L3	3,530690537	0,049790445	11,1975666	0,166012851	2,02657076	0,940698927	4,84385965	0	6,11381754	0,07828345	3,59318064	0,16096585	8,4452553	0	6,657022303	0
205988_at	U133P	CD84	6,636427482	0,049790445	8,895316	0,166012851	6,08648721	0	22,2990919	0	3,77500248	0,07828345	5,45818495	0,16096585	15,0982766	0	70,47396168	0
211192_s_at	U133P	CD84	60,23997126	0,049790445	74,7272727	0,166012851	24,2562055	0	208,670981	0	34,9408235	0,07828345	35,4580056	0,16096585	101,80496	0	288,6196213	0
239026_x_at	U133P	CENTG3	3,061519405	0,094925271	11,268997	0,166012851	3,62148962	0	7,3510459	0	2,63372878	0,20150297	2,94001031	0,16096585	4,28963174	0	3,150292087	0
228707_at	U133P	CLDN23	22,11948928	0,049790445	3,72970997	0,166012851	3,0558329	0,132499772	16,8944579	0	42,5319622	0,07828345	14,7314209	0,16096585	20,9919963	0	9,877151463	0
219761_at	U133P	CLEC1A	2,009629853	0,550622381	3,16129032	0,166012851	3,27256689	0	3,532212	0	5,02710027	0,07828345	5,82417582	0,16096585	2,40192697	0,00844097	8,254635352	0
207652_s_at	U133P	CMKLR1	3,813351135	0,049790445	7,50446663	0,166012851	4,491728	0	13,4219925	0	9,47141531	0,07828345	18,8552944	0,16096585	5,77300289	0	13,10584277	0
210659_at	U133P	CMKLR1	12,3320719	0,049790445	6,29345307	0,166012851	11,1800124	0	16,0973622	0	8,80695638	0,07828345	20,9135541	0,16096585	7,91075909	0	10,78252957	0
221019_s_at	U133P	COLEC12	35,1116461	0,049790445	67,5543424	0,166012851	41,6046213	0	74,6201074	0	107,674419	0,07828345	78,9845654	0,16096585	67,8249478	0	16,72894114	0
240397_x_at	U133P	COLEC12	19,8179402	0,049790445	6,91376912	0,365048611	18,0239304	0	22,6160146	0	27,3131868	0,07828345	31,7028061	0,16096585	11,2216179	0	17,6068477	0
203104_at	U133P	CSF1R	39,73861784	0,049790445	11,8705182	0,166012851	2,96006054	0	17,6833434	0	63,4458729	0,07828345	42,8863802	0,16096585	29,1165729	0	66,12459564	0
214974_x_at	U133P	CXCL5	64,89580444	0,049790445	84,8795918	0,166012851	21,1946662	0	85,5312586	0	121,92007	0,07828345	78,8006821	0,16096585	107,123732	0	51,35571943	0
215101_s_at	U133P	CXCL5	30,39462518	0,225862787	35,34375	0,166012851	61,1525327	0	25,9717186	0	62,1428571	0,07828345	33,3680124	0,16096585	40,6201143	0	94,69996328	0
209365_s_at	U133P	ECM1	3,450046685	0,049790445	3,31650398	0,166012851	8,78263575	0	6,93408398	0	4,87515255	0,07828345	6,13074498	0,16096585	5,21847677	0	0,003674049	0
209589_s_at	U133P	EPHB2	5,44704822	0,049790445	6,56723716	0,166012851	3,42194666	0	21,7196765	0	13,9636542	0,07828345	15,8997632	0,16096585	7,34833591	0	3,107697252	0
211165_x_at	U133P	EPHB2	18,33203008	0,049790445	12,2990315	0,166012851	11,8763152	0	48,3761905	0	29,1422834	0,07828345	49,3634597	0,16096585	16,660335	0	16,15531407	0
209588_at	U133P	EPHB2	3,347042108	0,094925271	2,57439199	0,365048611	2,57414648	0,318779683	3,52958483	0	5,62109538	0,07828345	5,8558412	0,16096585	2,25166878	0	4,882390624	0
202305_s_at	U133P	FEZ2	7,665123344	0,049790445	3,94373056	0,166012851	2,3793565	0	2,96310851	0	6,64650456	0,07828345	3,68466282	0,16096585	6,65439195	0	2,488261776	0
214560_at	U133P	FPRL2	11,26322807	0,049790445	9,63395253	0,166012851	12,2090823	0	17,4195726	0	14,2544183	0,07828345	22,1007564	0,16096585	11,0399138	0	45,03380589	0
230422_at	U133P	FPRL2	71,04008609	0,049790445	43,1464052	0,166012851	37,8737808	0	404,745555	0	134,915185	0,07828345	193,249415	0,16096585	108,55457	0	316,1085395	0
219815_at	U133P	GALST4	4,025334272	0,094925271	2,80713234	0,166012851	29,1836735	0	19,936827	0	2,19819635	0,22860673	4,48815191	0,16096585	4,89938514	0	0,351617051	0
205721_at	U133P	GFRA2	18,84325075	0,049790445	3,63353871	0,542560453	6,82293763	0,318779683	41,2279635	0	59,4309885	0,07828345	31,9754833	0,16096585	17,0398639	0	35,01893287	0
205722_s_at	U133P	GFRA2	10,10690252	0,049790445	4,85643016	0,365048611	10,0770646	0	17,7780032	0	14,2547999	0,07828345	15,4134412	0,16096585	7,11247411	0	30,08387724	0
235139_at	U133P	GNGT2	11,61461794	0,049790445	7,16393443	0,166012851	3,45481856	0	24,4817927	0	2,80451803	0,20150297	19,5700851	0,16096585	7,018793	0	35,50440081	0
223620_at	U133P	GPR34	47,86964583	0,049790445	18,8586358	0,166012851	11,8674954	0	48,5908275	0	73,7229837	0,07828345	11,380821	0,16096585	44,8977928	0	140,889604	0
235458_at	U133P	HAVCR2	122,3514004	0,049790445	14,9911124	0,166012851	2,67381586	0,132499772	523,835404	0	18,5833639	0,07828345	51,4514489	0,16096585	54,4915675	0	716,918536	0
218345_at	U133P	HCA112	40,69901014	0,049790445	15,9105676	0,166012851	2,80532223	0	193,089054	0	195,308468	0,07828345	34,1495427	0,16096585	24,2816612	0	423,5353964	0
201765_s_at	U133P	HEXA	7,10676234	0,049790445	4,40173732	0,166012851	2,99919248	0	5,37826742	0	5,50217164	0,07828345	3,81746616	0,16096585	3,87417446	0	2,176291557	0,003674049
203665_at	U133P	HMOX1	24,85218145	0,049790445	2,97401753	0,166012851	4,13952006	0	27,9837723	0	77,2214065	0,07828345	164,592396	0,16096585	22,1972642	0	6,139746636	0
219020_at	U133P	HS1BP3	5,32604493	0,049790445	3,32180276	0,166012851	2,42432334	0	2,93819763	0	5,15059309	0,07828345	3,43001391	0,16096585	4,22006508	0	6,301857524	0
223113_at	U133P	HSPC196	8,150009334	0,049790445	5,02160739	0,166012851	5,80126437	0	12,3495409	0	4,72492916	0,07828345	8,30360938	0,16096585	4,56617381	0	2,88583102	0
206638_at	U133P	HTRB2	9,525791586	0,550622381	9,40969163	0,542560453	24,2948135	0,318779683	21,7959184	0,06059553	18,0771835	0,56723684	33,0241187	0,16096585	11,2844747	0	6,600601798	0,021157058
236281_x_at	U133P	HTR7	4,0231051	0,049790445	3,91607241	0,166012851	3,60119048	0	6,78999429	0	4,64415821	0,07828345	8,29152149	0,16096585	4,20921833	0	2,382379933	0
209541_at	U133P	IGF1	45,81601061	0,049790445	4,06101519	0,166012851	11,962479	0	89,2340294	0	80,0788497	0,07828345	128,459821	0,16096585	2,54540425	0,00447705	9,45474791	0
209542_x_at	U133P	IGF1	32,70766653	0,049790445	7,31597886	0,166012851	91,6610313	0	41,4190222	0	57,6577455	0,07828345	89,3695055	0,16096585	2,69616639	0	22,60501477	0
211577_s_at	U133P	IGF1	21,68064302	0,049790445	4,26432623	0,166012851	20,4650835	0	25,0989985	0	19,7138336	0,07828345	41,3650161	0,16096585	2,41519648	0	17,36465903	0
207433_at	U133P	IL10	20,07971689	0,049790445	24,8176796	0,166012851	5,19606709	0	21,5340364	0	14,7182176	0,07828345	46,1664954	0,16096585	22,0026226	0	50,91286895	0
222868_s_at	U133P	IL18BP	6,254571027	0,049790445	8,50984144	0,166012851	4,6948902	0,318779683	19,4361888	0	4,38473674	0,07828345	31,5838068	0,16096585	15,6246611	0	21,01358535	0
230966_at	U133P	IL4I1	6,476002259	0,225862787	12,6171617	0,166012851	5,25137363	0	26,7717087	0	5,00130822	0,22860673	12,7306027	0,16096585	9,22649057	0	9,767085374	0
213446_s_at	U133P	IQGAP1	10,53488869	0,049790445	27,7625845	0,166012851	2,79600484	0,940698927	2,7021177	0,60581622	7,96207714	0,07828345	8,95784345	0,16096585	11,2499871	0	5,920490277	0
221583_s_at	U133P	KCNMA1	11,66259033	0,049790445	32,6806854	0,166012851	35,2621849	0	65,1583851	0	39,1290563	0,07828345	37,5599714	0,16096585	20,1479535	0	4,19151947	0
210644_s_at	U133P	LAIR1	14,86948026	0,049790445	14,9620634	0,166012851	3,13034178	0	2,77590136	0	6,41364813	0,07828345	2,47804732	0,16096585	19,957112	0	45,3968124	0
212858_at	U133P	LHFPL2	10,85581562	0,049790445	23,3745304	0,166012851	11,2685874	0	28,5256983	0	55,9464632	0,07828345	11,8901106	0,16096585	28,742369	0	7,027208216	0
206856_at	U133P	LILRB5	14,63336809	0,049790445	3,04227367	0,365048611	23,7983313	0	44,3141341	0	119,331633	0,07828345	130,518973	0,16096585	20,0218593	0	88,31592196	0
220532_s_at	U133P	LR8	62,05969648	0,049790445	28,1254759	0,166012851	2,93083422	0	207,109217	0	261,763039	0,07828345	58,8441443	0,16096585	25,5309307	0	293,1746032	0
235359_at	U133P	LRRC33	3,530906213	0,225862787	6,90710636	0,166012851	3,60194739	0	75,872449	0	68,9749536	0,07828345	3,81131785	0,16096585	4,50361268	0	108,02217918	0
223655_at	U133P	M160	42,12887975	0,049790445	20,6901878	0,166012851	62,8856775	0	47,1490683	0	71,2398332	0,07828345	43,6097281	0,16096585	20,4426939	0	59,15064935	0
210059_s_at	U133P	MAPK13	6,759292711	0,049790445	2,18144645	0,166012851	11,3239732	0	3,85376595	0	3,62787992	0,07828345	32,7410529	0,16096585	2,26249203	0	15,65412603	0
205819_at	U133P	MARCO	406,6106312	0,049790445	104,285787	0,166012851	9,51928282	0	71,7744546	0	977,866731	0,07828345	1095,50483	0,16096585	368,609007	0	863,4201058	0
206028_s_at	U133P	MERTK	28,95365303	0,049790445	3,25449558	0,166012851	12,7900663	0	29,7935268	0	52,1613113	0,07828345	8,16610584	0,16096585	3,01982926	0	100,947479	0
211913_s_at	U133P	MERTK	8,799363057	0,049790445														

239519_at	U133P	NRP1	13,19834568	0,049790445	9,37913299	0,166012851	20,7696062	0	29,4124424	0	16,3402458	0,07828345	24,9804305	0,16096585	18,1343334	0	13,68533905	0
242677_at	U133P	NRP1	14,23369565	0,049790445	4,05238727	0,166012851	30,7394366	0	30,9574468	0	17,6008065	0,07828345	17,6008065	0,16096585	35,7786885	0,16096585	6,52297464	0
222877_at	U133P	NRP2	33,64231738	0,049790445	11,2708861	0,166012851	27,7210461	0	43,8188976	0	47,6659529	0,07828345	50,4761905	0,16096585	31,8537465	0	3,474053843	0
225566_at	U133P	NRP2	68,27631103	0,049790445	44,0055944	0,166012851	98,5714286	0	110,168067	0	91,358885	0,07828345	117,666417	0,16096585	35,4431179	0	2,715515567	0
229225_at	U133P	NRP2	5,576009161	0,094925271	10,1976009	0,166012851	17,433763	0	11,9622896	0	34,35097	0,07828345	35,3998546	0,16096585	12,4132655	0	3,392171376	0
214632_at	U133P	NRP2	3,589749632	0,225862787	6,32772586	0,166012851	10,7470899	0	10,5287166	0	14,625576	0,07828345	14,2520348	0,16096585	7,40917838	0	3,732108406	0
213125_at	U133P	OLFML2B	22,86356017	0,049790445	18,0387667	0,166012851	34,3413897	0	36,7388494	0	44,0240124	0,07828345	35,4996877	0,16096585	27,5392789	0	4,730173042	0
155342_s_at	U133P	OTOA	8,301415954	0,049790445	2,7635164	0,365048611	16,0942596	0	10,8617654	0	27,973356	0,07828345	41,960034	0,16096585	9,18308838	0	25,59498595	0
207455_at	U133P	P2RY1	8,772022435	0,049790445	6,68712274	0,166012851	4,77171572	0,318779683	8,61680062	0	15,3404108	0,07828345	4,01001448	0,5514082	13,543977	0	14,82740032	0
218589_at	U133P	P2RY5	35,82449274	0,049790445	13,6416049	0,166012851	2,03145478	0	45,9313842	0	2,13005185	0,07828345	5,01722317	0,16096585	7,87146177	0	11,13843789	0
208373_s_at	U133P	P2RY6	29,30337375	0,049790445	13,6850074	0,166012851	18,6151296	0	37,2302592	0	47,9541925	0,07828345	88,8279003	0,16096585	6,31059602	0	9,008751317	0
207414_s_at	U133P	PCSK6	40,31589537	0,049790445	34,0765306	0,166012851	53,3040702	0	36,8394926	0	61,9573284	0,07828345	61,9573284	0,16096585	29,3262688	0	40,38699924	0
209785_s_at	U133P	PLA2G4C	5,83095445	0,049790445	3,06457926	0,278829014	7,05278328	0	19,1099902	0	12,0970234	0,07828345	7,48709122	0,16096585	4,57373136	0	3,912608961	0
226636_at	U133P	PLD1	24,26001195	0,049790445	10,1875	0,166012851	7,99964522	0	2,29593049	0	48,5606604	0,07828345	2,86158467	0,16096585	27,0801759	0	4,349694566	0
206471_s_at	U133P	PLXNC1	5,136452019	0,415272173	11,3864097	0,166012851	5,20057439	0,318779683	2,94069883	0,29183491	14,5540576	0,07828345	12,4330011	0,16096585	7,10798099	0	35,80704319	0
38671_at	U133P	PLXND1	18,17979371	0,049790445	11,574768	0,166012851	3,07367161	0	28,5295515	0	7,06919137	0,07828345	2,59144055	0,16096585	23,8861971	0	2,609542524	0
1555781_at	U133P	PLQC2	3,652777031	0,049790445	3,65966387	0,166012851	3,86793742	0	3,6762987	0	4,02380952	0,07828345	4,80276552	0,16096585	4,06771026	0	4,07705464	0
204044_at	U133P	QPRT	41,77416595	0,049790445	2,93800199	0,278829014	24,3118512	0	34,9425781	0	110,998977	0,07828345	9,41850373	0,16096585	2,89716178	0	22,78435832	0
211503_s_at	U133P	RAB14	2,640278232	0,049790445	3,51145659	0,166012851	2,91956585	0	2,36257751	0	2,57354418	0,07828345	2,16669397	0,16096585	3,29365789	0	2,301537137	0
209568_s_at	U133P	RLG1	56,64593489	0,049790445	12,6147666	0,166012851	22,8017152	0	68,2002026	0	38,7265748	0,07828345	76,7941074	0,16096585	22,8272104	0	6,784804408	0
205823_at	U133P	RGS12	4,789285714	0,094925271	6,85162477	0,166012851	3,57622888	0,132499772	9,69883701	0	4,76261507	0,07828345	2,55020539	0,61390985	5,07633972	0	3,162283355	0,003674049
209684_at	U133P	RIN2	102,8368777	0,049790445	38,2931805	0,166012851	2,38402057	0	112,873987	0	189,663621	0,07828345	24,4299622	0,16096585	105,837582	0	3,633766957	0
209686_at	U133P	S100B	31,97095501	0,049790445	90,016	0,166012851	129,631336	0	147,020906	0	12,2206936	0,20150297	59,6817539	0,16096585	97,1494743	0	97,90300096	0
201646_at	U133P	SCARB2	16,34780109	0,049790445	6,99299152	0,166012851	6,16547059	0	17,2429057	0	19,2897843	0,07828345	6,147743	0,16096585	4,58996765	0	3,512565685	0,003674049
205508_at	U133P	SCN1B	3,958859932	0,049790445	2,51745926	0,278829014	11,9362977	0	6,40277425	0	11,7546584	0,07828345	8,58958357	0,16096585	4,39387119	0	6,932234432	0
202898_at	U133P	SDC3	28,59358601	0,049790445	2,63815365	0,278829014	26,2375602	0	57,5158339	0	45,4307949	0,07828345	67,8820598	0,16096585	8,00267534	0	2,321023299	0,003674049
231669_at	U133P	SEPP1	5,317641575	0,049790445	10,6825843	0,166012851	38,8061224	0	26,1195055	0	17,7544351	0,07828345	15,3470541	0,16096585	7,50215132	0	23,2671275	0
229620_at	U133P	SEPP1	9,667774086	0,049790445	5,52531646	0,166012851	31,653372	0	17,7655678	0	23,0952381	0,07828345	3,98448197	0,16096585	5,33505601	0	44,54081633	0
1552910_at	U133P	SIGLEC11	9,911669781	0,094925271	2,39060964	0,755571738	2,99544138	0,593812245	21,2429008	0	17,3227645	0,07828345	8,65059598	0,16096585	7,57152666	0	6,657918759	0
210569_s_at	U133P	SIGLEC9	28,15114578	0,049790445	9,68108652	0,166012851	2,64775479	0	10,2285289	0	42,6929902	0,07828345	77,2311396	0,16096585	12,185142	0	37,15444015	0
219385_at	U133P	SLAMF8	54,61526088	0,049790445	44,6905232	0,166012851	67,5794895	0	35,0344374	0	53,5377247	0,07828345	89,0820543	0,16096585	42,5480410	0	161,6839286	0
219386_s_at	U133P	SLAMF8	133,6537071	0,049790445	36,3732776	0,166012851	38,8042736	0	52,6615604	0	57,0429112	0,07828345	567,668971	0,16096585	113,117183	0	529,0342976	0
202800_at	U133P	SLC1A3	207,081761	0,049790445	26,8501864	0,166012851	58,9648997	0	112,145777	0	337,356557	0,07828345	160,145914	0,16096585	107,940165	0	7,498519699	0
1561615_s_at	U133P	SLC8A1	16,25074627	0,094925271	15,7471074	0,278829014	3,34644701	0,940698927	9,17734322	0,16036085	40,3857567	0,07828345	57,1848739	0,16096585	9,3186511	0	14,33260202	0
215820_x_at	U133P	SNX13	2,585287324	0,225862787	5,62705667	0,166012851	2,47169357	0,318779683	2,49412527	0,06059553	4,82672103	0,07828345	5,83175445	0,16096585	4,07543983	0	4,184434123	0
218705_s_at	U133P	SNX24	14,65839518	0,049790445	2,48104098	0,278829014	5,25097199	0	49,1806723	0	5,2601488	0,07828345	39,7078779	0,16096585	3,11729331	0	2,61140089	0
222716_s_at	U133P	SNX24	23,23516484	0,049790445	2,38850481	0,166012851	10,6930453	0	36,5863787	0	8,26376513	0,07828345	21,404276	0,16096585	4,20517157	0	2,811926483	0
223241_at	U133P	SNX8	2,436671576	0,049790445	11,8504132	0,166012851	4,64707026	0	22,2897559	0	10,9016954	0,07828345	12,6057143	0,16096585	8,45673884	0	7,554131179	0
228231_at	U133P	SNX8	4,568941937	0,049790445	12,5763176	0,166012851	18,075285	0	32,010453	0	13,7571129	0,07828345	7,59507275	0,16096585	14,2314232	0	5,186610524	0
223173_at	U133P	SPIN1	7,787638669	0,049790445	7,75778078	0,166012851	2,28813559	0,593812245	17,15909091	0	4,83090838	0,07828345	5,7703147	0,16096585	6,08874406	0	4,742098914	0
1568574_x_at	U133P	SPP1	7,001381597	0,049790445	4,15240905	0,166012851	4,54966602	0	6,04494704	0	11,3827493	0,07828345	7,147935	0,16096585	6,41739557	0	7,283127335	0
209875_s_at	U133P	SPP1	155,3910903	0,049790445	183,224719	0,166012851	256,278485	0	53,4182855	0	199,620517	0,07828345	75,1474654	0,16096585	23,791591	0	103,2115826	0
226837_at	U133P	SPRED1	94,95324675	0,049790445	15,7505386	0,166012851	11,1210148	0	67,1263313	0	57,5157332	0,07828345	20,8730159	0,16096585	13,8254524	0	2,893045095	0,003674049
233039_at	U133P	SPRED1	8,547545334	0,049790445	6,23017408	0,166012851	10,60237	0	17,5627045	0	13,0722403	0,07828345	6,70762182	0,16096585	9,78044232	0	12,72284398	0
233465_at	U133P	SPRED1	7,449031787	0,049790445	5,01179941	0,166012851	8,28376402	0	19,1113611	0	6,42101285	0,07828345	8,63751906	0,16096585	6,39649601	0	11,0955102	0
235074_at	U133P	SPRED1	66,62914863	0,049790445	16,8272595	0,166012851	14,9643505	0	214,165121	0	45,680649	0,07828345	11,6459847	0,16096585	10,5152418	0	2,750744668	0
244439_at	U133P	SPRED1	15,20338983	0,049790445	3,64316797	0,365048611	17,283327	0	29,0291262	0	27,9439252	0,07828345	26	0,16096585	6,76699635	0	12,08080808	0
213112_s_at	U133P	SQSTM1	31,87563025	0,049790445	17,0174966	0,166012851	20,2045382	0	37,3199528	0	44,1634649	0,07828345	38,4316169	0,16096585	9,30735123	0	2,89082803	0,021157058
1555319_at	U133P	STAB1	8,323117761	0,049790445	5,82421479	0,166012851	5,28451921	0	8,05883803	0	13,9425176	0,07828345	8,98483901	0,16096585	9,47913786	0	15,11437336	0
1555320_a_at	U133P	STAB1	4,488416988	0,049790445	4,55212922	0,166012851	6,2286518	0	7,07439525	0	7,70856646	0,07828345	10,122449	0,16096585	6,13636541	0	15,71000235	0
204150_at	U133P	STAB1	270,4745091	0,049790445</														

208161_s_at	U133P	ABCC3	76.38790036	0,049790445	10,8315311	0,166012851	8,02489906	0	128,225806	0	130,090909	0,07828345	143,1	0,16096585	37,4653665	0	5,21786691	0
230682_x_at	U133P	ABCC3	14,85714286	0,049790445	9,19391635	0,166012851	8,32358003	0	9,00726392	0	18,6718147	0,07828345	16,3323202	0,16096585	5,01007036	0	7,03162484	0
239217_x_at	U133P	ABCC3	5,494152047	0,049790445	4,64606146	0,166012851	2,75271023	0	10,8237327	0	8,41845878	0,07828345	6,76385889	0,16096585	5,88360189	0	2,89002198	0
200727_s_at	U133P	ACTR2	2,023358889	0,71232465	12,715826	0,166012851	2,96505813	0,940698927	2,43891174	0,60581622	6,38376317	0,20150297	6,22085595	0,31723588	6,68239135	0	4,513048377	0
202120_x_at	U133P	AP2S1	4,6654133	0,049790445	3,27816204	0,166012851	2,30466553	0	4,98164856	0	6,75904227	0,07828345	5,49958603	0,16096585	4,79096928	0	2,253628885	0
200760_s_at	U133P	ARLBP5	4,042868522	0,049790445	5,63978208	0,166012851	2,11501094	0,132499772	2,80605748	0	2,41565058	0,07828345	2,02729944	0,16096585	5,21852808	0	2,400064852	0
218608_at	U133P	ATP13A2	6,381667689	0,049790445	3,47819549	0,166012851	3,35120255	0	3,69331486	0,06059553	2,02303207	0,854441	2,21466871	0,61390985	3,17071617	0	0,038306231	0
212383_at	U133P	ATP6VOA1	4,964708756	0,049790445	2,56930827	0,166012851	3,16931712	0	3,1136844	0	6,17909903	0,07828345	3,87377087	0,16096585	2,50672011	0	4,729641694	0
214934_at	U133P	ATP9B	7,18595015	0,049790445	4,09644596	0,166012851	3,13912559	0	5,3274164	0	3,24174939	0,07828345	3,00218387	0,16096585	3,88852878	0	4,927445852	0
201733_at	U133P	CLCN3	4,735569456	0,049790445	3,8957729	0,166012851	4,08060945	0	8,13403132	0	4,511013	0,07828345	6,17438424	0,16096585	2,59748142	0	3,43350226	0
232127_at	U133P	CLCN5	3,725897457	0,049790445	5,14847458	0,166012851	2,34817563	0,132499772	8,43590313	0	6,09470305	0,07828345	6,43450263	0,16096585	5,16463085	0	6,329296268	0
204050_s_at	U133P	CLTA	8,729994258	0,049790445	3,67442235	0,166012851	2,53174085	0	4,34945642	0	5,915425	0,07828345	2,4781248	0,16096585	3,61348632	0	2,260856059	0
229168_at	U133P	COL23A1	12,06598482	0,049790445	5,18604651	0,166012851	13,3008438	0	6,6167318	0	12,0715606	0,07828345	10,7767562	0,16096585	6,55587957	0	42,41871255	0
201279_s_at	U133P	DAB2	160,9058403	0,049790445	13,8024713	0,166012851	98,3391608	0	625	0	579,896907	0,07828345	24,0384615	0,16096585	32,3609019	0	2,94965915	0
210757_x_at	U133P	DAB2	86,19648177	0,049790445	13,4824258	0,166012851	62,1686414	0	442,40498	0	308,457204	0,07828345	23,6925039	0,16096585	31,6892526	0	2,242297081	0
232898_at	U133P	DAB2	2,696446849	0,049790445	16,2629521	0,166012851	10,7738635	0	14,6529857	0	10,6674788	0,07828345	9,53737675	0,16096585	10,9745024	0	5,452221646	0
240873_x_at	U133P	DAB2	103,1371429	0,049790445	22,7126678	0,166012851	81,2530012	0	47,1619956	0	246,346679	0,07828345	15,108418	0,16096585	40,4643521	0	10,63756917	0
204829_s_at	U133P	FOLR2	18,04572517	0,049790445	4,61297224	0,166012851	8,03678249	0	146,1249087	0	38,200242	0,07828345	85,6784261	0,16096585	20,7671612	0	160,0295671	0
206087_x_at	U133P	HFE	5,142292614	0,049790445	2,35516677	0,166012851	2,71327297	0	11,8802713	0	5,8739951	0,07828345	15,6655584	0,16096585	5,01730344	0	2,693398822	0
211330_s_at	U133P	HFE	8,309601491	0,049790445	6,56838906	0,166012851	4,12619337	0	13,6379805	0	10,2904762	0,07828345	18,7409335	0,16096585	10,9582747	0	3,726592201	0
214647_s_at	U133P	HFE	5,650184502	0,049790445	4,46153846	0,166012851	4,39393939	0	11,3523132	0	10,1430843	0,07828345	20,3833866	0,16096585	6,88586726	0	2,784506274	0,003674049
235754_at	U133P	HFE	9,697777051	0,049790445	7,80157791	0,166012851	5,1612819	0	10,8664835	0	12,8189007	0,07828345	14,6997176	0,16096585	7,72401269	0	5,827496658	0
226918_at	U133P	JPH4	2,696446849	0,049790445	2,25862787	0,166012851	2,16504649	0,318779683	5,79249906	0	2,84741523	0,20150297	2,24934133	0,5514082	2,67232509	0	9,562354161	0
200900_s_at	U133P	M6PR	16,03904267	0,049790445	13,001899	0,166012851	4,69119561	0	19,0294608	0	5,66989905	0,07828345	7,77329958	0,16096585	6,37767434	0	7,55203412	0
219952_s_at	U133P	MCOLN1	17,0016	0,049790445	3,45392491	0,166012851	4,20016601	0	5,82469988	0	12,2858134	0,07828345	11,7362492	0,16096585	6,83165896	0	11,58147139	0
214770_at	U133P	MSR1	115,7056495	0,049790445	10,028256	0,166012851	14,6832703	0	83,945802	0	133,843656	0,07828345	327,173382	0,16096585	41,1814425	0	83,82325339	0
211887_x_at	U133P	MSR1	4,56691135	0,094925271	4,34138486	0,166012851	7,59650606	0	17,2709801	0	18,1598063	0,07828345	14,9861034	0,16096585	8,99552053	0	7,013223499	0
208423_s_at	U133P	MSR1	4,357991177	0,225862787	3,60657119	0,441369819	6,37053571	0	8,78694581	0	13,4116541	0,07828345	5,78044829	0,16096585	4,67888985	0	13,27098941	0
208189_s_at	U133P	MYO7A	11,87246663	0,049790445	9,83538084	0,166012851	14,8405833	0	13,7907671	0	24,5081633	0,07828345	42,6759062	0,16096585	10,6437504	0	42,8001188	0
33197_at	U133P	MYO7A	7,373282569	0,049790445	7,9087358	0,166012851	4,52570616	0	10,5629862	0	9,13195014	0,07828345	10,3566778	0,16096585	7,92942229	0	16,31575092	0
202075_s_at	U133P	PLTP	196,4706873	0,049790445	11,536293	0,441369819	331,358677	0	97,0225616	0	487,155388	0,07828345	27,4766051	0,16096585	37,8239702	0	72,86657746	0
224921_at	U133P	SCAMP2	7,181737114	0,049790445	3,1059005	0,166012851	2,83741315	0	3,37156923	0	3,62389532	0,07828345	5,75717717	0,16096585	3,30871076	0	6,937774587	0
216392_s_at	U133P	SEC23IP	5,300742647	0,225862787	5,80407222	0,166012851	5,23093969	0,318779683	6,94429123	0,06059553	5,31074241	0,20150297	3,7785114	0,5514082	2,85978993	0,011939093	3,129084037	0,030862012
203123_s_at	U133P	SLC11A2	8,25794433	0,049790445	13,5302385	0,166012851	8,06975208	0	18,2780047	0	7,71185824	0,07828345	7,94960338	0,16096585	9,69978171	0	10,82403714	0
203124_s_at	U133P	SLC11A2	6,607659759	0,049790445	8,81233167	0,166012851	4,88232912	0	27,4372567	0	3,64110044	0,07828345	4,11041816	0,16096585	6,27516422	0	5,338415893	0
203125_x_at	U133P	SLC11A2	7,208198052	0,049790445	3,58590753	0,166012851	4,69693764	0	15,1751537	0	2,90773059	0,07828345	4,45606905	0,16096585	3,99552903	0	2,824174805	0
219915_s_at	U133P	SLC16A10	4,482801363	0,049790445	3,89971694	0,166012851	8,51492142	0	19,10819153	0	3,93857715	0,07828345	6,94412442	0,16096585	5,34389207	0	28,06888188	0
222939_s_at	U133P	SLC16A10	61,84020619	0,049790445	20,8591654	0,166012851	11,1021655	0,132499772	98,4975369	0	76,9038462	0,07828345	79,0316206	0,16096585	17,3958897	0	183,862069	0
221041_s_at	U133P	SLC17A5	5,87630662	0,049790445	3,35362351	0,166012851	8,92328042	0	8,56719535	0	9,59025716	0,07828345	8,12727565	0,16096585	3,1238134	0	3,358106177	0
204981_at	U133P	SLC22A18	9,09289454	0,049790445	4,08936789	0,166012851	2,49256978	0,132499772	2,97501586	0,06059553	5,33502549	0,07828345	8,20084834	0,16096585	3,47326693	0	7,070852769	0
211572_s_at	U133P	SLC23A2	3,172633227	0,415272173	7,535645	0,166012851	7,95907391	0	9,94973426	0	7,22116368	0,07828345	10,8919809	0,16096585	8,18597749	0	15,23880353	0
209003_at	U133P	SLC25A11	11,62315271	0,049790445	3,01359037	0,166012851	2,26555045	0,318779683	2,75849975	0,06059553	4,30951525	0,07828345	2,83640626	0,16096585	2,61803552	0	2,919453453	0
1552695_a_a	U133P	SLC2A13	4,181046676	0,049790445	3,76656473	0,166012851	2,14925547	0	6,07430544	0	3,6835809	0,07828345	6,04647357	0,16096585	2,50622865	0	2,715663757	0
213119_at	U133P	SLC36A1	14,13943222	0,049790445	48,4048984	0,166012851	6,40870141	0	4,95070032	0	15,8049752	0,07828345	15,7599253	0,16096585	24,1657612	0	6,18161047	0
238638_at	U133P	SLC37A2	9,387728089	0,049790445	2,68478261	0,166012851	3,9141438	0	10,9451058	0	12,1863034	0,07828345	9,91670662	0,16096585	5,21314968	0	23,62174378	0
214830_at	U133P	SLC38A6	66,56298466	0,049790445	10,5892754	0,166012851	11,3568606	0	85,392625	0	19,8121192	0,07828345	12,6416298	0,16096585	18,2958973	0	7,427494604	0
198699_s_at	U133P	SLC39A8	22,26028708	0,049790445	8,77574778	0,166012851	14,7246487	0	28,2786287	0	11,1088825	0,07828345	3,79911808	0,31723588	2,75870396	0,03210879	40,66783217	0
207528_s_at	U133P	SLC7A11	3,132367254	0,550622381	2,52352326	0,542560453	7,16884467	0	4,1720681	0	4,61608338	0,07828345	9,85204082	0,16096585	2,31344311	0,12150651	2,540510909	0,038306231
227791_at	U133P	SLC9A9	16,62595176	0,049790445	5,30607667	0,166012851	3,26938058	0	10,013199	0	5,14503213	0,07828345	10,4418138	0,16096585	8,12822241	0	13,81462638	0
242587_at	U133P	SLC9A9	7,111943794	0,049790445	4,44756883	0,166012851	5,16954923	0	7,07944797	0	5,5448437	0,07828345	13,1304047	0,16096585	5,19285849	0	15,08094686	0

206392_s_at	U133P	RARRS1	25.68380952	0,049790445	36,6413043	0,166012851	22,1922317	0	70,8193277	0	39,4730679	0,07828345	7,3634775	0,16096585	29,2000818	0	4,12480881	0
212872_at	U133P	RARRS1	38,0135468	0,049790445	10,0675147	0,166012851	44,2728055	0	65,6186224	0	56,1014177	0,07828345	5,03375734	0,5514082	20,4459865	0	2,31503949	0,178283666
1558924_s_at	U133P	RSN	3,352363	0,71232465	27,8501119	0,166012851	4,07709439	0,593812245	3,13877263	0,60581622	4,94007937	0,22860673	5,91626271	0,5514082	5,81470094	0	2,663979885	0,030862012
41644_at	U133P	SASH1	3,794871795	0,049790445	3,24465733	0,166012851	3,30227064	0	13,0430275	0	9,54114524	0,07828345	13,7111717	0,16096585	6,01228679	0	2,079696918	0,003674049
<b>Signal transduction</b>																		
208212_s_at	U133P	ALK	29,99515738	0,225862787	83,2806723	0,166012851	67,6754985	0	61,5017997	0	76,1167435	0,07828345	99,9838579	0,16096585	61,7137365	0	120,7480963	0
214869_x_at	U133P	GAPVD1	2,445613893	0,225862787	3,51939881	0,166012851	2,66026759	0	3,52815446	0	3,52815446	0,07828345	3,92263041	0,16096585	2,82168978	0	4,150069124	0
1553316_at	U133P	GPR82	5,628084069	0,049790445	6,65837838	0,166012851	9,32052058	0	7,33214286	0	8,1619401	0,07828345	9,97570457	0,16096585	4,72981406	0	8,769340294	0
1553317_s_at	U133P	GPR82	8,514094601	0,049790445	18,7974684	0,166012851	22,3308271	0	11,7205988	0	31,4285714	0,07828345	48,2142857	0,16096585	18,8406593	0	23,73626374	0
230631_s_at	U133P	IFNAR2	93,6031746	0,049790445	4,61604697	0,166012851	3,78024937	0	3,68274785	0	81,7891817	0,07828345	32,092517	0,16096585	11,1498545	0	92,11064107	0
230632_at	U133P	IFNAR2	14,9020936	0,049790445	3,69030192	0,166012851	2,18180343	0	3,47745495	0	21,5810594	0,07828345	26,0730446	0,16096585	4,33795989	0	39,0653753	0
235059_at	U133P	RAB12	13,86567164	0,094925271	61,0610329	0,166012851	6,76128093	0,593812245	52,7840909	0	13,9071856	0,20150297	27,005814	0,16096585	20,9338183	0	8,513172967	0
1552846_s_at	U133P	RAB42	6,076736002	0,049790445	3,13506332	0,166012851	21,6846361	0	49,870386	0	35,61167	0,07828345	10,2241349	0,16096585	8,39142405	0	9,912166892	0
223939_at	U133P	SUCNR1	15,35852373	0,049790445	5,8933526	0,166012851	15,2513089	0	3,49448177	0	20,3991597	0,07828345	6,58751696	0,16096585	12,2589635	0	34,10341463	0
222749_at	U133P	SUFU	12,60729229	0,049790445	4,02519084	0,166012851	3,06213705	0	5,2493778	0	3,37796284	0,07828345	2,24794304	0,16096585	5,38864369	0	2,774533018	0
1554701_a_at	U133P	TBC1D16	10,14384492	0,049790445	5,86026107	0,278829014	10,801057	0	18,6823606	0	11,7270469	0,07828345	11,7200205	0,16096585	8,04798158	0	8,13617232	0
222116_s_at	U133P	TBC1D16	226,1688312	0,049790445	34,3110454	0,166012851	227,982327	0	614,285714	0	120,623377	0,07828345	38,1719546	0,16096585	48,6898949	0	4,016316647	0
228488_at	U133P	TBC1D16	16,91770388	0,049790445	12,1813804	0,166012851	44,4320843	0	23,6196701	0	20,1139677	0,07828345	12,7546218	0,16096585	15,5797616	0	3,531409958	0,003674049
218169_at	U133P	VAC14	20,76628649	0,049790445	3,11536454	0,166012851	12,3085384	0	8,88172399	0	13,4333733	0,07828345	10,8561727	0,16096585	7,15846606	0	16,63554007	0
<b>Cytoskeleton</b>																		
221754_s_at	U133P	CORO1B	14,40136054	0,049790445	3,07108317	0,166012851	2,4168506	0,132499772	5,93773373	0	4,80045351	0,07828345	5,02929997	0,16096585	5,90596031	0	5,005714286	0
64486_at	U133P	CORO1B	7,878722742	0,049790445	2,41046675	0,166012851	2,07839416	0,132499772	6,20678591	0	3,71614267	0,07828345	4,74840452	0,16096585	3,69067085	0	4,277698438	0
204750_s_at	U133P	DSC2	30,5863354	0,049790445	55,8321995	0,166012851	5,31713146	0,593812245	3,7716369	0,60581622	174,130127	0,07828345	30,3750308	0,16096585	48,6139328	0	293,1190476	0
206710_s_at	U133P	EPB41L3	76,43162438	0,049790445	12,9043404	0,166012851	2,09545976	0	167,828017	0	166,85604	0,07828345	11,0216053	0,16096585	85,7327405	0	33,87807097	0
208476_at	U133P	FRMD4A	9,069588866	0,049790445	5,36875	0,166012851	17,950228	0	6,38532234	0	12,662825	0,07828345	16,4616725	0,16096585	13,2553821	0	3,663113006	0
225167_at	U133P	FRMD4A	19,43669092	0,049790445	5,45197886	0,166012851	23,8986212	0	21,5309032	0	26,1087789	0,07828345	23,3445573	0,16096585	14,1870749	0	5,811068518	0
225168_at	U133P	FRMD4A	16,90298813	0,049790445	3,16623217	0,278829014	50,679215	0	42,8716777	0	47,8826531	0,07828345	40,2946916	0,16096585	17,0027266	0	2,677371947	0
208475_at	U133P	FRMD4A	2,357971495	0,415272173	2,51023289	0,526749974	9,17225374	0	8,6125908	0	3,76344454	0,22860673	7,67587397	0,16096585	2,3321941	0,00844097	5,277573506	0
232473_at	U133P	FRMD4A	3,765720232	0,415272173	2,45465116	0,441369819	11,0871849	0	6,55590062	0	6,10468479	0,07828345	10,9662338	0,16096585	3,49831672	0	4,328776487	0
1560031_at	U133P	FRMD4A	3,794947735	0,550622381	4,37673297	0,365048611	15,3899958	0	7,94246336	0	6,34037723	0,07828345	12,5579384	0,16096585	8,49685795	0	4,292216749	0
219106_s_at	U133P	KBTBD10	3,526073248	0,415272173	5,24458874	0,278829014	8,83017493	0,132499772	7,59085213	0,06059553	10,6834215	0,07828345	7,06413994	0,16096585	7,72993544	0	2,037133048	0,146861656
201668_x_at	U133P	MARCKS	4,007941699	0,415272173	3,38197729	0,441369819	5,55991912	0,132499772	5,01895402	0,16036085	32,3214286	0,07828345	53,1956845	0,16096585	3,96686006	0	2,432285317	0,05204955
205872_x_at	U133P	PDE4DIP	125,5261495	0,049790445	15,7807784	0,166012851	16,1940988	0	83,1529018	0	155,949765	0,07828345	59,9637827	0,16096585	76,7975895	0	5,401685648	0
210305_at	U133P	PDE4DIP	164,277551	0,049790445	29,3139111	0,166012851	57,2680706	0	104,161491	0	133,714286	0,07828345	62,49689944	0,16096585	69,1228431	0	4,020544923	0,003674049
211751_at	U133P	PDE4DIP	9,353052234	0,049790445	12,6377551	0,166012851	4,32588194	0,132499772	5,25010598	0	7,96975547	0,20150297	4,83411397	0,31723588	4,49578403	0	7,053630755	0
212392_s_at	U133P	PDE4DIP	6,256637168	0,049790445	4,82829268	0,365048611	13,972332	0	8,14516129	0	7,9082774	0,07828345	5,6200318	0,31723588	3,30434623	0	4,007557865	0
214099_s_at	U133P	PDE4DIP	7,227782392	0,094925271	2,26886977	0,578623484	6,90079695	0	13,8525078	0	2,79617313	0,56723684	2,5714729	0,31723588	2,45157185	0	3,248017169	0
1567457_at	U133P	RAC1	3,86512866	0,550622381	2,71232877	0,632931369	2,92427497	0,940698927	3,06846999	0,60581622	10,1020408	0,20150297	5,89285714	0,61390985	4,44090165	0	3,444385872	0,030862012
224563_at	U133P	WASF2	10,47400737	0,550622381	11,1640489	0,441369819	6,59824652	0,593812245	5,57910344	0,29183491	11,2682755	0,22860673	7,25859526	0,61390985	9,90102859	0	11,79170507	0,021157058
<b>Protein binding</b>																		
1569827_at	U133P	APG7L	4,91771643	0,094925271	3,43595506	0,278829014	2,3793962	0,940698927	2,27056727	0,16036085	5,79386131	0,20150297	2,41357537	0,61390985	2,24718932	0,00844097	2,477450716	0,003674049
230292_at	U133P	CHC1L	17,75844156	0,049790445	2,05443451	1,021589699	2,96015427	0,318779683	3,23036832	0,06059553	7,73470134	0,07828345	8,32499719	0,16096585	2,83529694	0,00844097	19,7777036	0
205003_at	U133P	DOCK4	56,74054622	0,049790445	17,8686735	0,166012851	11,1288603	0	5,32480975	0	42,5867234	0,07828345	40,2331297	0,16096585	16,1940773	0	9,026276579	0
201411_s_at	U133P	PLEKH2	5,953921191	0,049790445	7,89230115	0,166012851	2,68766803	0	3,88140004	0	5,24348337	0,07828345	6,13698304	0,16096585	7,84837211	0	4,330714052	0
227741_at	U133P	PTPLB	2,821508828	0,550622381	4,98996972	0,166012851	3,19917979	0,593812245	8,75572823	0	3,28339809	0,22860673	2,90865968	0,61390985	2,36008503	0,00447705	2,328486062	0,021157058
225418_at	U133P	PVRL2	4,040480933	0,049790445	3,91459884	0,166012851	5,13564104	0	4,95679724	0	8,1754189	0,07828345	3,06624555	0,31723588	5,34713354	0	3,033854619	0
1552806_a_at	U133P	SIGLEC10	9,097450227	0,225862787	11,7881874	0,166012851	8,19211172	0	4,65572716	0,60581622	15,3690919	0,07828345	20,7753051	0,16096585	15,9155588	0	47,17410007	0
204787_at	U133P	VSIG4	106,8229762	0,049790445	14,2884541	0,166012851	6,94015975	0	135,693804	0	189,157744	0,07828345	182,639559	0,16096585	63,2119789	0	224,3470899	0
224730_at	U133P	WDR68	5,469017958	0,049790445	7,45238095	0,166012851	5,20269646	0	8,8808019	0	5,26222388	0,07828345	2,26912079	0,61390985	4,90119427	0	5,395690343	0
221745_at	U133P	WDR68	4,531024531	0,094925271	3,53531218	0,166012851	4,86807983	0	5,28975741	0	7,58654015	0,07828345	2,549228	0,5514082	2,90163399	0	5,757626271	0
<b>Cell organization and biogenesis</b>																		
202767_at	U133P	ACP2	15,65057009	0,049790445	3,72228426	0,166012851	6,64587605	0	9,68686002	0	7,88078352	0,07828345	4,39978631	0,16096585	2,95852931	0	3,720273155	0
204638_at	U133P	ACP5	7,829952819	0,049790445	8,03955451	0,166012851	22,2274999	0	57,7513095	0	16,1040416	0,07828345	40,7018963	0,16096585	18,4032853	0	156,17366	0

227642_at	U133P	TFCP2L1	5,831356369	0,094925271	4,49493143	0,365048611	11,1360615	0	26,8542928	0	4,8289558	0,07828345	7,84309645	0,16096585	13,9958918	0	25,23883929	0
225868_at	U133P	TRIM47	20,05811138	0,049790445	4,43849121	0,166012851	44,1577825	0	49,9758687	0	23,859447	0,07828345	3,10383071	0,5514082	4,95795436	0	6,174409938	0
<b>Immune response</b>																		
218831_s_at	U133P	FCGRT	22,40525341	0,049790445	8,0165636	0,166012851	2,40313807	0	3,11277473	0	22,3966517	0,07828345	28,2695153	0,16096585	9,70849358	0	16,24227358	0
233177_s_at	U133P	MR-1	8,045938553	0,049790445	7,28518791	0,166012851	5,10218827	0	11,3863401	0	15,8565013	0,07828345	2,58597238	0,31723588	9,5421326	0	13,47886684	0
<b>Others</b>																		
1556314_a_a	U133P	---	19,10494245	0,049790445	2,58690869	0,632931369	6,9263623	0,132499772	26,0409745	0	37,3253968	0,07828345	33,2602546	0,16096585	14,4009885	0	43,81677019	0
227684_at	U133P	---	3,845375174	0,049790445	5,19487179	0,166012851	8,86295233	0	12,4069175	0	4,6146137	0,07828345	6,38520498	0,16096585	3,01858486	0	2,472058178	0,021157058
227853_at	U133P	---	12,80296886	0,049790445	5,19262638	0,166012851	4,17245197	0	23,1619601	0	8,37648684	0,07828345	10,0399626	0,16096585	5,88625211	0	2,452610595	0
228101_at	U133P	---	7,94010989	0,049790445	2,2005482	0,632931369	3,7562383	0	5,71547224	0	4,04314252	0,07828345	7,98309579	0,16096585	4,44776543	0	3,258766649	0,003674049
228478_at	U133P	---	4,348750151	0,049790445	3,39335689	0,166012851	4,78609306	0	3,78472113	0	4,73455865	0,07828345	10,8879819	0,16096585	5,79914411	0	2,32221246	0
229121_at	U133P	---	42,82822874	0,049790445	12,4962505	0,166012851	31,1996817	0	144,274892	0	16,5487363	0,07828345	120,533454	0,16096585	41,704733	0	10,0550611	0
229296_at	U133P	---	53,90846047	0,049790445	18,3512748	0,166012851	10,63711	0	46,5039483	0	84,9017038	0,07828345	85,6878307	0,16096585	46,871158	0	2,253250047	0,095721731
229635_at	U133P	---	5,660845588	0,049790445	5,54222908	0,166012851	3,06967703	0	4,19664759	0	11,880787	0,07828345	10,6043388	0,16096585	8,08969904	0	15,72176133	0
229951_x_at	U133P	---	29,236602484	0,049790445	10,6192893	0,166012851	9,89593188	0	34,0901684	0	15,3260073	0,07828345	14,4375431	0,16096585	22,131112	0	2,555548015	0,009971334
229968_at	U133P	---	6,862487361	0,049790445	3,89290397	0,166012851	3,80778725	0	2,27301264	0	8,88118294	0,07828345	7,3214671	0,16096585	3,99557309	0	34,10552764	0
230278_at	U133P	---	11,1027259	0,049790445	7,53107345	0,166012851	3,28428079	0	29,0126632	0	6,21946047	0,07828345	17,1697892	0,16096585	19,9063689	0	17,06488216	0
230391_at	U133P	---	6,807841808	0,049790445	13,0630035	0,166012851	5,5085623	0	30,5285067	0	3,28902954	0,07828345	5,58998599	0,16096585	29,2587846	0	101,5676359	0
238727_at	U133P	---	15,64332264	0,049790445	15,5484269	0,166012851	12,9516958	0	19,4836116	0	41,6732804	0,07828345	19,3996305	0,16096585	18,1033521	0	50,29901879	0
240856_at	U133P	---	11,89080983	0,049790445	11,0558376	0,166012851	8,0191458	0,132499772	26,3680387	0	6,455246	0,20150297	14,9587912	0,16096585	9,57478625	0	12,83063281	0
241418_at	U133P	---	4,026404594	0,049790445	3,38156325	0,166012851	5,26083728	0	4,13505034	0	7,44841635	0,07828345	3,3373572	0,16096585	4,65227775	0	3,71112018	0
242281_at	U133P	---	42,14748353	0,049790445	16,8670332	0,166012851	5,99635398	0	10,114999	0	97,3442559	0,07828345	63,7593315	0,16096585	50,790877	0	73,62563265	0
242465_at	U133P	---	6,364872416	0,049790445	6,43559322	0,166012851	8,99052881	0	10,6358543	0	6,53003898	0,07828345	15,5870279	0,16096585	8,40205252	0	8,406125085	0
244352_at	U133P	---	5,720689069	0,049790445	8,21357091	0,166012851	5,95403234	0	17,7784235	0	2,67427999	0,07828345	4,7278577	0,16096585	18,1547262	0	47,20738836	0
244434_at	U133P	---	19,67032967	0,049790445	23,3358896	0,166012851	28,5996241	0	35,7495301	0	56,0198822	0,07828345	40,1027939	0,16096585	25,5194205	0	67,92410714	0
236673_at	U133P	---	5,417859338	0,094925271	3,45564516	0,365048611	16,4702114	0	19,1294643	0	18,0928923	0,07828345	10,202381	0,16096585	4,24511155	0	48,433281	0
237393_at	U133P	---	2,924919171	0,094925271	4,00886263	0,166012851	4,81433302	0	4,33684883	0	2,83278825	0,07828345	5,640848	0,16096585	3,18271051	0	4,916419262	0
236147_at	U133P	---	2,20717671	0,415272173	3,15204254	0,166012851	2,9911001	0	5,114929	0	5,19770408	0,07828345	4,742508	0,16096585	2,22551016	0	5,666485606	0
238720_at	U133P	---	6,641163185	0,415272173	8,44935345	0,365048611	6,42283748	0,318779683	8,77854904	0,06059553	8,02394597	0,22860673	13,5610515	0,16096585	6,23255829	0	11,92698694	0
238780_s_at	U133P	---	9,47578998	0,415272173	3,51410239	0,933925829	10,28923668	0,593812245	11,5130945	0,16036085	15,1068843	0,20150297	13,3745421	0,31723588	6,09655107	0,01866271	26,38574774	0
216555_at	U133P	---	2,183370846	0,550622381	5,18096136	0,166012851	3,89140592	0	4,51832977	0	3,76816562	0,20150297	3,30229485	0,16096585	2,68607519	0	3,48628508	0
242964_at	U133P	---	8,924758516	0,550622381	8,76873127	0,526749774	16,4557555	0,132499772	15,2360701	0	13,0890248	0,20150297	21,0038287	0,16096585	12,6508523	0	27,63478945	0
1569100_a_a	U133P	---	14,41558442	0,71232686	8,27476038	0,576632484	27,1619403	0,940989927	17,961165	0,79985209	36,2745098	0,56723684	33,6363636	0,95244936	9,9533997	0,00447705	32,64705882	0,009971334
225847_at	U133P	AADACL1	23,60398835	0,049790445	10,8927437	0,166012851	2,23839982	0,318779683	29,5963887	0	13,9246674	0,07828345	17,1235158	0,16096585	11,4787016	0	2,735690253	0,003674049
224435_at	U133P	C10orf58	6,817630567	0,049790445	2,16726775	0,166012851	16,9128494	0	23,1157979	0	7,86097704	0,07828345	2,19152414	0,16096585	2,44731194	0	36,49952003	0
228155_at	U133P	C10orf58	9,39076618	0,049790445	3,83469164	0,166012851	10,400282	0	23,1930406	0	6,84551788	0,07828345	2,06073839	0,5514082	2,59358956	0	32,29555892	0
213246_at	U133P	C14orf109	13,80362349	0,049790445	2,87072326	0,166012851	3,53357926	0	5,13741629	0	4,70593664	0,07828345	4,36855772	0,16096585	4,77220045	0	5,468044299	0
223124_s_at	U133P	C1orf128	2,165939324	0,049790445	6,9381316	0,166012851	4,91387537	0	6,34463143	0	2,38356259	0,07828345	2,93460296	0,16096585	3,6050361	0	2,787930743	0
1558693_s_a	U133P	C1orf85	27,68693918	0,049790445	10,4735991	0,166012851	6,7779947	0	11,9533402	0	17,6026876	0,07828345	12,7175307	0,16096585	7,62110872	0	10,34778288	0
225401_at	U133P	C1orf85	27,15861371	0,049790445	7,11128144	0,166012851	5,42606744	0	11,5902319	0	17,1356062	0,07828345	12,8099943	0,16096585	7,87036678	0	7,540774039	0
225825_at	U133P	C20orf194	5,771743235	0,049790445	8,2243141	0,166012851	2,66297909	0	11,6089466	0	4,59424123	0,07828345	3,89727442	0,16096585	8,98603901	0	3,524847227	0
226607_at	U133P	C20orf194	12,65117637	0,049790445	4,8998779	0,166012851	3,60506668	0	17,0846736	0	6,11034039	0,07828345	4,04291759	0,16096585	13,89010222	0	4,040648512	0
224742_at	U133P	C20orf22	7,386629637	0,049790445	3,33604669	0,166012851	7,22972973	0	14,1948765	0	9,36896135	0,07828345	8,36613642	0,16096585	3,96260432	0	8,815340909	0
228123_s_at	U133P	C20orf22	23,54025974	0,049790445	7,54135936	0,166012851	13,0241035	0	27,8269972	0	10,8534196	0,07828345	13,0959606	0,16096585	6,7507408	0	8,346264533	0
228124_at	U133P	C20orf22	14,99519059	0,049790445	5,42136785	0,166012851	7,62983305	0	35,6013702	0	6,90919387	0,07828345	8,58029599	0,16096585	4,62702301	0	7,501102671	0
212421_at	U133P	C2orf9	3,424075051	0,049790445	3,18429611	0,166012851	2,12754289	0	2,75015662	0	6,52150469	0,07828345	5,02271839	0,16096585	2,92143635	0	5,387043951	0
221245_s_at	U133P	C2orf31	38,91032096	0,049790445	8,47604359	0,166012851	11,7533504	0	12,0221081	0	36,5287132	0,07828345	7,23571955	0,16096585	10,3478729	0	5,510929875	0
239529_at	U133P	C5orf20	5,024746907	0,225862787	4,70086819	0,365048611	6,67862749	0	12,7373824	0	10,2266484	0,07828345	8,42432815	0,16096585	4,16540194	0	12,09749492	0
226301_at	U133P	C6orf192	2,424772956	0,225862787	5,47696784	0,166012851	2,2079166	0,940698927	48,1677328	0	3,62856544	0,07828345	8,80796423	0,16096585	6,53610025	0	8,068655561	0
1569403_at	U133P	C7orf10	2,586005831	0,049790445	2,93708609	0,166012851	5,95835199	0	6,05320201	0	4,11410019	0,07828345	7,69519954	0,16096585	4,3831443	0	7,811154599	0
229958_at	U133P	C8orf61	3,453124639	0,049790445	3,66558681	0,166012851	6,00902815	0	18,1621188	0	5,06284575	0,07828345	3,55685423	0,16096585	8,33404334	0	5,147613303	0
232136_s_at	U133P	CTTNBP2	18,70894526	0,049790445	21,0405405	0,166012851	39,4843618	0	123,571429	0	31,0365449	0,07828345	133,457143	0,16096585	10,7408474	0	42,25555974	0
219468_s_at	U133P	CUEDC1	14,66340509	0,049														



226738_at	U133P	FLJ33817	3,06818914	0,094925271	2,91580774	0,166012851	3,80614909	0	7,83137814	0	3,62496828	0,07828345	4,45894067	0,16096585	3,51390107	0	4,246993101	0
1556558_s_at	U133P	FLJ36665	6,379310345	0,094925271	6,60714286	0,278829014	12,8472222	0	9,84042553	0	7,77310924	0,07828345	4,74358974	0,5514082	2,92262719	0,01866271	4,466800805	0,003674049
242951_at	U133P	FLJ37794	3,075503807	0,094925271	6,31677704	0,166012851	2,44051173	0	8,60601504	0	3,38959962	0,07828345	4,28946185	0,16096585	5,29024158	0	7,564269193	0
1553141_at	U133P	FLJ38725	14,83033096	0,049790445	11,1204188	0,166012851	35,9853619	0	37,4788255	0	32,4175824	0,07828345	41,7715544	0,16096585	13,6397009	0	16,63533835	0
1553142_at	U133P	FLJ38725	64,73809524	0,049790445	64,9199438	0,166012851	53,0810749	0	105,483797	0	86,8853383	0,07828345	43,2152206	0,16096585	90,8873183	0	14,01971489	0
228937_at	U133P	FLJ38725	100,0226105	0,049790445	30,8098012	0,166012851	19,3961256	0	51,6154695	0	57,2428477	0,07828345	23,1225766	0,16096585	47,9684415	0	4,987316733	0
227570_at	U133P	FLJ90119	7,898826386	0,049790445	6,72107438	0,166012851	7,16709262	0	14,1336462	0	34,6801706	0,07828345	10,7373911	0,16096585	6,03710253	0	19,48487571	0
238710_at	U133P	FLJ90119	5,202257202	0,049790445	2,416	0,166012851	3,63281898	0	5,69737184	0	4,62017303	0,07828345	5,04086566	0,16096585	4,81982415	0	8,31784725	0
202528_at	U133P	GALE	4,11822032	0,049790445	2,18656608	0,278829014	3,73809524	0	5,69313289	0	4,96115866	0,07828345	2,86932684	0,16096585	3,14990028	0	2,907360671	0
203308_x_at	U133P	HPS1	4,615539108	0,049790445	5,19412356	0,166012851	2,26380194	0,132499772	2,41398226	0	2,98757764	0,07828345	3,22215298	0,16096585	5,39957284	0	3,071428571	0
204544_at	U133P	HPS5	7,538206573	0,049790445	5,19953572	0,166012851	4,21472193	0	5,77854915	0	4,93164395	0,07828345	4,52696371	0,16096585	4,66669152	0	2,362819022	0
226559_at	U133P	IER5L	3,93178022	0,049790445	4,43690476	0,166012851	2,86405902	0	8,99372587	0	5,02291105	0,07828345	4,70343261	0,16096585	4,91680993	0	2,494784403	0
227154_at	U133P	IGSF21	16,29276316	0,225862787	3,82682119	0,690451601	7,07369323	0,940698927	12,2659733	0,29183491	36,5265487	0,07828345	26,2898089	0,31723588	9,07221357	0	37,73714286	0
201728_s_at	U133P	KIAA0100	2,104308021	1,031279884	3,11881393	0,526749774	3,42800363	0,940698927	4,52131324	0,06059553	4,46051776	0,20150297	3,11231854	0,61390985	2,69181036	0	4,053669345	0
219387_at	U133P	KIAA1212	9,625335295	0,049790445	10,1700494	0,166012851	3,29015084	0,318779683	32,2210636	0	23,2739141	0,07828345	3,22289052	0,31723588	4,49354189	0	8,787076899	0
226460_at	U133P	KIAA1450	30,91524387	0,049790445	8,91123843	0,166012851	4,27497378	0	23,6144072	0	6,79586459	0,07828345	4,96513044	0,16096585	5,81039028	0	4,668180174	0
224853_at	U133P	KIAA1458	3,569899052	0,049790445	2,06329562	0,441369819	2,68720641	0	2,55696757	0,29183491	2,0450722	0,56723684	3,66244037	0,16096585	2,58601196	0	2,748037677	0
238506_at	U133P	LOC116064	2,803113553	0,094925271	2,06964165	0,365048611	4,20467033	0	3,00335595	0,06059553	3,07947686	0,07828345	3,8766464	0,16096585	2,37797746	0	4,52364532	0
238654_at	U133P	LOC147645	12,76895669	0,049790445	28,1073529	0,166012851	13,4902597	0	21,9487827	0	37,609209	0,07828345	7,80122449	0,16096585	18,2574858	0	6,87044304	0
1561342_at	U133P	LOC150005	3,078325123	0,550622381	2,88105118	0,526749774	7,22260749	0,132499772	5,06073858	0,16036085	8,85629252	0,07828345	5,70060208	0,31723588	2,01158096	0,36047698	6,104209304	0
238422_at	U133P	LOC151534	2,7210676	0,094925271	3,0886516	0,166012851	4,09414088	0	10,9412386	0	7,56109422	0,07828345	5,1176761	0,16096585	5,60467072	0	6,187546638	0
226273_at	U133P	LOC158563	2,878981417	0,415272173	6,14511873	0,166012851	3,97413146	0	7,95967191	0	5,79237963	0,07828345	5,73249975	0,16096585	4,41847021	0	5,454332553	0
228845_at	U133P	LOC196463	10,75991649	0,049790445	4,24047955	0,166012851	3,7331595	0	23,0913978	0	11,7189632	0,07828345	9,20685959	0,16096585	4,79487518	0	3,636620215	0
214719_at	U133P	LOC283537	3,888513985	0,049790445	3,55638868	0,166012851	3,42494621	0	5,5983616	0	2,86961353	0,07828345	4,56565299	0,16096585	3,87464409	0	4,174529996	0
235751_s_at	U133P	LOC284013	42,00989011	1,031279884	13,628877	0,632931369	15,5858611	0,940698927	137,911255	0	86,6870748	0,22860673	89,2366947	0,5514082	27,0371218	0,00447705	2,140211899	0,837584124
232504_at	U133P	LOC285628	11,66628571	0,049790445	3,23857868	0,166012851	11,0811984	0	13,2571429	0	3,33246278	0,56723684	2,39063232	0,61390985	3,15786192	0,00447705	23,39495798	0
227300_at	U133P	LOC338773	24,0826686	0,049790445	17,6742948	0,166012851	28,4771051	0	11,0589411	0	15,7827203	0,07828345	181,079607	0,16096585	18,2439377	0	2,817411222	0
227040_at	U133P	LOC387921	14,12708693	0,049790445	2,60179376	0,166012851	2,82764821	0	8,88895945	0	7,82458004	0,07828345	6,44919022	0,16096585	4,64597614	0	6,266202819	0
227969_at	U133P	LOC400960	5,225732448	0,049790445	3,02556865	0,166012851	4,65204738	0	3,04905799	0,06059553	3,28863784	0,07828345	3,31459857	0,16096585	4,49458646	0	11,27777205	0
229826_at	U133P	LOC440957	9,001744524	0,049790445	8,09623431	0,166012851	4,91865785	0	24,3549402	0	15,0642273	0,07828345	7,81976157	0,16096585	3,54861302	0	3,048844538	0
1552302_at	U133P	MGC20235	5,844782227	0,049790445	6,73621138	0,166012851	8,77435492	0	34,4622544	0	15,216895	0,07828345	4,27846964	0,16096585	10,2614288	0	17,51642576	0
1552303_a_a	U133P	MGC20235	5,501743116	0,049790445	4,05912953	0,166012851	4,66017678	0	10,6028626	0	7,65250082	0,07828345	2,98851015	0,16096585	4,8637343	0	11,56142734	0
1558703_at	U133P	MGC9564	12,44956611	0,049790445	3,07140884	0,166012851	11,5014999	0	34,7561738	0	37,4612534	0,07828345	10,992091	0,16096585	3,71302748	0	5,469235499	0
214120_at	U133P	RFPL1S	2,945529291	0,71232465	7,32992327	0,166012851	7,23372034	0	13,7392138	0	4,16085947	0,22860673	5,11785714	0,31723588	8,51021744	0	7,962954388	0
224674_at	U133P	TTYH3	7,107122691	0,049790445	7,78605514	0,166012851	3,17894486	0	10,0085196	0	11,1643731	0,07828345	6,35885333	0,16096585	9,68073929	0	5,329401624	0

Table S2. Common secreted and extracellular matrix-associated osteoclast genes identified in our study and in Pederson *et al.* study(1)

Chip	Probeset	Gene	Banding	Affymetrix description
U133P	206134_at	ADAMDEC1	8p21.2	ADAM-like; decysin 1
U133P	218232_at	C1QA	1p36.3-p34.1	complement component 1; q subcomponent; alpha polypeptide
U133P	202953_at	C1QB	1p36.3-p34.1	complement component 1; q subcomponent; beta polypeptide
U133P	225353_s_at	C1QG	1p36.11	complement component 1; q subcomponent; gamma polypeptide
U133P	208075_s_at	CCL7	17q11.2-q12	chemokine (C-C motif) ligand 7 /// chemokine (C-C motif) ligand 7
U133P	214038_at	CCL8	17q11.2	chemokine (C-C motif) ligand 8
U133P	203104_at	CSF1R	5q33-q35	colony stimulating factor 1 receptor
U133P	213274_s_at	CTSB	8p22	cathepsin B
U133P	213275_x_at	CTSB	8p22	cathepsin B
U133P	227961_at	CTSB	8p22	cathepsin B
U133P	225646_at	CTSC	11q14.1-q14.3	cathepsin C
U133P	225647_s_at	CTSC	11q14.1-q14.3	cathepsin C
U133P	202450_s_at	CTSK	1q21	cathepsin K (pseudodeficiency)
U133P	214974_x_at	CXCL5	4q12-q13	chemokine (C-X-C motif) ligand 5
U133P	215101_s_at	CXCL5	4q12-q13	chemokine (C-X-C motif) ligand 5
U133P	230631_s_at	IFNAR2	21q22.1	Interferon (alpha; beta and omega) receptor 2
U133P	230632_at	IFNAR2	21q22.1	Interferon (alpha; beta and omega) receptor 2
U133P	209541_at	IGF1	12q22-q23	insulin-like growth factor 1 (somatomedin C)
U133P	209542_x_at	IGF1	12q22-q23	insulin-like growth factor 1 (somatomedin C)
U133P	211577_s_at	IGF1	12q22-q23	insulin-like growth factor 1 (somatomedin C)
U133P	207433_at	IL10	1q31-q32	interleukin 10
U133P	222868_s_at	IL18BP	11q13	interleukin 18 binding protein
U133P	204575_s_at	MMP19	12q14	matrix metalloproteinase 19
U133P	209785_s_at	PLA2G4C	19q13.3	phospholipase A2; group IVC (cytosolic; calcium-independent)
U133P	206214_at	PLA2G7	6p21.2-p12	phospholipase A2; group VII (platelet-activating factor acetylhydrolase; plasma)
U133P	208381_s_at	SGPL1	10q21	sphingosine-1-phosphate lyase 1
U133P	212321_at	SGPL1	10q21	sphingosine-1-phosphate lyase 1
U133P	212322_at	SGPL1	10q21	sphingosine-1-phosphate lyase 1
U133P	1568574_x_at	SPP1	4q21-q25	Secreted phosphoprotein 1 (osteopontin; bone sialoprotein I; early T-lymphocyte activation 1)
U133P	209875_s_at	SPP1	4q21-q25	secreted phosphoprotein 1 (osteopontin; bone sialoprotein I; early T-lymphocyte activation 1)
U133P	207037_at	TNFRSF11A	18q22.1	tumor necrosis factor receptor superfamily; member 11a; NFkB activator
U133P	238846_at	TNFRSF11A	18q22.1	tumor necrosis factor receptor superfamily; member 11a; NFkB activator
U133P	219725_at	TREM2	6p21.1	triggering receptor expressed on myeloid cells 2

(1) Regulation of bone formation by osteoclasts involves Wnt/BMP signaling and the chemokine sphingosine-1-phosphate.

Pederson L, Ruan M, Westendorf JJ, Khosla S, Oursler MJ. Proc Natl Acad Sci U S A. 2008 Dec 30;105(52):20764-9. Epub 2008 Dec 15.

Figure S1

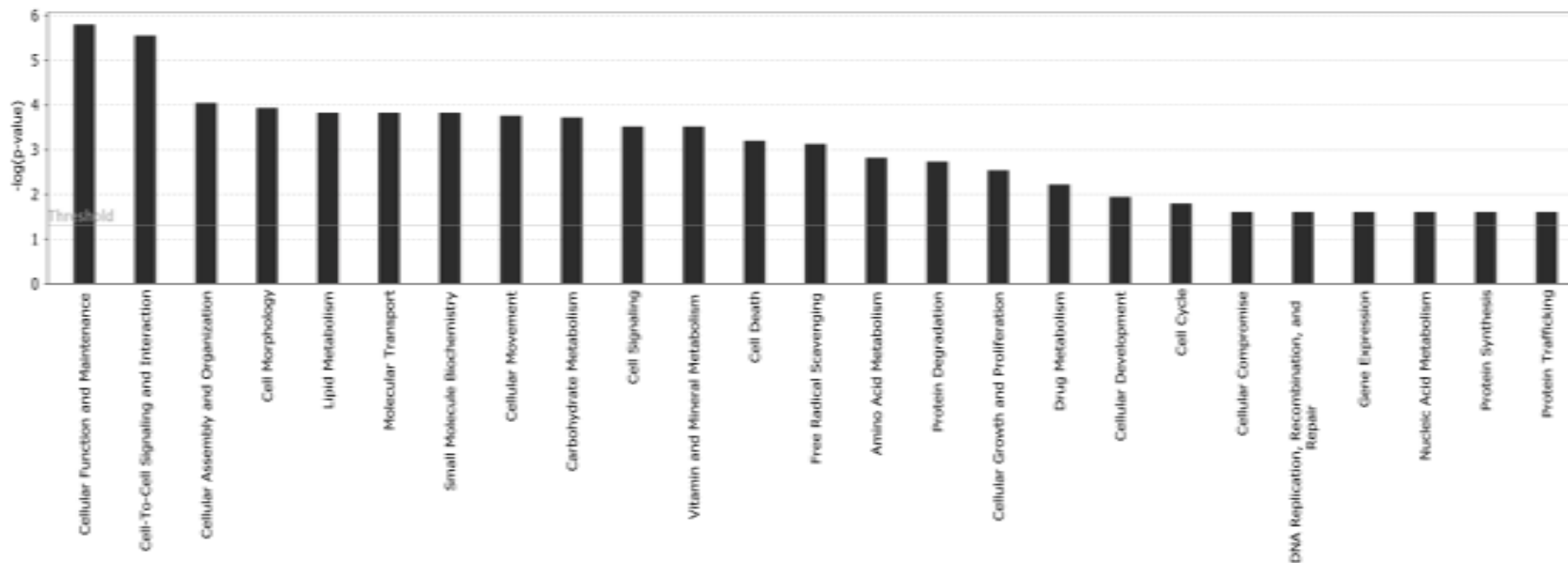
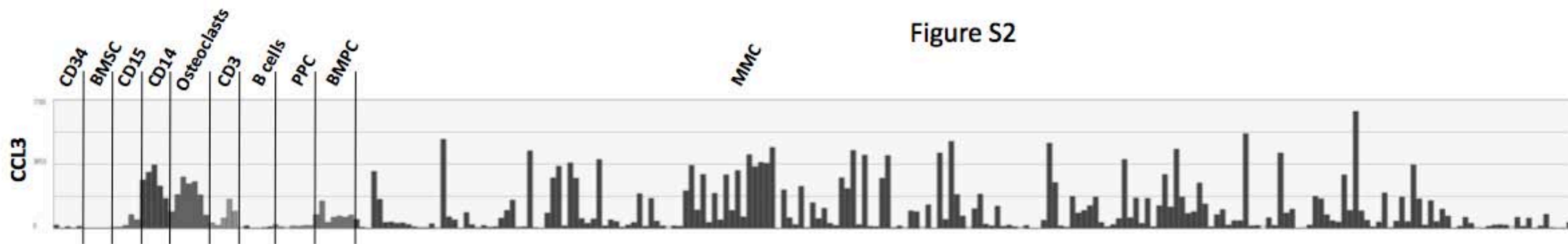


Figure S1. Major pathways of osteoclast gene signature

The *networks* were generated through the use of Ingenuity Pathways Analysis (Ingenuity® Systems, [www.ingenuity.com](http://www.ingenuity.com)). A data set containing gene identifiers and corresponding expression values was uploaded into in the application. Each gene identifier was mapped to its corresponding gene object in the Ingenuity Pathways Knowledge Base.



**Figure S2:** *MIP1 $\alpha$ /CCL3* gene expression in BM CD34 cells, BM stromal cells, purified BM CD15, CD14 and CD3 cells, osteoclasts, normal memory B cells, normal polyclonal plasmablasts, normal BM plasma cells (BMPC), and purified myeloma cells from patients with multiple myeloma (MM).

Figure S3

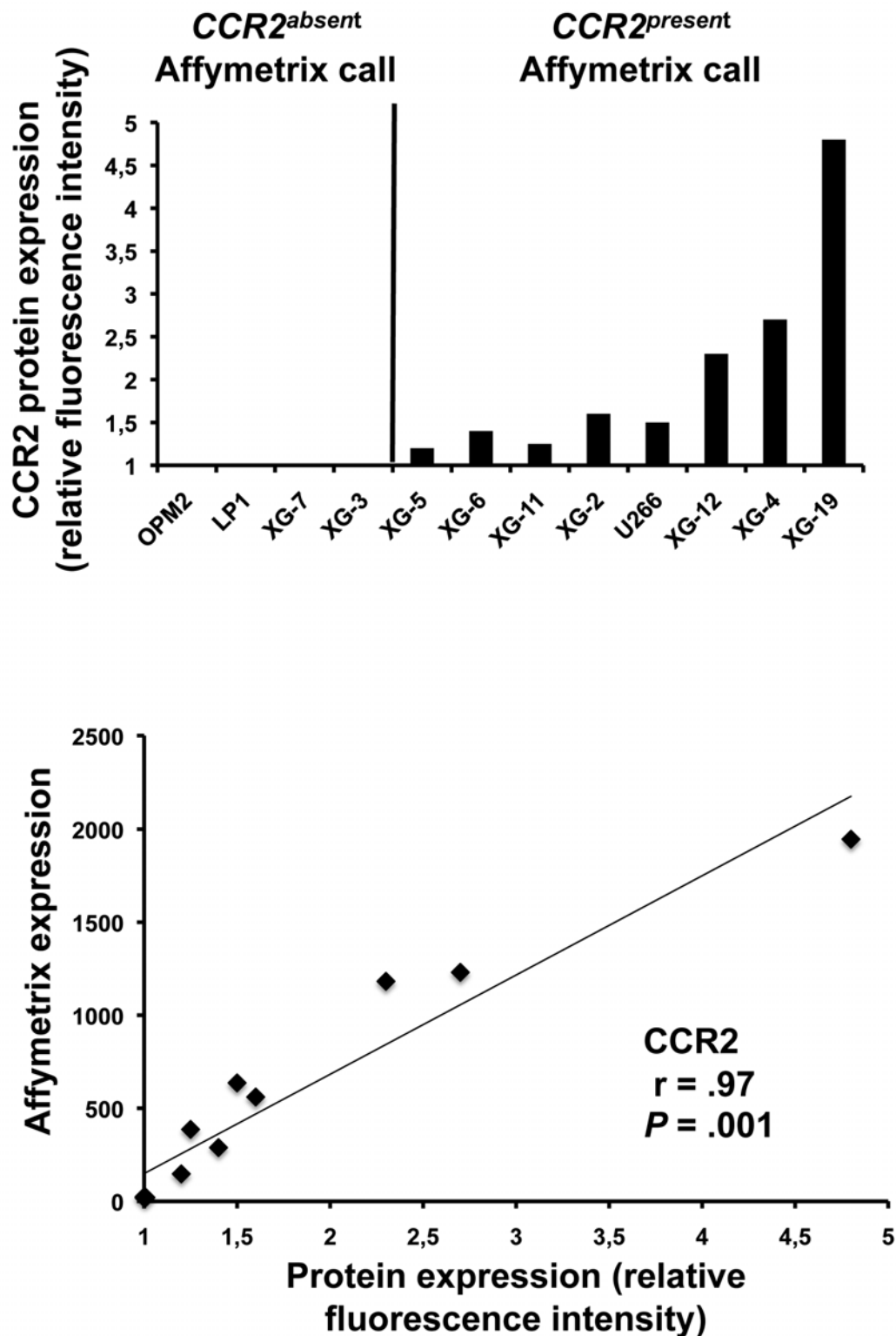


Figure S3. Validation of Affymetrix data.

CCR2 expression in 12 HMCLs was determined using Affymetrix microarrays or FACS analysis using labeling of MMC with a PE-conjugated anti-CCR2 MoAb, or PE-conjugated isotype matched control antibody. The coefficient of correlation between Affymetrix and protein expression (relative fluorescence intensity) was determined.

Figure S4

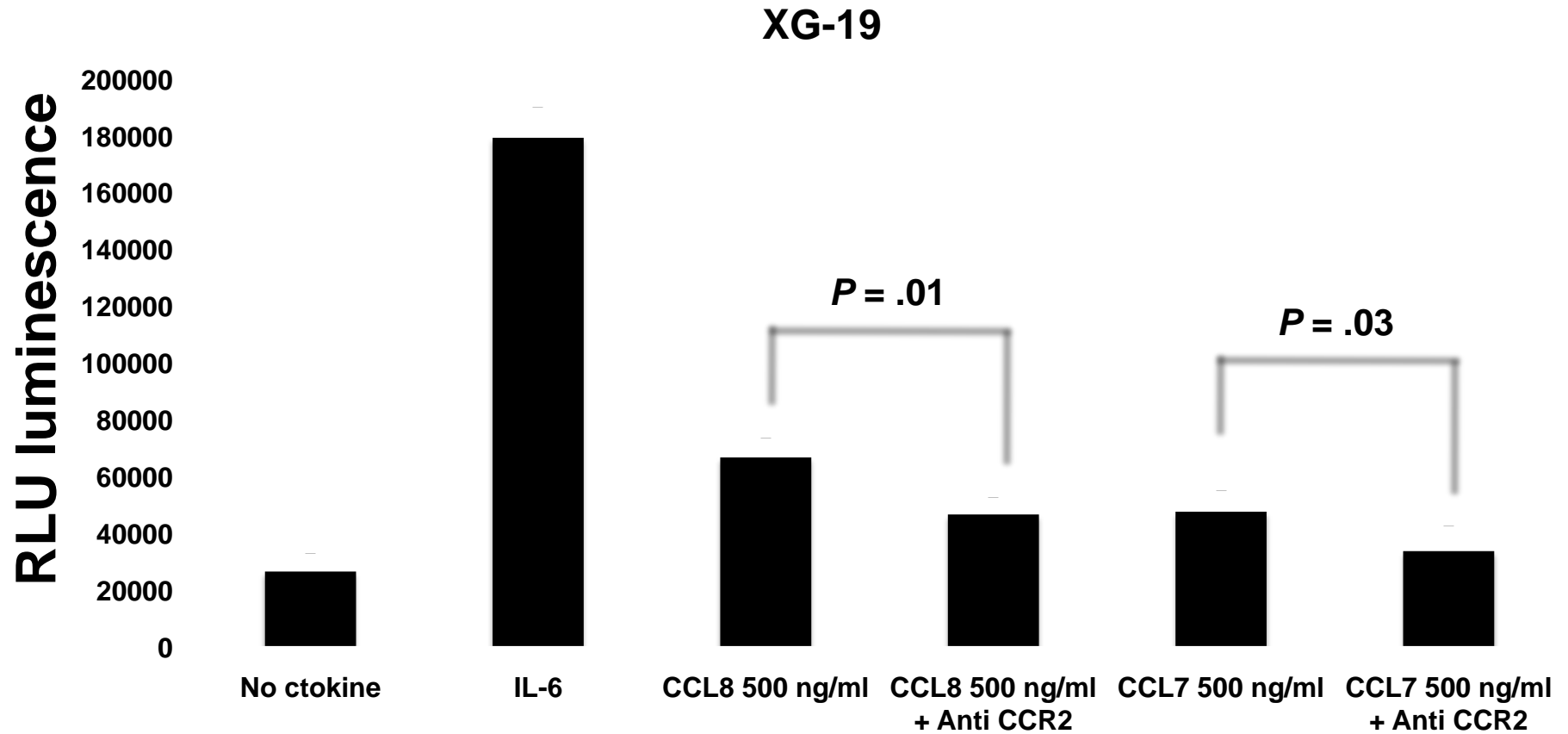


Figure S4: Chemokines targeting CCR2 stimulate the growth of MMC

XG-19 HMCL was IL-6 starved for 3 hours and cultured without cytokine, in the presence of IL-6 (3 ng/mL) or in the presence of 500 ng/ml of CCL7 or CCL8 with or without anti-CCR2 MoAb (10 µg/ml). Results are the mean ± SD values of the RLU fluorescence determined on sextuplet culture wells. Results are those of one experiment representative of 3.