

Table S2 Predicted potential cancer-susceptibility regions (PSCRs) using microarray datasets of 11 cancers including, breast, endometrial, ovarian, prostate, testicular, colorectal, liver, gastric, pancreatic, lung cancers and glioblastoma . The percentage of region participation in cancer was calculated for first 200 probset with higher symmetrical fold changes.

Chromosome	Five Top Regions with highest percentage (%)										
		Over-expressed					Down-expressed				
1	Region	p11.2	p21.1	p31.2	q31.3	q32.3	p21.1	p22.3	q24.3	q31.1	q31.3
	Percentage	3.79	6.22	9.09	2.22	1.41	0.96	1.12	1.06	2.16	1.11
2	Region	p24.2	p25.2	q12.3	q22.2	q32.2	p12	p23.1	p25.2	q12.2	q32.3
	Percentage	1.21	2.27	1.62	1.52	1.44	1.65	1.65	1.36	1.21	1.14
3	Region	q12.1	q24	q25.33	q26.2	q28	p12.1	p12.3	q12.2	q25.2	q26.1
	Percentage	1.89	1.16	1.25	0.86	1.65	1.82	1.65	3.64	1.58	2.27
4	Region	p15.1	p15.31	q22.3	q28.3	q32.1	q13.3	q23	q27	q34.1	q34.2
	Percentage	3.64	1.58	2.8	1.3	1.14	2.47	2.62	2.05	3.39	7.58
5	Region	q12.1	q13.3	q14.2	q31.2	q33.2	p13.1	p14.2	p15.1	q22.1	q22.3
	Percentage	0.97	1.49	1.52	1.07	0.93	3.03	1.82	0.85	1.14	0.79
6	Region	p21.32	p25.3	q13	q22.1	q22.32	p24.1	q14.2	q14.3	q16.1	q22.31
	Percentage	1.54	1.14	1.44	1.82	0.83	1.73	2.42	1.21	1.76	1.92
7	Region	p14.1	p14.2	p15.2	p15.3	p21.1	p15.1	p21.2	q21.11	q21.3	q31.2
	Percentage	2.83	2.14	1.44	1.26	1.69	1.82	1.14	2.6	1.65	2.05
8	Region	q13.2	q21.13	q22.1	q22.3	q24.22	p21.1	p22	q21.11	q21.2	q23.2
	Percentage	4.22	2.18	1.11	1.12	1.22	2.07	1.34	1.68	1.82	3.64
9	Region	q21.2	q22.2	q31.2	q33.1	q34.12	q21.11	q21.12	q21.13	q22.31	q33.1
	Percentage	1.52	1.82	1.38	0.87	1.21	1.27	1.7	0.92	1.32	2.81
10	Region	p15.2	q21.1	q21.2	q23.33	q26.2	q21.1	q22.3	q23.2	q23.33	q25.3
	Percentage	1.01	1.27	2.56	2.16	1.95	1.27	0.88	0.81	1.15	1.03
11	Region	p11.12	p14.2	p15.2	q14.3	q22.2	p14.1	p14.2	p15.3	q23.2	q24.1
	Percentage	1.82	1.4	0.83	0.91	7.58	1.19	1.4	1.11	2.31	1.04
12	Region	p11.22	p12.2	p13.31	q13.11	q21.1	p12.3	p13.1	q14.3	q21.1	q21.33
	Percentage	1.1	1.95	0.82	0.8	0.88	1.12	0.95	1.07	1.17	2.39
13	Region	q13.2	q13.3	q21.1	q22.3	q31.2	q13.3	q14.11	q21.1	q21.32	q22.3
	Percentage	2.27	1.15	1.14	1.14	1.3	2.02	0.51	2.27	1.3	2.65
14	Region	q11.2	q22.1	q22.2	q22.3	q23.1	q23.2	q24.1	q31.1	q31.3	q32.2
	Percentage	0.85	0.6	1.82	0.6	0.9	0.73	0.51	0.78	0.95	0.84
15	Region	q12	q13.3	q15.1	q21.3	q22.2	q12	q13.3	q21.1	q22.33	q26.2
	Percentage	1.82	1.86	1.01	1.4	1.02	0.91	0.93	0.98	1.14	1.82
16	Region	p12.3	q12.1	q12.2	q21	q24.2	p12.3	p13.11	q12.2	q13	q23.2
	Percentage	0.62	0.68	0.46	1.03	0.49	1.14	0.86	1.5	0.97	0.68
17	Region	p12	q21.2	q21.33	q22	q24.3	p11.2	q21.33	q23.1	q24.2	q24.3
	Percentage	0.48	1.08	0.64	0.54	1.75	0.38	0.32	1.17	1.3	0.7
18	Region	p11.22	p11.32	q12.1	q21.31	q21.33	p11.31	q11.2	q12.1	q21.2	q21.31
	Percentage	0.71	0.89	0.97	0.7	1.22	1.1	1.65	0.73	0.61	0.7
19	Region	p12	q13.2	q13.32	q13.33	q13.41	p13.2	p13.3	q12	q13.2	q13.32
	Percentage	0.57	0.41	0.45	0.36	0.38	0.26	0.18	0.88	0.66	0.25
20	Region	p11.21	p12.3	q11.23	q13.2	q13.31	p11.21	p12.1	p12.3	q11.23	q13.31
	Percentage	0.92	0.7	0.71	2.14	2.05	0.26	0.44	0.56	0.24	0.59
21	Region	p11.1	p11.2	q11.2	q22.12	q22.3	q21.1	q21.3	q22.11	q22.12	q22.13
	Percentage	1.52	1.01	0.53	0.87	0.45	0.19	1.01	0.21	0.43	1.27
22	Region	q11.23	q12.1	q12.2	q12.3	q13.32	q11.22	q11.23	q12.1	q13.1	q13.33
	Percentage	0.2	0.25	0.12	0.08	1.52	0.46	0.1	0.49	0.25	0.22
x	Region	p21.1	p22.32	q12	q22.1	q26.2	p22.32	q21.32	q22.1	q22.3	q23
	Percentage	1.52	2.27	1.24	0.88	3.31	2.27	6.06	1.64	2.27	1.88
y	Region	p11.31	q11.222				p11.31	q11.223	q11.23		
	Percentage	0.7	2.89				0.7	1.65	2.27		

³Percentage: the fraction of altered probsets frequency for each region to the correspondence frequency of total probsets on microarray chip at the same region.