

Supplementary Tables

Table S1. Primers used in this study

Genes for qRT-PCR		Primers of the gene for qRT-PCR
<i>ac81</i>	Sense primer	TGTCAGGCAACCAAATCATC
	Antisense primer	CCTTTAGCATAATAGCCCATA
<i>helicase</i>	Sense primer	TGAAATCGACAGCCAGTG
	Antisense primer	ATCGGTCATCTGAAAGTGC
<i>38k</i>	Sense primer	TTGGCAAATGACCGACAC
	Antisense primer	AGCCATGCGACCAAAGTA
<i>dnapol</i>	Sense primer	AGCTTGGCGTGAGATGGT
	Antisense primer	AAAGTCCCGACCGAGTTT
<i>lef9</i>	Sense primer	ATGTACGTGTTTCGGTGCAA
	Antisense primer	ACTGTTCTCGCCACAAAG
<i>pif4</i>	Sense primer	CCGGCTATTCAAGTGTTTG
	Antisense primer	GCTGGCAATCTAATGTAAGG
<i>flap endonuclease</i>	Sense primer	CGTATTTTGGCTGCTCTTG
	Antisense primer	CTGGTATCATAGGGGAACA
<i>odv-e56</i>	Sense primer	GCTGCAGACACTATTTTCAGA
	Antisense primer	GTTTGGCTGTGGCTTTCA

Target scaffolds	Primers for PCR amplification	
sc5052	Sense primer	TTGGCAAATGACCGACAC
	Antisense primer	AGCTTGGCGTGAGATGGT
c357974	Sense primer	GAGACTCGCTTGTGCTTAT
	Antisense primer	TTGACCCAACCCGATTTAG
c302951	Sense primer	GCTCTGAACGATGGACTT
	Antisense primer	ATCACGAACGAAACCAACT
c211476	Sense primer	ATGCCCTACTATGAACGAC
	Antisense primer	TGATTTGCCTGTTAGATTGC
c589636	Sense primer	ACAACGGCCTACATTCATCA
	Antisense primer	TGTGTGTGTGTGTATATCTGT
c29512	Sense primer	GCTGGCAATCTAATGTAAGG
	Antisense primer	ATCGGTCATCTGAAAGTGC
sc88	Sense primer	GAGACCACTGGGACATAC
	Antisense primer	GCTGCAGACACTATTTTCAGA
sc538	Sense primer	TGGCAGCTAGAGACTACAG
	Antisense primer	CATTGGTGCCTGTTCTTTC

Table S2. Phylogenetic congruence of the pif genes

	Sequences			
Tree topologies	p74	pif-1	pif-2	pif-3
p74	0.85	0.81	0.71	0.48
pif-1	0.66	0.88	0.23	0.28
pif-2	0.47	0.71	0.91	0.75
pif-3	0.88	0.63	0.87	0.89
combined	0.85	0.88	0.91	0.48