

	Gene	RegionCount	MeanSD
1	6-Mar	26	0.118458
2	7a5	13	0.123552
3	ACOX1	117	0.121447
4	ASF1A_	78	0.121565
5	ASF1B_	78	0.128876
6	CHKB	13	0.114389
7	CPT1A	240	0.128075
8	CPT1B	91	0.143536
9	CPT1C	143	0.130248
10	CPT2	65	0.12207
11	CROT	244	0.131834
12	CYorf15A	48	0.19355
13	DDX3Y	96	0.232991
14	EHMT1	12	0.113581
15	EHMT2	13	0.149666
16	EIF1AY	74	0.242426
17	GOLGA7	65	0.139392
18	HUWE1	744	0.181612
19	JARID1D	156	0.237649
20	MGMT_	96	0.128489
21	NA	10307	0.137147
22	NLGN4Y	128	0.241675
23	NP1L2	60	0.203483
24	NPM2	78	0.127199
25	PB1	407	0.136595
26	PCDH11Y	6	0.205321
27	PPT1	104	0.1262
28	PPT2	104	0.129506
29	PRKY	65	0.229613
30	RBBP4	104	0.132024
31	RBMY1F	12	0.21469
32	RPS4Y1	72	0.335238
33	RSF1	204	0.133979
34	SPTLC1	168	0.129204
35	SPTLC2	144	0.1263
36	SPTLC3	26	0.140921
37	SRY	12	0.25643
38	SUMO1_	76	0.14105
39	SUMO2	65	0.129477
40	SUMO3	91	0.130151
41	SUMO4	39	0.11583
42	TAF6L	96	0.117153
43	TBL1Y	185	0.20465
44	TTY10	26	0.223093
45	TTY11	55	0.253509
46	TTY14	19	0.218619

47	TTY6	12	0.216575
48	USP9Y	446	0.210164
49	UTY	292	0.226799
50	ZDHC9	120	0.196
51	ZFY	84	0.192559
52	a2bp1	247	0.137274
53	abat	221	0.129889
54	abca13	26	0.111676
55	abcb5	13	0.125743
56	abcc1	13	0.152401
57	abcc8	360	0.133584
58	abcc9	12	0.131082
59	abcd3	193	0.145138
60	abi1	156	0.131514
61	ablim1	312	0.126907
62	acads	36	0.133897
63	acat1	132	0.140356
64	acat2	117	0.135936
65	accn2	96	0.137361
66	aclt6a	26	0.11219
67	aclt6b	26	0.128259
68	acmsd	13	0.122417
69	acsl4	162	0.174681
70	actl6a	117	0.139337
71	actl6b	65	0.132203
72	actl7a	24	0.13624
73	actl7b	36	0.118572
74	actl8	60	0.129458
75	actr6	10	0.162978
76	acvr2a	13	0.144547
77	adam22	377	0.131053
78	adcy1	13	0.129596
79	adcyap1	39	0.125017
80	adcyap1r1	169	0.140185
81	add1	13	0.130036
82	add2	208	0.128408
83	add3	36	0.127987
84	adora1	78	0.14153
85	adra2a	12	0.129122
86	adsl	143	0.131447
87	adssl1	12	0.157652
88	aebp1	13	0.151711
89	aebp2	12	0.126245
90	aff2	228	0.185377
91	aga	116	0.142809
92	agtr2	24	0.1674
93	ahcy	104	0.133131

94	ak1	84	0.138918
95	akap5	12	0.118926
96	akap9	591	0.145628
97	akr1b1	13	0.120576
98	aldh18a1	195	0.12793
99	aldh3a2	13	0.133549
100	aldoa	78	0.121509
101	aldoc	26	0.135211
102	alf	13	0.118828
103	alg5	12	0.144691
104	alg9	161	0.132911
105	alkbh3	12	0.112051
106	alkbh8	12	0.120786
107	alpp12	13	0.139702
108	als2	13	0.127416
109	als2cr11	13	0.131053
110	ampd2	13	0.164399
111	amph	273	0.135887
112	anapc7	12	0.139276
113	ankmy1	13	0.137031
114	anks1b	332	0.13509
115	aof2	228	0.13198
116	aox1	13	0.139895
117	ap1g1	13	0.140117
118	ap1s2	48	0.155827
119	ap3b1	336	0.143871
120	apba1	156	0.124461
121	apba2	12	0.139357
122	aprin	9	0.141364
123	ar	108	0.178552
124	arc	39	0.127805
125	arf3	48	0.128044
126	arf5	13	0.139192
127	arfgef2	442	0.130079
128	arhgap19	13	0.116016
129	arhgap24	13	0.108805
130	arhgef6	264	0.187384
131	arid1a	192	0.125081
132	arid1b	121	0.137775
133	arid2	204	0.129684
134	arid3a	156	0.13598
135	arid3b	108	0.125015
136	arid3c	78	0.118455
137	arid4a	266	0.138134
138	arid4b	310	0.142793
139	arid5a	78	0.122201
140	arid5b	143	0.12416

141	arpc1a	123	0.128663
142	arpc1b	104	0.129082
143	arpc4	78	0.127529
144	arsa	13	0.143746
145	arsb	117	0.129259
146	arx	60	0.154154
147	asah1	143	0.130935
148	asph	26	0.163601
149	aspm	305	0.142808
150	ass	192	0.139973
151	atg16l1	13	0.131423
152	atn1	84	0.128541
153	atp13a4	349	0.132351
154	atp1a2	156	0.138702
155	atp2b4	273	0.129088
156	atp5j2	52	0.127129
157	atp6v1c1	13	0.120771
158	atp7a	254	0.179276
159	atp8a2	36	0.1243
160	atr	554	0.138019
161	atrx	392	0.169148
162	azin1	13	0.122461
163	baiap2	208	0.140918
164	baz1a	301	0.145863
165	baz1b	273	0.128365
166	baz2a	180	0.122281
167	baz2b	456	0.140202
168	bckdhb	13	0.113652
169	bcr	13	0.122767
170	bdnf	72	0.151119
171	bid	13	0.126583
172	bin1	13	0.134799
173	blk	13	0.137897
174	blm	245	0.136413
175	bmp3	13	0.127028
176	boll	13	0.122728
177	braf	228	0.144026
178	brca1	299	0.135578
179	brca2	269	0.136851
180	brcc3	132	0.186234
181	bscl2	72	0.13305
182	bsn	117	0.12782
183	btaf1	13	0.158538
184	bud31	52	0.14048
185	bzw1	13	0.124959
186	c10orf137	12	0.123431
187	c10orf38	104	0.134034

188	c10orf4	13	0.147119
189	c10orf61	13	0.13418
190	c13orf23	12	0.11291
191	c14orf73	12	0.125205
192	c17orf41	5	0.161521
193	c1orf107	143	0.128921
194	c1orf125	13	0.197674
195	c1orf24	13	0.134263
196	c1orf25	13	0.149453
197	c1orf62	13	0.144374
198	c1orf74	26	0.118779
199	c20orf94	93	0.12697
200	c3orf34	39	0.136846
201	c3orf43	39	0.111123
202	c5orf25	13	0.110185
203	c6orf155	13	0.131493
204	c6orf157	13	0.127665
205	c6orf72	13	0.15572
206	c7orf10	13	0.125334
207	c7orf11	26	0.133116
208	c7orf26	78	0.131799
209	c7orf28b	143	0.140133
210	c7orf38	26	0.127961
211	c9orf21	12	0.128034
212	ca2	91	0.135726
213	ca9	13	0.124674
214	cacna1e	13	0.13565
215	cacnb2	26	0.127225
216	cacng2	52	0.136379
217	cacng3	52	0.119241
218	cacng4	52	0.149961
219	cacng7	65	0.135502
220	cacng8	52	0.133696
221	calb1	104	0.133785
222	calb2	104	0.137862
223	cald1	39	0.122743
224	camk2a	208	0.13937
225	camk2b	221	0.134209
226	capn1	132	0.130935
227	capn10	13	0.132348
228	carm1	142	0.135235
229	casp7	12	0.125113
230	casp8	13	0.130278
231	cbs	182	0.14157
232	cbx1	91	0.128457
233	cbx2	78	0.127491
234	cbx3	93	0.152016

235	cbx4	78	0.14093
236	cbx5	84	0.134796
237	cbx6	52	0.124377
238	cbx7	104	0.1319
239	cbx8	52	0.127901
240	cc2d1a	169	0.129716
241	ccdc112	13	0.175208
242	ccdc120	12	0.218159
243	ccdc98	9	0.176213
244	ccdc99	13	0.143903
245	ccna1	12	0.13272
246	ccnh	13	0.142475
247	cdc215	13	0.148163
248	cdh11	156	0.135569
249	cdh2	195	0.128663
250	cdh26	13	0.170182
251	cdk5	52	0.133539
252	cdk5r1	26	0.117236
253	cdkl5	251	0.184024
254	cdr1	12	0.224561
255	cecr1	13	0.115457
256	cecr2	13	0.161586
257	cenpj	12	0.149545
258	centa2	13	0.118171
259	cep350	13	0.114592
260	cerkl	39	0.135657
261	chd1	390	0.138633
262	chd1l	323	0.134171
263	chd2	445	0.129356
264	chd3	191	0.128592
265	chd4	180	0.122484
266	chd5	337	0.130485
267	chd6	481	0.127823
268	chd7	377	0.124211
269	chd8	276	0.136006
270	chd9	464	0.134041
271	chdh	143	0.135696
272	chkb	13	0.120924
273	chl1	335	0.138584
274	chmp4c	13	0.131309
275	chrac1	65	0.128446
276	chrfam7a	99	0.141793
277	chrn1	24	0.136003
278	chrna4	65	0.132941
279	chrnd	13	0.171647
280	chst7	24	0.161557
281	cit	468	0.130525

282	cldn14	13	0.178376
283	cldn23	13	0.138402
284	clgn	9	0.175859
285	clk1	13	0.131558
286	cltc	272	0.133963
287	cltcl1	13	0.133814
288	cluap1	5	0.153148
289	cmyma5	13	0.146623
290	cnbd1	13	0.129173
291	cngb3	13	0.132014
292	cnot4	13	0.143284
293	cntn4	312	0.139781
294	cntnap2	312	0.131088
295	col11a1	13	0.122574
296	col12a1	39	0.131958
297	col28a1	13	0.119153
298	col6a2	13	0.139528
299	col6a3	104	0.131486
300	colec12	13	0.139583
301	cops8	13	0.145378
302	coro2a	12	0.126095
303	cort	26	0.135401
304	cplx2	13	0.119348
305	cplx3	12	0.108151
306	cpne3	26	0.124536
307	cpsf4	78	0.126451
308	crbn	130	0.136796
309	crebbp	388	0.123566
310	crhr1	91	0.140672
311	crisp1	13	0.13631
312	crisp2	13	0.133447
313	crmp1	13	0.142472
314	cryl1	12	0.117992
315	csmd1	26	0.12668
316	cspg2	26	0.117766
317	ctnna2	234	0.131834
318	ctnnb1	104	0.12422
319	ctnnd2	273	0.129048
320	ctsb	13	0.128863
321	cttn	192	0.134513
322	cubn	26	0.162407
323	cugbp2	13	0.112238
324	cul4b	228	0.175471
325	cxorf31	48	0.195118
326	cyb5r3	91	0.133849
327	cyfip1	324	0.126337
328	cyfip2	416	0.132893

329	cyp20a1	13	0.131539
330	cyp27a1	52	0.134046
331	cyp2c18	13	0.187583
332	cyp3a4	150	0.141777
333	cyp3a43	169	0.130919
334	cyp3a5	156	0.138035
335	cyp3a7	156	0.140018
336	d2hgdh	130	0.142928
337	d4s234e	65	0.130781
338	dact2	13	0.143176
339	daglbeta	156	0.126405
340	dbn1	104	0.136862
341	dcamkl1	12	0.125667
342	dclre1c	9	0.150921
343	dcp2	13	0.112111
344	dcx	96	0.203709
345	ddx5	13	0.163041
346	dffb	13	0.15296
347	dgkd	13	0.146694
348	dhcr7	108	0.139233
349	dhx9	1	0.165082
350	dkfzp761i2	13	0.130317
351	dld	141	0.153733
352	dlg1	309	0.150892
353	dlg2	276	0.132241
354	dlg3	132	0.20046
355	dlg4	104	0.128602
356	dlgap1	143	0.132528
357	dlk1	12	0.139393
358	dmap1	65	0.140141
359	dmd	972	0.180987
360	dmx1	39	0.137897
361	dnah11	13	0.127914
362	dnah7	13	0.120715
363	dnm1	168	0.13415
364	dnmt1	390	0.128622
365	dnmt3a	250	0.125085
366	dnmt3b	286	0.129101
367	dnmt3l	156	0.137245
368	dock4	13	0.122991
369	dopey1	13	0.138659
370	dpyd	299	0.133204
371	dpys	130	0.128416
372	dpysl2	169	0.131664
373	drd1	26	0.12938
374	drd2	96	0.137754
375	duox1	12	0.121879



376	dusp21	12	0.197271
377	dusp5	12	0.121991
378	dusp9	12	0.166823
379	dym	217	0.133157
380	dync1h1	36	0.13226
381	dync2h1	12	0.144825
382	dyrk1a	195	0.130032
383	dyrk2	60	0.121138
384	ecat8	12	0.194952
385	edd1	26	0.120346
386	edil3	26	0.138096
387	efhc2	12	0.192696
388	ehmt1	300	0.130387
389	eif2ak1	173	0.127681
390	eif2ak3	198	0.137501
391	elf1	12	0.143706
392	elf2	13	0.122297
393	elovl4	13	0.13378
394	emx2	36	0.121282
395	enosf1	13	0.14568
396	ep300	403	0.129421
397	epb41l1	273	0.137638
398	epb41l4a	13	0.141689
399	ephb2	192	0.136906
400	erbb4	364	0.136543
401	ercc2	117	0.137098
402	ercc5	132	0.124243
403	ercc6	234	0.132272
404	ercc8	156	0.139277
405	esco2	136	0.134482
406	esr1	130	0.124307
407	exoc4	247	0.131667
408	exoc6	13	0.10862
409	exoc7	117	0.125543
410	ext2	12	0.135755
411	ezh2	247	0.128731
412	fabp4	13	0.115312
413	falz	315	0.138464
414	fam102b	13	0.138413
415	fam107b	13	0.111161
416	fam13a1	13	0.124512
417	fam48a	60	0.150249
418	fam53b	12	0.138143
419	fam76b	12	0.140332
420	fance	180	0.124377
421	fancc	364	0.139988
422	fancd2	91	0.129855

423	fbp2	12	0.128889
424	fbxl17	13	0.136457
425	fbxo45	39	0.128393
426	fbxw10	5	0.181457
427	fbxw11	26	0.12513
428	fbxw5	12	0.131699
429	fcer2	13	0.152366
430	fer1l3	39	0.137482
431	fgd1	120	0.174816
432	fgd4	180	0.134435
433	fgf9	12	0.117779
434	fgfr2	216	0.124349
435	fgfr3	78	0.115622
436	fgfrl1	13	0.123025
437	fkrp	52	0.130649
438	flj10847	13	0.146848
439	flj10925	13	0.130407
440	flj14834	12	0.117027
441	flj20125	13	0.140011
442	flj23834	13	0.133544
443	flj25801	26	0.132541
444	flj32810	12	0.11985
445	flj35740	4	0.194171
446	flj36180	13	0.120101
447	flj37953	13	0.118817
448	flj39660	13	0.129486
449	flj43374	13	0.11676
450	flj44385	13	0.154971
451	flj45964	13	0.119319
452	flt1	12	0.131646
453	flt3	12	0.131147
454	fmr1	156	0.172714
455	fnta	52	0.137376
456	foxn4	12	0.148113
457	fras1	39	0.126023
458	frem2	24	0.119098
459	freq	84	0.120532
460	fry	36	0.127966
461	fshr	13	0.14198
462	ftsj1	60	0.170003
463	fuca1	84	0.122711
464	fundc2	59	0.192279
465	fyn	182	0.12788
466	g0s2	13	0.116508
467	gabra5	12	0.116669
468	gabrb2	13	0.136158
469	gabrg2	13	0.127063

470	gad2	13	0.182945
471	gal	60	0.135448
472	gale	36	0.114064
473	gamt	39	0.137397
474	gap43	39	0.140893
475	gas2l3	3	0.162316
476	gata5	13	0.11696
477	gatm	108	0.122014
478	gcn5l2	78	0.129373
479	gcnt3	12	0.121297
480	gdi1	48	0.155257
481	gfra1	12	0.137999
482	ggh	13	0.14981
483	gipc1	13	0.135422
484	git1	78	0.123915
485	glb1	195	0.135652
486	glcci1	13	0.145946
487	gli3	208	0.131145
488	glul	13	0.126255
489	gnai1	90	0.142925
490	gnao1	130	0.13395
491	gnaq	84	0.134229
492	gnas	104	0.1261
493	gnb2l1	78	0.123428
494	gnpat	169	0.133697
495	gnptab	192	0.125811
496	gopc	117	0.129245
497	gpam	12	0.119915
498	gpc1	13	0.1228
499	gpr17	13	0.129451
500	gpsm2	156	0.131416
501	grb2	78	0.126392
502	gria1	208	0.13289
503	gria2	182	0.136401
504	gria3	216	0.202064
505	gria4	190	0.141123
506	grid2	208	0.137071
507	grik1	234	0.137785
508	grik2	212	0.139589
509	grik3	208	0.142566
510	grik4	228	0.13724
511	grik5	156	0.128824
512	grin1	120	0.135382
513	grin2a	169	0.127749
514	grin2b	144	0.127033
515	grin2c	117	0.137075
516	grin2d	117	0.139505

517	grin3a	108	0.125673
518	grin3b	52	0.130571
519	grip1	288	0.128871
520	grip2	286	0.137172
521	gripap1	180	0.193101
522	grm1	104	0.121637
523	grm2	52	0.127248
524	grm3	78	0.123945
525	grm4	117	0.133115
526	grm5	73	0.126415
527	grm7	182	0.132065
528	grm8	95	0.135621
529	gsk3b	151	0.138118
530	gss	143	0.13595
531	gtf2i	391	0.14237
532	gtf2ird1	13	0.155007
533	gusb	104	0.152199
534	gys2	12	0.121519
535	habp2	12	0.129448
536	hadh2	24	0.172009
537	hccs	12	0.22371
538	hdac1	130	0.12546
539	hdac10	52	0.122669
540	hdac11	143	0.139828
541	hdac2	197	0.137917
542	hdac3	104	0.127408
543	hdac4	364	0.133799
544	hdac5	195	0.126816
545	hdac6	156	0.177597
546	hdac7a	156	0.12872
547	hdac8	156	0.195983
548	hdac9	325	0.125853
549	hectd1	12	0.112122
550	hecw1	13	0.137425
551	hells	228	0.144301
552	herc2	12	0.131907
553	herc3	13	0.120968
554	herc5	13	0.12322
555	herc6	25	0.137562
556	hexa	120	0.123843
557	hexb	130	0.139389
558	hhex	13	0.123184
559	hibch	13	0.151892
560	hils1	39	0.121698
561	hisppd1	26	0.151877
562	hltf	26	0.108078
563	hmcn1	52	0.126815

564	hmga2	12	0.111324
565	hmgcl	108	0.129276
566	hmmr	39	0.137349
567	hnrpc	84	0.161935
568	hnrpd	13	0.167022
569	hnrpd1	13	0.146396
570	homer1	117	0.136902
571	hook3	39	0.132692
572	hpca	39	0.134215
573	hpd	108	0.130068
574	hpvt1	96	0.177089
575	hras	36	0.127601
576	hs3st2	26	0.130127
577	hsd17b12	12	0.138796
578	hsd17b4	13	0.138235
579	hspa12a	12	0.112548
580	hspd1	13	0.122254
581	hsph1	12	0.12857
582	htatip	72	0.128441
583	ibtk	13	0.120994
584	ica1l	13	0.1318
585	ids	99	0.188397
586	ifit2	13	0.118996
587	ifng	12	0.118186
588	ifrd1	13	0.153586
589	ift81	12	0.161165
590	ift88	31	0.13137
591	igbp1	72	0.209317
592	igf1	48	0.125401
593	igfbp1	13	0.145648
594	igfbpl1	12	0.152892
595	il17ra	13	0.116093
596	il1rap1	132	0.185946
597	il1rap2	12	0.182618
598	il32	13	0.136817
599	imp5	13	0.130178
600	ina	36	0.126141
601	ing1	72	0.119942
602	ing2	52	0.125607
603	ing3	163	0.133482
604	ing4	72	0.12259
605	ing5	104	0.121633
606	insr	273	0.132563
607	iqgap2	13	0.140621
608	irak1	12	0.126234
609	irak3	12	0.112811
610	islr	12	0.164781

611	itga4	13	0.120519
612	itga8	13	0.125352
613	itgb8	13	0.136928
614	itpr1	728	0.133306
615	ivns1abp	13	0.144993
616	jag1	195	0.130973
617	jarid2	234	0.137884
618	jmjd1a	273	0.126714
619	jmjd1b	312	0.125667
620	jmjd1c	299	0.130924
621	jmjd2a	273	0.129577
622	jmjd2b	273	0.13499
623	jmjd2c	312	0.127105
624	jmjd2d	60	0.125219
625	jmjd3	104	0.125821
626	jmjd4	65	0.123511
627	jmjd5	130	0.139617
628	jmjd6	26	0.115464
629	kalrn	754	0.131079
630	katnal1	24	0.110442
631	kcnc3	52	0.148188
632	kcnip1	13	0.131246
633	kcnj11	12	0.127478
634	kcnq2	208	0.13969
635	kdelr2	65	0.115895
636	kdr	13	0.129854
637	kiaa0495	13	0.161034
638	kiaa0562	13	0.183945
639	kiaa0564	24	0.14503
640	kiaa0774	12	0.129925
641	kiaa1267	156	0.140642
642	kiaa1279	91	0.132133
643	kiaa1529	12	0.136453
644	kiaa1530	13	0.118735
645	kiaa1598	12	0.118027
646	kiaa1840	12	0.121826
647	kiaa1914	12	0.125009
648	kif17	180	0.136816
649	kif1a	481	0.138094
650	kif5c	39	0.125702
651	klc2	84	0.130095
652	klhl7	13	0.121658
653	kras	72	0.137111
654	l1cam	72	0.156692
655	lama2	790	0.130721
656	lamb4	13	0.158976
657	lamp2	120	0.175956

658	large	208	0.133156
659	lass3	13	0.148561
660	lat2	13	0.140457
661	lats1	13	0.134781
662	lbr	156	0.121222
663	lcp2	13	0.135483
664	ldhd	13	0.140098
665	ldoc1	12	0.181994
666	letm1	13	0.120637
667	lhx4	13	0.139799
668	lig4	36	0.139325
669	lin7a	72	0.124729
670	lnx2	12	0.121445
671	loc129285	13	0.126716
672	loc137886	13	0.126763
673	loc139060	12	0.161474
674	loc152586	13	0.125184
675	loc168850	13	0.120985
676	loc205272	7	0.147306
677	loc283537	12	0.111558
678	loc285989	65	0.125878
679	loc286411	60	0.191024
680	loc339766	13	0.159524
681	loc341230	12	0.121933
682	loc341784	12	0.132136
683	loc342346	13	0.142098
684	loc346673	13	0.124133
685	loc387882	12	0.17502
686	loc389849	7	0.23042
687	loc390110	12	0.127019
688	loc391205	13	0.155735
689	loc391343	13	0.159419
690	loc391609	13	0.107861
691	loc391738	13	0.141109
692	loc392456	12	0.184929
693	loc392516	12	0.152218
694	loc392862	182	0.134495
695	loc401744	12	0.122392
696	loc401911	13	0.156798
697	loc439950	13	0.126539
698	loc440503	13	0.120766
699	loc440995	13	0.122556
700	loc441160	13	0.123513
701	loc441282	13	0.120602
702	loc441654	12	0.141968
703	loc442367	13	0.175814
704	loc442448	12	0.162818

705	loc51334	13	0.128118
706	loc641922	18	0.185223
707	loc642837	13	0.127571
708	loc642892	9	0.164836
709	loc643052	6	0.22515
710	loc643171	2	0.30397
711	loc643309	12	0.126703
712	loc643324	13	0.121723
713	loc643342	12	0.126935
714	loc643377	13	0.134489
715	loc643382	24	0.116657
716	loc643529	13	0.146947
717	loc643665	13	0.121325
718	loc643825	13	0.140645
719	loc643983	13	0.121234
720	loc644151	13	0.129512
721	loc645053	13	0.131945
722	loc645101	13	0.150648
723	loc645686	1	0.284725
724	loc645771	8	0.148191
725	loc646357	12	0.146815
726	loc646390	12	0.148773
727	loc646486	13	0.128998
728	loc646535	12	0.122591
729	loc646755	12	0.127012
730	loc646799	12	0.137743
731	loc646871	12	0.129042
732	loc646907	13	0.124943
733	loc646929	24	0.14032
734	loc646976	13	0.103775
735	loc646982	12	0.121482
736	loc647145	13	0.125315
737	loc647299	13	0.13087
738	loc649264	13	0.117656
739	loc651746	13	0.123835
740	loc727729	12	0.10685
741	loc727795	11	0.176709
742	loc727808	12	0.126791
743	loc727900	13	0.133795
744	loc728058	26	0.127773
745	loc728126	37	0.155631
746	loc728140	13	0.120139
747	loc728148	36	0.128271
748	loc728152	12	0.126276
749	loc728176	13	0.122929
750	loc728185	39	0.1247
751	loc728186	13	0.141335



752	loc728194	247	0.143573
753	loc728217	13	0.146271
754	loc728256	26	0.133586
755	loc728268	34	0.145357
756	loc728342	13	0.162223
757	loc728467	12	0.127041
758	loc728545	3	0.160349
759	loc728547	13	0.124845
760	loc728591	12	0.162218
761	loc728695	15	0.616879
762	loc728703	13	0.133384
763	loc728711	13	0.199266
764	loc728716	13	0.134079
765	loc728738	13	0.121849
766	loc728762	13	0.114955
767	loc729052	12	0.175081
768	loc729290	13	0.107601
769	loc729571	13	0.121098
770	loc729578	13	0.126713
771	loc729697	12	0.122459
772	loc729729	13	0.139091
773	loc729819	12	0.12862
774	loc729834	1	0.175022
775	loc729861	13	0.140656
776	loc729894	12	0.1582
777	loc730054	12	0.138034
778	loc730100	39	0.138784
779	loc730131	12	0.131983
780	loc88523	12	0.123617
781	loc90355	13	0.134344
782	lpp	13	0.128593
783	lrfn1	26	0.11951
784	lrfn2	39	0.126243
785	lrrc33	39	0.137857
786	lrrc4	26	0.125503
787	lrrc47	13	0.129254
788	lrrfip1	13	0.135954
789	lyn	156	0.133029
790	lztr2	13	0.126853
791	magel2	12	0.115874
792	magi2	286	0.139543
793	maml3	13	0.125961
794	man2a1	13	0.12786
795	maoa	156	0.18253
796	maob	24	0.157233
797	map1a	60	0.123782
798	map1b	91	0.129731

799	map2	221	0.133401
800	map2k1	120	0.128039
801	map2k2	130	0.130148
802	mapk1	104	0.132079
803	mapk10	187	0.135795
804	mapk3	52	0.138308
805	mapk8ip2	104	0.138959
806	mapt	13	0.150632
807	marcks	26	0.118046
808	masp1	13	0.135938
809	mbd1	104	0.123393
810	mbd2	126	0.135343
811	mbd3	91	0.125744
812	mbd3l1	39	0.118884
813	mbd3l2	26	0.116047
814	mbd4	117	0.137379
815	mbd5	156	0.123069
816	mbd6	84	0.129402
817	mcph1	156	0.129899
818	me1	13	0.126343
819	mecp2	96	0.159156
820	med12	132	0.195093
821	mfhas1	13	0.109753
822	mgat2	12	0.123962
823	mgc12966	26	0.138022
824	mgc33212	51	0.150704
825	mgc39715	13	0.11794
826	mgc4618	13	0.126287
827	mgc5242	13	0.134141
828	mid1	132	0.194581
829	mid2	12	0.167192
830	mipep	9	0.170782
831	mizf	108	0.131003
832	mkks	91	0.125225
833	mkrn2	104	0.133296
834	mlc1	13	0.136218
835	mlh1	247	0.130641
836	mlph	13	0.148485
837	mms19l	12	0.124089
838	mocs2	91	0.134272
839	mog	86	0.118628
840	mphosph1	26	0.166157
841	mpp2	91	0.129884
842	mpp3	169	0.12933
843	mr1	13	0.129605
844	mrlc2	49	0.13945
845	mrps24	13	0.120508

846	mrps31	9	0.189528
847	msx1	13	0.137078
848	mthfd1l	13	0.148005
849	mthfr	109	0.134744
850	mtmr2	24	0.137481
851	mtmr6	12	0.148454
852	mtnr1a	13	0.120288
853	mtr	416	0.130973
854	mtrf1	12	0.110273
855	mtrr	182	0.12791
856	mxi1	12	0.130927
857	mybpc1	24	0.120431
858	mycn	39	0.117513
859	myh10	442	0.131887
860	myo1b	13	0.128744
861	myo1g	13	0.149129
862	myo3a	13	0.14741
863	myo5a	468	0.128807
864	myo6	9	0.169335
865	myo7a	504	0.139633
866	myo7b	13	0.154868
867	myst1	91	0.132774
868	myst2	208	0.128468
869	myst3	244	0.133967
870	myst4	247	0.126469
871	myt1l	299	0.131783
872	nag8	13	0.124441
873	naga	104	0.139005
874	nans	12	0.147166
875	nap1l5	13	0.138006
876	nbea	48	0.138963
877	nbeal1	13	0.129106
878	ncam1	180	0.129525
879	ncbp2	52	0.128965
880	ncln	13	0.184528
881	ndn	12	0.11263
882	ndp	36	0.200259
883	ndrg2	12	0.127558
884	nef3	39	0.136312
885	nelf	12	0.111453
886	nell2	12	0.159011
887	neto1	130	0.132742
888	neto2	104	0.138453
889	nf1	486	0.14699
890	nhlrc2	12	0.145279
891	nhs	96	0.16535
892	nipbl	496	0.144526

893	nkiras1	13	0.120207
894	nlgn1	91	0.124188
895	nlgn4x	84	0.195519
896	nmt2	8	0.142083
897	noc3l	13	0.135079
898	nos1	348	0.132396
899	nova2	52	0.131443
900	npc1l1	13	0.128529
901	npc2	60	0.120459
902	npm1	13	0.135047
903	nptx1	65	0.137324
904	nptx2	65	0.129881
905	nr2f2	13	0.154292
906	nrp	12	0.144846
907	nrcam	39	0.133537
908	nrg1	208	0.132583
909	nrgn	36	0.133641
910	nrk	12	0.141936
911	nrxn1	273	0.130542
912	nsd1	325	0.127845
913	nsf	104	0.133412
914	nsmaf	13	0.120882
915	nsun2	13	0.126851
916	nt5dc3	12	0.130109
917	ntng1	78	0.126471
918	ntrk2	252	0.127258
919	nubpl	12	0.130341
920	nudt12	13	0.134126
921	nup205	26	0.134213
922	nup37	12	0.126245
923	nupl1	36	0.132676
924	obfc2a	13	0.147913
925	oca2	12	0.1311
926	ocrl	228	0.179748
927	ofd1	225	0.167999
928	ogdh	13	0.17428
929	ogfrl1	13	0.142109
930	olah	13	0.125566
931	ophn1	276	0.19315
932	orc4l	39	0.122761
933	ostalpa	104	0.136947
934	otx2	48	0.137834
935	p2rxl1	13	0.14465
936	pacsin1	91	0.144545
937	pafah1b1	143	0.132602
938	pah	156	0.13065
939	pak2	181	0.137399

940	pak3	192	0.183201
941	pam	65	0.14086
942	pan3	12	0.141281
943	pank1	13	0.126508
944	parp4	16	0.169729
945	pax4	13	0.146763
946	pcaf	234	0.124998
947	pcca	268	0.129788
948	pccb	169	0.131102
949	pcgf5	13	0.141587
950	pclkc	13	0.137127
951	pcna	91	0.131106
952	pcyt1a	117	0.125759
953	pdap1	78	0.139883
954	pdcc	13	0.128749
955	pdcd4	12	0.133978
956	pde3a	12	0.112303
957	pde8b	39	0.126175
958	pde9a	13	0.143425
959	pdgfd	12	0.135245
960	pdgfra	13	0.13267
961	pdha1	120	0.195666
962	pdhx	127	0.139383
963	pepd	195	0.138219
964	per2	26	0.134167
965	pex10	61	0.136693
966	pex16	12	0.142293
967	pex5	84	0.128182
968	pex5l	195	0.13852
969	pex7	113	0.131829
970	pgk1	96	0.194121
971	phactr3	13	0.149497
972	phf16	132	0.18843
973	phf21a	240	0.130845
974	phf6	84	0.160689
975	phf8	240	0.187423
976	phlpp1	13	0.134449
977	pick1	130	0.131389
978	pigx	65	0.125416
979	pigz	39	0.129542
980	pik3c3	13	0.113369
981	pik3ca	185	0.137313
982	pik4ca	13	0.128277
983	pitpna	13	0.119578
984	pja2	13	0.119898
985	pkd1l1	26	0.143124
986	pla2g4a	13	0.160023

987	plat	143	0.121115
988	plcb1	416	0.137571
989	plce1	13	0.121837
990	plcg1	130	0.128242
991	plekha5	12	0.125334
992	plp1	72	0.189227
993	pmm2	91	0.133636
994	pnlip	12	0.117267
995	pnpo	65	0.124706
996	polr1e	12	0.119935
997	polr3f	13	0.141363
998	pols	26	0.124275
999	pomt1	180	0.137076
1000	porcn	12	0.214655
1001	postn	24	0.141774
1002	pote8	44	0.157971
1003	pou1f1	72	0.132129
1004	pou6f2	13	0.143281
1005	ppcdc	12	0.140785
1006	ppfia1	267	0.124887
1007	ppfia2	384	0.130632
1008	ppfia3	169	0.125229
1009	ppfia4	156	0.133804
1010	ppgb	65	0.128892
1011	ppil2	13	0.14246
1012	ppm1k	13	0.10221
1013	ppox	39	0.126104
1014	ppp1cc	72	0.130239
1015	ppp1r1b	52	0.133368
1016	ppp1r3b	13	0.116049
1017	ppp1r9a	195	0.133199
1018	ppp1r9b	104	0.135525
1019	ppp2ca	91	0.139507
1020	ppp2r1a	130	0.126484
1021	ppp2r5c	24	0.127734
1022	ppp3ca	179	0.134849
1023	ppp3r1	78	0.140174
1024	pqbp1	36	0.197889
1025	pqwd	13	0.151793
1026	prdm6	13	0.124765
1027	prei3	13	0.157436
1028	prkacb	136	0.137288
1029	prkar2b	130	0.132613
1030	prkca	221	0.133971
1031	prkcb1	221	0.12745
1032	prkce	195	0.131296
1033	prpf8	13	0.138513

1034	prps1	83	0.176393
1035	prss12	169	0.129776
1036	prss21	13	0.144343
1037	pscd3	117	0.126197
1038	pskh2	13	0.124551
1039	ptbp1	13	0.138406
1040	ptcd1	91	0.136667
1041	ptch	252	0.134331
1042	ptdsr	91	0.131939
1043	pten	106	0.147569
1044	ptk2b	311	0.137446
1045	ptpn11	177	0.131329
1046	ptpn13	13	0.153613
1047	ptpn5	144	0.138259
1048	ptprd	468	0.136422
1049	pts	48	0.129898
1050	pvr1	96	0.13713
1051	pxmp3	45	0.130205
1052	qdpr	91	0.138628
1053	rab2	86	0.144959
1054	rab2b	84	0.143044
1055	rab3a	65	0.128869
1056	rab3gap1	234	0.130428
1057	rab3gap2	330	0.13222
1058	rab6a	96	0.130087
1059	rabl2b	91	0.132639
1060	rac1	104	0.130239
1061	raet1e	13	0.140555
1062	rai1	78	0.13198
1063	rala	65	0.136033
1064	ranbp3	13	0.13243
1065	rap2a	24	0.142721
1066	rapgef5	26	0.145713
1067	raph1	13	0.162897
1068	rasa1	39	0.134279
1069	rasal2	26	0.125491
1070	rasgef1b	13	0.145009
1071	rasgrf1	348	0.132471
1072	rbm20	12	0.110814
1073	rbm41	12	0.152636
1074	rcc1	143	0.125864
1075	reln	26	0.124569
1076	rfc3	24	0.131842
1077	rfx4	12	0.121401
1078	rgc32	12	0.146187
1079	rgs12	13	0.122291
1080	rgs22	26	0.145348

1081	rhag	13	0.14949
1082	ric8b	12	0.148902
1083	rics	132	0.124199
1084	rims2	13	0.162257
1085	rit2	65	0.136591
1086	rmrpr	13	0.124121
1087	rnase1	12	0.127033
1088	rnf168	74	0.130851
1089	rnf17	24	0.128992
1090	rnf170	13	0.167721
1091	rnf19	13	0.145413
1092	rnf6	12	0.126988
1093	rnpepl1	13	0.134299
1094	ropn1l	13	0.131737
1095	rp2	12	0.191334
1096	rph3al	13	0.151854
1097	rpl15	13	0.135325
1098	rpl21	12	0.136594
1099	rpp30	13	0.133124
1100	rps6ka1	168	0.127859
1101	rps6ka2	325	0.130458
1102	rps6ka3	251	0.173849
1103	rps6ka4	108	0.127478
1104	rps6ka5	214	0.133811
1105	rps6ka6	220	0.172352
1106	rtbdn	13	0.129479
1107	rtdr1	13	0.141944
1108	rxfp2	12	0.126552
1109	sacs	12	0.0942808
1110	sall1	78	0.126193
1111	sap18	60	0.120149
1112	sap30	53	0.143912
1113	sap30l	78	0.124266
1114	sash1	13	0.139941
1115	satb2	13	0.138417
1116	sbf1	130	0.131954
1117	sbf2	492	0.131126
1118	sc5dl	60	0.137912
1119	scn2a2	13	0.113511
1120	scn8a	324	0.133648
1121	sdcbp	117	0.137404
1122	sdk1	585	0.133253
1123	sec3111	26	0.130149
1124	sec61a2	13	0.138102
1125	sema5a	13	0.137747
1126	sema6a	13	0.139201
1127	sema7a	12	0.154561



1128	senp5	104	0.126696
1129	set	96	0.139342
1130	setbp1	91	0.115139
1131	setd1a	195	0.12944
1132	setd2	273	0.138162
1133	setd3	192	0.131553
1134	setd4	182	0.128598
1135	setd5	299	0.130199
1136	setd6	52	0.111235
1137	setd7	130	0.117779
1138	setd8	120	0.129783
1139	setdb1	221	0.125679
1140	setdb2	190	0.138929
1141	sfrs14	13	0.121453
1142	sgcg	12	0.136211
1143	sgsh	65	0.1341
1144	shank1	182	0.134471
1145	shank2	108	0.132961
1146	shank3	195	0.131094
1147	shh	39	0.133451
1148	shroom4	110	0.1735
1149	sin3a	253	0.125095
1150	sin3b	247	0.138146
1151	six3	26	0.118025
1152	slc13a4	13	0.139434
1153	slc16a12	13	0.104503
1154	slc16a2	72	0.195273
1155	slc17a5	131	0.13426
1156	slc17a8	12	0.126167
1157	slc1a1	156	0.13853
1158	slc1a2	132	0.128782
1159	slc26a3	13	0.154886
1160	slc26a4	13	0.120293
1161	slc26a5	13	0.171832
1162	slc2a1	78	0.137382
1163	slc2a2	143	0.128292
1164	slc35c1	24	0.124617
1165	slc35d2	12	0.120382
1166	slc41a2	12	0.116012
1167	slc4a10	338	0.137854
1168	slc4a4	299	0.134447
1169	slc4a7	13	0.158676
1170	slc5a5	130	0.122639
1171	slc5a8	12	0.134673
1172	slc6a19	13	0.12374
1173	slc6a8	64	0.166563
1174	slc7a13	13	0.161066

1175	slc9a3r2	39	0.127982
1176	slc9a7	180	0.185907
1177	slco1c1	12	0.117131
1178	slco4c1	13	0.132591
1179	slit3	13	0.129737
1180	smarca1	271	0.174047
1181	smarca2	442	0.12965
1182	smarca3	271	0.142183
1183	smarca4	390	0.134459
1184	smarca5	278	0.149268
1185	smarcad1	271	0.140739
1186	smarcal1	247	0.126361
1187	smarcb1	143	0.138033
1188	smarcc1	379	0.137815
1189	smarcc2	216	0.118059
1190	smarcd1	144	0.120937
1191	smarcd2	78	0.124233
1192	smarcd3	117	0.136996
1193	smarce1	142	0.137717
1194	smc1a	156	0.194002
1195	smc3	180	0.127825
1196	smcx	204	0.201982
1197	smg7	13	0.131821
1198	sms	120	0.183281
1199	smurf1	221	0.129934
1200	smurf2	6	0.187156
1201	smxc	24	0.142039
1202	snap25	104	0.13388
1203	snap91	26	0.149502
1204	sncaip	26	0.122666
1205	snrpn	12	0.138202
1206	sntg2	143	0.129501
1207	snx13	13	0.140406
1208	snx16	26	0.148249
1209	soat1	13	0.192029
1210	sorbs1	52	0.125863
1211	sort1	13	0.118063
1212	sox10	52	0.133698
1213	sox2	13	0.107085
1214	sox3	12	0.141564
1215	sox7	13	0.142349
1216	sox8	39	0.124786
1217	spag1	13	0.131765
1218	specc1	13	0.132566
1219	spg20	96	0.128477
1220	sptbn1	442	0.1329
1221	src	169	0.133546

1222	srfbp1	13	0.161738
1223	srpx2	104	0.183892
1224	ssr4	12	0.136338
1225	ssrp1	96	0.116985
1226	st6gal1	13	0.125474
1227	stab2	12	0.132041
1228	stard13	36	0.128913
1229	stat1	26	0.151428
1230	stat4	13	0.137795
1231	stau1	182	0.130098
1232	stau2	137	0.144945
1233	sth	13	0.117476
1234	stk10	13	0.129582
1235	stk17a	13	0.138944
1236	stx1a	91	0.136918
1237	stxbp1	240	0.128349
1238	sunc1	13	0.199226
1239	supt16h	216	0.137722
1240	supt3h	195	0.136684
1241	supt4h1	78	0.126374
1242	supt5h	156	0.130911
1243	supt6h	299	0.128264
1244	supt7l	104	0.12039
1245	susd4	13	0.135141
1246	suz12	179	0.154557
1247	sycp2	13	0.13776
1248	syn2	169	0.129998
1249	syne1	1689	0.130077
1250	syngap1	169	0.135217
1251	syngr1	78	0.133232
1252	synj1	390	0.135321
1253	synpo	39	0.124079
1254	syt1	96	0.122414
1255	syt14	104	0.141585
1256	syt4	52	0.114844
1257	tat	104	0.121984
1258	tbc1d3i	8	0.159089
1259	tbce	195	0.1383
1260	tbl1x	194	0.171411
1261	tbl1xr1	188	0.139488
1262	tbx1	117	0.136864
1263	tcn2	104	0.151423
1264	tdg	12	0.115036
1265	tdrd1	12	0.134816
1266	tdrd7	12	0.134129
1267	tfpi	13	0.125352
1268	tgfbr1	108	0.132128

1269	tgfbr2	104	0.125604
1270	tgif	104	0.133586
1271	thnsl1	13	0.159697
1272	thrb	130	0.12866
1273	tiam1	351	0.133451
1274	timm8a	24	0.180335
1275	tjp1	276	0.127188
1276	tln1	13	0.126142
1277	tlr5	13	0.101595
1278	tm2d3	13	0.110696
1279	tm4sf19	52	0.125705
1280	tmem130	104	0.130048
1281	tmem165	13	0.121754
1282	tmem67	263	0.15006
1283	tmem76	26	0.126519
1284	tmod2	120	0.129196
1285	tnfrsf14	13	0.133467
1286	tnks2	13	0.128437
1287	tnr	273	0.131143
1288	tns3	13	0.126414
1289	tp53	104	0.121845
1290	tpi1	24	0.127424
1291	tpo	26	0.130016
1292	tpr	26	0.163935
1293	tpte2	12	0.218124
1294	traf3ip1	13	0.115084
1295	traf3ip3	156	0.131192
1296	trak2	13	0.118629
1297	trh	39	0.126015
1298	trim36	13	0.139552
1299	trpc6	24	0.119004
1300	trpm5	12	0.138234
1301	trrap	806	0.129006
1302	tsc1	215	0.127951
1303	tsc2	338	0.127858
1304	tsen2	156	0.128355
1305	tshr	120	0.134806
1306	tslp	13	0.127549
1307	tspan18	12	0.105541
1308	tspan7	96	0.196372
1309	ttc17	12	0.132104
1310	ttc5	12	0.113525
1311	ttk	10	0.188106
1312	twist1	26	0.146589
1313	twistnb	13	0.132706
1314	ube1	12	0.2335
1315	ube2a	48	0.163505

1316	ube2e1	13	0.14471
1317	ube2e3	10	0.15722
1318	ube3a	130	0.135812
1319	ube3b	12	0.131825
1320	ubr1	516	0.135503
1321	ubxd7	156	0.141607
1322	ufd1l	13	0.130006
1323	ugcgl1	26	0.15217
1324	ulk2	13	0.135041
1325	unc13a	13	0.142435
1326	unc13b	13	0.133712
1327	unc5a	13	0.131
1328	upb1	130	0.136136
1329	upf2	13	0.17018
1330	upp1	13	0.124797
1331	usp11	12	0.169959
1332	usp12	12	0.117285
1333	usp42	208	0.126627
1334	usp6nl	13	0.134526
1335	ust	13	0.125151
1336	utp20	12	0.134998
1337	utx	12	0.185939
1338	vamp2	52	0.142425
1339	vcp	13	0.140377
1340	vcx3a	16	0.492446
1341	vdac1	104	0.129885
1342	vegf	91	0.136727
1343	vim	13	0.123316
1344	vps13b	717	0.135293
1345	vps41	13	0.1357
1346	wasf1	143	0.137238
1347	wasf3	12	0.156932
1348	wdfy3	13	0.131558
1349	wdr20	12	0.122481
1350	wdr33	13	0.170357
1351	wdr36	26	0.123906
1352	wdr40b	12	0.145904
1353	wdr53	26	0.134493
1354	wdr59	13	0.124053
1355	wdr76	12	0.145496
1356	whdc1l2	8	0.158175
1357	wif1	12	0.129911
1358	wwc1	13	0.142441
1359	wwc3	12	0.158078
1360	xpa	7	0.159946
1361	xpnpep1	12	0.101364
1362	xpo4	12	0.131321

1363	xpr1	13	0.141846
1364	xrcc4	26	0.141498
1365	ysk4	13	0.111803
1366	ywhae	75	0.144985
1367	ywhah	26	0.127033
1368	ywhaz	78	0.140532
1369	zcchc7	12	0.135795
1370	zcwpw1	13	0.106783
1371	zdhhc19	91	0.148998
1372	zdhhc20	12	0.123948
1373	zdhhc4	91	0.123213
1374	zfand1	13	0.118469
1375	zfhx1b	130	0.124759
1376	zfp42	13	0.152506
1377	zfp95	65	0.125491
1378	zfyve27	12	0.123427
1379	zic1	39	0.119225
1380	zic4	65	0.127065
1381	zic5	24	0.131968
1382	zmym2	48	0.124912
1383	znf12	52	0.119414
1384	znf200	13	0.109957
1385	znf219	60	0.122579
1386	znf394	39	0.122962
1387	znf41	48	0.161088
1388	znf498	91	0.129103
1389	znf559	13	0.125684
1390	znf655	78	0.121622
1391	znf673	60	0.19942
1392	znf674	60	0.171378
1393	znf721	13	0.12938
1394	znf81	76	0.186955
1395	zranb3	13	0.123358
1396	zrf1	13	0.15946
1397	zswim2	13	0.157171