

Table S3

pri-miR-30/NCCR5	AACAGGTATATTGCTGTTGACAGTGAGCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCGCGTGAAGCCACAGATGGCGA GCAAGCTCCGTTTACACGGCTGCCTACTGCCTCGGACTTCAAGGGGCTTTTTTTCGA
pri-miR-150/NCCR5	AACCAGCGGGCGGCTCCTCTCCCCATGGCCCTGGGTGTAACCTGAGCTTGCTCGCCTGGGCTCAGAGGGAGCA AGCTCCGTTTACACGCAGGGACCTGGGGACCCCGGCACCCGGCAGGCCTTTTTTTCGA
pri-miR-30/WCCR5	AACAGGTATATTGCTGTTGACAGTGAGCGACTGTAACCTGAGCTTGCTCTACTGTGAAGCCACAGATGGGTA GAGCAAGCACAGTTTACCCTGCCTACTGCCTCGGACTTCAAGGGGCTTTTTTTCGA
pri-miR-150/WCCR5	AACCAGCGGGCGGCTCCTCTCCCCATGGCCCTGTGTAACCTGAGCTTGCTCTATGCTGGGCTCAGACCTAGAG CAAGCACAGTTTACCCAGGGACCTGGGGACCCCGGCACCCGGCAGGCCTTTTTTTCGA
sh1005	AGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTGTCCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCTTTTTTTCGA
csHR-rluc-1	AGGTGCTACACCTTGAAGCCCTGTGAAGCCACAGATGGGGGCTTCCAAGGTGTACGACCTTTTTTTCGA
csHR-rluc-20	AATGCGTTTTCGTTGCTCGGGCTGTGAAGCCACAGATGGGGCCGAGCAACGCAAACGCATTTTTTTCGA
csHR-rluc-123	AAATCACGGCGTTCTCGGGCTGTGTGAAGCCACAGATGGGACGCCGAGAACGCCGTGATTTTTTTCGA
csHR-rluc-201	AGATGCATCTAGCCACGGGCTGTGTGAAGCCACAGATGGGAGCCCGTAGATGCATCTTTTTTTCGA
shR-miR-122	ATGGAGTGTGACAATGGTGTGTGTCTAACTATCAAACACCATTGTACACTCCATTTTTTTCGA
shR-miR-150 Wu3	TGGTACAAGGGTTGGGAGATGCTGTGCCCTCAGACCTCTCCAACCCTTGTACCATTTTTTTCGA
shR-CCR5chen5	TGGTGTAAACTGAGCTTGCTCCTGTGAAGCCACAGATGGGGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTTTTTTCGA
sh1005-T	TGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTGTCCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCTTTTTTTCGA
sh1005-G	GGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTGTCCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCTTTTTTTCGA
sh1005-C	CGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTGTCCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCTTTTTTTCGA
sh1005-TT	TTGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTGTCCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCTTTTTTTCGA
sh1005-TTT	TTTGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTGTCCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCTTTTTTTCGA
sh1005-TTTT	TTTTGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTGTCCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCTTTTTTTCGA
sh1005-TA	TAGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTGTCCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCTTTTTTTCGA
sh1005-TTA	TTAGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTGTCCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCTTTTTTTCGA
sh1005-TTTA	TTTAGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTGTCCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCTTTTTTTCGA
sh1005-TC	TCGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTGTCCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCTTTTTTTCGA
sh1005-TTC	TTCGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTGTCCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCTTTTTTTCGA
sh1005-CT	CTGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTGTCCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCTTTTTTTCGA
sh1005-TG	TGGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTGTCCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCTTTTTTTCGA
sh1005-CA	CAGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTGTCCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCTTTTTTTCGA
sh1005-CG	CGGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTGTCCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCTTTTTTTCGA
sh1005-CC	CCGAGCAAGCTCAGTTTACACCTTGTCCGACGGTGTAACCTGAGCTTGCTCTTTTTTTCGA
mU6 TI 1	TGATAATTTGTGGTAGTGGTTTTTTCGA
mU6 TI 2	AGATAATTTGTGGTAGTGGTTTTTTCGA
mU6 TI 3	CGATAATTTGTGGTAGTGGTTTTTTCGA
mU6 TI 4	GGATAATTTGTGGTAGTGGTTTTTTCGA
mU6 TI 5	TTGATAATTTGTGGTAGTGGTTTTTTCGA
mU6 TI 6	TAGATAATTTGTGGTAGTGGTTTTTTCGA
mU6 TI 7	TCGATAATTTGTGGTAGTGGTTTTTTCGA
mU6 TI 8	TGGATAATTTGTGGTAGTGGTTTTTTCGA
mU6 TI 9	TTTGATAATTTGTGGTAGTGGTTTTTTCGA
mU6 TI 10	TTAGATAATTTGTGGTAGTGGTTTTTTCGA
mU6 TI 11	TTTCGATAATTTGTGGTAGTGGTTTTTTCGA
mU6 TI 12	TTGGATAATTTGTGGTAGTGGTTTTTTCGA
mU6 TI 13	TTTTGATAATTTGTGGTAGTGGTTTTTTCGA
mU6 TI 14	TTTAGATAATTTGTGGTAGTGGTTTTTTCGA
mU6 TI 15	TTTCGATAATTTGTGGTAGTGGTTTTTTCGA
mU6 TI 16	TTTGGATAATTTGTGGTAGTGGTTTTTTCGA
shR-miR-451	TTAAACCCTTACCATTACTGAGTTTAGTAATGGTAATGGTTCTTTTTTTCGA
shR-miR-31	TAGGCAAGATGCTGGCATAGCTGTTGAACCTGGAACTGCTATGCCAACATATTGCCATTTTTTTCGA GGACAGTAAGAAGGAAAACGTTTTAGAGCTAGAAATAGCAAGTTAAAATAAGGCTAGTCCGTTATCAACTT
gRNA 1	GAAAAAGTGGCACCAGTCCGTGCTTTTTTTCGA GGTGACAAGTGTGATCACTTGTTTTAGAGCTAGAAATAGCAAGTTAAAATAAGGCTAGTCCGTTATCAACTT
gRNA 2	GAAAAAGTGGCACCAGTCCGTGCTTTTTTTCGA AAAGATAGTCATCTTGGGGCTTTTTAGAGCTAGAAATAGCAAGTTAAAATAAGGCTAGTCCGTTATCAACTT
gRNA 3	GAAAAAGTGGCACCAGTCCGTGCTTTTTTTCGA

gRNA 4

AAGTGTGATCACTTGGGTGGGTTTTAGAGCTAGAAATAGCAAGTTAAAATAAGGCTAGTCCGTTATCAACTT
GAAAAAGTGGCACCGAGTCGGTGCTTTTTTCGA