

## ADDITIONAL FILE 2

**Primers used for RT/PCR analysis of CLCN5 mRNAs.** The mRNA species amplified, the amplicon length and the PCR conditions are reported. Some primer pairs co-amplified different CLCN5 mRNA species.

<i>EXON</i>	<i>PRIMER PAIRS</i> (5' → 3')	<i>mRNA variants</i>	<i>AMPLICON</i> (bp)	<i>T annealing</i> (°C)	<i>MgCl<sub>2</sub></i> (mM)	<i>cycle numbers</i>
Ex I/II F Ex IV/2 R	<i>f</i> : CCTCGGCGACAGAGCAAATC <i>r</i> : TTGTCCTCTCCTACTTCTCGG	1 + 2	386 + 645	64	3	38
Ex 1a F Ex 4 R	<i>f</i> : AGGCAGAGAATGCAGCAAGT <i>r</i> : CATGCTCAGAGTTCCAGCAA	3	512	60	1.5	35
Ex 1b F Ex 4 R	<i>f</i> : GACCCTTTTGTCTCCCTTCC <i>r</i> : CATGCTCAGAGTTCCAGCAA	4 + alternative 4	586 + 720	60	1.5	35
5'UTR b F Ex 4 R	<i>f</i> : GGCATGCTGACTTAGGTATTCA <i>r</i> : CATGCTCAGAGTTCCAGCAA	6 + 7 + 4 + alternative 4	417 + 602 + 1560 + 1694	62	2	40
Ex I/II F Ex VI/2 R	<i>f</i> : CCTCGGCGACAGAGCAAATC <i>r</i> : CGACTTGTCTCTGGAGTAGAA	8 + 9 + 10 + 11	584 + 715 + 843 + 974	58	2	38
Ex 2-3 F Ex 6R	<i>f</i> : TAGGCACCGAGAGATTACCAAT <i>r</i> : GATGTTCCACAGCAGCAAGC	Translated region	580	60	1.5	35
GAPDH F GAPDH R	<i>f</i> : TGAAGGTCCGAGTCAACGGATTGGT <i>r</i> : CATGTGGGCCATGAGGTCCACCAC	GAPDH	983	60	1.5	30