genomic (reverse complement)

CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATACTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGTCTAAATGTCTATCCCAGAGATCATGCATTTGGGTTAGAGAATTGAGGTAATATTAATTACTTTCTTTTCGGTTTTATATATGATAATTGATAAGA

hen2: 28 out of 32 clones corresponded to target

CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATACTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGTCTAAATGTCTATCCCAGAGATCATGCATTTGGGTTAGAGAATTGAGGTAATATTAATTACTTTCTTTTaaaaaaaaaaaaaaaaaaaataaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATACTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGTCTAAATGTCTATCCCAGAGATCATGCATTTGGGTTAGAGAATTGAGGTAATATTAATTGCTTTCTTTTaaaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATACTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGTCTAAATGTCTATCCCAGAGATCATGCATTTGGGTTAGAGAATTGAGGTAATATTAATTACTTTCTTaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGGTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATATTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTGGAAACAGGATTTGGTTTAAATGTTTATCCCAGAGATCATGCATTTGGGTTAGAGAATTGAGGTAATATTAATTACTTTTTTaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGGTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATATTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTGGAAACAGGATTTGGTTTAAATGTCTATCCCAGAGATCATGCATTTGGGTTAGAGAATTGAGGTAATATTAATTACTTTTTTaaaagaagaaaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGGTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATATTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGTCTAAATGTCTATCCCAGAGATCATGCATTTGGGTTAGAGAATTGAGGTAATATTAATTACTTTCTTaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGGTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATATTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTGGAAACAGGATTTGGTCTAAATGTCTATCCCAGAGATCATGCATTTGGGTTAGAGAATTGAGGTAATATTAATTACTTTCTTaaaagaagaaaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATTTCATGGGAGGTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTTTCCCCGATTTGGATTTTTATAAGATACTAATTTGGGCGGGGCTTTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCCCGGTCGAAACAGGATTTGGTTTAAATGTTTATCCCAGAGATCATGCATTTGGGTTAGAGAATTGAGGTAATATTAATTACTTTTTTaaagaaaaataaagataaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaagaaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCTTGGGGGATGAATGAACAGAGGATAAGTTTCCTCTCCCCGATTTGGATTTTTATAAGATATTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTGGAAACAGGATTTGGTGTAAAAGTGTATCCCCGAGATCATGCATTTGGGTTAGAGAAATGAGGTAATATTAATTACTTTCTTaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATACTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGTCTAAATGTCTATCCCAGAGATCATGCATTTGGGTTAGAGAATTGAGGTAATATTAATTACTTTCTataaaaaaagaaaaagaaaaaaaaggaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATACTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGTCTAAATGTCTATCCCAGAGATCATGCATTTGGGTTAGAGAATTGAGGTAATATTAATTACTTTCTaaaaaaaaagaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATTTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATACTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGTTTAAATGTCTATCCCAGAGATCATGCATTTGGGTTAGAGAATTGAGGTAATATTAATTACTTaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATACTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGTCTAAATGTCTATTTCAGAGATCATGCATTTGGGTTAGAGAATTGAGGTAATATTAATTACTaagaaaaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATTTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCCGATTTGGATTTCTATAAGATACTAATCTGGACGTGGCTTTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGTTTAAATGTCTATCCCAGAGATCATGCATTTGGGTTAGAGAATTGAGGTAATATTAATTAaaaaggaagaagaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATTTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATACTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGTCTAAATGTCTATCCCAGAGATCATGCATTTGGGTTAGAGAATTGAGGTAATATTAATaaaaaaaaaaaaaaaaagaaaaaagaaagaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATACTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGTCTAAATGTCTATCCCAGAGATCATGCATTTGGGTTAGAGAATTGAGGTAACATTAAaaaaaaaagaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATACTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGTCTAAATGTCTATCCCAGAGATCATGCATTaaagagaaaaaagaagaaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATACTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGTCTAAATGTCTATCCCAGAGATCATGCATaaaaaaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATACTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGTCTAAATGTCTATCCCAGAGATCATGCAaaaaagaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATACTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGTCTAAATGTCTATCCCAGAGATCATGaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGGTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATATTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCCCGGTCGAAACAGGATTTGGTTTAAATGTCTATCCCAaaaaagaaaaataaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATACTAGTCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGaaaaaagaaaaaaaaagagaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATACTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTGGgaaaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGGTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATATTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGTTGACCCACGGTCGAAACAGGATTTcaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATACTAATCTGGACGTGGCTCTTCCCTGATCTTGAGAGaaaaaaaaaaaa
CAATAAGAGTATCTCATGGGAGGGGAATGAACAGCGGATAAGTTTCTTCTCCCAGATTTGGATTTCTATAAGATAaaaaaaaaaaaaaataaagaa
CCAATAAGAGTATTTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCaaaagaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTaaaagaagaaaaaaaaaaaaaa

mtr4: 3 out of 32 clones corresponded to target

CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTCTaaaaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGATAAGTTTCCTCTCCCAGATTTGGATTTaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaa
CCAATAAGAGTATCTCATGGGAGCTGAATGAACAGCGGTTAAGTTTCCTTTCCCAGATTTAGATTTaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaaacaaaaaaaaaaaaa

WT: 0 out of 32 clones corresponded to target