

A: 2-methyl citrate synthase

K7	1 msiseatkktqqlagviaggssaitcqglnglnyygysieelaqnafieiayllqfgeplnakelenykekiiqralsenknvlkaipkevhpnmlmqtavaalgalegenedfsdqdekiirllqilpsmlycwhhyvnfgkeidf
RM2228	1 msiseatkktqqlagviaggssaitcqglnglnyygysieelaqnafieiayllqfgeplnakelenykekiiqralsenknvlkaipkevhpnmlmqtavaalgalegenedfsdqdekiirllqilpsmlycwhhyvnfgkeidf
JV20	1 msiseatkktqqlagviaggssaitcqglnglnyygysieelaqnafieiayllqfgeplnakelenykekiiqralsenknvlkaipkevhpnmlmqtavaalgalegenedfsdqdekiirllqilpsmlycwhhyvnfgkeidf
Z163	1 msiseatkktqqlagviaggssaitcqglnglnyygysieelaqnafieiayllqfgeplnakelenykekiiqralsenknvlkaipkevhpnmlmqtavaalgalegenedfsdqdekiirllqilpsmlycwhhyvnfgkeidf
90-3	1 msiseatkktqqlagviaggssaitcqglnglnyygysieelaqnafieiayllqfgeplnakelenykekiiqralsenknvlkaipkevhpnmlmqtavaalgalegenedfsdqdekiirllqilpsmlycwhhyvnfgkeidf
2548	1 msiseatkktqqlagviaggssaitcqglnglnyygysieelaqnafieiayllqfgeplnakelenykekiiqralsenknvlkaipkevhpnmlmqtavaalgalegenedfsdqdekiirllqilpsmlycwhhyvnfgkeidf
K7	151 dnqtsiagyflekkleapkpedfikamqcslliyaehefnastftaricastsksdifsavasaaiqalrqphlgganeamhliesfsksvedaiegvnkklenkelmgfghrvyqlqqdprrnalikvwskhlgddllfkiseaiealm
RM2228	151 dnqtsiagyflekkleapkpedfikamqcslliyaehefnastftaricastsksdifsavasaaiqalrqphlgganeamhliesfsksvedaiegvnkklenkelmgfghrvyqlqqdprrnalikvwskhlgddllfkiseaiealm
JV20	151 dnqtsiagyflekkleapkpedfikamqcslliyaehefnastftaricastsksdifsavasaaiqalrqphlgganeamhliesfsksvedaiegvnkklenkelmgfghrvyqlqqdprrnalikvwskhlgddllfkiseaiealm
Z163	151 dnqtsiagyflekkleapkpedfikamqcslliyaehefnastftaricastsksdifsavasaaiqalrqphlgganeamhliesfsksvedaiegvnkklenkelmgfghrvyqlqqdprrnalikvwskhlgddllfkiseaiealm
90-3	151 dnqtsiagyflekkleapkpedfikamqcslliyaehefnastftaricastsksdifsavasaaiqalrqphlgganeamhliesfsksvedaiegvnkklenkelmgfghrvyqlqqdprrnalikvwskhlgddllfkiseaiealm
2548	151 dnqtsiagyflekkleapkpedfikamqcslliyaehefnastftaricastsksdifsavasaaiqalrqphlgganeamhliesfsksvedaiegvnkklenkelmgfghrvyqlqqdprrnalikvwskhlgddllfkiseaiealm
K7	301 kekrpslppnadfyasayhfmqipteyftpifinsrvgwcahikeqrannklirpsseyigveprkfvkqdr
RM2228	301 kekrpslppnadfyasayhfmqipteyftpifinsrvgwcahikeqrannklirpsseyigveprkfvkqdr
JV20	301 kekrpslppnadfyasayhfmqipteyftpifinsrvgwcahikeqrannklirpsseyigveprkfvkqdr
Z163	301 kekrpslppnadfyasayhfmqipteyftpifinsrvgwcahikeqrannklirpsseyigveprkfvkqdr
90-3	301 kekrpslppnadfyasayhfmqipteyftpifinsrvgwcahikeqrannklirpsseyigveprkfvkqdr
2548	301 kekrpslppnadfyasayhfmqipteyftpifinsrvgwcahikeqrannklirpsseyigveprkfvkqdr

B: propionate CoA ligase

K7	1 -----mgivyeqtyreslqnpeafwaeasakkvhwynewdrvliddsdghyrfvvgcmntcynaeldlhvhngrgdqlaliydspvttdkkytykqlrdrvakovagilanqvvkgdrvvviympipealianlacerlgaihsv
RM2228	1 -----mgivyeqtyreslqnpeafwaeasakkvhwynewdrvliddsdghyrfvvgcmntcynaeldlhvhngrgdqlaliydspvttdkkytykqlrdrvakovagilanqvvkgdrvvviympipealianlacerlgaihsv
90-3	1 -----mgivyeqtyreslqnpeafwaeasakkvhwynewdrvliddsdghyrfvvgcmntcynaeldlhvhngrgdqlaliydspvttdkkytykqlrdrvakovagilanqvvkgdrvvviympipealianlacerlgaihsv
2548	1 -----mgivyeqtyreslqnpeafwaeasakkvhwynewdrvliddsdghyrfvvgcmntcynaeldlhvhngrgdqlaliydspvttdkkytykqlrdrvakovagilanqvvkgdrvvviympipealianlacerlgaihsv
JV20	1 -----mgivyeqtyreslqnpeafwaeasakkvhwynewdrvliddsdghyrfvvgcmntcynaeldlhvhngrgdqlaliydspvttdkkytykqlrdrvakovagilanqvvkgdrvvviympipealianlacerlgaihsv
Z163	1 -----mgivyeqtyreslqnpeafwaeasakkvhwynewdrvliddsdghyrfvvgcmntcynaeldlhvhngrgdqlaliydspvttdkkytykqlrdrvakovagilanqvvkgdrvvviympipealianlacerlgaihsv
K7	140 vfggfaahelatriedakprmiisascqievssiileykpildeakkkcthkptteliwqrpqyramlpwrdidweleeeektrgvdpvpvladplylitytsgttgspkqvirsngghavankwsmdniyakagdvfttasdvvgvwvh
RM2228	140 vfggfaahelatriedakprmiisascqievssiileykpildeakkkcthkptteliwqrpqyramlpwrdidweleeeektrgvdpvpvladplylitytsgttgspkqvirsngghavankwsmdniyakagdvfttasdvvgvwvh
90-3	140 vfggfaahelatriedakprmiisascqievssiileykpildeakkkcthkptteliwqrpqyramlpwrdidweleeeektrgvdpvpvladplylitytsgttgspkqvirsngghavankwsmdniyakagdvfttasdvvgvwvh
2548	140 vfggfaahelatriedakprmiisascqievssiileykpildeakkkcthkptteliwqrpqyramlpwrdidweleeeektrgvdpvpvladplylitytsgttgspkqvirsngghavankwsmdniyakagdvfttasdvvgvwvh
JV20	151 vfggfaahelatriedakprmiisascqievssiileykpildeakkkcthkptteliwqrpqyramlpwrdidweleeeektrgvdpvpvladplylitytsgttgspkqvirsngghavankwsmdniyakagdvfttasdvvgvwvh
Z163	140 vfggfaahelatriedakprmiisascqievssiileykpildeakkkcthkptteliwqrpqyramlpwrdidweleeeektrgvdpvpvladplylitytsgttgspkqvirsngghavankwsmdniyakagdvfttasdvvgvwvh
K7	290 syivyaaplmgcttivyegkpvrtpnpsafwriieeykvnnvlfsaptafraikkedpkgewikkfnldlsrsifvagercdsdtlkwieklkkpviddnwwqetgwaiaanplgleaqvvkagsptkpmrgfnlkvldekgqgelgagkk
RM2228	290 syivyaaplmgcttivyegkpvrtpnpsafwriieeykvnnvlfsaptafraikkedpkgewikkfnldlsrsifvagercdsdtlkwieklkkpviddnwwqetgwaiaanplgleaqvvkagsptkpmrgfnlkvldekgqgelgagkk
90-3	290 syivyaaplmgcttivyegkpvrtpnpsafwriieeykvnnvlfsaptafraikkedpkgewikkfnldlsrsifvagercdsdtlkwieklkkpviddnwwqetgwaiaanplgleaqvvkagsptkpmrgfnlkvldekgqgelgagkk
2548	290 syivyaaplmgcttivyegkpvrtpnpsafwriieeykvnnvlfsaptafraikkedpkgewikkfnldlsrsifvagercdsdtlkwieklkkpviddnwwqetgwaiaanplgleaqvvkagsptkpmrgfnlkvldekgqgelgagkk
JV20	301 syivyaaplmgcttivyegkpvrtpnpsafwriieeykvnnvlfsaptafraikkedpkgewikkfnldlsrsifvagercdsdtlkwieklkkpviddnwwqetgwaiaanplgleaqvvkagsptkpmrgfnlkvldekgqgelgagkk
Z163	290 syivyaaplmgcttivyegkpvrtpnpsafwriieeykvnnvlfsaptafraikkedpkgewikkfnldlsrsifvagercdsdtlkwieklkkpviddnwwqetgwaiaanplgleaqvvkagsptkpmrgfnlkvldekgqgelgagkk
K7	440 gilclklplppaclmgiwenderyrrgyldqfpqgyltgdtgyidkdgvyvvlgrndgiinvaghrlstgemeeeiakhpdvaeacavigvndelkgeipmgfivlkegierdhrgivegvvalvrqeigavasfkiatvvsalpktrsgk
RM2228	440 gilclklplppaclmgiwenderyrrgyldqfpqgyltgdtgyidkdgvyvvlgrndgiinvaghrlstgemeeeiakhpdvaeacavigvndelkgeipmgfivlkegierdhrgivegvvalvrqeigavasfkiatvvsalpktrsgk
90-3	440 gilclklplppaclmgiwenderyrrgyldqfpqgyltgdtgyidkdgvyvvlgrndgiinvaghrlstgemeeeiakhpdvaeacavigvndelkgeipmgfivlkegierdhrgivegvvalvrqeigavasfkiatvvsalpktrsgk
2548	440 gilclklplppaclmgiwenderyrrgyldqfpqgyltgdtgyidkdgvyvvlgrndgiinvaghrlstgemeeeiakhpdvaeacavigvndelkgeipmgfivlkegierdhrgivegvvalvrqeigavasfkiatvvsalpktrsgk
JV20	451 gilclklplppaclmgiwenderyrrgyldqfpqgyltgdtgyidkdgvyvvlgrndgiinvaghrlstgemeeeiakhpdvaeacavigvndelkgeipmgfivlkegierdhrgivegvvalvrqeigavasfkiatvvsalpktrsgk
Z163	440 gilclklplppaclmgiwenderyrrgyldqfpqgyltgdtgyidkdgvyvvlgrndgiinvaghrlstgemeeeiakhpdvaeacavigvndelkgeipmgfivlkegierdhrgivegvvalvrqeigavasfkiatvvsalpktrsgk
K7	590 ilrnknlreriadgstlnvpatiedsnvlkacekainalgypkkngek
RM2228	590 ilrnknlreriadgstlnvpatiedsnvlkacekainalgypkkngek
90-3	590 ilrnknlreriadgstlnvpatiedsnvlkacekainalgypkkngek
2548	590 ilrnknlreriadgstlnvpatiedsnvlkacekainalgypkkngek
JV20	601 ilrnknlreriadgstlnvpatiedsnvlkacekainalgypkkngek
Z163	590 ilrnknlreriadgstlnvpatiedsnvlkacekainalgypkkngek