

Supplementary Table (Table S1) for:

CcpA-Mediated Catabolite Activation of the *Bacillus subtilis ilv-leu* Operon and  
Its Negation by Either CodY- or TnrA-Mediated Negative Regulation

Yasutaro Fujita, Takenori Satomura, Shigeo Tojo and Kazutake Hirooka

**Table S1.** Primers used in this study

Primer	Sequence
codY-F	gtttaggaggattat <u>ttcatatgg</u> ctttat <sup>a</sup>
codY-R	gggttcttt <u>ggatc</u> cttaatgagattttag
tnrA-F	agacatccaggggtgga <u>catatg</u> accacag
tnrA-R	agccggac <u>ggatc</u> ctatttaacggttttg
ptsH-F	aggagaatgata <u>catatg</u> gcaca
ptsH-R	<u>tgatc</u> cttgcattactgccgagtccttc
hprK-F	at <u>catatg</u> gcaaaggttcgcaaaaagacg <sup>b</sup>
hprK-R	taac <u>ggatc</u> ctcctattcttcttgcacc
D-248F	gcgcgcgct <u>ctagat</u> gatctgtcagactcaatc
D+26R	gcatgcgc <u>ggatc</u> cgtagagcttgcatttatctt
ilv-cre-d11F	gcgtatacaatatagattgattaataataat <u>tttaaaaaatgctg</u> ttgac
ilv-cre-d11R	gtcaacagcattttttaaaattattattaatcaatctatattgtatacgc
ilv-cre-d16F	aagcgtatacaatatagattgatttaat <u>tttaaaaaatgctg</u> ttgacac
ilv-cre-d16R	gtgtcaacagcattttttaaaattaaatcaatctatattgtatacgcctt
ilv-cre-d21F	gaaagcgtatacaatatagattgattttaaa <u>aaatgctg</u> ttgacactg
ilv-cre-d21R	cagtgcaacagcattttttaaaatcaatctatattgtatacgccttc
ilv-cre-d32F	caataatgaaagcgtatacaatataaaaaatgctg <u>ttgacactg</u> cgt
ilv-cre-d32R	acgcagtggaacagcattttttatattgtatacgccttcattattg
ilv-i11F	ctggtgtattcttgatagattataaaaact <u>tttaacatt</u> gc
ilv-i11R	gcaaatgttaaagttttataaatctatcaagaatacaccag
ilv-i16F	aaataattctggtgtattcttgattataaaaact <u>tttaacatt</u> gcaatt
ilv-i16R	aattgcaaatgttaaagttttataatcaagaatacaccagaattattt
ilv-i32F	taaataattctggtgtattcttaacattgcaattccttt
ilv-i32R	aaaggaattgcaaatgttaagaatacaccagaattattta
ilv-i42F	tatataaaattaataattctggtgattgcaattcctttgtacc
ilv-i42R	ggtacaaaaggaattgcaaatcaccagaattatttaattttatata

ilv-i53F      tatataaaattaaataattcaattcctttgtaccaataatgaaag  
 ilv-i53R      ctttcattattggtacaaaaggaattgaattatthaattttatata  
 ilv-i63F      tcttccatgtttatataaaaattaaatcctttgtaccaataatgaaageg  
 ilv-i63R      cgctttcattattggtacaaaagatttaattttatataaacatggaaga  
 FP-F          gatctgtcagactcaatc  
 FP-R          gtgaagcttgcatttatctt  
 cat/lac-F      tgtaaaacgacggccagttaaaggatttgagcgtagcgaa  
 cat/lac-R      caggaaacagctatgacctgcgggcctcttcgctatta  
 D2-F          taaaagttttataatttttttattatcaagaatacaccagaattattha  
 D2-R          taaataattctggtgtattcttgataataaaaaaattataaaaaactthta  
 D1-F          gttttataatttttttattaatctgaatacaccagaattatthaattht  
 D1-R          aaaattaaataattctggtgtattcagattaataaaaaaattataaaaaac  
 U0-F          tataatttttttattaatctatcaacaccagaattatthaattttatata  
 U0-R          tatataaaattaaataattctggtgttgatagattaataaaaaaattata  
 U1-F          tttttttattaatctatcaagaatagaattatthaattttatataaaca  
 U1-R          tgtttatataaaattaaataattctattcttgatagattaataaaaaaa  
 U2-F          ttattaatctatcaagaatacacaatttaattttatataaacatggaa  
 U2-R          ttccatgtttatataaaattaaattggtgtattcttgatagattaataa  
 U3-F          aatctatcaagaatacaccagaattatthttatataaacatggaagattt  
 U3-R          aaatcttccatgtttatataaaataattctggtgtattcttgatagatt  
 U4-F          atcaagaatacaccagaattatthaataaacatggaagattttataaca  
 U4-R          tgttataaaatcttccatgtttattaataattctggtgtattcttgat  
 U5-F          atacaccagaattatthaattttattggaagattttataaacacgatatg  
 U5-R          catatcgtgttataaaatcttccaataaaattaaataattctggtgtat  
 C1-F( $\Delta$ acatt)    aataaaaaaattataaaaaacttttatgcaattcctttgtaccaataatg  
 C1-R( $\Delta$ acatt)    cattattggtacaaaaggaattgcataaaagttttataatthttttatt  
 C2-F( $\Delta$ tttta)    agattaataaaaaaattataaaaacacatttgcaattcctttgtaccaa  
 C2-R( $\Delta$ tttta)    ttggtacaaaaggaattgcaaatgtgtttttataatthttttattaatct  
 Fd-140        gcgcgcgctctagaattataaaaaacttttaacat

Fd-130      gcgcgcgctctagaacttttaacatttgaatt

Fd-120      gcgcgcgctctagatttgcaattccttttgta

Fd-110      gcgcgcgctctagactttgtaccaataatga

---

<sup>a</sup> Restriction enzyme sites are underlined.

<sup>b</sup> The boldface “**a**” was introduced in place of “g” to produce an ATG start codon.