

Drosophila C virus systemic infection leads to intestinal obstruction

By S. Chtarbanova et al

SUPPLEMENTAL DATA

Table S1. List of genes repressed by virus infection

Table S2. List of tissue specific genes repressed by DCV infection

Table S1. List of genes repressed by virus infection.

Probe number	Flybase ID	Gene name	Synonymus	GO_MOLECULAR_FUNCTION	GO	DCV24/Tris24	DCV48/Tris48	FHV48/Tris48	FHV72/Tris48	SDV4d/Tris48	SDV8d/Tris48
Common DCV, FHV and SINV											
152766_at	FBgn0002563	Lsp1beta	Larval serum protein 1 beta	nutrient reservoir activity	GO:0045735	0,0	0,3	0,2	0,3	0,3	0,2
143944_at	FBgn0020906	Ser4	Jonah 25Bi	endopeptidase activity	GO:0004175	0,0	0,1	0,2	0,1	0,8	0,3
152265_at	FBgn0039313	CG11892	-	transferase activity, transferring phosphorus-containing groups	GO:0016772	0,0	0,1	0,7	0,4	0,6	0,4
148332_at	FBgn0035779	CG8562	-	metallocarboxypeptidase activity	GO:0004181	0,0	0,2	0,4	0,2	0,7	0,4
146461_at	FBgn0032726	CG10621	-	selenocysteine methyltransferase activity	GO:0016205	0,1	0,4	0,5	0,3	0,7	0,4
146830_s_at	FBgn0043576	PGRP-SC1a	PGRP-SC1a	peptidoglycan binding	GO:0042834	0,1	0,1	0,2	0,2	0,2	0,2
152552_at	FBgn0039423	CG31085	-	ATP binding	GO:0005524	0,2	0,4	0,4	0,4	0,5	0,4
148639_at	FBgn0036262	CG6910	-	inositol oxygenase activity	GO:0050113	0,2	0,5	0,3	0,4	0,6	0,4
150586_at	FBgn0039324	CG10553	-	transferase activity, transferring phosphorus-containing groups	GO:0016772	0,2	0,3	0,4	0,5	0,5	0,4
150884_at	FBgn0039761	CG18404	-	-		0,3	0,5	0,3	0,3	0,5	0,5
143603_i_at	FBgn0010359	gammaTry	gammaTrypsin	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,3	0,4	0,2	0,3	0,4	0,4
145979_at	FBgn0031942	CG7203	-	-		0,3	0,5	0,4	0,2	0,8	0,5
150257_at	FBgn0038790	CG5097	Metallothionein C	metal ion binding	GO:0046872	0,4	0,3	0,6	0,4	0,5	0,6
Common DCV and FHV											
145795_at	FBgn0031653	CG8871	Jonah 25Biii	endopeptidase activity	GO:0004175	0,0	0,2	0,4	0,4	0,9	0,8
143341_at	FBgn0003358	Ser99Dc	Jonah 99Ci	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,0	0,2	0,5	0,4	0,9	0,7
141418_at	FBgn0036024	CG18180	-	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,0	0,2	0,2	0,4	0,8	0,6
145796_at	FBgn0031654	CG8869	Jonah 25Bii	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,0	0,1	0,2	0,3	1,2	0,7
146569_at	FBgn0032913	CG9259	-	transferase activity, transferring phosphorus-containing groups	GO:0016772	0,1	0,2	0,9	0,5	0,8	0,6
146323_at	FBgn0032494	CG5945	-	-		0,1	0,2	0,4	0,4	0,6	0,5
147118_at	FBgn0033774	CG12374	-	metallocarboxypeptidase activity	GO:0004181	0,1	0,3	1,0	0,3	1,3	0,8
148964_at	FBgn0036738	CG7542	-	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,1	0,3	0,2	0,3	0,8	0,8
154890_at	FBgn0036289	CG10657	-	retinal binding	GO:0016918	0,1	0,1	0,4	0,5	0,7	0,5
146103_at	FBgn0032144	CG17633	-	metallocarboxypeptidase activity	GO:0004181	0,1	0,4	0,8	0,5	1,2	1,0
148255_at	FBgn0035667	CG10475	Jonah 65Ai	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,1	0,3	0,5	0,4	0,8	0,7
150576_at	FBgn0039312	CG10514	-	transferase activity, transferring phosphorus-containing groups	GO:0016772	0,1	0,2	0,6	0,4	0,7	0,5
146832_at	FBgn0043575	PGRP-SC2	PGRP-SC2	peptidoglycan binding	GO:0042834	0,1	0,4	0,6	0,5	0,9	0,8
149196_at	FBgn0037111	BcDNA:GH08902	-	aldose 1-epimerase activity	GO:0004034	0,1	0,4	0,6	0,4	0,7	0,6
150274_at	FBgn0038820	CG4000	-	-		0,1	0,3	0,6	0,4	1,0	0,8
143467_f_at	FBgn0004428	LysE	Lysozyme E	lysozyme activity	GO:0003796	0,2	0,3	0,5	0,5	0,7	0,6
144310_at	FBgn0028920	BG:DS00941.12	-	molecular_function	GO:0003674	0,2	0,3	0,5	0,6	0,7	0,6
152794_at	FBgn0035781	CG8560	-	carboxypeptidase activity	GO:0004180	0,2	0,3	0,6	0,4	0,7	0,7
143624_at	FBgn0010425	epsilonTry	epsilonTrypsin	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,2	0,5	0,3	0,3	0,7	0,5
151422_at	FBgn0040959	Peritrophin-15a	Peritrophin-15a	chitin binding	GO:0008061	0,2	0,7	0,4	0,4	0,7	0,6
147516_at	FBgn0034470	Obp56d	Odorant-binding protein 56d	odorant binding	GO:0005549	0,2	0,6	0,5	0,6	0,7	0,7
146166_at	FBgn0032265	CG18301	-	hydrolase activity, acting on ester bonds	GO:0016788	0,2	0,4	0,6	0,4	0,8	0,6
153029_at	FBgn0005633	fln	flightin	-		0,2	0,5	0,5	0,3	0,8	0,5
154244_at	FBgn0001091	Gapdh1	Glyceraldehyde 3 phosphate dehydrogenase 1	glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase (NAD+) (phosphorylating) activity	GO:0004365	0,3	0,6	0,8	0,5	1,2	1,0
142583_at	FBgn0034497	CG9090	-	phosphate ion transmembrane transporter activity	GO:0015114	0,3	0,7	0,7	0,4	1,1	0,8
146555_at	FBgn0032892	Spn3	Serpin 38F	serine-type endopeptidase inhibitor activity	GO:0004867	0,3	0,6	0,5	0,4	0,6	0,5
143060_f_at	FBgn0000045	Act79B	Actin 79B	structural constituent of cytoskeleton	GO:0005200	0,3	0,9	0,6	0,3	0,9	0,7
145955_at	FBgn0031912	CG5261	-	dihydrolipoyllysine-residue acetyltransferase activity	GO:0004742	0,3	0,7	0,8	0,5	1,0	0,7
147144_at	FBgn0033826	CG4734	-	-		0,4	0,5	0,4	0,4	0,8	0,5

150784_at	FBgn0039598	CG14061	aquarius	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,4	0,6	0,7	0,5	0,9	0,6
153932_at	FBgn0031908	CG5177	-	trehalose-phosphatase activity	GO:0004805	0,4	0,8	0,6	0,4	0,8	0,6
142498_at	FBgn0039830	CG1746	-	hydrogen-exporting ATPase activity, phosphorylative mechanism	GO:0008553	0,4	0,8	0,7	0,5	0,7	0,7
153082_at	FBgn0035542	CG11347	-	steroid hormone receptor binding	GO:0035258	0,4	0,8	0,5	0,5	0,6	0,6
145177_at	FBgn0030733	CG3560	-	ubiquinol-cytochrome-c reductase activity	GO:0008121	0,4	0,3	0,5	0,4	0,7	0,5
141226_at	FBgn0038293	CG6904	Glycogen synthase	glycogen (starch) synthase activity	GO:0004373	0,4	0,6	0,5	0,4	0,7	0,5
153531_at	FBgn0000044	Act57B	Actin 57B	structural constituent of cytoskeleton	GO:0005200	0,4	0,9	0,6	0,5	0,8	0,8
143263_at	FBgn0002741	Mhc	Myosin heavy chain	ATP binding	GO:0005524	0,4	0,8	0,5	0,4	0,6	0,6
143264_at	FBgn0002772	Mlc1	Myosin alkali light chain 1	microfilament motor activity	GO:0000146	0,4	0,9	0,7	0,5	1,0	0,8
141748_at	FBgn0035927	CG32030	Formin homology 2 domain containing ortholog	actin binding	GO:0003779	0,4	0,7	0,6	0,4	0,8	0,6
154816_at	FBgn0000667	Actn	alpha actinin	actin filament binding	GO:0051015	0,5	0,7	0,5	0,4	0,6	0,5
143930_at	FBgn0020509	Acp62F	Accessory gland protein 62F	serine-type endopeptidase inhibitor activity	GO:0004867	0,5	0,7	0,7	0,5	0,8	0,6
143826_at	FBgn0015585	Acp63F	Accessory gland protein 63F	molecular_function	GO:0003674	0,5	0,7	0,5	0,4	0,7	0,6
153115_at	FBgn0037891	CG5214	-	dihydropyridyllysine-residue succinyltransferase activity	GO:0004149	0,5	0,7	0,5	0,5	0,7	0,5

Common DCV and SINV

152126_at	FBgn0027571	BcDNA:GH07626	-	fatty acid synthase activity	GO:0004312	0,1	0,5	0,5	0,7	0,6	0,4
152059_at	FBgn0027580	BcDNA:GH06348	-	pyruvate carboxylase activity	GO:0004736	0,2	0,4	0,6	0,5	0,8	0,5
141619_at	FBgn0032263	Fatp	Fatty acid (long chain) transport protein	long-chain fatty acid transporter activity	GO:0005324	0,3	0,4	0,6	0,7	0,5	0,5
152911_at	FBgn0017619	desat1	desat1	stearoyl-CoA 9-desaturase activity	GO:0004768	0,3	0,9	0,7	0,6	0,7	0,4
152934_at	FBgn0023520	EG:39E1.3	-	GTP binding	GO:0005525	0,4	0,8	0,6	1,1	0,4	0,5

Common FHV and SINV

143609_at	FBgn0010388	Dro	Drosocin	-		0,6	1,2	0,1	0,6	1,2	0,4
144907_at	FBgn0030356	CR32661	-	-		0,8	0,5	0,3	0,3	0,3	0,3
151224_f_at	FBgn0040748	CG13943	-	-		1,0	0,9	0,3	0,4	0,4	0,4
153070_at	FBgn0035961	Tequila	Tequila	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,5	0,6	0,3	0,4	0,5	0,4
143709_at	FBgn0013348	TpnC41C	Troponin C at 41C	calcium ion binding	GO:0005509	0,7	1,0	0,3	0,2	0,5	0,4
143673_at	FBgn0011670	Mst57Dc	Male-specific transcript 57Dc	molecular_function	GO:0003674	0,5	0,6	0,4	0,4	0,6	0,4
143097_f_at	FBgn0000277	Cecropin A2	Cecropin A2	-		1,5	1,6	0,4	0,7	0,5	0,5
150941_f_at	FBgn0039843	CG15567	-	-		0,9	0,9	0,4	0,4	0,4	0,4
144856_at	FBgn0030280	CG11106	-	-		0,7	0,7	0,4	0,4	0,5	0,4
146477_at	FBgn0032755	CG17344	-	-		0,9	0,9	0,4	0,5	0,4	0,4
143272_at	FBgn0002855	Acp26Aa	Accessory gland protein 26Aa	hormone activity	GO:0005179	0,4	0,5	0,4	0,3	0,6	0,5
149158_at	FBgn0037040	CG12983	-	-		0,6	0,9	0,4	0,4	0,5	0,5
146645_at	FBgn0033027	CG12408	Troponin C isoform 4	calcium ion binding	GO:0005509	0,3	0,5	0,4	0,2	0,7	0,4
152562_at	FBgn0031585	CG2955	-	structural constituent of cytoskeleton	GO:0005200	0,7	0,8	0,4	0,4	0,4	0,4
147491_at	FBgn0034435	CG9975	-	-		1,0	1,2	0,4	0,4	0,5	0,4
152055_at	FBgn0035495	CG14989	-	-	GO:0016491	0,7	1,0	0,4	0,5	0,4	0,5
150373_at	FBgn0038979	CG7046	-	DNA binding	GO:0003677	1,1	0,9	0,5	0,4	0,5	0,5
151563_at	FBgn0030128	CG34449	-	zinc ion binding	GO:0008270	0,8	0,9	0,5	0,4	0,5	0,5
153065_at	FBgn0028582	lqf	liquid facets	-		0,7	0,8	0,5	0,7	0,5	0,5
151171_at	FBgn0040694	CG14974	-	molecular_function	GO:0003674	0,8	0,8	0,5	0,4	0,5	0,5
143274_at	FBgn0002862	Mst87F	Male-specific RNA 87F	structural molecule activity	GO:0005198	1,1	1,2	0,5	0,5	0,5	0,5
150904_at	FBgn0039792	CG2267	-	-		0,7	0,8	0,5	0,4	0,5	0,5
151215_at	FBgn0040739	CG5119	-	mRNA binding	GO:0003729	1,0	1,3	0,5	0,7	0,5	0,7
144963_at	FBgn0030422	CG32647	-	-		0,7	1,0	0,5	0,6	0,5	0,5
145689_at	FBgn0031501	CG17261	-	-		0,8	0,9	0,5	0,4	0,4	0,5
152628_at	FBgn0029947	CG1999	-	-		0,6	0,6	0,5	0,4	0,5	0,5
152710_at	FBgn0033334	CG30350	-	peptidyl-prolyl cis-trans isomerase activity	GO:0003755	0,9	0,9	0,5	0,5	0,5	0,5
145438_at	FBgn0031127	CG1835	-	-		0,5	0,6	0,5	0,5	0,5	0,4
150636_at	FBgn0039398	CG14540	-	-		0,7	0,9	0,6	0,5	0,5	0,5

147478_at	FBgn0034416	CG15109	-	-		0,6	0,6	0,6	0,5	0,5	0,5
143686_at	FBgn0011743	Arp53D	Actin-related protein 53D	structural constituent of cytoskeleton	GO:0005200	0,6	0,9	0,6	0,5	0,7	0,5

DCV specific											
142147_at	FBgn0032068	CG9466	-	alpha-mannosidase activity	GO:0004559	0,0	0,1	1,1	0,8	1,5	1,2
150206_at	FBgn0038718	CG17752	-	secondary active organic cation transmembrane transporter activity	GO:0008513	0,0	0,2	0,7	0,6	1,1	1,2
141450_at	FBgn0024289	Sodh-1	Sorbitol dehydrogenase 1	L-iditol 2-dehydrogenase activity	GO:0003939	0,0	0,2	0,9	0,6	1,0	0,8
150699_at	FBgn0039471	CG6295	-	phosphatidylcholine 1-acylhydrolase activity	GO:0008970	0,0	0,3	0,7	0,5	1,0	0,8
141426_at	FBgn0036996	CG5932	magro	triglyceride lipase activity	GO:0004806	0,0	0,1	0,9	0,5	0,8	0,8
143239_at	FBgn0002565	Lsp2	Larval serum protein 2	nutrient reservoir activity	GO:0045735	0,0	0,1	1,0	0,6	0,9	0,8
146050_at	FBgn0032069	CG9468	-	alpha-mannosidase activity	GO:0004559	0,0	0,2	1,2	0,9	1,7	1,6
148360_at	FBgn0035817	CG7409	-	unfolded protein binding	GO:0051082	0,1	0,3	0,9	0,5	1,0	1,0
145412_at	FBgn0031087	CG12656	-	-		0,1	0,2	1,7	1,5	1,4	1,4
152393_at	FBgn0030593	CG9512	-	choline dehydrogenase activity	GO:0008812	0,1	0,2	1,2	1,0	1,1	1,1
142402_at	FBgn0037678	CG16749	-	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,1	0,2	0,7	0,5	0,9	0,8
149595_at	FBgn0037765	CG9458	-	fatty acid elongase activity	GO:0009922	0,1	0,4	1,3	1,2	1,4	1,1
148311_f_at	FBgn0035744	CG8628	-	enzyme inhibitor activity	GO:0004857	0,1	0,3	0,6	0,7	0,9	0,7
150893_f_at	FBgn0039777	CG2229	Jonah 99Fii	endopeptidase activity	GO:0004175	0,1	0,4	0,9	0,5	1,2	1,0
152648_at	FBgn0035090	CG2736	-	scavenger receptor activity	GO:0005044	0,1	0,2	1,4	1,1	1,3	1,1
151899_at	FBgn0036992	CG11796	-	4-hydroxyphenylpyruvate dioxygenase activity	GO:0003868	0,1	0,2	0,7	0,8	0,9	1,1
151776_at	FBgn0037763	CG16904	-	fatty acid elongase activity	GO:0009922	0,1	0,3	1,4	1,5	1,3	1,5
153064_at	FBgn0032055	CG13091	-	fatty-acyl-CoA reductase (alcohol-forming) activity	GO:0080019	0,1	0,3	1,0	1,0	1,0	1,0
148422_at	FBgn0035926	CG5804	-	fatty-acyl-CoA binding	GO:0000062	0,1	0,2	0,6	0,5	0,8	0,7
147422_at	FBgn0034318	CG14500	-	carbohydrate binding	GO:0030246	0,1	0,3	0,6	0,6	1,2	0,8
144233_at	FBgn0028536	BG:DS00810.3	-	-		0,1	0,5	1,3	1,0	1,1	1,0
148310_i_at	FBgn0035744	CG8628	-	enzyme inhibitor activity	GO:0004857	0,1	0,3	0,6	0,6	0,8	0,7
153381_at	FBgn0031914	CG5973	-	retinal binding	GO:0016918	0,1	0,2	0,6	0,7	0,8	0,6
149899_at	FBgn0038236	Cyp313a1	Cyp313a1	electron carrier activity	GO:0009055	0,1	0,3	1,1	0,9	1,0	1,2
152651_at	FBgn0039184	CG6432	-	acetate-CoA ligase activity	GO:0003987	0,1	0,5	1,2	1,0	1,2	0,9
142419_at	FBgn0030098	CG12057	-	-		0,1	0,3	1,3	1,1	1,5	1,6
143338_f_at	FBgn0003356	Ser99Da	Jonah 99Cii	serine-type peptidase activity	GO:0008236	0,1	0,6	1,1	0,7	1,4	1,3
149914_at	FBgn0038257	Senescence marker protein-30	Senescence marker protein-30	calcium ion binding	GO:0005509	0,1	0,2	1,9	1,3	1,6	1,9
143465_f_at	FBgn0004426	LysC	Lysozyme C	lysozyme activity	GO:0003796	0,1	0,3	0,6	0,5	0,8	0,7
152090_at	FBgn0032394	CG6746	-	-		0,1	0,4	1,1	1,0	1,2	1,1
143340_f_at	FBgn0003357	Ser99Db	Jonah 99Ciii	serine-type peptidase activity	GO:0008236	0,1	0,6	1,0	0,8	1,4	1,3
143660_at	FBgn0011555	thetaTry	thetaTrypsin	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,1	0,4	0,7	0,5	0,9	0,7
152926_at	FBgn0040992	CG10570	-	-		0,1	0,2	0,6	0,6	0,7	0,6
144664_at	FBgn0029975	CG1444	-	steroid dehydrogenase activity	GO:0016229	0,1	0,4	1,2	0,9	1,3	1,3
148479_at	FBgn0036023	CG18179	-	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,1	0,1	0,1	0,4	1,1	0,4
153069_at	FBgn0034394	CG15096	-	high affinity inorganic phosphate:sodium symporter activity	GO:0005316	0,1	0,3	1,2	0,8	1,5	1,2
150369_at	FBgn0038973	CG18594	Phosphatidylethanolamine-binding protein 1	-		0,1	0,2	0,7	0,5	1,6	0,5
152102_at	FBgn0035189	CG9119	-	hydrolase activity, acting on ester bonds	GO:0016788	0,1	0,3	0,8	0,6	0,8	0,8
148254_at	FBgn0035666	CG6580	Jonah 65Aii	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,1	0,5	0,6	0,7	1,1	1,0
145253_at	FBgn0030859	CG12990	-	transferase activity, transferring acyl groups other than amino-acyl groups	GO:0016747	0,1	0,7	0,9	0,7	1,1	0,9
152407_at	FBgn0033245	CG11198	Acetyl-CoA carboxylase	-		0,1	0,3	0,7	0,8	0,7	0,7
152482_at	FBgn0035484	CG11594	-	phosphotransferase activity, alcohol group as acceptor	GO:0016773	0,1	0,3	1,0	0,7	1,0	0,9
146619_i_at	FBgn0032985	CG12628	-	-		0,1	0,3	1,6	1,3	1,5	1,5

142139_at	FBgn0029549	EG:BACR7A4.14	-	oxidoreductase activity, acting on CH-OH group of donors	GO:0016614	0,1	0,3	1,1	1,2	1,4	1,3
148265_at	FBgn0035679	CG10467	-	aldose 1-epimerase activity	GO:0004034	0,1	0,3	0,9	0,8	1,0	0,9
149303_at	FBgn0037288	CG14661	-	-		0,1	0,3	1,0	1,0	1,3	1,4
142356_at	FBgn0016724	RfaBp	Retinoid- and fatty acid-binding glycoprotein	lipid transporter activity	GO:0005319	0,1	0,5	1,6	1,1	1,2	0,9
151452_at	FBgn0040993	CG17325	-	-		0,1	0,4	1,2	1,4	1,4	1,4
145637_at	FBgn0031418	CG3609	-	oxidoreductase activity	GO:0016491	0,1	0,3	0,8	0,6	0,9	0,8
148877_at	FBgn0036604	CG13061	Neuropeptide-like precursor 3	neuropeptide hormone activity	GO:0005184	0,1	0,4	0,8	0,6	1,0	0,8
143466_f_at	FBgn0004427	LysD	Lysozyme D	lysozyme activity	GO:0003796	0,1	0,3	0,5	0,5	0,9	0,7
152369_at	FBgn0032049	CG13095	beta-site APP-cleaving enzyme	aspartic-type endopeptidase activity	GO:0004190	0,1	0,4	0,8	0,7	1,0	0,9
147793_at	FBgn0034885	CG4019	-	water channel activity	GO:0015250	0,1	0,4	1,5	1,2	1,5	1,5
141406_at	FBgn0037684	CG8129	-	L-threonine ammonia-lyase activity	GO:0004794	0,1	0,4	0,5	0,4	0,4	0,5
148963_at	FBgn0036737	CG6298	Jonah 74E	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,1	0,5	0,9	0,6	1,2	1,1
144572_at	FBgn0029838	CG4666	-	molecular function	GO:0003674	0,1	0,3	1,1	1,0	1,1	1,1
152568_at	FBgn0032864	CG2493	-	serine-type carboxypeptidase activity	GO:0004185	0,1	0,4	1,6	1,6	1,6	1,5
143243_at	FBgn0002571	LvpL	Maltase A3	alpha-glucosidase activity	GO:0004558	0,1	0,3	1,0	1,1	1,2	1,4
151932_at	FBgn0000406	Cyt-b5-r	Cytochrome b5-related	electron carrier activity	GO:0009055	0,1	0,4	1,2	1,0	1,3	1,2
149116_at	FBgn0036971	CG6663	-	4-aminobutyrate transaminase activity	GO:0003867	0,1	0,3	0,8	0,9	1,0	0,9
149489_at	FBgn0037575	CG7459	Copper transporter 1B	copper uptake transmembrane transporter activity	GO:0015088	0,2	0,3	1,8	1,1	2,4	2,2
151287_at	FBgn0040813	DIM7	Neuropeptide-like precursor 2	neuropeptide hormone activity	GO:0005184	0,2	0,5	1,5	1,2	1,4	1,3
154176_at	FBgn0034934	Transaldolase	Tal	sedoheptulose-7-phosphate-D-glyceraldehyde-3-phosphate glyceronetransferase activity	GO:0004801	0,2	0,3	0,9	0,8	1,1	1,1
153318_at	FBgn0027348	bgm	bubblegum	long-chain fatty acid-CoA ligase activity	GO:0004467	0,2	0,4	1,0	0,8	1,2	0,9
145178_at	FBgn0030737	CG9914	-	3-hydroxyacyl-CoA dehydrogenase activity	GO:0003857	0,2	0,3	1,3	0,9	1,5	1,4
149568_at	FBgn0037714	CG9396	-	pyruvate transmembrane transporter activity	GO:0050833	0,2	0,4	0,7	0,5	0,9	0,7
146587_at	FBgn0032947	CG17571	-	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,2	0,4	0,8	0,6	1,4	1,1
152900_at	FBgn0025454	Cyp6g1	Cyp6g1	electron carrier activity	GO:0009055	0,2	0,4	0,8	0,7	0,7	0,8
152478_at	FBgn0035087	CG2765	-	myosin binding	GO:0017022	0,2	0,5	0,9	0,9	0,9	0,8
153063_at	FBgn0032713	CG17323	-	glucuronosyltransferase activity	GO:0015020	0,2	0,4	1,3	1,0	1,2	1,3
153790_at	FBgn0029721	CG7010	lethal (1) G0334	-		0,2	0,3	1,0	0,7	1,1	0,9
150879_at	FBgn0039755	CG15531	-	stearoyl-CoA 9-desaturase activity	GO:0004768	0,2	0,3	0,6	1,0	1,2	1,0
147152_at	FBgn0019928	Ser8	Ser8	serine-type peptidase activity	GO:0008236	0,2	0,2	0,7	0,7	0,7	1,0
144306_at	FBgn0028915	BG:DS01068.5	lethal (2) 34Fc	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,2	0,3	1,1	1,0	1,2	1,3
152151_at	FBgn0036824	CG3902	-	short-branched-chain-acyl-CoA dehydrogenase activity	GO:0016937	0,2	0,4	1,1	1,0	1,2	1,0
151817_at	FBgn0036022	CG8329	-	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,2	0,3	0,9	1,3	1,3	1,1
145243_at	FBgn0030837	CG8661	-	-		0,2	0,4	0,8	0,5	0,9	0,9
153373_at	FBgn0037607	CG8036	-	transketolase activity	GO:0004802	0,2	0,3	0,9	0,8	1,1	1,0
144675_at	FBgn0029994	CG2254	-	oxidoreductase activity	GO:0016491	0,2	0,4	1,0	0,9	1,0	0,9
143691_at	FBgn0011770	Gip	GIP-like	hydroxypyruvate isomerase activity	GO:0008903	0,2	0,4	0,8	0,6	1,1	1,1
152504_at	FBgn0014869	Pglym78	Phosphoglyceromutase	phosphoglycerate mutase activity	GO:0004619	0,2	0,5	0,8	0,6	1,2	1,0
147459_at	FBgn0034382	CG18609	-	fatty acid elongase activity	GO:0009922	0,2	0,4	0,7	0,9	0,8	0,7
151490_s_at	FBgn0033462	CG30007	-	fatty acid elongase activity	GO:0009922	0,2	0,5	1,1	1,2	1,3	1,3
151091_at	FBgn0040606	CG6503	-	-		0,2	0,7	1,4	1,1	1,3	1,3
142951_at	FBgn0028534	BG:DS00941.13	-	-		0,2	0,3	0,7	0,8	1,1	1,0
145058_at	FBgn0030558	CG1461	-	L-tyrosine:2-oxoglutarate aminotransferase activity	GO:0004838	0,2	0,3	1,0	0,8	1,0	1,0
144097_at	FBgn0025814	Mgstl	Microsomal glutathione S-transferase-like	glutathione transferase activity	GO:0004364	0,2	0,4	1,6	1,4	1,4	1,5
149594_at	FBgn0037764	CG9459	-	fatty acid elongase activity	GO:0009922	0,2	0,4	1,0	1,0	1,1	1,0
152534_at	FBgn0032889	CG9331	-	oxidoreductase activity, acting on the CH-OH group of donors, NAD or NADP as acceptor	GO:0016616	0,2	0,3	1,2	1,0	1,2	1,1

151781_at	FBgn0039342	CG5107	-	-		0,2	0,3	1,2	1,1	0,9	1,1
152083_at	FBgn0034390	CG15093	-	3-hydroxyisobutyrate dehydrogenase activity	GO:0008442	0,2	0,3	0,9	0,9	1,1	1,0
154763_at	FBgn0036572	Pgm	phosphoglucose mutase	-		0,2	0,4	0,9	0,7	1,0	0,9
141703_at	FBgn0032076	CG9510	-	argininosuccinate lyase activity	GO:0004056	0,2	0,4	0,9	0,8	0,9	0,9
152573_at	FBgn0038032	CG10097	-	fatty-acyl-CoA reductase (alcohol-forming) activity	GO:0080019	0,2	0,6	0,6	0,5	0,6	0,5
144227_at	FBgn0028526	BG:DS01759.2	-	-		0,2	0,6	1,6	1,4	1,3	1,4
143608_at	FBgn0010387	Dbi	Diazepam-binding inhibitor	fatty-acyl-CoA binding	GO:0000062	0,2	0,4	0,9	0,8	1,0	0,8
149838_at	FBgn0038147	CG14375	CCHamide-2	neuropeptide hormone activity	GO:0005184	0,2	0,5	1,2	1,0	1,2	1,1
152006_at	FBgn0035670	CG10472	-	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,2	0,4	0,9	0,8	1,1	1,0
146994_at	FBgn0033596	CG7738	-	-		0,2	0,3	0,9	1,1	0,9	1,2
145332_at	FBgn0030968	CG7322	-	oxidoreductase activity, acting on CH-OH group of donors	GO:0016614	0,2	0,4	0,9	0,6	0,8	0,8
141208_at	FBgn0015623	Cpr	Cytochrome P450 reductase	NADPH-hemoprotein reductase activity	GO:0003958	0,2	0,5	0,9	1,3	0,8	0,8
143622_at	FBgn0010423	TpnC47D	Troponin C at 47D	calcium ion binding	GO:0005509	0,2	0,4	0,6	0,4	0,7	0,5
151826_at	FBgn0037913	CG6783	fatty acid bindin protein	fatty acid binding	GO:0005504	0,2	0,4	1,0	0,9	1,0	1,0
151851_at	FBgn0027611	BcDNA:GH02419	Lysosomal alpha-mannosidase	alpha-mannosidase activity	GO:0004559	0,2	0,4	2,1	1,8	2,1	2,2
152669_at	FBgn0020385	Pug	pugilist	formate-tetrahydrofolate ligase activity	GO:0004329	0,2	0,5	0,9	0,9	1,0	1,3
151800_at	FBgn0034229	CG4847	-	cysteine-type peptidase activity	GO:0008234	0,2	0,5	0,7	0,5	0,8	0,7
144037_at	FBgn0024957	Irp-1B	Iron regulatory protein 1B	iron ion binding	GO:0005506	0,2	0,4	1,0	1,4	1,4	1,0
148646_at	FBgn0036270	CG32100	-	-		0,2	0,4	1,0	0,7	1,4	1,0
154230_at	FBgn0035925	CG32030	Formin homology 2 domain containing ortholog	-		0,2	0,6	1,2	0,5	1,5	1,0
152925_at	FBgn0037230	CG9780	-	metalloendopeptidase activity	GO:0004222	0,2	0,5	1,0	0,9	0,9	1,0
152227_at	FBgn0038407	CG6126	-	organic cation transmembrane transporter activity	GO:0015101	0,2	0,3	0,7	1,0	1,1	0,8
152709_at	FBgn0035717	Prat2	Phosphoribosylamidotransferase 2	-		0,2	0,7	0,8	0,8	1,0	1,1
151819_at	FBgn0038878	CG3301	-	oxidoreductase activity, acting on the CH-OH group of donors, NAD or NADP as acceptor	GO:0016616	0,2	0,4	1,0	0,8	1,0	0,9
144829_at	FBgn0030237	CG15209	-	-		0,2	0,3	1,3	1,1	1,1	1,0
145395_at	FBgn0031069	CG12703	-	ATPase activity, coupled to transmembrane movement of substances	GO:0042626	0,2	0,5	1,2	1,2	1,3	0,9
153434_at	FBgn0001208	Hn	Henna	phenylalanine 4-monooxygenase activity	GO:0004505	0,2	0,6	2,2	1,8	2,2	2,1
141317_at	FBgn0038577	CG12321	-	-		0,2	0,3	0,9	1,0	0,9	1,0
143339_i_at	FBgn0003357	Ser99Db	Jonah 99Ciii	serine-type peptidase activity	GO:0008236	0,2	1,0	0,8	0,6	1,0	0,9
151887_at	FBgn0031502	v(2)k05816	v(2)k05816	zinc ion binding	GO:0008270	0,2	0,6	0,9	2,5	1,2	1,2
154963_at	FBgn0032783	CG10237	-	retinal binding	GO:0016918	0,2	0,5	0,9	1,0	1,1	0,9
143175_at	FBgn0001092	Gapdh2	Glyceraldehyde 3 phosphate dehydrogenase 2	glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase (NAD+) (phosphorylating) activity	GO:0004365	0,2	0,5	1,1	1,4	1,4	1,1
146311_at	FBgn0032472	CG9928	-	-		0,2	0,8	2,7	2,3	1,9	2,1
151797_at	FBgn0032820	fbp	fructose-1,6-bisphosphatase	fructose 1,6-bisphosphate 1-phosphatase activity	GO:0042132	0,2	0,5	1,0	0,8	1,1	0,9
152442_at	FBgn0038898	CG31233	-	metallopeptidase activity	GO:0008237	0,2	0,4	0,9	0,7	1,4	1,1
152015_at	FBgn0010019	Cyp4g1	Cytochrome P450-4g1	electron carrier activity	GO:0009055	0,2	0,9	1,4	1,3	1,4	1,4
150697_at	FBgn0039468	CG31075	-	-		0,2	0,4	1,0	0,8	1,0	1,0
152013_at	FBgn0027586	BcDNA:GH05536	-	-		0,2	0,4	0,9	0,8	1,2	1,1
141527_at	FBgn0023479	Tequila	Tequila	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,2	0,5	1,1	0,8	1,0	1,0
145844_at	FBgn0031734	CG11147	-	ATPase activity, coupled to transmembrane movement of substances	GO:0042626	0,2	0,4	1,3	1,0	1,3	1,1
146808_at	FBgn0033294	CG8693	Maltase A4	alpha-glucosidase activity	GO:0004558	0,2	0,3	0,8	1,0	1,1	1,2
151795_at	FBgn0035881	ldh	Isocitrate dehydrogenase	-		0,2	0,4	1,0	1,0	1,3	1,1
146489_at	FBgn0032777	DPXN	Paxillin	zinc ion binding	GO:0008270	0,2	0,7	0,9	0,6	1,0	0,8
152137_at	FBgn0039754	CG9747	-	acyl-CoA delta11-desaturase activity	GO:0017105	0,2	0,4	0,7	0,5	0,9	0,7
152456_at	FBgn0019643	Dat	Dopamine N acetyltransferase	N-acetyltransferase activity	GO:0008080	0,2	0,3	0,7	0,6	0,8	0,7

141435_at	FBgn0031249	CG11911	-	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,2	0,3	0,5	0,5	1,0	0,7
143464_f_at	FBgn0004425	LysB	Lysozyme B	lysozyme activity	GO:0003796	0,2	0,5	0,6	0,5	0,9	0,7
147436_at	FBgn0034337	CG17524	Glutathione S transferase E3	glutathione transferase activity	GO:0004364	0,2	0,4	0,8	1,1	1,1	1,1
145890_at	FBgn0031801	CG9498	-	transferase activity, transferring phosphorus-containing groups	GO:0016772	0,2	0,3	2,1	1,6	2,0	1,5
153769_at	FBgn0012034	AcCoA5	Acetyl Coenzyme A synthase	acetate-CoA ligase activity	GO:0003987	0,2	0,5	1,1	0,9	1,0	0,8
149473_at	FBgn0037547	CG7910	-	fatty acid amide hydrolase activity	GO:0017064	0,2	0,8	1,7	1,5	1,4	1,3
148259_at	FBgn0035673	CG6602	-	-		0,2	0,2	0,6	0,7	0,6	0,6
146060_at	FBgn0032087	CG9568	-	-		0,2	0,6	0,9	1,3	0,7	0,8
143062_at	FBgn0000053	ade3	adenosine 3	phosphoribosylamine-glycine ligase activity	GO:0004637	0,2	0,7	0,8	0,9	1,1	1,0
142950_at	FBgn0028533	BG:DS00941.14	-	-		0,2	0,5	0,8	0,8	0,9	1,1
153323_at	FBgn0023537	EG:171D11.1	-	methylmalonate-semialdehyde dehydrogenase (acylating) activity	GO:0004491	0,3	0,4	0,6	0,5	0,8	0,8
146620_s_at	FBgn0032985	CG12628	-	-		0,3	0,5	1,8	1,4	1,7	1,7
150703_at	FBgn0039475	CG6277	-	phosphatidylcholine 1-acylhydrolase activity	GO:0008970	0,3	0,5	0,6	0,9	1,1	1,1
150404_at	FBgn0039031	CG17244	-	cytokine activity	GO:0005125	0,3	0,4	1,8	1,9	1,6	1,7
147235_at	FBgn0033999	CG8093	-	lipase activity	GO:0016298	0,3	0,4	0,9	0,7	1,0	1,1
145636_at	FBgn0031417	CG3597	-	oxidoreductase activity	GO:0016491	0,3	0,4	1,1	0,9	1,1	1,0
146746_at	FBgn0033189	Cyt-b5	Cytochrome b5	heme binding	GO:0020037	0,3	0,4	1,0	1,0	1,0	0,9
152604_at	FBgn0036015	CG3088	-	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,3	0,8	1,4	1,6	1,6	1,4
154747_at	FBgn0034406	Jheh3	Juvenile hormone epoxide hydrolase 3	juvenile hormone epoxide hydrolase activity	GO:0008096	0,3	0,2	0,6	0,6	0,9	0,9
152049_at	FBgn0028493	Peb	Protein ejaculatory bulb	-		0,3	0,8	1,2	0,9	1,2	1,2
154086_at	FBgn0033797	CG13328	-	-		0,3	0,4	0,7	0,7	0,9	0,9
143093_at	FBgn0000261	Cat	Catalase	antioxidant activity	GO:0016209	0,3	0,4	1,4	1,3	1,4	1,2
148055_at	FBgn0035356	CG16986	-	-		0,3	0,4	1,1	0,9	1,1	0,9
143958_at	FBgn0022355	Tsf1	Transferrin 1	ferric iron binding	GO:0008199	0,3	0,7	1,9	1,5	1,7	1,6
154343_at	FBgn0030594	CG9509	-	choline dehydrogenase activity	GO:0008812	0,3	0,6	0,7	0,6	0,8	0,7
141639_at	FBgn0030478	CG1640	-	L-alanine:2-oxoglutarate aminotransferase activity	GO:0004021	0,3	0,5	0,6	0,5	0,7	0,5
144220_at	FBgn0028510	BG:DS07851.3	UK114	deaminase activity	GO:0019239	0,3	0,4	0,9	0,9	1,3	1,1
152455_at	FBgn0037146	CG7470	-	delta1-pyrroline-5-carboxylate synthetase activity	GO:0017084	0,3	0,6	0,8	0,8	0,8	0,8
153364_at	FBgn0031845	CG9232	Galactose-1-phosphate uridylyltransferase	-		0,3	0,3	1,1	1,2	1,3	1,2
154730_at	FBgn0034618	CG9485	-	4-alpha-glucanotransferase activity	GO:0004134	0,3	0,6	0,8	0,7	1,3	1,2
153031_at	FBgn0038037	Cyp9f2	Cyp9f2	electron carrier activity	GO:0009055	0,3	0,4	1,1	1,2	1,0	1,2
153665_at	FBgn0017558	Pdk	Pyruvate dehydrogenase kinase	pyruvate dehydrogenase (acetyl-transferring) kinase activity	GO:0004740	0,3	0,9	0,7	0,8	0,7	0,7
152383_at	FBgn0000116	Argk	Arginine kinase	arginine kinase activity	GO:0004054	0,3	0,7	0,9	0,6	1,0	0,9
141674_at	FBgn0003178	PyK	Pyruvate kinase	pyruvate kinase activity	GO:0004743	0,3	0,6	0,9	0,8	1,0	0,9
143127_at	FBgn0000473	Cyp6a2	Cytochrome P450-6a2	electron carrier activity	GO:0009055	0,3	0,7	1,2	1,2	1,4	1,2
147472_at	FBgn0034405	Jheh2	Juvenile hormone epoxide hydrolase 2	juvenile hormone epoxide hydrolase activity	GO:0008096	0,3	0,4	0,9	0,8	0,9	0,9
153435_at	FBgn0011211	blw	bellwether	hydrogen-exporting ATPase activity, phosphorylative mechanism	GO:0008553	0,3	0,7	1,1	0,7	1,3	1,0
151882_at	FBgn0033093	CG3270	-	oxidoreductase activity	GO:0016491	0,3	0,5	1,0	0,9	1,0	1,0
145897_at	FBgn0031810	CG9511	-	-		0,3	0,5	1,2	1,2	1,0	1,0
151909_at	FBgn0032350	CG6287	-	phosphoglycerate dehydrogenase activity	GO:0004617	0,3	0,6	1,9	1,7	1,8	1,9
147028_i_at	FBgn0033643	CG30035	Trehalose transporter 1-1	glucose transmembrane transporter activity	GO:0005355	0,3	0,7	1,7	1,2	1,3	1,2
150193_at	FBgn0038702	CG3739	-	serine-type peptidase activity	GO:0008236	0,3	0,4	1,1	0,7	1,0	0,8
145728_at	FBgn0031558	CG16704	-	serine-type endopeptidase inhibitor activity	GO:0004867	0,3	0,8	0,6	0,8	1,2	1,1
153433_at	FBgn0011693	Pdh	Photoreceptor dehydrogenase	retinol dehydrogenase activity	GO:0004745	0,3	0,5	0,6	0,5	0,9	1,0

144565_at	FBgn0029828	CG6067	-	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,3	0,5	1,4	1,2	1,4	1,2
153782_at	FBgn0035978	CG4347	UGP	UTP:glucose-1-phosphate uridylyltransferase activity	GO:0003983	0,3	0,5	0,9	0,6	1,0	0,7
152781_at	FBgn0004654	Pgd	Phosphogluconate dehydrogenase	phosphogluconate dehydrogenase (decarboxylating) activity	GO:0004616	0,3	0,5	2,0	1,6	1,8	1,7
152233_at	FBgn0027657	glob1	globin 1	oxygen transporter activity	GO:0005344	0,3	0,5	0,9	1,6	1,0	1,4
143912_at	FBgn0020236	ATPCL	ATP citrate lyase	ATP citrate synthase activity	GO:0003878	0,3	0,4	0,8	0,9	0,9	0,9
146793_at	FBgn0033274	CG14757	-	-		0,3	0,3	0,8	0,8	0,9	0,9
152515_at	FBgn0003074	Pgi	Phosphogluconate isomerase	phosphogluconate dehydrogenase (decarboxylating) activity	GO:0004616	0,3	0,5	0,6	0,7	0,8	0,7
149882_at	FBgn0038212	CG31326	-	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,3	0,4	1,8	1,6	1,5	1,4
153576_at	FBgn0036182	CG6084	-	alditol:NADP+ 1-oxidoreductase activity	GO:0004032	0,3	0,4	1,8	1,1	1,8	1,6
153347_at	FBgn0001128	Gpdh	Glycerol 3 phosphate dehydrogenase	glycerol-3-phosphate dehydrogenase [NAD+] activity	GO:0004367	0,3	0,6	0,6	0,6	0,7	0,5
145698_at	FBgn0031517	CG15406	-	fructose transmembrane transporter activity	GO:0005353	0,3	0,4	0,6	0,6	0,8	0,7
152897_at	FBgn0036422	CG3868	-	-		0,3	0,5	1,0	0,9	1,2	1,1
146184_at	FBgn0032285	CG17108	-	-		0,3	0,7	1,2	1,1	1,5	1,4
141671_s_at	FBgn0032715	CG17597	-	acetyl-CoA C-acyltransferase activity	GO:0003988	0,3	0,5	1,5	1,4	1,6	1,5
143872_at	FBgn0016123	Aph-4	Alkaline phosphatase 4	alkaline phosphatase activity	GO:0004035	0,3	0,3	0,8	0,7	0,7	0,6
143908_at	FBgn0019982	Gs1l	GS1-like	hydrolase activity	GO:0016787	0,3	0,7	1,1	1,1	1,4	1,2
142257_at	FBgn0027552	BcDNA:GH10614	-	alditol:NADP+ 1-oxidoreductase activity	GO:0004032	0,3	0,5	1,6	1,4	1,8	1,5
141390_at	FBgn0033318	l(2)44DEa	Acyl-CoA synthetase long-chain	long-chain fatty acid-CoA ligase activity	GO:0004467	0,3	0,7	0,8	0,7	0,9	0,6
144771_at	FBgn0030160	CG9691	-	-		0,3	0,5	1,4	2,3	1,5	1,8
152970_at	FBgn0033180	Aldh-III	Aldehyde dehydrogenase type III	-		0,3	0,4	1,1	1,0	1,0	1,0
154262_at	FBgn0004507	GlyP	Glycogen phosphorylase	glycogen phosphorylase activity	GO:0008184	0,3	0,7	0,8	0,5	1,1	0,8
142414_at	FBgn0039801	CG11315	Niemann-Pick type C-2h	sterol binding	GO:0032934	0,3	0,7	2,4	2,0	2,3	1,8
152743_at	FBgn0029556	CG14629	-	-		0,3	0,5	1,3	1,4	1,2	1,2
149569_at	FBgn0037715	CG9399	-	pyruvate transmembrane transporter activity	GO:0050833	0,3	0,5	1,0	0,7	1,4	1,0
144868_at	FBgn0030292	CG11752	-	-		0,3	0,6	0,7	0,7	0,8	0,8
143299_at	FBgn0003067	Pepck	Phosphoenolpyruvate carboxykinase	phosphoenolpyruvate carboxykinase (GTP) activity	GO:0004613	0,3	0,7	1,1	1,0	0,8	0,9
146084_at	FBgn0032114	CG3752	Aldehyde dehydrogenase	aldehyde dehydrogenase (NAD) activity	GO:0004029	0,3	0,5	1,1	1,1	1,2	1,1
146173_at	FBgn0032272	CG31872	-	triglyceride lipase activity	GO:0004806	0,3	0,7	1,2	0,8	1,2	1,3
153423_at	FBgn0011280	Pbprp2	Odorant-binding protein 19d	pheromone binding	GO:0005550	0,3	0,5	1,3	1,2	1,2	1,4
141568_at	FBgn0030362	regucalcin	regucalcin	-		0,3	0,6	1,3	1,0	1,2	1,1
148295_at	FBgn0035726	CG9953	-	serine-type carboxypeptidase activity	GO:0004185	0,3	0,6	1,5	1,3	1,3	1,3
141757_at	FBgn0039674	CG1907	-	oxoglutarate:malate antiporter activity	GO:0015367	0,3	0,5	0,8	0,8	1,0	0,8
153188_at	FBgn0027919	SPC 21-kDa-like	twisted bristles roughened eye	serine-type peptidase activity	GO:0008236	0,3	0,5	0,7	0,7	0,7	0,6
152801_at	FBgn0031380	CG4233	Glutamate oxaloacetate transaminase 2	-		0,3	0,6	0,7	0,6	0,9	0,7
146528_at	FBgn0032839	CG10659	-	N-acetyltransferase activity	GO:0008080	0,3	0,6	0,9	0,9	0,8	0,9
150181_at	FBgn0038681	Cyp12a4	Cyp12a4	electron carrier activity	GO:0009055	0,3	0,4	1,1	1,1	1,2	1,2
143911_at	FBgn0020235	ATPsyn-gamma	ATP synthase-gamma chain	hydrogen-exporting ATPase activity, phosphorylative mechanism	GO:0008553	0,3	0,7	1,0	0,6	1,3	1,0
142390_at	FBgn0031538	CG3246	-	lipid binding	GO:0008289	0,3	0,5	1,6	1,9	1,6	1,6
154031_at	FBgn0013763	Chit	-	chitinase activity	GO:0004568	0,3	0,5	1,9	1,5	1,4	1,4
149114_at	FBgn0036969	CG6663	Serpin 77Bb	serine-type endopeptidase inhibitor activity	GO:0004867	0,3	0,5	0,7	0,6	1,2	0,9
152692_at	FBgn0027621	6-phosphofructo-2- kinase	6-phosphofructo-2-kinase	6-phosphofructo-2-kinase activity	GO:0003873	0,3	0,5	0,9	0,8	0,9	0,7
144596_at	FBgn0029869	CG3861	knockdown	citrate (Si)-synthase activity	GO:0004108	0,3	0,8	1,0	0,3	1,2	0,7
143150_at	FBgn0000579	Eno	Enolase	phosphopyruvate hydratase activity	GO:0004634	0,3	0,7	1,0	0,8	1,1	1,0
142555_at	FBgn0004169	up	upheld	tropomyosin binding	GO:0005523	0,3	0,9	1,0	0,6	1,2	0,9
141528_at	FBgn0004145	Vha16	Vacuolar H+ ATPase 16kD subunit 1	proton-transporting ATPase activity, rotational mechanism	GO:0046961	0,3	0,8	1,5	1,2	1,9	1,6

150588_at	FBgn0039330	CG11909	target of brain insulin	alpha-glucosidase activity.	GO:0004558	0,3	0,5	0,8	0,8	0,8	0,9
145592_at	FBgn0031352	RFe5P	Rieske iron-sulfur protein	ubiquinol-cytochrome-c reductase activity	GO:0008121	0,3	0,6	0,8	0,7	1,1	0,9
145202_at	FBgn0030775	CG9673	-	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,3	0,6	1,0	0,8	1,1	0,9
141232_at	FBgn0038326	CG5044	-	3-hydroxyisobutyryl-CoA hydrolase activity	GO:0003860	0,3	0,6	0,8	1,0	0,8	0,8
148103_at	FBgn0035434	drosomycin-like	Drosomycin-like 5	molecular_function	GO:0003674	0,3	0,6	1,3	1,6	1,6	1,8
144561_at	FBgn0029823	CG3011	-	glycine hydroxymethyltransferase activity	GO:0004372	0,3	0,6	0,9	0,9	1,1	1,0
152494_at	FBgn0033065	Cyp6w1	Cyp6w1	electron carrier activity	GO:0009055	0,3	0,6	1,3	1,3	1,3	1,0
149663_at	FBgn0037861	Ugt86Dd	Ugt86Dd	glucuronosyltransferase activity.	GO:0015020	0,3	0,4	0,9	0,9	0,9	1,2
149722_at	FBgn0037973	CG18547	-	oxidoreductase activity	GO:0016491	0,3	0,4	0,9	1,4	1,1	1,3
150297_at	FBgn0038858	CG5793	-	catalytic activity	GO:0003824	0,3	0,5	1,0	0,8	1,5	1,2
143427_at	FBgn0004117	Tm2	Tropomyosin 2	actin binding	GO:0003779	0,3	1,0	1,0	0,7	1,2	0,9
146138_at	FBgn0032213	CG5390	-	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,3	0,5	1,6	1,6	1,4	1,6
142746_at	FBgn0038081	Men	Malic enzyme	NAD binding	GO:0051287	0,3	0,5	0,8	0,7	0,8	0,7
144712_at	FBgn0030059	Hexo2	Hexosaminidase 2	beta-N-acetylglucosaminidase activity	GO:0016231	0,3	0,5	1,4	1,0	1,1	1,0
147775_at	FBgn0034860	CG9812	-	-	-	0,3	0,5	1,1	0,8	1,1	1,1
141801_at	FBgn0031449	CG9892	-	ATPase activity, coupled to transmembrane movement of substances	GO:0042626	0,3	0,4	0,7	0,8	0,6	0,7
151808_at	FBgn0035212	l(3)02640	lethal (3) 02640	-	-	0,3	0,7	1,0	1,7	1,1	1,1
142222_at	FBgn0015039	Cyp9b2	Cytochrome P450-9b2	electron carrier activity	GO:0009055	0,3	0,6	1,6	2,0	1,5	1,6
146216_at	FBgn0032325	l(2)06225	lethal (2) 06225	hydrogen-exporting ATPase activity	GO:0036442	0,3	0,5	2,5	1,8	1,9	2,1
143358_at	FBgn0003462	Sod	Superoxide dismutase	superoxide dismutase activity	GO:0004784	0,3	0,5	1,0	1,0	1,2	1,0
149085_at	FBgn0036927	CG7433	-	4-aminobutyrate transaminase activity	GO:0003867	0,3	0,6	0,7	0,5	0,9	0,8
143301_at	FBgn0003075	Pgk	Phosphoglycerate kinase	phosphoglycerate kinase activity	GO:0004618	0,3	0,7	0,9	0,6	1,2	1,0
150603_at	FBgn0039358	CG5028	-	isocitrate dehydrogenase (NAD+) activity	GO:0004449	0,3	0,7	0,9	0,6	1,1	0,9
146810_at	FBgn0033297	CG8690	Maltase A8	alpha-glucosidase activity	GO:0004558	0,3	0,5	1,1	0,7	0,9	1,1
153785_at	FBgn0034117	CG7997	-	alpha-galactosidase activity	GO:0004557	0,3	0,9	1,7	1,9	1,4	1,5
147029_s_at	FBgn0033643	CG30035	Trehalose transporter 1-1	glucose transmembrane transporter activity	GO:0005355	0,3	0,8	1,4	1,2	1,3	1,1
155150_at	FBgn0037912	CG6782	scheggia	tricarboxylate secondary active transmembrane transporter activity	GO:0005371	0,3	0,5	0,8	0,9	1,0	0,8
152081_at	FBgn0036760	CG5567	-	phosphatase activity	GO:0016791	0,3	0,6	1,1	1,0	1,0	0,9
144787_at	FBgn0030184	CG2968	lethal (1) G0230	proton-transporting ATP synthase activity, rotational mechanism	GO:0046933	0,3	0,6	0,9	0,6	1,3	0,9
146175_at	FBgn0032275	CG17097	-	lipase activity	GO:0016298	0,3	0,6	0,9	0,7	0,9	0,8
148253_at	FBgn0035664	CG6467	Jonah 65Aiv	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,3	0,8	1,1	1,1	1,5	1,4
151360_at	FBgn0040887	CG7418	-	molecular_function	GO:0003674	0,3	0,7	0,6	0,6	0,6	0,6
152120_at	FBgn0038194	Cyp6d5	Cyp6d5	electron carrier activity	GO:0009055	0,3	0,4	1,4	1,2	1,3	1,2
153050_at	FBgn0036910	Cyp305a1	Cyp305a1	electron carrier activity	GO:0009055	0,3	0,4	0,9	0,9	1,0	1,0
152242_at	FBgn0039213	CG6668	atlastin	protein homodimerization activity	GO:0042803	0,3	0,5	0,6	0,8	0,5	0,6
152841_at	FBgn0038774	CG5023	-	actin binding	GO:0003779	0,3	0,7	0,8	0,6	0,9	1,0
143310_at	FBgn0003134	Pp1alpha-96A	Protein phosphatase 1alpha at 96A	protein serine/threonine phosphatase activity	GO:0004722	0,3	0,8	1,7	1,4	1,6	1,5
148484_at	FBgn0036030	CG6767	-	ribose phosphate diphosphokinase activity	GO:0004749	0,3	0,8	1,2	1,1	1,6	1,5
143929_at	FBgn0020508	Ag5r2	Antigen 5-related 2	molecular_function	GO:0003674	0,3	0,6	0,7	0,8	1,2	1,0
145193_at	FBgn0015374	crI	courtless	ubiquitin-protein ligase activity	GO:0004842	0,3	0,6	0,9	0,9	0,9	0,8
154613_at	FBgn0031360	CG17711	-	oxidoreductase activity, acting on the CH-OH group of donors, NAD or NADP as acceptor	GO:0016616	0,3	0,5	0,9	0,9	1,1	1,0
152426_at	FBgn0036211	CG5946	-	cytochrome-b5 reductase activity, acting on NAD(P)H	GO:0004128	0,3	0,5	0,6	0,6	0,7	0,6
150796_at	FBgn0039620	CG1443	waterproof	fatty-acyl-CoA reductase (alcohol-forming) activity	GO:0080019	0,3	1,0	1,3	1,3	1,7	1,5
144581_at	FBgn0029849	CG3774	ER GDP-fucose transporter	nucleotide-sugar transmembrane transporter activity	GO:0005338	0,3	0,5	0,8	0,8	0,9	0,9
143657_at	FBgn0011336	OstStt3	Oligosaccharyl transferase 3	oligosaccharyl transferase activity	GO:0004576	0,3	0,5	0,8	0,9	0,9	0,8
142709_s_at	FBgn0033878	CG6543	-	enoyl-CoA hydratase activity	GO:0004300	0,3	0,5	1,4	1,1	1,3	1,2

149828_at	FBgn0038130	CG8630	-	stearoyl-CoA 9-desaturase activity	GO:0004768	0,3	0,7	1,2	0,9	1,2	1,1
142413_at	FBgn0039800	CG11314	Niemann-Pick type C-2g	sterol binding	GO:0032934	0,3	0,6	1,2	1,1	1,0	0,8
147407_at	FBgn0034292	CG5767	-	-		0,3	0,5	0,7	0,8	0,9	0,9
143979_at	FBgn0023211	Elongin C	Elongin C	-		0,3	0,5	0,9	1,2	0,9	0,9
142969_at	FBgn0004629	Cys	Cystatin-like	cysteine-type endopeptidase inhibitor activity	GO:0004869	0,3	0,6	4,0	2,4	4,0	2,5
142537_at	FBgn0034340	CG17530	Glutathione S transferase E6	glutathione transferase activity	GO:0004364	0,3	0,5	0,9	1,6	1,1	1,3
151549_i_at	FBgn0039791	CG9708	prolyl-4-hydroxylase-alpha NE3	iron ion binding	GO:0005506	0,4	0,5	0,6	0,6	0,6	0,5
149794_at	FBgn0038074	CG6188	-	glycine N-methyltransferase activity	GO:0017174	0,4	0,7	1,4	1,0	1,2	1,1
152431_at	FBgn0028480	BcDNA:GH12326	-	-		0,4	0,5	0,7	0,7	0,6	0,8
143871_at	FBgn0016120	ATPsyn-d	ATP synthase, subunit d	hydrogen-exporting ATPase activity, phosphorylative mechanism	GO:0008553	0,4	0,7	1,1	0,8	1,3	1,1
142499_at	FBgn0019830	colt	congested-like trachea	carnitine:acyl carnitine antiporter activity	GO:0005476	0,4	0,5	1,1	1,0	1,2	1,0
154182_at	FBgn0039562	Gp93	Glycoprotein 93	unfolded protein binding	GO:0051082	0,4	0,6	1,7	1,3	1,5	1,3
146151_at	FBgn0032237	CG5362	Malate dehydrogenase 1	L-malate dehydrogenase activity	GO:0030060	0,4	0,6	1,0	0,8	1,0	1,0
154410_at	FBgn0035147	CG12030	UDP-galactose 4'-epimerase	UDP-glucose 4-epimerase activity	GO:0003978	0,4	0,5	0,7	1,1	0,8	0,9
151418_at	FBgn0040954	CG13779	Sem1 ortholog (S. cerevisiae)	peptidase activity	GO:0008233	0,4	0,4	1,1	1,1	1,0	1,1
146525_at	FBgn0032835	CG16772	-	-		0,4	0,4	0,8	0,6	0,9	0,8
153656_at	FBgn0033193	boca	boca	-		0,4	0,4	0,7	0,7	0,7	0,8
151923_at	FBgn0030350	SelG	Selenoprotein G	molecular_function	GO:0003674	0,4	0,6	0,7	0,7	0,8	0,7
149768_s_at	FBgn0038034	Cyp9f3Psi	Cyp9f3Psi	-		0,4	0,7	1,4	1,7	1,5	1,4
151393_s_at	FBgn0040924	CG18624	-	NADH dehydrogenase activity	GO:0003954	0,4	0,5	0,7	0,7	0,8	0,8
147327_at	FBgn0034152	CG8626	Accessory gland protein 53C14a	molecular_function	GO:0003674	0,4	0,8	0,5	0,6	0,7	0,6
143115_at	FBgn0000409	Cyt-c-p	Cytochrome c proximal	electron carrier activity	GO:0009055	0,4	0,7	0,9	0,8	1,2	1,0
150121_at	FBgn0038587	CG7998	Malate dehydrogenase 2	malate dehydrogenase activity	GO:0016615	0,4	0,8	0,8	0,6	1,1	0,8
152362_at	FBgn0011559	Acp36DE	Accessory gland protein 36DE	hormone activity	GO:0005179	0,4	0,5	0,6	0,5	0,7	0,8
141342_at	FBgn0033853	CG6145	-	NAD+ kinase activity	GO:0003951	0,4	0,7	0,7	1,0	0,8	0,8
143151_at	FBgn0000592	Est-6	Esterase 6	carboxylic ester hydrolase activity	GO:0052689	0,4	0,6	0,6	0,6	0,6	0,5
142271_at	FBgn0026314	Ugt35b	UDP-glycosyltransferase 35b	glucuronosyltransferase activity	GO:0015020	0,4	0,6	0,6	0,6	0,8	0,8
152261_at	FBgn0027844	CAH1	Carbonic anhydrase 1	carbonate dehydratase activity	GO:0004089	0,4	0,5	1,0	0,9	0,9	0,9
143602_at	FBgn0010357	betaTry	betaTrypsin	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,4	0,9	1,1	1,0	1,5	1,3
144883_at	FBgn0030311	CG11699	-	-		0,4	0,5	0,7	0,7	0,9	0,8
147014_at	FBgn0043470	lambdaTry	lambdaTry	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,4	0,6	0,9	0,9	1,2	1,1
152565_at	FBgn0038294	CG6803	Myofilin	-		0,4	1,1	1,0	0,8	1,1	1,0
151812_at	FBgn0016691	Oscp	Oligomycin sensitivity-conferring protein	hydrogen-exporting ATPase activity, phosphorylative mechanism	GO:0008553	0,4	0,7	1,0	0,8	1,3	1,1
142253_at	FBgn0039325	CG10560	-	molecular_function	GO:0003674	0,4	0,3	0,6	0,6	0,6	0,7
153326_at	FBgn0031771	CG9140	-	NADH dehydrogenase activity	GO:0003954	0,4	0,6	1,0	0,9	1,1	1,1
153348_at	FBgn0035600	CG4769	-	electron transporter, transferring electrons within CoQH2-cytochrome c reductase complex activity	GO:0045153	0,4	0,6	0,9	0,7	1,3	1,0
152276_at	FBgn0010516	wal	walrus	electron carrier activity	GO:0009055	0,4	0,6	1,2	1,1	1,3	1,2
154061_at	FBgn0031907	CG5171	-	trehalose-phosphatase activity	GO:0004805	0,4	0,6	1,3	1,4	1,4	1,4
146532_at	FBgn0032844	fok	fledgling of Klp38B	-		0,4	0,6	0,6	0,8	0,7	0,8
143945_at	FBgn0020907	Scp2	Sarcoplasmic calcium-binding protein 2	calcium ion binding	GO:0005509	0,4	0,5	0,5	0,5	0,6	0,6
146174_s_at	FBgn0032273	CG31872	-	triglyceride lipase activity	GO:0004806	0,4	0,8	0,9	0,6	1,1	1,0
148634_at	FBgn0036256	l(3)neo18	lethal (3) neo18	NADH dehydrogenase (ubiquinone) activity	GO:0008137	0,4	0,6	0,8	0,6	1,0	0,8
143314_at	FBgn0003151	Pros35	Proteasome $\alpha 6$ subunit	threonine-type endopeptidase activity	GO:0004298	0,4	0,5	0,9	1,1	1,2	1,1
152778_at	FBgn0039872	CG2196	salty dog	sodium:iodide symporter activity	GO:0008507	0,4	0,4	0,7	0,5	0,8	0,6
153344_at	FBgn0032833	CG10664	Cytochrome c oxidase subunit IV	cytochrome-c oxidase activity	GO:0004129	0,4	0,6	1,1	0,8	1,1	1,1
153368_at	FBgn0026721	fat-spondin	fat-spondin	serine-type endopeptidase inhibitor activity	GO:0004867	0,4	0,5	1,4	1,9	1,4	1,4
152903_at	FBgn0038924	CG6028	-	catalytic activity	GO:0003824	0,4	0,5	1,0	1,0	1,3	1,2
149345_at	FBgn0037354	CG12171	-	oxidoreductase activity, acting on CH-OH group of donors	GO:0016614	0,4	0,5	2,0	2,5	1,6	2,0

154206_at	FBgn0038984	CG5315	Adiponectin receptor	hormone binding	GO:0042562	0,4	0,5	1,0	1,0	1,1	1,0
143870_at	FBgn0016119	ATPsyn-Cf6	ATPase coupling factor 6	hydrogen-exporting ATPase activity, phosphorylative mechanism	GO:0008553	0,4	0,7	1,0	0,6	1,0	0,9
143980_at	FBgn0023212	Elongin B	Elongin B	-		0,4	0,8	1,3	1,2	1,5	1,4
153339_at	FBgn0039737	CG7920	-	4-hydroxybutyrate CoA-transferase activity	GO:0008411	0,4	0,6	0,9	0,8	1,0	1,0
144246_at	FBgn0028693	Rpn12	Regulatory particle non-ATPase 12	endopeptidase activity	GO:0004175	0,4	0,4	0,9	1,0	1,0	0,9
143437_at	FBgn0004181	Peb	Protein ejaculatory bulb	-		0,4	0,9	1,0	0,9	1,2	1,2
154253_at	FBgn0003031	pAbp	-	mRNA binding	GO:0003729	0,4	0,9	1,3	1,0	1,2	1,5
150702_at	FBgn0039474	CG6283	-	phosphatidylcholine 1-acylhydrolase activity	GO:0008970	0,4	0,6	0,5	0,9	1,0	0,8
143547_at	FBgn0005585	Crc	Calreticulin	calcium ion binding	GO:0005509	0,4	0,6	1,4	1,3	1,3	1,2
143892_at	FBgn0017545	RpS3A	Ribosomal protein S3A	structural constituent of ribosome	GO:0003735	0,4	0,5	0,8	1,0	0,7	0,7
144608_at	FBgn0029888	CG3192	-	NADH dehydrogenase (ubiquinone) activity	GO:0008137	0,4	0,5	0,9	0,9	1,1	1,0
153283_at	FBgn0019644	ATPsyn-b	ATP synthase, subunit b	hydrogen-exporting ATPase activity, phosphorylative mechanism	GO:0008553	0,4	0,6	0,8	0,6	1,0	0,9
151793_at	FBgn0035665	CG6483	Jonah 65Aiii	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,4	0,8	0,9	1,0	1,3	1,1
154574_at	FBgn0030718	CG9172	-	NADH dehydrogenase (ubiquinone) activity	GO:0008137	0,4	0,6	0,7	0,7	0,9	0,8
146946_s_at	FBgn0033518	Prx2540-2	Peroxiredoxin 2540-2	antioxidant activity	GO:0016209	0,4	0,5	1,7	1,3	2,2	1,8
154909_at	FBgn0005278	M(2)21AB	S-adenosylmethionine Synthetase	methionine adenosyltransferase activity	GO:0004478	0,4	0,7	0,7	0,5	0,5	0,5
152019_at	FBgn0039298	to	takeout	molecular_function	GO:0003674	0,4	0,6	1,5	2,1	1,1	1,5
148769_at	FBgn0036454	CG17839	-	-		0,4	0,7	1,1	1,1	1,2	1,1
149312_at	FBgn0037298	CG2604	-	oxidoreductase activity	GO:0016491	0,4	0,6	0,7	0,8	0,9	0,8
142243_at	FBgn0032511	CG9306	-	NADH dehydrogenase (ubiquinone) activity	GO:0008137	0,4	0,6	1,1	0,9	1,2	1,0
154334_at	FBgn0035404	CG12079	NADH dehydrogenase (ubiquinone) Fe-S protein 3	-		0,4	0,6	1,0	0,8	1,2	1,0
153046_at	FBgn0014031	Spat	Serine pyruvate aminotransferase	serine-pyruvate transaminase activity	GO:0004760	0,4	0,5	1,0	1,5	1,1	1,3
142515_at	FBgn0020439	fau	fau	-		0,4	1,0	0,7	0,4	0,7	0,6
144219_at	FBgn0028508	BG:DS09217.1	lethal (2) 35Di	NADH dehydrogenase activity	GO:0003954	0,4	0,6	0,8	0,6	1,1	0,9
142457_at	FBgn0022344	CG10340	-	-		0,4	0,4	0,9	0,9	1,1	1,1
152837_at	FBgn0039349	CG4685	Succinic semialdehyde dehydrogenase	succinate-semialdehyde dehydrogenase (NAD+) activity	GO:0004777	0,4	0,7	1,0	1,0	1,2	1,0
154269_at	FBgn0032927	Acon	Aconitase	-		0,4	0,7	0,8	0,6	0,8	0,8
143181_at	FBgn0001145	Gs2	Glutamine synthetase 2	glutamate-ammonia ligase activity	GO:0004356	0,4	0,7	0,9	0,7	1,1	0,9
142948_at	FBgn0016917	Stat92E	Signal-transducer and activator of transcription protein at 92E	DNA binding	GO:0003677	0,4	0,7	0,8	0,6	0,7	0,7
142736_s_at	FBgn0034115	Hmgs	HMG Coenzyme A synthase	hydroxymethylglutaryl-CoA synthase activity	GO:0004421	0,4	0,6	1,0	2,3	1,4	1,3
146868_at	FBgn0033384	CG8788	-	-		0,4	0,6	1,4	1,3	1,0	1,0
143729_at	FBgn0013954	FK506-bp2	FK506-binding protein 2	FK506 binding	GO:0005528	0,4	0,5	0,9	1,3	1,0	1,0
142520_at	FBgn0002921	Atpalpha	Na pump alpha subunit	sodium:potassium-exchanging ATPase activity	GO:0005391	0,4	0,8	0,8	0,7	0,9	0,8
151535_at	FBgn0026729	axo	axotactin	serine-type endopeptidase inhibitor activity	GO:0004867	0,4	0,6	0,7	0,6	0,7	0,6
151983_at	FBgn0027590	BcDNA:GH04753	Glutathione S transferase E12	glutathione transferase activity	GO:0004364	0,4	0,4	1,1	0,9	1,1	1,0
152919_at	FBgn0031228	CG3436	-	NADH dehydrogenase activity	GO:0003954	0,4	0,6	0,8	0,7	0,8	0,8
151622_at	FBgn0037582	CG7331	Autophagy-specific gene 13	-		0,4	0,5	0,6	0,9	0,6	0,6
152577_at	FBgn0031767	kisir	slowmo	-		0,4	0,4	0,8	0,9	1,1	0,9
149674_at	FBgn0037874	CG4800	Translationally controlled tumor protein ortholog (H. sapiens)	guanyl-nucleotide exchange factor activity	GO:0005085	0,4	0,6	1,1	1,2	1,0	1,0
153309_at	FBgn0037001	CG6020	-	NADH dehydrogenase (ubiquinone) activity	GO:0008137	0,4	0,6	0,7	0,6	0,8	0,7
152538_at	FBgn0017539	Scs-fp	Succinate dehydrogenase A	-		0,4	0,8	0,6	0,6	0,8	0,7
151195_i_at	FBgn0040718	CG15353	-	-		0,4	0,6	1,4	0,6	1,3	1,2

153450_at	FBgn0030724	Nipsnap	Nipsnap	molecular_function	GO:0003674	0,4	0,6	0,8	0,7	0,8	0,7
149554_at	FBgn0037686	CG9354	Ribosomal protein L34b	structural constituent of ribosome	GO:0003735	0,4	0,6	1,1	1,4	1,1	1,1
151090_f_at	FBgn0040605	CG14236	-	-		0,4	0,4	0,8	0,9	0,7	0,9
142505_at	FBgn0027910	eIF-3p40	Eukaryotic initiation factor 3 p40 subunit	translation initiation factor activity	GO:0003743	0,4	0,6	1,2	1,5	1,2	1,2
146809_at	FBgn0033296	CG11669	Maltase A7	alpha-glucosidase activity	GO:0004558	0,4	0,7	1,2	1,2	1,2	1,5
153260_at	FBgn0026061	Mipp1	Multiple inositol polyphosphate phosphatase 1	phosphoprotein phosphatase activity	GO:0004721	0,4	0,5	0,9	0,7	1,0	1,0
149305_at	FBgn0037290	CG1124	-	-		0,4	0,7	0,8	0,8	0,8	0,8
146732_at	FBgn0033162	CG1707	-	lactoylglutathione lyase activity	GO:0004462	0,4	0,6	1,1	1,0	1,2	1,0
154396_at	FBgn0020766	Aats-phe	Phenylalanyl-tRNA synthetase	phenylalanine-tRNA ligase activity	GO:0004826	0,4	0,6	1,0	0,9	1,0	1,0
151875_at	FBgn0010213	Sod2	Superoxide dismutase 2 (Mn)	superoxide dismutase activity	GO:0004784	0,4	0,7	0,9	0,8	1,2	1,1
153236_at	FBgn0011768	Fdh	Formaldehyde dehydrogenase	S-(hydroxymethyl)glutathione dehydrogenase activity	GO:0051903	0,4	0,5	1,1	1,2	1,2	1,1
145818_s_at	FBgn0031699	cype	cyclope	cytochrome-c oxidase activity	GO:0004129	0,4	0,7	1,0	0,9	1,2	1,1
146973_at	FBgn0033570	CG7712	-	NADH dehydrogenase (ubiquinone) activity	GO:0008137	0,4	0,7	0,6	0,5	0,8	0,7
154858_at	FBgn0038947	sar1	Sar1 ortholog (S. cerevisiae)	GTP binding	GO:0005525	0,4	0,6	1,2	0,9	1,3	1,0
147520_at	FBgn0034474	Obp56g	Odorant-binding protein 56g	odorant binding	GO:0005549	0,4	0,6	1,3	1,3	1,5	1,4
152209_at	FBgn0030853	CG5703	-	NADH dehydrogenase (ubiquinone) activity	GO:0008137	0,4	0,6	1,0	0,9	1,1	1,0
149767_at	FBgn0038033	CG10097	-	fatty-acyl-CoA reductase (alcohol-forming) activity	GO:0080019	0,4	1,1	1,5	1,2	1,2	1,3
155112_at	FBgn0038570	CG7217	Peroxioredoxin 5	antioxidant activity	GO:0016209	0,4	0,6	0,9	0,9	1,1	1,0
149871_at	FBgn0038198	CG3153	Niemann-Pick type C-2b	sterol binding	GO:0032934	0,4	0,7	0,7	0,7	0,8	0,8
153637_at	FBgn0029134	Prosbeta5	Proteasome beta5 subunit	endopeptidase activity	GO:0004175	0,4	0,5	0,8	0,9	1,0	0,9
150263_at	FBgn0038801	CG4241	att-ORFA	transmembrane transporter activity	GO:0022857	0,4	0,9	0,9	0,9	0,8	0,9
153935_at	FBgn0034277	CG6370	Oligosaccharide transferase Delta subunit	dolichyl-diphosphooligosaccharide-protein glycotransferase activity	GO:0004579	0,4	0,6	1,1	1,1	1,0	0,9
149079_at	FBgn0036919	CG7809	Grasp65	-		0,4	0,6	1,3	1,2	1,3	1,1
151857_at	FBgn0036286	CG10616	-	molecular_function	GO:0003674	0,4	0,4	0,9	0,8	0,9	0,7
141478_at	FBgn0004432	Cyp1	Cyclophilin 1	peptidyl-prolyl cis-trans isomerase activity	GO:0003755	0,4	0,7	1,1	1,2	1,2	1,2
152675_at	FBgn0030484	CG1681	Glutathione S transferase T4	glutathione transferase activity	GO:0004364	0,4	0,7	1,3	1,3	1,3	1,5
151228_at	FBgn0040751	CG13018	-	-		0,4	0,7	0,7	0,7	0,9	0,8
144100_at	FBgn0025827	EG:EG0003.8	-	lysozyme activity	GO:0003796	0,4	0,4	1,0	1,2	1,1	1,4
141260_at	FBgn0038738	CG4572	-	serine-type carboxypeptidase activity	GO:0004185	0,4	0,6	1,1	1,1	1,2	1,0
141573_at	FBgn0031363	CG17646	-	ATPase activity, coupled to transmembrane movement of substances	GO:0042626	0,4	0,9	1,1	1,0	1,1	0,9
155056_at	FBgn0023174	Prosbeta2	Proteasome beta2 subunit	endopeptidase activity	GO:0004175	0,4	0,5	1,2	1,5	1,2	1,2
152341_at	FBgn0036084	CG32061	-	-		0,4	0,7	0,7	0,6	0,8	0,6
155023_at	FBgn0026428	HDAC6	HDAC6	histone deacetylase activity	GO:0004407	0,4	0,6	1,3	1,1	0,8	0,9
153504_at	FBgn0033801	CG33137	-	-		0,4	0,7	1,1	1,0	1,5	1,1
154431_at	FBgn0016122	Acer	Angiotensin-converting enzyme-related	peptidyl-dipeptidase activity	GO:0008241	0,4	0,6	1,2	1,2	1,1	1,1
141536_at	FBgn0034190	Sply	Sphingosine-1-phosphate lyase	pyridoxal phosphate binding	GO:0030170	0,4	0,7	1,0	1,1	1,1	1,1
152036_at	FBgn0027785	NP15.6	NP15.6	molecular_function	GO:0003674	0,4	0,7	0,8	0,8	1,1	1,0
143658_at	FBgn0011361	mtacp1	mitochondrial acyl carrier protein 1	phosphopantetheine binding	GO:0031177	0,4	0,6	0,9	0,6	1,1	0,8
147546_at	FBgn0034511	CG13422	-	carbohydrate binding	GO:0030246	0,4	0,8	1,7	0,9	1,3	1,5
151802_at	FBgn0000055	Adh	Alcohol dehydrogenase	alcohol dehydrogenase (NAD) activity	GO:0004022	0,4	0,9	1,4	1,2	1,5	1,4
151873_at	FBgn0034649	CG9865	-	transferase activity, transferring hexosyl groups	GO:0016758	0,4	0,7	0,7	0,7	0,7	0,6
153155_at	FBgn0024923	TER94	TER94	-		0,4	0,5	0,9	1,0	0,8	0,9
142982_at	FBgn0015282	Pros26.4	Regulatory particle triple-A ATPase 2	ATPase activity	GO:0016887	0,4	0,7	1,2	1,1	1,2	1,2
143825_at	FBgn0015584	Acp53Ea	Accessory gland protein 53Ea	hormone activity	GO:0005179	0,4	0,7	0,9	0,7	0,7	0,7
153385_at	FBgn0031899	Ndae1	Na[+]-driven anion exchanger 1	-		0,4	0,7	1,1	1,4	0,8	0,9
151810_at	FBgn0033179	p47	p47	-		0,4	0,5	0,9	1,0	0,9	0,9

142370_at	FBgn0023441	fus	fusilli	mRNA binding	GO:0003729	0,4	1,3	1,4	1,4	1,2	1,3
149115_at	FBgn0036970	CG6289	Serpin 77Bc	serine-type endopeptidase inhibitor activity	GO:0004867	0,4	0,7	0,7	0,7	1,0	0,8
153820_at	FBgn0038985	CG6921	james bond	-		0,4	0,6	0,6	0,6	0,7	0,6
155145_at	FBgn0029889	CG4094	lethal (1) G0255	-		0,4	0,7	0,7	0,7	0,8	0,8
143463_at	FBgn0004414	msopa	male-specific opa containing gene	molecular_function	GO:0003674	0,4	0,6	0,7	0,6	0,9	1,0
150225_at	FBgn0038742	Arc42	Arc42	acyl-CoA dehydrogenase activity	GO:0003995	0,4	0,8	1,2	1,1	1,1	1,1
144473_at	FBgn0029702	CG15572	-	-		0,4	0,5	0,8	0,6	0,8	0,9
147336_at	FBgn0034162	CG6426	-	lysozyme activity	GO:0003796	0,4	0,8	1,9	2,0	1,9	2,9
154167_at	FBgn0037728	CG16817	-	molecular_function	GO:0003674	0,4	0,7	0,9	1,1	1,1	1,1
142842_at	FBgn0031143	CG1532	-	-		0,4	0,5	1,1	1,1	1,2	0,9
151016_at	FBgn0040529	CG9603	-	cytochrome-c oxidase activity	GO:0004129	0,4	0,6	0,9	1,0	1,1	1,0
143896_at	FBgn0017566	ND75	NADH:ubiquinone reductase 75kD subunit precursor	NADH dehydrogenase (ubiquinone) activity	GO:0008137	0,4	0,7	0,9	0,8	1,0	0,9
153392_at	FBgn0032148	CG18854	-	-		0,4	0,7	0,8	0,9	0,9	0,8
153374_at	FBgn0004646	ogre	optic ganglion reduced	gap junction channel activity	GO:0005243	0,4	0,6	1,0	0,6	0,8	1,0
147328_at	FBgn0034153	CG15616	Accessory gland protein 53C14b	molecular_function	GO:0003674	0,4	0,6	0,8	0,7	0,8	0,7
150496_at	FBgn0039172	CG5677	Spase 22/23-subunit	peptidase activity	GO:0008233	0,4	0,6	0,7	0,9	1,0	0,9
143022_at	FBgn0038376	CG4225	Heavy metal tolerance factor 1	ATPase activity, coupled to transmembrane movement of substances	GO:0042626	0,4	0,5	0,9	1,1	1,0	1,0
152159_at	FBgn0039856	CG1774	-	-		0,4	0,7	0,6	0,6	0,8	0,7
152584_at	FBgn0039697	CG7834	-	electron carrier activity	GO:0009055	0,4	0,6	1,0	0,9	1,0	1,0
148923_at	FBgn0036675	Lmpt	Limpet	sequence-specific DNA binding transcription factor activity	GO:0003700	0,4	0,8	0,9	0,7	1,0	0,9
148952_at	FBgn0036723	CG12229	-	pyruvate kinase activity	GO:0004743	0,4	0,5	0,6	0,6	0,6	0,6
149063_at	FBgn0036891	CG9372	-	serine-type peptidase activity	GO:0008236	0,4	0,6	1,3	1,2	1,7	1,6
152488_at	FBgn0040502	BEST:GH10831	-	mannose binding	GO:0005537	0,4	0,9	1,6	2,0	2,0	1,8
143192_at	FBgn0001217	Hsc70-2	Heat shock protein cognate 2	unfolded protein binding	GO:0051082	0,4	0,7	0,6	0,5	0,7	0,6
147595_at	FBgn0034576	CG9350	-	-		0,4	0,7	0,7	0,7	1,0	0,9
147214_at	FBgn0033953	CG12861	-	molecular_function	GO:0003674	0,4	0,5	0,7	0,7	0,7	0,7
154374_at	FBgn0035631	Txl	Thioredoxin-like	disulfide oxidoreductase activity	GO:0015036	0,4	0,6	1,1	1,1	1,0	1,0
154275_at	FBgn0037314	CG12000	Proteasome beta7 subunit	-		0,4	0,6	0,8	1,0	0,9	0,8
145370_at	FBgn0031024	CG12233	lethal (1) G0156	magnesium ion binding	GO:0000287	0,4	0,7	0,6	0,5	0,7	0,7
152965_at	FBgn0032453	CG6180	-	molecular_function	GO:0003674	0,4	0,6	1,1	1,3	1,3	1,2
152074_at	FBgn0010435	emp	epithelial membrane protein	scavenger receptor activity	GO:0005044	0,4	0,7	0,9	0,9	1,1	0,9
145030_at	FBgn0030519	CG11151	-	estradiol 17-beta-dehydrogenase activity	GO:0004303	0,4	0,5	1,0	1,4	1,2	1,3
151667_s_at	FBgn0035906	CG6673	Glutathione S transferase O2	glutathione transferase activity	GO:0004364	0,4	0,6	1,2	1,1	1,3	1,2
154175_at	FBgn0038463	CG3534	-	xylokinase activity	GO:0004856	0,4	0,5	0,8	0,8	0,9	0,8
152508_at	FBgn0031897	CG13784	-	-		0,4	0,7	0,7	1,1	0,7	0,5
148901_at	FBgn0036642	CG4169	-	ubiquinol-cytochrome-c reductase activity	GO:0008121	0,4	0,8	0,7	0,6	0,9	0,8
153728_at	FBgn0012037	Ance	Angiotensin converting enzyme	zinc ion binding	GO:0008270	0,4	0,6	1,0	0,9	1,0	0,9
144595_at	FBgn0029868	CG3446	-	NADH dehydrogenase activity	GO:0003954	0,4	0,7	0,8	0,8	1,0	0,9
153168_at	FBgn0031539	Pdsw	Pdsw	-		0,4	0,6	0,9	0,8	1,1	0,9
153622_at	FBgn0024811	Crk	Crk	SH3/SH2 adaptor activity	GO:0005070	0,4	0,6	0,7	0,8	0,7	0,7
153849_at	FBgn0021979	l(2)k09913	lethal (2) k09913	molecular_function	GO:0003674	0,5	0,5	0,7	0,9	0,9	0,7
142220_at	FBgn0033367	CG8193	prophenoloxidase 45	L-DOPA monooxygenase activity	GO:0036263	0,5	0,7	1,2	0,7	1,1	0,9
154218_at	FBgn0001098	Gdh	Glutamate dehydrogenase	glutamate dehydrogenase [NAD(P)+] activity	GO:0004353	0,5	0,6	0,7	0,6	0,9	0,8
141768_at	FBgn0024906	Dak2	Adenylate kinase-2	ATP binding	GO:0005524	0,5	0,5	0,6	0,7	0,7	0,6
154023_at	FBgn0015283	Pros54	Regulatory particle non-ATPase 10	endopeptidase activity	GO:0004175	0,5	0,6	1,0	1,1	1,2	1,0
142590_at	FBgn0030703	CG9066	membrane steroid binding protein	ecdysone binding	GO:0035100	0,5	0,6	0,7	0,9	0,9	0,8
142399_at	FBgn0033631	CG9027	Superoxide dismutase 3	superoxide dismutase activity	GO:0004784	0,5	0,6	1,0	1,0	1,4	1,4
145692_at	FBgn0031505	CG12400	-	NADH dehydrogenase (ubiquinone) activity	GO:0008137	0,5	0,7	0,8	0,7	0,8	0,8
151445_at	FBgn0040985	CG6115	-	-		0,5	0,6	1,3	2,0	1,1	1,3
154786_at	FBgn0038347	CG18522	-	electron carrier activity	GO:0009055	0,5	0,7	1,1	2,0	1,1	1,7

152201_at	FBgn0027560	Tps1	Trehalose-6-phosphate synthase 1	alpha,alpha-trehalose-phosphate synthase (UDP-forming) activity	GO:0003825	0,5	0,6	1,4	1,5	1,6	1,6
152556_at	FBgn0019929	Ser7	Ser7	serine-type peptidase activity	GO:0008236	0,5	0,7	1,1	1,3	1,2	1,2
145414_at	FBgn0031089	CG9572	-	-	-	0,5	0,8	1,1	0,9	1,1	1,0
148522_at	FBgn0036085	CG6527	-	structural molecule activity	GO:0005198	0,5	0,5	0,6	0,6	0,6	0,6
145431_at	FBgn0031117	CG1702	Glutathione S transferase T3	glutathione transferase activity	GO:0004364	0,5	0,6	0,9	1,1	0,8	0,9
143642_at	FBgn0011272	RpL13	Ribosomal protein L13	structural constituent of ribosome	GO:0003735	0,5	0,6	1,0	1,3	1,1	1,1
148040_at	FBgn0035334	CG8993	-	disulfide oxidoreductase activity	GO:0015036	0,5	0,6	1,0	0,9	1,1	1,1
152088_at	FBgn0027579	BcDNA:GH07066	minotaur	glycerol-3-phosphate O-acyltransferase activity	GO:0004366	0,5	0,7	1,2	1,1	1,2	0,9
142251_at	FBgn0000721	for	foraging	cyclic nucleotide-dependent protein kinase activity	GO:0004690	0,5	0,8	0,9	1,7	0,8	1,3
143949_at	FBgn0021765	scu	scully	3-hydroxyacyl-CoA dehydrogenase activity	GO:0003857	0,5	0,6	1,6	1,4	1,7	1,4
143361_at	FBgn0003471	beta Spectrin	β Spectrin	cytoskeletal protein binding	GO:0008092	0,5	0,8	1,1	1,3	0,9	1,0
142165_at	FBgn0031245	CG3625	-	-	-	0,5	0,6	0,5	0,6	0,6	0,6
152396_at	FBgn0031995	CG8475	-	phosphorylase kinase regulator activity	GO:0008607	0,5	0,8	0,7	0,6	0,8	0,8
150421_at	FBgn0039049	CG6726	-	aminoacylase activity	GO:0004046	0,5	0,7	1,1	1,0	1,1	0,9
148460_at	FBgn0035982	CG4461	-	-	-	0,5	0,6	0,7	0,6	0,9	0,8
141585_at	FBgn0031187	CG14619	-	ubiquitin-specific protease activity	GO:0004843	0,5	0,7	0,8	0,7	0,7	0,7
146660_at	FBgn0033047	CG7882	-	glucose transmembrane transporter activity	GO:0005355	0,5	0,6	0,9	0,7	1,1	0,8
151349_at	FBgn0040875	sun	stunted	proton-transporting ATP synthase activity	GO:0046933	0,5	0,8	0,6	0,5	0,9	0,8
147765_at	FBgn0034848	CG30409	Ribose-5-phosphate isomerase	ribose-5-phosphate isomerase activity	GO:0004751	0,5	0,5	0,8	0,8	0,9	0,7
150682_at	FBgn0039452	CG14245	-	chitin binding	GO:0008061	0,5	0,7	0,7	1,0	1,0	1,0
152332_at	FBgn0030251	CG2145	-	serine-type peptidase activity	GO:0008236	0,5	0,7	1,5	1,2	1,4	1,4
147237_at	FBgn0034003	Hex-C	Hexokinase C	fructokinase activity	GO:0008865	0,5	0,6	1,3	1,0	1,2	1,1
147378_at	FBgn0034245	CG14482	-	ubiquinol-cytochrome-c reductase activity	GO:0008121	0,5	0,8	0,7	0,6	0,8	0,8
143639_at	FBgn0011225	jar	jaguar	ATPase activity, coupled	GO:0042623	0,5	0,6	0,8	1,3	1,0	1,1
152744_at	FBgn0035032	CG4692	-	hydrogen-exporting ATPase activity, phosphorylative mechanism	GO:0008553	0,5	0,5	1,0	0,7	1,3	1,0
151853_at	FBgn0027610	BcDNA:GH02431	Dicarboxylate carrier 1	dicarboxylic acid transmembrane transporter activity	GO:0005310	0,5	0,6	1,1	1,0	1,0	1,0
143265_at	FBgn0002773	Mlc2	Myosin light chain 2	microfilament motor activity	GO:0000146	0,5	0,9	0,8	0,5	1,1	0,9
144663_at	FBgn0029971	CG18624	-	NADH dehydrogenase activity	GO:0003954	0,5	0,7	0,9	0,6	0,9	0,9
147789_at	FBgn0034877	CG17280	levy	cytochrome-c oxidase activity	GO:0004129	0,5	0,7	0,8	0,7	1,0	0,9
152323_at	FBgn0037744	CG8417	-	mannose-6-phosphate isomerase activity	GO:0004476	0,5	0,6	1,0	0,9	0,9	1,0
152816_at	FBgn0029990	CG2233	-	-	-	0,5	0,8	1,4	1,4	1,3	1,4
150300_at	FBgn0038863	CG5802	medial glomeruli	UDP-galactose transmembrane transporter activity	GO:0005459	0,5	0,6	1,0	1,0	0,9	0,8
143739_at	FBgn0014002	Pdi	Protein disulfide isomerase	protein disulfide isomerase activity	GO:0003756	0,5	0,7	1,0	1,1	1,0	0,9
155091_at	FBgn0015766	Msr-110	Msr-110	molecular function	GO:0003674	0,5	0,6	0,9	1,0	0,8	0,8
154256_at	FBgn0000173	ben	bendless	ubiquitin-protein ligase activity	GO:0004842	0,5	0,6	0,8	0,6	0,8	0,8
153611_at	FBgn0026170	smt3	smt3	-	-	0,5	0,7	1,0	1,1	1,0	1,1
142971_at	FBgn0003638	EG:BACR7A4.10	suppressor of white-apricot	RNA binding	GO:0003723	0,5	0,6	0,8	0,8	0,9	0,7
151926_at	FBgn0039348	CG4673	Npl4 ortholog	structural constituent of nuclear pore	GO:0017056	0,5	0,8	0,8	0,8	0,9	0,8
152312_at	FBgn0034048	l(2)k05713	Glycerophosphate oxidase-1	glycerol-3-phosphate dehydrogenase activity	GO:0004368	0,5	0,5	1,0	0,7	1,0	1,1
150643_at	FBgn0039406	CG6090	Ribosomal protein L34a	structural constituent of ribosome	GO:0003735	0,5	0,5	1,0	1,0	0,9	0,9
151121_at	FBgn0040636	CG13255	-	-	-	0,5	0,6	1,2	1,3	1,2	1,4
143415_at	FBgn0004028	wupA	wings up A	actin binding	GO:0003779	0,5	0,8	0,8	0,5	1,0	0,8
146273_at	FBgn0032413	CG16997	Phaedra 2	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,5	0,6	1,0	0,9	1,0	1,1
151841_at	FBgn0033320	CG8586	-	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,5	0,7	2,1	2,5	2,1	1,8
143631_at	FBgn0010638	Sec61beta	Sec61 beta subunit	protein transporter activity	GO:0008565	0,5	0,5	0,9	0,9	1,0	0,7
146321_at	FBgn0032492	Prosalpha6T	Proteasome alpha6 subunit, Testis-specific	endopeptidase activity	GO:0004175	0,5	0,7	0,5	0,5	0,5	0,6
152603_at	FBgn0030731	CG3415	peroxisomal Multifunctional enzyme type 2	enoyl-CoA hydratase activity	GO:0004300	0,5	0,6	1,2	1,4	1,2	1,3

154662_at	FBgn0032222	CG5037	-	protoheme IX farnesyltransferase activity	GO:0008495	0,5	0,7	0,7	0,7	0,8	0,7
142523_at	FBgn0038181	CG9297	-	calcium ion binding	GO:0005509	0,5	1,2	0,8	0,3	1,1	0,8
153098_at	FBgn0039102	CG16705	Spatzle-Processing Enzyme	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,5	0,6	1,9	1,8	1,5	1,6
153279_at	FBgn0027912	Tapdelta	Translocon-associated protein delta	-		0,5	0,5	1,0	0,9	0,9	0,9
146407_at	FBgn0032642	CG5110	-	SH3/SH2 adaptor activity	GO:0005070	0,5	0,4	0,9	1,1	1,0	1,0
141547_at	FBgn0004057	Zw	Zwischenferment	glucose-6-phosphate dehydrogenase activity	GO:0004345	0,5	0,6	1,1	0,9	1,2	1,0
142786_at	FBgn0037530	CG2943	-	-		0,5	0,6	0,8	1,0	0,9	1,0
153541_at	FBgn0032159	BEST:CK01296	-	-		0,5	0,6	1,2	1,1	1,3	1,1
149334_at	FBgn0037328	CG2099	Ribosomal protein L35A	structural constituent of ribosome	GO:0003735	0,5	0,7	1,1	1,3	1,2	1,1
144259_at	FBgn0028847	BG:DS08249.3	-	protein tag	GO:0031386	0,5	0,8	1,0	0,8	0,8	0,9
153040_at	FBgn0033529	CG17765	-	calcium ion binding	GO:0005509	0,5	0,6	0,9	1,1	0,8	1,0
146767_at	FBgn0033221	CG12825	-	-		0,5	0,5	1,4	1,8	1,6	1,7
153026_at	FBgn0033383	CG8057	alicorn	-		0,5	0,7	0,8	0,9	0,8	0,9
144350_at	FBgn0029533	EG:BACR19J1.2	-	tricarboxylate secondary active transmembrane transporter activity	GO:0005371	0,5	0,7	1,0	1,0	1,1	1,1
142494_at	FBgn0003360	sesB	stress-sensitive B	ATP:ADP antiporter activity	GO:0005471	0,5	0,7	0,7	0,6	0,8	0,8
151522_at	FBgn0039493	Mdh	Malic enzyme b	malate dehydrogenase (decarboxylating) (NAD+) activity	GO:0004471	0,5	0,8	0,6	0,6	0,6	0,6
153847_at	FBgn0037112	BcDNA:GH08902	-	carbohydrate binding	GO:0030246	0,5	0,6	1,3	1,2	1,4	1,1
153828_at	FBgn0032136	CG15828	Apolipoprotein lipid transfer particle	lipid binding	GO:0008289	0,5	0,9	1,3	3,5	0,9	1,5
152086_at	FBgn0036106	CG6409	-	-		0,5	0,8	1,5	1,8	1,5	1,5
153289_at	FBgn0034089	CG44243	-	lipoyltransferase activity	GO:0017118	0,5	0,8	0,9	0,9	0,9	0,8
152350_at	FBgn0027547	BcDNA:GH11112	-	-		0,5	0,7	0,9	1,0	1,0	1,0
152003_at	FBgn0036857	CG9629	-	aldehyde dehydrogenase (NAD) activity	GO:0004029	0,5	0,6	0,7	0,6	1,0	0,8
142303_at	FBgn0039493	Mdh	Malic enzyme b	malate dehydrogenase (decarboxylating) (NAD+) activity	GO:0004471	0,5	0,7	0,9	0,8	0,9	0,9
152866_at	FBgn0031689	Cyp28d1	Cyp28d1	electron carrier activity	GO:0009055	0,5	0,6	1,0	1,2	1,4	1,2
150719_at	FBgn0039498	CG17991	-	zinc ion binding	GO:0008270	0,5	1,1	0,7	0,8	0,9	0,7
143877_at	FBgn0016687	Nurf-38	Nucleosome remodeling factor - 38kD	inorganic diphosphatase activity	GO:0004427	0,5	0,5	1,5	1,4	1,4	1,5
143625_at	FBgn0010426	Vha14	Vacuolar H+ ATPase 14kD subunit 1	proton-transporting ATPase activity	GO:0046961	0,5	0,6	0,9	1,1	0,9	1,1
153468_at	FBgn0015776	Nrv1	nervana 1	sodium:potassium-exchanging ATPase activity	GO:0005391	0,5	0,7	0,7	0,8	0,8	0,6
147881_at	FBgn0035046	CG3683	NADH dehydrogenase (ubiquinone) 1 alpha subcomplex, 8	NADH dehydrogenase (ubiquinone) activity	GO:0008137	0,5	0,7	0,8	0,7	1,1	0,9
152673_at	FBgn0025680	DmCRY1	cryptochrome	G-protein coupled photoreceptor activity	GO:0008020	0,5	0,6	1,4	1,2	1,5	1,3
141370_at	FBgn0027945	ppl	pumpless	-		0,5	0,6	0,9	0,8	1,1	0,9
154383_at	FBgn0032721	CG10602	-	leukotriene-A4 hydrolase activity	GO:0004463	0,5	0,6	0,8	0,9	0,7	0,8
142335_at	FBgn0037063	CG9391	-	inositol monophosphate 1-phosphatase activity	GO:0008934	0,5	0,6	0,7	0,9	1,1	1,0
152593_at	FBgn0038938	CG7084	-	secondary active organic cation transmembrane transporter activity	GO:0008513	0,5	0,7	1,1	0,9	1,2	1,1
141484_at	FBgn0035588	CG10672	-	oxidoreductase activity, acting on CH-OH group of donors	GO:0016614	0,5	0,6	0,8	0,8	0,8	0,8
155074_at	FBgn0038256	CG7530	-	-		0,5	0,8	1,0	0,9	0,8	0,8
146792_at	FBgn0033268	Obp44a	Odorant-binding protein 44a	odorant binding	GO:0005549	0,5	0,6	1,4	1,1	1,4	1,4
146305_at	FBgn0032463	Vha68-2	Vacuolar H+ ATPase 68 kDa subunit 2	ATP binding	GO:0005524	0,5	0,6	0,8	0,9	0,9	0,8
143899_at	FBgn0019624	CoVa	Cytochrome c oxidase subunit Va	cytochrome-c oxidase activity	GO:0004129	0,5	0,8	0,9	0,7	1,2	1,0
144806_at	FBgn0030209	CG32687	-	-		0,5	0,7	1,1	1,5	1,2	1,3
150834_at	FBgn0039682	Obp99c	Odorant-binding protein 99c	odorant binding	GO:0005549	0,5	0,6	1,8	2,1	1,7	1,7
150467_at	FBgn0039112	CG10219	-	succinate dehydrogenase (ubiquinone) activity	GO:0008177	0,5	0,6	0,9	0,8	1,3	1,1

153574_at	FBgn0027095	ARP-like	Mesencephalic astrocyte-derived neurotrophic factor ortholog	-		0,5	0,4	0,9	1,0	0,9	0,7
152238_at	FBgn0036203	CG6004	Mucin 68D	structural constituent of peritrophic membrane	GO:0016490	0,5	0,4	0,6	0,6	0,5	0,5
150955_at	FBgn0039873	CG2191	Sodium-dependent multivitamin transporter	sodium-dependent multivitamin transmembrane transporter activity	GO:0008523	0,6	0,4	0,6	0,6	0,6	0,5

FHV specific

143096_f_at	FBgn0000276	Cecropin A1	Cecropin A1	molecular function	GO:0003674	1,1	1,2	0,4	0,8	0,6	0,5
142675_at	FBgn0027512	BcDNA:LD22087	-	ubiquitin-protein ligase activity	GO:0004842	1,0	1,2	0,4	0,6	0,6	0,6
154208_at	FBgn0029820	CG16721	-	-		0,8	0,8	0,4	0,6	0,6	0,7
146132_at	FBgn0032200	CG5676	-	-		0,6	0,7	0,4	0,7	0,7	0,7
149307_at	FBgn0037292	CG2022	-	-		0,6	0,6	0,4	0,4	0,6	0,5
145983_at	FBgn0031946	CG7164	-	-		0,7	0,8	0,4	0,4	0,5	0,6
152645_at	FBgn0031690	CG7742	-	Rab GTPase activator activity	GO:0005097	1,0	0,9	0,4	0,5	0,6	0,5
151605_at	FBgn0038181	CG9297	-	calcium ion binding	GO:0005509	0,9	1,4	0,4	0,3	0,6	0,6
152898_at	FBgn0011716	spdo	sanpodo	protein binding	GO:0005515	0,6	0,8	0,5	0,5	0,6	0,5
145643_at	FBgn0031427	CG34447	-	lipase activity	GO:0016298	0,7	0,9	0,5	0,5	0,7	0,6
152906_at	FBgn0037375	CG1193	katanin p60-like 1	ATPase activity	GO:0016887	1,2	1,0	0,5	0,5	0,5	0,5
147604_at	FBgn0034595	CG15657	-	-		0,8	1,0	0,5	0,5	0,5	0,6
143902_at	FBgn0019828	dj	don juan	DNA binding	GO:0003677	0,8	0,9	0,5	0,6	0,5	0,5
151989_at	FBgn0031645	CG3036	-	sodium:phosphate symporter activity	GO:0005436	0,4	0,7	0,5	0,6	0,7	0,7
151424_at	FBgn0040963	CG18662	-	-		1,0	0,9	0,5	0,4	0,6	0,6
146803_at	FBgn0033284	CG30362	borrelly	-		0,6	0,7	0,5	0,4	0,5	0,6
146241_at	FBgn0032360	CG14926	-	-		1,0	1,0	0,5	0,5	0,7	0,5
152795_at	FBgn0038225	CG8489	scotti	molecular function	GO:0003674	1,0	1,1	0,5	0,4	0,5	0,5
144613_at	FBgn0029896	CG3168	-	transmembrane transporter activity	GO:0022857	0,8	0,9	0,5	0,6	0,6	0,5
147951_at	FBgn0035176	CG13905	-	-		2,7	2,0	0,5	1,8	1,5	1,1
152314_at	FBgn0036512	CG16979	-	thiolester hydrolase activity	GO:0016790	0,7	0,9	0,5	0,5	0,6	0,5
143071_at	FBgn0000094	Anp	Andropin	-		0,8	0,7	0,5	0,5	0,5	0,6
149622_at	FBgn0037799	CG34107	-	-		0,8	0,7	0,5	0,5	0,5	0,5
152516_at	FBgn0037939	CG14718	-	mRNA binding	GO:0003729	0,8	0,9	0,5	0,4	0,5	0,5
147297_at	FBgn0034105	CG7755	-	isocitrate dehydrogenase (NAD+) activity	GO:0004449	0,6	0,8	0,6	0,5	0,6	0,5
143061_at	FBgn0000047	Actin 88F	Actin 88F	structural constituent of cytoskeleton	GO:0005200	0,5	0,6	0,6	0,2	1,1	0,7
151182_at	FBgn0040705	CG15434	-	NADH dehydrogenase activity	GO:0003954	0,7	1,0	0,6	0,4	0,8	0,7
148613_at	FBgn0036218	CG14128	-	-		0,6	0,8	0,6	0,5	0,7	0,6
152409_at	FBgn0029753	CG4198	-	-		0,7	0,8	0,6	0,4	0,6	0,6
148138_at	FBgn0035483	CG1134	Mitochondrial E3 ubiquitin protein ligase 1 homologue	zinc ion binding	GO:0008270	0,8	0,9	0,6	0,5	0,6	0,6
152131_at	FBgn0037355	CG31546	-	oxidoreductase activity		0,9	1,0	0,6	0,5	0,6	0,7
143604_r_at	FBgn0010359	gammaTry	gammaTrypsin	serine-type endopeptidase activity	GO:0004252	0,5	0,5	0,6	0,5	0,9	0,8
152483_at	FBgn0035915	CG6372	Sperm-Leucylaminopeptidase 1	aminopeptidase activity	GO:0004177	0,7	0,9	0,6	0,5	0,7	0,6
143769_at	FBgn0014863	Mlp84B	Muscle LIM protein at 84B	structural constituent of muscle	GO:0008307	0,8	1,1	0,6	0,4	0,8	0,6
153027_at	FBgn0035598	CG4669	-	-		0,8	0,9	0,6	0,4	0,7	0,6
149181_at	FBgn0037086	CG7202	-	-		0,8	0,9	0,7	0,5	0,8	0,7
153024_at	FBgn0004551	Ca-P60A	Calcium ATPase at 60A	calcium-transporting ATPase activity	GO:0005388	0,5	0,9	0,7	0,5	0,8	0,8
152610_at	FBgn0036611	CG33060	-	-		0,8	0,8	0,8	0,4	1,7	1,3
152555_at	FBgn0003149	Pm	Paramyosin	structural constituent of muscle	GO:0008307	0,6	0,6	0,8	0,3	0,9	0,7

SINV specific

151241_f_at	FBgn0040767	CG13233	-	-		1,1	1,1	0,5	0,6	0,4	0,5
153019_at	FBgn0031294	ia2	IA-2 ortholog	protein tyrosine phosphatase activity	GO:0004725	0,7	1,3	0,5	0,7	0,4	0,5
148499_at	FBgn0036056	CG6709	-	-		0,6	0,7	0,5	0,6	0,5	0,7
147980_at	FBgn0028567	robl62A	robl62A	ATPase activity, coupled	GO:0042623	0,8	1,0	0,7	0,6	0,5	0,7
153703_at	FBgn0000575	emc	extra macrochaetae	transcription corepressor activity	GO:0003714	0,7	1,1	0,5	0,8	0,5	0,6
152495_at	FBgn0035716	CG32392	-	microtubule binding	GO:0008017	0,8	1,1	0,5	0,5	0,5	0,5

153256_at	FBgn0029870	Marf	Mitochondrial assembly regulatory factor	GTP binding	GO:0005525	0,7	1,0	0,6	0,7	0,5	0,5
151334_at	FBgn0040859	CR32658	-	-		0,9	0,9	0,6	0,5	0,5	0,5
148919_at	FBgn0036669	CG13030	sina homologue	ubiquitin-protein ligase activity	GO:0004842	0,9	1,0	0,6	0,6	0,5	0,5
150222_at	FBgn0038739	CG4686	-	-		0,6	0,7	0,5	0,6	0,6	0,4
142482_at	FBgn0020503	CLIP-190	Cytoplasmic linker protein 190	microtubule binding	GO:0008017	0,8	0,9	0,5	0,6	0,6	0,5
150440_at	FBgn0039071	CG4434	-	glutamate dehydrogenase [NAD(P)+] activity	GO:0004353	0,7	0,8	0,5	0,6	0,6	0,4
154207_at	FBgn0033734	CG8520	-	ATPase activity	GO:0016887	0,6	0,8	0,5	0,6	0,6	0,5
143770_at	FBgn0014865	Mtk	Metchnikowin	-		2,7	3,0	0,9	1,8	0,7	0,4
145652_at	FBgn0031439	CG15394	-	-		1,1	0,8	0,6	0,9	0,8	0,5

Table S2. List of tissue specific genes repressed by DCV

Probe number	Gene name	Synonymus	Tris/DCV ratio	Putative function	Key words
Head specific					
151817_at	CG8329		0,2	proteolysis	serine-type endopeptidase activity
152604_at	CG3088		0,3	proteolysis	serine-type endopeptidase activity
Hindgut specific					
145253_at	CG12990		0,1		transferase activity, transferring acyl groups other than amino-acyl groups
Male accessory glands specific					
143463_at	msopa	male-specific opa containing gene	0,4	defense response	extracellular space
147328_at	Acp53C14b	Accessory gland protein 53C14b	0,4		extracellular space
147327_at	Acp53C14a	Accessory gland protein 53C14a	0,4		extracellular space
143825_at	Acp53Ea	Accessory gland protein 53Ea	0,4	sperm competition	extracellular space
152362_at	Acp36DE	Accessory gland protein 36DE	0,4	sperm competition	extracellular space
145253_at	Spn77Bb	Serpin 77Bb	0,3	proteolysis	serine-type endopeptidase inhibitor activity
149115_at	Spn77Bc	Serpin 77Bc	0,4	proteolysis	serine-type endopeptidase inhibitor activity
146175_at	CG17097		0,3	lipase activity	lipid metabolic process
Testis specific					
148952_at	CG12229		0,4	glycolysis	pyruvate kinase activity
150719_at	CG17991		0,5	protein polyubiquitination	ubiquitin-protein ligase activity
143192_at	Hsc70-2	Heat shock protein cognate 2	0,4	protein folding	unfolded protein binding
146321_at	Prosa6T	Proteasome α 6 subunit, Testis-specific	0,5	defense response to Gram-negative bacterium	endopeptidase activity
148522_at	CG6527		0,5	-	structural molecule activity
144473_at	CG15572		0,4	-	-
146184_at	CG17108		0,3	-	-
147214_at	CG12861		0,4	-	-
Tubule specific					
150206_at	CG17752		0,0	transmembrane transport	secondary active organic cation transmembrane transporter activity
145698_at	CG15406		0,3	transmembrane transport	fructose transmembrane transporter activity
150955_at	Smvt	Sodium-dependent multivitamin transporter	0,4	transmembrane transport	sodium-dependent multivitamin transmembrane transporter activity
152593_at	CG7084		0,5	transmembrane transport, neurogenesis	secondary active organic cation transmembrane transporter activity
146660_at	CG7882		0,5	transmembrane transport	glucose transmembrane transporter activity
152778_at	salt	salty dog	0,4	transmembrane transport	sodium:iodide symporter activity
151882_at	CG3270		0,3	oxidation-reduction process	oxidoreductase activity
154343_at	CG9509		0,3	oxidation-reduction process, ecdysteroid metabolic process	oxidoreductase activity
150421_at	CG6726		0,5	cellular amino acid metabolic process	aminoacylase activity
148259_at	CG6602		0,2	-	-

Midgut specific					
143660_at	θTry	θTrypsin	0,1	proteolysis	serine-type endopeptidase activity
147014_at	λTry	λTrypsin	0,4	proteolysis	serine-type endopeptidase activity
148254_at	Jon65Aii	Jonah 65Aii	0,1	proteolysis	serine-type endopeptidase activity
143341_at	Jon99Ci	Jonah 99Ci, Ser99Dc	0,0	proteolysis	serine-type endopeptidase activity
146273_at	Phae2	Phaedra 2	0,5	proteolysis	serine-type endopeptidase activity
147152_at	Ser8		0,2	proteolysis	serine-type endopeptidase activity
148479_at	CG18179		0,1	proteolysis	serine-type endopeptidase activity
152006_at	CG10472		0,2	proteolysis	serine-type endopeptidase activity
145202_at	CG9673		0,3	proteolysis	serine-type endopeptidase activity
150193_at	CG3739		0,3	proteolysis	serine-type endopeptidase activity
152369_at	Bace	beta-site APP-cleaving enzyme	0,1	proteolysis	aspartic-type endopeptidase activity
143243_at	Mal-A3	Maltase A3, LvpL	0,1	carbohydrate metabolic process	alpha-glucosidase activity
146808_at	Mal-A4	Maltase A4	0,2	carbohydrate metabolic process	alpha-glucosidase activity
146810_at	Mal-A8	Maltase A8	0,3	carbohydrate metabolic process	alpha-glucosidase activity
146809_at	Mal-A7	Maltase A7	0,4	carbohydrate metabolic process	alpha-glucosidase activity
146050_at	CG9468		0,0	mannose metabolic process	alpha-mannosidase activity
150699_at	CG6295		0,0	lipid catabolic process	lipase activity
150702_at	CG6283		0,4	lipid catabolic process	lipase activity
150703_at	CG6277		0,3	lipid catabolic process	lipase activity
147235_at	CG8093		0,3	lipid metabolic process	triglyceride lipase activity
147422_at	CG14500		0,1	-	C-type lectin
148422_at	CG5804		0,1	cellular acyl-CoA homeostasis	fatty-acyl-CoA binding
150369_at	Pebp1	Phosphatidylethanolamine-binding protein 1	0,1	regulation of antimicrobial humoral response	-
152238_at	Muc68D	Mucin 68D	0,5	chitin metabolic process	chitin binding
146528_at	CG10659		0,3		N-acetyltransferase activity
143929_at	Ag5r2	Antigen 5-related 2	0,3	-	-
151781_at	CG5107		0,2	-	-
145243_at	CG8661		0,2	-	-
152897_at	CG3868		0,3	-	-
147407_at	CG5767		0,3	-	-