

No.	rs	Chromosome	Position	Allele	TFBS	Splicing(site)	Splicing(ESE)	Splicing(abolimRNA)	mRNA(miRNA)	RNAi(RNA)	SangensSNP	Stop Codon	Polyphen	SNPs3D(svm)	SNPs3D(svm)	RegPotential	Conservator	Nearby Gene	Distance (bp)	Allele	CEU
862	rs57494578	1	224659702	G/A	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	NA	0.000	PARP1	42009 5400--	--	
438	rs3219027	1	224659706	G/A	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	0.001	PARP1	42021 5387G	0.79		
437	rs3219026	1	224659739	G/A	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.23308	0	0.000	PARP1	42324 5088G	--		
436	rs3219025	1	224659739	T/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.015174	0	0.000	PARP1	42382 5022C	--		
403	rs2793657	1	224659739	T/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	0.000	PARP1	42580 4822T	--		
435	rs3219024	1	224659762	G/A	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	0.000	PARP1	42605 4802G	--		
434	rs3219023	1	224659767	T/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	0.000	PARP1	42664 4742T	--		
433	rs3219022	1	224659774	T/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.003	0.000	PARP1	42729 4682C	--		
432	rs3219021	1	224659775	G/A	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.002	0.000	PARP1	42730 4677G	--		
431	rs3219020	1	224659751	G/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.001	0.000	PARP1	42736 4672C	--		
430	rs3219019	1	224659786	G/A	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	0.000	PARP1	42846 4562G	--		
247	rs1417765	1	224659786	G/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	0.000	PARP1	42851 4552T	--		
12	rs10623441	1	224658498	-TC	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	0.000	PARP1	43483 3921--	--		
14	rs10638218	1	224658499	-CT/TC	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	0.000	PARP1	43484 3921--	--		
678	rs35669638	1	224658500	-CT	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	0.000	PARP1	43485 3921--	--		
716	rs3754370	1	224658503	G/A	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.181648	0.001	0.000	PARP1	43886 3522G	--		
713	rs3729550	1	224659345	G/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.176221	0.024	0.000	PARP1	44130 3272--	--		
721	rs3768347	1	224659368	G/A	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.153984	0.079	0.000	PARP1	44353 3051G	0.775		
632	rs34953974	1	224659474	-CA	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.040882	0.001	0.000	PARP1	44459 2951--	--		
720	rs3768346	1	224659477	T/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.057848	0	0.000	PARP1	44462 2941--	--		
300	rs184366	1	224659702	A/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.001	0.000	0.000	PARP1	44687 2722A	--		
391	rs2695243	1	224659764	C/A	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.001	0.000	PARP1	44749 2661--	--		
155	rs1219288	1	224659776	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.001	0.000	PARP1	44751 2661--	--		
1128	rs7522351	1	224659891	A/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.001	0.000	PARP1	44876 2531--	--		
1138	rs7525191	1	224659894	G/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.001	0.000	PARP1	44879 2531--	--		
258	rs167591	1	224660054	G/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.015	0.000	PARP1	45039 2371--	--		
908	rs58547335	1	224660576	C/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	0.000	PARP1	45561 1841--	--		
259	rs167592	1	224660605	G/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	0.000	PARP1	45590 1815--	--		
390	rs2695242	1	224660661	T/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	0.000	PARP1	45646 1761--	--		
753	rs444602	1	224660679	C/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	0.000	PARP1	45664 1761--	--		
769	rs4653732	1	224660729	C/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	0.000	PARP1	45714 1691--	--		
301	rs184367	1	224660738	C/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.004	0.000	PARP1	45723 1681--	--		
426	rs317209	1	224660818	C/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	0.000	PARP1	45803 1602C	--		
278	rs178439	1	224660874	A/C/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.079404	0	0.000	PARP1	45859 1551--	--		
336	rs2048426	1	224660924	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	0.000	PARP1	45909 1502T	--		
758	rs453739	1	224660932	A/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.001	0.000	PARP1	45917 1491--	--		
754	rs453632	1	224660933	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.001	0.000	PARP1	45918 1491--	--		
1210	rs9282580	1	224660995	T/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.005	0.000	PARP1	45980 1421--	--		
1209	rs9282579	1	224661029	C/A	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	0.000	PARP1	46014 1391--	--		
770	rs4653733	1	224661236	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	0.000	PARP1	46221 1181--	--		
975	rs60698376	1	224661480	C/T	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	0.000	PARP1	46465 941--	--		
134	rs12041725	1	224661616	C/G	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	0.094031	0	0.000	PARP1	46601 808G	1		
77	rs11399292	1	224661705	-G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.012813	0.001	0.000	PARP1	46690 719--	--		
1197	rs923248	1	224662000	C/G	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	0.763661	0	0.000	PARP1	46958 1461--	--		
771	rs4653734	1	224662012	C/G	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	0.693408	0.001	0.000	PARP1	46997 412--	--		
414	rs3046771	1	224662031	-CCGGCC	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.595055	0	0.000	PARP1	47016 393--	--		
85	rs11541662	1	224662259	G/C	Y	--	Y	--	--	--	--	--	--	0.353231	0	0.000	PARP1	47244 165--	--		
1201	rs907187	1	224662270	G/C	Y	--	Y	--	--	--	--	--	--	0.316598	0	0.000	PARP1	47255 154--	--		
413	rs3046769	1	224662473	-CG	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.885448	0.001	0.000	PARP1	[LOC-49] -30412--	--		
584	rs34243532	1	224662518	-C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.003535	0	0.000	PARP1	[LOC-94] -30367--	--		
1143	rs7531568	1	224662642	T/A	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	0.000	PARP1	[LOC-218] -3024--	--		
340	rs2077197	1	224662662	T/C	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.001	0.000	PARP1	[LOC-238] -3022--	--		
1139	rs7527192	1	224662702	C/T	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	0.000	PARP1	[LOC-278] -3018--	--		
245	rs1341336	1	224663012	A/G	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	0.000	PARP1	[LOC-588] -2987--	--		
395	rs2793379	1	224663309	T/A	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	0.000	PARP1	[LOC-885] -29571--	--		
419	rs3138526	1	224663356	(GT)TA/TG/T--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	0.000	PARP1	[LOC-932] -29521--	--		
73	rs11366269	1	224663570	-T/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.005	0.000	PARP1	[LOC-1146] -2921--	--		
394	rs2793378	1	224663964	G/A	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	0.000	PARP1	[LOC-1540] -289--	--		
99	rs11586483	1	224664041	A/C	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.006	0.000	PARP1	[LOC-1617]-288--	--		
703	rs35987443	1	224664073	-AA	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.051	0.000	PARP1	[LOC-1649]-288--	--		
910	rs58631707	1	224664074	-A	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	0.000	PARP1	[LOC-1650]-288--	--		
944	rs59672299	1	224664216	C/T	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	0.000	PARP1	[LOC-1792]-2861--	--		
641	rs35077341	1	224664443	-G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	0.000	PARP1	[LOC-2019]-284--	--		
821	rs6003519	1	224664538	-T/C	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	0.000	PARP1	[LOC-2114]-283--	--		
811	rs5820045	1	224664539	A/C	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	0.000	PARP1	[LOC-2115]-283--	--		
219	rs12759826	1	224664873	G/T	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.001	0.000	PARP1	[LOC-2449]-280--	--		
224	rs1317170	1	224664937	T/C	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	0.102585	0.001	0.000	PARP1	[LOC-2513]-279--	--		
1020	rs61835405	1	224665150	A/T	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	0.000	PARP1	[LOC-2726]-2771--	--		
60	rs1104893	1	224665275	G/A	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.004	0.000	PARP1	[LOC-2851]-276G	--		
1056	rs6664695	1	224665459	C/T	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.72	0.000	PARP1	[LOC-3035]-274--	--		

No.	rs	Chromosome	Position	Allele	TFBS	Splicing(site)	Splicing(ESE)	Splicing(abolimiRNA)	miRaimiRNA	(miRaimiRNA)	(Sangens)SNP	Stop Codon	Polyphen	SNPs3D(sv	SNPs3D(sv	RegPotential	Conservator	Nearby Gene	Distance (bp)	Allele	CEU
690	rs35789667	1	224672564	-T	0	0.001	PARP1	[LOC-10140] -20-
18	rs10690709	1	224672839	-TTT	NA	0	PARP1	[LOC-10415] -20-
346	rs2136875	1	224673159	G/A	NA	0	0.001	PARP1	[LOC-10735] -14	0.417
388	rs2695240	1	224673959	C/T	0	0	PARP1	[LOC-11535] -18-
654	rs35265774	1	224673964	-G	0.010194	0	PARP1	[LOC-11540] -18-
380	rs2570370	1	224674008	C/T	0	0.002	PARP1	[LOC-11584] -18-
1058	rs6665016	1	224674039	A/G	0	0	PARP1	[LOC-11615] -18-
389	rs2695241	1	224674219	A/G	0	0.001	PARP1	[LOC-11795] -18-G	1	..
302	rs1858548	1	224674397	G/A	0	0.179	PARP1	[LOC-11973] -18-
660	rs3380305	1	224674400	-C	0	0.049	PARP1	[LOC-11996] -18-
303	rs1858549	1	224674515	-G/A	0.046514	0.028	PARP1	[LOC-12091] -18-A	0.417	..
941	rs59618121	1	224674515	-A/G	0.046514	0.028	PARP1	[LOC-12091] -18-
921	rs59036230	1	224674594	-TTT	NA	NA	PARP1	[LOC-12170] -18-
896	rs58202712	1	224674658	C/T	NA	NA	PARP1	[LOC-12234] -18-
304	rs1858550	1	224674727	C/A	0	0.006	PARP1	[LOC-12303] -18-
849	rs17031383	1	224674757	G/T	NA	NA	PARP1	[LOC-12333] -18-
855	rs5724252	1	224675256	-TTTTT	NA	NA	PARP1	[LOC-12832] -17-
590	rs34304692	1	224675737	-G	NA	0.022	PARP1	[LOC-13313] -17-
248	rs1433574	1	224675962	A/C	0	0	PARP1	[LOC-13538] -16-
1075	rs6681537	1	224676059	C/T	0	0.001	PARP1	[LOC-13635] -16-
675	rs35621952	1	224676421	-G	0	0	PARP1	[LOC-13997] -16-
840	rs56340195	1	224676738	-T	NA	NA	PARP1	[LOC-14314] -16-
42	rs10915988	1	224677087	A/G	0.001667	0	PARP1	[LOC-14663] -15-A	0.75	..
422	rs172705	1	224677124	A/G	0	0	PARP1	[LOC-14700] -15-
328	rs2039925	1	224677135	C/G	0.019267	0	PARP1	[LOC-14711] -15-C	0.815	..
423	rs317206	1	224677144	G/A	0.032859	0	PARP1	[LOC-14720] -15-
945	rs59716048	1	224677249	A/G	NA	NA	PARP1	[LOC-14825] -15-
43	rs10915989	1	224677261	A/G	0	0.002	PARP1	[LOC-14837] -15-G	0.754	..
44	rs10915990	1	224677374	G/T	0	0.01	PARP1	[LOC-14950] -15-
45	rs10915991	1	224677382	A/G	0	0.002	PARP1	[LOC-14959] -15-
927	rs59209678	1	224677462	G/T	NA	NA	PARP1	[LOC-15038] -15-
46	rs10915992	1	224677627	A/C	0	0.045	PARP1	[LOC-15203] -15-
105	rs11800592	1	224677764	A/G	0.064295	0.145	PARP1	[LOC-15340] -15-G	1	..
117	rs11811928	1	224677803	A/C	0.286565	0.001	PARP1	[LOC-15379] -15-
254	rs1527365	1	224677986	T/C	NA	0	PARP1	[LOC-15562] -14-C	0.817	..
253	rs1527364	1	224678055	T/C	NA	0	PARP1	[LOC-15631] -14-
202	rs12739788	1	224678105	C/G	0.123848	0.003	PARP1	[LOC-15691] -13-
252	rs1527363	1	224678128	T/C	NA	0	PARP1	[LOC-15704] -14-
200	rs12738725	1	224678164	C/G	NA	0	PARP1	[LOC-15740] -14-
829	rs56081538	1	224678258	A/G	NA	NA	PARP1	[LOC-15834] -14-
835	rs56262620	1	224678262	A/G	NA	NA	PARP1	[LOC-15838] -14-
196	rs12729525	1	224678439	A/T	NA	0	PARP1	[LOC-16015] -14-
424	rs1317207	1	224678481	A/G	NA	0	PARP1	[LOC-16057] -14-
120	rs12022062	1	224678524	A/G	NA	0	PARP1	[LOC-16100] -14-
277	rs178438	1	224678539	C/T	NA	0	PARP1	[LOC-16151] -14-
597	rs34474228	1	224678606	-A/G	NA	0	PARP1	[LOC-16182] -14-
1076	rs6681825	1	224678625	A/G	NA	0	PARP1	[LOC-16201] -14-
124	rs12025226	1	224678646	A/G	NA	0.001	PARP1	[LOC-16222] -14-G	0.808	..
131	rs12032713	1	224678909	C/T	0.052747	0	PARP1	[LOC-16485] -13-
845	rs56808869	1	224678983	C/T	NA	NA	PARP1	[LOC-16559] -13-
1181	rs7515972	1	224679020	A/T	0.123848	0.003	PARP1	[LOC-16591] -13-
1176	rs7549176	1	224679022	A/G	0.076893	0	PARP1	[LOC-16598] -13-
1006	rs61573918	1	224679159	A/T	NA	NA	PARP1	[LOC-16735] -13-
738	rs4012809	1	224679413	T/G	0.029645	0	PARP1	[LOC-16989] -13-
954	rs60015076	1	224679418	-T	NA	NA	PARP1	[LOC-16994] -13-
1202	rs907188	1	224679449	T/G	0.262518	0.001	PARP1	[LOC-17025] -13-G	0.254	..
1200	rs907186	1	224679572	G/A	0	0.002	PARP1	[LOC-17148] -13-A	0.254	..
960	rs60232080	1	224679615	A/G	NA	NA	PARP1	[LOC-17191] -13-
1171	rs7547592	1	224679674	C/G	NA	0	PARP1	[LOC-17250] -13-
1184	rs7554919	1	224679749	C/T	NA	0	PARP1	[LOC-17325] -13-
132	rs12033673	1	224679851	A/C	NA	0	PARP1	[LOC-17427] -13-
1039	rs6426461	1	224679856	C/T	NA	0	PARP1	[LOC-17432] -13-T	0.549	..
763	rs4653448	1	224679910	A/G	NA	0	PARP1	[LOC-17486] -12-
764	rs4653449	1	224679942	C/G	NA	0	PARP1	[LOC-17518] -12-
773	rs4653737	1	224680022	G/T	NA	0	PARP1	[LOC-17571] -12-T	0.772	..
579	rs34185854	1	224680042	C/T	NA	0	PARP1	[LOC-17618] -12-
122	rs12023172	1	224680076	A/G	NA	0	PARP1	[LOC-17652] -12-
1040	rs6426465	1	224680112	A/T	NA	0	PARP1	[LOC-17688] -12-
90	rs11578773	1	224680293	A/G	NA	0	PARP1	[LOC-17869] -12-
1119	rs7512686	1	224680396	C/T	NA	0	PARP1	[LOC-17972] -12-
24	rs10753424	1	224680574	A/G	NA	0	PARP1	[LOC-18150] -12-
1178	rs7550586	1	224680605	C/T															

No.	rs	Chromosome	Position	Allele	TFBS	Splicing(site)	Splicing(ESE)	Splicing(abolimRNA)	miRNA(miRaimiRNA)	SangensSNP	Stop Codon	Polyphen	SNPs3D(svm)	SNPs3D(svm)	RegPotential	Conservator	Nearby Gene	Distance (bp)	Allele	CEU
658	rs35305887	1	224691841	-T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.008	PARP1	LOC-29417 -10--		
179	rs12144990	1	224691844	G/T	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.006	PARP1	LOC-29420 -10-T		1
911	rs5873325	1	224691999	-/ACA	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	PARP1	LOC-29511 -88-		
886	rs57870333	1	224692052	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	PARP1	LOC-30078 -38--		
1148	rs7534366	1	224692514	C/T	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.085	PARP1	LOC-30090 -37-C		0.491
351	rs2175355	1	224692671	A/C	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.957	PARP1	LOC-30247 -21-A		1
181	rs12145975	1	224692697	C/T	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.896	PARP1	LOC-30273 -18-T		0.558
592	rs34359296	1	224692832	-T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.362	PARP1	LOC-30408 -53--		
1144	rs7531792	1	224692900	A/G	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	1	LOC391168	151 80-A		0.482
1140	rs7527596	1	224693197	C/T	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.197233	1	LOC391168	312 150-C		0.558
1177	rs7549215	1	224693307	A/G	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.191928	1	LOC391168	422 394-G		0.558
1023	rs61835410	1	224693654	C/T	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	LOC391168	769 47--		
1124	rs7517725	1	224693697	A/G	Y	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.090268	1	LOC391168	812 4-A		0.486
49	rs10915995	1	224694327	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.007	LOC391168	626 -5247--		
50	rs10915996	1	224695097	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-1396 -517--		
51	rs10915997	1	224695143	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-1442 -516-T		0.55
775	rs4653739	1	224695266	A/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	1595 -515-A		1
885	rs57823451	1	224695316	G/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	LOC391168	-1615 -514--		
123	rs12023492	1	224695588	A/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-1887 -512-A		0.55
52	rs10915998	1	224695741	G/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-2040 -510--		
599	rs34507832	1	224695871	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-2170 -509--		
53	rs10915999	1	224696127	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-2426 -506-T		
153	rs1218824	1	224696279	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-2578 -505-A		0.482
156	rs1218957	1	224696505	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-2801 -502--		
161	rs12122994	1	224696537	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-2836 -502--		
168	rs12130731	1	224696562	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-2861 -502--		
671	rs35551508	1	224696594	-G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-2893 -502--		
1120	rs7513977	1	224696602	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-2901 -501--		
1130	rs7523063	1	224696681	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-2980 -501--		
187	rs12035560	1	224696742	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.004	LOC391168	-3041 -500--		
1134	rs7523146	1	224696757	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.001	LOC391168	-3056 -500--		
10	rs10595876	1	224697133	-TAAT	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.001	LOC391168	-3432 -496--		
815	rs55869453	1	224697138	-AATT	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	LOC391168	-3437 -496--		
182	rs12239573	1	224697413	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-3712 -493-C		1
29	rs10799351	1	224697439	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-3738 -493--		
776	rs4653740	1	224697496	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-3795 -493-G		0.784
1000	rs13222059	1	224697553	A/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	LOC391168	-3851 -492--		
25	rs10753425	1	224697746	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.004	LOC391168	-4045 -490--		
54	rs10916000	1	224697772	A/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.015	LOC391168	-4071 -490--		
653	rs5243489	1	224697779	-A	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.101	LOC391168	-4078 -490--		
621	rs344835227	1	224697782	-A	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.137	LOC391168	-4081 -490--		
172	rs12026320	1	224697785	A/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.172	LOC391168	-4084 -490--		
684	rs3745850	1	224697785	-A	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.172	LOC391168	-4084 -490--		
30	rs10799352	1	224697805	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	LOC391168	-4191 -489--		0.579
88	rs11578747	1	224698077	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.002	LOC391168	-4376 -487-T		
628	rs344913110	1	224698497	-C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-4796 -483--		
91	rs11579211	1	224698512	G/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.004	LOC391168	-4811 -482--		
1066	rs6674899	1	224698591	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.001	LOC391168	-4890 -482-C		0.55
65	rs11304898	1	224698886	-T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.096	LOC391168	-5185 -479--		
273	rs17518706	1	224699036	C/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	LOC391168	-5335 -477-C		0.788
1078	rs6883526	1	224699197	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.075157	0.009	LOC391168	-5496 -476-T		1
317	rs1980370	1	224699553	C/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-5852 -472-G		0.569
318	rs1980371	1	224699695	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-5994 -471--		
183	rs12239711	1	224699700	A/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-5999 -470--		
319	rs1980372	1	224699825	A/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.001	LOC391168	-6124 -469-A		0.478
172	rs12134025	1	224700089	A/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-6388 -467-C		0.797
888	rs7926170	1	224700137	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	LOC391168	-6436 -466--		
320	rs1983220	1	224700149	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-6448 -466-A		0.598
321	rs1983221	1	224700182	C/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-6481 -466--		
1151	rs7535522	1	224700390	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-6689 -464--		
1193	rs870000	1	224700647	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-6946 -461-A		0.55
1154	rs7535896	1	224700737	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-7036 -460--		
1194	rs870001	1	224700842	G/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-7141 -459--		
728	rs8705163	1	224701179	G/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0.003	LOC391168	-7478 -456-G		1
1049	rs6675325	1	224701897	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-8448 -452-A		
1084	rs6909061	1	224701584	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-7883 -452--		
199	rs12737487	1	224701628	A/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-7927 -451-A		1
157	rs12120169	1	224701836	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-8135 -449--		
158	rs12120172	1	224701896	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-8195 -449--		
691	rs35801490	1	224701901	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-8200 -448--		
165	rs12130534	1	224701952	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-8251 -448--		
166	rs12130568	1	224702114	A/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-8413 -448-G		1
167	rs12130601	1	224702181	C/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-8480 -446--		
836	rs56268407	1	224702195	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	LOC391168	-8494 -446--		
810	rs55780700	1	224702197	A/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	LOC391168	-8496 -446--		
111	rs11805745	1	224702476	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-8775 -443--		
106	rs11801008	1	224702477	A/CA/G/T/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-8776 -443--		
112	rs11805746	1	224702486	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-8785 -443--		
108	rs11802418	1	224702514	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	0	LOC391168	-8813 -442--		
113	rs11805757	1	224702530	C/T	--	--	--	--												

No.	r	Chromosome	Position	Allele	TFBS	Splicing(site)	Splicing(ESE)	Splicing(albolmirRNA)	mRaimirRNA	(Sangens)SNP	Stop Codon	Polyphen	SNPs3D(svm)	SNPs3D(svm)	RegPotential	Conservator	Nearby Gene	Distance (bp)	Allele	CEU	
	7	rs10587217	1	224708644	-/TGTG										0.239883	0.002	LOC391168	-14943	-38--		
	1180	rs7551468	1	224708657	C/T										0.328602	0	LOC391168	-14956	-38-T	1	
	1173	rs7548822	1	224708738	A/G										0.006824	0	LOC391168	-15037	-38-A	1	
	1152	rs7553722	1	224708874	A/G										0	0	LOC391168	-15173	-37-G	1	
	1174	rs7548923	1	224708899	A/G										0	0.001	LOC391168	-15198	-37-A	1	
	1167	rs7544617	1	224708925	C/G										0.067564	0.001	LOC391168	-15224	-37--		
	1175	rs7549011	1	224708974	A/G										0.237412	0.001	LOC391168	-15273	-37-A	1	
	1155	rs7535909	1	224709041	G/T										0.106199	0.422	LOC391168	-15340	-37--		
	352	rs2222708	1	224709440	G/A										NA	0	LOC391168	-15739	-37--		
	251	rs1527362	1	224709458	G/A										NA	0	0.003	LOC391168	-15757	-37-A	0.8
	605	rs4582568	1	224709629	-/T										0	0	LOC391168	-15928	-37--		
	194	rs12723994	1	224710291	C/T										NA	0	LOC391168	-16590	-36--		
	96	rs11583820	1	224710370	A/G										0	0.006	LOC391168	-16669	-36-G	1	
	1196	rs892347	1	224710903	C/A										NA	0.001	LOC391168	-17202	-35--		
	1217	rs934461	1	224711230	T/C										NA	0.004	LOC391168	-17529	-35-T	1	
	338	rs2056722	1	224711685	A/C										0.022438	0	LOC391168	-17984	-35--		
	686	rs35768271	1	224711685	A/T/CG										0.022438	0	LOC391168	-17984	-35--		
	339	rs2056723	1	224711686	G/T										0.017421	0	LOC391168	-17985	-35-G	0.799	
	876	rs5781431	1	224711971	-/C										0	0	LOC391168	-18270	-34--		
	610	rs34653384	1	224712235	-/C										0	0	LOC391168	-18534	-34--		
	636	rs34981482	1	224712483	-/T										NA	0	LOC391168	-18782	-34--		
	1079	rs6683850	1	224714328	C/G										NA	0	LOC391168	-20627	-32--		
	566	rs4027400	1	224715099	-/T										0	0.024	LOC391168	-21398	-31--		
	730	rs903558	1	224715140	T/C										0	0.001	LOC391168	-21591	-31-T	1	
	1118	rs750426	1	224715286	A/G										0	0	LOC391168	-21585	-31-G	0.804	
	705	rs36008250	1	224715545	-/C										0	0.002	LOC391168	-21844	-31--		
	1092	rs6701940	1	224715793	A/T										NA	0	LOC391168	-22092	-31-A	1	
	937	rs59529467	1	224715801	-/A										NA	NA	LOC391168	-22100	-30--		
	411	rs3038788	1	224716013	-/GTGTGTGT										0	0.008	LOC391168	-22312	-30--		
	1002	rs413654	1	224716021	-/GTGTGTGT										0	0.01	LOC391168	-22310	-30--		
	877	rs5781432	1	224716031	-/GTGTGTGT										0	0.036	LOC391168	-22330	-30--		
	878	rs5781433	1	224716032	-/TGTG										0	0.036	LOC391168	-22331	-30--		
	903	rs58367497	1	224716043	-/GTGT										NA	NA	LOC391168	-22342	-30--		
	842	rs56368077	1	224716045	-/GTGTGTGT										NA	NA	LOC391168	-22344	-30--		
	965	rs60345908	1	224716098	-/G										NA	NA	LOC391168	-22397	-30--		
	901	rs58352107	1	224716216	A/G										NA	NA	LOC391168	-22515	-30--		
	978	rs60849995	1	224716331	A/C										NA	NA	LOC391168	-22601	-29--		
	114	rs11806408	1	224716460	A/G										0	0	LOC391168	-22759	-30-G	0.758	
	1026	rs61835431	1	224717204	C/T										NA	NA	LOC391168	-23503	-29--		
	1055	rs6663224	1	224717635	C/T										0	0.007	LOC391168	-23934	-29--		
	565	rs34016388	1	224718065	-/A										NA	0.035	LOC391168	-24364	-28--		
	626	rs34874301	1	224718494	-/T										NA	0	LOC391168	-24793	-28--		
	972	rs60588348	1	224718514	C/T										NA	NA	LOC391168	-24813	-28--		
	953	rs60011205	1	224718588	A/G										NA	NA	LOC391168	-24861	-28--		
	673	rs35570756	1	224718637	-/C										NA	0	LOC391168	-24936	-28--		
	189	rs12566554	1	224719013	A/G										NA	0	LOC391168	-25312	-27--		
	1189	rs838255	1	224719675	C/T										NA	0	LOC391168	-25974	-27--		
	1191	rs866302	1	224719858	A/C										NA	0.054	LOC391168	-26157	-26-C	1	
	1027	rs61835432	1	224719962	A/T										NA	NA	LOC391168	-26261	-26--		
	779	rs4653743	1	224720101	G/T										0	0	LOC391168	-26400	-26-T	0.719	
	341	rs2099380	1	224720875	G/A										0	0.003	LOC391168	-27174	-25-G	0.857	
	133	rs12033699	1	224721634	A/G										0.070774	0	LOC391168	-27933	-25-A	0.75	
	830	rs56150222	1	224721737	A/G										NA	NA	LOC391168	-28036	-25--		
	987	rs60986869	1	224722380	A/G										NA	NA	LOC391168	-28679	-24--		
	998	rs61242740	1	224722605	A/G										NA	NA	LOC391168	-28904	-24--		
	146	rs12081138	1	224722753	G/T										0	0.01	LOC391168	-29052	-24-G	0.758	
	844	rs56867172	1	224723044	A/C										NA	NA	LOC391168	-29343	-23--		
	1190	rs838256	1	224723603	A/G										NA	0	LOC391168	-29501	-23--		
	169	rs12132162	1	224723720	G/T										NA	0	LOC391168	-30019	-23--		
	611	rs34671162	1	224723861	-/A										NA	0	LOC391168	-30160	-22--		
	57	rs10916003	1	224724473	C/T										NA	0	LOC391168	-30772	-22--		
	905	rs58467003	1	224724497	-/CA										NA	NA	LOC391168	-30796	-22--		
	940	rs59564001	1	224724500	-/C										NA	NA	LOC391168	-30799	-22--		
	820	rs59990123	1	224724667	C/T										NA	NA	LOC391168	-30966	-22--		
	598	rs34889726	1	224725905	A/G										NA	0	LOC391168	-32658	-22--		
	180	rs12145479	1	224726547	C/T										NA	0.037	LOC391168	-32846	-20--		
	1061	rs6668071	1	224726548	C/T										NA	0.025	LOC391168	-32847	-20-C	0.825	
	932	rs59334743	1	224727885	C/G										NA	NA	LOC391168	-34184	-18--		
	1074	rs6679800	1	224728002	C/T										0	0	LOC391168	-34301	-18-T	0.748	
	707	rs36036817	1	224728358	-/C										NA	0	LOC391168	-34657	-18--		
	1142	rs7529182	1	224728576	C/T										NA	0.001	LOC391168	-34875	-18-C	1	
	139	rs12059438	1	224729052	C/T										0	0.002	LOC391168	-35261	-17--		
	897	rs58208926	1	224729410	A/G										NA	NA	LOC391168	-35709	-17--		
	31	rs10799353	1	224729422	A/G										0	0	LOC391168	-35721	-17-G	0.856	
	148	rs12086631	1	224729714	A/G										0	0.004	LOC391168	-36013	-17-A	1	
	32	rs10799354	1	224730517	G/T										NA	0	LOC391168	-36816	-16--		
	1166	rs7543019	1	224731365	A/G										0	0.004	LOC391168	-37664	-15--		
	819	rs59984505	1	224731557	A/G										NA	NA	LOC391168	-37856	-15--		
	33	rs10799355	1	224731907	A/G										0	0	LOC391168	-38266	-14-G	0.508	
	695	rs35830721	1	224732135	C/T										NA	0	LOC391168	-38434	-14--		
	613	rs34696987	1	224732618	-/T										NA	0	LOC391168	-38917	-14--		
	1085	rs6693596	1	224732756	A/G										NA	0	LOC391168	-39055	-14--		
	1083	rs6688955	1	224732870	C/G										NA	0	LOC391168	-39169	-13--		
	138	rs12057553	1	224733297	C/T										NA	0	LOC391168	-39596	-13--		
	72	rs11365427	1	224733550	-/T										NA	0	LOC391168	-39649	-13--		
	893	rs58049225	1	224733359	-/T																

No.	rs	Chromosome	Position	Allele	TFBS	Splicing(site)	Splicing(ESE)	Splicing(abolimRNA)	miRaimRNA	(miRaimRNA)	SangensSNP	Stop Codon	Polyphen	SNPs3D(svm)	SNPs3D(svm)	RegPotential	Conservator	Nearby Gene	Distance (bp)	Allele	CEU
1222	rs990618	1	224745007	T/C												0.241912	0.017	LOC391168	-513061 -17C		0.784
3	rs1037767	1	224745091	G/A												0.185972	0.005	LOC391168	-513090 -17G		0.902
73	rs3497828	1	224745093	G/A												0.190156	0.006	LOC391168	-513091 -17G		1
129	rs12028490	1	224745186	C/T												0.216579	0	LOC391168	-514851 -16C		0.875
879	rs5781434	1	224745714	-TT												NA	0.001	LOC391168	-520131 -10-		
410	rs3038766	1	224745716	-TT												NA	0	LOC391168	-520151 -10-		
880	rs5781435	1	224745722	-TT												NA	0	LOC391168	-520211 -10-		
591	rs34315923	1	224745724	-TT												NA	0	LOC391168	-520231 -10-		
870	rs57806038	1	224745729	-TT												NA	NA	LOC391168	-520281 -10-		
909	rs58574991	1	224745729	-T												NA	NA	LOC391168	-520381 -10-		
857	rs57905561	1	224745799	A/G												NA	NA	LOC391168	-520981 -10-		
344	rs2126330	1	224746231	T/A												NA	0	LOC391168	-525301 -56T		0.742
373	rs2377012	1	224746620	T/C												NA	0	LOC391168	-529191 -17-		
372	rs2377011	1	224746626	T/C												NA	0	LOC391168	-529251 -17-		
1182	rs7553164	1	224747100	C/T												NA	0	LOC391169	3011 4579 -		
793	rs5074714	1	224747242	C/A												NA	0	LOC391169	4483 4437 C		0.712
1186	rs7555942	1	224747578	C/G		Y										0.237259	1	LOC391169	7791 4402 -		
781	rs46653746	1	224747951	G/T												NA	0	LOC391169	1152 3728 G		1
668	rs35511976	1	224748091	-C												NA	0	LOC391169	1292 3588 -		
782	rs46653747	1	224748450	A/G												NA	0	LOC391169	1651 3229 A		0.675
1126	rs75521449	1	224748671	C/T												NA	0	LOC391169	1872 3008 T		1
787	rs471140	1	224748919	G/C												NA	0	LOC391169	2120 2760 G		0.442
676	rs35646747	1	224749090	-G												NA	0	LOC391169	2291 2589 -		
119	rs12022045	1	224749397	A/G												NA	0	LOC391169	2598 2282 -		
140	rs12060141	1	224749494	C/T												0	0.001	LOC391169	2695 2185 T		1
1030	rs161836960	1	224749785	C/T												NA	NA	LOC391169	2986 1894 -		
865	rs57537840	1	224749862	C/T												NA	NA	LOC391169	3063 1817 -		
186	rs12402021	1	224749874	C/T												0	0.002	LOC391169	3075 1805 T		0.679
887	rs57900239	1	224750680	C/T	Y											NA	NA	LOC391169	3881 1999 -		
265	rs16846027	1	224750782	C/G	Y											0.195031	0.001	LOC391169	3983 1472 -		0.806
109	rs11803235	1	224751966	C/G	Y											0.043759	0	LOC391169	-287 -511S-		
110	rs11803600	1	224752438	C/T	Y											0.129674	0	LOC391169	-759 -5068-		
986	rs60983859	1	224752495	A/G	Y											NA	NA	LOC391169	-816 -5062-		
635	rs34979757	1	224752549	-CA												0.030477	0.362	LOC391169	-870 -5057-		
627	rs34898021	1	224752733	-T												0	0	LOC391169	-1054 -503-		
959	rs60211173	1	224753551	A/G	Y											NA	NA	LOC391169	-1872 -495-		
76	rs11397262	1	224753569	-T												NA	0	LOC391169	-1893 -492-		
567	rs34034769	1	224753594	-T												NA	0	LOC391169	-1915 -495-		
988	rs610381	1	224753605	T/C	Y											NA	0	LOC391169	-1926 -495-		
118	rs12021546	1	224753770	A/G	Y											NA	0	LOC391169	-2091 -493-		
926	rs59174388	1	224753871	C/T	Y											NA	NA	LOC391169	-2192 -492-		
22	rs1070489	1	224754976	A/C	Y											NA	0	LOC391169	-3297 -481-		
991	rs61060851	1	224755139	A/C	Y											NA	NA	LOC391169	-3460 -479-		
1220	rs9725505	1	224755377	A/T	Y											NA	0	LOC391169	-3693 -477-		
1224	rs970893	1	224755573	A/C	Y											NA	0	LOC391169	-3894 -475-		
1221	rs9725523	1	224755685	A/G	Y											NA	0	LOC391169	-4006 -474-		
843	rs56378608	1	224756483	-ATTA												NA	NA	LOC391169	-4804 -466-		
204	rs12742720	1	224756511	C/T	Y											NA	0	LOC391169	-4832 -466-		
409	rs28859305	1	224756560	G/T	Y											NA	0	LOC391169	-4881 -465-		
1223	rs9970444	1	224757150	G/T												NA	0	LOC391169	-5471 -459-		
1038	rs632199	1	224757236	A/G												NA	0	LOC391169	-5557 -458-		
21	rs1070468	1	224757329	A/G												NA	0	LOC391169	-5650 -457-		
912	rs58770379	1	224757420	C/T												NA	NA	LOC391169	-5741 -457-		
1048	rs6659305	1	224757718	A/T												NA	0	LOC391169	-6039 -454-		
1053	rs6662365	1	224757720	C/T												NA	0	LOC391169	-6041 -454-		
970	rs60520763	1	224757859	A/G												NA	NA	LOC391169	-6180 -452-		
212	rs12749449	1	224758270	G/T												NA	0	LOC391169	-6591 -448-		
145	rs12079751	1	224758637	C/T												NA	0	LOC391169	-6953 -444-		
797	rs546143	1	224758996	G/T												NA	0	LOC391169	-7317 -441-		
1087	rs6697392	1	224759145	A/G												NA	0	LOC391169	-7466 -439-		
798	rs550705	1	224759471	G/A												0	0	LOC391169	-7792 -436G		0.804
606	rs34585511	1	224760134	-A												0	0.52	LOC391169	-8455 -429-		
1137	rs7524430	1	224760165	C/T												0	0.001	LOC391169	-8486 -429T		0.911
869	rs7773856	1	224760379	C/T												NA	NA	LOC391169	-8700 -427-		
418	rs3088502	1	224760770	-TA												NA	0	LOC391169	-9083 -417C		
881	rs5781436	1	224760775	-TA												NA	0	LOC391169	-9096 -423-		
602	rs34547587	1	224760776	-TA												NA	0	LOC391169	-9097 -423-		
568	rs34042195	1	224760786	-AT												NA	0	LOC391169	-9107 -423-		
882	rs5781437	1	224760793	-AT												NA	0	LOC391169	-9114 -423-		
581	rs34227459	1	224760794	-AT												NA	0	LOC391169	-9115 -423-		
261	rs16759796	1	224760795	-TTATAT/C												NA	0	LOC391169	-9116 -423-		
20	rs10701361	1	224760804	-TA																	

No.	rs	Chromosome	Position	Allele	TFBS	Splicing(site)	Splicing(ESE)	Splicing(abolimiRNA)	(miRaimiRNA)	(Sangrens)	SNP	Stop Codon	Polyphen	SNPs3D(svm)	SNPs3D(svm)	RegPotential	Conservator	Nearby Gene	Distance (bp)	Allele	CEU
786	rs4653751	1	224807907	A/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.001	C1orf95	4783	5201:A	0.865
813	rs55847313	1	224808084	G/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	C1orf95	4960	5184:--	--
933	rs55336089	1	224808368	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	C1orf95	5244	5155:--	--
1047	rs665165	1	224808380	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.12709	0	C1orf95	5256	5154:A	0.995
767	rs4653452	1	224808499	C/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.042753	0.002	C1orf95	5375	5142:G	0.878
995	rs61184345	1	224808755	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	C1orf95	5631	5117:--	--
1065	rs667462	1	224808936	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	C1orf95	5812	5099:--	--
1095	rs680886	1	224809543	A/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.154213	0	C1orf95	6419	5038:T	0.9
1108	rs708745	1	224809786	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0.157701	0	C1orf95	6662	5014:G	0.884
805	rs55732142	1	224809834	-/TT	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	C1orf95	6710	5000:--	--
631	rs34944881	1	224810342	-/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.026	C1orf95	7218	4958:--	--
689	rs35782358	1	224810425	-/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0.006	C1orf95	7301	4950:--	--
1162	rs7540638	1	224810450	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	0	0	C1orf95	7326	4947:A	0.892
919	rs588782	1	224810762	C/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	C1orf95	7638	4916:--	--
1163	rs7540952	1	224810801	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	C1orf95	7677	4912:G	0.992
101	rs11587124	1	224811256	A/G	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	C1orf95	8132	4867:A	1
589	rs34301660	1	224811639	-/T	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	C1orf95	8515	4825:--	--
257	rs1587418	1	224811716	G/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	C1orf95	8592	4821:--	--
1109	rs708746	1	224811764	A/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	C1orf95	8640	4816:C	1
851	rs571499	1	224811969	A/C	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	NA	NA	C1orf95	8845	4795:--	--

Tagged SNP in green
SNP within PARR1 coded yellow