

Table S1 Primer sequences for Sequenom MassARRAY assays used for the first round of fine-mapping for the MinnGold mutation.

SNP_ID	2nd-PCR	1st-PCR	UEP_SEQ
Gm13_19279455_A_G	ACGTTGGATGTGAACATTGCCTGCTAAGCG	ACGTTGGATGTTTTGGGCTTGGTGTGAAG	ccccCCAATTAGATCTGCAGAAC
Gm13_23724744_A_G	ACGTTGGATGACGTTTCACCCATGAACACC	ACGTTGGATGCTAGTACTCGGATATTCAGC	ccTCCACTCACCAGTATCA
Gm13_24148253_C_T	ACGTTGGATGCATGACATGTTGAGCCAACC	ACGTTGGATGTGATTGGTTGCGCATGTGAC	TGAGCCAACCTAGTCAT
Gm13_25508582_A_G	ACGTTGGATGCGTCTAGACTCTTTCTGTTC	ACGTTGGATGTATGTACTGACCTCTCATGC	TGCTTGTATCTCATAGAGATAAATAAAC
Gm13_25737735_G_A	ACGTTGGATGGTATGGTTTGTATATTGTGG	ACGTTGGATGTATACTCCAGCGAAGTCCC	acatgTTGTATATTGTGGACCAACC
Gm13_26671230_A_G	ACGTTGGATGGGCATTTTGTGCTGCAGA	ACGTTGGATGCCATTGGTCGATTGTACTGG	TTTTGTGCTGCAGAAAATAAAT
Gm13_27212330_G_A	ACGTTGGATGAGCAAAGCAGCACTTGCATC	ACGTTGGATGCTTGTGAGAATATTTACAATCC	ccccCGTGAACGTCCTCCGGGCAAA
Gm13_27413980_G_A	ACGTTGGATGCTTTTTGATTGTTTTGTTG	ACGTTGGATGTCAGCAATCTACTGCAGTTG	TTTTAATTGTAAAGTTCAAAAACCTA
Gm13_27781688_C_A	ACGTTGGATGCTATCTGCAATGATCTTTTC	ACGTTGGATGACATTCTACATCGATCACGC	TGCAATGATCTTTCAAGCCTA
Gm13_28465103_C_T	ACGTTGGATGTTTACGTTGGTACCTCCGAA	ACGTTGGATGTCGGCCCTCATATGATAAG	gGGTACCTCCGAATAACTG
Gm13_28812235_A_G	ACGTTGGATGCCGACTATCGTAGTGAGATG	ACGTTGGATGCTTTTATGCCAACAAGTGGG	GATGTTGATTGCTCTATGTCTAAA
Gm13_29565413_G_A	ACGTTGGATGGCAGAACAACCTCATGTATCG	ACGTTGGATGAAGAGCTGATCCTAACTCCC	ggatgACAATGCCAATCACTAAGAAAAA
Gm13_29946365_G_A	ACGTTGGATGTGTGGGTATGACCAATCTCC	ACGTTGGATGGATCAATGGTATGTTTGTCC	gcacTCTCCATTGTGAAACAACAAGG
Gm13_30268845_G_A	ACGTTGGATGCGCCTTTGCGCACATCATC	ACGTTGGATGGTATGGACTTGAGGAAATGG	CACATCATCACCCGC
Gm13_30581811_C_T	ACGTTGGATGTACACCGCTAGCTACTTCAC	ACGTTGGATGACGACGGTTTTGGAGTTAGC	CTAGCTACTTCACAGGTAA
Gm13_31595360_C_T	ACGTTGGATGTTACGATGGTGTGCAAC	ACGTTGGATGTCCTTGACACAACAACATCCG	CAGTCCGAACGGTAG
Gm13_32120834_T_C	ACGTTGGATGCTCCCAAAGTTTCCAATCGG	ACGTTGGATGAGGGTTCACTCCAGACCTT	CAAGCCATCGGTTTCC
Gm13_33031727_T_C	ACGTTGGATGCAATGGAGCTTATTAAGAAGG	ACGTTGGATGTGACACAAGAAAGAAAATC	GCTTATTAAGAAGGTATGCCAG
Gm13_33302559_G_A	ACGTTGGATGAACGCGGTGTAATCATTGG	ACGTTGGATGAGACAGCTTTTATCCCATCC	gggagTGTGCCACGTGGTAAAAAG
Gm13_33471044_G_A	ACGTTGGATGCAACAAGTGATCTCGACTCC	ACGTTGGATGATTGCTGCTTTTATTATCCC	ggtgACGAGTCAAAGCTAAAGAATAA
Gm13_34624477_T_C	ACGTTGGATGTTGAGCAGCGGCTAAAAGAG	ACGTTGGATGTGAAGGGCTTATGGAGATC	gtgatCAGCGGCTAAAAGAGAGGCCA
Gm13_34778592_C_T	ACGTTGGATGCGTACGTAATTTTAGGAGGC	ACGTTGGATGTTGTTGCCGCTCTCATCAC	ggatGAGGCGGTTTTTATCGACTG
Gm13_35053712_C_A	ACGTTGGATGTCAGGAATTGGTAGGTCAGG	ACGTTGGATGGAAAGTTGTGCATGGTGGTG	gGGTCAGGCACAGTAAC
Gm13_35188028_A_G	ACGTTGGATGAACACAACCGCTTTTCTCAC	ACGTTGGATGAGTGTGTGAGGGAAGATTCG	ctcgTTTCTACAAGCATCTCTG
Gm13_35492939_T_C	ACGTTGGATGAAAACCTAACCGCACACTG	ACGTTGGATGGCAGATGGTGGTATGAAAAG	tcccGCTACGCACAACAAAAATAACCCA
Gm13_36007185_T_C	ACGTTGGATGCCTTGGCCAAACTTATCCTC	ACGTTGGATGACTTGTCTCCTTACACCCAC	ccctAGTCAACTCAACCTCAC
Gm13_36188290_G_A	ACGTTGGATGGAGACACGTAGATGGAACAC	ACGTTGGATGCCTGTTGCACATGTTCCAT	ccctATGGAACACATTAACACAGCGAG
Gm13_36252057_G_A	ACGTTGGATGATACAATTGAAAGCAGGGAC		cGGGAGAAAGGGTATGG
Gm13_36445455_T_C	ACGTTGGATGACTCTTCCCTCATGCTGATG		ACCTTTAAGCTCATAGAGCAT
Gm13_38030960_T_C	ACGTTGGATGCATCAGCATACCTTGAACAG		ACAGAAAGACAAAGGTTATG