

Table S2 Primer sequences for Sequenom MassARRAY assays used for the second round of fine-mapping for the MinnGold mutation.

SNP_ID	2nd-PCR	1st-PCR	UEP_SEQ
Gm13_32186965	ACGTTGGATGACTGACTTTTTCCCTTTCG	ACGTTGGATGCAGTGACGATAATTTTAAAGC	actagTTATACTCCCTGTCTCATTATGT
Gm13_32293065	ACGTTGGATGGAGTCTATCCGTTTTATCAC	ACGTTGGATGCGAGTTGCACGTACGAATAC	gtctcTCCGTTTTATCACTTTTACTC
Gm13_32316109	ACGTTGGATGAGGTGTACCTAACAAATGCC	ACGTTGGATGGTAGGTTAGCTAGTGTGTTG	cccaTCACAAGGCTTGGCGTCA
Gm13_32331620	ACGTTGGATGAGAAACATCCGTATGGTTCA	ACGTTGGATGTTTTGGACTCCGTATGGAC	cccacTCCGTATGGTTCATACAAAT
Gm13_32343536	ACGTTGGATGTTTTAATTAAGAGATTGG	ACGTTGGATGTATGACAACAGATTTGGTCC	TTTAATATTAAGAGATTGGATTAAGG
Gm13_32365734	ACGTTGGATGGGTGCTTATTTGAGGTTGAG	ACGTTGGATGGATACATAAAGTGAGTCTCT	tccaATATAACTTATTATTTGGCTGGT
Gm13_32586550	ACGTTGGATGGTGGGAGAGTTTTCATATAG	ACGTTGGATGCAAGCTAAGGACTGGTTGAC	cTTAGGAGTTGATTAGCGA
Gm13_32636705	ACGTTGGATGCACTAGGGCAGTGACTTCAT	ACGTTGGATGGGAATGTGCAAGTGTCTCTG	ctTCGCGTGCCTTTTTT
Gm13_32657362	ACGTTGGATGACGGATCACATTGGCTATGG	ACGTTGGATGGTTTCATTCTGTCATGCGAT	CATTGGCTATGGAATTCGATTA
Gm13_32673914	ACGTTGGATGGGTGAATTTGACGGGTGAAC	ACGTTGGATGATTAGTTGGGCTTGTCCG	GGTGAACCTAGTGGAA
Gm13_32954871	ACGTTGGATGTCACAGTAGGAGGTGTAGTC	ACGTTGGATGTAAGTTGCTGCTCCAGCTC	aagatGAGGTGTAGTCGTAGGA
Gm13_32998715	ACGTTGGATGTTTTCAAGATTGCGCTGGG	ACGTTGGATGAATAGAACCTTCACGCTTC	ccgTTGCGCTGGGTTGTGGT
Gm13_33026763	ACGTTGGATGATGCGCTTGAGTGGATGAAC	ACGTTGGATGTCTCCGGAAGTCTTGTAG	TTGTTGGAAGAGAAAAAGCA
Gm13_33027247	ACGTTGGATGCTCCAGCCAAAGATTCTTCC	ACGTTGGATGCTAGGGTCCAAAATCTCTG	TAGCCAACTCTATTGCAATAATGG
Gm13_33031727	ACGTTGGATGCAATGGAGCTTATTAAGAAGG	ACGTTGGATGTTCCCTTCACATCCTTGGAG	CTTATTAAGAAGGTATGCCAG
Gm13_33057712	ACGTTGGATGGCTTTATAGATGTTAGCCTTC	ACGTTGGATGGAGGAGAAGGTTGTTGGTC	ctggTAGCCTTCATCTAAATGTCC
Gm13_33060476	ACGTTGGATGGACGGTGTCTTTTGTGGC	ACGTTGGATGCAGTTTCGTAATTACATTG	ccctcTCTTTTGTGGCTAATAAAAACTT
Gm13_33061634	ACGTTGGATGTCACAACATAACGTTGCAGG	ACGTTGGATGCTAGCCACATAGTGAAG	ACGTTGCAGGTACAAAAA
Gm13_33063980	ACGTTGGATGCCTTCTTCGACTCTGCATTC	ACGTTGGATGCCCTCGGAAGTTGTAATAATC	aTCTGCATTCTTCTTCTC
Gm13_33124381	ACGTTGGATGACCATGGAGTCTGCAAGAAC	ACGTTGGATGGGGAGTTTGTGATGAGGATG	AGCAGCCACACATCC
Gm13_33128103	ACGTTGGATGACATTGATGATTAGGGTGAC	ACGTTGGATGCAATTTACAACCTGTTCCGGG	TGTCTAATTATATAAATACATTAGCTG
Gm13_33141206	ACGTTGGATGACAACTCACAGCAGGAGTC	ACGTTGGATGTGTTGTGTTCTGCGCTTTGG	TATGTCTCTGGGTTTGGTG
Gm13_33146523	ACGTTGGATGCCAACTTGAGCATGCATTCC	ACGTTGGATGTCCTAATTGGCTCAGGCAAC	TCTAGCAGCTGCGGC
Gm13_33151333	ACGTTGGATGGTCACATAAATTGTACTAC	ACGTTGGATGGCTTTCCACTTACTCTGCTC	acAATCTTTAAGCAAACATCAAAT
Gm13_33191293	ACGTTGGATGACATTTGGCTTCCCTAGGTG	ACGTTGGATGCACACTCGCTCAGCGTGAT	aaacCCCTAGGTGGCTTCTTC
Gm13_33206265	ACGTTGGATGGCCTCATTTGGTGCAGATATG	ACGTTGGATGGTCTTATAAAAACAACCAGCC	CTTTATTTGCTTATCATCCCTTT
Gm13_33212151	ACGTTGGATGGGAGCTGAAAGGTCTAAGAG	ACGTTGGATGAAAAATGCGCTCTCCTCCC	GTCTAAGAGCCTTTAAAAACA
Gm13_33251230	ACGTTGGATGAGGTGCGCTTAGCGTAAATC	ACGTTGGATGAAAATCACGCGATCTCACG	GCTAAACCCAGGAGG
Gm13_33271690	ACGTTGGATGTAACCTCTGCCCCCTTTCC	ACGTTGGATGAGAAAAGCAACTTGAGAGGCG	aagaTATTCTTTCTCTCCACGCTCTA
Gm13_33306556	ACGTTGGATGCTTCTACCAACCTTGATACC	ACGTTGGATGGAAATCCATGAGGGATGTTG	CAACCTTGATACCGCTAAC
Gm13_33309287	ACGTTGGATGTTACTATAAAGTTAGTTGTG	ACGTTGGATGTGCCCTTAAAGGTGTATCCC	TTACTATAAGTTAGTTTGTGTGATTAA
Gm13_33309683	ACGTTGGATGGCTTCTAGCTCGTCAAGGAAC	ACGTTGGATGTCAGAATGAACTCTTGCCC	CGTGGTCTCTGTGTG
Gm13_33429985	ACGTTGGATGCACTCGAATAAAGATCTCGG	ACGTTGGATGTATAGGGCGAGCCAAATTC	AGATCTCGGTTCTAAATCATTG
Gm13_33433989	ACGTTGGATGTTGCTTCTATGACAAAACAC	ACGTTGGATGCAGAAAAGAAAAACAGCCC	ACAAACACAATATTTACTACTTTTTAAT
Gm13_33434371	ACGTTGGATGCCATCATACTCTCACACAGG	ACGTTGGATGAGGTCTTGTTCCTCCTCTC	ggaagCAGGAAACATTGAGACTC
Gm13_33439666	ACGTTGGATGGGACTAGAAATTAAGCTGTC	ACGTTGGATGGAAGAAATATCACTTTGGAAC	CATTTGTACACACTTGCCT
Gm13_33457770	ACGTTGGATGTTACGAGTAGGGCAACAAC	ACGTTGGATGAAGAACGTCGTTGCCTATGG	TTCGGGTTACTTCGACTTAG
Gm13_33488403	ACGTTGGATGCCAACATCAATCATCCACCG	ACGTTGGATGATGGGTGGGCTTTAGATGAG	ACCGTCCGATCCTTC
Gm13_33505944	ACGTTGGATGTACCACACCTTTTCCAACG	ACGTTGGATGGAAGGTCATTGGAGTTGGC	tttcCAACTTTTCCGGCCATC

Gm13_33563545	ACGTTGGATGCCAAAACCTCAAACAGAATG	ACGTTGGATGTGTGTTCCATAATTTACCTC	tgGAACTAAAAATCAAGTGTTTAGTA
Gm13_33634870	ACGTTGGATGACAACAAGGTTCTGACCTCG	ACGTTGGATGGTGACCAATGACTTGTAGTG	tcgaCAACATGACCTGCGTTTTGAGC
Gm13_34213468	ACGTTGGATGGTCTTGAACCTTCTCCTCGG	ACGTTGGATGAAGAGGTTCAAGTGCTCCAG	cAGCCAAGCCTACGAC
Gm13_34233496	ACGTTGGATGTGTTAAGTGCAGGAACACTC	ACGTTGGATGTTGAATCCTCGTTTAGCCCG	cggggTAAAGTGCAGGAACACTCAACTCT
Gm13_34248212	ACGTTGGATGACTCCTCCACGTGTTGAATC	ACGTTGGATGCGAGAACGGCTTTTACTTGG	gaaaGTGTTGAATCCATGCCCGC
Gm13_34293335	ACGTTGGATGAAAGGCCCATTTCTGTGTTAG	ACGTTGGATGAGATCGGGTGGGTTAATTCG	attaTTTTTAATTTTAAAAAGGGCATAG
Gm13_34453742	ACGTTGGATGTCGCTATGTGTCACTTGTGG	ACGTTGGATGAGTTGTCAAGCTGCAATGCG	tcctAGCTCAACAACCTCTG
Gm13_34465720	ACGTTGGATGTTCCGCGATGGGTTTCTTCAG	ACGTTGGATGTCTGATCCGGGAATGTTGTC	GCTTCGACAACCTCCTC
Gm13_34602307	ACGTTGGATGTTGTTATGGGCCAAAAGTGC	ACGTTGGATGGCCTTATTTTACTGTGG	GGGCCAAAAGTGCCAAATTATATC
Gm13_34645498	ACGTTGGATGTTTTAAAAGGGTTCGAGTCGG	ACGTTGGATGTGATCCGATTAATCCGGTC	ccctTCGGACCGGTCTAACCGGGATC
Gm13_34701345	ACGTTGGATGCTTGTGATTTCTGTCTCCTC	ACGTTGGATGTTGGCCACTTCTTCACCTC	tctaCTCATTTCTCATTTTCATGTG
Gm13_34748233	ACGTTGGATGATTGTCAAATGCACCCGAGC	ACGTTGGATGCTGTGGTGCATCCAATTGTG	AGCTCGATTCATCAAACTTC
Gm13_34759965	ACGTTGGATGGAATCATCATTGTTCCG	ACGTTGGATGCATTCTCTGTGCAATCCA	ccctAATCATCATTGTTGTTGTTTTAG
Gm13_34778592	ACGTTGGATGCGTACGTAATTTAGGAGGC	ACGTTGGATGATTGCTGCTTTCATTATCCC	ccccaCGCGTTTTTATCGACTG
Gm13_34801784	ACGTTGGATGCGGGACGGAAC TAGAAAAAA	ACGTTGGATGCCTCAAAGACACTAAAAAG	AAAGAAAAAAATATTGCTTAACCTAT
Gm13_34808743	ACGTTGGATGTCTGTATCCGTGTCGTGTCC	ACGTTGGATGAGAGTTCAGACAATGTGAAG	gggcTCCGGTGTCCATTTCCG
Gm13_34810502	ACGTTGGATGAGTTGGATGGCATCCTGAAC	ACGTTGGATGCTACACCATGAGCAGTTGGC	TGATCTATTACTTATTTATGGATAAAGA
Gm13_34819160	ACGTTGGATGTGTCTGCTACTTTTTCCCCC	ACGTTGGATGCTTGTTCGGGTCACTAGTT	TCCCCCATATTTTGGATA
Gm13_34826532	ACGTTGGATGGCCTCAACGGACATCCAAAG	ACGTTGGATGCCCTTTCGGAATTAGATGGC	ACATCCAAAGAAACCGT
Gm13_34828053	ACGTTGGATGGCTCGAATACATGGACGAGG	ACGTTGGATGCTTATCATATCCATCTGCG	GGACGAGGTATGCTCAT
Gm13_34831302	ACGTTGGATGAGTACTTAACATCTCCTAC	ACGTTGGATGTTGTTTGAGGCTGTTTGAC	TTAACATCTCCTACTATCACT
Gm13_34855829	ACGTTGGATGATGTCAGGTGGTCTAGTGG	ACGTTGGATGACCTCCTCATATTCTGCCTC	tTTCTCAGGGTGGGGA
Gm13_34859558	ACGTTGGATGAGTTATTTGGGGTCTGGTGG	ACGTTGGATGATGCACCTCCAAGGAGAAAC	ggaagGGTGGGACCAAAGTGTAT
Gm13_34861415	ACGTTGGATGTGACCAAGGTGTTGACCTG	ACGTTGGATGGCCATATCTAGGACTAAAATC	aTCTCAAGTCTCAAGCTAA
Gm13_34862245	ACGTTGGATGGAGAACAACAACAAGCTAC	ACGTTGGATGGTACTGTATAGTGCCCTG	caaaAACAAGCTACAACAAGTAA
Gm13_34870402	ACGTTGGATGTTCTGGATCGTGTTCAGGAG	ACGTTGGATGAACCCAGCTTTTAGTTCCC	CGTGTTCAGGAGGAAATT
Gm13_34871976	ACGTTGGATGCTGAGTTAGGTAGGAATAGG	ACGTTGGATGGACCAACAGTTCAAAAACGTC	AGGTAGGAATAGGATCACTTGA
Gm13_34882559	ACGTTGGATGGCCCACTAAATTTGTGGCTA	ACGTTGGATGATGTTGAACGTAATCCTCTC	CAATGTATTGTGAATTGTAATATTATTG
Gm13_34888379	ACGTTGGATGCGCCCTTCTGTAAAGTGTG	ACGTTGGATGTCTATCCATTCGACACGTGC	ggggTGTGATTGTGAAAGAATCC
Gm13_34890355	ACGTTGGATGATTATGGTGGTCTCACTCGC	ACGTTGGATGGTCTTACCGTAATTTGGA	cgagaTGTGCATTGGTAGCATTGCG
Gm13_34895902	ACGTTGGATGTGATCTCAAGGGCATTGGAC	ACGTTGGATGTCCGAGCTTCTGACTGTG	ggGAGGTAGCGAACTG