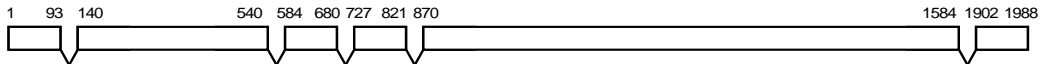
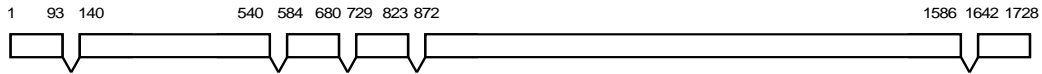


A. *C. elegans cyp31a2*



C. elegans cyp31a3



HCOI01579500



B.

Ce-CYP31A2	MGV IIPAVLLAMATVIAWLLYKHLRMRQVLKHLNQPRSYPIVGHGLITKPDPEGF MNQVI	60
Ce-CYP31A3	MGV IIPAVLLASATIIAWLLYKHLRMRQALKHLNQPRSYPIVGHGLVTKPDPEGF MNQVI	60
HCOI01579500	MGLLSAFLFVTIVTSIVYFIAKHLQLRNQLKGINCPRSYP LIGHGLLK KPDMEGF INQVM	60
	***: : . : : : * * : : : * : : * : * : : * : : * : * : * : : * : * : * : : * : *	
Ce-CYP31A2	GMGYLYPD-PRMCLLWIGFPPCLM LYSADLVEPIFSSTKHLNKGFAYV LLEPWLGISILT	119
Ce-CYP31A3	GMGYLYPD-PRMCLLWIGFPPCLM LYSADLVEPIFSSTKHLNKGFAYV LLEPWLGISILT	119
HCOI01579500	GMAQMYDSDPRMVLFVWLGPVVM LYSARLVEKILNCSQH LNKGIAYYFFESWL GQGIIT	120
	** : : *** ** * : * : * * * : * * : * : : * : * : * : * : * : * : * : *	
Ce-CYP31A2	SQKEQWRP K R K L L T P F F H Y D I L K D F L P I F N E Q S K I L V Q K L C C L G A D E E V D V L S V I T L C T L	179
Ce-CYP31A3	SQKEQWRP K R K L L T P F F H Y D I L K D F L P I F N E Q S K I L V Q K M C S L G A E E E V D V L S V I T L C T L	179
HCOI01579500	SNVDNWRP K R K L L T P F F H Y D I L K D F V P I F N D Q A Q I L V K K F A S L P E G K P V E L M S Y I T L C A L	180
	* : : *	
Ce-CYP31A2	DIICETSMGKAIGAQLAENNEYVWAVHTINKLISKRTNNPLMWSFIY NLTEDGRTHEKC	239
Ce-CYP31A3	DIICETSMGKAIGAQLAENNEYVWAVHTINKLISKRTNNPLMWSFIY NLTEDGRTHEKC	239
HCOI01579500	DIICETSMGKSLNAQLDKESEYV KAVHTVNDLVQKR T K S P L Y W N D Y F Y N K F G E G E T E K K C	240
	***** : : * * * : : * * * * * * : * : * : * : * : * * * : * * : * : * : *	
Ce-CYP31A2	LRILHDFTKKVIVERKEALQENDYKMEGR LAFLDLLLE MVKSGQMD ETDVQAEVDTFMFE	299
Ce-CYP31A3	LRILHDFTKKVIVERKEALQENDYKMEGR LAFLDLLLE MVKSGQMD ETDVQAEVDTFMFE	299
HCOI01579500	IDILHSFTNKVIAERRKELEDKQWRFEGRR AFLDLLLDMANGSGL EASEIQEQVDTLMFA	300
	: * : * * : * * * : * : * : : * * * * * * * * : * : * : * : * : * : * : * : *	
Ce-CYP31A2	GHDTTSTGLMWAHLLGNHPEVQRKVQAE LDEVMG DDEDVTIEHLSRMKYLECALKEALR	359
Ce-CYP31A3	GHDTTSTGLMWAHLLGNHPEVQRKVQAE LDEVMG DDEDVTIEHLSRMKYLECALKEALR	359
HCOI01579500	GHDTTSTGSSWALFLFGCYPEIQRKVQEEI DEVLEDSYI LPEHLPR LKYLECLKESLR	360
	***** * : * : * : * * * * * * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : *	
Ce-CYP31A2	LFPSPVPIITRELSDDQVIGGVNIPKGVTF LLNL YLVHRDPAQWKDPDVFDPDRFLPENSI	419
Ce-CYP31A3	LFPSPVPIITRELSDDQVIGGVNIPKGVTF LLNL YLVHRDPSQWKDPDVFDPDRFLPENSI	419
HCOI01579500	LCTFPVMIMRKL GADQELGV TLPKGTQVVL NQY MVHRDPMYWPDFEKFDPDRFLPENCI	420
	* * * : * * : * * * : * * * : * * * : * * * : * * * : * * * : *	
Ce-CYP31A2	GRKSFAPFPFSAGSRNCIGQRFALMEEKVIMAHLLRN FNKAVELMHEVRPKMEII VRPV	479
Ce-CYP31A3	ARKSFAPFPFSAGSRNCIGQRFALMEEKVIMAHLLRN FNVKAVELMHEVRPKMEII VRPV	479
HCOI01579500	GRHFPAPFPFSAGSRNCIGQRFGLMEIKV VVSWMLRHFNVTAVQRRCDL KSKIEIILRPQ	480
	* . * . ***** * * * : : * : * : * : * : * : * : * : * : * : * : *	
Ce-CYP31A2	TPIHMKLTRRRPIVSP-----	495
Ce-CYP31A3	TPIHMKLTRRRPIVSP-----	495
HCOI01579500	DGIVFLEKRRAIADGFRSSLIA	503
	** : * : * * : * . . .	