

Table S4: Pyrosequencing primers: (Primers used at 100nM unless otherwise specified)

Locus coordinates (DMR)	Primer sequences [Btn] indicates biotinylated primer	Annealing temp °C
DMR1 MMU12: 19181482-19182200	F: GGTTTATAGGTATAGATAGGTTTTGAGTA R:[Btn]CCTCTATAATCCAACCCTAAAACCTAAC Seq: GTTTAGTTTTAGGGTTGTTGGG	57
DMR2 MMU12: 112600900- 112601120	F: GTAGTGAAGAAAGTTAGG R:[Btn]ACAACCTACCATAACCAAAAACATTAACC Seq: AAAAGGGATTATAAGAGAGTAGTAGTGT	60
DMR3 MMU15: 78370350-78370800	F: TTGAAGATGTTGAGTAGATAGAAAAGGTATT R:[Btn]CCCCTACTAATCATCTACTTATACTACT Seq: ATTATTATGAGTGTGATTTTG	60
DMR4: MMU1: 39654450-39655100	F: AGTTTTTTTAGGTTGAAGTTTTGTTAGTA R: [Btn]TAATCCTAAAACCCCATTTCCACAA Seq: ATGGGTTTGAGGGGG	60
DMR5: MMU3: 142351001- 142351500	F: TGATGGTAAGTGTGGGTATTAG R: [Btn]CCCCTCTTTCTTTTCTTACCTAT Seq: GTAAGTGTGGGTATTAGT	60
DMR6: MMU17: 39984601-39985700	F: AGGTTTGTGATGTTTTTAGATGT R:[Btn]ACTTATAACCCCACTTACTAAAAATTCCT Seq: ATTGGTTTAGAGTGTGTTTTATTTTA	60
DMR7: MMU10: 80033801-80034300	F: AGTTTTAGTTATAGGGGAGATAGAGGT R: [Btn]ATCCAAACCAAACCTTTAACATCTATAC Seq: GTTAGGAGTTTGTAGTTT	55
DMR8: MMU7: 137836001-13783650	F: GGATGTTAGTAGTTGTTTTATTTGTAGTG R: [Btn]ACCTCAAAAACCTCCAAATTCAAATC Seq: GTTGTTTTATTTGTAGTGTAGTA	55
DMR9: MMU7: 53354201-53354900	F:TGGTGGTGTAGGTTATTAGGAGTT R:[Btn]TTATACCTCTCCACCAAATAAACATCC Seq: TGTAGGTTATTAGGAGTTAG	54
DMR10: MMU11: 33922001-33922500	F:AGGGTTTAGTAGTTTGTTTTTATGTGTAG R:[Btn]CACAACCTTATCCTCTAACATCCACATAT Seq: GTGTGTGTGTGTGTA	54
DMR11: MMU14: 75925601-75926100	F:GAGATTTGTTTTGGAGTGTGTG R:[Btn]ACATCTCTACAACATCCCTAACT Seq: ATTGGTTTAGTTTTTTTTTGATAA	54
DMR12: MMU5: 26397201-26397700	F:GGTGTGGGAGAGTAGATTTTA R:[Btn]ACTCCTCCTACTCTAATATCCTATA Seq: GTTAAGAGGATTGAGGT	54
DMR13: MMU2: 172688001-172688500	F: [Btn]GTTTGGTAAATGTTTATAGTGTTTAGTAAG R: CCAACTATACTAATCAAAAATACTTTACTT Seq: AATCAAAAATACTTTACTTCAAC	57
DMR14: MMU12: 107752401-107752500	F:ATGATTAGTTTGTAGTTTAAAGGTTAGT R:[Btn]CCCTTCAATAATTAACAAACACAATCTCA Seq: TTTGGTTATTATAGGGAGG	54
DMR15: MMU11: 46390601-46391100	F:GGAAGTTTATGGAATAGGAGGTGATT R:[Btn]ATCCAAACCAATTTTATCCACATATATC Seq: AGGAGGTGATTTTGTGA	54
DMR16: MMU7:	F: AGTAAAGGTGGAATTTGTTTTAGATTTAT	57

10836601-10837100	R: [Btn]CCACCCTAATTACCACCCTAAACTTCAA Seq: TTTTTAGTTGGTTTTGTTTTAGAG	
DMR17: MMU10: 120699201-120699700	F: GTGGTAGTGGGAGAAAGTTAATTATAT R: [Btn]AACCTAACAAACAACCCACACAT Seq: ATTAAAAGTAATTAATAAAAAAAGGA	57
DMR18: MMU12: 109478201-109478700	F:TGTTTGGTTATATGGGTATGGT R:[Btn]ACCCTAACACAAACTCTTATTCTAATC Seq:AGGTTGTAATTTAATATTGTGAT	54
Locus coordinates (DMR)	Primer sequences [Btn] indicates biotinylated primer	Annealing temp °C
DMR19: MMU12: 112549801-112550300	F:GAGAGAAAGGAAATTTAAGATGAGTATAAG R:[Btn]TAACCTCAAACCTAATCTTCATACC Seq: AGATGAGTATAAGGTGGAA	54
DMR20: MMU12: 109475001-109475500	F:GTGTTTGTAGGGATATATGGTATGG R:[Btn]ATCAAAATTCAAATACCCAAAATCCA Seq: GTTTGTAGTTTTAGTTGGTTTA	54
DMR21: MMU2: 167694001-167694500	F:TGGAGAGAGATGGGAAGAAG R:[Btn]AACTCCATAAAACAACAAACTACC Seq: AGATGGGAAGAAGAGA	57
DMR22: MMU18: 80774801-80775300	F:TTTGTGGAGGGGATAATTGT R:[Btn]ACAACCTAAAAAAACAAAATTCTACAT Seq: GTTTTGAAATAGGTTGGAG	57
DMR23: MMU15: 4809001-4809500	F: GGGAAGGTAGAGTATAAGTAGTTATAAG R: [Btn]ATTTCATTTTCCATAATTCATATTCC Seq: ATTTGTTTATTATTTAGAATATAGG	57
DMR24: MMU2: 127151801-127152300	F:TGGGGTTGTTATTGAGTTGG R:[Btn]CTTCCACCCACAACCTTCATT Seq: GGATGTGTGAAAGTTTTATAG	57
DMR25: MMU12: 71964401-71964900	F:GATTTTGTAGTTTTGGAAGAGAGG R:[Btn]AAAAAACCAATAACACACAACCTATTC Seq TGTTTGTTTATTTTTGTTTAAGAG	54
DMR26: MMU7: 53400801-53401300	F: TTGGGATTGATTTTGTGGTTTTAA R: [Btn]AAAATACCACCAATCCCTCTTCA Seq: GATTTTTATAGTTAATGTTTTTTGA	57
DMR27: MMU1: 170174001-170174300	F: [Btn]TAGTTTATAGAGAAGTTAATTATGGTTTTG R: CTCTTCCTATTCCATAACCCAACACATTT Seq: ACATTTCCATTAATAAACCACA	57
DMR28: MMU2: 126409801-126410300	F: GTTATTAATTGGTTGTGTAAGAGATGT R:[Btn]CCCAAACCTAAAATTCTTCCCTAATATA Seq: ATTGAAGTTTTATTTAGTTTTAGAT	57
DMR29: MMU2: 126435401-126435700	F:GGTTTTGAGATTGTTGTTAGTGTAGTTA R:[Btn]ATCTATAAACCAATCACCCACAACCC SeqTGTTAGTGTAGTTAGAGGA	57
DMR30: MMU1: 187298601-187299100	F:TTTTTTTAGTTGTTATTGGATTTTTTGTA R:[Btn]CCCCACCTCTAAATAAAAACTATAAAT Seq: TTTTAATATTTTATTGGATGTAGT	57
DMR31: MMU5: 137955601-137956100	F: GTTTTTTTAGTGTGGGGAAGAAGT R: [Btn]CTCAAACCTCCACATACATACCATAAC Seq: AGGGTTGTTTAGTGG	57
DMR32: MMU4: 106155201-106155700	F: GAGAGTTGGAAGGGTTGATATAGATAA R: [Btn]CCAAATCAAACAACCTTCATAAAACAAACTA Seq: AATAAAAAGTAGTTTAGATGAGATA	57