

SUPPLEMENTARY TABLE 1

CRM	Gene	Length (bp)	Sequences
HS-CRM1	Alb	101	CAGCCAATGAAATACAAAGATGAGTCTAGTTAATAATCTACAATTATTGGTTA AAGAAGTATATTAGTGCTAATTTCCCTCCGTTTGTCTAGCTTTTCTC
HS-CRM2	Apoc4	71	TGAATGACCTTCAGCCTGTTCCCGTCCCTGATATGGGCAAACATTGCAAG CAGCAAACAGCAAACACATAG
HS-CRM3	Apoh ^a	173	GGCGTATTCTTAAGAATAGATTAAATAATCATAAAAAGATCTATACTTAAAAAT TGAAAAATGCTTAAATATTAATAATCTTCTCATAAAAAATACTAATTTAAAAA TGAGCCTGAAATGTTTATCTATTTATTGCACAGGGTTGCATACATAAAACGA CACACCCTCTGT
HS-CRM4	Apoh ^b	551	AGTTTGGAACAAGACTATATACCATATCCTACAGGAAGAATAAAAGTAAAGG AAAGGTGCCATCTCTACTGAATAGAGAGTCTTAACAAAAGGCTTCAAAG GACTCTGCATCTTTAATAATATAAAAAGGCTAGGACACAAAACAGCATCATCT AAAATGCCATTAGAAATACTTACATACAAAAAGGCTAAGTAAAGCAGGAT TTTATAAAGTGATCAAAAAGAACACTAAGGGGGAAAAATCTTTTAAGATT AAAGAGGTTTTTCAAAGGACAAGTTGAAGTGGCTGTAATAATTTATGAGGCA GCATTAACCTTCAGTTCTAAGTAACAATAAATTTACCATAAAAAACATACA TGTGTCAATATTATAAGCCTCTAAACTTTTTAAAACAATTTCTGCAGAAC TGATTAGATATTAAGTCAAGATTAGCAGATACTAACTTTTTTCATTAGCATA CTATGATCACTCAGAGTAAAGGAGGAAATTTAGAAAAGAAAATAGACAGAA CCATCAATAGTCGATTACCACCAATGTGA
HS-CRM5	Cyp2e1	141	TGCGGGAATCAGCCTTTGAAACGATGGCCAACAGCAGCTAATAATAAACCC AGTAATTTGGGATAGACGAGTAGCAAGAGGGCATTGGTTGGTGGGTCACC CTCCTTCTCAGAACACATTATAAAAACTTCCGTTTCCACA
HS-CRM6	Aldob	135	GCATGATTTTAAGGACTGGTTGTTTATGAGCCAATCAGAGGTGTTGAATAA ACACCTCCCTACTAGGTCAAGGTAGAAAGGGGAGGGCAATATTGGAAAA AAAAAATCATGATGAGAAGTCTATAAAAAATTGTGT
HS-CRM7	Apoc1	94	CTAAAATGGGCAAAACATTGCAAGCAGCAAACAGCAAACACACAGCCCTCC CTGCTGCTGACCTTGGAGCTGGGGCAGAGGTCAGAGACCTCTC
HS-CRM8	Serpina1 ^a	72	GGGGGAGGCTGCTGGTGAATATTAACCAAGGTCACCCAGTTATCGGAG GAGCAAACAGGGGCTAAGTCCAC
HS-CRM9	Tf	171	AGGAGGAACTGCTCAAACAGACAGAGGCTCTTTGTTTGCTTTGCTTCTG TGCAACTGGGCAACATTTGGAACAACAATAATTTGGTTTCAGAGGCCAC TGCTTTCTTACCCACCTCCTGCTGGTCAGCTTTTCCAGCTTTCCTGCAGC TACACACAAGCGCAGCTATT
HS-CRM10	Ttr	170	CGATGCTCTAATCTCTCTAGACAAGGTTTCATATTTGTATGGGTTACTTATTC TCTCTTTGTTGACTAAGTCAATAATCAGAATCAGCAGGTTTGCAGTCAGAT TGGCAGGGATAAGCAGCCTAGCTCAGGAGAAGTGAGTATAAAGCCCCA GGCTGGGAGCAGCCATCA
HS-CRM11	Fga	74	TGCCACTCTAGTCCCATCTATTTAATCTGCAAGAGGTTTGGTTAATC ATTGGCTTTGTCTGTAGACA
HS-CRM12	Hpr	441	TTCTTCCCCCTTCCAAGACCCCTGAATCCTATCAAAGCACATCTTCC ATTCATTGCTTCCCGGTGTCATTATGACAAGCGGCTACAAATCAATAGCAG AGGGAAAGGCAGGACCAACCCGCACTCACCAGTGATAAAGATTCACTC TCAGCCCCGATTTGCTAATAGCCATAATAGCAGCCATTGGCCGCCCGCA TTAAATAATACATTTCACTCCGCTTTATTATGGGATTTTTAAAACCTCTCAC CAATTTGGATTTTCTCGATGGTCTCTAATTTCCACATTTATCATTTAAATTA AACTGCTCTGTGAAAGGGGGATAGAGAAGAAGGTTAGAGAGAGG CCAGACAGTACTGTATTTTCTTTTACTCCCCCTTTATGAAAACCCATA AATAATATCAGGTATCACAGCTATAAGCAGCAGG
HS-CRM13	Serpina1 ^b	88	GGAGTTGCTGGTGCTTCCCAGGCTGGAGATTGAGTTAATATTACAGGC CAAAGGCGATGTGGGCTTGTGCAATCATAGGCCCGGCC
HS-CRM14	Serpina1 ^c	41	ATCGCCAGGTCACCTGAGGAGTTAATGAATACATATCTCCT